

Name	ID	ensembl id	RefSeq id	Enterz id	symbol	description	GO biologid	GO molecu	GO cellular	DMSO	TM5614	ratio(Cy3/	LOG2[ratio(Cy3/Cy5)]
H20000613	H200006131	ENSG0000	NM_001174	6997	TDGF1	teratocarci	GO:00018	GO:000510	GO:000561	10	10	1.08	0.12
H20000936	H200009362	ENSG0000	NM_006948	6782	HSPA13	heat shock	-	GO:000551	GO:000578	361	568	1.58	0.66
H20001219	H200012193	ENSG0000	NM_001278	6767	ST13	suppressor	GO:000645	GO:000551	GO:000573	373	354	0.95	-0.08
H20000649	H200006492	ENSG0000	NM_001128	6597	SMARCA4	SWI/SNF r	GO:000012	GO:000097	GO:000079	1824	1651	0.90	-0.14
H30001300	H300013003	ENSG0000	NR_046298	6576	SLC25A1	solute carr	GO:000597	GO:000373	GO:000563	2016	1317	0.65	-0.61
H20000610	H200006102	ENSG0000	NM_000884	3615	IMPDH2	IMP (inosin	GO:000614	GO:000016	GO:000563	4510	3750	0.83	-0.27
AHsV1000	AHsV10000483	ENSG0000	NR_037840	3600	IL15	interleukin	GO:000177	GO:000512	GO:000576	extracellular region,GO:0005615			
AHsV1000	AHsV10001584	ENSG0000	NM_002157	3336	HSPE1	heat shock	GO:000164	GO:000551	GO:000573	44	30	0.69	-0.55
H20001708	H200017080	ENSG0000	NM_005346	3304	HSPA1B	heat shock	GO:001062	GO:000161	GO:000015	714	447	0.63	-0.68
AHsV1000	AHsV10001782	ENSG0000	NM_001243	3091	HIF1A	hypoxia ind	GO:000012	GO:000098	GO:000563	93	113	1.21	0.28
H20001034	H200010349	ENSG0000	NM_001172	3055	HCK	HCK proto-	GO:000252	GO:000471	GO:0005634	nucleus,GO:0005764	lysosome,G		
CHsGV100	CHsGV1000186	ENSG0000	XM_011539	2894	GRID1	glutamata	GO:003422	GO:000497	GO:0016021	integral c	3		
H20001664	H200016643	ENSG0000	XM_005256	2873	GPS1	G protein p	GO:000018	GO:000509	GO:000565	667	630	0.94	-0.08
AHsV1000	AHsV10000904	ENSG0000	NM_001195	4291	MLF1	myeloid leu	GO:000231	GO:000367	GO:000563	639	421	0.66	-0.60
AHsV1000	AHsV10002530	ENSG0000	NM_001202	4084	MXD1	MAX dimer	GO:000012	GO:000097	GO:000079	95	177	1.86	0.90
AHsV1000	AHsV10002962	ENSG0000	NM_001199	4057	LTF	lactotransf	GO:000150	GO:000367	GO:0005576	extracellu	3		
CHsGV100	CHsGV1000163	ENSG0000	NM_005553	3846	KRTAP5-9	keratin ass	GO:000854	GO:000551	GO:0045095	keratin filament			
H20001244	H200012441	ENSG0000	NM_002257	3816	KLK1	kallikrein 1	GO:000650	GO:000425	GO:000563	23	20	0.88	-0.19
H30001943	H300019439	ENSG0000	XM_006715	816	CAMK2B	calcium/ca	GO:000008	GO:000377	GO:0005654	nucleopla	4		
CHsGV100	CHsGV100029	ENSG0000	NM_004929	793	CALB1	calbindin 1	GO:000761	GO:000549	GO:000563	69	398	5.75	2.52
CHsGV100	CHsGV100035	ENSG0000	NM_004326	607	BCL9	B-cell CLL	GO:001490	GO:000551	GO:0005654	nucleoplasm,GO:0005737	cytopla		
AHsV1000	AHsV10002539	ENSG0000	NM_001188	578	BAK1	BCL2 anta	GO:000178	GO:000551	GO:000573	219	249	1.14	0.19
H20001218	H200012188	ENSG0000	XM_011538	377	ARF3	ADP ribosy	GO:000664	GO:000392	GO:000013	376	308	0.82	-0.29
H20000436	H200004361	ENSG0000	NM_000486	359	AQP2	aquaporin 2	GO:000309	GO:000537	GO:000579	11	13	1.24	0.31
H20000024	H200000240	ENSG0000	NM_000646	178	AGL	amyl α -	GO:000597	GO:000413	GO:000563	257	280	1.09	0.12
H20000063	H200000639	ENSG0000	NM_000024	154	ADRB2	adrenocept	GO:000202	GO:000196	GO:000563	35	32	0.92	-0.12
CHsGV100	CHsGV100007	ENSG0000	NM_003195	6919	TCEA2	transcripti	GO:000635	GO:000367	GO:000565	31	52	1.70	0.76
AHsV1000	AHsV10001235	ENSG0000	NM_003140	6736	SRY	sex determ	GO:000012	GO:000367	GO:0005634	nucleus,GO:0005654	nucleoplasm		
H20001158	H200011589	ENSG0000	NR_103834	6721	SREBF2	sterol regul	GO:000012	GO:000024	GO:000013	233	234	1.00	0.00
AHsV1000	AHsV10001502	ENSG0000	NM_000578	6556	SLC11A1	solute carr	GO:000006	GO:000538	GO:0005764	lysosome,	7		
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_006716	6522	SLC4A2	solute carr	GO:000681	GO:000545	GO:000588	38	36	0.94	-0.09
AHsV1000	AHsV10002192	ENSG0000	XM_011515	3569	IL6	interleukin	GO:000178	GO:000512	GO:000557	14	30	2.11	1.08
AHsV1000	AHsV10003325	ENSG0000	NM_000877	3554	IL1R1	interleukin	GO:000695	GO:000202	GO:0005615	extracellular space,GO:0005634	r		
H30002074	H300020743	ENSG0000	NM_001242	3275	PRMT2	protein arg	GO:000647	GO:000371	GO:000563	382	390	1.02	0.03
AHsV1000	AHsV10000264	ENSG0000	NM_021192	3237	HOXD11	homeobox	GO:000165	GO:004356	GO:0005654	nucleopla	6		
H20000621	H200006218	ENSG0000	NM_000182	3030	HADHA	hydroxyacy	GO:000663	GO:000006	GO:000573	2525	2419	0.96	-0.06
H30000391	H300003916	ENSG0000	XM_011523	3000	GUCY2D	guanylate d	GO:000618	GO:000401	GO:000564	42	39	0.95	-0.08
H30000717	H300007170	ENSG0000	NM_001098	2852	GPER1	G protein-c	GO:000193	GO:000368	GO:000013	18	19	1.09	0.12
H20001242	H200012422	ENSG0000	NM_005288	2835	GPR12	G protein-c	GO:000687	GO:000493	GO:0005887	integral component of plasma me			
H20000665	H200006657	ENSG0000	XM_011516	4232	MEST	mesoderm	GO:000749	GO:001678	GO:000578	19	15	0.78	-0.36
AHsV1000	AHsV10000666	ENSG0000	XM_011520	4038	LRP4	LDL recept	GO:000182	GO:000550	GO:000998	8	13	1.65	0.73
H20001429	H200014297	ENSG0000	XM_005252	4005	LMO2	LIM domain	GO:000727	GO:000097	GO:000563	1116	528	0.47	-1.08
H20001061	H200010612	ENSG0000	NM_004137	3779	KCNMB1	potassium	GO:000551	GO:001526	GO:000588	17	18	1.03	0.05
H20000012	H200000125	ENSG0000	NM_153765	3758	KCNJ1	potassium	GO:000182	GO:000524	GO:0005886	plasma membrane,GO:0008076	v		
H20000435	H200004359	ENSG0000	XM_005256	766	CA7	carbonic ar	GO:000223	GO:000408	GO:0005829	cytosol			
H20000116	H200001161	ENSG0000	XM_011545	726	CAPN5	calpain 5	GO:000154	GO:000419	GO:000562	4	10	2.38	1.25
H20000053	H200000539	ENSG0000	XM_005269	552	AVPR1A	arginine vas	GO:000199	GO:000500	GO:0005768	endosome	3		
H20001020	H200010203	ENSG0000	NM_001695	528	ATP6V1C1	ATPase H+	GO:000687	GO:000521	GO:000576	751	517	0.69	-0.54
CHsGV100	CHsGV100022	ENSG0000	NM_000384	338	APOB	apolipoprot	GO:000152	GO:000551	GO:0005576	extracellular region,GO:0005615	v		
CHsGV100	CHsGV100015	ENSG0000	XM_011538	317	APAF1	apoptotic p	GO:000166	GO:000016	GO:000563	56	69	1.22	0.28
H20000010	H200000106	ENSG0000	NM_001124	133	ADM	adrenomed	GO:000157	GO:000510	GO:0005576	extracellu	6		
CHsGV100	CHsGV100012	ENSG0000	NM_001199	111	ADCY5	adenylate d	GO:000197	GO:000401	GO:0005622	intracellu	7		
AHsV1000	AHsV10001365	-	NM_003185	6874	TAF4	TATA-box	GO:000154	GO:000367	GO:000565	7	11	1.67	0.74
H20001548	H200015487	ENSG0000	XM_011521	6692	SPINT1	serine pept	GO:000184	GO:000486	GO:000557	7	15	2.19	1.13
H20000059	H200000590	ENSG0000	NM_000346	6662	SOX9	SRY-box 9	GO:000150	GO:000104	GO:000563	25	26	1.07	0.10
AHsV1000	AHsV10000940	ENSG0000	XM_011518	6505	SLC1A1	solute carr	GO:000681	GO:000531	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005887	in		
CHsGV100	CHsGV100037	-	NM_003028	6461	SHB	Src homolo	GO:000152	GO:000507	GO:000582	18	26	1.42	0.51
H20000629	H200006294	ENSG0000	NM_000876	3482	IGF2R	insulin like	GO:000188	GO:000194	GO:000561	508	553	1.09	0.12
CHsGV100	CHsGV100035	ENSG0000	NM_001549	3437	IFIT3	interferon i	GO:000828	GO:000367	GO:0005737	cytoplasm	8		
H30000236	H300002362	ENSG0000	NR_038832	100133311	HOXA-AS3	HOXA clus	-	-	-	5	8	1.72	0.78
CHsGV100	CHsGV100007	ENSG0000	XR_949900	3177	SLC29A2	solute carr	GO:000613	GO:000533	GO:000573	152	107	0.71	-0.50
AHsV1000	AHsV10001655	ENSG0000	NM_001130	2982	GUCY1A3	guanylate d	GO:000618	GO:000401	GO:0005886	plasma m	6		
H20001645	H200016456	ENSG0000	NM_001514	2959	GTF2B	general tra	GO:000635	GO:000104	GO:000563	874	684	0.78	-0.35
CHsGV100	CHsGV100005	ENSG0000	XM_011514	2822	GPLD1	glycosylph	GO:000150	GO:000462	GO:0005578	proteinac	5		
DHsGV100	DHsGV100008	ENSG0000	XM_011524	339210	C17orf67	chromosom	-	GO:000551	GO:000557	39	32	0.82	-0.28
CHsGV100	CHsGV100022	ENSG0000	NM_001085	4163	MCC	mutated in	GO:000716	GO:000487	GO:0005634	nucleus,G	3		
CHsGV100	CHsGV100002	ENSG0000	NM_001257	3976	LIF	leukemia in	GO:000197	GO:000113	GO:0005576	extracellu	8		
AHsV1000	AHsV10002441	ENSG0000	NR_028500	3939	LDHA	lactate deh	GO:000166	GO:000445	GO:000563	18891	11242	0.60	-0.75
H20000641	H200006410	ENSG0000	XR_243098	3712	IVD	isovaleryl-C	GO:000655	GO:000006	GO:000573	4	9	2.32	1.21
AHsV1000	AHsV10001919	ENSG0000	XM_005268	3695	ITGB7	integrin sub	GO:000336	GO:000161	GO:000588	4	9	2.22	1.15
CHsGV100	CHsGV100035	ENSG0000	NM_004336	699	BUB1	BUB1 mito	GO:000027	GO:000467	GO:000077	714	583	0.82	-0.29
AHsV1000	AHsV10000714	ENSG0000	XM_011542	676	BRDT	bromodoma	GO:000120	GO:000371	GO:0005634	nucleus			
AHsV1000	AHsV10003005	ENSG0000	NM_001202	501	ALDH7A1	aldehyde d	GO:000608	GO:000402	GO:0005634	nucleus,G	9		
AHsV1000	AHsV10003554	ENSG0000	NM_001675	468	ATF4	activating t	GO:000609	GO:0000					

H20001232	H200012321	ENSG0000	NM_001130	2912	GRM2	glutamate r	GO:000719	GO:000164	GO:0005622 intracellul	4			
H20001496	H200014968	ENSG0000	NM_001256	2770	GNAI1	guanine nu	GO:000704	GO:000028	GO:0005634 nucleus,GO:0005737 cytoplasm,C				
CHsGV100	CHsGV1000069	ENSG0000	NM_138465	2738	GLI4	GLI family	GO:000635	GO:000367	GO:0005634 nucleus	10			
CHsGV100	CHsGV1000186	ENSG0000	NM_002367	4115	MAGEB4	MAGE fami	-	GO:000551	-	18	20	1.08	0.11
H20000654	H200006540	ENSG0000	NM_002290	3910	LAMA4	laminin sub	GO:000715	GO:000510	GO:0005576 extracellu	4			
CHsGV100	CHsGV1000273	-	XM_011524	3885	KRT34	keratin 34,	GO:000854	GO:000519	GO:0005615 extracellular space,GO:0005882 i				
CHsGV100	CHsGV1000236	ENSG0000	XM_005257	3675	ITGA3	integrin sub	GO:000176	GO:000194	GO:0005886 plasma m	3			
H20001608	H200016082	ENSG0000	NM_014215	3645	INSRR	insulin rece	GO:000716	GO:000471	GO:0005887 integral c	6			
CHsGV100	CHsGV1000034	ENSG0000	XM_011542	656	BMP8B	bone morpl	GO:000150	GO:000512	GO:0005615 extracellu	7			
CHsGV100	CHsGV1000006	ENSG0000	NM_001713	635	BHMT	betaine--h	GO:000009	GO:000827	GO:0005737 cytoplasm	6			
AHsV1000	AHsV10000952	ENSG0000	NM_001670	421	ARVCF	armadillo re	GO:000715	GO:000551	GO:000562	25	27	1.06	0.08
H20001167	H200011672	ENSG0000	NM_001278	399	RHOH	ras homolo	GO:000635	GO:000509	GO:000177	371	581	1.57	0.65
H20000063	H200000635	ENSG0000	XM_011509	223	ALDH9A1	aldehyde d	GO:000182	GO:000402	GO:000573	1005	981	0.98	-0.03
AHsV1000	AHsV10003500	ENSG0000	NM_001005	205	AK4	adenylate	GO:000188	GO:000401	GO:000573	1235	914	0.74	-0.43
CHsGV100	CHsGV1000078	-	XM_011523	29	ABR	active BCF	GO:000269	GO:000508	GO:000582	153	123	0.80	-0.32
H30001955	H300019559	ENSG0000	XM_006719	2	A2M	alpha-2-ma	GO:000186	GO:000202	GO:000557	7	13	1.70	0.77
H30001077	H300010779	ENSG0000	XM_011520	51317	PHF21A	PHD finger	GO:000012	GO:000097	GO:000011	530	431	0.81	-0.30
H20001198	H200011981	ENSG0000	NM_016580	51294	PCDH12	protocadhe	GO:000597	GO:000550	GO:000588	5	8	1.65	0.73
AHsV1000	AHsV10001797	ENSG0000	XM_005268	11016	ATF7	activating t	GO:000012	GO:000097	GO:000563	8	19	2.28	1.19
H20000632	H200006320	ENSG0000	NM_006843	10993	SDS	serine dehy	GO:000609	GO:000394	GO:000573	12	16	1.31	0.39
H20000692	H200006929	ENSG0000	XM_011534	10810	WASF3	WAS prote	GO:000646	GO:000377	GO:0005737 cytoplasm	3			
AHsV1000	AHsV10000785	ENSG0000	NM_001098	10786	SLC17A3	solute carr	GO:000681	GO:000543	GO:0005737 cytoplasm,GO:0005789 endoplasr				
H20001099	H200010993	ENSG0000	NM_001032	10600	USP16	ubiquitin sp	GO:000635	GO:000371	GO:000563	809	791	0.98	-0.03
H20001221	H200012213	ENSG0000	NM_006432	10577	NPC2	Niemann-P	GO:000820	GO:000551	GO:000576	555	489	0.88	-0.18
H20000173	H200001734	ENSG0000	NM_006320	10424	PGRMC2	progestero	GO:004340	GO:000370	GO:001250	1172	1142	0.97	-0.04
CHsGV100	CHsGV1000098	ENSG0000	XR_428374	10404	CPQ	carboxypep	GO:000650	GO:000418	GO:000561	104	129	1.24	0.31
AHsV1000	AHsV10001312	ENSG0000	NM_001291	7268	TTC4	tetratricop	-	-	-	250	242	0.97	-0.05
AHsV1000	AHsV10003531	ENSG0000	NM_001039	7216	TRO	trophinin	GO:000715	GO:000551	GO:0005634 nucleus,GO:0005737 cytoplasm,C				
AHsV1000	AHsV10001853	ENSG0000	NM_003223	7023	TFAP4	transcripti	GO:000636	GO:000097	GO:000563	18	21	1.19	0.26
H30000759	H300007593	ENSG0000	NM_007198	11212	PROSC	proline syn	GO:000815	GO:003017	GO:000562	276	315	1.14	0.19
CHsGV100	CHsGV1000298	ENSG0000	NM_007184	11188	NISCH	nischarin	GO:000600	GO:000517	GO:000576	13	19	1.51	0.60
H20001213	H200012133	ENSG0000	NM_001261	8638	OASL	2'-5'-oligo	GO:000815	GO:000173	GO:0005730 nucleolus,GO:0005737 cytoplasm				
H20001404	H200014049	ENSG0000	NM_003714	8614	STC2	stanniocalc	GO:000687	GO:000517	GO:000561	38	130	3.46	1.79
H20000204	H200002047	ENSG0000	NM_021969	8431	NROB2	nuclear rec	GO:000012	GO:000367	GO:000563	8	11	1.26	0.34
H30000468	H300004689	ENSG0000	NM_003562	8402	SLC25A11	solute carr	GO:000597	GO:000373	GO:000563	380	289	0.76	-0.39
AHsV1000	AHsV10000005	-	NM_001199	7917	BAG6	BCL2 asso	GO:000182	GO:000551	GO:000563	54	45	0.83	-0.27
H20001031	H200010317	ENSG0000	NM_001008	7852	CXCR4	chemokine	GO:000018	GO:000161	GO:0005737 cytoplasm	3			
AHsV1000	AHsV10000613	-	XM_011525	7484	WNT9B	wingless-ty	GO:000165	GO:000510	GO:000557	27	25	0.93	-0.11
H30001278	H300012785	ENSG0000	XM_011537	7453	WARS	tryptophan	GO:000152	GO:000483	GO:000563	849	2037	2.40	1.26
AHsV1000	AHsV10000242	ENSG0000	NM_004536	4671	NAIP	NLR family	GO:000695	GO:000484	GO:000573	36	69	1.93	0.95
H30001274	H300012740	ENSG0000	NM_001130	4650	MYO9B	myosin IXB	GO:000254	GO:000014	GO:000172	96	106	1.11	0.15
H20000701	H200007011	ENSG0000	NM_002421	4312	MMP1	matrix met	GO:000650	GO:000417	GO:0005576 extracellular region,GO:0005578				
H20001222	H200012220	ENSG0000	NM_016531	51274	KLF3	Kruppel-lik	GO:000635	GO:000367	GO:000563	105	76	0.73	-0.46
CHsGV100	CHsGV1000084	ENSG0000	NM_001272	51246	SHISA5	shisa family	GO:004277	GO:000487	GO:000578	224	236	1.05	0.07
H30000517	H300005177	ENSG0000	NM_006824	10969	EBNA1BP2	EBNA1 bin	GO:004225	GO:004482	GO:000563	3679	3294	0.90	-0.16
H20000637	H200006370	ENSG0000	NM_006807	10951	CBX1	chromobox	GO:004589	GO:000368	GO:000077	1569	1511	0.96	-0.05
H20000221	H200002219	ENSG0000	NM_001316	10761	PLAC1	placenta sp	GO:000189	GO:000367	GO:000557	10	11	1.12	0.17
H30002201	H300022015	ENSG0000	XM_011515	10734	STAG3	stromal ant	GO:000713	-	GO:000077	131	113	0.86	-0.21
CHsGV100	CHsGV1000272	ENSG0000	XM_011518	10558	SPTLC1	serine palm	GO:000666	GO:000475	GO:000578	463	430	0.93	-0.11
H20000453	H200004533	ENSG0000	NM_006399	10538	BATF	basic leucin	GO:000181	GO:000097	GO:000563	28	39	1.37	0.46
AHsV1000	AHsV10000970	ENSG0000	XM_011509	10380	BPNT1	3'(2'), 5'-bi	GO:000613	GO:000028	GO:000573	112	108	0.96	-0.05
CHsGV100	CHsGV1000316	ENSG0000	NM_001317	10336	PCGF3	polycomb g	GO:000635	GO:000551	GO:000563	64	87	1.37	0.46
H20001622	H200016229	ENSG0000	NM_001145	7171	TPM1	tropomyosi	GO:000164	GO:000377	GO:000172	92	124	1.36	0.44
H20000584	H200005849	ENSG0000	XM_011520	7140	TNNT3	tropinin T3	GO:000300	GO:000377	GO:000582	11	15	1.32	0.40
AHsV1000	AHsV10002683	ENSG0000	NM_001271	6944	VPS72	vacuolar pr	GO:000012	GO:000367	GO:000563	350	378	1.08	0.11
H30002119	H300021196	ENSG0000	NM_001282	11170	FAM107A	family with	GO:000155	GO:000367	GO:000563	4	13	3.11	1.64
H20000078	H200000783	ENSG0000	NM_007066	11142	PKIG	protein kin	GO:000012	GO:000486	GO:000563	155	124	0.80	-0.32
AHsV1000	AHsV10002148	ENSG0000	NM_001126	8573	CASK	calcium/ca	GO:000195	GO:000438	GO:0005604 basement	14			
H20000799	H200007994	ENSG0000	NM_003670	8553	BHLHE40	basic helix-	GO:000012	GO:000098	GO:000563	710	536	0.76	-0.40
H20001191	H200011914	ENSG0000	NM_001178	8318	CDC45	cell divisio	GO:000007	GO:000368	GO:000563	1834	1573	0.86	-0.22
H20000581	H200005819	ENSG0000	NM_001142	8273	SLC10A3	solute carr	GO:001572	GO:000850	GO:000588	182	181	0.99	-0.01
H20000667	H200006675	ENSG0000	XM_011542	7805	LAPTM5	lysosomal p	GO:000681	GO:000551	GO:000576	1469	2298	1.56	0.65
H20000177	H200001776	ENSG0000	XM_005271	7753	ZNF202	zinc finger	GO:000012	GO:000098	GO:000563	75	85	1.13	0.17
H20000663	H200006638	ENSG0000	NM_005429	7424	VEGFC	vascular er	GO:000152	GO:000551	GO:0005576 extracellu	5			
AHsV1000	AHsV10000463	ENSG0000	NR_047647	7404	UTY	ubiquitousl	GO:001046	GO:004687	GO:0005634 nucleus				
H30001971	H300019711	ENSG0000	XR_245686	4625	MYH7	myosin, hea	GO:000202	GO:000014	GO:000172	11	15	1.39	0.48
H30001583	H300015837	ENSG0000	XR_942444	4602	MYB	MYB proto	GO:000008	GO:000097	GO:000582	19	34	1.75	0.81
H20000036	H200000362	ENSG0000	XM_006717	4255	MGMT	O-6-methy	GO:000626	GO:000367	GO:000563	11	14	1.24	0.31
H20000879	H200008790	ENSG0000	NM_016355	51202	DDX47	DEAD-box	GO:000636	GO:000400	GO:000573	1290	852	0.66	-0.60
AHsV1000	AHsV10000218	ENSG0000	NM_016262	51175	TUBE1	tubulin eps	GO:000709	GO:000392	GO:000024	156	245	1.58	0.66
H30001015	H300010155	ENSG0000	NM_006713	10923	SUB1	SUB1 hom	GO:000635	GO:000120	GO:000563	457	536	1.17	0.23
H30001553	H300015537	ENSG0000	NM_139199	10902	BRD8	bromodoma	GO:000632	GO:000370	GO:0000812 Swr1 complex,GO:0005634 nucle				
H30000174	H300001748	ENSG0000	NM_001282	10694	CCT8	chaperonin	GO:000645	GO:000551	GO:000219	10293	8915	0.87	-0.21
H20000426	H200004268	ENSG0000	NM_006564	10663	CXCR6	chemokine	GO:000693	GO:000493	GO:000588	9	15	1.69	0.76
H30001590	H300015902	ENSG0000	XM_011524	10513	APPBP2	amyloid bet	GO:000688	GO:000377	GO:000563	10	23	2.29	1.19
H30002042	H300020422	ENSG0000	XM_011520	493860	CCDC73	coiled-coil	-	-	-	8734	9137	1.05	0.07
H20001720	H200017204	ENSG0000	XM_006721	10300	KATNB1	katanin p8C	GO:000660	GO:000801	GO:000092	115	115	0.99	-0.01
AHsV1000	AHsV10001895	-	XR_927752	105375403	LOC10537	uncharacte	-	-	-		4		
AHsV1000	AHsV10003537	ENSG0000	NM_007114	7110	TMF1	TATA elem	GO:000167	GO:000367	GO:000013	38	53	1.41	0.50
AHsV1000	AHsV10002502	ENSG0000	XM_011518	7091	TLE4	transducin	GO:000012	GO:000367	GO:0005634 nucleus,GO:0005654 nucleoplasm				
CHsGV100	CHsGV1000295	ENSG0000	XM_006724	6899	TBX1	T-box 1	GO:000152	GO:000367	GO:000563	13	13	1.02	0.02
AHsV1000	AHsV10002330	ENSG0000	NM_007050	11122	PTPRT	protein tyr	GO:000647	GO:000472	GO:0005886 plasma m	4			
DHsGV100	DHsGV1000												

AHsV1000	AHsV10000627	ENSG0000	NR_045639	7381	UQCRB	ubiquinol-c	GO:000611	GO:000551	GO:000574	24	34	1.46	0.54
H20000678	H200006783	ENSG0000	NM_003355	7351	UCP2	uncoupling	GO:000030	GO:000373	GO:000574	61	47	0.77	-0.37
CHsGV100	CHsGV100013	ENSG0000	NM_002457	4583	MUC2	mucin 2, ol	GO:000649	GO:000551	GO:0005796	Golgi lumen,GO:0070702 inner m			
AHsV1000	AHsV10001100	ENSG0000	NM_002448	4487	MSX1	msh homeo	GO:000012	GO:000097	GO:000563	43	61	1.41	0.50
CHsGV100	CHsGV100015	ENSG0000	NM_001168	4200	ME2	malic enzyr	GO:000610	GO:000447	GO:000573	344	284	0.82	-0.28
CHsGV100	CHsGV100040	ENSG0000	XM_011520	51144	HSD17B12	hydroxyste	GO:000663	GO:000196	GO:000557	612	570	0.93	-0.10
AHsV1000	AHsV10002257	ENSG0000	NM_001317	51121	RPL26L1	ribosomal p	GO:000018	GO:000373	GO:000582	1526	1046	0.69	-0.54
CHsGV100	CHsGV100034	ENSG0000	NM_006683	10876	EDDM3A	epididymal	GO:000732	-	GO:000561	48	49	1.02	0.03
H20001041	H200010411	ENSG0000	NM_001282	10857	PGRMC1	progesteron	-	GO:000549	GO:000573	1749	1656	0.95	-0.08
H20000785	H200007857	ENSG0000	NM_006545	10641	NPRL2	NPR2-like,	GO:000646	GO:000467	GO:199013	252	235	0.93	-0.10
CHsGV100	CHsGV100034	ENSG0000	XM_005244	10625	IVNS1ABP	influenza v	GO:000638	-	GO:000565	410	473	1.15	0.21
H20000507	H200005078	ENSG0000	XM_005256	10462	CLEC10A	C-type lec	GO:000225	GO:003024	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021 in			
CHsTV100	CHsTV1000019	ENSG0000	XM_011534	10443	N4BP2L2	NEDD4 bin	GO:000012	GO:000110	GO:0005634	nucleus,G			
DHsGV100	DHsGV100036	ENSG0000	NG_012413	7431	VIM	vimentin	GO:000691	GO:000194	GO:000573	9	11	1.23	0.30
DHsTV100	DHsTV1000008	ENSG0000	XM_005251	114789	SLC25A25	solute carr	GO:000202	GO:000373	GO:000573	5	12	2.31	1.21
CHsGV100	CHsGV100025	ENSG0000	NM_003253	7074	TIAM1	T-cell lym	GO:000330	GO:000505	GO:0005634	nucleus,GO:0005829 cytosol,GO:			
AHsV1000	AHsV10000051	ENSG0000	NM_000358	7045	TGFB1	transformir	GO:000152	GO:000517	GO:0005576	extracellular region,GO:0005578			
H20000591	H200005918	ENSG0000	XM_011518	6850	SYK	spleen tyro	GO:000152	GO:000467	GO:000563	142	235	1.66	0.73
H20001366	H200013667	ENSG0000	NM_001291	11068	CYB561D2	cytochrom	GO:005511	GO:004687	GO:001602	177	143	0.81	-0.31
DHsGV100	DHsGV100055	-	NG_008312	5913	RAPSN	receptor as	GO:000726	GO:000827	GO:000579	742	583	0.79	-0.35
H30000272	H300002724	ENSG0000	NM_003608	8477	GPR65	G protein-c	GO:000691	GO:000493	GO:0005886	plasma m			
AHsV1000	AHsV10001564	-	XM_011535	8447	DOC2B	double C2-	GO:000810	GO:000550	GO:0005737	cytoplasm			
H20001774	H200017744	ENSG0000	NR_125339	8061	FOSL1	FOS like ar	GO:000170	GO:000097	GO:000563	199	167	0.84	-0.25
AHsV1000	AHsV10002003	ENSG0000	XM_011544	7991	TUSC3	tumor supp	GO:000648	GO:000457	GO:000573	1012	787	0.78	-0.36
H20000053	H200000536	ENSG0000	NM_001127	7555	CNBP	CCHC-tyr	GO:000635	GO:000369	GO:000563	6426	4832	0.75	-0.41
H20001080	H200010807	ENSG0000	NM_003403	7528	YY1	YY1 transc	GO:000012	GO:000040	GO:000563	1610	1489	0.92	-0.11
AHsV1000	AHsV10001118	ENSG0000	NM_001204	7321	UBE2D1	ubiquitin cd	GO:000012	GO:000484	GO:000015	566	593	1.05	0.07
DHsGV100	DHsGV100002	-	-	-	-	-	-	-	-	-	4	-	-
CHsGV100	CHsGV100030	ENSG0000	NM_002437	4358	MPV17	MpV17 mit	GO:000000	GO:000367	GO:000573	707	513	0.73	-0.46
H20001664	H200016641	ENSG0000	NM_002430	4330	MN1	meningioma	GO:000195	GO:000367	GO:0005575	cellular_component			
AHsV1000	AHsV10001686	ENSG0000	XM_005250	4147	MATN2	matrilin 2	GO:000176	GO:000367	GO:0005578	proteinaceous extracellular matri			
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001031	83479	DDX59	DEAD-box	GO:001050	GO:000372	GO:000562	189	325	1.72	0.78
AHsV1000	AHsV10002378	ENSG0000	NM_030782	81037	CLPTM1L	CLPTM1-li	GO:000691	-	GO:001602	3569	2885	0.81	-0.31
H30000386	H300003868	ENSG0000	NM_152232	80834	SLT1R2	taste 1 rec	GO:000158	GO:000852	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021 in			
AHsV1000	AHsV10000648	ENSG0000	NR_045607	80146	UXS1	UDP-glucu	GO:003332	GO:004280	GO:000573	95	157	1.65	0.72
AHsV1000	AHsV10000683	ENSG0000	NM_001282	80122	MAP3K19	mitogen-ac	GO:000734	GO:000467	GO:0005737	cytoplasm			
AHsV1000	AHsV10002387	ENSG0000	NM_001093	79839	CCDC102E	coiled-coil	-	-	-	-	-	-	-
CHsGV100	CHsGV100024	ENSG0000	NM_024761	79817	MOB3B	MOB kinas	-	GO:000551	-	7	9	1.19	0.25
H30001492	H300014920	ENSG0000	NM_017644	54800	KLHL24	kelch like f	GO:001656	GO:000484	GO:000573	79	53	0.68	-0.56
H20000238	H200002388	ENSG0000	XM_006718	54765	TRIM44	tripartite m	-	GO:000551	GO:000562	398	444	1.12	0.16
CHsGV100	CHsGV100036	ENSG0000	NM_018659	54360	CYTL1	cytokine lik	GO:000206	GO:000510	GO:0005615	extracellular space			
CHsGV100	CHsGV100035	ENSG0000	NM_022049	54112	GPR88	G protein-c	GO:000716	GO:000493	GO:0005575	cellular_component,GO:0005887			
H20000699	H200006997	ENSG0000	NM_053035	51650	MRPS33	mitochondr	GO:000641	GO:000373	GO:000573	1061	733	0.69	-0.53
H20000788	H200007887	ENSG0000	NM_015966	51614	ERGIC3	ERGIC and	GO:001619	-	GO:000578	1133	1170	1.03	0.05
CHsGV100	CHsGV100008	ENSG0000	NR_040104	55739	CARKD	carbohydr	GO:000815	GO:000367	GO:000557	127	186	1.47	0.56
H20001768	H200017685	ENSG0000	XM_011520	55507	GPRC5D	G protein-c	GO:000718	GO:000493	GO:000588	6	8	1.30	0.37
CHsGV100	CHsGV100032	ENSG0000	NM_018509	55379	LRRC59	leucine ric	-	GO:004482	GO:000563	1178	1244	1.06	0.08
CHsGV100	CHsGV100008	ENSG0000	XM_011538	55206	SBNO1	strawberry	GO:000635	GO:000367	GO:000557	1202	1259	1.05	0.07
CHsGV100	CHsGV100011	ENSG0000	NM_018159	55190	NUDT11	nudix hydr	GO:004364	GO:000848	GO:0005622	intracellular,GO:0005829 cytosol			
AHsV1000	AHsV10000337	ENSG0000	NM_001271	55005	RMND1	required fo	GO:000641	GO:000551	GO:000573	589	524	0.89	-0.17
H30000947	H300009477	ENSG0000	XM_011545	54979	HRASLS2	HRAS like	GO:001604	GO:001674	GO:0005737	cytoplasm			
AHsV1000	AHsV10002621	ENSG0000	NM_015236	23284	ADGRL3	adhesion G	GO:000176	GO:000493	GO:0005887	integral component of plasma me			
AHsV1000	AHsV10000860	ENSG0000	NM_015215	23261	CAMTA1	calmodulin	GO:000636	GO:000107	GO:0005634	nucleus,GO:0005737 cytoplasm			
AHsV1000	AHsV10003466	ENSG0000	NM_015082	23105	FSTL4	follistatin li	-	GO:000550	GO:0005576	extracellular region			
H30002196	H300021966	-	XM_006719	23077	MYCBP2	MYC bindin	GO:000635	GO:000551	GO:000563	157	213	1.36	0.44
CHsGV100	CHsGV100019	ENSG0000	XM_011542	22897	CEP164	centrosom	GO:000008	GO:000551	GO:0005615	extracellu			
H20000507	H200005072	ENSG0000	NM_014936	22875	ENPP4	ectonucleo	GO:000759	GO:004687	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016020 m			
AHsV1000	AHsV10001733	ENSG0000	NM_030973	81857	MED25	mediator c	GO:000012	GO:000551	GO:000565	22	21	0.96	-0.06
H30001544	H300015449	ENSG0000	XM_011519	80760	ITIH5	inter-alpha	GO:001095	GO:000486	GO:0005576	extracellu			
CHsGV100	CHsGV100016	ENSG0000	NM_025243	80704	SLC19A3	solute carr	GO:000676	GO:001540	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005887 in			
CHsGV100	CHsGV100039	ENSG0000	XM_005263	80045	GPR157	G protein-c	GO:000716	GO:000493	GO:0005886	plasma m			
CHsGV100	CHsGV100011	ENSG0000	NM_014801	80003	PCNX2	pecanex hc	-	-	GO:0016021	integral component of membrane			
AHsV1000	AHsV10001146	ENSG0000	NM_024733	79788	ZNF665	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus			
H20001126	H200011264	ENSG0000	NM_001136	79763	ISOC2	isochorism	GO:000815	GO:000382	GO:000563	528	445	0.84	-0.25
CHsGV100	CHsGV100003	-	NM_018050	54682	MANSC1	MANSC do	-	-	GO:001602	88	83	0.94	-0.09
AHsV1000	AHsV10002789	ENSG0000	NM_001282	54587	MXRA8	matrix-rem	GO:000685	GO:000367	GO:000998	16	15	0.95	-0.07
H30002120	H300021202	ENSG0000	NM_022048	53944	CSNK1G1	casein kina	GO:001605	GO:000028	GO:000573	36	46	1.30	0.38
H20001940	H200019405	ENSG0000	NR_028406	53827	FXYD5	FXYD doma	GO:003003	GO:000377	GO:000588	581	535	0.92	-0.12
H30002052	H300020526	ENSG0000	XM_005250	51571	FAM49B	family with	-	GO:000551	GO:000592	1068	1360	1.27	0.35
CHsGV100	CHsGV100028	ENSG0000	NM_016510	51540	SCLY	selenocyst	GO:000188	GO:000551	GO:000582	500	307	0.61	-0.70
AHsV1000	AHsV10002634	ENSG0000	XM_006710	84224	NBPF3	neuroblast	GO:190395	-	GO:000573	189	159	0.84	-0.26
H30000832	H300008324	ENSG0000	NR_073571	55347	ABHD10	abhydrolase	GO:000680	GO:000455	GO:000573	277	282	1.02	0.03
H20000379	H200003797	ENSG0000	XM_011534	55326	AGPAT5	1-acylglyce	GO:000224	GO:000384	GO:000563	448	340	0.76	-0.40
AHsV1000	AHsV10001624	ENSG0000	XM_006715	55168	MRPS18A	mitochondr	GO:000641	GO:000373	GO:000574	405	410	1.01	0.02
H20000490	H200004906	ENSG0000	NM_018101	55143	CDCA8	cell divisio	GO:000027	GO:000551	GO:000077	1908	1690	0.89	-0.18
CHsGV100	CHsGV100032	ENSG0000	NM_001142	54957	TXNL4B	thioredoxin	GO:000024	GO:000551	GO:000568	91	94	1.04	0.05
DHsGV100	DHsGV100018	-	-	-	-	-	-	-	-	90	76	0.84	-0.25
H20000443	H200004430	ENSG0000	NM_194449	23239	PHLPP1	PH domain	GO:000266	GO:000472	GO:000563	82	111	1.35	0.44
AHsV1000	AHsV10001623	ENSG0000	NM_001253	23216	TBC1D1	TBC1 doma	GO:003288	GO:000509	GO:000563	9	18	1.98	0.99
AHsV1000	AHsV10003116	ENSG0000	NM_015035	23051	ZHX3	zinc fingers	GO:000012	GO:000367	GO:000563	32	35	1.12	0.17
CHsGV100	CHsGV100009	ENSG0000	NM_015015	23030	KDM4B	lysine deme	GO:000628	GO:000827	GO:000563	24	28	1.17	0.23
H30001810	H300018104	ENSG0000	NM_014911	22848	AAK1	AP2 associ	GO:000646	GO:000467	GO:000590	52	52	1.00	0.00
H30000223	H300002231	ENSG0000	NM_007350	22822	PHLDA1	pleckstrin p	GO:000691	GO:000551	GO:000573	7	11	1.69	0.75
H30002001	H300020015	ENSG0000	XM_006717	81619	TSPAN14	tetraspanin	GO:000716	GO:000198	GO:000588	40	18	0.44	-1.18
H20001233	H200012330	ENSG0000	NM_025216	80									

DHsGV100	DHsGV1000367	ENSG0000	NR_039893	100616170	MIR4739	microRNA	-	-	-	85	70	0.83	-0.27
AHsV1000	AHsV10003462	ENSG0000	XM_011524	54549	SDK2	sidekick ce	GO:000715	-	GO:0005886 plasma membrane,GO:0016021 in				
H20000084	H200000845	ENSG0000	XM_011514	54511	HMGCLL1	3-hydroxyn	GO:004425	GO:000441	GO:0005783 endoplasmic reticulum,GO:00057				
CHsGV100	CHsGV1000152	ENSG0000	NM_001001	53345	TM6SF2	transmemb	GO:000662	GO:000367	GO:0005789 endoplasr	6			
H20001896	H200018962	ENSG0000	XM_006720	51762	RAB8B	RAB8B, me	GO:000690	GO:000392	GO:000573	53	70	1.33	0.41
H30001766	H300017665	ENSG0000	NM_014306	51493	RTCB	RNA 2',3'-d	GO:000170	GO:000397	GO:000563	2392	1877	0.78	-0.35
H20001069	H200010692	ENSG0000	NM_016255	51439	FAM8A1	family with	-	-	GO:001602	350	348	1.00	-0.01
H30001873	H300018735	ENSG0000	NM_017722	55621	TRMT1	tRNA meth	GO:000294	GO:000004	GO:000563	461	447	0.97	-0.05
H20000412	H200004122	ENSG0000	NM_001292	55296	TBC1D19	TBC1 dom	GO:004354	GO:000509	-	25	35	1.37	0.45
H20000812	H200008123	ENSG0000	NM_018286	55273	TMEM100	transmemb	GO:000152	GO:000367	GO:0005783 endoplasr	11			
AHsV1000	AHsV10001183	ENSG0000	XM_005270	55108	BSDC1	BSD domai	-	-	-	153	186	1.21	0.28
CHsGV100	CHsGV1000024	ENSG0000	NM_018010	55081	IFT57	intraflagella	GO:000184	GO:000367	GO:000579	18	22	1.19	0.26
CHsGV100	CHsGV1000392	ENSG0000	XM_011524	54894	RNF43	ring finger	GO:001605	GO:000484	GO:0005635 nuclear e	10			
DHsGV100	DHsGV1000495	-	NG_029518	27244	SESN1	sestrin 1	GO:000636	-	GO:000563	123	76	0.62	-0.70
H30000450	H300004508	ENSG0000	NM_014611	23195	MDN1	midasin AA	GO:000002	GO:000551	GO:000563	298	242	0.81	-0.30
H30000181	H300001811	ENSG0000	NM_015139	23169	SLC35D1	solute carr	GO:000606	GO:000546	GO:000578	20	29	1.46	0.54
H20001454	H200014546	ENSG0000	NM_001130	23007	PLCH1	phospholipa	GO:001604	GO:000443	GO:000573	128	103	0.81	-0.31
AHsV1000	AHsV10000768	ENSG0000	NG_042272	54805	CNNM2	cyclin and	GO:001096	-	GO:0016021 integral component of membrane				
H30000674	H300006742	ENSG0000	XR_429212	11340	EXOSC8	exosome c	GO:000028	GO:000453	GO:000017	1588	2390	1.51	0.59
AHsV1000	AHsV10001211	ENSG0000	NM_001281	11317	RBPJL	recombinat	GO:000635	GO:000097	GO:000563	26	24	0.94	-0.08
AHsV1000	AHsV10003538	ENSG0000	XM_011545	81544	GDPD5	glyceropho	GO:000662	GO:000551	GO:001602	7	22	2.97	1.57
H30001167	H300011676	ENSG0000	XR_934565	80221	ACSF2	acyl-CoA s	GO:000663	GO:000551	GO:0005759 mitochon	10			
AHsV1000	AHsV10002577	ENSG0000	NM_001286	80183	KIAA0226L	KIAA0226-	-	-	-	5	11	2.25	1.17
H20000846	H200008466	ENSG0000	XM_011525	79893	GGNBP2	gametogen	GO:000727	-	GO:000563	641	660	1.03	0.04
AHsV1000	AHsV10001758	ENSG0000	XM_006719	79866	BORA	bora, auror	GO:000008	GO:000551	GO:000582	165	259	1.57	0.65
CHsGV100	CHsGV1000031	ENSG0000	NM_024620	79673	ZNF329	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	27	29	1.08	0.11
DHsGV100	DHsGV1000201	ENSG0000	NR_135180	101928659	LOC10192	uncharacte	-	-	-		8		
H30001309	H300013099	ENSG0000	NM_019013	54478	FAM64A	family with	GO:000706	GO:000551	GO:000563	109	89	0.81	-0.30
H20000548	H200005489	ENSG0000	NR_125717	54454	ATAD2B	ATPase far	GO:003193	GO:000368	GO:000563	53	62	1.18	0.24
H30000710	H300007102	ENSG0000	NM_016312	51729	WBP11	WW domain	GO:000636	GO:000369	GO:000563	285	265	0.93	-0.11
H20001577	H200015779	ENSG0000	NM_016200	51691	LSM8	LSM8 hom	GO:000039	GO:000372	GO:000565	2066	2909	1.41	0.49
H20001694	H200016941	ENSG0000	NM_015994	51382	ATP6V1D	ATPase H	GO:000687	GO:000551	GO:000576	617	447	0.73	-0.46
AHsV1000	AHsV10000623	ENSG0000	XM_011538	51347	TAOK3	TAO kinase	GO:000016	GO:000467	GO:000563	216	344	1.60	0.67
H20000302	H200003024	ENSG0000	NM_017514	55558	PLXNA3	plexin A3	GO:000727	GO:000488	GO:0002116 semaphor	15			
AHsV1000	AHsV10002968	ENSG0000	XR_949432	55246	CCDC25	coiled-coil	-	GO:000551	GO:007006	33	60	1.83	0.87
AHsV1000	AHsV10002065	ENSG0000	XM_006710	55225	RAVER2	ribonucleop	GO:000039	GO:000016	GO:000563	66	64	0.97	-0.04
H30001316	H300013164	ENSG0000	NM_001037	55061	SUSD4	sushi doma	GO:000695	-	GO:000557	4	12	2.99	1.58
H20001559	H200015593	ENSG0000	NM_017945	55032	SLC35A5	solute carr	GO:000864	GO:000535	GO:000013	104	132	1.27	0.35
H20001918	H200019182	ENSG0000	NM_017706	54853	WDR55	WD repeat	GO:000636	GO:000367	GO:000557	218	249	1.14	0.19
DHsGV100	DHsGV1000217	-	-	-	-	-	-	-	-	14	20	1.41	0.50
H30001991	H300019917	ENSG0000	NM_015123	23150	FRMD4B	FERM dom	GO:009016	-	GO:0001726 ruffle,GO:0005615 extracellular s				
AHsV1000	AHsV10002223	ENSG0000	XM_011544	23130	ATG2A	autophagy	GO:000004	GO:000551	GO:000407 pre-autop	8			
H30002034	H300020340	-	NM_152992	22932	POMZP3	POM121 ar	GO:000815	GO:000367	GO:000557	41	49	1.20	0.26
H20001570	H200015709	ENSG0000	NM_001042	22916	NCBP2	nuclear cap	GO:000018	GO:000016	GO:000563	2878	2573	0.89	-0.16
H30000119	H300001196	-	NM_007244	11272	PRR4	proline rich	GO:000189	-	GO:000561	39	43	1.10	0.13
H20000439	H200004392	ENSG0000	XM_011521	11245	GPR176	G protein-c	GO:000718	GO:000493	GO:0005886 plasma m	6			
DHsGV100	DHsGV1000004	ENSG0000	NG_013222	51566	ARMCX3	armadillo re	GO:003461	-	GO:003130	10	11	1.12	0.17
DHsGV100	DHsGV1000050	ENSG0000	XM_011524	404093	CUEDC1	CUE domai	-	-	-	49	45	0.93	-0.10
DHsGV100	DHsGV1000195	-	-	-	-	-	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000190	ENSG0000	NG_011969	55746	NUP133	nucleoporin	GO:000027	GO:000548	GO:000077	29	28	0.96	-0.05
CHsGV100	CHsGV1000154	ENSG0000	NM_182569	284161	GDPD1	glyceropho	GO:000662	GO:000888	GO:000573	18	18	1.04	0.06
CHsGV100	CHsGV1000094	ENSG0000	XM_011524	284058	KANSL1	KAT8 regul	GO:000632	GO:000551	GO:000012	87	80	0.92	-0.11
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_198471	256949	KANK3	KN motif ar	-	-	-		4		
CHsGV100	CHsGV1000123	ENSG0000	NM_001004	256148	OR4S1	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:0005886 plasma membrane,GO:0016021 in				
AHsV1000	AHsV10003442	-	XM_005248	221692	PHACTR1	phosphatas	GO:003103	GO:000377	GO:0005634 nucleus,GO:0005829 cytosol,GO:				
AHsV1000	AHsV10003110	ENSG0000	-	221409	SPATS1	spermatoge	-	-	-				
AHsV1000	AHsV10001505	ENSG0000	XM_005256	201254	STRA13	stimulated	GO:000071	GO:000367	GO:000077	2202	1310	0.59	-0.75
AHsV1000	AHsV10003485	ENSG0000	NM_173545	200558	APLF	aprataxin a	GO:000001	GO:000016	GO:0005634 nucleus,GO:0005654 nucleoplasm				
AHsV1000	AHsV10000052	ENSG0000	NR_104286	83606	GUCD1	guanylyl cy	-	GO:000551	-	367	443	1.21	0.27
CHsGV100	CHsGV1000318	ENSG0000	NM_001001	343171	OR2W3	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:000588	37	36	0.98	-0.03
AHsV1000	AHsV10003564	ENSG0000	NM_001137	342371	ATXN1L	ataxin 1 lik	GO:000012	GO:000367	GO:000563	146	167	1.15	0.20
H30000408	H300004089	ENSG0000	NM_021992	11013	TMSB15A	thymosin b	GO:000701	GO:000378	GO:000573	28	12	0.42	-1.26
AHsV1000	AHsV10001224	ENSG0000	XM_011516	286148	DPY19L4	dpy-19 like	GO:001840	GO:000003	GO:000563	88	122	1.39	0.48
CHsGV100	CHsGV1000080	ENSG0000	NM_080862	92369	SPSB4	splA/ryano	GO:001656	GO:000551	GO:0005737 cytoplasm	5			
CHsGV100	CHsGV1000240	ENSG0000	NM_080660	92092	ZC3HAV1L	zinc finger	-	-	-	35	34	0.98	-0.03
H30001273	H300012732	ENSG0000	NM_033450	89845	ABCC10	ATP bindin	GO:000815	GO:000552	GO:000576	20	21	1.05	0.07
AHsV1000	AHsV10001620	ENSG0000	NM_033124	85478	CCDC65	coiled-coil	-	-	-				
AHsV1000	AHsV10000778	ENSG0000	NM_032779	84865	CCDC142	coiled-coil	-	-	-	8	19	2.27	1.18
CHsGV100	CHsGV1000193	ENSG0000	NM_032683	84769	MPV17L2	MPV17 mit	GO:006166	-	GO:000574	254	168	0.66	-0.60
AHsV1000	AHsV10001635	ENSG0000	NR_027685	84268	RPAIN	RPA intera	GO:000626	GO:003240	GO:000563	933	869	0.93	-0.10
CHsGV100	CHsGV1000014	ENSG0000	XM_011542	84230	LRR8C8	leucine-ric	GO:004407	GO:000522	GO:000573	36	37	1.03	0.04
AHsV1000	AHsV10002009	ENSG0000	XM_011544	55756	INTS9	integrator c	GO:001618	GO:000551	GO:000565	227	171	0.75	-0.41
DHsGV100	DHsGV1000044	ENSG0000	-	-	RP11-96L	-	-	-	-	7	11	1.50	0.59
DHsGV100	DHsGV1000156	-	-	-	-	-	-	-	-	40	32	0.79	-0.34
DHsGV100	DHsGV1000073	ENSG0000	NM_152744	221935	SDK1	sidekick ce	GO:000715	GO:004280	GO:0005886 plasma m	4			
H20001371	H200013712	ENSG0000	NM_005801	10209	EIF1	eukaryotic	GO:000641	GO:000374	GO:000563	4170	4524	1.09	0.12
AHsV1000	AHsV10002379	ENSG0000	NM_182562	283777	FAM169B	family with	-	-	-				
AHsV1000	AHsV10003155	ENSG0000	NM_199464	283518	KCNRG	potassium	GO:005126	GO:000551	GO:000578	15	14	0.90	-0.16
AHsV1000	AHsV10002279	ENSG0000	NM_001145	255275	MYADML2	myeloid-as	-	-	GO:0005737 cytoplasm,GO:0016021 integral c				
H30001793	H300017933	ENSG0000	NM_152766	254863	TMEM256	transmemb	GO:000815	GO:000367	GO:001602	516	453	0.88	-0.19
H30000946	H300009469	ENSG0000	XM_006721	221188	ADGRG5	adhesion G	GO:000716	GO:000493	GO:0016021 integral c	29			
CHsGV100	CHsGV1000011	ENSG0000	XM_005271	220296	HEPACAM	hepatic and	GO:000705	-	GO:0005737 cytoplasm,GO:0005911 cell-cell j				
CHsGV100	CHsGV1000392	ENSG0000	NM_001004	199920	C1orf168	chromosom	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000550	-	NR_132322	197350	CASP16P	caspase 16	-	-	-	105	87	0.82	-0.28
CHsGV100	CHsGV1000354	ENSG0000	NM_031281	83416	FCRL5	Fc recepto	GO:005085	-	GO:0005886 plasma m	7			
AHsV1000	AHsV10002659	ENSG0000	NM_001105	340784	HMX3								

H30002000	H300020009	ENSG0000	NM_133370	91746	YTHDC1	YTH domain	GO:000637	GO:000372	GO:000563	339	350	1.03	0.04
CHsGV100	CHsGV1000176	-	NM_001282	91392	ZNF502	zinc finger	GO:000635	GO:000097	GO:000563	4	17	4.50	2.17
CHsGV100	CHsGV1000269	ENSG0000	NM_033083	85403	EAF1	ELL associ	GO:000635	GO:000551	GO:000563	68	105	1.55	0.63
AHsV1000	AHsV10000233	ENSG0000	NM_033188	85289	KRTAP4-5	keratin ass	GO:000756	-	GO:0045095	keratin filament			
AHsV1000	AHsV10001882	ENSG0000	NM_001289	84695	LOXL3	lysyl oxidase	GO:000183	GO:000472	GO:000576	extracellular	3		
AHsV1000	AHsV10000758	ENSG0000	XM_005252	84641	MFSD14B	major facilit	GO:005508	GO:000521	GO:001602	545	675	1.24	0.31
H20001968	H200019681	ENSG0000	NM_002477	4636	MYL5	myosin light	GO:000693	GO:000550	GO:0005829	cytosol,G	4		
H30001499	H300014998	ENSG0000	NR_132426	84129	ACAD11	acyl-CoA d	GO:000663	GO:000006	GO:0005634	nucleus,G	12		
H20001476	H200014763	ENSG0000	NM_001160	55703	POLR3B	polymerase	GO:000638	GO:000105	GO:000565	227	251	1.11	0.15
AHsV1000	AHsV10003403	ENSG0000	NM_001129	100128124	HGC6.3	uncharacte	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000044	-	-	-	-	-	-	-	-	7	8	1.25	0.33
AHsV1000	AHsV10000003	ENSG0000	NR_046786	100874330	LINC01014	long interge	-	-	-		5		
DHsGV100	DHsGV1000306	ENSG0000	-	-	RP11-143J	-	-	-	-	41	41	1.02	0.02
CHsGV100	CHsGV1000083	ENSG0000	NM_173593	283358	B4GALNT3	beta-1,4-N	GO:000815	GO:000837	GO:001602	18	25	1.37	0.45
DHsGV100	DHsGV1000372	-	-	-	-	-	-	-	-		6		
AHsV1000	AHsV10000972	ENSG0000	NM_001101	253970	SFTA3	surfactant	GO:004426	-	GO:000576	extracellu	3		
CHsGV100	CHsGV1000168	ENSG0000	XM_011545	246778	IL27	interleukin	GO:000695	GO:000510	GO:000576	extracellu	3		
AHsV1000	AHsV10000533	ENSG0000	XM_011539	219790	RTKN2	rhotekin 2	GO:000716	-	GO:0005886	plasma membrane			
H30000958	H300009588	ENSG0000	NM_001009	205717	USF3	upstream t	GO:000649	GO:000367	GO:0000139	Golgi men	10		
AHsV1000	AHsV10002689	ENSG0000	XM_011520	196513	DCP1B	decapping f	GO:000018	GO:000372	GO:000093	41	52	1.27	0.34
DHsGV100	DHsGV1000370	-	-	-	-	-	-	-	-		7		
CHsTV100	CHsTV1000018	ENSG0000	NM_203296	81786	TRIM7	tripartite m	-	GO:000551	GO:000563	57	34	0.60	-0.73
DHsGV100	DHsGV1000058	ENSG0000	NR_036496	339803	LOC339803	uncharacte	-	-	-				
CHsGV100	CHsGV1000325	-	NM_001297	339327	ZNF546	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus	10		
AHsV1000	AHsV10000551	ENSG0000	NM_001039	285148	IAH1	isoamyl ace	GO:001604	GO:001678	GO:0070062	extracellular exosome			
DHsGV100	DHsGV1000375	ENSG0000	-	100874480	HMG2P36	high mobil	-	-	-	35	35	1.00	0.00
CHsGV100	CHsGV1000064	ENSG0000	XR_428387	91147	TMEM67	transmemb	GO:000699	GO:000551	GO:000578	19	24	1.26	0.34
H20002024	H200020242	ENSG0000	XM_011518	90865	IL33	interleukin	GO:000268	GO:000512	GO:0005615	extracellular space,GO:0005634 r			
CHsGV100	CHsGV1000129	ENSG0000	NM_001204	84986	ARHGAP19	Rho GTPase	GO:000726	GO:000509	GO:000563	78	86	1.09	0.13
AHsV1000	AHsV10000294	ENSG0000	XM_005257	84951	TNS4	tensin 4	GO:000691	GO:000377	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005856	cytoskele		
CHsGV100	CHsGV1000331	ENSG0000	NM_032526	84618	NT5C1A	5'-nucleoti	GO:000614	GO:000016	GO:0005829	cytosol	7		
CHsGV100	CHsGV1000227	-	XM_011536	84498	FAM120B	family with	GO:000635	-	GO:000563	39	60	1.52	0.61
AHsV1000	AHsV10000725	ENSG0000	NM_032123	84063	KIRREL2	kin of IRRE	GO:000193	GO:000551	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021 in			
DHsTV100	DHsTV1000018	ENSG0000	-	-	RP11-368M	-	-	-	-				
H20000356	H200003565	ENSG0000	NM_017797	55643	BTBD2	BTB domain	-	GO:000551	GO:000093	38	37	0.97	-0.05
DHsGV100	DHsGV1000415	ENSG0000	-	-	RP11-626H	-	-	-	-	741	511	0.69	-0.54
AHsV1000	AHsV10002489	ENSG0000	XR_925986	100113407	TMEM170E	transmemb	-	-	GO:0016021	integral component of membrane			
DHsGV100	DHsGV1000053	ENSG0000	-	-	RP11-223J	-	-	-	-				
AHsV1000	AHsV10003015	ENSG0000	XM_011537	729665	CCDC175	coiled-coil	-	-	-				
AHsV1000	AHsV10001981	ENSG0000	NM_153456	266722	HS6ST3	heparan su	GO:001501	GO:001709	GO:0016021	integral component of membrane			
CHsGV100	CHsGV1000114	ENSG0000	NR_033815	259173	ALS2CL	ALS2 C-ter	GO:000703	GO:000508	GO:000573	43	34	0.80	-0.33
AHsV1000	AHsV10001367	ENSG0000	XM_005249	728194	RSPH10B2	radial spoke	-	-	-				
CHsTV100	CHsTV1000002	ENSG0000	XR_927412	222255	ATXN7L1	ataxin 7 like	-	GO:000551	-				
AHsV1000	AHsV10000865	ENSG0000	XM_011518	203328	SUSD3	sushi domain	-	-	GO:000588	394	417	1.06	0.08
AHsV1000	AHsV10002501	ENSG0000	NM_001287	202374	STK32A	serine/thre	GO:001810	GO:000467	GO:0005622	intracellular	8		
CHsGV100	CHsGV1000193	ENSG0000	XM_006721	170692	ADAMTS18	ADAM met	GO:000165	GO:000422	GO:0005578	proteinac	3		
CHsGV100	CHsGV1000395	-	NM_001010	169981	SPIN3	spindlin fam	GO:000727	-	-		13		
H30001592	H300015926	ENSG0000	XM_011545	81570	CLPB	ClpB homo	GO:000815	GO:000367	GO:0005575	cellular component,GO:0005739 r			
AHsV1000	AHsV10001512	ENSG0000	XM_011538	338811	FAM19A2	family with	-	-	GO:0005737	cytoplasm	3		
CHsGV100	CHsGV1000199	ENSG0000	NM_176823	338324	S100A7A	S100 calciu	-	GO:000550	GO:000573	13	13	0.99	-0.02
H30001446	H300014460	ENSG0000	NM_001010	284498	C1orf167	chromosom	-	-	-				
AHsV1000	AHsV10002368	ENSG0000	NM_181845	284349	ZNF283	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	23	32	1.38	0.47
H20000712	H200007122	ENSG0000	NM_001171	90411	MCFD2	multiple co	GO:000688	GO:000550	GO:000013	1166	1690	1.45	0.54
AHsV1000	AHsV10000402	ENSG0000	XR_942622	90025	UBE3D	ubiquitin pr	GO:001656	GO:001687	GO:000573	101	75	0.74	-0.43
H20000234	H200002343	ENSG0000	XM_011519	84930	MASTL	microtubule	GO:000008	GO:000467	GO:000563	144	161	1.12	0.16
H20001889	H200018896	ENSG0000	NM_032816	84902	CEP89	centrosome	GO:000699	GO:000551	GO:000092	28	37	1.30	0.38
H20001657	H200016576	ENSG0000	XM_011543	84437	MSANTD4	Myb/SANT	-	-	GO:000563	117	99	0.85	-0.24
CHsGV100	CHsGV1000215	ENSG0000	XM_011524	84316	NAA38	N(alpha)-ac	GO:004306	GO:000551	GO:000563	1073	863	0.80	-0.32
AHsV1000	AHsV10002582	ENSG0000	NR_110866	83882	TSPAN10	tetraspanin	GO:000716	GO:001989	GO:0005887	integral component of plasma me			
H20001652	H200016523	ENSG0000	XM_005256	83716	CRISPLD2	cysteine rid	GO:003019	GO:000820	GO:0005578	proteinaceous extracellular matri			
H30001711	H300017119	ENSG0000	NM_017633	55603	FAM46A	family with	GO:001046	GO:000551	-				
H20001481	H200014814	ENSG0000	NM_000350	24	ABCA4	ATP bindin	GO:000152	GO:000401	GO:000588	7	13	1.70	0.77
DHsGV100	DHsGV1000155	-	NG_031992	7474	WNT5A	wingless-ty	GO:000018	GO:000370	GO:000557	1174	1012	0.86	-0.21
DHsGV100	DHsGV1000003	-	NG_015879	64743	WDR13	WD repeat	-	-	GO:000565	32	31	0.98	-0.03
DHsGV100	DHsGV1000005	-	-	-	-	-	-	-	-	27	21	0.78	-0.36
DHsGV100	DHsGV1000565	ENSG0000	XM_011523	8824	CES2	carboxylest	GO:000680	GO:004737	GO:000561	610	464	0.76	-0.39
DHsGV100	DHsGV1000175	-	-	-	-	-	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000355	-	-	-	-	-	-	-	-	77	61	0.79	-0.34
DHsGV100	DHsGV1000031	-	NG_029838	6525	SMTN	smoothelin	GO:000693	GO:000377	GO:000565	241	196	0.81	-0.30
DHsGV100	DHsGV1000134	ENSG0000	NR_073592	219743	TYSND1	trypsin dom	GO:000650	GO:000202	GO:000577	9	12	1.35	0.43
DHsGV100	DHsGV1000005	ENSG0000	-	151651	EFHB	EF-hand do	GO:000550	-	-	22	22	1.00	0.00
DHsGV100	DHsGV1000166	ENSG0000	NR_126375	104326191	LINC01336	long interge	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000000	-	-	-	-	-	-	-	-		5		
DHsGV100	DHsGV1000350	ENSG0000	XR_922165	105371450	LOC10537	uncharacte	-	-	-	87	74	0.85	-0.23
AHsV1000	AHsV10000275	ENSG0000	NM_005973	5546	PRCC	papillary re	GO:000709	GO:000551	GO:000563	98	102	1.05	0.07
H20001034	H200010342	ENSG0000	NM_001725	671	BPI	bactericida	GO:000695	GO:000153	GO:0005615	extracellular space,GO:0005737 c			
DHsGV100	DHsGV1000063	ENSG0000	-	-	RP11-620J	-	-	-	-		5		
H20000750	H200007509	ENSG0000	NM_001195	63970	TP53AIP1	tumor prot	GO:000691	GO:000367	GO:000573	7	8	1.14	0.20
DHsGV100	DHsGV100012	ENSG0000	NR_040084	100133286	LOC100133	uncharacte	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000067	ENSG0000	-	-	RP4-676L2	-	-	-	-		6		
DHsGV100	DHsGV1000368	-	-	-	-	-	-	-	-	596	460	0.77	-0.37
DHsGV100	DHsGV1000150	ENSG0000	NM_001195	100507421	TMEM178E	transmemb	-	-	GO:001602	33	26	0.79	-0.33
DHsGV100	DHsGV1000357	-	-	-	-	-	-	-	-	5	11	2.08	1.05
DHsGV100	DHsGV1000532	-	-	-	-	-	-	-	-	44	40	0.92	-0.12
AHsV1000	AHsV10001658	ENSG0000	NM_001012	388753	COA6	cytochrom	GO:000853	GO:000412	GO:000573	1105	1058	0.96	-0.06
AHsV1000	AHsV10001771	ENSG0000	NM_198541	374918	IGFL1	IGF like fan	-	GO:000551	GO:0005615	extracellular space			
CHsGV100	CHsGV1000330	ENSG0000	XM_011545	374407	DNAJB13	DnaJ heat	GO:000645	GO:000367	GO:0005575	cellular_co	5		
H20001038	H200010388	ENSG0000	NM_001001	513	ATP5D	ATP synth	GO:000611	GO:000521	GO:000027	791	517	0.65	-0.61
DHsGV100	DHsGV1000245	-	-	-	-	-	-	-	-	18	18	1.02	0.03

DHsGV100	DHsGV100014	ENSG0000	NM_001253	6138	RPL15	ribosomal p	GO:000018	GO:000372	GO:000563	502	397	0.79	-0.34
DHsGV100	DHsGV100036	-	-	-	-	-	-	-	-	-	3	-	-
DHsGV100	DHsGV100003	-	NG_012199	3795	KHK	ketoheoxiki	GO:000597	GO:000445	GO:000563	6	10	1.74	0.80
DHsGV100	DHsGV100021	ENSG0000	XM_006722	79415	C17orf62	chromosom	-	GO:000551	GO:0016021	integral c	4	-	-
DHsGV100	DHsGV100013	ENSG0000	NM_001316	284001	CCDC57	coiled-coil	-	GO:000551	-	-	97	1.02	0.02
DHsTV100	DHsTV1000012	ENSG0000	-	374900	ZNF568	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus	-	-	-
DHsGV100	DHsGV100042	-	-	-	-	-	-	-	-	151	120	0.80	-0.32
DHsGV100	DHsGV100013	-	-	-	-	-	-	-	-	6	11	1.94	0.95
DHsGV100	DHsGV100038	-	-	-	-	-	-	-	-	-	3	-	-
DHsGV100	DHsGV100040	ENSG0000	-	100129193	MUPP	major urina	-	-	-	23	37	1.60	0.68
DHsGV100	DHsGV100054	ENSG0000	XR_949126	100129094	BTNL10	butyrophilir	-	-	GO:0016021	integral c	9	-	-
DHsGV100	DHsGV100017	ENSG0000	XM_011538	3892	KRT86	keratin 86,	-	GO:000519	GO:000561	24	25	1.02	0.02
DHsGV100	DHsGV100003	-	-	-	-	-	-	-	-	13	13	0.99	-0.01
DHsGV100	DHsGV100003	-	-	-	-	-	-	-	-	-	5	-	-
DHsGV100	DHsGV100054	-	-	-	-	-	-	-	-	14	13	0.94	-0.09
DHsGV100	DHsGV100024	-	-	-	-	-	-	-	-	37	40	1.08	0.11
DHsGV100	DHsGV100022	ENSG0000	XM_001717	100130097	KIF28P	kinesin fam	GO:000700	GO:000377	GO:0005622	intracellul	3	-	-
DHsGV100	DHsGV100044	-	-	-	-	-	-	-	-	219	193	0.88	-0.19
DHsGV100	DHsGV100049	ENSG0000	-	-	RP11-62F2	-	-	-	-	-	8	-	-
DHsGV100	DHsGV100056	ENSG0000	NM_001243	100130880	LOC100130	uncharacte	-	-	-	-	8	-	-
AHsV1000	AHsV10001474	-	NM_001023	388567	ZNF749	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus	4	-	-
DHsGV100	DHsGV100017	ENSG0000	-	643911	CRNDE	colorectal r	-	-	-	-	7	-	-
AHsV1000	AHsV10001730	ENSG0000	XM_011509	353299	RGSL1	regulator o	GO:004354	GO:000509	GO:0005737	cytoplasm,	GO:0005886	plasma m	-
CHsGV100	CHsGV100035	ENSG0000	NM_182633	349075	ZNF713	zinc finger	GO:000635	GO:000097	GO:000563	69	56	0.82	-0.29
H20001596	H200015968	ENSG0000	NM_016541	51764	GNG13	guanine nu	GO:000611	GO:000487	GO:000583	295	236	0.80	-0.33
DHsGV100	DHsGV100022	-	-	-	-	-	-	-	-	4	13	2.91	1.54
DHsGV100	DHsGV100042	-	-	-	-	-	-	-	-	-	3	-	-
DHsGV100	DHsGV100007	-	NG_016437	4054	LTBP3	latent trans	GO:003019	GO:000550	GO:000557	17	15	0.89	-0.17
DHsGV100	DHsGV100024	-	-	-	-	-	-	-	-	13	16	1.24	0.31
DHsGV100	DHsGV100042	-	-	-	-	-	-	-	-	9	16	1.66	0.73
DHsGV100	DHsGV100016	-	-	-	-	-	-	-	-	-	4	-	-
DHsGV100	DHsGV100001	ENSG0000	NG_007161	4609	MYC	v-myc avia	GO:000012	GO:000097	GO:0005634	nucleus,	GO:0005654	nucleoplasm	-
DHsGV100	DHsGV100004	ENSG0000	XM_011523	54971	BANP	BTG3 asso	GO:000635	GO:000203	GO:000565	22	30	1.35	0.44
DHsGV100	DHsGV100046	-	-	-	-	-	-	-	-	8	16	1.91	0.94
DHsGV100	DHsGV100048	ENSG0000	XR_246197	101927889	LINC01153	long interge	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV100019	-	-	-	-	-	-	-	-	130	110	0.85	-0.24
DHsGV100	DHsGV100051	ENSG0000	-	-	AC073834	-	-	-	-	6	12	2.03	1.02
DHsGV100	DHsGV100027	ENSG0000	-	5947	RBP1	retinol bind	GO:000152	GO:000521	GO:000565	562	455	0.81	-0.30
DHsGV100	DHsGV100025	-	NG_042866	22941	SHANK2	SH3 and m	GO:000741	GO:000551	GO:0001750	photorece	3	-	-
H20001046	H200010463	ENSG0000	XM_005257	9121	SLC16A5	solute carr	GO:001571	GO:000802	GO:000588	18	30	1.63	0.70
DHsGV100	DHsGV100042	ENSG0000	NR_102743	644192	NR2F2-AS	NR2F2 anti	-	-	-	28	41	1.46	0.54
CHsGV100	CHsGV100037	-	-	-	-	-	-	-	-	35	33	0.95	-0.08
DHsGV100	DHsGV100034	ENSG0000	-	-	RP11-973F	-	-	-	-	53	50	0.94	-0.09
DHsGV100	DHsGV100008	-	-	-	-	-	-	-	-	23	21	0.92	-0.11
DHsGV100	DHsGV100028	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV100017	-	-	-	-	-	-	-	-	38	41	1.08	0.11
AHsV1000	AHsV10000024	ENSG0000	NM_001099	387715	ARMS2	age-related	GO:000189	-	GO:0001917	photoreceptor inner segment,	GO:	-	-
H30001166	H300011667	ENSG0000	NM_001012	387104	SOGA3	SOGA fami	GO:001050	-	GO:000561	6	9	1.47	0.56
H20001232	H200012324	ENSG0000	XM_005268	347902	AMIGO2	adhesion m	GO:000715	GO:000551	GO:000563	44	55	1.27	0.34
DHsGV100	DHsGV100046	-	XM_011543	347411	MPC1L	mitochondr	GO:000685	-	GO:0005743	mitochondrial inner membrane,	GO:	-	-
H20001129	H200011293	ENSG0000	NM_001311	1211	CLTA	clathrin ligh	GO:000688	GO:000367	GO:000582	1407	1676	1.19	0.25
DHsGV100	DHsGV100056	-	NG_008987	1757	SARDH	sarcosine d	GO:003599	GO:000554	GO:0005739	mitochondrion,	GO:0005759	mitoc	-
DHsGV100	DHsGV100026	ENSG0000	XM_006714	9693	RAPGEF2	Rap guanin	GO:000016	GO:000487	GO:0005737	cytoplasm	11	-	-
DHsGV100	DHsGV100030	ENSG0000	XM_005268	90135	BTBD6	BTB domai	-	-	GO:000093	8	15	1.86	0.89
DHsGV100	DHsGV100019	-	-	-	-	-	-	-	-	523	550	1.05	0.07
DHsGV100	DHsGV100022	-	-	-	-	-	-	-	-	-	10	-	-
DHsGV100	DHsGV100029	-	XM_005254	26050	SLITRK5	SLIT and N	GO:000726	-	GO:001602	27	27	0.98	-0.03
DHsGV100	DHsGV100022	-	-	-	-	-	-	-	-	11	16	1.47	0.56
DHsGV100	DHsGV100027	ENSG0000	-	51529	ANAPC11	anaphase p	GO:000027	GO:000484	GO:000565	16	18	1.11	0.14
DHsGV100	DHsGV100053	-	-	-	-	-	-	-	-	-	8	-	-
DHsGV100	DHsGV100046	-	-	-	-	-	-	-	-	6	9	1.47	0.56
DHsGV100	DHsGV100012	ENSG0000	NM_014474	27293	SMPDL3B	sphingomye	GO:000668	GO:000367	GO:0005615	extracellular space,	GO:0070062	e	-
DHsGV100	DHsGV100057	ENSG0000	-	-	RP11-102C	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV100053	-	-	-	-	-	-	-	-	39	37	0.96	-0.06
DHsGV100	DHsGV100034	-	NG_029836	30819	KCNIP2	potassium	GO:000551	GO:000525	GO:000573	13	20	1.57	0.65
DHsGV100	DHsGV100017	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV100005	-	-	-	-	-	-	-	-	-	6	-	-
AHsV1000	AHsV10003417	-	XM_011510	10865	ARID5A	AT-rich int	GO:000206	GO:000367	GO:0005634	nucleus,	GO:0005654	nucleoplasm	-
DHsGV100	DHsGV100023	ENSG0000	NM_024653	79706	PRKRIP1	PRKR inter	GO:000301	GO:000372	GO:000573	13	15	1.11	0.15
DHsGV100	DHsGV100010	ENSG0000	XM_011527	57343	ZNF304	zinc finger	GO:000635	GO:000097	GO:0005634	nucleus	8	-	-
DHsGV100	DHsGV100026	-	-	-	-	-	-	-	-	-	3	-	-
DHsGV100	DHsGV100007	-	-	-	-	-	-	-	-	5	8	1.60	0.68
AHsV1000	AHsV10001465	-	NG_007984	65125	WNK1	WNK lysine	GO:000308	GO:000028	GO:0005737	cytoplasm	-	-	-
H30001648	H300016486	ENSG0000	NM_015183	375449	MAST4	microtubule	GO:000701	GO:000028	GO:000562	110	93	0.85	-0.24
AHsV1000	AHsV10002594	ENSG0000	NM_001292	346007	EYS	eyes shut	GO:004340	GO:000367	GO:0070062	extracellular exosome	-	-	-
CHsGV100	CHsGV100004	ENSG0000	NM_207481	344148	NCKAP5	NCK assoc	GO:000815	-	GO:0005575	cellular_component	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_005257	64750	SMURF2	SMAD spec	GO:000012	GO:000484	GO:000015	50	71	1.41	0.50
H20000209	H200002093	ENSG0000	NM_052817	11043	MID2	midline 2	GO:001050	GO:000551	GO:000573	33	31	0.94	-0.09
H20001593	H200015931	ENSG0000	NM_005448	9210	BMP15	bone morph	GO:000154	GO:000512	GO:0005615	extracellu	6	-	-
H30000609	H300006097	ENSG0000	XM_011523	6361	CCL17	C-C motif	GO:000254	GO:000510	GO:000557	118	111	0.95	-0.08
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_014208	1834	DSPP	dentin sial	GO:000150	GO:000520	GO:0005576	extracellular region,	GO:0005578	f	-
H30000356	H300003560	ENSG0000	NM_001294	1296	COL8A2	collagen ty	GO:000152	GO:000520	GO:000557	10	13	1.32	0.40
H20001113	H200011138	ENSG0000	NM_014926	22865	SLITRK3	SLIT and N	GO:000740	-	GO:0016021	integral component of membrane	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_006855	11015	KDEL3	KDEL endo	GO:000662	GO:004692	GO:000578	154	161	1.04	0.06
H20001683	H200016831	ENSG0000	NM_020981	8708	B3GALT1	Beta-1,3-g	GO:000648	GO:000849	GO:000013	16	10	0.66	-0.60
H20001118	H200011188	ENSG0000	NM_130760	8174	MADCAM1	mucosal va	GO:000268	GO:009864	GO:000588	30	27	0.88	-0.19
H20000325	H200003253	ENSG0000	XM_011524	4355	MPP2	membrane	GO:000716	GO:000438	GO:000588	171	193	1.13	0.18
H30000901	H300009018	ENSG0000	NM_002310	3977	LIFR	leukemia in	GO:000716	GO:000489	GO:000588	40	40	0.99	-0.01
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_000705	496	ATP4B	ATPase H+	GO:000681	GO:000551	GO:0005886	plasma membrane,	GO:0005890	sc	-

H30000044	H300000444	ENSG0000	XM_011538	23426	GRIP1	glutamate r	GO:000726	GO:000371	GO:000578	9	12	1.35	0.43	
H20001216	H200012168	ENSG0000	NM_003764	8676	STX11	syntaxin 11	GO:000688	GO:000014	GO:000579	10	13	1.35	0.44	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011544	137964	GPAT4	glycerol-3-	GO:000207	GO:000384	GO:000578	226	277	1.23	0.29	
H30002254	H300022549	ENSG0000	NM_133445	116443	GRIN3A	glutamate i	GO:000681	GO:000497	GO:0014069	postsynap	4			
H20000124	H200001249	ENSG0000	NM_020309	57030	SLC17A7	solute carr	GO:000340	GO:000531	GO:000588	55	37	0.66	-0.59	
H20000337	H200003371	ENSG0000	XM_006719	55591	VEZT	vezatin, ad	GO:001633	GO:001702	GO:000166	203	188	0.93	-0.11	
H20000649	H200006496	ENSG0000	XM_011518	301	ANXA1	annexin A1	GO:000073	GO:000369	GO:000153	1506	4557	3.03	1.60	
H30000279	H300002790	ENSG0000	-	-	RP11-9L18	-	-	-	-	754	584	0.77	-0.37	
DHsTV100	DHsTV1000007	-	-	-	-	-	-	-	-	177	158	0.89	-0.17	
DHsGV100	DHsGV1000342	-	NM_024011	728642	CDK11A	cyclin-depe	GO:000155	GO:000467	GO:000563	32	31	0.95	-0.07	
DHsGV100	DHsGV1000118	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	
DHsGV100	DHsGV1000380	ENSG0000	-	1787	TRDMT1	tRNA aspa	GO:000197	GO:000372	GO:000565	11	17	1.48	0.57	
DHsGV100	DHsGV100044	-	NG_033257	80185	TTI2	TELO2 inte	-	-	-	-	-	-	-	
H20000011	H200000117	ENSG0000	NM_005180	648	BMI1	BMI1 proto	GO:000012	GO:000551	GO:000015	1243	1396	1.12	0.17	
H30000395	H300003955	ENSG0000	NM_170610	255626	HIST1H2B	histone clu	GO:000632	GO:000367	GO:000078	10	16	1.62	0.69	
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_002674	5367	PMCH	pro-melanin	GO:000721	GO:003035	GO:000557	22	20	0.93	-0.10	
H20000045	H200000453	ENSG0000	NM_002191	3623	INH1A	inhibin alph	GO:000150	GO:000510	GO:000175	30	28	0.95	-0.08	
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_005450	9241	NOG	noggin	GO:000012	GO:000551	GO:000557	20	16	0.80	-0.33	
H20001186	H200011867	ENSG0000	NM_000330	6247	RS1	retinoschis	GO:000715	GO:000178	GO:0005615	extracellu	6			
H20001671	H200016716	ENSG0000	XM_005254	10673	TNFSF13B	tumor necr	GO:000178	GO:000510	GO:000557	4	12	2.63	1.40	
H20000226	H200002261	ENSG0000	NM_001136	10314	LANCL1	LanC like 1	GO:000718	GO:000382	GO:000573	505	468	0.93	-0.11	
H30001154	H300011545	ENSG0000	NR_038257	7226	TRPM2	transient re	GO:000681	GO:000526	GO:000562	49	63	1.28	0.36	
H20000410	H200004104	ENSG0000	NM_052874	112755	STX1B	syntaxin 1B	GO:000195	GO:000014	GO:000563	14	18	1.31	0.39	
H30000377	H300003775	ENSG0000	XM_011509	3765	KCNJ9	potassium	GO:000726	GO:000524	GO:0005886	plasma m	3			
H30000504	H300005046	ENSG0000	XM_005253	2904	GRIN2B	glutamate i	GO:000016	GO:000497	GO:0005886	plasma m	8			
H30000866	H300008660	ENSG0000	NM_013292	29895	MYLPF	myosin ligh	GO:000693	GO:000550	GO:000576	874	795	0.91	-0.14	
H20000472	H200004729	ENSG0000	NM_006915	6102	RP2	retinitis pig	GO:000090	GO:000377	GO:000573	81	108	1.34	0.42	
H30001953	H300019532	ENSG0000	XM_011537	1272	CNTN1	contactin 1	GO:000715	GO:000194	GO:0005886	plasma m	5			
H20000151	H200001510	ENSG0000	NM_001128	94101	ORMDL1	ORMDL sp	GO:000667	-	GO:000578	630	694	1.10	0.14	
H30000122	H300001220	ENSG0000	NM_032229	84189	SLITRK6	SLIT and N	GO:000196	-	GO:0005887	integral component of plasma me				
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_018969	54328	GPRI73	G protein-c	GO:000716	GO:000493	GO:000588	114	103	0.90	-0.15	
H20000311	H200003112	ENSG0000	NM_016564	51286	CEND1	cell cycle e	GO:000762	-	GO:001602	79	68	0.87	-0.21	
H20000751	H200007513	ENSG0000	XM_005266	202	AIM1	absent in m	GO:000815	GO:000367	GO:0005575	cellular_co	12			
H30000168	H300001680	ENSG0000	-	-	AC111155.	-	-	-	-	1628	1591	0.98	-0.03	
DHsGV100	DHsGV1000289	ENSG0000	-	-	RP13-870H	-	-	-	-	-	5			
DHsGV100	DHsGV1000174	-	-	-	-	-	-	-	-	-	5			
DHsGV100	DHsGV1000090	-	-	-	-	-	-	-	-	50	45	0.90	-0.16	
DHsGV100	DHsGV1000490	-	-	-	-	-	-	-	-	-	5			
DHsGV100	DHsGV1000145	-	-	-	-	-	-	-	-	53	49	0.92	-0.13	
H30000458	H300004587	ENSG0000	NM_012315	284366	KLK9	kallikrein re	GO:000650	GO:000425	GO:000557	130	97	0.74	-0.43	
H20001869	H200018694	ENSG0000	NM_032556	84639	IL1F10	interleukin	GO:000243	GO:000512	GO:000561	32	31	0.97	-0.05	
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_000605	3440	IFNA2	interferon,	GO:000225	GO:000512	GO:000557	32	28	0.85	-0.23	
H20000485	H200004859	ENSG0000	NM_001312	2159	F10	coagulation	GO:000646	GO:000425	GO:000557	23	19	0.83	-0.26	
H30000775	H300007751	ENSG0000	NM_004467	2267	FGL1	fibrinogen I	-	-	GO:000557	10	15	1.54	0.62	
H20000959	H200009590	ENSG0000	XM_005272	252969	NEIL2	nei like DN	GO:000628	GO:000368	GO:000565	457	376	0.82	-0.28	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_005118	9966	TNFSF15	tumor necr	GO:000691	GO:000510	GO:0005615	extracellu	4			
H30001855	H300018554	ENSG0000	XM_011543	9522	SCAMP1	secretory c	GO:000688	GO:000551	GO:000565	149	145	0.97	-0.04	
H20001171	H200011710	ENSG0000	NR_046207	6558	SLC12A2	solute carr	GO:000681	GO:000551	GO:000588	141	120	0.86	-0.23	
H20001288	H200012888	ENSG0000	NM_014227	6527	SLC5A4	solute carr	GO:000681	GO:001529	GO:0016021	integral c	3			
H20000643	H200006439	ENSG0000	NM_000821	2677	GGCX	gamma-glu	GO:000646	GO:000848	GO:000578	29	38	1.32	0.40	
H20000071	H200000718	ENSG0000	NM_000117	2010	EMD	emerin	GO:000027	GO:000377	GO:000563	571	530	0.93	-0.11	
H20001560	H200015609	ENSG0000	NM_001130	30816	ERVW-1	endogenou	GO:000694	-	GO:000588	13	17	1.31	0.39	
H30001279	H300012798	ENSG0000	NM_198531	374868	ATP9B	ATPase ph	GO:000689	GO:000028	GO:000576	32	38	1.18	0.24	
H30000339	H300003390	ENSG0000	NM_173856	317701	VN1R2	vomeronas	GO:000718	GO:001650	GO:000588	9	14	1.51	0.60	
H20001510	H200015101	ENSG0000	XM_005251	81501	DCSTAMP	dendrocyte	GO:003030	GO:000551	GO:0005789	endoplas	4			
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NR_073610	7957	PAQR6	progestin a	GO:004340	GO:000370	GO:000588	6	14	2.44	1.29	
H20001307	H200013078	ENSG0000	NM_144564	29985	SLC39A3	solute carr	GO:000090	GO:000538	GO:000588	935	898	0.96	-0.06	
H20001808	H200018087	ENSG0000	NM_031891	28316	CDH20	cadherin 20	GO:000715	GO:000550	GO:0005886	plasma m	7			
H30000038	H300000384	ENSG0000	NM_001162	728392	LOC728392	uncharacte	-	-	-	105	129	1.23	0.30	
H30000337	H300003377	ENSG0000	-	339799	EIF3FP3	eukaryotic	-	-	-	1659	1719	1.04	0.05	
DHsGV100	DHsGV1000510	-	NG_008337	7148	TNXB	tenascin X	GO:000663	GO:000517	GO:000557	17	14	0.87	-0.21	
DHsGV100	DHsGV1000077	-	-	-	-	-	-	-	-	244	245	1.01	0.01	
DHsGV100	DHsGV1000042	-	-	-	-	-	-	-	-	-	9			
DHsGV100	DHsGV1000323	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-			
H20000049	H200000491	ENSG0000	NR_036430	5552	SRGN	serglycin	GO:000257	GO:000551	GO:000013	2063	2194	1.06	0.09	
H20001783	H200017835	ENSG0000	NM_020124	56832	IFNK	interferon,	GO:000225	GO:000512	GO:0005576	extracellu	9			
H20000733	H200007332	ENSG0000	NM_014482	27302	BMP10	bone morph	GO:000715	GO:000512	GO:0005576	extracellu	8			
H30000035	H300000358	ENSG0000	NM_133638	171019	ADAMTS19	ADAM met	GO:000650	GO:000422	GO:0005578	proteinaceous extracellular matri				
H30002071	H300020718	ENSG0000	XM_011509	26254	OPTC	opticin	GO:001652	GO:000520	GO:000557	13	19	1.47	0.55	
H30000209	H300002099	ENSG0000	NM_001039	139728	PNCK	pregnancy	GO:000646	GO:000468	GO:000563	236	198	0.84	-0.25	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001168	84107	ZIC4	Zic family r	-	GO:000367	GO:0005634	nucleus	10			
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XM_005253	9332	CD163	CD163 mol	GO:000689	GO:000504	GO:0005576	extracellular region,	GO:0005886			
H20000733	H200007330	ENSG0000	NM_003853	8807	IL18RAP	interleukin	GO:000695	GO:000487	GO:001602	67	250	3.76	1.91	
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001099	6331	SCN5A	sodium volt	GO:000202	GO:000524	GO:000151	162	140	0.87	-0.21	
H30001381	H300013810	-	NG_012116	5506	PPP1R3A	protein pho	GO:000597	-	GO:0016021	integral component of membrane				
H30000487	H300004878	ENSG0000	XM_011519	1262	CNGA4	cyclic nucl	GO:000699	GO:000522	GO:0000139	Golgi men	3			
H20001054	H200010547	ENSG0000	NM_006727	1008	CDH10	cadherin 10	GO:000715	GO:000550	GO:0005886	plasma membrane,	GO:0016021	in		
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_003802	8735	MYH13	myosin, hea	GO:000693	GO:000014	GO:000585	11	14	1.27	0.34	
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_011522	222487	ADGRG3	adhesion G	GO:000716	GO:000493	GO:000588	16	16	0.97	-0.05	
H30000201	H300002010	ENSG0000	NM_175060	161198	CLEC14A	C-type lec	-	GO:003024	GO:0016021	integral c	3			
H20001653	H200016537	ENSG0000	NM_021248	64405	CDH22	cadherin 22	GO:000715	GO:000550	GO:0005886	plasma m	3			
H20000117	H200001172	ENSG0000	NM_001127	57863	CADM3	cell adhesi	GO:000715	GO:000487	GO:000588	35	38	1.06	0.09	
H20001556	H200015569	ENSG0000	NM_014358	26253	CLEC4E	C-type lec	GO:000222	GO:000487	GO:0005886	plasma m	3			
H20000489	H200004892	-	NM_012276	23547	LILRA4	leukocyte i	GO:000225	GO:000551	GO:001602	14	16	1.10	0.14	
DHsGV100	DHsGV1000010	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-			
DHsGV100	DHsGV1000489	ENSG0000	XR_946822	105378589	LOC105378	uncharacte	-	-	-	22	22	1.01	0.02	
DHsGV100	DHsGV1000348	ENSG0000	NR_027040</											

DHsGV100	DHsGV1000142	-	-	-	-	-	-	-	-	9	8	0.96	-0.06
DHsGV100	DHsGV1000208	ENSG0000	NG_023225	4615	MYD88	myeloid diff	GO:000222	GO:000512	GO:000582	8	9	1.22	0.29
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_005255	1459	CSNK2A2	casein kina	GO:000027	GO:000467	GO:000563	580	667	1.15	0.20
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NR_033390	7305	TYROBP	TYRO prot	GO:000228	GO:000505	GO:000562	48	120	2.49	1.32
H30000708	H300007085	ENSG0000	NM_001001	115939	TSR3	TSR3, 20S	GO:003049	-	-	402	403	1.00	0.00
H20000194	H200001946	ENSG0000	XM_005256	112483	SAT2	spermidine	GO:000944	GO:000414	GO:000573	18	30	1.68	0.75
H20001996	H200019967	ENSG0000	NM_033208	91151	TIGD7	tigger trans	-	GO:000367	GO:000563	27	25	0.96	-0.06
H20000368	H200003682	ENSG0000	NM_021214	58489	ABHD17C	abhydrolase	GO:000815	GO:001678	-	4	4	1.10	0.13
H20000282	H200002828	ENSG0000	NM_032949	5100	PCDH8	protocadhe	GO:000175	GO:000550	GO:000588	plasma membrane,GO:0005887 in			
H20000328	H200003283	ENSG0000	NM_022497	64432	MRPS25	mitochondr	GO:000699	GO:000373	GO:000573	226	168	0.74	-0.43
H20001138	H200011382	ENSG0000	NM_017854	54958	TMEM160	transmemb	-	-	GO:000573	454	329	0.73	-0.46
H20001877	H200018778	ENSG0000	XM_011514	442213	PTCHD4	patched do	GO:000716	GO:000367	GO:000575	cellular_co	8		
H20000511	H200005117	ENSG0000	NR_037862	11017	SNRNP27	small nucle	GO:000039	GO:000367	GO:000557	390	363	0.93	-0.10
H20001726	H200017262	ENSG0000	NM_001318	4201	MEA1	male-enhar	GO:000728	GO:000551	GO:000573	1039	1023	0.98	-0.02
H20001100	H200011008	ENSG0000	NM_017448	3948	LDHC	lactate deh	GO:000597	GO:000445	GO:000563	172	119	0.69	-0.53
H20000741	H200007413	ENSG0000	NM_024410	4956	ODF1	outer dens	GO:000727	GO:000551	GO:0001520	outer den	8		
H20001937	H200019375	ENSG0000	XM_005273	84296	GIN54	GIN5 comp	GO:000027	GO:000551	GO:000081	188	182	0.97	-0.04
H20000967	H200009673	ENSG0000	XM_011516	64599	GIGYF1	GRB10 inte	GO:004800	-	-	6	12	2.22	1.15
H30000612	H300006129	ENSG0000	NM_001278	64422	ATG3	autophagy	GO:000004	GO:000551	GO:000015	624	592	0.95	-0.08
H30000853	H300008537	ENSG0000	NM_001165	59344	ALOXE3	arachidona	GO:000666	GO:000550	GO:000573	25	26	1.06	0.09
H20001374	H200013743	ENSG0000	NM_016848	53358	SHC3	SHC (Src H	GO:000016	GO:000487	GO:000557	23	19	0.82	-0.28
H30002025	H300020257	ENSG0000	NM_001005	51542	VPS54	VPS54, GA	GO:000689	GO:000551	GO:000093	100	135	1.35	0.43
H20001735	H200017356	ENSG0000	XM_011523	23533	PIK3R5	phosphoino	GO:000664	GO:003168	GO:000563	27	29	1.07	0.09
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_015235	23283	CSTF2T	cleavage st	GO:009878	GO:000016	GO:000562	65	115	1.78	0.83
H20001330	H200013302	ENSG0000	NM_033430	8654	PDE5A	phosphodie	GO:000716	GO:000411	GO:000557	17	21	1.24	0.32
H20000056	H200000565	ENSG0000	NM_003357	7356	SCGB1A1	secretoglo	GO:000012	GO:000551	GO:000561	10	16	1.63	0.71
H20001021	H200010214	ENSG0000	NM_000212	3690	ITGB3	integrin sub	GO:000193	GO:000161	GO:000563	nucleus,G	9		
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001704	577	ADGRB3	adhesion G	GO:000716	GO:000493	GO:000588	8	16	1.92	0.94
H30000829	H300008297	ENSG0000	NR_036460	23536	ADAT1	adenosine	GO:000640	GO:000372	-	88	153	1.73	0.79
H20002098	H200020987	ENSG0000	NM_198399	10777	ARPP21	cAMP regu	GO:000815	GO:000367	GO:000575	cellular_component,GO:0005737			
H20000491	H200004910	ENSG0000	NM_024644	79697	C14orf169	chromosom	GO:000635	GO:000550	GO:000563	109	95	0.87	-0.20
H20001409	H200014098	ENSG0000	XM_011521	663	BNIP2	BCL2/ader	GO:000679	GO:000430	GO:000563	673	607	0.90	-0.15
H20001251	H200012514	ENSG0000	NM_032338	84298	LLPH	LLP homol	-	GO:004482	GO:000573	349	300	0.86	-0.22
H20000545	H200005456	ENSG0000	NM_032786	84872	ZC3H10	zinc finger	-	GO:000551	-	15	23	1.59	0.67
H20000919	H200009196	ENSG0000	XM_011542	3703	STT3A	STT3A, cat	GO:001827	GO:000457	GO:000578	797	723	0.91	-0.14
H20001074	H200010742	ENSG0000	NM_001161	23149	FCHO1	FCH domai	GO:004826	GO:000551	GO:000588	238	189	0.79	-0.34
H20000653	H200006535	ENSG0000	XR_246509	25870	SUMF2	sulfatase n	GO:004368	GO:004687	GO:000578	97	168	1.74	0.80
H20000346	H200003462	ENSG0000	NM_207318	139231	FAM199X	family with	-	-	-	423	539	1.28	0.35
H20000284	H200002844	ENSG0000	NR_024203	11319	ECD	ecdysonele	GO:000611	GO:000371	GO:000563	670	731	1.09	0.13
H20001881	H200018810	ENSG0000	NM_001098	2926	GRSF1	G-rich RNA	GO:000637	GO:000016	GO:000573	566	508	0.90	-0.16
H20000249	H200002496	ENSG0000	NM_001018	2177	FANCD2	Fanconi an	GO:000628	GO:000551	GO:000079	81	117	1.44	0.53
H20001231	H200012317	ENSG0000	NM_002410	4249	MGAT5	mannosyl (G	GO:001827	GO:003014	GO:0000139	Golgi men	8		
H20001087	H200010877	ENSG0000	NM_001170	167681	PRSS35	protease, s	-	-	GO:000576	extracellular region,GO:0005739			
H20000454	H200004549	ENSG0000	NM_016144	51397	COMMD10	COMM dom	GO:000635	GO:000551	GO:000563	374	330	0.88	-0.18
H20001705	H200017052	ENSG0000	NM_001110	57593	EBF4	early B-ce	GO:000636	GO:000107	GO:000563	34	35	1.03	0.05
H30000860	H300008606	ENSG0000	XM_011541	57085	AGTRAP	angiotensin	GO:000166	GO:000494	GO:000013	238	202	0.85	-0.24
H20001060	H200010603	ENSG0000	NM_001163	51200	CPA4	carboxypep	GO:000650	GO:000418	GO:000557	41	44	1.07	0.10
H30001196	H300011963	ENSG0000	XM_011520	50613	UBQLN3	ubiquilin 3	-	-	-	13	17	1.33	0.41
H20000598	H200005985	ENSG0000	NM_014280	22826	DNAJC8	DnaJ heat	GO:000039	-	GO:000565	1267	1155	0.91	-0.13
H20001538	H200015384	ENSG0000	NM_006789	10930	APOBEC2	apolipoprot	GO:000639	GO:000372	-	26	28	1.10	0.13
H20001566	H200015662	ENSG0000	NM_022037	7072	TIA1	TIA1 cytot	GO:000691	GO:000016	GO:000565	492	524	1.07	0.09
H30000703	H300007032	ENSG0000	NM_003124	6697	SPR	sepiapterin	GO:000655	GO:000403	GO:000565	265	254	0.96	-0.06
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_004389	1496	CTNNA2	catenin alp	GO:000740	GO:000520	GO:000563	11	13	1.19	0.25
H20000816	H200008165	ENSG0000	NM_001198	4210	MEFV	Mediterran	GO:000695	GO:000377	GO:0001726	ruffle,GO:	12		
H30000327	H300003273	ENSG0000	XM_005250	168850	ZNF800	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	134	145	1.09	0.12
H20001179	H200011796	ENSG0000	NR_103821	442075	EMC3-AS1	EMC3 antis	-	-	-	50	49	0.99	-0.02
H20001025	H200010253	ENSG0000	XM_011523	93517	SDR42E1	short chain	GO:000669	GO:000385	GO:0016021	integral ca	11		
H20000287	H200002879	ENSG0000	NM_198892	55589	BMP2K	BMP2 indu	GO:000646	GO:000467	GO:000565	386	473	1.22	0.29
H20000157	H200001578	-	XM_011521	55177	RMDN3	regulator o	GO:000687	GO:000551	GO:000092	224	187	0.83	-0.26
H20000797	H200007976	ENSG0000	NM_016468	51241	COX16	COX16 cyt	GO:000815	GO:000367	GO:000557	829	573	0.69	-0.53
H20001778	H200017789	ENSG0000	NM_001168	84707	BEX2	brain expre	GO:000691	GO:000551	GO:000563	152	240	1.58	0.66
H20001176	H200011767	ENSG0000	NM_001207	84645	C22orf23	chromosom	GO:000815	GO:000367	GO:000557	6	11	1.87	0.91
H20001655	H200016552	ENSG0000	NR_126431	84334	APOPT1	apoptogeni	GO:003439	-	GO:000573	297	313	1.05	0.08
H20000548	H200005482	ENSG0000	NM_001284	79712	GTDC1	glycosyltra	GO:000815	GO:001675	-	77	112	1.45	0.54
H20000441	H200004411	ENSG0000	NM_001131	23240	KIAA0922	KIAA0922	GO:001605	-	GO:000573	141	148	1.05	0.08
H20000475	H200004757	ENSG0000	NM_005208	1411	CRYBA1	crystallin b	GO:000181	GO:000367	GO:000563	nucleus,G	12		
H20000958	H200009583	ENSG0000	NM_032515	666	BOK	BCL2-relat	GO:000691	GO:000551	GO:000013	30	30	1.00	0.00
H20001520	H200015202	ENSG0000	NM_032649	84735	CNDP1	carnosine d	GO:000650	GO:000418	GO:000576	extracellu	7		
H20001531	H200015315	ENSG0000	NM_014981	22989	MYH15	myosin, hea	GO:000207	GO:000377	GO:0030016	myofibril,C	6		
H20000696	H200006966	ENSG0000	NM_019002	54465	ETAA1	Ewing tumo	-	-	GO:000573	132	174	1.32	0.40
H20000566	H200005667	ENSG0000	NM_019617	56287	GKN1	gastrokine	GO:000758	GO:000367	GO:000557	6	15	2.54	1.34
H20000259	H200002590	ENSG0000	XR_926365	105374875	LOC10537	uncharacte	-	-	-	282	256	0.91	-0.14
H20000208	H200002080	ENSG0000	XM_011515	29886	SNX8	sorting nex	GO:000688	GO:000551	GO:001989	67	62	0.93	-0.11
opHsV0400	opHsV0400009	ENSG0000	NM_152227	27131	SNX5	sorting nex	GO:000688	GO:000551	GO:000172	1754	1863	1.06	0.09
H20000282	H200002821	ENSG0000	NM_001127	10459	MAD2L2	MAD2 mito	GO:000012	GO:000110	GO:000563	1185	1216	1.03	0.04
H20000474	H200004747	ENSG0000	XM_011545	9828	ARHGEF17	Rho guanin	GO:000726	GO:000508	GO:000582	37	39	1.07	0.10
H20000677	H200006770	ENSG0000	XM_011523	5957	RCVRN	recoverin	GO:000716	GO:000550	-	13	20	1.50	0.59
H30001567	H300015670	ENSG0000	NM_002785	5680	PSG11	pregnancy	GO:000756	-	GO:000557	21	25	1.21	0.28
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_173833	286133	SCARA5	scavenger	GO:000687	GO:000504	GO:000588	13	19	1.49	0.58
H30000682	H300006829	ENSG0000	XM_006720	123099	DEGS2	delta(4)-de	GO:000666	GO:000017	GO:000578	36	41	1.15	0.21
H30001400	H300014004	ENSG0000	XM_011542	57476	GRAMD1B	GRAM dom	-	-	GO:001602	5	10	1.94	0.96
H30001493	H300014932	ENSG0000	NM_001319	388325	SCIMP	SLP adapt	GO:000712	GO:000551	GO:0001772	immunological synapse,GO:00160			
H30001000	H300010007	ENSG0000	NM_001308	131076	CCDC58	coiled-coil	-	-</					

H20000444	H200004441	ENSG0000	XM_006718	79684	MSANTD2	Myb/SANT	-	-	-	58	81	1.41	0.49
H20001912	H200019124	ENSG0000	XM_005257	3218	HOXB8	homeobox	GO:000635	GO:000370	GO:000563	5	15	3.26	1.70
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_001306	127	ADH4	alcohol de	GO:000152	GO:000396	GO:000582	22	24	1.12	0.17
H20002053	H200020534	ENSG0000	NM_001003	117854	TRIM6	tripartite m	GO:000020	GO:000367	GO:000563	181	331	1.84	0.88
H20002089	H200020899	ENSG0000	NM_001282	221074	SLC39A12	solute carr	GO:000716	GO:000538	GO:0005886	plasma m	7		
H20001711	H200017110	ENSG0000	XM_005245	29922	NME7	NME/NM23	GO:000335	GO:000455	GO:000581	473	373	0.79	-0.34
H20000535	H200005356	ENSG0000	NM_001308	25888	ZNF473	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000565	264	265	1.00	0.01
H20002026	H200020261	ENSG0000	NM_133325	55274	PHF10	PHD finger	GO:000635	GO:000551	GO:000563	731	580	0.79	-0.33
H30000338	H300003386	ENSG0000	NM_001282	54900	LAX1	lymphocyte	GO:000018	GO:000551	GO:0005737	cytoplasm	3		
H20000312	H200003121	ENSG0000	XM_011522	26231	LRRC29	leucine rich	-	GO:000551	-	36	34	0.96	-0.06
H20000814	H200008144	ENSG0000	NM_012181	23770	FKBP8	FK506 bind	GO:000041	GO:000375	GO:000578	89	98	1.09	0.13
H20001585	H200015858	ENSG0000	XR_931950	9488	PIGB	phosphatid	GO:000650	GO:000003	GO:000578	159	109	0.69	-0.54
H20000534	H200005347	ENSG0000	NM_001193	9214	FCMR	Fc fragmen	GO:000237	-	GO:000557	14	17	1.23	0.30
H30002053	H300020537	ENSG0000	XR_942480	5238	PGM3	phosphoglu	GO:000604	GO:000028	GO:000557	697	694	1.00	-0.01
H20001094	H200010946	ENSG0000	XM_011520	4908	NTF3	neurotroph	GO:000018	GO:000510	GO:000557	9	11	1.22	0.29
H20000414	H200004143	ENSG0000	XM_011525	64132	XYLT2	xylosyltran	GO:000602	GO:000837	GO:000013	25	34	1.38	0.47
H20001695	H200016953	ENSG0000	XM_011515	54905	CYP2W1	cytochrom	GO:000680	GO:000550	GO:000578	48	38	0.80	-0.33
H30002135	H300021350	ENSG0000	NM_152732	221421	RSPH9	radial spoke	GO:000334	GO:000551	GO:0005856	cytoskeleton,GO:0005930	axonem		
H30000292	H300002924	ENSG0000	NM_001005	390201	OR10V1	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:000588	100	87	0.87	-0.20
H30002122	H300021223	ENSG0000	XR_930844	120526	DNAJC24	DnaJ heat	GO:001718	GO:000167	GO:000573	145	180	1.24	0.31
H30000403	H300004038	ENSG0000	NM_001004	144125	OR2AG1	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:000588	5	8	1.68	0.75
H30000466	H300004664	ENSG0000	NM_001017	345651	ACTBL2	actin, beta	GO:000815	GO:000367	GO:0005615	extracellu	5		
H30000121	H300001218	ENSG0000	-	-	RP11-179H	-	-	-	-	13861	12697	0.92	-0.13
H30000714	H300007148	ENSG0000	-	-	RP11-93B	-	-	-	-	-	5		
H30000693	H300006935	ENSG0000	NM_001004	219983	OR4D6	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:000588	71	63	0.89	-0.16
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_017550	54531	MIER2	MIER family	GO:000635	GO:000367	GO:000563	193	170	0.88	-0.18
H30000896	H300008963	ENSG0000	NM_001267	729440	CCDC61	coiled-coil	-	-	GO:000581	49	55	1.14	0.19
H30000382	H300003828	ENSG0000	NM_001166	164668	APOBEC3H	apolipoprot	GO:000997	GO:000412	GO:0000932	cytoplasmic mRNA processing bc			
H30001539	H300015391	ENSG0000	NM_033517	85358	SHANK3	SH3 and m	GO:000016	GO:000377	GO:0005737	cytoplasm	3		
H30001071	H300010710	ENSG0000	XM_005266	26034	IPCEF1	interaction	GO:000697	GO:000460	GO:0005829	cytosol,GO:0005886	plasma mem		
H30000369	H300003695	ENSG0000	XM_011523	23277	CLUH	clustered n	GO:000700	GO:000372	GO:000573	52	30	0.57	-0.81
H30000767	H300007676	ENSG0000	NR_002798	256236	NAPSB	napsin B as	-	-	-	-	7		
H30000653	H300006535	ENSG0000	NM_001080	645832	SEBOX	SEBOX hor	GO:000635	GO:000367	GO:0005575	cellular_co	6		
H30000141	H300001410	ENSG0000	NM_001283	7692	ZNF133	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	18	22	1.21	0.28
H30000422	H300004228	ENSG0000	NR_045181	100507135	SPG20-AS	SPG20 ant	-	-	-	-	11		
H30000925	H300009250	ENSG0000	-	-	AC009413	-	-	-	-	18048	14595	0.81	-0.31
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_003966	9037	SEMA5A	semaphorin	GO:000156	GO:000804	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016020	m		
H30000232	H300002326	ENSG0000	NM_002118	3109	HLA-DMB	major histo	GO:000239	GO:002302	GO:000576	9	12	1.31	0.38
H20000162	H200001621	ENSG0000	XM_011518	55342	STRBP	spermatid g	GO:000727	GO:000367	GO:000563	343	330	0.96	-0.05
H20001562	H200015623	ENSG0000	NM_001136	83590	TMUB1	transmemb	GO:003043	-	GO:000565	224	159	0.71	-0.49
H20001084	H200010844	ENSG0000	NM_001288	126820	WDR63	WD repeat	-	-	-	34	31	0.94	-0.10
H20001421	H200014218	ENSG0000	XM_006710	79699	ZYG11B	zyg-11 fam	GO:001656	GO:000484	GO:003146	650	598	0.92	-0.12
H20001122	H200011229	ENSG0000	XM_011537	91748	ELMSAN1	ELM2 and	GO:000635	GO:000367	GO:000565	60	41	0.68	-0.56
H30000172	H300001727	ENSG0000	-	-	RP11-229M	-	-	-	-	4613	4426	0.96	-0.06
H30001284	H300012844	ENSG0000	NM_145691	91647	ATPAF2	ATP synth	GO:004346	GO:000551	GO:000573	91	79	0.87	-0.20
H30000124	H300001249	ENSG0000	NM_198449	133418	EMB	embigin	GO:003587	-	GO:0005887	integral component of plasma me			
H30000880	H300008807	ENSG0000	NM_148897	121214	SDR9C7	short chain	GO:005511	GO:000474	GO:000573	33	29	0.86	-0.22
H30000243	H300002433	ENSG0000	NM_080603	90204	ZSWIM1	zinc finger	-	GO:000827	GO:000563	123	155	1.26	0.34
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_001320	57456	KIAA1143	-	-	GO:000551	-	454	528	1.16	0.22
H30000152	H300001525	ENSG0000	NM_181654	339302	CPLX4	complexin 4	GO:000683	GO:001990	GO:0005623	cell,GO:00	11		
H30000326	H300003267	ENSG0000	NM_080676	140733	MACROD2	MACRO do	GO:000697	GO:001679	GO:0005634	nucleus	4		
H30000081	H300000816	ENSG0000	NM_001301	203069	R3HCC1	R3H domai	-	GO:000016	GO:003514	178	141	0.79	-0.34
H30001346	H300013468	ENSG0000	XR_243085	23312	DMXL2	Dmx like 2	-	GO:001713	GO:000561	13	20	1.52	0.61
opHsV0400	opHsV0400009	ENSG0000	XM_011539	10613	ERLIN1	ER lipid raf	GO:000820	GO:000551	GO:000578	228	271	1.19	0.25
H30000316	H300003160	ENSG0000	XR_950857	83719	YPEL3	yippee like	GO:200077	-	GO:000573	78	78	1.00	0.00
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XR_243305	79091	METTL22	methyltran	GO:003225	GO:000816	GO:000563	36	43	1.21	0.27
H30000869	H300008690	ENSG0000	NM_020710	57470	LRRC47	leucine rich	GO:000643	GO:000482	GO:000932	1624	1161	0.71	-0.48
H30001318	H300013187	ENSG0000	XM_011520	65975	STK33	serine/thre	GO:004677	GO:000467	GO:0048471	perinuclea	5		
H30000304	H300003041	ENSG0000	NR_135202	93463	LOC93463	uncharacte	-	-	-	43	40	0.93	-0.10
H30001970	H300019705	ENSG0000	NR_033714	6845	VAMP7	vesicle ass	GO:000688	GO:000014	GO:000573	375	585	1.56	0.64
H30001261	H300012619	ENSG0000	XM_011518	2733	GLE1	GLE1, RNA	GO:000640	GO:000551	GO:000561	126	163	1.30	0.38
H30001896	H300018962	ENSG0000	XM_005248	27145	FILIP1	filamin A in	-	-	GO:0005737	cytoplasm	4		
H30001582	H300015825	ENSG0000	NM_005768	10162	LPCAT3	lysophosph	GO:000664	GO:004718	GO:000578	96	76	0.78	-0.35
H30000536	H300005369	ENSG0000	XR_945448	105370028	LOC105370	uncharacte	-	-	-	142	251	1.77	0.83
H30001960	H300019601	ENSG0000	XM_011538	23316	CUX2	cut-like ho	GO:000012	GO:000097	GO:000563	50	43	0.85	-0.23
H20000314	H200003144	ENSG0000	NM_003619	8492	PRSS12	protease, s	GO:000688	GO:000425	GO:0005886	plasma m	8		
H20001727	H200017272	ENSG0000	XM_011538	25946	ZNF385A	zinc finger	GO:000635	GO:000203	GO:000079	43	41	0.97	-0.05
H20001997	H200019971	ENSG0000	NM_144613	125965	COX6B2	cytochrom	GO:190260	GO:000412	GO:000575	60	58	0.97	-0.05
H20001265	H200012656	ENSG0000	NM_152548	153643	FAM81B	family with	-	GO:000551	GO:0005634	nucleus			
H30002125	H300021256	ENSG0000	NM_152643	85442	KNDC1	kinase non	GO:000193	GO:000367	GO:0005575	cellular_component,GO:0030425			
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NR_027270	391267	ANKRD20A	ankyrin rep	-	-	-	9	10	1.16	0.21
H30001472	H300014726	ENSG0000	XM_011516	8427	ZNF282	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	28	38	1.34	0.42
H30000416	H300004162	ENSG0000	XM_011509	163590	TOR1AIP2	torsin 1A ir	GO:000702	GO:000167	GO:000578	37	41	1.12	0.16
H30000026	H300000263	ENSG0000	NM_001292	125488	TTC39C	tetratricop	-	-	-	-	-		
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NR_027254	388387	LINC00671	long interge	-	-	-	25	28	1.11	0.15
H30000531	H300005314	ENSG0000	NM_001291	219938	SPATA19	spermatoge	GO:000727	-	GO:000574	4	10	2.58	1.36
H30001625	H300016257	ENSG0000	NM_001184	29763	PACSIN3	protein kin	GO:000689	GO:000551	GO:000565	77	58	0.76	-0.39
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011522	4832	NME3	NME/NM23	GO:000616	GO:000455	GO:000573	216	150	0.70	-0.52
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_004224	9248	GPR50	G protein-c	GO:000716	GO:000493	GO:0005887	integral co	3		
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_011520	5744	PTH1H	parathyroid	GO:000150	GO:000517	GO:0005576	extracellu	5		
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001856	1307	COL16A1	collagen ty	GO:000715	GO:000517	GO:0005576	extracellular region,GO:0005578			
H30000132	H300001329	ENSG0000	NM_017867	54969	C4orf27	chromosom	-	-	GO:000563	1070	1194	1.12	0.16
H30001923	H300019239	ENSG0000	NM_014521	23677	SH3BP4	SH3-doma	GO:000689	GO:000509	GO:0005634	nucleus,G	7		
H30001034	H300010346	ENSG0000	NR_104040	26297	SERGEF	secretion r	GO:000716	GO:000508	GO:000563	122	104	0.85	-0.23
H30000634	H300006345												

H30001972	H300019720	ENSG0000	NM_005567	3959	LGALS3BF	lectin, galactose	GO:000689	GO:000504	GO:000557	28	27	0.97	-0.04	
H20001293	H200012936	ENSG0000	NM_032266	84226	C2orf16	chromosome	-	-	GO:0005634	nucleus,GO:0070062	extracellular			
H20000907	H200009073	ENSG0000	NR_003063	80086	TUBA4B	tubulin alpha	GO:000645	GO:000367	GO:000557	74	53	0.72	-0.47	
H20001551	H200015519	ENSG0000	NM_014357	26239	LCE2B	late cornified	GO:000854	GO:000367	GO:0001533	cornified	8			
H20000517	H200005175	ENSG0000	NM_017823	54935	DUSP23	dual specific	GO:003533	GO:000472	GO:000563	288	268	0.93	-0.11	
H20001964	H200019644	ENSG0000	XM_011542	112936	VPS26B	VPS26 retr	GO:001503	GO:000856	GO:000576	153	129	0.84	-0.25	
H30000946	H300009460	ENSG0000	NM_001004	392390	OR1L6	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:0005886	plasma m	10			
H30001007	H300010074	ENSG0000	NM_017504	26245	OR2M4	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma m	9			
H30000360	H300003604	ENSG0000	-	-	AC006483.	-	-	-	-	111	138	1.24	0.31	
H30000432	H300004321	ENSG0000	XM_011534	114787	GPRIN1	G protein r	GO:003117	GO:005121	GO:0005886	plasma m	7			
H30000313	H300003136	ENSG0000	NM_001127	199713	NLRP7	NLR family	-	GO:000552	-					
H30000951	H300009514	ENSG0000	NM_001004	390061	OR51Q1	olfactory re	GO:000716	GO:000493	GO:000588	54	49	0.90	-0.16	
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001316	11092	C9orf9	chromosome	-	GO:000551	GO:000166	5	11	2.28	1.19	
H30001808	H300018085	ENSG0000	XM_011544	220042	DDIAS	DNA damag	GO:000691	-	GO:000563	153	132	0.86	-0.22	
H30000842	H300008426	ENSG0000	NM_176812	128866	CHMP4B	charged mu	GO:000092	GO:000551	GO:000081	520	553	1.06	0.09	
H30000830	H300008309	ENSG0000	XM_011536	51550	CINP	cyclin-dep	GO:000626	GO:000551	GO:000563	334	180	0.54	-0.89	
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001308	4208	MEF2C	myocyte e	GO:000012	GO:000097	GO:000563	185	162	0.88	-0.18	
H30001980	H300019805	ENSG0000	XM_005273	143684	FAM76B	family with	GO:001692	GO:000417	GO:000563	114	123	1.08	0.11	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001162	56918	C2orf83	chromosome	GO:007193	GO:001540	GO:000588	102	92	0.90	-0.15	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011516	25913	POT1	protection	GO:000072	GO:000551	GO:000078	369	376	1.02	0.03	
H30000502	H300005023	ENSG0000	NM_001005	390892	OR7A10	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:000588	36	32	0.89	-0.17	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_005251	55234	SMU1	smu-1 sup	-	GO:000551	GO:000563	199	141	0.71	-0.50	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011534	219402	MTIF3	mitochondr	GO:000699	GO:000374	GO:000573	253	287	1.13	0.18	
H30001102	H300011029	ENSG0000	NM_017573	54760	PCSK4	proprotein	GO:000733	GO:000425	GO:000208	10	14	1.42	0.51	
H30000926	H300009263	ENSG0000	NM_002887	5917	RARS	arginyl-tRN	GO:000188	GO:000004	GO:000565	3250	2466	0.76	-0.40	
opHsV0400	opHsV0400008	ENSG0000	NM_001080	9827	RGP1	RGP1 hom	GO:004214	GO:000551	GO:000582	25	31	1.28	0.35	
H30000020	H300000201	ENSG0000	-	402562	HNRNPA1F	heterogene	-	-	-	12945	9909	0.77	-0.39	
H20001967	H200019677	ENSG0000	NM_139076	84142	FAM175A	family with	GO:000072	GO:000551	GO:000563	478	741	1.55	0.63	
H20001301	H200013014	ENSG0000	NM_152527	151473	SLC16A14	solute carr	GO:001571	GO:000802	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in			
H20001349	H200013492	ENSG0000	NM_001077	91544	UBXN11	UBX domai	GO:004316	GO:000551	GO:000573	11	19	1.67	0.74	
H20000141	H200001412	ENSG0000	NM_015303	23355	VPS8	VPS8, COF	GO:001503	GO:000551	GO:000576	255	243	0.95	-0.07	
H20001076	H200010765	ENSG0000	NM_080659	91894	C11orf52	chromosome	-	-	GO:007006	12	12	1.00	0.00	
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_001849	1292	COL6A2	collagen ty	GO:000715	GO:000551	GO:0005576	extracellular region,GO:0005578				
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NR_045628	6332	SCN7A	sodium volt	GO:000681	GO:000524	GO:0001518	voltage-g	7			
H30002193	H300021931	ENSG0000	XM_011535	54806	AHI1	Abelson he	GO:000173	GO:000551	GO:000175	421	555	1.32	0.40	
H30002004	H300020049	ENSG0000	XM_005250	4289	MKLN1	muskelin 1	GO:000716	-	GO:000172	242	279	1.15	0.20	
H30002215	H300022156	ENSG0000	NM_001256	54973	CPSF3L	cleavage ar	GO:001618	GO:000551	GO:000573	282	288	1.02	0.03	
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001145	342979	PALM3	paralemmin	GO:000196	GO:000551	GO:000573	54	45	0.84	-0.25	
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001300	391723	HELT	helt bHLH	GO:000012	GO:000097	GO:0005634	nucleus,GO:0005667	transcriptio			
H30000369	H300003692	ENSG0000	NM_001114	339967	TMPRSS11	transmemb	GO:000650	GO:000425	GO:000557	4	6	1.44	0.53	
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001101	440585	FAM183A	family with	-	-	-	4	6	1.64	0.71	
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	414767	LINC00596	long interge	GO:004874	-	GO:0016021	integral c	4			
H30001519	H300015196	ENSG0000	-	644517	FAM86MP	family with	-	-	-	143	100	0.70	-0.52	
H30000915	H300009150	ENSG0000	-	-	RP11-587L	-	-	-	-	13667	16164	1.18	0.24	
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_182623	348487	FAM131C	family with	-	GO:000551	-	397	414	1.04	0.06	
H30002162	H300021625	ENSG0000	XR_950869	90835	CCDC189	coiled-coil	-	-	-	18	20	1.12	0.16	
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	-	-	RP1-47A1	-	-	-	-	42	42	0.99	-0.01	
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_005252	642938	FAM196A	family with	-	-	-					
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	-	646592	ZNF652P1	zinc finger	-	-	-					
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_005255	388228	SBK1	SH3 domai	GO:000646	GO:000467	GO:0005737	cytoplasm	6			
H30000151	H300001519	ENSG0000	NM_198540	374907	B3GNT8	UDP-GlcN	GO:000649	GO:000837	GO:000013	20	21	1.02	0.03	
H30000798	H300007981	ENSG0000	NM_001002	150368	FAM109B	family with	GO:000188	GO:000551	GO:000576	7	11	1.57	0.65	
H30000716	H300007164	ENSG0000	NM_153244	221060	C10orf111	chromosome	-	-	GO:0016021	integral c	3			
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_004052	664	BNIP3	BCL2/ader	GO:000042	GO:000551	GO:000563	478	566	1.18	0.24	
H30001509	H300015091	ENSG0000	NM_001130	152078	PQLC2L	PQ loop re	-	-	-					
H30000295	H300002955	ENSG0000	-	401911	RPL29P33	ribosomal p	-	-	-	3588	2855	0.80	-0.33	
H30002144	H300021445	ENSG0000	XM_011538	51134	CEP83	centrosome	GO:000699	GO:000367	GO:000579	46	56	1.22	0.28	
H30000781	H300007814	ENSG0000	NM_176813	155465	AGR3	anterior gra	GO:000815	GO:000216	GO:0005575	cellular_component,GO:0005783				
H30002012	H300020121	ENSG0000	XM_011536	123041	SLC24A4	solute carr	GO:000681	GO:000526	GO:0005737	cytoplasm	3			
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_024423	1825	DSC3	desmocollin	GO:000170	GO:000550	GO:0005576	extracellu	9			
H30001112	H300011126	ENSG0000	NM_024524	79572	ATP13A3	ATPase 13	GO:000687	GO:000552	GO:000588	78	90	1.16	0.21	
H30001980	H300019802	ENSG0000	NM_019014	84172	POLR1B	polymerase	GO:000636	GO:000105	GO:000565	413	288	0.70	-0.52	
H30001907	H300019075	-	NM_006120	3108	HLA-DMA	major histo	GO:000250	GO:002302	GO:0005765	lysosomal membrane,GO:0005777				
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_207339	203569	PAGE2	PAGE fami	-	GO:000551	-	457	418	0.92	-0.13	
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_212557	401138	AMTN	amelotin	GO:000715	GO:000367	GO:000557	19	23	1.23	0.30	
H30001870	H300018703	ENSG0000	NM_014940	22879	MON1B	MON1 hom	GO:001619	GO:000551	-	168	137	0.82	-0.29	
H30001410	H300014109	ENSG0000	NM_001142	245711	SPDYA	speedy/RIN	GO:000008	GO:001990	GO:000563	30	28	0.94	-0.09	
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001040	644414	DEFB131	defensin be	GO:004274	-	GO:0005576	extracellular region,GO:0009986				
H30000102	H300001026	ENSG0000	NR_034182	100129196	MATN1-AS	MATN1 ant	-	-	-		5			
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001301	403312	LOC403312	putative un	-	-	-	5	12	2.23	1.16	
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XR_944486	115749	C12orf56	chromosome	-	-	-		10			
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	-	-	RP11-143H	-	-	-	-	21	22	1.05	0.07	
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_005269	3167	HMX2	H6 family h	GO:000635	GO:004356	GO:0005634	nucleus	6			
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_011518	10811	NOXA1	NADPH ox	GO:000680	GO:000551	GO:000582	46	45	0.96	-0.06	
H30000994	H300009940	ENSG0000	XM_011534	170622	COMM6	COMM dom	GO:000635	GO:000551	GO:000563	875	970	1.11	0.15	
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_033380	1287	COL4A5	collagen ty	GO:000741	GO:000520	GO:000557	19	30	1.57	0.65	
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_016591	51301	GCNT4	glucosamin	GO:000212	GO:000382	GO:0000139	Golgi membrane,GO:0016021	inte			
H30001006	H300010060	ENSG0000	NM_001004	119682	OR51L1	olfactory re	GO:000716	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in			
H30000671	H300006717	ENSG0000	XM_011536	400224	PLEKHD1	pleckstrin	-	-	-	12	18	1.51	0.60	
H30000931	H300009314	ENSG0000	NM_001304	202309	GAPT	GRB2-bind	GO:000178	-	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in			
H30000882	H300008828	ENSG0000	NM_152402	133022	TRAM1L1	translocati	GO:001503	-	GO:000578	12	13	1.09	0.12	
H30000519	H300005191	ENSG0000	NM_212550	388552	BLOC1S3	biogenesis	GO:000165	GO:000367	GO:000582	70	61	0.88	-0.19	
opHsV0400	opHsV0400008	ENSG0000	NM_001010	6194	RPS6	ribosomal p	GO:000018	GO:000373	GO:000563	14083	14296	1.02	0.02	
H30000832	H300008325	ENSG0000	-	-	RP1-249H	-	-	-	-	991	1066	1.08	0.11	
H30001952	H300019529	ENSG00												

H30000320	H300003204	ENSG0000	NM_001001	390148	OR5W2	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886 plasma m	7			
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001101	646643	SBK2	SH3 domain	GO:000734	GO:000467	GO:000573	13	14	1.08	0.11
opHsV0400	opHsV0400002	-	-	-	-	-	-	-	-	4			
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_181708	144233	BCDIN3D	BCDIN3 do	GO:000151	GO:000551	GO:000563	258	233	0.90	-0.15
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_011517	286183	NKAIN3	Na+/K+ tra	GO:000202	-	GO:0005886 plasma m	3			
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_006711	339512	CCDC190	coiled-coil	-	-	-	3			
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_182565	283991	UBALD2	UBA like do	-	-	-	1498	1692	1.13	0.18
H30001846	H300018467	ENSG0000	XM_011521	83714	NRIP2	nuclear rec	GO:000635	GO:000419	GO:000563	132	110	0.83	-0.27
H30000902	H300009024	ENSG0000	NM_001005	442361	OR2A2	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886 plasma m	5			
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001099	389073	C2orf80	chromosom	-	-	-	5			
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_001105	340784	HMX3	H6 family h	GO:000635	GO:000097	GO:000563	21	33	1.58	0.66
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_011521	123745	PLA2G4E	phospholipa	GO:000664	GO:000462	GO:0005765 lysosomal	11			
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_198443	123904	NRN1L	neuritin 1 l	GO:000739	-	GO:000588	16	20	1.24	0.31
H30000122	H300001222	ENSG0000	NM_024584	79635	CCDC121	coiled-coil	-	GO:000551	-	35	44	1.26	0.33
H30000302	H300003023	ENSG0000	XM_006721	124817	CNTD1	cyclin N-te	GO:000713	-	-				
H30000068	H300000688	ENSG0000	NM_001145	139804	RBMXL3	RNA bindin	-	GO:000016	-	6			
H30000108	H300001083	ENSG0000	NM_173084	286827	TRIM59	tripartite m	GO:001656	GO:000551	GO:000578	80	78	0.98	-0.04
H30000238	H300002388	ENSG0000	-	100131130	HNRNPA1F	heterogene	-	-	-	2171	1952	0.90	-0.15
H30000894	H300008940	-	XM_006722	101929950	LOC101929	puromycin	-	-	-	88	99	1.12	0.17
H30000325	H300003251	ENSG0000	NM_001124	100288801	FRG2C	FRSHD regic	-	-	GO:0005634 nucleus	4			
H30000491	H300004914	ENSG0000	-	613204	IFITM8P	interferon i	-	-	-	74	71	0.97	-0.05
H30001947	H300019479	ENSG0000	NM_018426	55362	TMEM63B	transmemb	GO:000681	GO:000016	GO:000588	38	44	1.15	0.21
H30001925	H300019251	ENSG0000	NM_001007	56995	TULP4	tubby like p	GO:000635	GO:000370	GO:000573	5	8	1.77	0.82
H30002078	H300020781	ENSG0000	NM_001454	2302	FOXJ1	forkhead b	GO:000012	GO:000097	GO:000563	16	17	1.07	0.10
H30001602	H300016023	ENSG0000	NM_175629	1788	DNMT3A	DNA (cytos	GO:000012	GO:000367	GO:000077	87	68	0.78	-0.35
H30002152	H300021523	ENSG0000	NR_024566	10778	ZNF271P	zinc finger	-	-	-	413	506	1.23	0.29
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NR_015340	388007	SERPINA1	serpin pept	-	-	-				
H30000846	H300008469	ENSG0000	-	646270	ELL2P1	elongation	-	-	-	8			
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NR_122125	153571	C5orf38	chromosom	-	-	GO:000557	79	72	0.92	-0.12
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_181449	342510	CD300E	CD300e md	GO:004508	-	GO:0005886 plasma membrane,GO:0016021 in				
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NR_028067	390539	OR4N3P	olfactory re	-	-	-	10	13	1.29	0.37
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	143341	EIF3LP2	eukaryotic	-	-	-	1134	1072	0.95	-0.08
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XM_006718	960	CD44	CD44 mole	GO:000165	GO:000441	GO:000573	35	31	0.89	-0.17
H30000927	H300009272	ENSG0000	NM_003696	8590	OR6A2	olfactory re	GO:000716	GO:000493	GO:0005886 plasma membrane,GO:0016021 in				
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_015312	84162	KIAA1109	KIAA1109	GO:000155	GO:000551	GO:0005634 nucleus,G	16			
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	NM_001033	285193	DUSP28	dual specif	GO:003533	GO:000472	-	41	43	1.04	0.06
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_002105	3014	H2AFX	H2A histon	GO:000007	GO:000367	GO:000078	1717	937	0.55	-0.87
H30001899	H300018995	ENSG0000	NM_001206	9540	TP53I3	tumor prot	GO:000673	GO:000396	GO:007006	24	28	1.18	0.24
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_213608	401027	C2orf66	chromosom	-	-	GO:0005576 extracellu	4			
H30000097	H300000979	ENSG0000	NR_027284	441177	LINC00602	long interge	-	-	-	6			
H30000390	H300003909	-	XM_011542	283150	FOXR1	forkhead b	GO:000635	GO:000098	GO:0005634 nucleus				
H30000003	H300000035	ENSG0000	NR_002780	123346	HIGD2B	HIG1 hypox	-	-	GO:001602	772	690	0.89	-0.16
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	XM_005269	387718	TEX36	testis expr	-	-	-				
H30000013	H300000138	ENSG0000	-	-	CTD-2651	-	-	-	-	9			
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NR_028287	23766	GABARAP	GABA(A) r	GO:000004	-	GO:000042	53	56	1.06	0.08
H30000257	H300002577	ENSG0000	-	646875	RPL12P2	ribosomal p	-	-	-	10229	10510	1.03	0.04
H30000831	H300008317	ENSG0000	NM_001286	10924	SMPDL3A	sphingomye	GO:000668	GO:000476	GO:000561	5	14	3.00	1.59
H20001020	H200010209	ENSG0000	XM_011522	10725	NFAT5	nuclear fac	GO:000181	GO:000097	GO:000563	146	222	1.52	0.60
H30000661	H300006613	ENSG0000	NM_001002	338675	OR5AP2	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:000588	45	50	1.11	0.15
H30000547	H300005475	ENSG0000	XM_005250	221908	PPP1R35	protein pho	GO:001092	GO:000486	-	1149	821	0.71	-0.48
opHsV0400	opHsV0400011	ENSG0000	NM_181356	8464	SUPT3H	SPT3 hom	GO:000223	GO:000367	GO:000012	37	37	0.98	-0.02
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_005248	135398	C6orf141	chromosom	-	-	-				
H30002053	H300020532	ENSG0000	XR_429724	55625	ZDHHC7	zinc finger	GO:001823	GO:000827	GO:000013	115	116	1.01	0.02
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001318	7518	XRCC4	X-ray repa	GO:000628	GO:000367	GO:000079	379	424	1.12	0.16
H30002024	H300020241	ENSG0000	NR_024080	52	ACP1	acid phosp	GO:003533	GO:000399	GO:000573	1755	1733	0.99	-0.02
H30002291	H300022911	ENSG0000	NR_024460	285331	CCDC66	coiled-coil	GO:004654	-	-	63	102	1.63	0.70
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XM_006720	54813	KLHL28	kelch like f	GO:004278	GO:000484	GO:003146	56	55	0.98	-0.03
H30002123	H300021233	ENSG0000	NM_001143	93426	SYCE1	synaptoner	GO:000713	GO:000551	GO:000080	37	37	0.99	-0.02
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_005257	2548	GAA	glucosidase	GO:000002	GO:000455	GO:000576	137	108	0.79	-0.34
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_011522	146167	SLC38A8	solute carr	GO:000333	GO:001517	GO:0016021 integral component of membrane				
H30002103	H300021035	ENSG0000	XM_006719	3747	KCNC2	potassium	GO:000150	GO:000524	GO:000562	48	44	0.92	-0.13
H30002078	H300020788	ENSG0000	XR_243638	146894	CD300LG	CD300 mol	GO:000237	GO:000179	GO:000588	12	14	1.14	0.19
H30002076	H300020763	ENSG0000	XM_011509	149499	LRRC71	leucine ric	-	-	-	12	14	1.18	0.24
H30000845	H300008450	ENSG0000	-	81155	OR9I3P	olfactory re	-	-	-	6			
H30000852	H300008526	ENSG0000	-	-	RP11-296A	-	-	-	-	31658	19001	0.60	-0.74
H30000796	H300007962	ENSG0000	-	92427	RPS2P4	ribosomal p	-	-	-	27918	19296	0.69	-0.53
H30000625	H300006254	ENSG0000	NM_012454	26230	TIAM2	T-cell lym	GO:000726	GO:000505	GO:0005829 cytosol,GO:0016020 membrane,G				
H30002111	H300021114	ENSG0000	NM_015919	7769	ZNF226	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	42	86	2.05	1.03
H30000429	H300004294	ENSG0000	NM_021570	56033	BARX1	BARX hom	GO:000635	GO:000097	GO:000563	12	16	1.29	0.36
H20000231	H200002318	ENSG0000	NM_001136	126917	IFFO2	intermediat	-	GO:000519	GO:000588	82	77	0.94	-0.09
opHsV0400	opHsV0400012	ENSG0000	XM_006715	10049	DNAJB6	DnaJ heat	GO:000645	GO:000167	GO:000563	779	788	1.01	0.02
opHsV0400	opHsV0400010	ENSG0000	NM_001136	81611	ANP32E	acidic nucl	GO:004308	GO:001921	GO:000081	508	449	0.88	-0.18
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XR_429119	89910	UBE3B	ubiquitin pr	GO:004278	GO:000484	-	54	60	1.10	0.14
H30002042	H300020428	ENSG0000	XM_006718	472	ATM	ATM serine	GO:000072	GO:000367	GO:000078	16	25	1.53	0.61
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_002952	6187	RPS2	ribosomal p	GO:000018	GO:000372	GO:000563	54572	26354	0.48	-1.05
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001193	285498	RNF212	ring finger	GO:000631	GO:000827	GO:000079	62	68	1.11	0.14
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_011517	157807	CLVS1	clavesin 1	GO:000689	GO:000521	GO:0005768 endosome,GO:0005802 trans-Golgi				
H30002193	H300021939	ENSG0000	NM_007200	11214	AKAP13	A-kinase a	GO:000646	GO:000469	GO:0005634 nucleus,G	11			
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_011519	143662	MUC15	mucin 15, c	GO:000649	-	GO:0005576 extracellu	3			
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	646218	PRDX2P2	peroxiredox	-	-	-	542	366	0.67	-0.57
opHsV0400	opHsV0400003	-	NR_024362	286042	FAM86B3P	family with	-	-	-	64	53	0.82	-0.28
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001172	57732	ZFYVE28	zinc finger	GO:000717	GO:000551	GO:000582	87	76	0.87	-0.21
H30002068	H300020683	ENSG0000	XM_011516	55607	PPP1R9A	protein pho	GO:000701	GO:000551	GO:000573	6	10	1.60	0.68
opHsV0400	opHsV0400005	-	NG_016713	55658	RNF126	ring finger	GO:000020	GO:000515	GO:000563	4	13	3.11	1.64
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_017622	54785	BORCS6	BLOC-1 re	-	GO:000551	-	23	32	1.38	0.47
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	NM_001136	139735	ZFP92	ZFP92 zinc	GO:000635	GO:000367	GO:000563	47	46	0.98	-0.03
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_181762	7319	UBE2A	ubiquitin cc	GO:000020	GO					

AHsV1000	AHsV10001032	ENSG0000	XM_006716	5991	RFX3	regulatory f	GO:000635	GO:000097	GO:000079	7	22	2.92	1.55
AHsV1000	AHsV10003059	ENSG0000	NM_130855	5802	PTPRS	protein tyr	GO:000715	GO:000500	GO:000588	integral c	13		
AHsV1000	AHsV10001643	ENSG0000	NM_001109	5787	PTPRB	protein tyr	GO:000152	GO:000500	GO:000588	integral component of plasma me			
AHsV1000	AHsV10000981	ENSG0000	NR_072996	5603	MAPK13	mitogen-ac	GO:000016	GO:000467	GO:000582	cytosol	4		
AHsV1000	AHsV10000770	ENSG0000	XM_011541	5586	PKN2	protein kin	GO:000635	GO:000467	GO:000563	43	58	1.34	0.43
H20000624	H200006246	ENSG0000	NM_001008	2582	GALE	UDP-galac	GO:000597	GO:000397	GO:000582	391	283	0.72	-0.47
CHsGV100	CHsGV100037	ENSG0000	NR_102272	2543	GAGE1	G antigen	GO:000696	GO:000551	-	257	178	0.69	-0.53
H20000825	H200008250	ENSG0000	XM_011509	2214	FCGR3A	Fc fragmen	GO:000695	GO:001986	GO:000588	plasma m	7		
H30001734	H300017343	ENSG0000	XM_011523	2194	FASN	fatty acid s	GO:000164	GO:000431	GO:000573	4079	2540	0.62	-0.68
H20001635	H200016354	ENSG0000	NM_001428	2023	ENO1	enolase 1,	GO:000012	GO:000028	GO:000001	29209	23457	0.80	-0.32
H20000779	H200007798	ENSG0000	XR_921753	2005	ELK4	ELK4, ETS	GO:000012	GO:000098	GO:000565	29	29	1.00	0.00
AHsV1000	AHsV10002985	-	XM_011515	1804	DPP6	dipeptidyl p	GO:000650	GO:000823	GO:000588	plasma membrane,GO:0008076 v			
AHsV1000	AHsV10001250	ENSG0000	NM_001271	1781	DYNC1I2	dynein cyto	GO:000008	GO:000377	GO:000573	588	783	1.33	0.41
H20001058	H200010585	ENSG0000	NM_001135	5179	PENK	proenkepha	GO:000164	GO:000151	GO:000557	4	8	1.83	0.87
AHsV1000	AHsV10002185	ENSG0000	NM_001302	5003	SLC22A18	solute carr	GO:000815	GO:000367	GO:000557	cellular co	4		
CHsGV100	CHsGV100011	ENSG0000	XM_011520	4973	OLR1	oxidized lo	GO:000650	GO:000504	GO:000565	6	13	2.18	1.12
AHsV1000	AHsV10001165	-	NR_040515	4793	NFKBIB	NFKB inhib	GO:000222	GO:000371	GO:000563	138	118	0.86	-0.22
H30002175	H300021759	-	NM_000434	4758	NEU1	neuramidid	GO:000648	GO:000430	GO:000576	933	802	0.86	-0.22
H20000035	H200000355	ENSG0000	NM_000767	1555	CYP2B6	cytochrom	GO:000680	GO:000449	GO:000578	291	220	0.75	-0.41
H30000336	H300003362	ENSG0000	XM_011518	1514	CTSL	cathepsin I	GO:000222	GO:000196	GO:000557	880	640	0.73	-0.46
H30001968	H300019682	ENSG0000	XM_011518	1306	COL15A1	collagen ty	GO:000152	GO:000520	GO:000557	53	51	0.96	-0.05
H20001356	H200013568	ENSG0000	NM_001278	1289	COL5A1	collagen ty	GO:000156	GO:000517	GO:000557	6	3		
H20000392	H200003926	ENSG0000	NM_004365	1070	CETN3	centrin 3	GO:000706	GO:000550	GO:000573	1352	1481	1.10	0.13
H20001721	H200017212	ENSG0000	NM_001803	1043	CD52	CD52 mole	GO:000720	-	GO:000582	969	1006	1.04	0.05
H20000614	H200006140	ENSG0000	NM_001759	894	CCND2	cyclin D2	GO:000193	GO:000551	GO:000030	132	116	0.88	-0.18
AHsV1000	AHsV10003379	ENSG0000	NM_170662	868	CBLB	Cbl proto-c	GO:000266	GO:000178	GO:000565	38	56	1.47	0.56
CHsGV100	CHsGV1000084	ENSG0000	NM_183404	5933	RBL1	retinoblast	GO:000012	GO:000551	GO:000565	157	181	1.15	0.20
H20000696	H200006964	ENSG0000	NM_002822	5756	TWF1	twinfilin act	GO:001810	GO:000378	GO:000573	336	336	1.00	0.00
H30001563	H300015639	ENSG0000	NM_000955	5731	PTGER1	prostagland	GO:000718	GO:000495	GO:000588	151	89	0.59	-0.76
AHsV1000	AHsV10001177	ENSG0000	XM_005271	5567	PRKACB	protein kin	GO:000184	GO:000028	GO:000565	9	25	2.86	1.51
DHsGV100	DHsGV1000146	-	XM_011530	348645	C22orf34	chromosom	-	-	-				
AHsV1000	AHsV10002335	ENSG0000	XM_005251	2516	NR5A1	nuclear rec	GO:000155	GO:000097	GO:000563	nucleus,GO:0005654	nucleoplasm		
CHsGV100	CHsGV1000098	ENSG0000	NM_000804	2352	FOLR3	folate rece	GO:001588	GO:000554	GO:000576	extracellu	8		
H20000592	H200005923	ENSG0000	NM_001130	2172	FABP6	fatty acid b	GO:000662	GO:000521	GO:000573	cytoplasm,GO:0005829	cytosol		
CHsGV100	CHsGV100008	ENSG0000	NM_001256	2151	F2RL2	coagulation	GO:000759	GO:000443	GO:000557	11	13	1.20	0.26
H20000575	H200005758	ENSG0000	NM_004095	1978	EIF4EBP1	eukaryotic	GO:000008	GO:000551	GO:000565	759	968	1.28	0.35
AHsV1000	AHsV10001300	ENSG0000	NM_001410	1954	MEGF8	multiple EG	GO:000314	GO:000550	GO:000563	15	29	1.99	0.99
H20001096	H200010960	ENSG0000	XM_011515	1749	DLX5	distal-less	GO:000150	GO:000097	GO:000079	nuclear chromatin,GO:0005737	c		
CHsGV100	CHsGV1000274	ENSG0000	NM_052838	1731	42614	septin 1	GO:000704	GO:000551	GO:000573	12	17	1.35	0.44
H20001397	H200013971	ENSG0000	XM_011545	5138	PDE2A	phosphodie	GO:000012	GO:000411	GO:000563	6	11	1.76	0.82
CHsGV100	CHsGV1000003	ENSG0000	NM_006186	4929	NR4A2	nuclear rec	GO:000012	GO:000097	GO:000563	10	18	1.88	0.91
CHsGV100	CHsGV1000230	ENSG0000	NR_132737	4904	YBX1	Y-box bind	GO:000012	GO:000097	GO:000563	13144	8015	0.61	-0.71
H30001586	H300015868	ENSG0000	NM_007103	4723	NDUFV1	NADH:ubiq	GO:000612	GO:000395	GO:000574	1344	1069	0.80	-0.33
AHsV1000	AHsV10001218	-	NM_004542	4696	NDUFA3	NADH:ubiq	GO:000612	GO:000813	GO:000573	1430	977	0.68	-0.55
H30002087	H300020878	ENSG0000	NM_001037	1493	CTLA4	cytotoxic T	GO:000225	GO:000551	GO:000579	Golgi appa	4		
H20000172	H200001721	ENSG0000	NM_001897	1464	CSPG4	chondroitin	GO:000018	GO:000487	GO:000557	38	36	0.95	-0.07
AHsV1000	AHsV10001864	ENSG0000	XM_011525	7266	DNAJC7	DnaJ heat	GO:000645	GO:000551	GO:000565	680	683	1.00	0.01
AHsV1000	AHsV10002528	ENSG0000	NM_000579	1234	CCR5	chemokine	GO:000016	GO:000161	GO:000573	cytoplasm,GO:0005768	endosom		
CHsGV100	CHsGV100036	ENSG0000	XM_011534	1024	CDK8	cyclin-depe	GO:000635	GO:000467	GO:000563	331	363	1.10	0.13
H20000069	H200000695	ENSG0000	NM_001793	1001	CDH3	cadherin 3	GO:000189	GO:000367	GO:000573	5	9	1.74	0.80
CHsGV100	CHsGV1000173	ENSG0000	NM_001231	844	CASQ1	calsequest	GO:000702	GO:000550	GO:000573	14	17	1.23	0.30
AHsV1000	AHsV10001486	ENSG0000	XM_011542	832	CAPZB	capping act	GO:000090	GO:000377	GO:000582	1120	1738	1.55	0.63
CHsGV100	CHsGV1000409	ENSG0000	XM_005254	27199	OXGR1	oxoglutarat	GO:000718	GO:000493	GO:000588	plasma membrane,GO:0016021	in		
CHsGV100	CHsGV100004	ENSG0000	NM_015692	27151	CPAMD8	C3 and PZ	GO:001095	GO:000486	GO:000561	extracellular space,GO:0005886	p		
H20000839	H200008395	-	NM_001318	10211	FLOT1	flotillin 1	GO:000176	GO:000202	GO:000193	814	888	1.09	0.12
H20001388	H200013885	ENSG0000	NR_024534	10195	ALG3	ALG3, alpha	GO:000648	GO:000003	GO:000578	729	545	0.75	-0.42
CHsGV100	CHsGV1000002	ENSG0000	XM_005251	10020	GNE	glucosamin	GO:000604	GO:000455	GO:000573	14	20	1.40	0.49
H20000774	H200007741	ENSG0000	NM_005466	10001	MED6	mediator c	GO:000635	GO:000112	GO:000563	452	359	0.79	-0.33
CHsGV100	CHsGV100004	ENSG0000	XM_011519	9858	PPP1R26	protein pho	GO:001092	GO:000486	GO:000565	25	32	1.29	0.37
AHsV1000	AHsV10001171	ENSG0000	XR_944847	9840	TESPA1	thymocyte	GO:001038	GO:000510	GO:000573	67	87	1.31	0.39
H20000730	H200007306	ENSG0000	NM_001303	9675	TTI1	TELO2 inte	GO:003200	GO:000551	GO:000573	217	211	0.97	-0.04
CHsGV100	CHsGV1000082	ENSG0000	NM_014639	9652	TTC37	tetratricop	-	GO:000551	GO:000563	227	274	1.21	0.27
CHsGV100	CHsGV1000369	ENSG0000	XM_011517	6386	SDCBP	syndecan b	GO:000209	GO:000194	GO:000561	2139	2249	1.05	0.07
CHsGV100	CHsGV1000220	ENSG0000	NM_001130	6364	CCL20	C-C motif	GO:000254	GO:000551	GO:000576	extracellular region,GO:0005615	v		
CHsTV100	CHsTV1000017	ENSG0000	NM_001035	6171	RPL41	ribosomal p	GO:000018	GO:000372	GO:000582	269	221	0.82	-0.28
H30000066	H300000667	ENSG0000	NR_073518	23478	SEC11A	SEC11 hom	GO:000641	GO:000823	GO:000578	3176	3073	0.97	-0.05
H30002045	H300020458	ENSG0000	XM_011538	23457	ABCB9	ATP bindin	GO:000247	GO:000551	GO:000576	91	72	0.78	-0.35
H20000192	H200001922	ENSG0000	XM_006711	9473	THEMIS2	thymocyte	GO:000695	GO:000551	GO:000563	80	98	1.23	0.30
AHsV1000	AHsV10000195	ENSG0000	NM_004833	9447	AIM2	absent in n	GO:000221	GO:000369	GO:000563	nucleus,G	8		
H20000787	H200007874	ENSG0000	NM_004223	9246	UBI2L6	ubiquitin cc	GO:000628	GO:000484	GO:000565	125	189	1.51	0.60
H20000525	H200005254	ENSG0000	NM_001282	9209	LRRFIP2	leucine rich	GO:000815	GO:000551	GO:000557	320	293	0.92	-0.13
AHsV1000	AHsV10002816	ENSG0000	NM_001034	9045	RPL14	ribosomal p	GO:000018	GO:000372	GO:000573	21650	25544	1.18	0.24
CHsGV100	CHsGV100004	ENSG0000	XM_011538	9026	HIP1R	huntingtin i	GO:000689	GO:000377	GO:000573	24	22	0.93	-0.11
H20000801	H200008014	ENSG0000	NM_003865	8820	HESX1	HESX hom	GO:000635	GO:000367	GO:000563	30	29	0.97	-0.04
H20001616	H200016162	ENSG0000	NM_003844	8797	TNFRSF10	tumor necr	GO:000691	GO:000202	GO:000562	208	162	0.78	-0.36
H30002007	H300020071	ENSG0000	XM_011518	5524	PPP2R4	protein pho	GO:000041	GO:000375	GO:000015	109	80	0.73	-0.44
H20000662	H200006620	ENSG0000	NM_002710	5501	PPP1CC	protein pho	GO:000027	GO:000472	GO:000077	3000	3336	1.11	0.15
AHsV1000	AHsV10000521	ENSG0000	XM_011522	105369154	PKD1P6-N	PKD1P6-N	-	-	-	14	11	0.76	-0.39
AHsV1000	AHsV10001227	ENSG0000	XM_005266	27115	PDE7B	phosphodie	GO:000619	GO:000411	GO:000582	cytosol			
CHsGV100	CHsGV1000003	ENSG0000	NM_014400	27076	LYPD3	LY6/PLAU	GO:000716	GO:004323	GO:000561	12	18	1.45	0.54
CHsGV100	CHsGV1000092	ENSG0000	NM_005769	10164	CHST4	carbohydr	GO:000604	GO:000151	GO:000013	34	32	0.95	-0.07
H30002205	H300022053	ENSG0000	NM_001265	10144	FAM13A	family with	GO:000726	GO:000509	GO:0005				

AHsV1000	AHsV10002094	ENSG0000	NM_001131	6304	SATB1	SATB hom	GO:000012	GO:000097	GO:0005634 nucleus,GO:0005654 nucleoplasm				
AHsV1000	AHsV10000214	ENSG0000	XM_011541	6118	RPA2	replication	GO:000008	GO:000368	GO:000078	2162	2364	1.09	0.13
AHsV1000	AHsV10003174	ENSG0000	XM_011509	23418	CRB1	crumbs 1, c	GO:000700	GO:000550	GO:0005576 extracellular region,GO:0005902				
H30002071	H300020717	ENSG0000	NM_001141	23400	ATP13A2	ATPase 13	GO:000687	GO:000551	GO:000576	71	59	0.83	-0.27
AHsV1000	AHsV10000513	ENSG0000	NM_001281	9415	FADS2	fatty acid d	GO:000663	GO:000476	GO:000578	206	154	0.75	-0.42
AHsV1000	AHsV10000563	ENSG0000	NM_004807	9394	HS6ST1	heparan su	GO:000152	GO:000814	GO:000013	40	41	1.02	0.03
CHsGV100	CHsGV100032	ENSG0000	NM_001242	9175	MAP3K13	mitogen-ac	GO:000018	GO:000467	GO:0008385 IkappaB kinase complex,GO:0016				
AHsV1000	AHsV10000624	ENSG0000	XM_011540	9148	NEURL1	neuralized	GO:000641	GO:000484	GO:0005886 plasma membrane,GO:0014069 p				
H30000656	H300006569	ENSG0000	XM_005256	8996	NOL3	nucleolar p	GO:000166	GO:000372	GO:000573	112	178	1.59	0.67
CHsGV100	CHsGV1000128	-	XM_011516	8972	MGAM	maltase-glu	GO:000002	GO:000382	GO:000588	8	12	1.58	0.66
H20000718	H200007180	ENSG0000	NM_003824	8772	FADD	Fas associa	GO:000191	GO:000202	GO:000573	139	127	0.92	-0.13
DHsGV100	DHsGV100028	ENSG0000	NM_001009	55152	DALRD3	DALR antic	GO:000642	GO:000481	-	34	32	0.97	-0.05
H20001108	H200011082	ENSG0000	NM_005037	5468	PPARG	peroxisome	GO:000012	GO:000101	GO:0005634 nucleus,G		9		
H20000482	H200004824	ENSG0000	NM_006233	5438	POLR2I	polymerase	GO:000039	GO:000367	GO:000563	1016	765	0.75	-0.41
H20000983	H200009837	ENSG0000	NM_001127	5265	SERPINA1	serpin pept	GO:000257	GO:000194	GO:000013	8	14	1.72	0.78
H20000267	H200002676	ENSG0000	NM_206917	27018	BEX3	brain expre	GO:000691	GO:000516	GO:0005634 nucleus,GO:0005829 cytosol				
AHsV1000	AHsV10001424	ENSG0000	NM_012133	26958	COPG2	coatome	GO:000688	GO:000519	GO:000013	141	180	1.28	0.35
CHsGV100	CHsGV1000364	ENSG0000	XM_005254	10125	RASGRP1	RAS guany	GO:000016	GO:000178	GO:0000139 Golgi men		9		
CHsGV100	CHsGV1000004	ENSG0000	NM_005726	10102	TSFM	Ts translat	GO:000641	GO:000374	GO:000563	774	611	0.79	-0.34
H20000062	H200000622	ENSG0000	NM_014879	9934	P2RY14	purinergic r	GO:000718	GO:004502	GO:0005886 plasma membrane,GO:0005887 in				
AHsV1000	AHsV10000494	ENSG0000	NM_001282	9913	SUPT7L	SPT7-like	GO:000632	GO:000371	GO:000563	45	68	1.52	0.60
H20000680	H200006802	ENSG0000	NM_170774	9770	RASSF2	Ras associa	GO:000150	GO:000467	GO:0005634 nucleus,G		7		
CHsGV100	CHsGV1000186	ENSG0000	XM_006719	9746	CLSTN3	calsyntenin	GO:000155	GO:000550	GO:000013	18	24	1.32	0.41
CHsGV100	CHsGV1000173	ENSG0000	NM_004898	9575	CLOCK	clock circa	GO:000007	GO:000097	GO:000563	39	60	1.51	0.60
CHsGV100	CHsGV1000273	ENSG0000	NM_004886	9546	APBA3	amyloid bet	GO:000170	GO:000154	GO:004847	43	60	1.39	0.48
H20001719	H200017198	ENSG0000	NM_014624	6277	S100A6	S100 calcul	GO:000716	GO:000550	GO:000172	291	233	0.80	-0.32
AHsV1000	AHsV10002423	ENSG0000	NM_006511	6248	RSC1A1	regulatory	GO:000635	GO:000820	GO:000563	106	112	1.05	0.08
H20001587	H200015874	ENSG0000	NM_000539	6010	RHO	rhodopsin	GO:000152	GO:000493	GO:0000139 Golgi men		6		
H20000097	H200000972	ENSG0000	XM_011509	23380	SRGAP2	SLIT-ROB	GO:000336	GO:000509	GO:000563	38	52	1.37	0.45
AHsV1000	AHsV10002008	ENSG0000	NM_015306	23358	USP24	ubiquitin sp	GO:000651	GO:000823	GO:000573	79	109	1.39	0.48
AHsV1000	AHsV10000085	ENSG0000	NR_076392	9361	LONP1	lon peptida	GO:000000	GO:000369	GO:000563	284	521	1.83	0.87
CHsGV100	CHsGV1000313	ENSG0000	NM_012086	9330	GTF3C3	general tra	GO:000635	GO:000367	GO:000012	337	316	0.94	-0.09
H20001465	H200014659	ENSG0000	NM_004701	9133	CNGB2	cyclin B2	GO:000008	GO:000551	GO:000565	2283	1839	0.81	-0.31
H20001148	H200011480	ENSG0000	XM_011523	9114	ATP6V0D1	ATPase H+	GO:000687	GO:000551	GO:000576	444	310	0.70	-0.52
CHsGV100	CHsGV1000124	ENSG0000	NM_014606	8916	HERC3	HECT and	GO:004278	GO:000484	GO:001602	14	32	2.20	1.14
H20000782	H200007829	ENSG0000	NM_001318	8890	EIF2B4	eukaryotic	GO:000154	GO:000374	GO:000573	869	728	0.84	-0.25
H20000201	H200002015	ENSG0000	XM_011545	8722	CTSF	cathepsin F	GO:000650	GO:000419	GO:000561	54	41	0.75	-0.41
AHsV1000	AHsV10001385	ENSG0000	NM_001199	8703	B4GALT3	UDP-Gal:b	GO:000597	GO:000383	GO:000013	245	214	0.87	-0.20
H20001659	H200016595	ENSG0000	NM_016937	5422	POLA1	polymerase	GO:000008	GO:000016	GO:000078	217	203	0.94	-0.10
H20000621	H200006212	ENSG0000	NM_002676	5372	PMM1	phosphoma	GO:000601	GO:000461	GO:000582	281	243	0.86	-0.21
H20001512	H200015122	ENSG0000	NM_006212	5208	PFKFB2	6-phospho	GO:000597	GO:000387	GO:000582	15	18	1.23	0.30
H20000447	H200004472	-	XM_005254	26585	GREM1	gremlin 1, I	GO:000090	GO:000512	GO:0005615 extracellular space,GO:0009986 d				
DHsTV100	DHsTV1000015	ENSG0000	-	-	BX072566	uncharacte	-	-	-		7		
CHsGV100	CHsGV100009	ENSG0000	XM_005254	10081	PDCD7	programme	GO:000039	-	GO:000565	139	126	0.91	-0.14
H30002007	H300020077	ENSG0000	XM_011520	10059	DNM1L	dynamain 1-	GO:000026	GO:000392	GO:000573	683	667	0.98	-0.03
AHsV1000	AHsV10002033	ENSG0000	NM_001127	9898	UBAP2L	ubiquitin as	GO:000733	GO:000551	GO:000567	183	163	0.89	-0.17
H20001459	H200014599	ENSG0000	NM_001303	9878	TOX4	TOX high n	-	GO:000367	GO:000078	71	83	1.18	0.24
H20001283	H200012838	ENSG0000	NM_001164	9722	NOS1AP	nitric oxide	GO:000306	GO:000551	GO:000563	138	119	0.86	-0.21
CHsGV100	CHsGV1000395	ENSG0000	NM_014674	9695	EDEM1	ER degrada	GO:000645	GO:000194	GO:000578	8	40	5.26	2.39
AHsV1000	AHsV10003383	ENSG0000	XM_011543	9522	SCAMP1	secretory c	GO:000688	GO:000551	GO:000565	93	115	1.24	0.31
DHsGV100	DHsGV1000444	-	-	-	-	-	-	-	-	21	18	0.86	-0.22
CHsGV100	CHsGV1000262	-	NM_001023	6224	RPS20	ribosomal p	GO:000018	GO:000373	GO:000573	15	25	1.72	0.78
AHsV1000	AHsV10003208	ENSG0000	NM_001011	6201	RPS7	ribosomal p	GO:000018	GO:000372	GO:000563	26347	20151	0.76	-0.39
H30002139	H300021399	ENSG0000	XM_011545	5970	RELA	v-rel avian	GO:000012	GO:000097	GO:000563	33	30	0.89	-0.17
CHsGV100	CHsGV1000108	ENSG0000	NG_015278	23328	SASH1	SAM and S	GO:000020	GO:000802	GO:001602	20	24	1.18	0.24
DHsTV100	DHsTV1000001	ENSG0000	NG_029143	5607	MAP2K5	mitogen-ac	GO:000012	GO:000467	GO:000563	18	22	1.21	0.28
H20000200	H200002006	ENSG0000	XM_011542	9295	SRSF11	serine/argi	GO:000039	GO:000016	GO:000563	1968	1752	0.89	-0.17
CHsGV100	CHsGV100028	ENSG0000	NM_004228	9266	CYTH2	cytohesin 2	GO:000689	GO:000508	GO:000573	24	26	1.07	0.10
H20001595	H200015957	ENSG0000	NM_001080	9096	TBX18	T-box 18	GO:000012	GO:000097	GO:000563	108	104	0.96	-0.05
AHsV1000	AHsV10000338	-	NM_001297	9064	MAP3K6	mitogen-ac	GO:000018	GO:000028	GO:000562	130	179	1.37	0.46
AHsV1000	AHsV10000818	ENSG0000	NM_001042	8869	ST3GAL5	ST3 beta-g	GO:000157	GO:000383	GO:000013	1114	1011	0.91	-0.14
H30002197	H300021971	ENSG0000	NM_183422	8848	TSC22D1	TSC22 dom	GO:000635	GO:000370	GO:000563	196	297	1.51	0.60
AHsV1000	AHsV10002514	ENSG0000	NM_001114	100137049	PLA2G4B	phospholipa	GO:000664	GO:000462	GO:000557	24	34	1.39	0.48
H20001483	H200014832	ENSG0000	NM_003750	8661	EIF3A	eukaryotic	GO:000173	GO:000374	GO:000563	3851	3623	0.94	-0.09
H20000749	H200007496	ENSG0000	NM_001278	5348	FXYD1	FXYD doma	GO:000682	GO:000525	GO:000588	15	15	1.00	0.00
AHsV1000	AHsV10000918	ENSG0000	XR_931845	5330	PLCB2	phospholipa	GO:000664	GO:000443	GO:0005829 cytosol		5		
H20000025	H200000259	ENSG0000	NR_033384	5162	PDHB	pyruvate de	GO:000600	GO:000473	GO:000563	2616	1568	0.60	-0.74
AHsV1000	AHsV10001891	ENSG0000	NM_024548	79598	CEP97	centrosome	GO:000699	GO:000551	GO:000573	37	50	1.36	0.45
AHsV1000	AHsV10003170	ENSG0000	XM_011545	79001	VKORC1	vitamin K e	GO:000676	GO:004705	GO:000578	1032	752	0.73	-0.46
H20000157	H200001570	ENSG0000	NM_023940	65997	RASL11B	RAS like fa	GO:000726	GO:000516	GO:000562	21	18	0.87	-0.20
AHsV1000	AHsV10001372	ENSG0000	NM_022758	64771	C6orf106	chromosom	GO:000815	GO:000367	GO:000040	71	65	0.92	-0.12
AHsV1000	AHsV10001435	ENSG0000	XM_011541	64744	SMAP2	small ArfG	GO:004354	GO:000509	GO:000565	165	208	1.26	0.33
AHsV1000	AHsV10003149	ENSG0000	XM_011541	63967	CLSPN	claspin	GO:000007	GO:000367	GO:000565	301	308	1.02	0.03
H30000268	H300002688	ENSG0000	NM_022090	63920	ZBED8	zinc finger	-	GO:000367	GO:000565	11	23	2.08	1.05
CHsGV100	CHsGV1000322	ENSG0000	NM_001303	51098	IFT52	intraflagella	GO:000184	GO:000802	GO:000581	231	260	1.12	0.17
H20000575	H200005755	ENSG0000	NM_015971	51081	MRPS7	mitochondr	GO:000002	GO:000372	GO:000574	1446	1117	0.77	-0.37
AHsV1000	AHsV10000698	ENSG0000	NM_015713	50484	RRM2B	ribonucleot	GO:000182	GO:000474	GO:000565	73	116	1.59	0.67
CHsGV100	CHsGV1000001	ENSG0000	NM_139265	30844	EHD4	EH domain	GO:000690	GO:000367	GO:000563	59	64	1.08	0.11
H20001750	H200017500	ENSG0000	NM_013242	29105	CFAP20	cilia and fla	GO:000727	GO:004482	GO:000565	638	596	0.93	-0.10
AHsV1000	AHsV10001208	ENSG0000	NR_109808	29085	PHPT1	phosphohis	GO:000647	GO:000472	GO:000582	816	691	0.85	-0.24
H30001705	H300017050	ENSG0000	XM_011521	57722	IGDCC4	immunoglot	-	-	GO:000588	82	64	0.78	-0.36
AHsV1000	AHsV10002315	ENSG0000	NM_020706	57466	SCAF4	SR-related							

H20000259	H200002596	ENSG0000	NM_015496	25962	KIAA1429	KIAA1429	GO:000639	GO:004482	GO:000565	349	279	0.80	-0.32
H20000347	H200003474	ENSG0000	NM_013943	25932	CLIC4	chloride int	GO:000152	GO:000436	GO:000562	551	1025	1.86	0.89
AHsV1000	AHsV10001027	ENSG0000	NR_073069	23786	BCL2L13	BCL2 like	GO:000691	GO:000551	GO:000563	141	177	1.25	0.33
H20001339	H200013396	ENSG0000	NM_005813	23683	PRKD3	protein kin	GO:000646	GO:000469	GO:000565	96	119	1.25	0.32
CHsGV100	CHsGV1000005	ENSG0000	NM_001005	79295	OR5H6	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma m	5		
AHsV1000	AHsV10000645	ENSG0000	NM_001002	65267	WNK3	WNK lysine	GO:000646	GO:000467	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005912			
H20001126	H200011263	ENSG0000	NM_023010	65109	UPF3B	UPF3 regul	GO:000018	GO:000016	GO:000563	449	380	0.85	-0.24
H30001913	H300019130	ENSG0000	XR_943509	64430	PCNX4	pecanex hc	-	GO:000551	GO:001602	168	193	1.15	0.20
H30000604	H300006042	ENSG0000	NM_178439	64395	GMCL1	germ cell-l	GO:000635	-	GO:000563	136	157	1.16	0.21
AHsV1000	AHsV10002950	ENSG0000	NM_001184	63035	BCORL1	BCL6 core	GO:000635	-	GO:000565	19	29	1.52	0.61
CHsGV100	CHsGV100003	ENSG0000	NM_021927	60558	GUF1	GUF1 hom	GO:000641	GO:000392	GO:000573	118	167	1.42	0.50
H30000262	H300002628	ENSG0000	NM_015907	51056	LAP3	leucine am	GO:000650	GO:000417	GO:000563	754	607	0.80	-0.31
H30000257	H300002576	ENSG0000	NM_001301	51019	CCDC53	coiled-coil	GO:000815	GO:000551	GO:000576	253	332	1.32	0.40
AHsV1000	AHsV10000995	ENSG0000	NM_015711	29998	GLTSCR1	glioma tum	-	GO:000551	-		6		
CHsGV100	CHsGV1000096	ENSG0000	NM_001197	29970	SCHIP1	schwannom	GO:000815	GO:000551	GO:0005737	cytoplasm			
H30002227	H300022273	ENSG0000	NM_014096	29015	SLC43A3	solute carr	GO:000815	GO:000367	GO:000557	740	532	0.72	-0.47
AHsV1000	AHsV10002154	ENSG0000	XM_006715	28969	BZW2	basic leucir	GO:000739	-	GO:001602	643	629	0.98	-0.03
CHsGV100	CHsGV100002	ENSG0000	NM_020890	57650	KIAA1524	KIAA1524	GO:000728	GO:000551	GO:000573	71	92	1.30	0.38
AHsV1000	AHsV10002151	ENSG0000	NM_001144	57224	NHSL1	NHS like 1	-	-	-				
H30001680	H300016802	ENSG0000	XM_011541	57185	NIPAL3	NIPA like d	GO:001569	GO:000551	GO:001602	172	156	0.91	-0.14
AHsV1000	AHsV10000318	ENSG0000	NR_120639	56922	MCCC1	methylcro	GO:000655	GO:000407	GO:000573	98	137	1.39	0.47
CHsGV100	CHsGV1000196	ENSG0000	NR_027671	56886	UGGT1	UDP-gluc	GO:000645	GO:000398	GO:000578	46	56	1.23	0.30
H30000099	H300000998	ENSG0000	NM_018841	55970	GNG12	guanine nu	GO:000611	GO:000487	GO:000583	160	147	0.92	-0.12
H20000214	H200002143	ENSG0000	NR_135117	55907	CMAS	cytidine md	GO:000605	GO:000878	GO:000563	1157	1091	0.94	-0.09
opHsV0400	opHsV0400011	ENSG0000	NM_012164	26190	FBXW2	F-box and	GO:000646	GO:000484	GO:000573	6	12	1.96	0.97
H30001196	H300011969	ENSG0000	XM_011518	26130	GAPVD1	GTPase ac	GO:000689	GO:000508	GO:000576	24	33	1.41	0.50
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001256	25904	CNOT10	CCR4-NOT	GO:000028	GO:000551	GO:000563	309	351	1.14	0.18
H20000627	H200006274	ENSG0000	XM_006711	25874	MPC2	mitochondr	GO:000609	GO:005083	GO:000563	1622	1313	0.81	-0.30
AHsV1000	AHsV10001164	ENSG0000	NM_014329	23644	EDC4	enhancer o	GO:000028	GO:000551	GO:000093	47	34	0.72	-0.48
H20001293	H200012939	ENSG0000	NM_012344	23620	NTSR2	neurotensin	GO:000716	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005887	in		
H30000210	H300002100	ENSG0000	XM_011517	79139	DERL1	derlin 1	GO:000698	GO:000202	GO:000576	567	532	0.94	-0.09
H30001857	H300018579	ENSG0000	NM_001281	65010	SLC26A6	solute carr	GO:000681	GO:000525	GO:000562	153	122	0.80	-0.33
AHsV1000	AHsV10002896	ENSG0000	NM_022894	64895	PAPOLG	poly(A) poly	GO:000637	GO:000372	GO:000563	132	119	0.90	-0.15
H20000469	H200004690	ENSG0000	NR_033308	64284	RAB17	RAB17, me	GO:000241	GO:000392	GO:0005622	intracellul	7		
H20000188	H200001885	ENSG0000	XM_005271	64175	P3H1	prolyl 3-hy	GO:000645	GO:000367	GO:000557	176	219	1.24	0.32
CHsGV100	CHsGV100032	ENSG0000	NR_045583	59350	RXFP1	relaxin/insu	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in		
DHsGV100	DHsGV100049	ENSG0000	-	3498	IGHEP1	immunoglob	-	-	-	25	23	0.90	-0.15
H20000885	H200008853	ENSG0000	NR_109914	51000	SLC35B3	solute carr	GO:000223	-	GO:000013	213	212	1.00	-0.01
H30001813	H300018130	-	NM_001287	50854	C6orf48	chromosom	-	-	-	1450	2041	1.41	0.49
AHsV1000	AHsV10000556	ENSG0000	NM_001282	29944	PNMA3	paraneopla	GO:004306	GO:000367	GO:000573	13	16	1.27	0.34
H20000947	H200009478	ENSG0000	NM_013326	29919	C18orf8	chromosom	-	-	GO:000576	423	430	1.02	0.02
AHsV1000	AHsV10000320	ENSG0000	NM_014510	27445	PLO	piccolo pre	GO:000701	GO:000550	GO:000585	47	39	0.84	-0.25
AHsV1000	AHsV10000502	ENSG0000	NM_014501	27338	UBE2S	ubiquitin cc	GO:000646	GO:000484	GO:000568	1013	819	0.81	-0.31
CHsGV100	CHsGV1000236	ENSG0000	XM_005271	57569	ARHGAP20	Rho GTPase	GO:000726	GO:000509	GO:000582	15	13	0.83	-0.27
H30000118	H300001183	ENSG0000	XM_005255	57149	LYRM1	LYR motif	-	-	GO:000565	181	318	1.76	0.81
AHsV1000	AHsV10001173	ENSG0000	NM_020406	57126	CD177	CD177 mol	GO:000759	GO:000551	GO:0005886	plasma membrane,GO:0031225	ar		
H30000747	H300007471	ENSG0000	NM_020646	56676	ASCL3	achaete-sc	GO:000012	GO:000097	GO:0005634	nucleus,GO:0005667	transcriptio		
H20001751	H200017518	ENSG0000	NM_078469	56647	BCCIP	BRCA2 and	GO:000007	GO:000551	GO:000563	348	247	0.71	-0.49
H20000836	H200008366	ENSG0000	NR_003189	76757	SYS1-DBN	SYS1-DBN	-	-	-	186	204	1.10	0.14
DHsGV100	DHsGV1000388	ENSG0000	XM_006720	728498	GOLGA8H	golgin A8 fa	-	-	GO:000579	158	117	0.74	-0.44
H20001576	H200015761	ENSG0000	NM_001290	26073	POLDIP2	polymerase	GO:007058	GO:000367	GO:000563	629	499	0.79	-0.33
AHsV1000	AHsV10001475	ENSG0000	NR_046462	26049	FAM169A	family with	-	-	GO:0005637	nuclear inner membrane			
H20000935	H200009355	ENSG0000	XM_006719	25840	METTL7A	methyltrans	GO:003225	GO:000875	GO:000578	84	71	0.85	-0.23
CHsGV100	CHsGV1000254	ENSG0000	NM_012118	25819	NOCT	nocturnin	GO:000029	GO:000370	GO:000093	12	16	1.31	0.39
AHsV1000	AHsV10003447	ENSG0000	XM_005252	23590	PDSS1	prenyl (dec	GO:000674	GO:000001	GO:000575	274	266	0.97	-0.04
H20000258	H200002585	ENSG0000	XM_011515	23554	TSPAN12	tetraspanin	GO:000152	GO:000551	GO:0005887	integral c	7		
H20001160	H200011601	ENSG0000	NM_024069	79036	KXD1	KxDL motif	GO:001619	GO:000551	GO:003108	327	280	0.86	-0.22
CHsGV100	CHsGV1000083	ENSG0000	XR_931886	64843	ISL2	ISL LIM ho	GO:000635	GO:000367	GO:000563	34	51	1.51	0.59
AHsV1000	AHsV10000304	ENSG0000	XM_011522	64788	LMF1	lipase matu	GO:000688	-	GO:0005789	endoplasm	5		
H20000875	H200008754	ENSG0000	NM_022154	64116	SLC39A8	solute carr	GO:000682	GO:004687	GO:000588	555	480	0.87	-0.21
H20000773	H200007735	ENSG0000	NM_022132	64087	MCCC2	methylcro	GO:000655	GO:000448	GO:000573	299	255	0.85	-0.23
H20000652	H200006524	ENSG0000	NM_001303	58497	PRUNE	prune exp	GO:000679	GO:000430	GO:000563	219	210	0.96	-0.06
H20000433	H200004336	ENSG0000	XM_005256	58189	WFDC1	WAP four-	GO:000155	GO:000367	GO:0005615	extracellular space			
CHsGV100	CHsGV1000382	ENSG0000	NM_015922	50814	NSDHL	NAD(P) de	GO:000194	GO:000385	GO:000578	448	375	0.84	-0.26
CHsGV100	CHsGV100023	ENSG0000	NR_037912	50624	CUZD1	CUB and z	GO:000693	-	GO:0016021	integral c	3		
H20000323	H200003235	ENSG0000	XR_929779	29882	ANAPC2	anaphase p	GO:000027	GO:003162	GO:000565	31	37	1.22	0.28
H20000774	H200007744	ENSG0000	XM_011539	29760	BLNK	B-cell linke	GO:000695	GO:000506	GO:0005622	intracellular,GO:0005737	cytoplasm		
H20001336	H200013363	ENSG0000	NM_014480	27300	ZNF544	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	109	113	1.03	0.05
AHsV1000	AHsV10002136	ENSG0000	NR_045631	27247	NFU1	NFU1 iron-	GO:001622	GO:000550	GO:000563	540	665	1.23	0.30
CHsGV100	CHsGV1000293	ENSG0000	NM_020738	57498	KIDINS220	kinase D-ir	GO:000018	GO:001988	GO:000577	25	29	1.15	0.21
H30000156	H300001565	ENSG0000	XM_011521	57099	AVEN	apoptosis a	GO:000691	GO:000551	GO:000562	106	103	0.98	-0.03
AHsV1000	AHsV10002037	ENSG0000	NM_020315	57026	PDXP	pyridoxal p	GO:000647	GO:000028	GO:000582	225	225	1.00	0.00
H30002017	H300020176	ENSG0000	XR_243524	56270	WDR45B	WD repeat	GO:000004	GO:003226	GO:000582	206	178	0.86	-0.22
CHsGV100	CHsGV1000055	ENSG0000	XM_011525	56155	TEX14	testis expr	GO:000646	GO:000467	GO:0000776	kinetochore,GO:0000777	conden		
H30001129	H300011299	ENSG0000	XM_011514	55809	TRERF1	transcriptid	GO:000635	GO:000110	GO:000563	88	69	0.78	-0.36
DHsGV100	DHsGV1000166	ENSG0000	-	-	CTD-2555	-	-	-	-		4		
AHsV1000	AHsV10001781	ENSG0000	XM_011536	26030	PLEKHG3	pleckstrin l	GO:003502	GO:000508	-		4		
H30000686	H300006865	ENSG0000	NM_015523	25996	REXO2	RNA exonu	GO:000613	GO:000017	GO:000563	1458	1207	0.83	-0.27
CHsGV100	CHsGV1000338	ENSG0000	NM_012198	25801	GCA	grancalcin	GO:000650	GO:000419	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005886	plasma m		
AHsV1000	AHsV10000641	ENSG0000	XM_006716	25769	SLC24A2	solute carr	GO:000681	GO:000526	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005887	in		
AHsV1000	AHsV10000921	ENSG0000	XM_011522	23524	SRRM2	serine/argi	GO:000039	GO:004482	GO:000565	6	11	1.77	0.83
H30001726	H300017264	ENSG0000	XM_011538	23504	RIMBP2	RIMS bindir	GO:001092	-	GO:0005886	plasma m	5		
CHsGV100	CHsGV100028	ENSG0000	NR_198850	653583									

opHsV0400	opHsV0400008	ENSG0000	XM_011515	154907	C7orf66	chromosom	-	-	GO:0016021	integral component of membrane					
CHsGV100	CHsGV100032	-	NR_033691	148898	ZNF436-A	ZNF436 an	-	-			28	28	1.00	0.00	
AHsV1000	AHsV10000622	ENSG0000	NM_152482	148223	C19orf25	chromosom	-	GO:000551	-	-	20	20	0.98	-0.04	
AHsV1000	AHsV10002069	ENSG0000	XM_011542	143686	SESN3	sestrin 3	GO:003286	-	GO:0005634	nucleus		9			
AHsV1000	AHsV10002744	ENSG0000	NM_080832	140886	PABPC5	poly(A) bin	-	GO:000016	GO:0005759	mitochondrial matrix					
CHsGV100	CHsGV1000059	ENSG0000	NM_001193	79634	SCRN3	secernin 3	GO:000650	GO:001680	GO:000562		75	111	1.48	0.56	
DHsGV100	DHsGV1000146	-	-	-	-	-	-	-	-	-	31	32	1.00	0.00	
CHsGV100	CHsGV1000324	ENSG0000	XM_005251	401548	SNX30	sorting nex	GO:000689	GO:000551	GO:0005768	endosome,GO:0019898	extrinsic				
AHsV1000	AHsV10000229	ENSG0000	XM_006716	392307	FAM221B	family with	-	-	-	-					
AHsV1000	AHsV10003273	ENSG0000	NM_001004	391191	OR2AK2	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in				
DHsGV100	DHsGV1000358	ENSG0000	XM_011534	133874	C5orf58	chromosom	-	-	-	-	92	78	0.85	-0.23	
CHsGV100	CHsGV1000284	ENSG0000	NM_152400	132720	C4orf32	chromosom	-	-	GO:001602		265	334	1.26	0.33	
H30001533	H300015335	ENSG0000	XM_011509	126859	AXDND1	axonemal d	-	-	-	-					
CHsGV100	CHsGV1000366	ENSG0000	NM_182498	126299	ZNF428	zinc finger	-	GO:004687	-	-	588	580	0.99	-0.02	
CHsGV100	CHsGV1000065	ENSG0000	NM_001005	119695	OR52R1	olfactory re	GO:000716	GO:000493	GO:000588		4	8	2.23	1.16	
AHsV1000	AHsV10001035	ENSG0000	XM_011539	118491	CFAP70	cilia and fla	GO:000815	GO:000367	GO:000592		6	14	2.48	1.31	
AHsV1000	AHsV10003184	ENSG0000	NR_104421	114792	KLHL32	kelch like f	GO:004278	GO:000484	GO:0031463	Cul3-RING ubiquitin ligase compl					
AHsV1000	AHsV10002007	ENSG0000	NM_052884	114132	SIGLEC11	sialic acid b	GO:000715	GO:003024	GO:0016021	integral component of membrane					
H20000168	H200001689	ENSG0000	NM_021175	57817	HAMP	hepcidin an	GO:000012	GO:000510	GO:000557		16	19	1.20	0.26	
DHsGV100	DHsGV1000525	ENSG0000	NM_033240	5371	PML	promyelocy	GO:000166	GO:000367	GO:000078		6	8	1.47	0.55	
DHsGV100	DHsGV1000132	ENSG0000	-	100509927	HIST1H2A	histone clu	-	-	-	-	17	22	1.31	0.39	
DHsGV100	DHsGV1000446	ENSG0000	NM_001195	100507003	GFY	golgi assoc	GO:000760	-	GO:003017		5	10	2.08	1.05	
DHsGV100	DHsGV1000222	-	-	-	-	-	-	-	-	-					
AHsV1000	AHsV10001331	ENSG0000	NM_199280	165186	FAM179A	family with	-	-	-	-					
AHsV1000	AHsV10003494	ENSG0000	NM_152606	163255	ZNF540	zinc finger	GO:000635	GO:000090	GO:000563		4	8	1.83	0.87	
CHsGV100	CHsGV1000351	ENSG0000	NM_198150	153642	ARSK	arylsulfatas	GO:000666	GO:000406	GO:000557		25	35	1.40	0.49	
CHsGV100	CHsGV1000112	ENSG0000	NM_144718	152185	SPICE1	spindle and	GO:004659	GO:000551	GO:000573		40	46	1.15	0.20	
CHsGV100	CHsGV1000136	ENSG0000	NM_001297	147687	ZNF417	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563		81	68	0.85	-0.24	
AHsV1000	AHsV10001603	ENSG0000	NM_152464	147007	TMEM199	transmemb	-	GO:000551	GO:001602		231	229	0.99	-0.01	
CHsGV100	CHsGV1000101	ENSG0000	NM_152503	140699	MROH8	maestro he	-	-	-	-		5			
AHsV1000	AHsV10002681	ENSG0000	NR_133665	140453	MUC17	mucin 17, d	GO:000649	GO:000551	GO:0005576	extracellular region,GO:0005796					
H20001202	H200012023	ENSG0000	NM_001303	79441	HAUS3	HAUS augr	GO:000706	GO:000367	GO:000565		296	287	0.97	-0.04	
AHsV1000	AHsV10002458	ENSG0000	NM_001145	401285	TCP10L2	t-complex	-	-	-	-					
opHsV0400	opHsV0400008	ENSG0000	NM_001040	401089	FOXL2NB	FOXL2 neig	-	-	-	-		6			
H20001802	H200018026	ENSG0000	NM_001080	390874	ONECUT3	one cut ho	GO:000636	GO:000097	GO:000563		10	10	1.05	0.07	
DHsGV100	DHsGV1000380	-	-	-	-	-	-	-	-	-		4			
AHsV1000	AHsV10002251	ENSG0000	NM_001165	131669	UROC1	urocanate	GO:000654	GO:001615	GO:0005829	cytosol		3			
CHsGV100	CHsGV1000110	ENSG0000	NR_104231	130814	PQLC3	PQ loop re	GO:000648	-	GO:001602		190	181	0.96	-0.06	
H30000954	H300009542	ENSG0000	NM_133492	125981	ACER1	alkaline cer	GO:000666	GO:001704	GO:0005783	endoplasm		3			
AHsV1000	AHsV10001549	ENSG0000	NM_152349	125113	KRT22	keratin 22	-	GO:000519	GO:0005882	intermediate filament					
H30000918	H300009182	ENSG0000	XM_011519	117195	MRGPRX3	MAS relate	GO:000718	GO:000493	GO:0005887	integral component of plasma me					
CHsGV100	CHsGV1000151	ENSG0000	NM_172251	116541	MRPL54	mitochondr	GO:000699	GO:004482	GO:000574		826	672	0.81	-0.30	
AHsV1000	AHsV10002947	ENSG0000	NM_079834	113178	SCAMP4	secretory c	GO:001503	-	GO:001602		439	335	0.76	-0.39	
H20000424	H200004243	ENSG0000	NM_080664	112487	DTD2	D-tyrosyl-	GO:000639	GO:000216	GO:000557		137	135	0.99	-0.02	
CHsGV100	CHsGV1000301	ENSG0000	XM_011538	57696	DDX55	DEAD-box	GO:001050	GO:000400	GO:001602		459	368	0.80	-0.32	
DHsGV100	DHsGV1000350	-	-	-	-	-	-	-	-	-					
DHsGV100	DHsGV1000154	-	-	-	-	-	-	-	-	-		4			
DHsGV100	DHsGV1000452	ENSG0000	XM_011534	100507055	LRCOL1	leucine-ric	GO:000758	GO:000804	GO:000557		14	21	1.45	0.53	
DHsGV100	DHsGV1000490	ENSG0000	NM_001145	644844	PHGR1	proline/his	-	-	-	-		5			
CHsGV100	CHsGV1000036	ENSG0000	XM_011523	162514	TRPV3	transient re	GO:000940	GO:000526	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in				
AHsV1000	AHsV10003436	ENSG0000	XM_011536	161436	EML5	echinoderm	GO:000815	GO:000367	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005874	microtubu				
H20000185	H200001851	ENSG0000	NM_144713	151393	RMDN2	regulator o	-	GO:000551	GO:0000922	spindle po		5			
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_144709	150962	PUS10	pseudourid	GO:000152	GO:000372	-	-	26	36	1.39	0.48	
AHsV1000	AHsV10002631	ENSG0000	XM_011522	146556	C16orf89	chromosom	GO:004874	GO:004280	GO:0005829	cytosol,G		4			
AHsV1000	AHsV10002366	ENSG0000	XM_011521	146057	TTBK2	tau tubulin	GO:000699	GO:000467	GO:0005615	extracellu		10			
AHsV1000	AHsV10001119	ENSG0000	NM_153834	139378	ADGRG4	adhesion G	GO:000716	GO:000493	GO:0016021	integral component of membrane					
DHsGV100	DHsGV1000549	-	-	-	-	-	-	-	-	-		125	86	0.69	-0.54
H20000432	H200004328	ENSG0000	XM_005257	79170	PRR15L	proline rich	-	-	-	-		4			
AHsV1000	AHsV10001696	ENSG0000	XR_939774	400945	LINC01376	long interge	-	-	-	-					
AHsV1000	AHsV10000079	ENSG0000	-	400660	LINC00683	long interge	-	-	-	-					
DHsGV100	DHsGV1000251	-	-	-	-	-	-	-	-	-		37	33	0.89	-0.17
AHsV1000	AHsV10000006	ENSG0000	XM_011534	389610	XKR5	XK related	-	-	GO:0016020	membrane		3			
CHsGV100	CHsGV1000255	ENSG0000	NM_001085	129881	CCDC173	coiled-coil	-	-	-	-	19	35	1.83	0.87	
CHsGV100	CHsGV1000081	ENSG0000	NM_001009	128710	SLX4IP	SLX4 inter	-	GO:000551	-	-	18	40	2.25	1.17	
AHsV1000	AHsV10003510	ENSG0000	XM_011524	124602	KIF19	kinesin fam	GO:000701	GO:000377	GO:000587		8	11	1.30	0.38	
CHsGV100	CHsGV1000395	ENSG0000	XM_006721	123872	DNAAF1	dynein (axo	GO:000194	GO:004550	GO:000092		5	13	2.33	1.22	
H20000927	H200009271	ENSG0000	NM_001199	116154	PHACTR3	phosphatas	GO:004308	GO:000377	GO:000565		25	31	1.22	0.29	
CHsGV100	CHsGV1000214	ENSG0000	NM_001317	115827	RAB3C	RAB3C, me	GO:000726	GO:000392	GO:0005829	cytosol,GO:0005886	plasma mem				
H20000872	H200008724	ENSG0000	NM_033258	94235	GNG8	guanine nu	GO:000611	GO:000392	GO:000583		19	21	1.14	0.19	
CHsGV100	CHsGV1000093	ENSG0000	NM_178191	93974	ATP1F1	ATPase inh	GO:000152	GO:000485	GO:000573		3571	3826	1.07	0.10	
AHsV1000	AHsV10001651	ENSG0000	NM_001303	57595	PDZD4	PDZ domai	-	-	GO:0005938	cell cortex					
AHsV1000	AHsV10000922	ENSG0000	-	647219	ASCL5	achaete-sc	GO:000635	GO:000367	GO:0005575	cellular_component,GO:0005634					
AHsV1000	AHsV10003571	-	XM_011513	105374156	LOC105374	protein FA	-	-	-	-					
CHsGV100	CHsGV1000204	-	-	-	-	-	-	-	-	-					
AHsV1000	AHsV10003373	ENSG0000	NM_001101	644139	PIRT	phosphoino	-	-	GO:0016021	integral component of membrane					
CHsGV100	CHsGV1000377	ENSG0000	NM_144970	159013	CXorf38	chromosom	-	-	-	-	126	163	1.30	0.37	
H30000647	H300006479	ENSG0000	XM_011518	158399	ZNF483	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus		3			
CHsGV100	CHsGV1000149	ENSG0000	NR_134560	150274	HSCB	HscB mitod	GO:000645	GO:000367	GO:000563		70	101	1.45	0.54	
DHsGV100	DHsGV1000272	ENSG0000	NM_001136	149478	BTBD19	BTB domai	-	-	-	-	21	25	1.20	0.26	
AHsV1000	AHsV10001151	ENSG0000	XM_011536	145497	LRRC74A	leucine rich	-	-	-	-					
H30001654	H300016549	ENSG0000	XM_011537	144455	E2F7	E2F transc	GO:000012	GO:000097	GO:000563		16	20	1.23	0.30	
AHsV1000	AHsV10000941	ENSG0000	XR_949376	137362	GOT1L1	glutamic-o	GO:000653	GO:000406	GO:0005739	mitochondrion,GO:0005829	cytos				
AHsV1000	AHsV10001544	ENSG0000	XR_245505	135112	NCOA7	nuclear rec	GO:000635	GO:000551	GO:000562		7	40	5.45	2.45	
CHsGV100	CHsGV1000111	ENSG0000	NM_024093	79074	C2orf49	chromosom	GO:000803	GO:000367	GO:000565		195	170	0.87	-0.20	
AHsV1000	AHsV10000115	ENSG0000	NR_039985	400221	FLJ22447	uncharacter	-	-	-	-					
AHsV1000	AHsV10001774	ENSG0000	XR_929798	399693	CCDC187	coiled-coil	-	-	-	-		3			

CHsGV100	CHsGV100011	ENSG0000	NM_153035	127428	TCEANC2	transcriptid	GO:000635	GO:000367	GO:000563	32	45	1.38	0.46
CHsGV100	CHsGV100012	ENSG0000	NM_174891	122616	C14orf79	chromosom	GO:004690	GO:003027	GO:000573	22	20	0.92	-0.12
DHsGV100	DHsGV100010	ENSG0000	-	-	RP11-983C	-	-	-	-	-	6	-	-
H30001125	H300011251	ENSG0000	NM_145243	115209	OMA1	OMA1 zinc	GO:000202	GO:000422	GO:000574	333	346	1.04	0.05
AHsV1000	AHsV10002966	ENSG0000	XM_006719	114882	OSBPL8	oxysterol b	GO:001089	GO:000178	GO:000578	443	419	0.94	-0.08
CHsTV100	CHsTV1000014	ENSG0000	NR_073487	93492	TPTE2	transmemb	GO:000664	GO:000472	GO:0000139	Golgi membrane,GO:0005789	end	-	-
CHsGV100	CHsGV100027	ENSG0000	XM_011518	92949	ADAMTSL	ADAMTS li	GO:000649	GO:000823	GO:0005578	proteinaceous extracellular matri	-	-	-
AHsV1000	AHsV10000855	ENSG0000	NM_001105	57526	PCDH19	protocadhe	GO:000715	GO:000550	GO:0005886	plasma m	3	-	-
H30001881	H300018812	-	XM_011525	9120	SLC16A6	solute carr	GO:001571	GO:000802	GO:0005887	integral c	13	-	-
DHsGV100	DHsGV1000178	-	-	-	-	-	-	-	-	-	7	-	-
DHsGV100	DHsGV1000302	ENSG0000	-	5730	PTGDS	prostagland	GO:000151	GO:000466	GO:000557	10	13	1.36	0.44
DHsGV100	DHsGV1000426	-	NG_011447	2899	GRIK3	glutamate i	GO:000719	GO:000164	GO:000588	65	59	0.90	-0.15
DHsGV100	DHsGV1000034	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000446	ENSG0000	-	-	RP11-309H	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000172	-	-	-	-	-	-	-	-	22	24	1.09	0.12
DHsGV100	DHsGV1000282	ENSG0000	-	-	RP1-125J3	-	-	-	-	-	4	-	-
DHsGV100	DHsGV1000143	ENSG0000	XM_011511	80210	ARMC9	armadillo re	-	GO:000551	GO:007006	49	50	1.01	0.01
AHsV1000	AHsV10000350	-	NM_018452	729515	TMEM242	transmemb	-	GO:000551	GO:001602	6	18	3.25	1.70
DHsGV100	DHsGV10000317	-	-	-	-	-	-	-	-	54	45	0.83	-0.26
DHsGV100	DHsGV1000300	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsTV100	DHsTV1000003	-	-	-	-	-	-	-	-	33	15	0.46	-1.12
H20000444	H200004444	ENSG0000	NM_001185	24146	CLDN15	claudin 15	GO:000681	GO:000519	GO:000592	97	83	0.85	-0.23
H20000353	H200003537	ENSG0000	XM_011545	1489	CTF1	cardiotroph	GO:000716	GO:000512	GO:000557	8	11	1.28	0.36
DHsGV100	DHsGV1000364	ENSG0000	XR_936982	105372713	LOC10537	uncharacte	-	-	-	47	42	0.89	-0.16
DHsGV100	DHsGV1000359	ENSG0000	NG_008276	81693	AMN	amnion ass	GO:000676	GO:000510	GO:000561	32	27	0.84	-0.25
DHsGV100	DHsGV1000415	-	-	-	-	-	-	-	-	9	15	1.67	0.74
DHsGV100	DHsGV1000046	-	-	-	-	-	-	-	-	20	22	1.07	0.10
DHsGV100	DHsGV1000292	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000438	-	-	-	-	-	-	-	-	16	19	1.19	0.25
DHsGV100	DHsGV1000160	-	-	-	-	-	-	-	-	-	6	-	-
DHsGV100	DHsGV1000420	ENSG0000	XR_428533	642968	FAM163B	family with	-	-	GO:001602	9	11	1.24	0.31
DHsGV100	DHsGV1000453	ENSG0000	XM_011541	643355	LOC64335	uncharacte	-	-	-	38	34	0.90	-0.15
AHsV1000	AHsV10001777	-	NM_013941	442194	OR10C1	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma m	3	-	-
CHsGV100	CHsGV1000146	ENSG0000	NM_172194	441669	OR4Q3	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:000588	8	9	1.07	0.10
H30002003	H300020030	ENSG0000	XM_011545	55291	PPP6R3	protein phd	GO:000688	GO:000551	GO:000013	172	168	0.98	-0.03
DHsGV100	DHsGV1000405	-	-	-	-	-	-	-	-	14	17	1.19	0.25
DHsGV100	DHsGV1000051	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000165	-	-	-	-	-	-	-	-	18	19	1.07	0.10
DHsGV100	DHsGV1000096	-	-	-	-	-	-	-	-	963	749	0.78	-0.36
DHsGV100	DHsGV1000086	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000070	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000436	ENSG0000	-	58510	PRODH2	proline deh	GO:001013	GO:000465	GO:0005743	mitochond	3	-	-
DHsGV100	DHsGV1000166	-	-	-	-	-	-	-	-	11	15	1.36	0.44
DHsGV100	DHsGV1000112	ENSG0000	-	339240	KRT17P5	keratin 17	-	-	GO:000557	14	16	1.11	0.15
DHsGV100	DHsGV1000055	-	XM_011521	146057	TTBK2	tau tubulin	GO:000699	GO:000467	GO:0005615	extracellular space,GO:0005634	r	-	-
DHsGV100	DHsGV1000065	-	-	-	-	-	-	-	-	-	5	-	-
AHsV1000	AHsV10002532	ENSG0000	NM_001080	728215	FAM155A	family with	-	-	GO:0016021	integral c	11	-	-
H20000089	H200000897	ENSG0000	NM_024098	79080	CCDC86	coiled-coil	GO:001603	GO:000551	GO:000563	187	147	0.79	-0.34
DHsGV100	DHsGV1000197	ENSG0000	NR_104257	63977	PRDM15	PR domain	GO:000635	GO:000097	GO:0005634	nucleus	3	-	-
DHsGV100	DHsGV1000008	-	-	-	-	-	-	-	-	6	15	2.70	1.43
DHsGV100	DHsGV1000143	ENSG0000	NG_008402	3875	KRT18	keratin 18,	GO:000704	GO:000519	GO:000573	9	17	1.90	0.93
DHsGV100	DHsGV1000063	-	-	-	-	-	-	-	-	7	12	1.79	0.84
DHsGV100	DHsGV10000512	-	-	-	-	-	-	-	-	-	8	-	-
H20000764	H200007647	ENSG0000	NM_020996	2251	FGF6	fibroblast g	GO:000016	GO:000510	GO:0005576	extracellular region,GO:0005615	v	-	-
DHsGV100	DHsGV1000003	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000445	ENSG0000	XM_011515	29886	SNX8	sorting nex	GO:000688	GO:000551	GO:001989	92	70	0.76	-0.39
DHsGV100	DHsGV1000316	ENSG0000	NR_130730	642776	DANT2	DXZ4 asso	-	-	-	4	10	2.72	1.44
AHsV1000	AHsV10003229	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
AHsV1000	AHsV10000001	-	-	-	-	-	-	-	-	-	3	-	-
AHsV1000	AHsV10001444	ENSG0000	NM_001144	441024	MTHFD2L	methylenet	GO:000010	GO:000432	GO:000573	36	44	1.21	0.27
CHsGV100	CHsGV1000183	ENSG0000	NM_001099	645425	PRAMEF20	PRAME far	GO:000828	GO:004297	-	-	3	-	-
DHsGV100	DHsGV1000076	-	-	-	-	-	-	-	-	-	5	-	-
DHsGV100	DHsGV10000523	-	-	-	-	-	-	-	-	-	7	-	-
DHsGV100	DHsGV1000255	-	XR_930528	105376342	LOC10537	uncharacte	-	-	-	-	4	-	-
DHsGV100	DHsGV1000376	-	-	-	-	-	-	-	-	6	14	2.25	1.17
DHsGV100	DHsGV1000234	-	XM_005245	79957	PAQR6	progestin a	GO:004340	GO:000370	GO:0005886	plasma m	10	-	-
DHsGV100	DHsGV1000153	-	-	-	-	-	-	-	-	-	3	-	-
DHsGV100	DHsGV1000020	ENSG0000	NM_139284	163175	LG14	leucine-ric	GO:000834	-	GO:0005576	extracellular region,GO:0005615	v	-	-
DHsGV100	DHsGV1000342	-	NG_033228	4811	NID1	nidogen 1	GO:000716	GO:000550	GO:0005576	extracellu	8	-	-
CHsGV100	CHsGV100026	ENSG0000	-	643479	FAM25E	family with	-	-	-	76	60	0.80	-0.33
DHsGV100	DHsGV1000310	-	-	-	-	-	-	-	-	177	141	0.79	-0.33
DHsGV100	DHsGV100048	ENSG0000	XM_005253	55206	SBNO1	strawberry	GO:000635	GO:000367	GO:000557	40	37	0.93	-0.10
DHsGV100	DHsGV1000297	ENSG0000	XR_938518	105373366	IDS2	uncharacte	-	-	-	-	-	-	-
H30000599	H300005990	ENSG0000	-	140851	MT1P3	metallothio	-	-	-	198	169	0.85	-0.23
DHsGV100	DHsGV1000072	-	-	-	-	-	-	-	-	19	24	1.26	0.33
DHsGV100	DHsGV1000153	ENSG0000	NR_123728	132671	SPATA18	spermatoge	GO:000697	GO:000551	GO:0005737	cytoplasm	4	-	-
DHsGV100	DHsGV1000430	ENSG0000	XM_011537	57596	BEGAIN	brain enrich	-	GO:000551	GO:000573	16	16	1.02	0.03
DHsGV100	DHsGV1000014	ENSG0000	XM_011536	10516	FBLN5	fibulin 5	GO:000155	GO:000517	GO:0005576	extracellu	7	-	-
DHsTV100	DHsTV1000010	-	-	-	-	-	-	-	-	26	29	1.09	0.12
DHsGV100	DHsGV1000056	-	-	-	-	-	-	-	-	37	34	0.93	-0.11
H30000960	H300009604	ENSG0000	XR_429332	79789	CLMN	calmin (cal	GO:000828	GO:000377	GO:0005737	cytoplasm	8	-	-
DHsGV100	DHsGV1000196	ENSG0000	NR_038958	100507412	LOC10050	uncharacte	-	-	-	-	-	-	-
AHsV1000	AHsV10000340	ENSG0000	NR_073397	619343	ERICH1-AS	ERICH1 an	-	-	-	-	-	-	-
H30001239	H300012393	ENSG0000	NM_004125	552891	DNAJC25	DNAJC25-	-	-	-	258	205	0.79	-0.33
H30001015	H300010153	ENSG0000	NM_006004	7388	UQCRRH	ubiquinol-c	GO:000611	GO:000551	GO:000573	26078	16556	0.63	-0.66
AHsV1000	AHsV10001290	ENSG0000	XM_005267	440193	CCDC88C	coiled-coil	GO:000193	GO:003016	GO:0005737	cytoplasm	6	-	-
H30002050	H300020507	ENSG0000	NM_001139	25780	RASGRP3	RAS guany	GO:000016	GO:000487	GO:000588	18	22	1.22	0.29
DHsTV100	DHsTV1000011	ENSG0000	NM_001307	55867	SLC22A11	solute carr	GO:001571	GO:000545	GO:000588	77	67	0.87	-0.20
DHsGV100	DHsGV1000301	ENSG0000	XM_011521	256646	NUTM1	NUT midlin	-	GO:000551	GO:0005634	nucleus,GO:0005737	cytoplasm	-	-

DHsGV100	DHsGV1000436	ENSG0000	NM_002076	2799	GNS	glucosamin	GO:000597	GO:000551	GO:0043202 lysosomal	3			
DHsGV100	DHsGV1000113	-	-	-	-	-	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000222	-	-	-	-	-	-	-	5	11	2.04	1.03	
DHsGV100	DHsGV1000543	-	-	-	-	-	-	-	27	28	1.01	0.01	
DHsGV100	DHsGV1000431	ENSG0000	-	-	RP4-621N	-	-	-	33	28	0.84	-0.26	
DHsGV100	DHsGV1000066	-	-	-	-	-	-	-	170	129	0.76	-0.39	
AHsV10000	AHsV10002788	ENSG0000	XM_011543	728780	ANKDD1B	ankyrin rep	GO:000716	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000284	-	-	-	-	-	-	-	4				
DHsGV100	DHsGV1000053	-	NR_033770	727758	ROCK1P1	Rho associ	-	-	246	244	0.99	-0.01	
H20001730	H200017304	ENSG0000	NM_007276	11335	CBX3	chromobox	GO:000633	GO:000551	GO:000077	4548	4056	0.89	-0.17
H30000029	H300000293	ENSG0000	NM_001688	515	ATP5F1	ATP synth	GO:001598	GO:000551	GO:000027	14037	8824	0.63	-0.67
DHsGV100	DHsGV1000010	ENSG0000	-	107075270	MTCO3P12	MT-CO3 p	-	-	-	51627	24515	0.47	-1.07
DHsGV100	DHsGV1000442	-	-	-	-	-	-	-	7				
DHsGV100	DHsGV1000217	-	-	-	-	-	-	-	4				
DHsGV100	DHsGV1000482	ENSG0000	XM_011545	9828	ARHGEF17	Rho guanin	GO:000726	GO:000508	GO:000582	22	18	0.82	-0.29
DHsGV100	DHsGV1000406	-	-	-	-	-	-	-	6				
DHsGV100	DHsGV1000003	ENSG0000	NM_003088	6624	FSCN1	fascin activ	GO:000704	GO:000377	GO:0001725 stress fib	4			
DHsGV100	DHsGV1000376	-	-	-	-	-	-	-	5				
DHsGV100	DHsGV1000282	ENSG0000	NM_001113	100134934	TEN1	TEN1 CST	GO:005197	GO:000369	GO:000078	96	98	1.02	0.03
AHsV10000	AHsV10000569	-	NM_001105	494551	WEE2	WEE1 hom	GO:000706	GO:000028	GO:0005654 nucleoplasm,GO:0005737 cytopla				
AHsV10000	AHsV10000895	ENSG0000	XM_011518	65268	WNK2	WNK lysine	GO:000646	GO:000467	GO:0005737 cytoplasm,GO:0005886 plasma m				
DHsGV100	DHsGV1000365	-	-	-	-	-	-	-	10				
AHsV10000	AHsV10000078	ENSG0000	XM_005254	90527	DUOXA1	dual oxidas	GO:001503	-	GO:0005789 endoplasm	4			
H30001594	H300015947	ENSG0000	NM_006784	10885	WDR3	WD repeat	GO:000046	GO:003051	GO:000563	157	127	0.81	-0.31
H20000072	H200000726	ENSG0000	NR_125348	10309	CCNO	cyclin O	GO:000628	GO:000484	GO:000565	624	493	0.79	-0.34
H20001707	H200017076	ENSG0000	NM_002759	5610	EIF2AK2	eukaryotic	GO:000018	GO:000372	GO:000563	190	314	1.66	0.73
H20000767	H200007674	-	XM_011514	5252	PHF1	PHD finger	GO:000635	GO:000370	GO:000563	85	92	1.09	0.12
H20000732	H200007321	ENSG0000	NM_182907	639	PRDM1	PR domain	GO:000012	GO:000097	GO:000563	55	52	0.96	-0.07
H20000755	H200007553	ENSG0000	NM_018417	55811	ADCY10	adenylate c	GO:000335	GO:000028	GO:000563	15	23	1.52	0.60
H20000094	H200000944	-	XM_005251	320	APBA1	amyloid bet	GO:000170	GO:000154	GO:000563	14	14	1.06	0.09
H20000839	H200008398	ENSG0000	NM_003008	6407	SEMG2	semenogeli	GO:001973	GO:000202	GO:0005615 extracellu	3			
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_005267	5826	ABCD4	ATP bindin	GO:000676	GO:000552	GO:000576	47	54	1.15	0.20
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_031964	83902	KRTAP17-	keratin ass	-	-	GO:000588	49	32	0.66	-0.60
opHsV0400	opHsV0400013	-	-	-	-	-	-	-	301	301	1.00	0.00	
DHsGV100	DHsGV1000196	-	NG_027811	10806	SDCCAG8	serological	GO:000008	GO:000551	GO:000581	14	14	1.04	0.05
H30000775	H300007754	ENSG0000	NM_015464	25928	SOSTDC1	sclerostin c	GO:000738	-	GO:000561	79	286	3.61	1.85
H30000120	H300001204	ENSG0000	XM_011514	4188	MDF1	MyoD famil	GO:000012	GO:000551	GO:000563	38	39	1.03	0.05
H20001213	H200012136	ENSG0000	XM_005256	1856	DVL2	dishevelled	GO:000184	GO:000510	GO:000563	41	42	1.02	0.03
H30001771	H300017719	ENSG0000	NM_004388	1486	CTBS	chitobiase	GO:000603	GO:000456	GO:000561	48	84	1.75	0.81
H20000467	H200004678	ENSG0000	XM_005250	50640	PNPLA8	patatin like	GO:000151	GO:000462	GO:000013	191	240	1.26	0.33
H20001707	H200017075	ENSG0000	NM_001256	478	ATP1A3	ATPase Na	GO:000688	GO:000539	GO:0005634 nucleus,G	7			
H20001520	H200015206	ENSG0000	XM_011521	23431	AP4E1	adaptor rel	GO:000688	-	GO:000590	84	79	0.94	-0.10
H20000815	H200008156	ENSG0000	XM_011539	22841	RAB11FIP2	RAB11 fam	GO:000309	GO:000551	GO:000565	74	102	1.39	0.47
H30002060	H300020602	ENSG0000	XM_011544	23362	PSD3	pleckstrin a	GO:003201	GO:000508	GO:0014069 postsynaptic density,GO:0030054				
H30002000	H300020001	ENSG0000	NM_004999	4646	MYO6	myosin VI	GO:000660	GO:000377	GO:000172	18	24	1.33	0.41
H30000871	H300008711	ENSG0000	NM_033386	85377	MICALL1	MICAL like	GO:000661	GO:000551	GO:000576	697	524	0.75	-0.41
H20001481	H200014815	ENSG0000	NM_000189	3099	HK2	hexokinase	GO:000167	GO:000434	GO:000574	85	63	0.74	-0.43
H20000820	H200008200	ENSG0000	NM_001184	2992	GYG1	glycogenin	GO:000597	GO:000551	GO:000582	400	387	0.97	-0.04
H30002180	H300021801	-	NM_001256	104909134	MGC57346	MGC57346	-	-	-	16	17	1.06	0.08
H30000138	H300001382	ENSG0000	NM_021724	9572	NR1D1	nuclear rec	GO:000012	GO:000097	GO:000079	24	18	0.74	-0.44
H30001221	H300012211	ENSG0000	NM_006772	8831	SYNGAP1	synaptic Re	GO:000016	GO:000509	GO:000573	37	38	1.02	0.03
H30001994	H300019943	ENSG0000	NM_001271	4784	NFIX	nuclear fac	GO:000012	GO:000367	GO:000563	79	83	1.05	0.08
H20000477	H200004771	ENSG0000	NM_005583	4066	LYL1	lymphoblas	GO:000195	GO:000097	GO:000563	391	302	0.77	-0.37
H20000856	H200008567	ENSG0000	NM_007117	7200	TRH	thyrotropin	GO:000166	GO:000518	GO:000557	41	40	0.98	-0.02
H20000305	H200003057	ENSG0000	XM_011517	3641	INSL4	insulin like	GO:000716	GO:000510	GO:000561	11	14	1.25	0.32
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_032467	444	ASPH	aspartate b	GO:000551	GO:000459	GO:000578	5	15	3.26	1.70
H20000819	H200008198	ENSG0000	NM_003089	6625	SNRNP70	small nucle	GO:000039	GO:000016	GO:000024	1538	1106	0.72	-0.48
H20000419	H200004192	ENSG0000	NM_002279	3884	KRT33B	keratin 33E	GO:000756	GO:000519	GO:000561	7	15	2.14	1.10
H20001427	H200014270	ENSG0000	NM_001127	134957	STXBP5	syntaxin bil	GO:000688	GO:000509	GO:000573	776	1097	1.41	0.50
H30002058	H300020584	ENSG0000	NM_001283	29761	USP25	ubiquitin sp	GO:000646	GO:000484	GO:000563	187	302	1.62	0.69
H30000207	H300002071	ENSG0000	NM_001145	23331	TTC28	tetratricop	GO:000706	-	GO:000092	32	35	1.10	0.14
DHsGV100	DHsGV1000210	ENSG0000	NR_132741	80319	CXXC4	CXXC finge	GO:000735	GO:000367	GO:000573	192	143	0.75	-0.42
H20002024	H200020241	ENSG0000	XM_005266	94081	SFXN1	sideroflexin	GO:003021	GO:001507	GO:000573	700	581	0.83	-0.27
H20000724	H200007242	ENSG0000	XR_950722	10229	COQ7	coenzyme	GO:000012	GO:000368	GO:000563	95	101	1.07	0.09
H20000372	H200003725	ENSG0000	XR_429299	23256	SCFD1	sec1 family	GO:000090	GO:000551	GO:000578	740	693	0.94	-0.09
H30001648	H300016484	ENSG0000	XM_011509	22926	ATF6	activating t	GO:000165	GO:000097	GO:000013	300	375	1.25	0.32
H20001478	H200014788	ENSG0000	NM_005268	2709	GJB5	gap junctio	GO:000715	-	GO:0005922 connexon complex,GO:0016021 i				
H20000141	H200001413	ENSG0000	NM_021101	9076	CLDN1	claudin 1	GO:001633	GO:000161	GO:000588	9	16	1.76	0.81
H20000698	H200006981	-	NM_021959	6992	PPP1R11	protein pho	GO:003251	GO:000486	GO:000016	145	153	1.06	0.08
H30001904	H300019040	ENSG0000	XM_011539	5328	PLAU	plasminoge	GO:000152	GO:000425	GO:000557	6	38	6.10	2.61
H30001974	H300019741	ENSG0000	NM_001199	57787	MARK4	microtubule	GO:000022	GO:000467	GO:000581	18	20	1.14	0.19
H20000661	H200006619	ENSG0000	NM_002358	4085	MAD2L1	MAD2 mito	GO:000027	GO:000551	GO:000077	2269	1906	0.84	-0.25
H30002090	H300020901	ENSG0000	NR_073377	131601	TPRA1	transmemb	GO:000662	GO:000493	GO:001602	29	34	1.14	0.19
H20001103	H200011035	ENSG0000	XM_011545	2521	FUS	FUS RNA b	GO:000039	GO:000016	GO:000563	2925	2552	0.87	-0.20
H30001464	H300014644	ENSG0000	XR_245360	8881	CDC16	cell divisio	GO:000027	GO:000551	GO:000565	1274	1457	1.14	0.19
H30000461	H300004613	ENSG0000	NM_001267	7593	MZF1	myeloid zin	GO:000012	GO:000097	GO:000563	134	139	1.04	0.06
H30000421	H300004210	ENSG0000	NM_001068	7155	TOP2B	topoisomer	GO:000071	GO:000368	GO:000079	1695	1802	1.06	0.09
H20000718	H200007189	ENSG0000	NM_024017	3219	HOXB9	homeobox	GO:000635	GO:000551	GO:000565	383	481	1.26	0.33
H20000019	H200000193	ENSG0000	NM_002049	2623	GATA1	GATA bind	GO:000012	GO:000097	GO:000563	661	451	0.68	-0.55
H20000564	H200005646	ENSG0000	XM_005258	116	ADCYAP1	adenylate c	GO:000154	GO:000505	GO:000557	8	15	1.80	0.85
H20000172	H200001725	ENSG0000	XR_934338	10014	HDAC5	histone dea	GO:000012	GO:000102	GO:000011	82	70	0.85	-0.23
H20000694	H200006947	ENSG0000	XM_011544	10714	POLD3	polymerase	GO:000027	GO:000388	GO:000563	131	126	0.96	-0.05
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_001320	260293	CYP4X1	cytochrom	GO:005511	GO:000550	GO:0005789 endoplasm	9			
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001145	200909	HTR3D	5-hydroxyt	GO:000721	GO:000488	GO:0005886 plasma m	3			
opHsV0400	opHsV0400009	ENSG0000	XM_005268	2558	GABRA5	gamma-am	GO:000166	GO:000487	GO:000588	37	39	1.04	0.05
H30002018	H300020183	ENSG0000	XM_011525	7153	TOP2A	topoisomer	GO:000027	GO:000028	GO:000022	677	787	1.16	0.22
H20000353	H200003536	ENSG0000	NM_001267	271									

H20000695	H200006956	ENSG0000	NM_000784	1593	CYP27A1	cytochrome	GO:000669	GO:000550	GO:000574	8	12	1.53	0.61
H30001673	H300016733	ENSG0000	NM_001199	5686	PSMA5	proteasome	GO:000008	GO:000429	GO:000050	4123	2503	0.61	-0.72
H30001992	H300019925	-	NM_025248	80725	SRCIN1	SRC kinase	GO:000688	GO:000551	GO:000573	32	36	1.13	0.18
H20001512	H200015123	ENSG0000	NR_073517	5296	PIK3R2	phosphoino	GO:000167	GO:000551	GO:000563	37	36	0.98	-0.03
H20000224	H200002249	ENSG0000	XM_005250	27012	KCNV1	potassium	GO:000681	GO:000525	GO:0005886	plasma m	5		
H30002018	H300020186	ENSG0000	NM_001002	5211	PFKL	phosphofru	GO:000597	GO:000387	GO:000582	77	100	1.29	0.37
H30002109	H300021099	ENSG0000	XM_011518	5090	PBX3	pre-B-cell	GO:000208	GO:000098	GO:000563	6	14	2.34	1.23
H30000826	H300008261	ENSG0000	NR_110254	132660	LIN54	lin-54 DRE	GO:000008	GO:000367	GO:000565	98	113	1.16	0.21
H30002021	H300020211	ENSG0000	NM_006845	11004	KIF2C	kinesin fam	GO:000027	GO:000377	GO:000077	1171	1162	0.99	-0.01
H30002129	H300021291	ENSG0000	NM_001302	356	FASLG	Fas ligand	GO:000012	GO:000510	GO:0005576	extracellular region,GO:0005615			
H30001910	H300019101	ENSG0000	NR_034098	24139	EML2	echinoderm	GO:000760	GO:000510	GO:000573	16	33	2.06	1.04
H30002091	H300020915	ENSG0000	NM_024046	79012	CAMKV	CaM kinase	GO:000646	GO:000467	GO:0005886	plasma m	3		
H30001773	H300017737	ENSG0000	NM_005646	6894	TARBP1	TAR (HIV-	GO:000635	GO:000372	GO:000563	110	140	1.27	0.35
H30001014	H300010148	ENSG0000	XM_011515	6100	RP9	retinitis pig	GO:000838	GO:000551	GO:000563	351	307	0.87	-0.19
H20001031	H200010310	ENSG0000	XM_011522	2072	ERCC4	excision re	GO:000071	GO:000001	GO:000010	134	108	0.81	-0.31
H30000674	H300006747	-	XM_005248	1616	DAXX	death-dom	GO:000012	GO:000203	GO:000077	1322	1191	0.90	-0.15
H30001907	H300019074	ENSG0000	XM_005249	56897	WRNIP1	Werner hel	GO:000073	GO:000367	GO:000078	347	310	0.89	-0.16
H20000562	H200005627	-	XM_011525	8148	TAF15	TATA-box	GO:004589	GO:000016	GO:000563	134	323	2.41	1.27
H20000190	H200001902	ENSG0000	NM_001074	7364	UGT2B7	UDP glucur	GO:000662	GO:000197	GO:0005789	endoplasm	7		
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_000761	1544	CYP1A2	cytochrome	GO:000670	GO:000449	GO:0005789	endoplasm	6		
H20000057	H200000579	ENSG0000	NM_001039	1134	CHRNA1	cholinergic	GO:000300	GO:000488	GO:000588	19	18	0.95	-0.08
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001025	3654	IRAK1	interleukin	GO:000018	GO:000467	GO:000563	2850	2695	0.95	-0.08
H30000332	H300003329	ENSG0000	NM_003967	9038	TAAR5	trace amin	GO:000716	GO:000493	GO:0005887	integral component of plasma me			
H30001914	H300019145	ENSG0000	NR_026909	8576	STK16	serine/thre	GO:000636	GO:000107	GO:000573	61	85	1.40	0.48
H20001498	H200014980	ENSG0000	NM_004040	388	RHOB	ras homolo	GO:000091	GO:000392	GO:0005634	nucleus,G	5		
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_004373	1337	COX6A1	cytochrome	GO:000609	GO:000412	GO:000574	7388	6382	0.86	-0.21
H20001258	H200012587	ENSG0000	NM_001271	22	ACCB7	ATP bindin	GO:000681	GO:000552	GO:000573	355	391	1.10	0.14
H20001410	H200014106	ENSG0000	XM_011536	11099	PTPN21	protein tyr	GO:000647	GO:000472	GO:0005737	cytoplasm	11		
H30000815	H300008150	ENSG0000	NM_032588	84676	TRIM63	tripartite m	GO:000693	GO:000487	GO:000563	6	11	1.80	0.85
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_011517	6788	STK3	serine/thre	GO:000184	GO:000028	GO:0005634	nucleus,G	5		
H20001608	H200016084	ENSG0000	NM_005549	3744	KCNA10	potassium	GO:000681	GO:000522	GO:000588	35	32	0.92	-0.12
H20002012	H200020126	ENSG0000	XM_011519	10062	NR1H3	nuclear rec	GO:000012	GO:000367	GO:000079	75	76	1.01	0.02
H30002103	H300021034	ENSG0000	XM_011520	4745	NELL1	neural EGF	GO:000739	GO:000550	GO:0005576	extracellular region,GO:0005635			
H30001987	H300019879	ENSG0000	NM_001316	3655	ITGA6	integrin sub	GO:000704	GO:000517	GO:0005604	basement membrane,GO:0005886			
H20000827	H200008273	-	NM_005534	3460	IFNGR2	interferon g	GO:000716	GO:000490	GO:000578	242	282	1.16	0.22
H30000533	H300005337	ENSG0000	NM_006442	10589	DRAP1	DR1 assoc	GO:000012	GO:000367	GO:000563	478	548	1.15	0.20
H20000128	H200001283	ENSG0000	NM_014856	9909	DENND4B	DENN dom	GO:003248	GO:001711	GO:000563	843	863	1.02	0.03
H20002108	H200021084	ENSG0000	NM_001302	670	BPHL	biphenyl hy	GO:000652	GO:001678	GO:000573	113	108	0.95	-0.07
H20001099	H200010996	ENSG0000	NM_001284	54984	PINX1	PIN2/TERF	GO:000700	GO:000551	GO:000022	243	232	0.96	-0.07
H20001546	H200015463	ENSG0000	NM_152476	147741	ZNF560	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus			
H20001574	H200015741	ENSG0000	XM_011524	26083	TBC1D29	TBC1 dom	-	-	-	10	14	1.36	0.44
H20000241	H200002412	ENSG0000	XM_006717	23307	FKBP15	FK506 bind	GO:000645	GO:000377	GO:000576	172	187	1.09	0.12
H20001546	H200015460	ENSG0000	NR_002601	388714	FMO6P	flavin conta	-	-	-		6		
H20000319	H200003197	ENSG0000	XM_011542	26973	CHORDC1	cysteine ar	GO:001082	GO:000551	GO:000557	1285	900	0.70	-0.51
H20001496	H200014962	-	NM_004477	2483	FRG1	FSHD regio	GO:000039	GO:000377	GO:000573	1884	1894	1.01	0.01
H20001199	H200011999	ENSG0000	NM_001317	11339	OIP5	Opa interad	GO:000633	GO:000551	GO:000077	1373	1148	0.84	-0.26
H20000132	H200001323	ENSG0000	XM_011523	56942	CMC2	C-x(9)-C n	-	-	GO:000573	1805	1765	0.98	-0.03
H20001158	H200011587	ENSG0000	NM_013403	29888	STRN4	striatin 4	GO:000815	GO:000551	GO:000015	23	26	1.15	0.20
H20000401	H200004017	ENSG0000	NM_001160	57544	TXNDC16	thioredoxin	GO:000815	GO:000551	GO:000578	32	30	0.94	-0.08
H20001253	H200012532	ENSG0000	NM_057175	80155	NAA15	N(alpha)-ac	GO:000152	GO:000459	GO:000563	226	232	1.03	0.04
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_022117	64061	TSPYL2	TSPY-like	GO:000633	GO:000018	GO:000563	177	155	0.87	-0.20
H20000724	H200007245	ENSG0000	NR_027365	83695	RHNO1	RAD9-HUS	GO:000007	GO:000551	GO:000563	334	358	1.07	0.10
H20000239	H200002392	ENSG0000	NM_017841	54949	SDHAF2	succinate d	GO:000612	GO:000551	GO:000573	788	621	0.79	-0.34
H20001640	H200016406	ENSG0000	NM_199249	84798	C19orf48	chromosom	-	-	-	651	566	0.87	-0.20
H20001010	H200010103	ENSG0000	NM_015691	55841	WWC3	WWC family	GO:000012	GO:001990	GO:000582	7	11	1.60	0.68
H20001962	H200019625	ENSG0000	NM_032822	84908	FAM136A	family with	-	-	GO:000573	897	796	0.89	-0.17
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_001004	340120	ANKRD34B	ankyrin rep	-	-	GO:0005634	nucleus,G	5		
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011536	327657	SERPINA9	serpin pept	GO:001095	GO:000486	GO:000561	55	50	0.91	-0.13
H30000161	H300001614	ENSG0000	XM_011515	154807	VKORC1L1	vitamin K e	GO:000676	GO:004705	GO:000578	420	316	0.75	-0.41
H20002120	H200021204	ENSG0000	NM_134444	147945	NLRP4	NLR family	GO:000695	GO:000552	GO:000582	44	38	0.85	-0.23
H30001011	H300010114	ENSG0000	NR_130114	113402	SFT2D1	SFT2 doma	GO:001503	-	GO:001602	2989	2788	0.93	-0.10
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_005271	91624	NEXN	nexilin (F	GO:003033	GO:000830	GO:000585	15	23	1.48	0.56
H30001994	H300019946	ENSG0000	NM_001286	29945	ANAPC4	anaphase p	GO:000027	GO:000484	GO:000563	335	354	1.06	0.08
H20000695	H200006957	ENSG0000	NM_003092	6629	SNRPB2	small nucle	GO:000039	GO:000016	GO:000565	1455	1583	1.09	0.12
H20000511	H200005116	ENSG0000	NM_013283	27430	MAT2B	methionine	GO:000655	GO:000551	GO:000562	811	733	0.90	-0.15
H20000928	H200009280	ENSG0000	NM_025231	80345	ZSCAN16	zinc finger	GO:000635	GO:000370	GO:0005634	nucleus			
H20001011	H200010117	ENSG0000	NM_152477	147929	ZNF565	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	7	14	1.93	0.95
H20000354	H200003546	ENSG0000	NM_001145	28956	LAMTOR2	late endosc	GO:000016	GO:000508	GO:000576	394	380	0.96	-0.05
H20000826	H200008264	ENSG0000	NM_001243	3069	HDLBP	high densit	GO:000686	GO:000551	GO:000563	516	566	1.10	0.13
H20001416	H200014168	ENSG0000	NM_015849	51032	CELA2B	chymotryps	GO:000650	GO:000425	GO:0005576	extracellu	3		
H20000130	H200001309	ENSG0000	XM_011519	219771	CENY	cyclin Y	GO:000008	GO:000551	GO:000030	268	272	1.02	0.02
H20001588	H200015881	ENSG0000	NM_198510	347365	ITIH6	inter-alpha	GO:001095	GO:000486	GO:0005576	extracellu	3		
H20000137	H200001378	ENSG0000	NR_033905	60625	DHX35	DEAH-box	GO:000039	GO:000400	GO:007101	148	133	0.90	-0.15
H20000148	H200001484	ENSG0000	XM_011541	64744	SMAP2	small ArfG	GO:004354	GO:000509	GO:000565	127	172	1.36	0.44
H20000101	H200001011	ENSG0000	NM_014176	29089	UBE2T	ubiquitin cd	GO:000628	GO:000368	GO:000563	2549	2338	0.92	-0.12
H30002084	H300020847	ENSG0000	NM_020205	56957	OTUD7B	OTU deubi	GO:000012	GO:000367	GO:0005634	nucleus,G	6		
H30001172	H300011722	ENSG0000	NM_018046	55109	AGGF1	angiogenic	GO:000152	GO:000367	GO:000557	76	101	1.33	0.41
H20000322	H200003229	ENSG0000	XM_005272	7564	ZNF16	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	36	29	0.81	-0.31
H20000330	H200003309	ENSG0000	XM_011545	112476	PRRT2	proline rich	GO:000960	-	GO:000588	128	98	0.76	-0.39
H20000830	H200008303	ENSG0000	NM_023945	64232	MS4A5	membrane	-	-	GO:0016021	integral c	7		
H20001581	H200015813	ENSG0000	NM_144690	147948	ZNF582	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus	10		
H20000183	H200001833	ENSG0000	NM_016305	51188	SS18L2	synovial sa	-	-	-	2726	2057	0.75	-0.41
opHsV0400	opHsV04												

H20001166	H200011661	ENSG0000	NM_001048	59286	UBL5	ubiquitin lik	GO:000039	GO:000367	GO:000563	5121	3700	0.72	-0.47
H20000500	H200005006	ENSG0000	NM_001080	92235	DUSP27	dual specif	GO:000647	GO:000813	-	53	50	0.94	-0.09
H20001534	H200015341	ENSG0000	NM_005318	3005	H1F0	H1 histone	GO:000630	GO:000551	GO:000078	5	12	2.31	1.21
H20001207	H200012070	ENSG0000	NM_198562	375341	C3orf62	chromosom	-	GO:000551	-	-	17	-	-
H20000034	H200000347	ENSG0000	NM_000055	590	BCHE	butyrylchol	GO:000761	GO:000154	GO:000576	extracellu	9	-	-
H20001013	H200010132	ENSG0000	NM_018935	56121	PCDHB15	protocadhe	GO:000715	GO:000550	GO:000588	86	66	0.76	-0.39
H20001604	H200016044	ENSG0000	NM_024014	3203	HOXA6	homeobox	GO:000635	GO:000370	GO:000563	nucleus	4	-	-
H20001590	H200015905	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
H20001550	H200015507	ENSG0000	XM_006720	51292	GMPT2	guanosine r	GO:000614	GO:000392	GO:000582	229	299	1.30	0.38
H20001697	H200016978	ENSG0000	NM_032758	84844	PHF5A	PHD finger	GO:000039	GO:000367	GO:000565	512	327	0.64	-0.65
H20000878	H200008783	ENSG0000	XM_011523	146754	DNAH2	dynein axon	GO:000153	GO:000377	GO:000585	axonemal dynein complex,GO:000	-	-	-
H20001097	H200010970	ENSG0000	XM_011544	10235	RASGRP2	RAS guany	GO:000155	GO:000508	GO:000582	27	22	0.83	-0.27
H20001156	H200011560	ENSG0000	XR_242983	51147	ING4	inhibitor of	GO:000626	GO:000371	GO:000012	96	86	0.90	-0.15
H20001634	H200016347	ENSG0000	NM_012183	27022	FOXO3	forkhead b	GO:000012	GO:000097	GO:000079	12	21	1.69	0.76
H20001361	H200013613	ENSG0000	NM_002833	5780	PTPN9	protein tyr	GO:000647	GO:000472	GO:000573	378	322	0.85	-0.23
H20001107	H200011076	ENSG0000	XM_011522	146227	BEAN1	brain expre	-	-	GO:0016021	integral c	9	-	-
H20000421	H200004210	ENSG0000	NM_015448	25911	DPCD	deleted in	GO:000335	GO:000551	GO:000563	242	184	0.76	-0.40
H20001580	H200015801	ENSG0000	NM_014587	30812	SOX8	SRY-box 8	GO:000164	GO:000097	GO:000563	6	12	2.00	1.00
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001252	407738	FAM19A1	family with	-	GO:000551	GO:000576	extracellu	7	-	-
H20000759	H200007593	ENSG0000	NM_145315	246269	LACE1	lactation el	-	GO:000551	GO:000573	105	118	1.13	0.17
H30000343	H300003432	ENSG0000	XR_945616	219623	TMEM26	transmemb	-	-	GO:0016021	integral c	8	-	-
H30000004	H300000042	ENSG0000	NM_198448	130120	REG3G	regeneratin	GO:000275	GO:003024	GO:000557	29	32	1.10	0.14
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XR_934369	125061	AFMID	arylformam	GO:000656	GO:000406	GO:000563	25	29	1.16	0.22
H20000263	H200002637	ENSG0000	XM_006719	84274	COQ5	coenzyme	GO:000674	GO:000875	GO:000573	320	352	1.10	0.14
H30000141	H300001417	ENSG0000	XM_006718	102724488	LOC10272	synaptotag	-	-	-	32	33	1.03	0.05
H20000221	H200002216	ENSG0000	NM_014570	26286	ARFGAP3	ADP ribosy	GO:000688	GO:000509	GO:000013	252	272	1.08	0.11
H20001627	H200016272	ENSG0000	NM_001007	10342	TRF	TRK-fused	GO:000688	GO:000487	GO:000013	928	684	0.74	-0.44
H20001307	H200013070	ENSG0000	NM_001280	148741	ANKRD35	ankyrin rep	-	-	-	-	3	-	-
H20001241	H200012411	ENSG0000	NM_012274	25763	HYPM	huntingtin	GO:000634	GO:000367	GO:0000790	nuclear chromatin	-	-	-
H20001283	H200012832	ENSG0000	NM_001023	388567	ZNF749	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	6	15	2.44	1.29
H20000815	H200008158	ENSG0000	XM_011514	81688	C6orf62	chromosom	GO:000815	GO:000367	GO:000562	562	647	1.15	0.20
H20000566	H200005662	ENSG0000	XM_011538	51699	VPS29	VPS29, ret	GO:000688	GO:000551	GO:000573	2212	2452	1.11	0.15
H20000558	H200005585	ENSG0000	NM_015174	23217	ZFR2	zinc finger	-	GO:000367	-	19	17	0.86	-0.21
H20001756	H200017566	ENSG0000	NM_014047	28974	C19orf53	chromosom	-	-	-	1472	1310	0.89	-0.17
H20000804	H200008043	ENSG0000	NM_003325	7290	HIRA	histone cel	GO:000164	GO:000370	GO:000079	215	547	2.54	1.34
H20001587	H200015871	-	NM_033177	7918	GPANK1	G-patch dc	-	GO:000367	-	556	455	0.82	-0.29
H20001310	H200013108	ENSG0000	NM_005220	1747	DLX3	distal-less	GO:000156	GO:000107	GO:000563	nucleus	5	-	-
H20000412	H200004124	ENSG0000	XM_011541	57095	PITHD1	PITH (C-te	-	-	GO:000563	991	983	0.99	-0.01
H20001492	H200014923	ENSG0000	NM_001146	23619	ZIM2	zinc finger,	GO:000635	GO:000367	GO:000557	13	16	1.20	0.27
H30002077	H300020779	ENSG0000	NM_001257	22806	IKZF3	IKAROS fa	GO:000635	GO:000097	GO:000563	23	24	1.02	0.03
H20000716	H200007169	ENSG0000	NM_001317	79725	THAP9	THAP dom	GO:000631	GO:000480	-	27	37	1.41	0.49
H20001891	H200018916	ENSG0000	NM_144568	90809	TMEM55B	transmemb	GO:004685	GO:003459	GO:000576	76	81	1.07	0.10
H20001229	H200012297	ENSG0000	NM_020431	57156	TMEM63C	transmemb	GO:000681	GO:000522	GO:0016021	integral c	8	-	-
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_011534	389610	XKR5	XK related	-	-	GO:001602	8	12	1.48	0.57
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001077	359948	IRF2BP2	interferon r	GO:000635	GO:004687	GO:000563	272	349	1.28	0.36
H30000836	H300008365	ENSG0000	NM_182532	199964	TMEM61	transmemb	-	-	GO:001602	10	16	1.53	0.61
H30000665	H300006659	ENSG0000	XM_006721	162461	TMEM92	transmemb	-	-	GO:001602	9	15	1.61	0.68
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001129	119395	CALHM3	calcium ho	GO:003422	GO:000526	GO:000587	integral c	4	-	-
H30000069	H300000695	ENSG0000	NM_138450	115761	ARL11	ADP ribosy	GO:000224	GO:000551	GO:000562	24	26	1.06	0.08
H20001584	H200015849	-	NM_025262	80741	LY6G5C	lymphocyte	-	-	GO:000557	11	16	1.47	0.55
H20001475	H200014750	ENSG0000	NM_001253	79924	ADM2	adrenomed	GO:000152	GO:000517	GO:000557	13	21	1.58	0.66
H20001775	H200017756	ENSG0000	NM_020365	8891	EIF2B3	eukaryotic	GO:000641	GO:000374	GO:000573	2167	1626	0.75	-0.41
H20001042	H200010424	ENSG0000	NM_001318	6620	SNCB	synuclein b	GO:000726	GO:000485	GO:000565	26	27	1.04	0.06
H30000160	H300001600	ENSG0000	-	646808	LAGE3P1	L antigen f	-	-	-	422	268	0.63	-0.66
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_002732	5568	PRKACG	protein kin	GO:000222	GO:000469	GO:000565	5	10	1.94	0.95
H30000894	H300008942	ENSG0000	NM_152401	132954	PDCL2	phosducin	GO:000861	GO:000847	GO:000573	9	27	2.88	1.52
H30000182	H300001827	ENSG0000	NM_173647	284996	RNF149	ring finger	GO:001656	GO:000827	GO:001602	160	133	0.83	-0.27
H30001734	H300017348	ENSG0000	XM_011516	7791	ZYX	zyxin	GO:000715	GO:000551	GO:000172	34	57	1.68	0.75
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_005159	70	ACTC1	actin, alpha	GO:000691	GO:000552	GO:000561	48	42	0.86	-0.21
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_138348	90268	OTULIN	OTU deubi	GO:000204	GO:000484	GO:000573	69	75	1.09	0.13
H30000724	H300007243	ENSG0000	XR_926924	221895	JAZF1	JAZF zinc	GO:000012	GO:000367	GO:000563	nucleus,GO	7	-	-
H20001930	H200019305	ENSG0000	XM_006720	79811	SLTM	SAFB like	GO:000635	GO:000016	GO:000565	764	761	1.00	-0.01
H20000374	H200003742	ENSG0000	NM_005262	2671	GFER	growth fact	GO:000662	GO:000551	GO:000557	18	25	1.42	0.50
H20000674	H200006744	ENSG0000	XM_011544	11030	RBPMS	RNA bindin	GO:000039	GO:000016	GO:000565	nucleoplasm,GO:0005737	cytopla	-	-
H20000364	H200003649	ENSG0000	NM_001197	8479	HIRIP3	HIRA intera	GO:000633	GO:000551	GO:000563	197	192	0.97	-0.04
H20000205	H200002050	ENSG0000	XM_005256	27077	B9D1	B9 protein	GO:000170	GO:000815	GO:000581	96	94	0.98	-0.04
H30000553	H300005533	ENSG0000	NM_024114	79097	TRIM48	tripartite m	-	GO:000827	GO:000562	intracellular	-	-	-
H30000646	H300006462	ENSG0000	NM_001099	149951	COMM7	COMM dom	GO:000635	GO:000551	GO:001602	329	478	1.45	0.54
H30001278	H300012787	ENSG0000	NM_001252	10769	PLK2	polo like kir	GO:000008	GO:000467	GO:0000785	chromatin,GO:0005622	intracellu	-	-
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NR_040080	285150	FLJ33534	uncharacte	-	-	-	-	8	-	-
H30001016	H300010168	ENSG0000	XM_005257	124773	C17orf64	chromosom	-	-	-	-	-	-	-
H30001021	H300010216	ENSG0000	NM_198526	374655	ZNF710	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	5	11	2.31	1.21
H30000543	H300005433	ENSG0000	NM_001001	286362	OR13C9	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:000586	plasma m	4	-	-
H30000286	H300002866	-	NR_033909	643332	ECRP	ribonucleas	-	-	-	-	7	-	-
H20001706	H200017064	ENSG0000	NM_017922	55015	PRPF39	pre-mRNA	GO:000039	GO:003062	GO:000024	86	103	1.19	0.26
H20001240	H200012402	ENSG0000	NR_027694	151649	PP2D1	protein pho	GO:000647	GO:000472	-	-	-	-	-
H30002047	H300020477	ENSG0000	XM_011512	284958	NT5DC4	5'-nucleoti	GO:001631	GO:000825	-	4	9	2.33	1.22
H20001517	H200015176	ENSG0000	NM_174945	284346	ZNF575	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	37	39	1.04	0.06
H20000427	H200004279	ENSG0000	NM_001546	3400	ID4	inhibitor of	GO:000008	GO:000108	GO:000563	nucleus,GO:0005737	cytoplasm	-	-
H30000129	H300001290	ENSG0000	XM_011515	256979	SUN3	Sad1 and L	GO:000699	GO:004349	GO:000563	nuclear e	3	-	-
H30000780	H300007807	ENSG0000	NR_028347	340286	FAM183BP	acyloxyacy	-	-	-	-	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_145175	151354	FAM84A	family with	-	-	-	5	11	2.18	1.12
H30000330	H300003303	ENSG0000	XM_011509	339479	BRINP3	BMP/retin	GO:000705	-	GO:000557	10	4	0.39	-1.37
H30000318	H300003184	ENSG0000	NM_033482	94026	POM121L2	POM121 tr	-	-	-	-	9	-	-
H30000533	H300005338	ENSG0000	NM_001039	140032	RPS4Y2	ribosomal p	GO:000641	GO:00036					

H20001571	H200015712	ENSG0000	NM_001271	85409	NKD2	naked cutic	GO:000688	GO:000550	GO:0016023	cytoplasm	6				
H20001696	H200016966	ENSG0000	XM_011538	55716	LMBR1L	limb develo	GO:000689	-	GO:000588		83	83	1.01	0.01	
H20001301	H200013016	ENSG0000	NM_001010	79822	ARHGAP28	Rho GTPase	GO:000726	GO:000509	GO:000565		6	27	4.23	2.08	
H30000110	H300001106	ENSG0000	XM_006718	79096	C11orf49	chromosom	-	GO:000551	GO:000565		355	317	0.89	-0.16	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011540	5995	RGR	retinal G pr	GO:000718	GO:000493	GO:000587	integral c	8				
H30000322	H300003223	ENSG0000	NR_104314	132001	TAMM41	TAM41 mit	GO:001602	GO:000460	GO:003131		541	630	1.16	0.22	
H30000840	H300008407	ENSG0000	NM_001001	339745	SPOPL	speckle typ	GO:001656	GO:000551	GO:000563		14	30	2.25	1.17	
H30000882	H300008820	ENSG0000	NM_203402	161247	FITM1	fat storage	GO:000865	GO:000367	GO:000578		91	85	0.93	-0.10	
H30000263	H300002636	ENSG0000	NM_001971	1990	CELA1	chymotryps	GO:000012	GO:000425	GO:0005615	extracellu	5				
H30001941	H300019416	ENSG0000	NM_022051	54583	EGLN1	egl-9 family	GO:000166	GO:000550	GO:000563		82	68	0.82	-0.28	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_199349	375616	KCP	kielin/chor	GO:003051	-	GO:000561		14	20	1.36	0.45	
H20001402	H200014022	ENSG0000	NM_018380	55794	DEAD-box	DEAD-box	GO:001050	GO:000400	GO:000563		157	119	0.76	-0.40	
H20000273	H200002738	ENSG0000	NM_016565	51287	COA4	cytochrom	GO:003361	-	GO:000575		2366	1566	0.66	-0.60	
H20000254	H200002540	ENSG0000	XM_005257	63893	UBE2O	ubiquitin cc	GO:000651	GO:000484	GO:000563		49	37	0.76	-0.39	
H20001193	H200011930	ENSG0000	XM_011521	196996	GRAMD2	GRAM dom	-	-	GO:001602		37	33	0.88	-0.18	
H20001978	H200019784	ENSG0000	NM_001318	90423	ATP6V1E2	ATPase H+	GO:000687	GO:000551	GO:000166		13	26	2.04	1.03	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001177	64283	ARHGEF28	Rho guanin	GO:000741	GO:000372	GO:0005829	cytosol,G	3				
H30000132	H300001324	ENSG0000	NM_005023	5229	PGGT1B	protein ger	GO:000828	GO:000466	GO:000595		177	212	1.20	0.26	
H30000917	H300009173	ENSG0000	NM_133467	163732	CITED4	Cbp/p300	GO:000635	GO:000110	GO:000563		18	23	1.34	0.42	
H30000366	H300003669	ENSG0000	NM_001317	147841	SPC24	SPC24, ND	GO:000027	GO:000551	GO:000077		117	95	0.81	-0.30	
H30002063	H300020634	ENSG0000	NM_001142	285367	RPUSD3	RNA pseud	GO:003111	GO:000551	GO:000573		695	644	0.93	-0.11	
H30000831	H300008313	-	-	-	-	-	-	-	-		19	24	1.28	0.35	
H30000067	H300000678	ENSG0000	XM_011536	341880	SLC35F4	solute carr	GO:000681	-	GO:001602		22	23	1.05	0.06	
H30000576	H300005769	ENSG0000	NM_173487	132321	C4orf33	chromosom	-	GO:000551	-		310	402	1.29	0.37	
H20000250	H200002503	ENSG0000	XM_006721	25970	SH2B1	SH2B adap	GO:000759	GO:000487	GO:000563		157	135	0.86	-0.21	
H20000620	H200006206	ENSG0000	NM_001242	9229	DLGAP1	discs large	GO:000726	GO:000551	GO:000557		8	12	1.46	0.55	
H20001255	H200012550	ENSG0000	NR_104242	84691	FAM71F1	family with	-	-	GO:000563		6	13	2.07	1.05	
H20001084	H200010845	ENSG0000	NM_031451	83639	TEX101	testis expr	GO:000269	-	GO:0002080	acrosoma	6				
H20001897	H200018976	ENSG0000	NM_001170	81887	LAS1L	LAS1-like,	GO:000636	GO:004482	GO:000565		502	385	0.77	-0.38	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011517	56169	GSDMC	gasdermin	GO:000815	GO:000367	GO:0005737	cytoplasm,					
H30000963	H300009630	ENSG0000	NM_001006	474343	SPIN2B	spindlin fan	GO:000691	-	GO:000563		144	104	0.72	-0.47	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_003395	7483	WNT9A	wingless-ty	GO:000709	GO:000510	GO:0005576	extracellu	4				
H30000473	H300004733	ENSG0000	NM_001014	56956	LHX9	LIM homeo	GO:000804	GO:000371	GO:0005634	nucleus					
H30000669	H300006692	ENSG0000	NM_001099	85352	KIAA1644	KIAA1644	-	-	GO:001602		4	10	2.39	1.26	
H30001952	H300019526	ENSG0000	NR_104020	79675	FASTKD1	FAST kinas	GO:000646	GO:000467	GO:000573		943	925	0.98	-0.03	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001143	59340	HRH4	histamine r	GO:000695	GO:000496	GO:0005829	cytosol,					
H30001935	H300019351	ENSG0000	XM_011544	157310	PEBP4	phosphatid	-	GO:000551	GO:0005764	lysosome,	4				
H20000924	H200009246	ENSG0000	NM_001006	90843	TCEAL8	transcripti	GO:000635	GO:000509	GO:000563		1096	965	0.88	-0.18	
H20001268	H200012680	ENSG0000	XM_011520	283254	HARBI1	harbinger t	GO:009030	GO:000451	GO:000563		105	93	0.88	-0.18	
H20001383	H200013830	ENSG0000	NR_120588	65003	MRPL11	mitochondr	GO:000002	GO:000373	GO:000574		1463	948	0.65	-0.63	
H20000097	H200000971	ENSG0000	XR_247219	9973	CCS	copper cha	GO:000030	GO:000478	GO:000561		121	114	0.94	-0.09	
H20001452	H200014520	-	NR_027259	55472	RBM12B-A	RBM12B ar	-	-	-		23	23	1.00	0.01	
H30002090	H300020908	ENSG0000	NM_152617	165918	RNF168	ring finger	GO:000072	GO:000368	GO:000015		15	36	2.42	1.28	
H30001029	H300010298	ENSG0000	NM_001318	56999	ADAMTS9	ADAM met	GO:000650	GO:000422	GO:0005578	proteinac	15				
H30000369	H300003693	ENSG0000	NM_173482	126402	CCDC105	coiled-coil	-	-	GO:007006		665	547	0.82	-0.28	
H30000652	H300006521	ENSG0000	NM_152353	125875	CLDN2	claudin dom	-	-	GO:001602		41	51	1.25	0.32	
H30000603	H300006035	ENSG0000	NM_153706	133383	SETD9	SET domai	GO:003225	GO:000816	-		111	157	1.42	0.50	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_052855	91369	ANKRD40	ankyrin rep	GO:000815	GO:000367	GO:000557		18	26	1.46	0.55	
H30000402	H300004029	ENSG0000	XM_005268	121551	BTBD11	BTB domai	GO:006039	GO:004698	GO:0016021	integral component of membrane					
H30001995	H300019954	ENSG0000	NM_001294	54545	MTMR12	myotubular	GO:005079	GO:000551	GO:000573		45	42	0.91	-0.13	
H20000585	H200005855	ENSG0000	NM_001129	26287	ANKRD2	ankyrin rep	GO:000012	GO:000368	GO:0000791	euchroma	6				
H20001495	H200014954	ENSG0000	NM_001126	60675	PROK2	prokineticir	GO:000018	GO:000166	GO:0005576	extracellu	8				
H20001889	H200018895	ENSG0000	NM_001286	79269	DCAF10	DDB1 and	GO:001656	-	GO:008000		154	159	1.03	0.05	
H20000235	H200002357	ENSG0000	NM_001277	84215	ZNF541	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0000118	histone d	10				
H30001106	H300011068	ENSG0000	NM_001080	80852	GRIP2	glutamate r	GO:000726	GO:003015	GO:000582		113	93	0.83	-0.28	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	-	-	AC004453.	-	-	-	-		13201	14709	1.11	0.16	
H30000904	H300009040	-	NM_181337	353219	KAAG1	kidney assc	GO:000695	-	GO:000557		19	21	1.11	0.15	
H30002235	H300022358	ENSG0000	XM_011542	84224	NBPF3	neuroblast	GO:190395	-	GO:000573		616	663	1.08	0.11	
H30000147	H300001475	ENSG0000	NM_175867	29947	DNMT3L	DNA (cytos	GO:000630	GO:000551	GO:0005634	nucleus,G	3				
H30001950	H300019504	ENSG0000	NM_015662	26160	IFT172	intraflagella	GO:000184	-	GO:000592		9	16	1.70	0.77	
opHsV0400	opHsV0400000	-	NM_005516	3133	HLA-E	major histo	GO:000191	GO:000510	GO:000013		87	101	1.17	0.23	
H30000251	H300002511	ENSG0000	-	-	GS1-124K	-	-	-	-		138	125	0.91	-0.14	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011537	56923	NMUR2	neuromedir	GO:000202	GO:000160	GO:0005622	intracellul	5				
H20000546	H200005469	ENSG0000	NM_001204	144348	ZNF664	zinc finger	GO:000635	GO:000097	GO:000563		248	384	1.55	0.63	
H20000245	H200002459	ENSG0000	NR_024547	8834	TMEM11	transmemb	GO:000700	GO:000367	GO:000588		265	245	0.92	-0.11	
H20001113	H200011132	ENSG0000	NM_032740	84826	SFT2D3	SFT2 doma	GO:001503	-	GO:001602		132	140	1.06	0.08	
H20001175	H200011756	ENSG0000	NR_003084	3222	HOXC5	homeobox	GO:000635	GO:000370	GO:000565		21	25	1.18	0.24	
H20000081	H200000814	ENSG0000	XM_005251	9925	ZBTB5	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563		169	147	0.87	-0.20	
H30002004	H300020041	ENSG0000	XM_011516	7458	EIF4H	eukaryotic	GO:000641	GO:000016	GO:000582		4300	4006	0.93	-0.10	
H30001862	H300018620	ENSG0000	NM_013373	29801	ZDHHC8	zinc finger	GO:000762	GO:000827	GO:000573		26	24	0.91	-0.14	
H30001919	H300019196	ENSG0000	XM_011541	63967	CLSPN	claspin	GO:000007	GO:000367	GO:000565		138	135	0.98	-0.03	
H30001954	H300019547	ENSG0000	XM_005267	6400	SEL1L	SEL1L ERA	GO:000645	GO:000551	GO:000083		33	76	2.31	1.21	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001313	387	RHOA	ras homolo	GO:000717	GO:000392	GO:000576		5439	5581	1.03	0.04	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	-	100130211	EEF1A1P2	eukaryotic	-	-	-		2680	3209	1.20	0.26	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001163	644538	SMIM10	small integr	-	-	GO:001602		139	115	0.83	-0.27	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_173080	163778	SPRR4	small prolin	GO:001814	GO:000519	GO:000153		47	46	0.97	-0.04	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	-	100130117	DDX6P2	DEAD (Asp	-	-	-		15	17	1.15	0.21	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	-	-	RP11-44N	-	-	-	-		46	40	0.88	-0.19	
H30000032	H300000324	ENSG0000	-	643300	HSPD1P1	heat shock	-	-	-		3828	3170	0.83	-0.27	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_007225	11248	NXP3	neurexophi	GO:000721	GO:000367	GO:						

H30001628	H300016281	ENSG0000	NM_198963	90957	DHX57	DEAH-box	GO:000639	GO:000400	GO:000573	94	74	0.78	-0.35
H30002233	H300022334	ENSG0000	XM_011509	115352	FCRL3	Fc recepto	-	-	GO:000588	18	19	1.05	0.07
H30001931	H300019313	ENSG0000	XM_006711	2117	ETV3	ETS varian	GO:000012	GO:000097	GO:000079	28	35	1.25	0.32
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_017958	55041	PLEKHB2	pleckstrin p	-	GO:000551	GO:0005503	955	750	0.79	-0.35
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XM_011539	57178	ZMIZ1	zinc finger	GO:000157	GO:000827	GO:000565	14	23	1.65	0.72
H30002194	H300021946	ENSG0000	XM_011519	84253	GARNL3	GTPase ac	GO:004354	GO:000509	-	-	4	-	-
H30000813	H300008134	ENSG0000	NM_001145	219855	SLC37A2	solute carr	GO:000682	GO:002285	GO:001602	320	279	0.87	-0.20
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NR_047577	259307	IL4I1	interleukin	GO:000655	GO:000171	GO:0005576	extracellu	3	-	-
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	-	28816	IGLV2-11	immunoglob	-	-	-	-	-	-	-
H30001642	H300016426	ENSG0000	NM_001318	6120	RPE	ribulose-5-	GO:000597	GO:000475	GO:000582	519	548	1.06	0.08
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_006719	341676	NEK5	NIMA relat	GO:000646	GO:000467	-	-	3	-	-
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_011516	402569	KPNA7	karyopherin	GO:000660	GO:000813	GO:0005643	nuclear pore,	GO:0005654	nucleo	-
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_080626	140707	BRI3BP	BRI3 bindin	-	-	GO:000573	168	174	1.04	0.05
H30001892	H300018921	ENSG0000	NM_006610	10747	MASP2	mannan-bir	GO:000186	GO:000185	GO:0005576	extracellu	4	-	-
H30001839	H300018396	ENSG0000	XR_950794	3683	ITGAL	integrin sub	GO:000229	GO:000551	GO:000177	31	34	1.10	0.14
H30000788	H300007885	ENSG0000	NM_207322	145741	C2CD4A	C2 calcium	-	GO:000550	GO:0005634	nucleus	-	-	-
H30000601	H300006016	ENSG0000	XM_011545	387778	SPDYC	speedy/RIN	GO:000704	GO:001990	GO:000563	37	50	1.34	0.42
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_001007	93978	CLEC6A	C-type lec	GO:000222	GO:003024	GO:0005886	plasma m	3	-	-
H30001842	H300018426	ENSG0000	NR_027673	104	ADARB1	adenosine	GO:000638	GO:000372	GO:0005634	nucleus,G	16	-	-
H30002187	H300021873	ENSG0000	NM_031246	5670	PSG2	pregnancy	GO:000756	GO:000367	GO:000557	6	13	2.27	1.18
H30000072	H300000724	ENSG0000	NM_001146	641339	ZNF674	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	35	65	1.82	0.87
H30002219	H300022195	ENSG0000	NM_001204	100534599	ISY1-RAB4	ISY1-RAB4	-	-	-	331	359	1.08	0.12
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_006718	56946	EMSY	EMSY, BRG	GO:000628	GO:000551	GO:000565	58	88	1.51	0.59
H30002056	H300020567	ENSG0000	NM_014504	27342	RABGEF1	RAB guanin	GO:000193	GO:000367	GO:000576	538	478	0.89	-0.17
H30001992	H300019926	ENSG0000	NM_001277	79782	LRR31	leucine ric	-	-	-	-	-	-	-
H30002176	H300021768	ENSG0000	NM_001291	1611	DAP	death-asso	GO:000691	GO:007051	-	590	608	1.03	0.04
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_005249	64327	LMBR1	limb develo	GO:004273	-	GO:001602	254	214	0.84	-0.25
H30002189	H300021898	ENSG0000	NM_017747	54882	ANKHD1	ankyrin rep	GO:004508	GO:000551	GO:000565	292	272	0.93	-0.10
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_011537	144453	BEST3	bestrophin	GO:000815	GO:000367	GO:0005887	integral c	3	-	-
H30001864	H300018646	ENSG0000	XM_011537	8812	CCNK	cyclin K	GO:000007	GO:000469	GO:000294	13	22	1.67	0.74
H30001636	H300016360	ENSG0000	NM_001162	57579	FAM135A	family with	GO:004425	GO:005268	-	108	107	0.99	-0.01
H30001939	H300019393	ENSG0000	XM_006716	9883	POM121	POM121 tr	GO:000027	GO:000551	GO:000563	74	58	0.78	-0.37
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_001005	283365	OR6C6	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,	GO:0016021	in	-
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_011544	25923	ATL3	atlastin GT	GO:000688	GO:000392	GO:000578	510	326	0.64	-0.65
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NR_104295	79174	CRELD2	cysteine ric	-	GO:000550	GO:000561	263	186	0.71	-0.50
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	-	-	RP11-312	-	-	-	-	13393	10353	0.77	-0.37
H30001735	H300017358	ENSG0000	NM_014508	27350	APOBEC3C	apolipoprot	GO:000997	GO:000551	GO:000563	305	327	1.07	0.10
H30000953	H300009530	ENSG0000	NR_026755	54055	CYP4F29P	cytochrom	-	-	-	-	6	-	-
H30000998	H300009984	ENSG0000	NM_001005	219965	OR5B17	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,	GO:0016021	in	-
H30000870	H300008700	ENSG0000	NM_001004	26338	OR5L2	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:000588	24	34	1.39	0.47
H30000287	H300002873	ENSG0000	NM_001199	63915	BLOC1S5	biogenesis	GO:000808	GO:000551	GO:003013	287	274	0.96	-0.07
H30001666	H300016663	ENSG0000	XR_932997	105371046	LOC10537	uncharacte	-	-	-	12	18	1.43	0.52
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001142	83985	SPNS1	spinster ho	GO:000337	GO:000551	GO:000574	199	145	0.73	-0.46
H30001531	H300015312	-	-	-	-	-	-	-	-	9	14	1.53	0.61
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001009	130074	FAM168B	family with	-	-	GO:000588	484	422	0.87	-0.20
H30000441	H300004411	ENSG0000	NM_152773	255758	TCTEX1D2	Tctex1 dor	-	GO:000551	-	206	291	1.42	0.50
H30002098	H300020982	ENSG0000	NM_153020	221662	RBM24	RNA bindin	GO:001083	GO:000016	GO:000563	104	81	0.78	-0.36
H30001885	H300018854	ENSG0000	NM_001206	5992	RFX4	regulatory	GO:000636	GO:000097	GO:0005634	nucleus	-	-	-
H30001954	H300019548	-	XR_931843	4948	OCA2	OCA2 mela	GO:000672	GO:000521	GO:000573	15	18	1.19	0.25
opHsV0400	opHsV0400009	ENSG0000	NR_047554	7335	UBE2V1	ubiquitin co	GO:000020	GO:000551	GO:000015	692	706	1.02	0.03
H30002205	H300022058	ENSG0000	NM_000826	2891	GRIA2	glutamate i	GO:000716	GO:000497	GO:0005789	endoplasmic reticulum membrane	-	-	-
H30002177	H300021779	ENSG0000	NM_006872	11036	GTF2A1L	general tra	GO:000635	GO:000367	GO:000567	44	34	0.78	-0.36
H30001875	H300018757	ENSG0000	XM_011516	64816	CYP3A43	cytochrom	GO:000680	GO:000449	GO:0005789	endoplasmic reticulum membrane	-	-	-
H30002076	H300020762	ENSG0000	XM_011509	375033	PEAR1	platelet en	GO:004365	-	GO:0001891	phagocyt	8	-	-
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_011518	389763	SPATA31D	SPATA31D	GO:000728	-	GO:0016021	integral component of membrane	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_011537	84193	SETD3	SET domai	GO:000632	GO:000110	GO:000079	142	193	1.36	0.45
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001291	147719	LYPD4	LY6/PLAU	-	-	GO:0005886	plasma m	6	-	-
H30000187	H300001870	ENSG0000	NM_021227	58505	OSTC	oligosaccha	GO:001827	GO:000457	GO:000825	2269	1662	0.73	-0.45
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NR_002185	79315	OR7E91P	olfactory re	-	-	-	-	4	-	-
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	NR_034158	255330	NUP210P1	nucleoporin	-	-	-	117	90	0.77	-0.37
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NR_046099	284757	MIR646HG	MIR646 ho	-	-	-	-	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NR_038371	401337	LINC01446	long interge	-	-	-	74	76	1.03	0.04
H30001328	H300013288	ENSG0000	XM_011523	84937	ZNRF1	zinc and rir	GO:004316	GO:000484	GO:000576	42	52	1.23	0.30
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_016427	51224	TCEB3B	transcriptid	GO:000636	GO:000367	GO:001602	27	33	1.21	0.27
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_201613	121457	IKBIP	IKBKB inte	GO:001016	GO:000551	GO:000578	70	88	1.26	0.34
H30000100	H300001009	ENSG0000	XM_006715	222962	SLC29A4	solute carr	GO:001584	GO:000533	GO:000588	122	104	0.85	-0.23
H30001722	H300017227	ENSG0000	NM_020761	57521	RPTOR	regulatory	GO:000193	GO:000103	GO:000565	20	24	1.25	0.32
H30001119	H300011193	ENSG0000	XM_006720	91833	WDR20	WD repeat	-	GO:000551	-	99	92	0.92	-0.12
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_000802	2348	FOLR1	folate rece	GO:000194	GO:000487	GO:000013	6	16	2.54	1.35
H30001992	H300019928	ENSG0000	NM_001317	83891	SNX25	sorting nex	GO:001503	GO:000367	GO:000557	136	164	1.20	0.27
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_030919	81610	FAM83D	family with	GO:000183	GO:000551	GO:000573	305	186	0.61	-0.71
H30002219	H300022190	ENSG0000	NM_212474	2335	FN1	fibronectin	GO:000152	GO:000202	GO:000557	73	146	2.01	1.01
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_147777	29907	SNX15	sorting nex	GO:000646	GO:000467	GO:000573	56	74	1.32	0.40
H30002164	H300021644	ENSG0000	NM_001172	115703	ARHGAP33	Rho GTPase	GO:000726	GO:000509	GO:000582	136	116	0.85	-0.23
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001287	100129094	BTNL10	butyrophilin	-	-	GO:001602	51	53	1.04	0.05
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011524	147183	KRT25	keratin 25,	GO:000756	GO:000367	GO:0005737	cytoplasm,	GO:0005882	intermedi	-
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_006883	6473	SHOX	short statu	GO:000150	GO:000370	GO:000563	7	10	1.46	0.54
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001031	3985	LIMK2	LIM domair	GO:000646	GO:000467	GO:000563	84	63	0.75	-0.42
opHsV0400	opHsV0400000	-	XM_003959	342850	ANKRD62	ankyrin rep	-	-	-	-	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NR_103541	619518	SSBP3-AS	SSBP3 ant	-	-	GO:000557	5	6	1.05	0.06
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	-	100130980	RPS2P35	ribosomal p	-	-	-	24490	15738	0.64	-0.64
opHsV0400	opHsV0400004	-	XM_005277	100996750	LOC10099	keratin-ass	-	-	-	822	580	0.71	-0.50
H20001421	H200014210	-	NM_005651	6999	TDO2	tryptophan	GO:000656	GO:000483	GO:0005829	cytosol	10	-	-
H30001001	H300010014	ENSG0000	NM_003156	6786	STIM1	stromal int	GO:000551	GO:000202	GO:000578	54	75	1.40	0.48
H20000523	H200005235	ENSG0000											

H20000696	H200006965	ENSG0000	NM_001300	3337	DNAJB1	DnaJ heat	GO:000698	GO:000167	GO:000563	1228	1376	1.12	0.16	
AHsV1000	AHsV10002350	ENSG0000	NM_005527	3305	HSPA1L	heat shock	GO:000698	GO:000551	GO:000219	20	37	1.81	0.86	
CHsGV100	CHsGV1000349	ENSG0000	XM_005250	3092	HIP1	huntingtin	GO:000635	GO:000377	GO:000563	4	11	2.80	1.49	
H20000239	H200002398	ENSG0000	NM_001292	3059	HCLS1	hematopoie	GO:000012	GO:000108	GO:000563	701	877	1.25	0.32	
AHsV1000	AHsV10000727	ENSG0000	NM_001510	2895	GRID2	glutamate i	GO:000681	GO:000497	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005887 in				
H30002249	H300022497	ENSG0000	NM_004489	2874	GPS2	G protein p	GO:000012	GO:000371	GO:000565	464	458	0.99	-0.02	
AHsV1000	AHsV10003238	ENSG0000	NM_001167	4292	MLH1	mutL homol	GO:000028	GO:000369	GO:000079	1213	1364	1.12	0.17	
AHsV1000	AHsV10002722	ENSG0000	NM_002358	4085	MAD2L1	MAD2 mito	GO:000027	GO:000551	GO:000077	4107	2876	0.70	-0.51	
CHsGV100	CHsGV1000355	ENSG0000	NM_005581	4059	BCAM	basal cell a	GO:000715	GO:000488	GO:000588	28	23	0.81	-0.30	
H20000679	H200006799	ENSG0000	NM_006121	3848	KRT1	keratin 1, t	GO:000186	GO:000487	GO:0005615	extracellular space,GO:0005634 r				
H20000853	H200008532	ENSG0000	NR_045762	3817	KLK2	kallikrein re	GO:000650	GO:000425	GO:0005576	extracellu	5			
H30001404	H300014049	ENSG0000	NM_006718	818	CAMK2G	calcium/cal	GO:000008	GO:000468	GO:000565	169	199	1.18	0.24	
CHsGV100	CHsGV1000064	-	NR_027910	794	CALB2	calbindin 2	GO:0005148	GO:000550	GO:000563	15	19	1.24	0.31	
AHsV1000	AHsV10002156	ENSG0000	NM_001192	608	TNFRSF17	tumor necr	GO:000225	GO:000487	GO:0005886	plasma membrane,GO:0012505 e				
H20000507	H200005073	ENSG0000	NR_104216	580	BARD1	BRCA1 ass	GO:000072	GO:000372	GO:000015	241	260	1.08	0.11	
H20000606	H200006061	ENSG0000	NM_001660	378	ARF4	ADP ribosy	GO:000647	GO:000392	GO:000579	2113	2204	1.04	0.06	
H20001551	H200015511	ENSG0000	NM_001318	360	AQP3	aquaporin 3	GO:000268	GO:000521	GO:000563	376	140	0.37	-1.42	
H30000295	H300002958	ENSG0000	NM_000214	182	JAG1	jagged 1	GO:000152	GO:000511	GO:0005576	extracellular region,GO:0005886				
H20000063	H200000638	ENSG0000	NM_000025	155	ADRB3	adrenocept	GO:000165	GO:000493	GO:0005634	nucleus,GO	10			
CHsGV100	CHsGV1000024	-	XM_011542	6920	TCEA3	transcriptid	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus				
H20000024	H200000243	-	XM_005250	6742	SSBP1	single-stra	GO:000626	GO:000368	GO:000563	5320	4335	0.81	-0.30	
H20001405	H200014058	ENSG0000	NM_003131	6722	SRF	serum resp	GO:000156	GO:000097	GO:000079	353	328	0.93	-0.10	
H30000301	H300003011	ENSG0000	XM_005256	6559	SLC12A3	solute carr	GO:000681	GO:000521	GO:0005829	cytosol,GO:0005886 plasma mem				
H30000980	H300009809	ENSG0000	NM_000343	6523	SLC5A1	solute carr	GO:000165	GO:000541	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005887 in				
H20001456	H200014567	ENSG0000	XM_005245	3570	IL6R	interleukin	GO:000238	GO:000489	GO:000557	21	30	1.40	0.48	
AHsV1000	AHsV10002599	ENSG0000	NM_001167	3556	IL1RAP	interleukin	GO:000646	GO:000487	GO:0005576	extracellu	15			
H20001623	H200016233	ENSG0000	NM_005524	3280	HES1	hes family	GO:000012	GO:000107	GO:000563	430	241	0.56	-0.83	
AHsV1000	AHsV10003471	ENSG0000	NM_021193	3238	HOXD12	homeobox	GO:000150	GO:000551	GO:0005634	nucleus,GO:0005667 transcrip				
AHsV1000	AHsV10002468	ENSG0000	NM_000183	3032	HADHB	hydroxyacy	GO:000663	GO:000385	GO:000573	2802	2743	0.98	-0.03	
H20001044	H200010448	ENSG0000	NM_006144	3001	GZMA	granzyme A	GO:000691	GO:000425	GO:0001772	immunological synapse,GO:00055				
CHsGV100	CHsGV1000136	ENSG0000	NM_005299	2853	GPR31	G protein-c	GO:000718	GO:000493	GO:000588	19	17	0.91	-0.14	
H20001451	H200014512	ENSG0000	NM_018949	2837	UTS2R	urotensin 2	GO:000310	GO:000160	GO:000576	13	17	1.37	0.45	
H20000884	H200008846	ENSG0000	XM_006715	4233	MET	MET proto-	GO:000018	GO:000471	GO:0005576	extracellu	5			
CHsGV100	CHsGV1000305	ENSG0000	XR_949926	4041	LRP5	LDL recept	GO:000170	GO:000551	GO:000573	14	20	1.35	0.43	
CHsGV100	CHsGV1000276	ENSG0000	NM_001307	4007	PRICKLE3	prickle plan	GO:000815	GO:000551	GO:000557	42	39	0.94	-0.10	
AHsV1000	AHsV10003377	ENSG0000	NM_002249	3782	KCNN3	potassium	GO:000726	GO:000551	GO:0005886	plasma m	8			
CHsGV100	CHsGV1000043	ENSG0000	XM_011524	3759	KCNJ2	potassium	GO:000681	GO:000524	GO:0005790	smooth endoplasmic reticulum,GO				
H20001621	H200016213	ENSG0000	XM_011517	767	CA8	carbonic ar	GO:000673	GO:000408	GO:000573	548	641	1.17	0.23	
H30000983	H300009837	ENSG0000	NM_001736	728	C5AR1	complemen	GO:000018	GO:000185	GO:0005829	cytosol,GO	8			
H20000063	H200000634	ENSG0000	NR_027419	554	AVPR2	arginine va	GO:000199	GO:000500	GO:000576	15	14	0.94	-0.09	
H20000644	H200006449	ENSG0000	NM_001039	529	ATP6V1E1	ATPase H+	GO:000687	GO:000551	GO:000573	2769	1851	0.67	-0.58	
AHsV1000	AHsV10002131	ENSG0000	NR_037932	100533990	APOC4-AF	APOC4-AF	-	-	-	8	13	1.66	0.73	
H20000235	H200002353	ENSG0000	NM_147173	318	NUDT2	nudix hydr	GO:000030	GO:000408	GO:000575	330	297	0.90	-0.15	
H30002086	H300020868	ENSG0000	XM_011509	134	ADORA1	adenosine	GO:000018	GO:000160	GO:000578	11	13	1.18	0.24	
AHsV1000	AHsV10002448	ENSG0000	XM_006716	114	ADCY8	adenylate d	GO:000309	GO:000401	GO:0005622	intracellular,GO:0005886 plasma				
CHsGV100	CHsGV1000316	ENSG0000	NR_121653	6875	TAF4B	TATA-box	GO:000635	GO:000367	GO:000565	110	71	0.64	-0.64	
H20000679	H200006793	ENSG0000	NM_003123	6693	SPN	sialophorin	GO:000156	GO:000488	GO:000193	157	122	0.78	-0.36	
CHsGV100	CHsGV1000007	ENSG0000	NM_006941	6663	SOX10	SRY-box 1	GO:000170	GO:000097	GO:000563	175	173	0.99	-0.02	
AHsV1000	AHsV10000637	ENSG0000	XM_011520	6506	SLC1A2	solute carr	GO:000681	GO:000531	GO:000588	26	33	1.28	0.35	
H20000686	H200006867	ENSG0000	NM_001202	6464	SHC1	SHC (Src H	GO:000016	GO:000178	GO:000563	284	324	1.14	0.19	
H20000004	H200000047	ENSG0000	NM_001313	3485	IGFBP2	insulin like	GO:000155	GO:000510	GO:000557	107	98	0.92	-0.13	
H30000664	H300006640	ENSG0000	NM_024013	3439	IFNA1	interferon,	GO:000225	GO:000512	GO:0005576	extracellu	4			
H20001268	H200012682	ENSG0000	NR_037940	100534589	HOXA10-H	HOXA10-H	-	-	-		3			
CHsGV100	CHsGV1000304	ENSG0000	NM_031157	3178	HNRNPA1	heterogene	GO:000038	GO:000016	GO:000563	22319	16767	0.75	-0.41	
H20000646	H200006464	ENSG0000	NM_001291	2983	GUCY1B3	guanylate d	GO:000618	GO:000401	GO:0005737	cytoplasm	5			
H20000564	H200005647	ENSG0000	NM_002096	2962	GTF2F1	general tra	GO:000039	GO:000367	GO:000563	432	315	0.73	-0.46	
CHsGV100	CHsGV1000329	ENSG0000	NR_048571	2823	GPM6A	glycoprotei	GO:000176	GO:000526	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021 in				
DHsGV100	DHsGV1000175	ENSG0000	XM_006721	102724164	LOC10272	uncharacte	-	-	-	57	47	0.82	-0.28	
H30000906	H300009064	ENSG0000	XM_011523	4166	CHST6	carbohydr	GO:000597	GO:000151	GO:000013	27	25	0.93	-0.10	
H20000046	H200000461	ENSG0000	NR_110296	3978	LIG1	ligase I, DN	GO:000027	GO:000367	GO:000563	370	389	1.05	0.07	
CHsGV100	CHsGV1000131	ENSG0000	XM_006719	3945	LDHB	lactate deh	GO:000597	GO:000445	GO:000573	15747	11160	0.71	-0.50	
H20000499	H200004995	ENSG0000	NM_002227	3716	JAK1	Janus kina	GO:000016	GO:000471	GO:000563	304	345	1.13	0.18	
AHsV1000	AHsV10003535	ENSG0000	NM_002215	3697	ITIH1	inter-alpha	GO:001095	GO:000486	GO:0005576	extracellular region,GO:0070062				
H20000433	H200004337	ENSG0000	NM_001211	701	BUB1B	BUB1 mito	GO:000027	GO:000467	GO:000077	781	685	0.88	-0.19	
H30000797	H300007970	ENSG0000	NM_001244	677	ZFP36L1	ZFP36 ring	GO:000028	GO:000367	GO:000563	282	280	0.99	-0.01	
H20001007	H200010071	ENSG0000	NM_001686	506	ATP5B	ATP synth	GO:000152	GO:000521	GO:000563	13892	8777	0.63	-0.66	
H30002215	H300022155	ENSG0000	NM_001042	473	RERE	arginine-glu	GO:000012	GO:000110	GO:000011	41	47	1.16	0.21	
H20000052	H200000524	ENSG0000	NM_001151	291	SLC25A4	solute carr	GO:000000	GO:000373	GO:000563	1561	1218	0.78	-0.36	
H30001905	H300019055	ENSG0000	NR_109768	262	AMD1	adenosylme	GO:000655	GO:000401	GO:000582	2112	1805	0.85	-0.23	
H20001369	H200013699	ENSG0000	NM_001105	90	ACVR1	activin A r	GO:000008	GO:000467	GO:000588	117	171	1.47	0.55	
H20000614	H200006141	ENSG0000	NM_001302	53	ACP2	acid phosph	GO:000150	GO:000178	GO:000576	128	199	1.56	0.64	
AHsV1000	AHsV10003402	ENSG0000	NM_001056	6819	SULT1C2	sulfotransf	GO:000680	GO:000551	GO:0005737	cytoplasm	4			
H20000198	H200001981	ENSG0000	NM_001278	6643	SNX2	sorting nex	GO:000688	GO:000515	GO:000573	1324	1152	0.87	-0.20	
H30002030	H300020305	ENSG0000	NM_001146	6622	SNCA	synuclein a	GO:000012	GO:000028	GO:000557	136	107	0.79	-0.34	
CHsGV100	CHsGV1000079	ENSG0000	NM_001031	6432	SRSF7	serine/argi	GO:000039	GO:000016	GO:000563	596	658	1.10	0.14	
H20000236	H200002363	ENSG0000	NM_003009	6415	SEPW1	selenoprote	GO:009886	GO:001620	GO:000573	689	575	0.83	-0.26	
H30001022	H300010220	ENSG0000	NM_002166	3398	ID2	inhibitor of	GO:000012	GO:000551	GO:000563	78	83	1.07	0.10	
H30000999	H300009992	ENSG0000	NM_001256	3358	HTR2C	5-hydroxyt	GO:000166	GO:000158	GO:0005829	cytosol,GO:0005886 plasma mem				
H20000538	H200005388	ENSG0000	NM_005518	3158	HMGCS2	3-hydroxy-	GO:000182	GO:000442	GO:000573	32	33	1.01	0.02	
AHsV1000	AHsV10000339	-	NM_002121	3115	HLA-DPB1	major histo	GO:001922	GO:004260	GO:0000139	Golgi membrane,GO:0005765 lys				
H30001494	H300014943	ENSG0000	XM_011518	2934	GSN	gelsolin	GO:000691	GO:000377	GO:000172	11	31	2.77	1.47	
H														

H30000562	H300005623	ENSG0000	NM_001203	658	BMP1B	bone morph	GO:000150	GO:000194	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005887 in				
H30001842	H300018428	ENSG0000	NM_001244	637	BID	BH3 intera	GO:000183	GO:000512	GO:000573	1521	1162	0.76	-0.39	
H30000001	H300000019	ENSG0000	NM_004316	429	ASCL1	achaete-sc	GO:000012	GO:000097	GO:0005634	nucleus,GO	7			
H30000651	H300006511	ENSG0000	NM_004311	403	ARL3	ADP ribosy	GO:000091	GO:000392	GO:000013	917	880	0.96	-0.06	
H30001852	H300018520	ENSG0000	XM_011523	224	ALDH3A2	aldehyde d	GO:000030	GO:000402	GO:0005634	nucleus,GO:0005743	mitochondri			
CHsGV100	CHsGV1000403	ENSG0000	NM_001243	208	AKT2	v-akt murin	GO:000193	GO:000467	GO:000563	218	233	1.07	0.09	
H30002145	H300021452	ENSG0000	NR_024024	30	ACAA1	acetyl-CoA	GO:000003	GO:000398	GO:000577	1304	1463	1.12	0.17	
H20000000	H200000001	ENSG0000	XM_011544	10	NAT2	N-acetyltra	GO:000680	GO:000406	GO:0005829	cytosol	6			
H30001930	H300019301	ENSG0000	NM_145644	51318	MRPL35	mitochondr	GO:000641	GO:000373	GO:000573	844	573	0.68	-0.56	
H30001924	H300019242	ENSG0000	NM_016581	51295	ECSIT	ECSIT sign	GO:002290	GO:000551	GO:000563	264	225	0.85	-0.23	
AHsV1000	AHsV10000345	ENSG0000	NM_001177	11020	IFT27	intraflagella	GO:000688	GO:000551	GO:000581	6	12	2.07	1.05	
H20001175	H200011751	ENSG0000	NM_012254	10998	SLC27A5	solute carr	GO:000003	GO:000446	GO:000578	452	261	0.58	-0.79	
AHsV1000	AHsV10000144	ENSG0000	NM_006651	10815	CPLX1	complexin	GO:000688	GO:000532	GO:0005829	cytosol,GO:0030425	dendrite,GO			
H20001727	H200017270	ENSG0000	NM_205842	10787	NCKAP1	NCK assoc	GO:000170	GO:000551	GO:000582	2182	2166	0.99	-0.01	
CHsGV100	CHsGV1000253	ENSG0000	NM_006449	10602	CDC42EP3	CDC42 effe	GO:000716	GO:000509	GO:000573	20	49	2.48	1.31	
H30001985	H300019858	ENSG0000	NM_006433	10578	GNLY	granulysin	GO:000696	-	GO:0005615	extracellular space				
H20001576	H200015769	ENSG0000	NM_001317	10425	ARIH2	ariadne RB	GO:000020	GO:000367	GO:000015	401	313	0.78	-0.36	
AHsV1000	AHsV10002964	ENSG0000	NM_006103	10406	WFDC2	WAP four-	GO:000650	GO:000486	GO:000561	18	16	0.93	-0.10	
AHsV1000	AHsV10001381	ENSG0000	XR_929838	7270	TTF1	transcripti	GO:000633	GO:000367	GO:000563	50	66	1.34	0.42	
AHsV1000	AHsV10001678	ENSG0000	NM_001251	7220	TRPC1	transient re	GO:000681	GO:000526	GO:000582	17	17	1.03	0.05	
H20001346	H200013464	ENSG0000	NM_005654	7025	NR2F1	nuclear rec	GO:000012	GO:000370	GO:0005634	nucleus,GO	5			
H20001664	H200016649	ENSG0000	NM_001142	11213	IRAK3	interleukin	GO:000196	GO:000028	GO:0005634	nucleus,GO:0005737	cytoplasm			
AHsV1000	AHsV10002040	ENSG0000	XM_006711	11189	CELF3	CUGBP, El	GO:000038	GO:000016	GO:000563	8	10	1.30	0.37	
H20001478	H200014785	ENSG0000	XR_934584	8639	AOC3	amine oxid	GO:000680	GO:000550	GO:000573	18	24	1.33	0.41	
AHsV1000	AHsV10003040	ENSG0000	XM_011515	8621	CDK13	cyclin-depe	GO:000038	GO:000467	GO:000294	143	121	0.84	-0.24	
CHsGV100	CHsGV1000035	ENSG0000	NM_021111	8434	RECK	reversion ir	GO:000195	GO:000486	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016020	m			
H20000610	H200006105	ENSG0000	NM_001128	8404	SPARCL1	SPARC like	GO:000716	GO:000550	GO:0005578	proteinaceous	extracellular matri			
AHsV1000	AHsV10003169	-	NR_037852	7919	DDX39B	DEAD-box	GO:000024	GO:000400	GO:000034	1755	1595	0.91	-0.14	
H20000609	H200006099	ENSG0000	NM_003469	7857	SCG2	secretogra	GO:000016	GO:000512	GO:000561	4	8	1.89	0.92	
AHsV1000	AHsV10003035	ENSG0000	XR_949472	7486	WRN	Werner syn	GO:000072	GO:000028	GO:000565	28	34	1.21	0.28	
CHsGV100	CHsGV1000168	ENSG0000	NM_003387	7456	WIPF1	WAS/WAS	GO:000014	GO:000377	GO:000172	25	42	1.70	0.77	
H30002196	H300021962	ENSG0000	XM_006719	4673	NAP1L1	nucleosom	GO:000626	GO:000551	GO:000563	636	538	0.85	-0.24	
CHsGV100	CHsGV1000128	ENSG0000	NM_012334	4651	MYO10	myosin X	GO:000741	GO:000551	GO:0001726	ruffle,GO:0005730	nucleolus,GO:0			
H20001174	H200011747	ENSG0000	NM_001302	4313	MMP2	matrix met	GO:000152	GO:000422	GO:0005576	extracellu	7			
CHsGV100	CHsGV100016	-	-	-	-	-	-	-	-	-	11			
CHsGV100	CHsGV1000102	-	NM_016494	51255	RNF181	ring finger	GO:000020	GO:000484	-	50	52	1.05	0.06	
AHsV1000	AHsV10000496	ENSG0000	NM_006825	10970	CKAP4	cytoskelet	GO:004426	GO:004482	GO:000578	32	33	1.02	0.03	
H20000635	H200006351	ENSG0000	NM_006808	10952	SEC61B	Sec61 tran	GO:000006	GO:000551	GO:000578	2017	1544	0.77	-0.39	
AHsV1000	AHsV10001822	ENSG0000	NM_006617	10763	NES	nestin	GO:000008	GO:000367	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005882	intermedi			
H30001105	H300011051	ENSG0000	NM_006606	10741	RBBP9	retinoblast	GO:000815	GO:000551	GO:0005634	nucleus,GO	11			
H30002166	H300021663	ENSG0000	NM_001168	10559	SLC35A1	solute carr	GO:000597	GO:000535	GO:000013	528	446	0.84	-0.24	
CHsTV100	CHsTV1000013	ENSG0000	NM_006401	10541	ANP32B	acidic nucl	GO:000194	GO:000551	GO:000563	15376	14041	0.91	-0.13	
H30002015	H300020154	ENSG0000	NM_001197	10381	TUBB3	tubulin bet	GO:000645	GO:000392	GO:000563	65	44	0.68	-0.55	
CHsGV100	CHsGV1000109	ENSG0000	NM_006072	10344	CCL26	C-C motif	GO:000193	GO:000800	GO:000561	6	4	0.79	-0.34	
H20000982	H200009823	ENSG0000	XM_011514	7172	TPMT	thiopurine	GO:000613	GO:000811	GO:000582	7	14	2.18	1.12	
AHsV1000	AHsV10001755	ENSG0000	NM_003285	7143	TNR	tenascin R	GO:000715	-	GO:0005576	extracellular region,GO:0005578				
H20000649	H200006491	ENSG0000	NR_045669	29893	PSMC3IP	PSMC3 int	GO:000631	GO:000367	GO:000557	514	405	0.79	-0.34	
H20000082	H200000821	ENSG0000	XM_005253	11171	STRAP	serine/thre	GO:000012	GO:000510	GO:000563	3678	3064	0.83	-0.26	
CHsGV100	CHsGV1000129	ENSG0000	XM_011524	11143	KAT7	lysine acet	GO:000626	GO:000370	GO:000012	130	122	0.94	-0.09	
H20000133	H200001339	ENSG0000	NM_003689	8574	AKR7A2	aldo-keto r	GO:000597	GO:000403	GO:000573	971	815	0.84	-0.25	
H20000604	H200006045	ENSG0000	XM_005254	8554	PIAS1	protein inh	GO:000012	GO:000367	GO:000563	347	267	0.77	-0.38	
H20001063	H200010635	ENSG0000	NM_003505	8321	FZD1	frizzled cla	GO:000193	GO:000493	GO:000588	41	52	1.29	0.36	
AHsV1000	AHsV10003171	ENSG0000	NM_001145	8277	TKTL1	transketola	GO:000600	GO:000480	GO:0005634	nucleus,GO:0005737	cytoplasm			
AHsV1000	AHsV10001264	ENSG0000	XM_011542	7813	EVI5	ecotropic v	GO:000704	GO:000509	GO:000563	42	41	0.98	-0.03	
H30001745	H300017454	ENSG0000	XM_011525	7756	ZNF207	zinc finger	GO:000007	GO:000367	GO:000077	1382	1123	0.81	-0.30	
H20000765	H200007652	ENSG0000	NM_007127	7429	VIL1	villin 1	GO:000195	GO:000550	GO:000172	93	68	0.72	-0.47	
H20000223	H200002231	ENSG0000	XM_011545	7405	UVRAG	UV radiatio	GO:000628	GO:000014	GO:000077	215	186	0.86	-0.21	
H20001189	H200011899	ENSG0000	XM_011523	4626	MYH8	myosin, hea	GO:000300	GO:000014	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005829	cytosol,GO			
AHsV1000	AHsV10000208	ENSG0000	XM_011517	4603	MYBL1	MYB proto	GO:000636	GO:000097	GO:000563	102	83	0.82	-0.29	
H20001741	H200017417	ENSG0000	NM_001190	4256	MGP	matrix Gla	GO:000150	GO:000520	GO:0005578	proteinac	5			
H20000251	H200002515	ENSG0000	XR_921820	51205	ACP6	acid phosph	GO:000664	GO:000399	GO:000573	7	14	2.06	1.04	
CHsTV100	CHsTV1000002	ENSG0000	NM_017639	54798	DCHS2	dachsous c	GO:000715	GO:000367	GO:0005575	cellular co	4			
H20001383	H200013831	ENSG0000	XM_006715	10926	DBF4	DBF4 zinc	GO:000008	GO:000367	GO:000565	998	867	0.87	-0.20	
H30001001	H300010011	ENSG0000	NM_001317	10904	BLCAP	bladder car	GO:000704	GO:000551	GO:001602	273	263	0.96	-0.05	
AHsV1000	AHsV10001960	-	XM_005244	10712	FAM189B	family with	GO:000815	GO:000551	GO:001602	577	555	0.96	-0.06	
AHsV1000	AHsV10001098	-	XM_011514	10665	C6orf10	chromosom	-	-	GO:0005634	nucleus,GO:0016021	integral com			
CHsGV100	CHsGV1000126	ENSG0000	XM_011523	10514	MYBBP1A	MYB bindin	GO:000164	GO:000104	GO:000563	61	49	0.80	-0.32	
H20001696	H200016969	ENSG0000	XM_005267	10484	SEC23A	Sec23 hom	GO:000247	GO:000551	GO:000013	123	130	1.06	0.08	
AHsV1000	AHsV10000519	ENSG0000	NM_006051	10307	APBB3	amyloid bet	GO:000635	GO:000154	GO:000563	101	92	0.91	-0.14	
DHsGV100	DHsGV1000116	ENSG0000	XM_006720	2972	BRF1	BRF1, RNA	GO:000635	GO:000827	GO:000012	146	131	0.89	-0.16	
H20000794	H200007941	ENSG0000	XM_011518	158427	TSTD2	thiosulfate	GO:000815	GO:000367	GO:000557	207	126	0.61	-0.71	
AHsV1000	AHsV10002476	ENSG0000	NM_006289	7094	TLN1	talin 1	GO:000257	GO:000517	GO:000172	29	44	1.52	0.61	
AHsV1000	AHsV10002759	ENSG0000	NR_024048	6901	TAZ	tafazzin	GO:000664	GO:004718	GO:000563	108	128	1.19	0.25	
CHsGV100	CHsGV1000205	ENSG0000	NM_013441	11123	RCAN3	RCAN fami	GO:000965	GO:000016	GO:000573	5	10	1.98	0.99	
CHsGV100	CHsGV1000007	ENSG0000	XM_011515	11097	NUPL2	nucleoporin	GO:000027	GO:000504	GO:000175	347	317	0.91	-0.13	
AHsV1000	AHsV10000579	ENSG0000	NM_001316	8537	BCAS1	breast carc	-	-	GO:0005737	cytoplasm	5			
AHsV1000	AHsV10002785	ENSG0000	NM_006983	8510	MMP23B	matrix met	GO:000000	GO:000422	GO:000557	74	51	0.70	-0.52	
AHsV1000	AHsV10000675	ENSG0000	NM_007098	8218	CLTCL1	clathrin hea	GO:000688	GO:000487	GO:000576	9	14	1.45	0.53	
CHsGV100	CHsGV1000044	ENSG0000	XM_011522	8131	NPRL3	NPR3-like,	GO:000328	GO:000367	GO:000557	180	162	0.90	-0.15	
H30002141	H300021416	ENSG0000	NM_021964	7707	ZNF148	zinc finger	GO:000012	GO:000097	GO:000565	164	142	0.87	-0.21	
AHsV1000	AHsV10001158	ENSG0000	NR_046282	7625	ZNF74	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000565	255	262	1.03	0.04	
CHsGV100	CHsGV1000099	ENSG0000	NM_003365	7384	UQCRC1	ubiquinol-c	GO:000611	GO						

CHsGV100	CHsGV100034	ENSG0000	XM_011536	10858	CYP46A1	cytochrom	GO:000669	GO:000550	GO:0005783	endoplasmic reticulum,GO:00057				
H20000399	H200003993	ENSG0000	NM_001291	10644	IGF2BP2	insulin like	GO:000965	GO:000016	GO:000563	30	34	1.16	0.22	
AHsV1000	AHsV10001085	ENSG0000	NM_006470	10626	TRIM16	tripartite m	GO:003252	GO:000367	GO:0005737	cytoplasm	6			
H20001672	H200016725	ENSG0000	NM_006345	10463	SLC30A9	solute carr	GO:000628	GO:000368	GO:000563	542	540	1.00	0.00	
H20000390	H200003907	ENSG0000	XM_005251	10444	ZER1	zyg-11 rela	GO:001656	GO:000484	GO:003146	6	18	3.31	1.72	
H20001315	H200013157	ENSG0000	NM_005849	10261	IGSF6	immunoglob	GO:000695	GO:000488	GO:0005887	integral component of plasma me				
H20001395	H200013951	ENSG0000	NM_001261	10241	CALCOCO	calcium bin	GO:001603	GO:000551	GO:000042	358	590	1.65	0.72	
H20000655	H200006558	ENSG0000	XM_006710	7075	TIE1	tyrosine kir	GO:000152	GO:000471	GO:0005887	integral c	7			
H20000006	H200000061	ENSG0000	XM_011518	7046	TGFBFR1	transformin	GO:000018	GO:000467	GO:000562	119	193	1.62	0.70	
H20001529	H200015298	ENSG0000	NM_006950	6853	SYN1	synapsin I	GO:000726	GO:000377	GO:0005794	Golgi apparatus,GO:0005829	cyto			
H30001216	H300012165	ENSG0000	NM_007023	11069	RAPGEF4	Rap guanin	GO:000611	GO:000508	GO:0005829	cytosol,GO:0005886	plasma mem			
CHsGV100	CHsGV1000183	ENSG0000	NM_005251	11046	SLC35D2	solute carr	GO:000597	GO:000533	GO:000013	88	126	1.43	0.52	
H30001586	H300015865	ENSG0000	NM_003609	8479	HIRIP3	HIRA intera	GO:000633	GO:000551	GO:000563	38	64	1.70	0.77	
H30002102	H300021027	ENSG0000	NM_001079	8450	CUL4B	cullin 4B	GO:000071	GO:000368	GO:000565	165	201	1.22	0.29	
H20001111	H200011113	ENSG0000	XM_011543	8065	CUL5	cullin 5	GO:000008	GO:000487	GO:000582	66	77	1.17	0.23	
AHsV1000	AHsV10002369	ENSG0000	XM_011544	7994	KAT6A	lysine acet	GO:000300	GO:000367	GO:000078	48	67	1.39	0.48	
AHsV1000	AHsV10001535	ENSG0000	XR_242100	7559	ZNF12	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	240	238	0.99	-0.01	
H20002044	H200020448	ENSG0000	NM_003405	7533	YWHAH	tyrosine 3-	GO:000202	GO:000377	GO:000573	1116	901	0.81	-0.31	
H20001156	H200011569	ENSG0000	NM_181838	7322	UBE2D2	ubiquitin co	GO:000020	GO:000484	GO:000015	34	37	1.08	0.11	
H20000222	H200002223	ENSG0000	NM_001093	7296	TXNRD1	thioredoxin	GO:000030	GO:000479	GO:000563	2157	2806	1.30	0.38	
AHsV1000	AHsV10002416	ENSG0000	NM_001315	4359	MPZ	myelin prot	GO:000726	GO:000519	GO:000576	45	40	0.89	-0.16	
H20001391	H200013910	ENSG0000	NM_002432	4332	MNDA	myeloid ce	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus,G	7			
H20001728	H200017287	ENSG0000	NM_002381	4148	MATN3	matriilin 3	GO:000150	GO:000520	GO:0005576	extracellu	6			
AHsV1000	AHsV10000329	ENSG0000	XM_011517	83481	EPPK1	epiplakin 1	GO:000815	GO:004482	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005856	cytoskele			
AHsV1000	AHsV10002542	ENSG0000	NM_054106	81050	OR5AC2	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in			
AHsV1000	AHsV10002802	ENSG0000	NM_001080	80852	GRIP2	glutamate r	GO:000726	GO:003015	GO:0005829	cytosol,GO:0005886	plasma mem			
CHsGV100	CHsGV1000323	ENSG0000	NM_025078	80148	PQLC1	PQ loop re	-	-	GO:001602	24	28	1.17	0.23	
H20000915	H200009153	ENSG0000	NM_025054	80124	VCPIP1	valosin con	GO:000706	GO:000484	GO:000573	63	95	1.49	0.58	
AHsV1000	AHsV10000049	ENSG0000	NM_024782	79840	NHEJ1	non-homol	GO:000628	GO:000367	GO:000563	22	37	1.70	0.77	
AHsV1000	AHsV10000844	ENSG0000	XM_005271	79819	WDR78	WD repeat	GO:000224	-	-	-	14			
CHsGV100	CHsGV1000216	ENSG0000	XM_011517	54801	HAUS6	HAUS augr	GO:000706	GO:000367	GO:000565	276	346	1.25	0.33	
opHsV0400	opHsV0400001	-	NM_017558	54768	HYDIN	HYDIN, axo	GO:000206	-	GO:1990718	axonemal central pair projection				
CHsGV100	CHsGV1000243	ENSG0000	NM_030761	54361	WNT4	wingless-ty	GO:000165	GO:000371	GO:000557	22	15	0.68	-0.56	
CHsGV100	CHsGV1000351	ENSG0000	NM_001100	54149	C21orf91	chromosom	-	-	-	47	86	1.81	0.86	
CHsGV100	CHsGV1000175	ENSG0000	XM_011524	51651	PTRH2	peptidyl-tR	GO:000691	GO:000404	GO:000573	1510	1277	0.85	-0.24	
AHsV1000	AHsV10002853	ENSG0000	NM_015975	51616	TAF9B	TATA-box	GO:000012	GO:000371	GO:000565	489	396	0.81	-0.30	
H20000241	H200002416	ENSG0000	NM_001008	55740	ENAH	enabled ho	GO:000184	GO:000377	GO:000172	6	4	0.72	-0.48	
CHsGV100	CHsGV1000205	ENSG0000	NM_018656	55508	SLC35E3	solute carr	GO:190126	GO:000533	GO:001602	63	60	0.95	-0.07	
H30001852	H300018527	ENSG0000	XM_011519	55388	MCM10	minichromd	GO:000008	GO:000368	GO:000563	504	404	0.80	-0.32	
H20001129	H200011296	ENSG0000	NM_018184	55207	ARL8B	ADP ribosy	GO:000704	GO:000392	GO:000573	997	1035	1.04	0.05	
H30002139	H300021391	ENSG0000	NM_018161	55191	NADSYN1	NAD synth	GO:000676	GO:000395	GO:000573	140	190	1.36	0.44	
H20000415	H200004158	ENSG0000	NM_017910	55006	TRMT61B	tRNA meth	GO:000803	GO:000551	GO:000573	193	242	1.25	0.33	
H20000444	H200004443	ENSG0000	NM_017880	54980	C2orf42	chromosom	-	GO:000551	GO:000563	54	56	1.04	0.06	
AHsV1000	AHsV10003011	ENSG0000	NM_015237	23285	KIAA1107	KIAA1107	-	-	-	-	5			
AHsV1000	AHsV10002511	ENSG0000	NM_001276	23262	PPIP5K2	diphosphoir	GO:000602	GO:000082	GO:000582	252	421	1.67	0.74	
H20001239	H200012396	ENSG0000	NM_001286	23107	MRPS27	mitochondr	GO:000699	GO:000551	GO:000573	683	639	0.93	-0.10	
CHsGV100	CHsGV1000011	ENSG0000	XM_011517	23081	KDM4C	lysine deme	GO:000632	GO:000827	GO:000079	97	103	1.07	0.10	
CHsGV100	CHsGV1000321	ENSG0000	XM_011516	22898	DENN3C	DENN dom	GO:000833	GO:001711	GO:0005622	intracellular				
CHsGV100	CHsGV1000001	ENSG0000	XM_006717	22876	INPP5F	inositol pol	GO:001489	GO:000551	GO:0005769	early endo	11			
AHsV1000	AHsV10003455	ENSG0000	NM_030976	81871	KRTAP4-6	keratin ass	-	-	GO:0045095	keratin filament				
CHsGV100	CHsGV1000015	ENSG0000	NR_135187	80763	SPX	spexin horr	GO:000308	GO:000518	GO:0005615	extracellular space,GO:0030133	t			
AHsV1000	AHsV10000311	ENSG0000	XR_929844	80709	AKNA	AT-hook tr	GO:000636	GO:000097	GO:0005634	nucleus,GO:0016020	membrane			
CHsGV100	CHsGV1000170	ENSG0000	NM_024989	80055	PGAP1	post-GPI a	GO:000650	GO:000451	GO:0005783	endoplasm	3			
CHsGV100	CHsGV1000350	ENSG0000	XM_006721	80004	ESRP2	epithelial s	GO:000639	GO:000016	GO:000563	9	13	1.41	0.49	
DHsGV100	DHsGV1000521	-	-	-	-	-	-	-	-	62	59	0.95	-0.08	
H20001140	H200011402	ENSG0000	XR_933432	79767	ELMO3	engulfment	GO:000690	GO:000551	GO:000573	37	55	1.47	0.55	
AHsV1000	AHsV10002380	-	XM_005255	54700	RRN3	RRN3 hom	GO:000170	GO:000116	GO:000563	299	332	1.11	0.15	
AHsV1000	AHsV10000693	ENSG0000	NM_019087	54622	ARL15	ADP ribosy	GO:000726	GO:000367	GO:000562	43	52	1.22	0.29	
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_033656	54014	BRWD1	bromodoma	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus,G	9			
H20000222	H200002222	ENSG0000	NM_176894	53829	P2RY13	purinergic r	GO:000719	GO:004502	GO:0005783	endoplasmic reticulum,GO:00058				
H20001148	H200011488	ENSG0000	XM_005255	51573	GDE1	glyceropho	GO:000662	GO:000888	GO:000588	531	556	1.05	0.07	
H20001428	H200014284	ENSG0000	XR_430032	51547	SIRT7	sirtuin 7	GO:000012	GO:000368	GO:000573	127	122	0.96	-0.06	
AHsV1000	AHsV10002604	ENSG0000	NM_017969	55677	IWS1	IWS1, SUP	GO:000635	GO:000367	GO:000563	140	133	0.94	-0.08	
AHsV1000	AHsV10002662	ENSG0000	NM_001306	55351	STK32B	serine/thre	GO:001810	GO:000467	GO:000562	56	44	0.78	-0.37	
H30001199	H300011995	ENSG0000	NM_018362	55327	LIN7C	lin-7 homo	GO:000201	GO:000809	GO:000573	154	172	1.11	0.15	
H20001555	H200015554	ENSG0000	NM_018138	55171	TBCCD1	TBCC dom	GO:000090	GO:000377	GO:000573	129	151	1.17	0.23	
H20000472	H200004720	ENSG0000	XM_011541	55144	LRRC8D	leucine-ric	GO:004407	GO:000522	GO:000573	188	480	2.55	1.35	
AHsV1000	AHsV10001688	ENSG0000	NM_017855	54959	ODAM	odontogeni	GO:000193	GO:000551	GO:0005576	extracellu	4			
H20001653	H200016532	ENSG0000	XR_928786	54928	IMPAD1	inositol mo	GO:000195	GO:000028	GO:000579	225	182	0.81	-0.31	
AHsV1000	AHsV10000126	ENSG0000	NM_001131	23240	KIAA0922	KIAA0922	GO:001605	-	GO:000573	18	31	1.66	0.73	
AHsV1000	AHsV10000012	ENSG0000	NM_015175	23218	NBEAL2	neurobeach	GO:000759	GO:000554	GO:0005783	endoplasm	7			
H20000771	H200007712	ENSG0000	NM_015036	23052	ENDOD1	endonuclea	GO:009030	GO:000367	GO:001602	98	125	1.27	0.35	
H20000817	H200008174	ENSG0000	NM_015016	23031	MAST3	microtubule	GO:000701	GO:000028	GO:000562	186	157	0.84	-0.24	
H30001586	H300015860	ENSG0000	XM_011539	22849	CPEB3	cytoplasmic	GO:000012	GO:000016	GO:000563	18	17	0.97	-0.04	
H20000406	H200004060	ENSG0000	NM_001164	22823	MTF2	metal resp	GO:000012	GO:000367	GO:000563	654	598	0.91	-0.13	
H30000142	H300001422	ENSG0000	NM_030928	81620	CDT1	chromatin	GO:000007	GO:000367	GO:000563	236	211	0.90	-0.16	
CHsGV100	CHsGV1000056	ENSG0000	NM_025219	80331	DNAJC5	DnaJ heat	GO:000688	GO:000194	GO:000573	26	31	1.22	0.28	
CHsGV100	CHsGV1000164	ENSG0000	NM_025196	80273	GRPEL1	GrpE like 1	GO:000645	GO:000077	GO:000563	820	524	0.64	-0.65	
CHsGV100	CHsGV1000348	ENSG0000	NM_024906	79966	SCD5	stearoyl-C	GO:000663	GO:000476	GO:0005789	endoplasm	4			
AHsV1000	AHsV10000784	ENSG0000	XM_006710	79932	KIAA0319L	KIAA0319	-	GO:000551	GO:001602	114	149	1.31	0.39	
CHsGV100	CHsGV1000088	ENSG0000	NM_001168	79735	TBC1D17	TBC1 dom	GO:000691	GO:000509	GO:000577	20	22	1.10	0.13	
DHsGV100	DHsGV1000302	-	-	-	-	-	-	-	-	-	3			
H20001332	H200013322	ENSG0000	XM_											

AHsV1000	AHsV10000690	ENSG0000	XM_011520	55297	CCDC91	coiled-coil	GO:001503	GO:004280	GO:000565	74	113	1.52	0.61
H30002248	H300022485	ENSG0000	XM_011541	55277	FGGY	FGGY carb	GO:000597	GO:000367	GO:000557	84	121	1.44	0.53
CHsGV100	CHsGV1000155	ENSG0000	NR_135121	55110	MAGOHB	mago homod	GO:000018	GO:000551	GO:003514	16	23	1.44	0.53
AHsV1000	AHsV10002322	ENSG0000	NM_018012	55083	KIF26B	kinesin fam	GO:000701	GO:000552	GO:000573	9	14	1.61	0.68
CHsGV100	CHsGV1000320	ENSG0000	NM_017766	54897	CASZ1	castor zinc	GO:000635	GO:000367	GO:0005654	3			
AHsV1000	AHsV10000377	ENSG0000	NM_138728	54879	ST7L	suppressor	GO:003030	-	GO:001602	55	73	1.33	0.41
AHsV1000	AHsV10000404	ENSG0000	XM_005251	23196	FAM120A	family with	-	GO:004482	GO:000563	3447	2999	0.87	-0.20
CHsGV100	CHsGV1000224	ENSG0000	NM_015141	23171	GPD1L	glycerol-3-	GO:000202	GO:000436	GO:000582	63	86	1.37	0.45
H20001430	H200014302	ENSG0000	NM_014999	23011	RAB21	RAB21, me	GO:000726	GO:000392	GO:000576	164	179	1.09	0.13
AHsV1000	AHsV10000601	ENSG0000	XM_011522	22980	TCF25	transcriptid	GO:000012	GO:000367	GO:000563	943	859	0.91	-0.13
H20000132	H200001327	ENSG0000	NM_007282	11342	RNF13	ring finger	GO:005186	GO:000484	GO:000013	114	110	0.97	-0.05
H20000260	H200002605	ENSG0000	XM_011537	11318	GPR182	G protein-c	GO:000166	GO:000160	GO:000562	8	12	1.41	0.50
H20000050	H200000505	ENSG0000	XM_005266	81550	TDRD3	tudor doma	GO:001656	GO:000368	GO:000563	63	59	0.95	-0.08
H30001049	H300010496	ENSG0000	NR_073514	80222	TARS2	threonyl-t	GO:000641	GO:000367	GO:000557	145	118	0.81	-0.31
CHsGV100	CHsGV1000334	ENSG0000	XM_011538	80184	CEP290	centrosom	GO:000008	GO:000551	GO:000093	20	27	1.35	0.43
H20000854	H200008542	ENSG0000	NM_024836	79894	ZNF672	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	160	130	0.81	-0.30
AHsV1000	AHsV10000284	ENSG0000	NR_033125	79868	ALG13	ALG13, UD	GO:000648	GO:000457	GO:000578	344	270	0.79	-0.35
AHsV1000	AHsV10002872	ENSG0000	NR_104020	79675	FASTKD1	FAST kinas	GO:000646	GO:000467	GO:000573	1960	1614	0.82	-0.28
DHsGV100	DHsGV1000333	-	-	-	-	-	-	-	-	112	95	0.85	-0.24
AHsV1000	AHsV10002190	ENSG0000	NM_019015	54480	CHPF2	chondroitin	GO:000597	GO:000837	GO:000013	5	20	4.12	2.04
AHsV1000	AHsV10000868	ENSG0000	NM_001164	54456	MOV10L1	Mov10 RIS	GO:000714	GO:000028	GO:0005622	intracellular,GO:0043186	P granu		
CHsGV100	CHsGV1000101	ENSG0000	NM_016327	51733	UPB1	ureidopropi	GO:000620	GO:000383	GO:0005829	cytosol,GO:0070062	extracellular		
CHsGV100	CHsGV1000106	ENSG0000	NR_134671	51693	TRAPPC2L	trafficking p	GO:000688	GO:000551	GO:000013	1094	819	0.75	-0.42
H20000284	H200002841	ENSG0000	NM_016089	51385	ZNF589	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	174	135	0.78	-0.37
AHsV1000	AHsV10002561	ENSG0000	XR_931303	51348	KLRF1	killer cell le	GO:000716	GO:000488	GO:0005886	plasma m	15		
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NR_073156	55559	HAUS7	HAUS augr	GO:000706	GO:003199	GO:000573	220	193	0.88	-0.18
CHsGV100	CHsGV1000144	ENSG0000	NM_018252	55248	TMEM206	transmemb	-	-	GO:000998	201	193	0.98	-0.03
H20000574	H200005744	ENSG0000	XM_011520	55226	NAT10	N-acetyltra	GO:000636	GO:000551	GO:000078	937	812	0.87	-0.21
H20000177	H200001772	ENSG0000	XR_934496	55062	WIPI1	WD repeat	GO:000004	GO:000510	GO:000013	89	109	1.23	0.29
H20000728	H200007282	ENSG0000	NM_017947	55034	MOCOS	molybdenur	GO:000676	GO:000551	GO:000557	220	313	1.42	0.51
CHsGV100	CHsGV1000024	ENSG0000	NM_017708	54854	FAM83E	family with	-	GO:001990	-		6		
DHsGV100	DHsGV1000178	-	-	-	-	-	-	-	-				
H20001068	H200010685	ENSG0000	NM_015124	23151	GRAMD4	GRAM dom	GO:000691	-	GO:001602	75	69	0.92	-0.12
H20001139	H200011394	ENSG0000	XM_011524	23131	GPATCH8	G-patch dd	GO:000815	GO:000551	GO:000557	116	139	1.20	0.26
AHsV1000	AHsV10001488	-	NR_034146	22933	SIRT2	sirtuin 2	GO:000012	GO:000368	GO:000078	109	112	1.03	0.04
CHsGV100	CHsGV1000126	ENSG0000	XM_011544	22917	ZP1	zona pelluc	GO:000733	-	GO:000557	23	21	0.94	-0.09
H20001241	H200012412	ENSG0000	NM_007246	11275	KLHL2	kelch like f	GO:001656	GO:000377	GO:000172	42	78	1.85	0.89
AHsV1000	AHsV10000273	-	NM_007226	11249	NXP2	neurexophi	GO:000721	GO:000367	GO:0005576	extracellu	7		
DHsGV100	DHsGV1000009	-	-	-	-	-	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000326	-	-	-	-	-	-	-	-	7	12	1.57	0.65
DHsGV100	DHsGV1000555	-	-	-	-	-	-	-	-				
AHsV1000	AHsV10003069	ENSG0000	NM_001145	731220	RFX8	RFX family	GO:000635	GO:000097	GO:0005634	nucleus			
AHsV1000	AHsV10000887	ENSG0000	NM_001086	284184	C17orf89	chromosom	-	-	GO:000573	2062	1640	0.80	-0.33
DHsGV100	DHsGV1000394	ENSG0000	XR_934447	284067	C17orf105	chromosom	-	-	-				
AHsV1000	AHsV10003467	ENSG0000	XM_005251	257019	FRMD3	FERM dom	-	GO:000809	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005856	cytoskele		
AHsV1000	AHsV10001049	ENSG0000	XM_011518	256158	HMCN2	hemiceitin	GO:005089	GO:000550	GO:0005578	proteinac	3		
DHsGV100	DHsGV1000118	ENSG0000	NM_001135	221710	SMIM13	small integr	-	-	GO:001602	180	171	0.95	-0.07
H30000651	H300006516	ENSG0000	NM_001271	221424	LRRC73	leucine rich	-	-	-				
AHsV1000	AHsV10000931	ENSG0000	XR_933932	201255	LRRC45	leucine rich	-	GO:000551	GO:000565	12	21	1.74	0.80
H20000729	H200007291	ENSG0000	NM_015040	200576	PIKFYVE	phosphoino	GO:000664	GO:000028	GO:000013	211	286	1.36	0.44
H20000647	H200006472	ENSG0000	XM_011515	83637	ZMIZ2	zinc finger	GO:000635	GO:000551	GO:000563	47	37	0.78	-0.35
CHsGV100	CHsGV1000025	-	NM_001005	343173	OR2T3	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:000588	88	77	0.88	-0.19
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	-	100506736	SLFN12L	schlafen fa	-	GO:000552	GO:0016021	integral component of membrane			
AHsV1000	AHsV10001489	ENSG0000	NM_173083	286826	LIN9	lin-9 DREA	GO:000008	GO:000551	GO:000565	169	249	1.48	0.56
CHsGV100	CHsGV1000284	ENSG0000	XR_928320	286151	FBOX43	F-box prot	GO:000708	GO:004687	GO:0005634	nucleus			
CHsGV100	CHsGV1000286	ENSG0000	XR_242607	92399	MRRF	mitochondr	GO:000699	GO:004302	GO:000573	349	267	0.77	-0.38
AHsV1000	AHsV10000682	ENSG0000	NM_138382	92129	RIPPLY1	rippy trans	GO:000012	GO:000551	GO:000563	12	15	1.25	0.32
AHsV1000	AHsV10002745	ENSG0000	NM_130446	89857	KLHL6	kelch like f	GO:000246	GO:000551	-	18	23	1.32	0.40
H20001979	H200019795	ENSG0000	XM_011517	85481	PSKH2	protein ser	GO:000646	GO:000467	-	28	33	1.18	0.24
AHsV1000	AHsV10003487	ENSG0000	XM_011520	84867	PTPN5	protein tyr	GO:000193	GO:000178	GO:0005789	endoplasmic reticulum membrane			
CHsGV100	CHsGV100028	ENSG0000	NM_032701	84787	KMT5C	lysine meth	GO:000635	GO:000551	GO:000078	17	19	1.09	0.12
CHsGV100	CHsGV1000326	ENSG0000	NR_134466	84270	CARD19	cardiomyoc	GO:004312	GO:005070	GO:000563	122	107	0.88	-0.19
AHsV1000	AHsV10003444	ENSG0000	NM_032279	84239	ATP13A4	ATPase 13	GO:000687	GO:000552	GO:0005789	endoplasmic reticulum membrane			
AHsV1000	AHsV10001237	ENSG0000	XM_011521	55757	UGGT2	UDP-gluco	GO:000645	GO:000398	GO:000578	19	55	2.96	1.56
DHsGV100	DHsGV1000508	-	NG_016716	5613	PRKX	protein kin	GO:000152	GO:000469	GO:000563	22	29	1.32	0.40
DHsGV100	DHsGV1000055	-	-	-	-	-	-	-	-	19	22	1.16	0.21
DHsGV100	DHsGV1000235	-	-	-	-	-	-	-	-	18	17	0.98	-0.02
DHsGV100	DHsGV1000367	ENSG0000	NM_001195	730159	LOC73015	uncharacte	-	-	-		3		
CHsGV100	CHsGV1000386	ENSG0000	NM_203373	283807	FBXL22	F-box and	GO:001656	GO:006163	GO:0030018	Z disc			
H20001203	H200012039	ENSG0000	XM_005266	283537	SLC46A3	solute carr	GO:000815	GO:000367	GO:0016021	integral c	6		
CHsGV100	CHsGV1000160	ENSG0000	XM_011539	54777	CFAP46	cilia and fla	GO:000650	GO:000823	GO:0005634	nucleus,GO:0005856	cytoskeleto		
CHsGV100	CHsGV1000343	ENSG0000	NM_173570	254887	ZDHHC23	zinc finger	GO:001834	GO:000827	GO:001602	198	167	0.84	-0.24
H30000887	H300008872	ENSG0000	NM_001142	29070	CCDC113	coiled-coil	GO:004238	GO:000551	GO:0005654	nucleopla	3		
AHsV1000	AHsV10000091	ENSG0000	NM_173557	220441	RNF152	ring finger	GO:000691	GO:000484	GO:0005764	lysosome,GO:0005765	lysosomal		
AHsV1000	AHsV10002195	ENSG0000	NM_001010	199953	TMEM201	transmemb	GO:000709	GO:000552	GO:000563	37	30	0.80	-0.33
CHsGV100	CHsGV1000396	ENSG0000	NM_001214	197407	ZNF48	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	13	19	1.51	0.60
H20001116	H200011169	ENSG0000	NM_031283	83439	TCF7L1	transcriptid	GO:000632	GO:000367	GO:0005634	nucleus,GO:0005654	nucleoplasm		
AHsV1000	AHsV10002243	ENSG0000	XM_011519	340895	MALRD1	MAM and L	GO:004263	-	GO:0005737	cytoplasm,GO:0016021	integral c		
AHsV1000	AHsV10003100	ENSG0000	XM_011515	340267	COL28A1	collagen ty	GO:000715	GO:000486	GO:0005576	extracellular region,GO:0005581			
opHsV0400	opHsV0400011	ENSG0000	NM_001012	285704	RGMB	repulsive g	GO:000715	GO:001502	GO:0005793	endoplasmic reticulum-Golgi inte			
DHsGV100	DHsGV1000075	ENSG0000	NR_037863	285484	LOC28548	uncharacte	-	-	-	27	29	1.05	0.07
H20002110	H200021106	ENSG0000	NM_001024	91750	LIN52	lin-52 DRE	GO:000008	-	GO:000565	131	131	0.99	-0.01
AHsV1000	AHsV10003181	ENSG0000	NM_001243	91408	BTF3L4	basic trans	-	GO:000551	-	476	509	1.07	0.10
H30001402	H300014029	ENSG0000	NM_001271	85409	NKD2	naked cutic	GO:000688	GO:000550	GO:001602	20	24	1.20	0.26
AHsV1000	AHsV10001073	ENSG0000	NM_033185	85293	KRTAP3-3	keratin ass	-	GO:000519	GO:0045095	keratin filament			
AHsV1000	AHsV10000555	ENSG0000	XM_011538	84698	C								

H20000145	H200001459	ENSG0000	NM_018085	55705	IPO9	importin 9	GO:000660	GO:000551	GO:000563	434	519	1.20	0.26
DHsGV100	DHsGV1000513	ENSG0000	NG_034069	100128127	ADGRA1	adhesion G	-	-	-	-	6	-	-
DHsGV100	DHsGV1000079	ENSG0000	NG_012872	2934	GSN	gelsolin	GO:000691	GO:000377	GO:0001726	ruffle,GO:0002102	podosome,GO	-	-
DHsGV100	DHsGV1000181	-	-	-	-	-	-	-	-	24	27	1.14	0.19
DHsGV100	DHsGV1000091	ENSG0000	NG_016236	101929768	OSMR-AS	OSMR anti	-	-	-	-	7	-	-
CHsGV100	CHsGV1000012	ENSG0000	NM_207344	283377	SPRYD4	SPRY dom	GO:000815	GO:000367	GO:000563	80	72	0.90	-0.16
CHsGV100	CHsGV1000109	ENSG0000	XM_005273	283129	C11orf85	chromosom	GO:000712	GO:000367	GO:0000784	nuclear c	3	-	-
CHsGV100	CHsGV1000363	ENSG0000	XM_011545	253980	KCTD13	potassium	GO:000626	GO:000484	GO:000565	754	645	0.85	-0.23
AHsV1000	AHsV10002751	ENSG0000	XM_011509	252839	TMEM9	transmemb	GO:000681	GO:000367	GO:000576	487	447	0.92	-0.12
CHsGV100	CHsGV1000095	ENSG0000	XR_945625	219793	TBATA	thymus, bra	GO:000727	-	GO:000563	12	15	1.20	0.26
CHsGV100	CHsGV100001	ENSG0000	XM_006715	219285	SAMD9L	sterile alph	GO:000224	-	GO:0005769	early endosome	-	-	-
AHsV1000	AHsV10002101	ENSG0000	NR_109765	196743	PAOX	polyamine d	GO:000659	GO:000510	GO:000578	57	52	0.92	-0.12
DHsGV100	DHsGV1000002	-	-	-	-	-	-	-	-	35	30	0.84	-0.25
H20000801	H200008018	ENSG0000	NM_030952	81788	NUAK2	NUAK fami	GO:000646	GO:000028	GO:0005737	cytoplasm	10	-	-
AHsV1000	AHsV10000591	ENSG0000	NM_181426	339829	CCDC39	coiled-coil	GO:000194	-	GO:0005856	cytoskeleton,GO:0005930	axonem	-	-
CHsGV100	CHsGV1000033	ENSG0000	NM_213604	339366	ADAMTSL5	ADAMTS li	GO:000650	GO:000422	GO:000152	54	49	0.92	-0.11
CHsGV100	CHsGV1000373	ENSG0000	NM_198483	285180	RUFY4	RUN and F	-	GO:000551	-	-	-	-	-
H30001890	H300018909	ENSG0000	NM_024407	374291	NDUF57	NADH:ubiq	GO:000612	GO:000202	GO:000574	702	549	0.78	-0.36
AHsV1000	AHsV10003179	ENSG0000	NM_001164	91156	IGFN1	immunoglob	GO:000815	GO:000551	GO:000563	13	17	1.31	0.39
AHsV1000	AHsV10002747	ENSG0000	XM_011542	90874	ZNF697	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000557	70	153	2.18	1.12
AHsV1000	AHsV10000557	ENSG0000	NM_001145	84991	RBM17	RNA bindin	GO:000038	GO:000016	GO:000568	1009	907	0.90	-0.15
CHsGV100	CHsGV1000167	ENSG0000	XM_005274	84957	RELT	RELT tumo	GO:000695	GO:000503	GO:000573	46	53	1.15	0.20
H20001009	H200010099	ENSG0000	NM_001195	84619	ZGPAT	zinc finger	GO:000012	GO:000097	GO:000563	65	50	0.77	-0.37
AHsV1000	AHsV10001153	ENSG0000	NM_032453	84503	ZNF527	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus	6	-	-
CHsGV100	CHsGV1000009	ENSG0000	NR_037580	84065	TMEM222	transmemb	-	-	GO:001602	257	233	0.91	-0.14
DHsGV100	DHsGV1000512	-	-	-	-	-	-	-	-	14	15	1.08	0.12
H20000838	H200008380	ENSG0000	NM_017817	55647	RAB20	RAB20, me	GO:000726	GO:000552	GO:000579	56	68	1.21	0.27
DHsGV100	DHsGV1000500	-	-	-	-	-	-	-	-	63	59	0.93	-0.10
opHsV0400	opHsV0400012	ENSG0000	NM_001103	100125288	ZGLP1	zinc finger,	GO:000012	GO:000097	GO:000563	18	19	1.05	0.08
DHsGV100	DHsGV1000522	-	XR_244739	729870	LOC729870	serine/argi	-	-	-	9	12	1.32	0.40
DHsGV100	DHsGV1000145	ENSG0000	-	-	AC012363	-	-	-	-	27	26	0.98	-0.02
AHsV1000	AHsV10000031	ENSG0000	NM_153487	266727	MDGA1	MAM doma	GO:000176	GO:000367	GO:000561	172	139	0.81	-0.31
AHsV1000	AHsV10003409	ENSG0000	NM_001003	259215	LY6G6F	lymphocyte	-	-	GO:0005886	plasma m	6	-	-
AHsV1000	AHsV10002626	ENSG0000	XM_011515	223082	ZNRF2	zinc and rir	GO:001656	GO:000827	GO:000573	25	35	1.36	0.44
H30001699	H300016992	ENSG0000	XM_011515	222256	CDHR3	cadherin re	GO:000715	GO:000161	GO:0005886	plasma m	5	-	-
AHsV1000	AHsV10000957	ENSG0000	NM_001017	203413	CT83	cancer/tes	-	-	GO:0005634	nucleus,GO:0005886	plasma mem	-	-
DHsGV100	DHsGV1000266	ENSG0000	NM_020340	57221	ARFGEF3	ARFGEF fa	GO:001092	GO:000508	GO:001602	11	12	1.09	0.13
AHsV1000	AHsV10002914	ENSG0000	NM_130902	170712	COX7B2	cytochrom	GO:190260	GO:000412	GO:0005739	mitochond	3	-	-
CHsGV100	CHsGV100009	ENSG0000	NM_001297	170082	TCEANC	transcriptid	GO:000635	GO:000367	GO:000563	14	22	1.62	0.70
CHsGV100	CHsGV1000075	ENSG0000	NM_001130	81575	APOLD1	apolipoprot	GO:000152	GO:000828	GO:000557	8	15	2.00	1.00
DHsGV100	DHsGV1000205	ENSG0000	NR_036447	339044	PKD1P1	polycystin	-	-	-	78	63	0.80	-0.32
AHsV1000	AHsV10000539	ENSG0000	XM_011520	338339	CLEC4D	C-type lec	GO:000222	GO:003024	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in	-	-
DHsGV100	DHsGV100039	ENSG0000	NM_001194	388630	TRABD2B	TraB doma	GO:000650	GO:000422	GO:000588	16	17	1.04	0.05
CHsGV100	CHsGV100033	ENSG0000	NM_001199	284370	ZNF615	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus	6	-	-
H30000039	H300000396	ENSG0000	NM_052850	90480	GADD45G1	GADD45G	GO:000699	GO:000551	GO:000563	1111	954	0.86	-0.22
CHsGV100	CHsGV1000144	ENSG0000	NM_001134	90102	PHLDB2	pleckstrin P	GO:000022	GO:000551	GO:0005737	cytoplasm	3	-	-
H20000314	H200003143	ENSG0000	NR_028074	84932	RAB2B	RAB2B, me	GO:000726	GO:000551	GO:000013	207	219	1.06	0.08
AHsV1000	AHsV10003275	ENSG0000	NM_032818	84904	ARHGEF39	Rho guanin	GO:003033	GO:000508	GO:000588	9	15	1.67	0.74
CHsGV100	CHsGV1000338	ENSG0000	NM_001303	84440	RAB11FIP4	RAB11 fam	GO:000091	GO:000550	GO:000561	25	27	1.08	0.12
AHsV1000	AHsV10002874	ENSG0000	NR_104471	84317	CCDC115	coiled-coil	-	-	GO:000576	702	739	1.05	0.07
H30000283	H300002837	ENSG0000	XM_011522	83886	PRSS27	protease, s	GO:000650	GO:000425	GO:000557	77	63	0.81	-0.30
DHsGV100	DHsGV1000552	-	-	-	-	-	-	-	-	5	11	2.16	1.11
AHsV1000	AHsV10000219	ENSG0000	XM_011514	55604	LRRC16A	leucine rich	GO:000701	GO:000551	GO:0005634	nucleus,GO:0005737	cytoplasm,C	-	-
H20000124	H200001244	ENSG0000	NM_183377	740	ASIC2	acid sensin	GO:000302	GO:000551	GO:000588	14	17	1.19	0.25
DHsGV100	DHsGV1000462	-	-	-	-	-	-	-	-	7	11	1.55	0.64
DHsGV100	DHsGV1000438	-	XR_936133	105372488	LOC105372	uncharacte	-	-	-	7	13	1.84	0.88
DHsGV100	DHsGV1000458	-	-	-	-	-	-	-	-	-	6	-	-
DHsGV100	DHsGV1000110	-	NG_029844	23254	KAZN	kazrin, peri	GO:003142	GO:000551	GO:0001533	cornified	4	-	-
DHsGV100	DHsGV1000048	-	-	-	-	-	-	-	-	18	20	1.07	0.10
DHsGV100	DHsGV1000015	ENSG0000	-	55661	DDX27	DEAD (Asp	GO:000636	GO:000400	GO:000573	36	36	1.01	0.01
DHsGV100	DHsGV1000567	-	-	-	-	-	-	-	-	6	7	1.32	0.40
DHsGV100	DHsGV1000226	-	-	-	-	-	-	-	-	58	53	0.91	-0.14
DHsGV100	DHsGV1000074	ENSG0000	-	-	RP11-685A	-	-	-	-	28	26	0.94	-0.09
DHsGV100	DHsGV1000484	-	-	-	-	-	-	-	-	10	11	1.15	0.20
DHsGV100	DHsGV1000095	ENSG0000	NR_120499	100129407	LINC00684	long interge	-	-	-	11	18	1.58	0.66
H20001243	H200012439	ENSG0000	NM_001024	100129271	C1orf68	chromosom	GO:000854	GO:000367	GO:000153	11	13	1.23	0.30
DHsGV100	DHsGV1000263	-	-	-	-	-	-	-	-	68	53	0.79	-0.34
H20000392	H200003921	ENSG0000	XM_011525	79665	DHX40	DEAH-box	GO:000639	GO:000400	GO:000573	220	183	0.83	-0.26
DHsGV100	DHsGV1000182	ENSG0000	NR_104473	56940	DUSP22	dual specif	GO:000012	GO:000472	GO:000563	92	96	1.04	0.05
H20000880	H200008806	ENSG0000	NM_000064	718	C3	complemen	GO:000179	GO:000486	GO:000557	8	12	1.61	0.68
DHsGV100	DHsGV1000092	-	-	-	-	-	-	-	-	5	7	1.44	0.53
DHsGV100	DHsGV1000515	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000127	-	-	-	-	-	-	-	-	-	4	-	-
DHsGV100	DHsGV1000237	-	-	-	-	-	-	-	-	25	27	1.08	0.10
DHsGV100	DHsGV1000218	ENSG0000	NR_034114	100288123	LOC100288	uncharacte	-	-	-	16	19	1.24	0.31
DHsGV100	DHsGV1000174	ENSG0000	NR_036499	389043	LINC01120	long interge	-	-	-	25	21	0.82	-0.28
DHsGV100	DHsGV1000308	ENSG0000	NM_001287	388780	LOC388780	uncharacte	-	-	-	-	3	-	-
AHsV1000	AHsV10000923	ENSG0000	NM_198546	374955	SPATA21	spermatoge	-	GO:000550	-	-	5	-	-
AHsV1000	AHsV10001626	ENSG0000	XM_011538	374462	PTPRQ	protein tyr	GO:003533	GO:000472	GO:0016021	integral component of membrane	-	-	-
H30000878	H300008781	ENSG0000	NM_006886	514	ATP5E	ATP synth	GO:002290	GO:001688	GO:000027	983	553	0.56	-0.83
DHsGV100	DHsGV1000114	-	-	-	-	-	-	-	-	24	23	0.93	-0.10
DHsGV100	DHsGV1000425	-	-	-	-	-	-	-	-	-	3	-	-
DHsGV100	DHsGV1000016	ENSG0000	-	9518	GDF15	growth diff	GO:000716	GO:000512	GO:000557	6	10	1.75	0.81
DHsGV100	DHsGV1000082	ENSG0000	XM_011538	80324	PUS1	pseudourid	GO:000640	GO:000473	GO:000079	45	44	0.98	-0.03
DHsGV100	DHsGV1000256	-	-	-	-	-	-	-	-	65	64	0.98	-0.02
DHsGV100	DHsGV1000137	-	-	-	-	-	-	-	-	12	20	1.61	0.68
DHsGV100	DHsGV1000251	-	-	-	-	-	-	-	-	19	18	0.94	-0.09
DHsGV100	DHsGV1000030	ENSG0000	-	4691	NCL	nucleolin	GO:000152	GO:000016	GO:0001650	fibrillar ce	9	-	-
DHsGV100	DHsGV1000372	-	XR_939163	105377399	LOC105377	uncharacte	-	-	-	-	-	-	-

H30001987	H300019878	ENSG0000	XM_006711	2104	ESRRG	estrogen re	GO:000635	GO:000097	GO:0005654	nucleoplasm					
DHsGV100	DHsGV100001	ENSG0000	-	-	RP11-384L	-	-	-	-	-	7				
DHsGV100	DHsGV1000103	-	XM_011517	100129098	LOC10012	serine/argi	-	-	-	-					
DHsGV100	DHsGV1000142	-	-	-	-	-	-	-	-	-	6	5	0.94	-0.10	
DHsGV100	DHsGV1000009	-	-	-	-	-	-	-	-	-	8	11	1.42	0.50	
H20000170	H200001706	ENSG0000	XM_005245	57134	MAN1C1	mannosidas	GO:000648	GO:000457	GO:0000139	Golgi membrane,GO:0005783 end					
DHsGV100	DHsGV1000098	ENSG0000	-	-	RP11-403E	-	-	-	-	-	19	25	1.30	0.38	
DHsGV100	DHsGV1000495	ENSG0000	NG_009209	-	RP11-152F	-	-	-	-	-	101	93	0.92	-0.12	
DHsGV100	DHsGV1000455	-	NG_016131	1490	CTGF	connective	GO:000150	GO:000196	GO:000557	-	11	19	1.74	0.80	
DHsGV100	DHsGV1000347	-	-	-	-	-	-	-	-	-	5	13	2.50	1.32	
DHsGV100	DHsGV1000052	-	-	-	-	-	-	-	-	-	12	14	1.20	0.26	
DHsGV100	DHsGV1000520	-	-	-	-	-	-	-	-	-	14	15	1.14	0.19	
CHsGV100	CHsGV1000242	ENSG0000	NM_001010	388585	HES5	hes family	GO:000012	GO:000107	GO:0005575	cellular_component,GO:0005654					
CHsGV100	CHsGV1000242	ENSG0000	NM_001012	388284	C16orf86	chromosom	-	-	-	-	8				
AHsV1000	AHsV10001847	ENSG0000	NM_181688	353333	KRTAP10-	keratin ass	-	-	GO:004509	-	783	572	0.73	-0.45	
CHsGV100	CHsGV1000406	ENSG0000	XM_005250	349149	GJC3	gap junctio	GO:000715	GO:004280	GO:000592	-	32	29	0.93	-0.11	
H20001335	H200013357	ENSG0000	NM_019069	54554	WDR5B	WD repeat	-	-	-	-	38	48	1.26	0.33	
DHsGV100	DHsGV1000335	ENSG0000	NM_001317	51341	ZBTB7A	zinc finger	GO:000012	GO:000097	GO:0005634	nucleus	6				
DHsGV100	DHsGV1000353	ENSG0000	NR_024366	286333	FAM225A	family with	-	-	-	-	66	58	0.88	-0.18	
DHsGV100	DHsGV1000357	-	-	-	-	-	-	-	-	-	58	50	0.86	-0.21	
DHsGV100	DHsGV1000546	ENSG0000	-	79611	ACSS3	acyl-CoA s	GO:000815	GO:000398	GO:000573	-	47	46	0.97	-0.05	
DHsGV100	DHsGV1000421	-	NG_008972	23590	PDSS1	prenyl (dec	GO:000674	GO:000001	GO:0005759	mitochond	5				
DHsGV100	DHsGV1000466	ENSG0000	XM_011513	57654	UVSSA	UV stimula	GO:000628	GO:000099	GO:0005654	nucleopla	9				
DHsGV100	DHsGV1000321	-	-	-	-	-	-	-	-	-	13	18	1.38	0.46	
DHsGV100	DHsGV1000086	-	NR_120427	102723318	LINC01053	long interge	-	-	-	-					
AHsV1000	AHsV10002892	ENSG0000	NM_001134	100129792	CCDC152	coiled-coil	-	-	-	-	9				
DHsGV100	DHsGV1000312	-	-	-	-	-	-	-	-	-	24	25	1.02	0.03	
DHsGV100	DHsGV1000295	ENSG0000	NG_007557	7168	TPM1	tropomyosi	GO:000170	GO:000377	GO:0001725	stress fib	6				
DHsGV100	DHsGV1000051	ENSG0000	XM_001721	100128905	LOC10012	uncharacte	-	-	-	-	11	14	1.36	0.45	
DHsGV100	DHsGV1000227	-	-	-	-	-	-	-	-	-	229	172	0.75	-0.42	
DHsGV100	DHsGV1000451	-	-	-	-	-	-	-	-	-	4				
DHsGV100	DHsGV1000511	-	XR_929928	105376081	LOC10537	uncharacte	-	-	-	-		3			
DHsGV100	DHsGV1000527	-	-	-	-	-	-	-	-	-	5	6	1.27	0.34	
DHsGV100	DHsGV1000408	ENSG0000	-	-	RP11-348J	-	-	-	-	-		8			
DHsGV100	DHsGV1000475	-	-	-	-	-	-	-	-	-		4			
H30002176	H300021764	ENSG0000	XM_011514	2762	GMDS	GDP-mann	GO:000648	GO:000551	GO:000573	-	250	297	1.19	0.25	
DHsGV100	DHsGV1000365	-	-	-	-	-	-	-	-	-		3			
H20000638	H200006383	ENSG0000	NM_001291	2107	ETF1	eukaryotic	GO:000018	GO:000372	GO:000563	-	1272	927	0.73	-0.46	
H30000640	H300006403	ENSG0000	NM_001025	387733	IFITM5	interferon i	GO:000170	-	GO:000588	-	6	10	1.79	0.84	
AHsV1000	AHsV10002568	ENSG0000	NM_001042	387119	CEP85L	centrosom	-	-	GO:000573	-	17	22	1.31	0.39	
AHsV1000	AHsV10000433	ENSG0000	NM_182703	348094	ANKDD1A	ankyrin rep	GO:000716	-	-	-					
DHsGV100	DHsGV1000510	ENSG0000	NM_001101	347475	CCDC160	coiled-coil	-	-	-	-					
H20000084	H200000843	ENSG0000	NM_001130	8907	AP1M1	adaptor rel	GO:000688	GO:000551	GO:000013	-	233	222	0.95	-0.07	
DHsGV100	DHsGV1000212	-	XR_932838	368	ABCC6	ATP bindin	GO:000681	GO:000521	GO:0005634	nucleus,G	10				
DHsGV100	DHsGV1000315	-	-	-	-	-	-	-	-	-		7			
DHsGV100	DHsGV1000467	-	-	-	-	-	-	-	-	-		7			
DHsGV100	DHsGV1000156	ENSG0000	NM_001320	8738	CRADD	CASP2 and	GO:000691	GO:000202	GO:0005634	nucleus,G	8				
DHsGV100	DHsGV1000245	-	-	-	-	-	-	-	-	-		3			
DHsGV100	DHsGV1000290	ENSG0000	NM_182705	359845	FAM101B	family with	GO:000183	GO:003100	GO:0005737	cytoplasm	4				
DHsGV100	DHsGV1000350	-	XR_936990	105372717	LOC10537	uncharacte	-	-	-	-	25	28	1.14	0.19	
DHsGV100	DHsGV1000431	-	NR_104098	79168	LILRA6	leukocyte i	GO:000225	-	GO:0016021	integral c	13				
DHsGV100	DHsGV1000235	ENSG0000	-	107080621	LINC01077	long interge	-	-	-	-		8			
DHsGV100	DHsGV1000124	-	-	-	-	-	-	-	-	-		4			
DHsGV100	DHsGV1000265	ENSG0000	-	-	CTD-2616	-	-	-	-	-	54	47	0.87	-0.20	
DHsGV100	DHsGV1000335	-	-	-	-	-	-	-	-	-	42	39	0.93	-0.10	
DHsGV100	DHsGV1000206	ENSG0000	NM_001184	89801	PPP1R3F	protein pho	GO:000597	GO:001990	GO:001602	-	27	23	0.87	-0.21	
DHsGV100	DHsGV1000027	-	-	-	-	-	-	-	-	-					
DHsGV100	DHsGV1000424	-	-	-	-	-	-	-	-	-					
DHsGV100	DHsGV1000543	ENSG0000	-	-	AC007952	-	-	-	-	-	52	47	0.90	-0.15	
DHsGV100	DHsGV1000134	-	-	-	-	-	-	-	-	-	242	195	0.80	-0.31	
DHsGV100	DHsGV1000550	-	XM_011525	105371907	LOC10537	uncharacte	-	-	-	-	6	10	1.71	0.78	
DHsGV100	DHsGV1000374	ENSG0000	-	-	AC068831	-	-	-	-	-					
DHsGV100	DHsGV1000196	-	-	-	-	-	-	-	-	-	18	17	0.97	-0.05	
DHsGV100	DHsGV1000578	-	NR_028064	100130386	LINC00552	long interge	-	-	-	-					
CHsGV100	CHsGV1000167	-	NM_198586	378884	NHLRC1	NHL repea	GO:000020	GO:000484	GO:000563	-	19	27	1.38	0.47	
AHsV1000	AHsV10000074	ENSG0000	NR_131772	375484	SIMC1	SUMO inte	-	GO:003218	-	-	108	111	1.02	0.03	
AHsV1000	AHsV10001935	-	XM_006715	346171	ZFP57	ZFP57 zinc	GO:000012	GO:000367	GO:0005720	nuclear heterochromatin					
CHsGV100	CHsGV1000044	ENSG0000	NM_001009	344387	CDKL4	cyclin depe	GO:000646	GO:000469	GO:0005737	cytoplasm	6				
H20000363	H200003637	ENSG0000	NM_032015	79102	RNF26	ring finger	GO:000815	GO:000827	GO:000557	-	78	80	1.04	0.05	
H20000400	H200004008	ENSG0000	NM_001134	11237	RNF24	ring finger	GO:000020	GO:000551	GO:000013	-	289	362	1.25	0.33	
H20000718	H200007188	ENSG0000	NM_020634	9573	GDF3	growth diff	GO:000150	GO:000512	GO:000561	-	24	24	1.02	0.03	
H30000472	H300004724	-	XR_429910	6368	CCL23	C-C motif	GO:000254	GO:000800	GO:0005576	extracellu	7				
H20000543	H200005432	ENSG0000	NM_005926	4236	MFAP1	microfibrilla	GO:000815	GO:000551	GO:000152	-	857	692	0.81	-0.31	
H30002000	H300020002	ENSG0000	NM_080645	1303	COL12A1	collagen ty	GO:000150	GO:003002	GO:0005576	extracellu	12				
H20000862	H200008626	ENSG0000	XM_005268	23017	FAIM2	Fas apopto	GO:000293	-	GO:0016021	integral c	9				
H20000507	H200005079	ENSG0000	NR_104015	11018	TMED1	transmemb	GO:000716	GO:000510	GO:000578	-	197	191	0.97	-0.05	
H20000039	H200000398	ENSG0000	NM_003811	8744	TNFSF9	tumor necr	GO:000691	GO:000510	GO:000561	-	96	93	0.96	-0.05	
H20001664	H200016640	ENSG0000	NM_013431	8302	KLRC4	killer cell le	GO:000696	-	GO:0016021	integral component of membrane					
H30002069	H300020695	ENSG0000	NM_001315	4359	MPZ	myelin prot	GO:000726	GO:000519	GO:000576	-	14	14	1.02	0.03	
H30001012	H300010126	ENSG0000	NM_005575	4012	LNPEP	leucyl/cyst	GO:000020	GO:000417	GO:000557	-	36	47	1.29	0.37	
H20001249	H200012492	ENSG0000	NM_001194	610	HCN2	hyperpolari	GO:000726	GO:000522	GO:000588	-	798	616	0.77	-0.37	
H30001635	H300016355	ENSG0000	XM_011539	26033	ATRNL1	attractin lik	GO:000718	GO:003024	GO:0016021	integral c	4				
H20000155	H200001553	ENSG0000	NM_004227	9265	CYTH3	cytohesin 3	GO:003201	GO:000508	GO:000172	-	82	77	0.94	-0.09	
H20001684	H200016840	ENSG0000	NM_001184	139065	SLITRK4	SLIT and N	GO:000740	-	GO:001602	-	96	82	0.85	-0.24	
H30000584	H300005847	ENSG0000	NM_198923	116512	MRGPRD	MAS relate	GO:000718	GO:000493	GO:0005615	extracellu	7				
H30001015	H300010157	ENSG0000	NM_020346	57084	SLC17A6	solute carr	GO:000681	GO:000531	GO:0016021	integral component of membrane					
H20000093	H200000939	ENSG0000	NM_001040	55800	SCN3B	sodium volt	GO:000681	GO:000524	GO:0001518	voltage-g	4				
H20000645	H200006455	ENSG0000	NM_001153	307	ANXA4	annexin A4	GO:000635	GO:000485	GO:000563	-	97	134	1.38	0.46	
H30001171	H300011714	-	-	-	-	-	-	-	-	-	18	20	1.12	0.16	

DHsGV100	DHsGV1000037	-	-	-	-	-	-	-	-	231	190	0.82	-0.28
DHsGV100	DHsGV1000278	-	-	-	-	-	-	-	-	9	19	2.15	1.10
DHsGV100	DHsGV1000060	-	-	-	-	-	-	-	-		6		
DHsGV100	DHsGV1000506	-	-	-	-	-	-	-	-		6		
DHsGV100	DHsGV1000314	ENSG0000	NR_040063	284649	SMG7-AS1	SMG7 antis	-	-	-		7		
H30000965	H300009651	ENSG0000	XM_011536	4331	MNAT1	MNAT CDK	GO:000007	GO:000551	GO:000565	203	188	0.93	-0.11
H30000985	H300009858	ENSG0000	NM_173082	257218	SHPRH	SNF2 histo	GO:000020	GO:000367	GO:000078	27	54	2.01	1.01
H20001030	H200010301	ENSG0000	XM_011544	5368	PNOC	prepronocic	GO:000716	GO:000151	GO:000576	extracellu	3		
H20001039	H200010394	ENSG0000	NM_001291	3630	INS	insulin	GO:000016	GO:000202	GO:0000139	Golgi men	6		
H20001193	H200011936	ENSG0000	NM_004750	9244	CRLF1	cytokine re	GO:000165	GO:000487	GO:000557	45	39	0.87	-0.20
H20000581	H200005810	ENSG0000	NM_002981	6346	CCL1	C-C motif	GO:000254	GO:000800	GO:000561	35	47	1.35	0.43
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_011535	10690	FUT9	fucosyltran	GO:000597	GO:000841	GO:0005794	Golgi apparatus,GO:0016021	inte		
H20001628	H200016284	ENSG0000	NM_006056	10316	NMUR1	neuromedir	GO:000681	GO:000160	GO:000562	7	8	1.21	0.27
H20000850	H200008504	ENSG0000	NM_003326	7292	TNFSF4	tumor necr	GO:000221	GO:000510	GO:0005615	extracellu	5		
H30000713	H300007133	ENSG0000	XM_011545	6811	STX5	syntaxin 5	GO:000688	GO:000014	GO:000013	84	87	1.03	0.04
H20000562	H200005622	ENSG0000	NM_002241	3766	KCNJ10	potassium	GO:000681	GO:000551	GO:000588	50	50	0.99	-0.02
H30002078	H300020782	ENSG0000	XM_011524	2905	GRIN2C	glutamate i	GO:000016	GO:000497	GO:000588	5	8	1.62	0.70
H30000916	H300009163	ENSG0000	NM_020770	57530	CGN	cingulin	GO:000022	GO:000377	GO:0005923	bicellular	6		
H20000054	H200000541	ENSG0000	NM_000329	6121	RPE65	retinal pigr	GO:000152	GO:000178	GO:0005783	endoplasr	6		
H20001971	H200019714	ENSG0000	NM_001005	1368	CPM	carboxypep	GO:000651	GO:000418	GO:000561	6	12	2.01	1.01
H20001995	H200019957	ENSG0000	NM_033226	94160	ABCC12	ATP bindin	GO:000815	GO:000552	GO:001602	7	11	1.54	0.62
H30000453	H300004538	ENSG0000	NM_001144	84631	SLITRK2	SLIT and N	GO:000740	-	GO:0016021	integral c	4		
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_001166	54413	NLGN3	neuroligin 3	GO:000208	GO:000487	GO:0005615	extracellu	5		
H20001691	H200016913	ENSG0000	NR_104210	51305	KCNK9	potassium	GO:000681	GO:000524	GO:0005886	plasma m	10		
H20001135	H200011351	ENSG0000	NM_004833	9447	AIM2	absent in m	GO:000221	GO:000369	GO:0005634	nucleus,G	12		
H30000047	H300000470	ENSG0000	NM_019066	54551	MAGEL2	MAGE fami	GO:000635	GO:000484	GO:0005634	nucleus,GO:0005768	endosome,C		
DHsGV100	DHsGV1000147	ENSG0000	NM_000633	596	BCL2	B-cell CLL	GO:000020	GO:000202	GO:000563	11	14	1.32	0.40
DHsGV100	DHsGV1000514	-	-	-	-	-	-	-	-	9	16	1.85	0.89
DHsGV100	DHsGV1000053	-	-	-	-	-	-	-	-	29	28	0.96	-0.05
DHsGV100	DHsGV1000120	-	-	-	-	-	-	-	-	25	22	0.89	-0.17
DHsGV100	DHsGV1000475	-	-	-	-	-	-	-	-	22	22	1.00	0.00
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_176891	338376	IFNE	interferon,	GO:000225	GO:000512	GO:0005615	extracellu	6		
H30000984	H300009845	ENSG0000	NM_032572	84659	RNASE7	ribonucleas	GO:000961	GO:000153	GO:0005576	extracellu	4		
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_021068	3441	IFNA4	interferon,	GO:000225	GO:000512	GO:0005576	extracellu	3		
H20000565	H200005652	ENSG0000	XM_011509	2165	F13B	coagulation	GO:000759	-	GO:000557	11	13	1.21	0.27
H30000364	H300003645	ENSG0000	NM_000583	2638	GC	group-spec	GO:000676	GO:000377	GO:000557	16	20	1.28	0.36
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011539	253430	IPMK	inositol pol	GO:000184	GO:000082	GO:000563	51	68	1.33	0.41
H20000094	H200000942	ENSG0000	XM_006720	9990	SLC12A6	solute carr	GO:000152	GO:001507	GO:000588	16	25	1.60	0.68
H30002067	H300020677	ENSG0000	XM_006714	9542	NRG2	neuregulin	GO:000016	GO:000510	GO:000557	6	6	1.02	0.03
H30002016	H300020167	ENSG0000	NM_001308	6563	SLC14A1	solute carr	GO:000683	GO:000537	GO:000573	7	11	1.54	0.62
H20001127	H200011278	ENSG0000	NM_000453	6528	SLC5A5	solute carr	GO:000659	GO:000850	GO:0005634	nucleus,G	6		
H30000850	H300008507	ENSG0000	XM_005251	2683	B4GALT1	UDP-Gal:b	GO:000206	GO:000383	GO:000013	20	38	1.87	0.91
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_004443	2049	EPHB3	EPH recep	GO:000152	GO:000500	GO:000557	36	32	0.91	-0.13
H30000793	H300007936	ENSG0000	NM_207582	405754	ERVFRD-1	endogenou	GO:000694	-	GO:0005886	plasma m	5		
H30000685	H300006859	ENSG0000	NM_206997	390212	GPRI52	G protein-c	GO:003816	GO:000159	GO:000588	21	21	0.99	-0.01
H30000831	H300008314	ENSG0000	XM_011526	317703	VN1R4	vomeronas	GO:000718	GO:001650	GO:0005886	plasma m	7		
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_178581	81502	HM13	histocompa	GO:000650	GO:000551	GO:000578	398	317	0.80	-0.33
H20000888	H200008883	ENSG0000	XM_011538	80024	SLC8B1	solute carr	GO:000681	GO:000543	GO:000582	106	84	0.79	-0.34
H20000113	H200001130	ENSG0000	NM_014585	30061	SLC40A1	solute carr	GO:000226	GO:000487	GO:000562	491	442	0.90	-0.15
H20001621	H200016212	ENSG0000	XM_005266	28514	DLL1	delta-like 1	GO:000170	GO:000511	GO:0005576	extracellu	5		
H20000091	H200000918	ENSG0000	XM_011515	81552	VOPP1	vesicular, c	GO:000635	GO:000487	GO:000576	214	190	0.89	-0.17
H30000988	H300009882	ENSG0000	NR_073398	10505	SEMA4F	ssemaphori	GO:000175	GO:003021	GO:0005615	extracellu	6		
DHsGV100	DHsGV1000294	-	NG_029922	3119	HLA-DQB1	major histo	GO:000238	GO:003239	GO:0000139	Golgi men	6		
DHsGV100	DHsGV1000036	ENSG0000	NG_011730	629	CFB	complemen	GO:000650	GO:000184	GO:000557	276	218	0.79	-0.34
DHsGV100	DHsGV1000456	-	-	-	-	-	-	-	-	7	16	2.38	1.25
DHsGV100	DHsGV1000545	-	-	-	-	-	-	-	-		7		
DHsGV100	DHsGV1000357	ENSG0000	XM_011541	441869	ANKRD65	ankyrin rep	-	-	-	7	12	1.77	0.82
H20001080	H200010805	-	NM_001199	57151	LYZL6	lysozyme li	GO:000815	GO:000379	GO:000557	5	15	3.18	1.67
H20000576	H200005769	ENSG0000	NM_013371	29949	IL19	interleukin	GO:000691	GO:000512	GO:0005576	extracellu	7		
opHsV0400	opHsV0400006	-	NM_152742	221914	GPC2	glypican 2	GO:000152	GO:004339	GO:000557	365	301	0.82	-0.28
H20001498	H200014988	ENSG0000	XM_011520	56547	MMP26	matrix met	GO:000650	GO:000422	GO:000557	12	18	1.45	0.53
H20000241	H200002411	ENSG0000	NM_020828	140612	ZFP28	ZFP28 zinc	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus	9		
H20000719	H200007190	-	-	-	-	-	-	-	-	34	45	1.31	0.39
H20001152	H200011525	ENSG0000	NM_004776	9334	B4GALT5	UDP-Gal:b	GO:000597	GO:000837	GO:000013	995	901	0.91	-0.14
H20001119	H200011199	ENSG0000	NM_003854	8808	IL1RL2	interleukin	GO:000695	GO:000490	GO:0005887	integral c	9		
H30002010	H300020100	ENSG0000	XM_011538	6334	SCN8A	sodium volt	GO:000681	GO:000524	GO:0001518	voltage-g	11		
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XR_943493	5587	PRKD1	protein kin	GO:000152	GO:000467	GO:000563	14	20	1.44	0.53
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NR_027760	1438	CSF2RA	colony stim	GO:000016	GO:000487	GO:0005576	extracellu	3		
H20001032	H200010323	ENSG0000	XM_011516	1015	CDH17	cadherin 17	GO:000681	GO:000517	GO:0005886	plasma m	5		
H20000665	H200006651	-	XM_006716	9172	MYO2	myomesin 2	GO:000693	GO:000551	GO:000573	241	185	0.77	-0.38
H30000240	H300002409	ENSG0000	NM_153612	222537	HS3ST5	heparan su	GO:000597	GO:000551	GO:000013	17	20	1.17	0.23
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_170743	163702	IFNLR1	interferon,	GO:000238	GO:000489	GO:001602	10	16	1.63	0.70
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_022479	64409	WBSR17	Williams-B	GO:000648	GO:000465	GO:000013	169	134	0.79	-0.34
H20000196	H200001968	ENSG0000	NM_206940	58475	MS4A7	membrane	-	-	GO:0016021	integral c	4		
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_017416	26280	IL1RAPL2	interleukin	GO:000741	GO:000490	GO:001602	4	10	2.23	1.16
H20001070	H200010703	ENSG0000	XM_011539	23555	TSPAN15	tetraspanin	GO:000716	GO:000551	GO:0005886	plasma m	9		
DHsGV100	DHsGV1000215	-	-	-	-	-	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000306	-	-	-	-	-	-	-	-	14	16	1.12	0.16
DHsGV100	DHsGV1000317	-	-	-	-	-	-	-	-		5		
DHsGV100	DHsGV1000098	ENSG0000	NM_001318	54472	TOLLIP	toll interac	GO:000691	GO:000487	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005829	cytosol,G		
DHsGV100	DHsGV1000250	ENSG0000	NR_103821	442075	EMC3-AS1	EMC3 antis	-	-	-	52	98	1.89	0.92
DHsGV100	DHsGV1000058	-	-	-	-	-	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000368	-	-	-	-	-	-	-	-	8	10	1.29	0.37
H30000932	H300009328	ENSG0000	NM_001099	6160	RPL31	ribosomal p	GO:000018	GO:000372	GO:000582	26084	24738	0.95	-0.08
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_020949	57709	SLC7A14	solute carr	GO:001092	GO:001517	GO:0005765	lysosomal membrane,GO:0016021			
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_003214	7005	TEAD3	TEA domai	GO:000635	GO:000108	GO:000565	29	28	0.95	-0.08
H20000380	H200003804	ENSG0000	XM_005257	94015	TTYH2	tweety fam	GO:190247	GO:000525	GO:0005886	plasma m	3		
H20001554	H200015540	ENSG0000	NM_018019	55090	MED9	mediator c	GO:000635	GO:000110	GO:001659	108	124	1.15	0.20
H20000156	H200001569	ENSG0000	NR_130911	55316	RSAD1	radical S-a	GO:000						

H20000242	H200002425	ENSG0000	XM_011535	79621	RNASEH2B	ribonucleas	GO:000170	GO:000452	GO:000563	593	931	1.57	0.65
H20001876	H200018761	ENSG0000	NM_001184	84077	C3orf20	chromosom	-	-	GO:000573	10	14	1.50	0.58
H20000274	H200002743	ENSG0000	NR_102435	57693	ZNF317	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	175	193	1.10	0.14
H20001536	H200015368	ENSG0000	NM_004752	9247	GCM2	glial cells m	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus			
H20000848	H200008488	ENSG0000	NM_019612	56269	IRGC	immunity-r	GO:000815	GO:000552	GO:0016020	membrane			
H30001963	H300019636	ENSG0000	NR_028463	4287	ATXN3	ataxin 3	GO:000022	GO:000484	GO:000563	211	191	0.91	-0.14
H20000754	H200007549	-	NM_030657	3982	LIM2	lens intrins	GO:000208	GO:000521	GO:000588	9	10	1.17	0.22
H20001506	H200015065	ENSG0000	NM_031484	83742	MARVELD	MARVEL d	GO:000704	-	GO:000563	117	167	1.42	0.51
H30001462	H300014624	ENSG0000	NM_006263	5720	PSME1	proteasome	GO:000008	GO:006113	GO:000050	310	347	1.12	0.16
H20000060	H200000608	ENSG0000	NM_001649	357	SHROOM2	shroom fam	GO:000090	GO:000377	GO:000585	15	16	1.08	0.11
H20000311	H200003116	ENSG0000	NM_001304	64428	NARFL	nuclear pre	GO:000166	GO:000395	GO:009736	65	72	1.11	0.14
H20000949	H200009491	ENSG0000	NM_001282	60343	FAM3A	family with	GO:000815	GO:000367	GO:000557	156	175	1.12	0.17
H20001456	H200014562	ENSG0000	NM_001004	53834	FGFRL1	fibroblast g	GO:000150	GO:000500	GO:000579	198	164	0.83	-0.27
H20000808	H200008080	ENSG0000	NM_177948	51566	ARMCX3	armadillo re	GO:003461	-	GO:003130	117	141	1.20	0.27
H20000385	H200003858	ENSG0000	XR_927425	23553	HYAL4	hyaluronog	GO:000597	GO:000441	GO:000998	6	10	1.68	0.75
H20000234	H200002342	ENSG0000	NM_001297	23309	SIN3B	SIN3 trans	GO:000012	GO:000110	GO:000080	114	112	0.98	-0.03
H20001022	H200010228	ENSG0000	NM_003806	8739	HRK	harakiri, BC	GO:000691	GO:000551	GO:000573	22	28	1.27	0.35
H20000795	H200007959	ENSG0000	XM_011516	7425	VGf	VGf nerve	GO:000154	GO:000367	GO:000561	68	67	0.98	-0.02
H20000504	H200005048	ENSG0000	XM_011515	3696	ITGB8	integrin sub	GO:000157	GO:000487	GO:0005886	plasma m	3		
H30001784	H300017845	ENSG0000	NM_001281	10495	ENOX2	ecto-NOX	GO:000762	GO:000016	GO:000561	30	37	1.25	0.32
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011519	5588	PRKCQ	protein kin	GO:000155	GO:000467	GO:000177	18	41	2.31	1.21
H30001144	H300011448	ENSG0000	NM_001320	55732	C1orf112	chromosom	-	-	-	7	13	1.98	0.99
H20000867	H200008672	ENSG0000	NM_001160	79899	PRR5L	proline rich	GO:000193	GO:003162	GO:000573	67	63	0.94	-0.08
H20000310	H200003106	ENSG0000	XM_011521	22893	BAHD1	bromo adja	GO:000634	GO:000097	GO:000078	124	93	0.75	-0.42
H20000711	H200007110	ENSG0000	NM_152435	144193	AMDHD1	amidohydro	GO:000654	GO:000367	GO:0005829	cytosol			
H20000541	H200005415	ENSG0000	NM_032860	84946	LTV1	LTV1 ribos	-	GO:000551	GO:000565	1498	1851	1.24	0.31
H20000439	H200004399	ENSG0000	NM_018339	55312	RFK	riboflavin k	GO:000676	GO:000552	GO:000573	131	111	0.85	-0.23
H20000823	H200008237	ENSG0000	NM_001080	23025	UNC13A	unc-13 hor	GO:000195	GO:001707	GO:0005737	cytoplasm	5		
H20000455	H200004559	ENSG0000	NM_021928	60559	SPCS3	signal pept	GO:000641	GO:000823	GO:000578	1018	868	0.85	-0.23
H20001805	H200018056	ENSG0000	NM_001135	92552	ATXN3L	ataxin 3 lik	GO:000635	GO:000101	GO:0005759	mitochondrial matrix,GO:0031966			
H20001569	H200015690	ENSG0000	NM_024038	79002	C19orf43	chromosom	-	-	-	389	440	1.13	0.18
H30000308	H300003085	ENSG0000	NM_000846	2939	GSTA2	glutathione	GO:000674	GO:000436	GO:000582	22	21	0.95	-0.07
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XR_243206	2242	FES	FES proto-	GO:000157	GO:000471	GO:000573	15	21	1.40	0.48
H20000297	H200002977	ENSG0000	NM_020675	57405	SPC25	SPC25, ND	GO:000027	GO:000551	GO:000077	1562	1627	1.04	0.06
H20000833	H200008335	-	XM_005267	93663	ARHGAP18	Rho GTPase	GO:000726	GO:000509	GO:000573	229	250	1.09	0.13
H20000894	H200008941	ENSG0000	NM_032446	84466	MEGF10	multiple EG	GO:001471	-	GO:0001891	phagocyt	3		
H30000983	H300009839	ENSG0000	NM_001303	57599	WDR48	WD repeat	GO:000072	GO:000551	GO:000563	266	224	0.84	-0.25
H20000317	H200003172	ENSG0000	NM_020354	57089	ENTPD7	ectonucleo	GO:000815	GO:001678	GO:001602	65	62	0.96	-0.06
H20000196	H200001963	ENSG0000	NM_016484	51248	PDZD11	PDZ domai	GO:000676	GO:000551	GO:000557	340	287	0.85	-0.24
H30000293	H300002939	ENSG0000	NM_021044	50846	DHH	desert hed	GO:000650	GO:000511	GO:000561	86	71	0.82	-0.28
H30001305	H300013050	ENSG0000	NM_001242	22881	ANKRD6	ankyrin rep	GO:004633	-	GO:000563	13	15	1.12	0.16
H20000657	H200006570	ENSG0000	NM_006844	10994	ILVBL	ilvB (bacte	GO:000815	GO:000028	GO:001602	97	95	0.98	-0.03
H20001660	H200016604	ENSG0000	NM_007114	7110	TMF1	TATA elem	GO:000167	GO:000367	GO:000013	95	98	1.03	0.04
H30000256	H300002565	-	NM_005987	6698	SPRR1A	small prolin	GO:000854	GO:000519	GO:000153	461	379	0.82	-0.28
H20000054	H200000546	ENSG0000	NM_000377	7454	WAS	Wiskott-Al	GO:000262	GO:000377	GO:000582	60	47	0.77	-0.37
H20000006	H200000065	ENSG0000	NM_001284	9585	KIF20B	kinesin fam	GO:000184	GO:000551	GO:000563	105	164	1.57	0.65
H30002070	H300020704	ENSG0000	NM_018156	55187	VPS13D	vacuolar pr	-	-	GO:001989	124	149	1.20	0.27
H20001260	H200012602	ENSG0000	XM_011535	206412	C6orf163	chromosom	GO:000815	GO:000367	GO:000557	15	27	1.76	0.81
H20001179	H200011799	ENSG0000	NM_021826	60493	FASTKD5	FAST kinas	GO:000096	GO:000467	GO:000573	459	286	0.62	-0.68
H20000613	H200006136	ENSG0000	NM_001813	1062	CENPE	centromere	GO:000027	GO:000377	GO:000077	168	224	1.33	0.42
H20001447	H200014470	ENSG0000	XM_011522	80031	SEMA6D	semaphorin	GO:000175	GO:003021	GO:0005737	cytoplasm	4		
H20000553	H200005539	-	NM_001142	9811	CTIF	CBP80/20	GO:000018	GO:000372	GO:000573	21	19	0.91	-0.13
H20001971	H200019716	ENSG0000	XM_011525	84923	FAM104A	family with	-	GO:000551	-	164	158	0.97	-0.05
H20002039	H200020394	-	NM_145699	200315	APOBEC3A	apolipoprot	GO:000997	GO:000412	GO:0005634	nucleus,GO:0005654	nucleoplasm		
H20001894	H200018947	-	NM_024527	79575	ABHD8	abhydrolase	GO:000815	GO:001678	GO:007006	116	111	0.96	-0.06
H20000826	H200008268	ENSG0000	NR_027840	84248	FYTTD1	forty-two-	GO:000640	GO:000372	GO:000565	1371	1210	0.88	-0.18
H20000962	H200009627	ENSG0000	NM_001253	84057	MND1	meiotic nud	GO:000631	GO:000367	GO:000563	589	734	1.25	0.32
H20001238	H200012384	ENSG0000	NM_014617	1418	CRYGA	crystallin g	GO:000208	GO:000521	GO:000557	12	18	1.50	0.58
H20001481	H200014812	ENSG0000	XM_011516	669	BPGM	bisphospho	GO:000597	GO:000408	GO:000582	331	235	0.71	-0.49
H20001665	H200016653	ENSG0000	NR_103469	55216	C11orf57	chromosom	-	GO:000551	-	241	226	0.94	-0.09
H20000207	H200002078	ENSG0000	NM_021203	58477	SRPRB	SRP recep	GO:000641	GO:000504	GO:000573	701	588	0.84	-0.25
H20000207	H200002070	ENSG0000	NM_004804	9391	CIAO1	cytosolic ir	GO:000635	GO:000551	GO:007181	468	384	0.82	-0.29
H30000155	H300001551	ENSG0000	NM_020230	56342	PPAN	peter pan	GO:000002	GO:001984	GO:000563	923	594	0.64	-0.64
H30002237	H300022374	ENSG0000	NM_001164	55779	CFAP44	cilia and fla	-	-	GO:004299	23	30	1.29	0.37
H20001757	H200017570	ENSG0000	NM_001130	29924	EPN1	epsin 1	GO:000170	GO:000551	GO:000563	51	47	0.93	-0.11
H20001453	H200014538	ENSG0000	XM_011516	27161	AGO2	argonaute 2	GO:000635	GO:000034	GO:000093	312	255	0.82	-0.29
H30000895	H300008959	ENSG0000	NM_006357	10477	UBE2E3	ubiquitin cd	GO:004000	GO:000484	GO:000563	890	769	0.86	-0.21
H20001616	H200016166	ENSG0000	NM_005117	9965	FGF19	fibroblast g	GO:000016	GO:000510	GO:000557	216	181	0.84	-0.26
H20000027	H200000271	ENSG0000	NM_002909	5967	REG1A	regeneratin	GO:000828	GO:000808	GO:007006	20	23	1.13	0.18
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XR_945791	5728	PTEN	phosphatas	GO:000007	GO:000028	GO:000557	120	132	1.10	0.13
H20001591	H200015918	ENSG0000	NM_001170	340547	VSIG1	V-set and	GO:000338	-	GO:001602	28	30	1.04	0.06
H30000564	H300005640	ENSG0000	NM_080605	126792	B3GALT6	Beta-1,3-g	GO:000597	GO:000849	GO:000013	281	330	1.18	0.23
H30001742	H300017423	ENSG0000	NM_001199	4719	NDUFS1	NADH:ubiq	GO:000612	GO:000551	GO:000573	43	47	1.09	0.12
H20001142	H200011425	ENSG0000	NM_145266	134492	NUDCD2	NudC doma	-	GO:000551	GO:000077	1124	1051	0.94	-0.10
H30002076	H300020768	ENSG0000	NM_133457	136227	COL26A1	collagen ty	GO:001081	-	GO:000557	18	19	1.03	0.05
H20001401	H200014011	ENSG0000	XM_005274	60492	CCDC90B	coiled-coil	-	-	GO:000573	732	712	0.97	-0.04
H20001089	H200010898	ENSG0000	XM_011517	1761	DMRT1	doublesex	GO:000012	GO:000097	GO:0005634	nucleus,GO:0005654	nucleoplasm	6	
H20000078	H200000785	ENSG0000	NM_001317	26284	ERAL1	Era-like 12	GO:000002	GO:000551	GO:000573	112	127	1.13	0.18
H20001417	H200014179	ENSG0000	XM_005250	26986	PABPC1	poly(A) bin	GO:000018	GO:000016	GO:000563	1822	1571	0.86	-0.21
H20000215	H200002150	ENSG0000	XM_011544	23769	FLRT1	fibronectin	GO:000646	GO:000486	GO:0005578	proteinac	10		
H20001894	H200018942	ENSG0000	NM_052865	92667	MGME1	mitochondr	GO:000000	GO:000829	GO:000573	479	448	0.94	-0.10
H20001235	H200012355	ENSG0000	NM_001003	56159	TEX11	testis expr	GO:000071	GO:000551	GO:000079	37	3		

H20000198	H200001982	ENSG0000	XM_011517	54926	UBE2R2	ubiquitin cd	GO:000651	GO:000484	GO:000573	486	489	1.01	0.01
opHsV0400	opHsV04000002	ENSG0000	NM_024555	26233	FBXL6	F-box and	GO:000650	GO:000484	-	383	316	0.82	-0.28
H20000324	H200003249	ENSG0000	NM_177439	24140	FTSJ1	FtsJ RNA r	GO:000212	GO:000817	GO:000573	379	302	0.80	-0.33
H20001467	H200014672	ENSG0000	NM_001204	9530	BAG4	BCL2 asso	GO:000645	GO:000505	GO:000563	122	136	1.11	0.16
H30000427	H300004273	ENSG0000	NM_004218	9230	RAB11B	RAB11B, n	GO:000188	GO:000392	GO:000573	32	37	1.18	0.24
H30001111	H300011114	ENSG0000	NM_001172	5255	PHKA1	phosphoryl	GO:000597	GO:000468	GO:000582	45	52	1.18	0.23
H20001657	H200016578	ENSG0000	NM_006179	4909	NTF4	neurotroph	GO:000716	GO:000516	GO:000557	32	31	0.95	-0.07
H20001802	H200018024	ENSG0000	NM_022789	64806	IL25	interleukin	GO:000243	GO:000512	GO:0005615	7			
H20000500	H200005005	ENSG0000	NM_017625	55600	ITLN1	intelectin 1	GO:000193	GO:003024	GO:003122	21	18	0.86	-0.21
H30000506	H300005061	ENSG0000	NM_001004	219493	OR5AR1	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	5			
H30000196	H300001963	ENSG0000	XM_005258	55352	COPRS	coordinator	GO:000632	GO:000551	GO:000563	1469	1147	0.78	-0.36
H30000186	H300001864	ENSG0000	NM_145208	85509	MBD3L1	methyl-Cp	GO:000012	GO:000832	GO:0005634	3			
opHsV0400	opHsV04000000	ENSG0000	-	203477	HMGAI1P1	high mobil	-	-	-	103	78	0.76	-0.39
H30002134	H300021349	ENSG0000	NM_000044	367	AR	androgen r	GO:000635	GO:000097	GO:000079	7	13	1.83	0.87
H30002131	H300021312	ENSG0000	NM_145291	166793	ZBTB49	zinc finger	GO:000635	GO:000122	GO:000563	25	35	1.39	0.47
H30001536	H300015367	ENSG0000	NM_003216	7008	TEF	thyrotroph	GO:000635	GO:000369	GO:000563	40	47	1.16	0.21
H30000341	H300003419	ENSG0000	XM_011544	219988	PATL1	protein ass	GO:000028	GO:000372	GO:000093	118	154	1.31	0.39
H30001875	H300018754	-	NM_013342	29844	TFPT	TCF3 (E2A	GO:000628	GO:000367	GO:000563	87	88	1.01	0.01
H30001874	H300018740	ENSG0000	NM_001025	51231	VRK3	vaccinia re	GO:001810	GO:000467	GO:000563	593	600	1.01	0.02
H30000867	H300008674	ENSG0000	NM_001097	49	ACR	acrosin	GO:000207	GO:000367	GO:0005576	7			
opHsV0400	opHsV04000000	ENSG0000	NM_001204	83874	TBC1D10A	TBC1 doma	GO:004214	GO:000508	GO:000562	41	50	1.22	0.28
H30000320	H300003203	ENSG0000	NM_020959	57719	ANO8	anoctamin	GO:000682	GO:000522	GO:000562	162	157	0.97	-0.05
opHsV0400	opHsV04000006	ENSG0000	NM_003342	7326	UBE2G1	ubiquitin cd	GO:000651	GO:000484	GO:000573	384	388	1.01	0.01
H30000188	H300001881	ENSG0000	NM_001080	94030	LRRC4B	leucine ric	GO:000646	GO:000486	GO:0005737	8			
H30000451	H300004519	ENSG0000	NM_001029	27245	AHDC1	AT-hook D	-	GO:000367	-	-	7		
H30000331	H300003311	ENSG0000	NM_152611	164312	LRRN4	leucine ric	GO:000761	-	GO:0005887	7			
H30002180	H300021803	ENSG0000	NM_016605	51307	FAM53C	family with	-	GO:000551	-	164	199	1.21	0.28
H30000897	H300008978	ENSG0000	-	-	AC016734.	-	-	-	-	2118	1770	0.84	-0.26
opHsV0400	opHsV04000006	ENSG0000	NM_182977	23530	NNT	nicotinam	GO:000609	GO:000395	GO:000573	166	257	1.55	0.63
H30001887	H300018871	ENSG0000	NM_004666	8876	VNN1	vanin 1	GO:000252	GO:001715	GO:0005886	7			
H20002088	H200020889	ENSG0000	NM_001177	139324	HDX	highly diver	-	GO:000367	GO:0005634	7			
H20000497	H200004977	ENSG0000	NM_197964	154791	C7orf55	chromosom	-	-	GO:000573	770	677	0.88	-0.19
H20001490	H200014902	-	NR_033424	94236	DNAJA1P5	DnaJ heat	-	-	-	99	79	0.80	-0.32
H20002109	H200021095	ENSG0000	NM_176782	338094	FAM151A	family with	GO:000815	GO:000367	GO:0016020	11			
H20001273	H200012739	ENSG0000	XM_005250	157657	C8orf37	chromosom	-	-	GO:0005737	12			
H30000658	H300006583	ENSG0000	NM_183061	285335	SLC9C1	solute carr	GO:000681	GO:001529	GO:0005886	7			
opHsV0400	opHsV04000006	ENSG0000	NM_173483	126410	CYP4F22	cytochrom	GO:000669	GO:000449	GO:0005789	8			
H30001066	H300010660	ENSG0000	NM_005419	6773	STAT2	signal trans	GO:000223	GO:000367	GO:000565	223	288	1.30	0.37
H30000622	H300006227	ENSG0000	XM_011524	10801	42622	septin 9	GO:000704	GO:000392	GO:000172	156	130	0.83	-0.26
H30002118	H300021181	ENSG0000	XM_011544	8754	ADAM9	ADAM met	GO:000018	GO:000422	GO:000561	178	291	1.63	0.70
H30000400	H300004003	-	NM_002120	3112	HLA-DOB	major histo	GO:000258	GO:002302	GO:000576	11	19	1.66	0.73
H30001334	H300013343	ENSG0000	NR_033149	65084	TMEM135	transmemb	GO:000703	-	GO:000577	192	149	0.77	-0.37
H30000997	H300009976	ENSG0000	NM_003700	120776	OR2D2	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	7			
H30000160	H300001604	ENSG0000	XM_011534	157697	ERICH1	glutamate r	-	-	-	195	261	1.34	0.42
H30000193	H300001931	ENSG0000	XM_005254	55192	DNAJC17	DnaJ heat	GO:000012	GO:000016	GO:000563	165	135	0.82	-0.29
H30001976	H300019765	ENSG0000	NM_001172	114327	EFHC1	EF-hand d	GO:002179	GO:000550	GO:000581	96	151	1.58	0.66
H30001920	H300019200	ENSG0000	NM_024552	79603	CERS4	ceramide s	GO:000666	GO:000367	GO:0005789	7			
H30002118	H300021189	ENSG0000	NM_018060	55699	IARS2	isoleucyl-t	GO:000641	GO:000216	GO:000573	1059	920	0.87	-0.20
H30000550	H300005508	ENSG0000	NM_006071	10343	PKDREJ	polycystin	GO:000734	GO:000526	GO:0005886	3			
H30001098	H300010985	ENSG0000	NM_012293	7837	PXDN	peroxidasin	GO:000196	GO:000460	GO:0005578	7			
H30000771	H300007710	ENSG0000	-	391012	DYNLL1P3	dynein, ligh	-	-	-	396	384	0.97	-0.04
H30002075	H300020751	ENSG0000	NM_001130	440533	PSG8	pregnancy	-	-	GO:0005576	4			
opHsV0400	opHsV04000000	-	-	-	-	-	-	-	-	36	33	0.93	-0.10
opHsV0400	opHsV04000000	ENSG0000	NM_001318	9324	HMGN3	high mobil	GO:000815	GO:003149	GO:000078	975	705	0.72	-0.47
opHsV0400	opHsV04000000	ENSG0000	XM_011520	79923	NANOG	Nanog hom	GO:000171	GO:000367	GO:0005634	9			
H30002009	H300020093	ENSG0000	XM_011538	51411	BIN2	bridging int	GO:000691	GO:000551	GO:0001891	5			
H20002042	H200020428	ENSG0000	NR_122069	285943	HOXA-AS2	HOXA clus	-	-	-	7			
H20000457	H200004576	ENSG0000	NM_007080	11157	LSM6	LSM6 hom	GO:000028	GO:000372	GO:000093	781	811	1.04	0.05
H20000438	H200004385	ENSG0000	XM_006721	4356	MPP3	membrane	GO:000716	GO:000438	GO:000588	31	22	0.71	-0.49
H20000750	H200007500	ENSG0000	NM_139172	147744	TMEM190	transmemb	GO:000224	GO:000551	GO:000207	5	9	2.03	1.02
H20001081	H200010815	-	XM_011537	122258	SPACA7	sperm acro	GO:000716	-	GO:0001669	6			
opHsV0400	opHsV04000003	ENSG0000	XM_011520	144699	FBXL14	F-box and	GO:004278	GO:000484	GO:000565	36	40	1.12	0.16
opHsV0400	opHsV04000000	ENSG0000	-	-	RP11-864N	-	-	-	-	30251	26744	0.88	-0.18
opHsV0400	opHsV04000008	ENSG0000	NM_032385	10826	FAXDC2	fatty acid F	GO:000663	GO:000550	GO:001602	40	45	1.12	0.16
H30000334	H300003341	ENSG0000	XM_011542	728661	SLC35E2B	solute carr	-	-	GO:001602	31	38	1.20	0.27
opHsV0400	opHsV04000000	ENSG0000	XM_011534	92181	UBTD2	ubiquitin dc	-	GO:004313	GO:0005737	6			
H30000770	H300007709	ENSG0000	NM_001013	388199	PRR25	proline rich	-	-	-	8	12	1.63	0.71
H30001403	H300014038	ENSG0000	NM_133443	84706	GPT2	glutamic py	GO:000610	GO:000402	GO:000575	117	275	2.35	1.23
H30000015	H300000158	ENSG0000	XM_011536	145567	TTC7B	tetratricop	GO:004685	GO:000551	GO:000582	51	67	1.31	0.39
H30000620	H300006208	ENSG0000	XM_011523	55238	SLC38A7	solute carr	GO:000681	GO:000529	GO:001602	36	39	1.09	0.12
H30001503	H300015033	ENSG0000	NM_014599	10916	MAGED2	MAGE fami	-	GO:000551	GO:001602	114	115	1.01	0.02
H30001972	H300019726	ENSG0000	NM_007231	11254	SLC6A14	solute carr	GO:000333	GO:000532	GO:0005886	6			
H30001625	H300016256	ENSG0000	XM_005251	8895	CPNE3	copine 3	GO:000646	GO:000467	GO:000563	26	29	1.09	0.12
H30001674	H300016741	ENSG0000	NM_017666	55609	ZNF280C	zinc finger	GO:000012	GO:000122	GO:000563	36	47	1.32	0.40
H30001924	H300019240	ENSG0000	NM_001177	158747	MOSPD2	motile sper	-	-	GO:001602	28	51	1.84	0.88
H30001315	H300013153	ENSG0000	XM_011520	79733	E2F8	E2F transc	GO:000012	GO:000097	GO:000563	113	100	0.89	-0.17
opHsV0400	opHsV04000003	ENSG0000	NM_152897	90203	SNX21	sorting nex	GO:001503	GO:000554	GO:003065	30	35	1.17	0.23
H30000997	H300009975	ENSG0000	NM_173860	3228	HOXC12	homeobox	GO:000635	GO:004356	GO:0005634	6			
H30001894	H300018949	ENSG0000	NM_019557	56181	MTFR1L	mitochondr	GO:000026	GO:000551	GO:000573	230	194	0.84	-0.24
H30000817	H300008174	ENSG0000	XR_108911	100505501	LOC10050	uncharacte	-	-	-	23	30	1.26	0.34
H30001394	H300013948	ENSG0000	NM_001184	7358	UGDH	UDP-gluco	GO:000170	GO:000397	GO:000563	103	126	1.22	0.29
opHsV0400	opHsV04000000	ENSG0000	-	643646	HSD17B1P	hydroxyste	-	-	-	3			
H20000373	H200003737	ENSG0000	NM_001320	113444	SMIM12	small integr	-	-	GO:001602	875	617	0.71	-0.50
H20002044	H200020442	ENSG0000	NM_144636	131474	CHCHD4	coiled-coil	GO:000662	GO:001503	GO:000573	1673	1191	0.71	-0.49
H20002017	H200020172	ENSG0000	XR_921736	114771	PGLYRP3	peptidoglyc	GO:000222	GO:000827	GO:0005576	12			
H20000313	H200003134	ENSG0000	XM_005256</										

H30001007	H300010075	ENSG0000	NM_001308	285605	DTWD2	DTW domain	GO:190395	-	-	33	47	1.41	0.50	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	-	-	AP000354	-	-	-	-	18470	13124	0.71	-0.49	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001348	1613	DAPK3	death-assoc	GO:000091	GO:000467	GO:000563	129	161	1.25	0.32	
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_013256	7733	ZNF180	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	50	68	1.36	0.44	
H30000054	H300000546	ENSG0000	XM_011519	8328	GF11B	growth fact	GO:000012	GO:000108	GO:000563	291	192	0.66	-0.60	
H30002100	H300021003	ENSG0000	XM_005274	51585	PCF11	PCF11 clea	GO:000039	GO:000099	GO:000565	38	64	1.69	0.76	
H30000696	H300006962	ENSG0000	NM_001899	1472	CST4	cystatin S	GO:000158	GO:000486	GO:0005615	extracellu	3			
H30001918	H300019181	ENSG0000	XR_943367	10202	DHRS2	dehydroger	GO:000820	GO:000409	GO:000563	47	33	0.71	-0.49	
H30001367	H300013672	ENSG0000	NR_024485	100130093	LOC100130	uncharacte	-	-	-	56	42	0.75	-0.42	
H30002149	H300021494	ENSG0000	NM_001160	7289	TULP3	tubby like p	GO:000184	GO:000551	GO:000557	72	71	0.99	-0.01	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_020640	54165	DCUN1D1	defective in	GO:000815	GO:000551	GO:000015	249	290	1.17	0.22	
opHsV0400	opHsV0400010	ENSG0000	NM_001127	2318	FLNC	filamin C	GO:003432	GO:000551	GO:000573	79	72	0.91	-0.14	
H30000228	H300002280	ENSG0000	NM_012377	26658	OR7C2	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021 in				
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_033412	92014	SLC25A51	solute carr	GO:000641	GO:000373	GO:000574	41	41	0.99	-0.01	
H30000533	H300005330	ENSG0000	NR_033889	440131	LINC00544	long interge	-	-	-	19	20	1.07	0.10	
H30001699	H300016995	ENSG0000	NM_001961	1938	EEF2	eukaryotic	GO:000224	GO:000203	GO:000563	1585	1436	0.91	-0.14	
H30000594	H300005943	ENSG0000	NM_014983	22993	HMGXB3	HMG-box d	GO:000815	GO:000367	GO:000557	25	36	1.42	0.51	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XR_929739	23064	SETX	senataxin	GO:000016	GO:000114	GO:000022	145	142	0.98	-0.03	
H30000807	H300008077	ENSG0000	XR_927505	5803	PTPRZ1	protein tyr	GO:000224	GO:000472	GO:000557	90	67	0.74	-0.43	
H20001264	H200012646	ENSG0000	NM_001267	151556	GPR155	G protein-c	GO:003555	GO:000367	GO:000562	26	29	1.11	0.15	
H20000189	H200001894	ENSG0000	NM_001171	115677	NOSTRIN	nitric oxide	GO:000689	GO:000367	GO:000563	423	325	0.77	-0.38	
H20001092	H200010921	ENSG0000	NM_001293	90342	FER1L5	fer-1 like f	GO:000752	-	GO:0005886	plasma m	4			
H20000622	H200006220	ENSG0000	NM_014760	9797	TATDN2	TatD DNas	GO:000630	GO:000453	GO:000563	432	374	0.87	-0.21	
H20001166	H200011667	ENSG0000	NM_017907	55004	LAMTOR1	late endosd	GO:000191	GO:000508	GO:000576	690	587	0.85	-0.23	
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_005482	10026	PIGK	phosphatid	GO:000645	GO:000375	GO:000578	385	428	1.11	0.15	
H30001945	H300019454	ENSG0000	NM_182665	83593	RASSF5	Ras associa	GO:000691	GO:000551	GO:000563	89	158	1.77	0.83	
H30001941	H300019415	ENSG0000	XM_011523	9764	KIAA0513	-	-	-	GO:000573	28	28	1.03	0.04	
H30001916	H300019165	ENSG0000	NM_000817	2571	GAD1	glutamate d	GO:000653	GO:000435	GO:000562	98	55	0.56	-0.83	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001031	5648	MASP1	mannan-bir	GO:000186	GO:000425	GO:0005576	extracellular region,GO:0005615				
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	-	101929203	RNFT1P3	ring finger	-	-	-	18	26	1.47	0.56	
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_001004	340595	ZCCHC16	zinc finger	-	GO:000367	-					
opHsV0400	opHsV0400002	-	-	-	-	-	-	-	-	4	8	1.80	0.85	
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_181608	337969	KRTAP19-	keratin ass	-	-	GO:000588	84	75	0.89	-0.17	
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_207391	388531	RGS9BP	regulator of	GO:000760	-	GO:0001750	photorece	4			
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NR_026926	151174	LOC151174	uncharacte	-	-	-	32	30	0.95	-0.08	
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	-	4503	MT2P1	metallothio	-	-	-	258	225	0.87	-0.20	
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001024	149643	SPATA45	spermatoge	-	-	-					
H30000256	H300002562	ENSG0000	-	-	GS1-184P	-	-	-	-	12256	7769	0.63	-0.66	
opHsV0400	opHsV0400003	-	NM_001166	374897	SBSN	suprabasin	GO:000815	GO:000367	GO:000573	27	27	1.02	0.03	
H30000757	H300007577	ENSG0000	XM_006721	113277	TMEM106A	transmemb	GO:000815	GO:000367	GO:0016021	integral c	7			
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001029	339345	NANOS2	nanos hom	GO:000640	GO:000372	GO:000093	70	50	0.72	-0.48	
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001128	100131137	BSPH1	binder of st	GO:000733	GO:000820	GO:0005576	extracellu	4			
H30000861	H300008614	ENSG0000	NM_001004	127064	OR2T12	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:000588	14	17	1.18	0.24	
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_011536	283576	ZDHHC22	zinc finger	GO:001834	GO:000551	GO:0005783	endoplasm	7			
H30001012	H300010122	ENSG0000	NM_001004	390058	OR51B6	olfactory re	GO:000716	GO:000493	GO:000588	4	8	2.02	1.02	
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_005934	4298	MLLT1	myeloid/lyr	GO:000635	GO:000367	GO:000563	49	52	1.07	0.09	
H30000377	H300003774	-	NM_001005	390174	OR9G1	olfactory re	GO:000716	GO:000493	GO:000588	4	7	1.55	0.63	
H30000103	H300001039	ENSG0000	NM_152429	143282	FGFBP3	fibroblast g	GO:004311	GO:000820	GO:000557	17	23	1.33	0.41	
H30000838	H300008385	-	-	-	-	-	-	-	-	5192	4555	0.88	-0.19	
H30000762	H300007621	ENSG0000	-	2497	FTH1P2	ferritin, hea	-	-	-	18511	21981	1.19	0.25	
H30002012	H300020124	ENSG0000	XM_005254	90527	DUOXA1	dual oxidas	GO:001503	-	GO:000578	334	276	0.82	-0.28	
H30001937	H300019379	ENSG0000	NM_001198	1837	DTNA	dystrobrevi	GO:000694	GO:000551	GO:000573	23	32	1.39	0.48	
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_001317	51520	LARS	leucyl-tRN	GO:000188	GO:000216	GO:000563	256	303	1.18	0.24	
opHsV0400	opHsV0400004	-	-	-	-	-	-	-	-					
H30002182	H300021827	ENSG0000	NR_133009	5190	PEX6	peroxisoma	GO:000662	GO:000551	GO:000573	56	52	0.94	-0.09	
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	-	100132346	HSPE1P7	heat shock	-	-	-	3288	2563	0.78	-0.36	
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_203407	340602	CXorf67	chromosom	-	-	GO:000565	65	61	0.94	-0.09	
H30001151	H300011512	ENSG0000	XM_006720	23059	CLUAP1	clusterin as	GO:000699	GO:000551	GO:000565	143	132	0.93	-0.11	
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_144659	140290	TCP10L	t-complex	GO:000012	GO:000110	GO:0005634	nucleus	3			
H30000217	H300002175	ENSG0000	NM_203412	164153	UBL4B	ubiquitin lik	GO:190395	GO:000551	GO:0005737	cytoplasm	9			
H30001564	H300015641	ENSG0000	XM_011516	54103	GSAP	gamma-sec	GO:003016	GO:000154	GO:0005802	trans-Gol	4			
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NR_024027	54072	LINC00158	long interge	-	-	-					
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	-	-	RP11-344N	-	-	-	-	239	188	0.79	-0.34	
opHsV0400	opHsV0400003	-	-	-	-	-	-	-	-	22	29	1.28	0.36	
H30000545	H300005458	ENSG0000	NM_001080	132203	SNTN	sentan, cilia	-	-	GO:0005929	cilium				
H30000306	H300003061	ENSG0000	NM_001010	440603	BCL2L15	BCL2 like	GO:000691	GO:000551	GO:0005634	nucleus,GO	6			
opHsV0400	opHsV0400009	ENSG0000	NM_001145	100271715	ARHGEF33	Rho guanin	GO:003502	GO:000508	-		8			
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_011538	283446	MYO1H	myosin IH	GO:000815	GO:000377	GO:0016459	myosin cc	5			
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NR_002936	222699	TOB2P1	transducer	-	-	-	198	155	0.79	-0.35	
H30000689	H300006892	ENSG0000	XM_011524	374819	LRRC37A3	leucine-ric	-	-	GO:001602	69	60	0.88	-0.18	
H30000602	H300006027	ENSG0000	NR_024348	283932	FBXL19-A	FBXL19 an	-	-	-	26	30	1.17	0.23	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NR_108066	101927181	LOC10192	uncharacte	-	-	-		4			
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001142	1240	CMKLR1	chemerin c	GO:000150	GO:000487	GO:0005886	plasma m	4			
H30000218	H300002181	ENSG0000	-	-	RP4-562J1	-	-	-	-	313	271	0.86	-0.21	
H30000448	H300004485	ENSG0000	NM_001008	128822	CST9	cystatin 9	GO:001095	GO:000486	GO:0005576	extracellular region				
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	-	442242	RPL7P28	ribosomal p	-	-	-		8			
H30001962	H300019628	ENSG0000	XM_011521	54956	PARP16	poly(ADP-r	GO:000647	GO:000395	GO:000563	38	49	1.27	0.34	
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001242	8170	SLC14A2	solute carr	GO:000941	GO:000551	GO:0005886	plasma m	11			
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XM_005267	2643	GCH1	GTP cyclol	GO:000672	GO:000393	GO:000563	56	57	1.02	0.03	
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_011538	23583	SMUG1	single-stra	GO:000628	GO:000070	GO:000565	194	190	0.98	-0.03	
H30001966	H300019667	ENSG0000	XM_011525	8165	AKAP1	A-kinase a	GO:000759	GO:000372	GO:000573	67	61	0.90	-0.15	
H30000694	H300006941	ENSG0000	-	100329108	GCSHP5	glycine clea	-	-	-	559	380	0.68	-0.56	
H30001160	H300011601	ENSG0000	NM_003470	7874	USP7	ubiquitin sp	GO:000628	GO:000203	GO:000563	271	289	1.07	0.09	
opHsV0400	opHsV0400002	-	-	-	-	-	-	-	-		8			
H30000435	H300004354	ENSG0000	NM_138703	139599	MAGEE2	MAGE fami	-	-	-		4			
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001004	402573	C7orf61	chromosom	-	-	GO:0005634	nucleus	6			
opHsV0400	opHsV0400008	ENSG0000	XM_011517	1002871										

opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	-	-	AC007238.	-	-	-	-	337	355	1.05	0.08
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001146	390084	OR56A5	olfactory re	GO:000726	GO:000493	GO:000588	14	19	1.40	0.49
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_207393	388555	IGFL3	IGF like fac	-	-	GO:0005576	extracellu	7		
H30000606	H300006064	ENSG0000	XR_242562	10507	SEMA4D	semaphorin	GO:000012	GO:000487	GO:000561	22	31	1.39	0.47
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001282	10123	ARL4C	ADP ribosy	GO:000726	GO:000392	GO:0005634	nucleus,G	4		
H30000487	H300004877	ENSG0000	XR_933241	197322	ACSF3	acyl-CoA s	GO:000663	GO:000552	GO:000573	43	51	1.19	0.26
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_152418	138009	DCAF4L2	DDB1 and	-	-	-	9	13	1.41	0.49
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001271	283171	C11orf44	chromosom	-	-	GO:0005576	extracellular region			
H30000156	H300001564	ENSG0000	NM_173362	317671	RFESD	Rieske Fe-	GO:0005511	GO:000551	-	1413	968	0.69	-0.55
H30000184	H300001844	ENSG0000	NM_201566	201232	SLC16A13	solute carr	GO:003587	GO:001512	GO:000013	146	138	0.94	-0.08
H30002147	H300021471	-	NM_032351	84311	MRPL45	mitochondr	GO:000699	GO:000551	GO:000574	1930	1811	0.94	-0.09
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_011540	60495	HPSE2	heparanase	GO:000597	GO:003030	GO:0005578	proteinac	6		
H30000951	H300009519	ENSG0000	NM_178508	221491	C6orf1	chromosom	-	-	GO:000557	59	61	1.03	0.05
opHsV0400	opHsV0400001	-	NM_001025	23	ABCF1	ATP bindin	GO:000641	GO:000551	GO:000563	334	249	0.75	-0.42
H30001925	H300019253	-	NM_004544	4705	NDUFA10	NADH:ubiq	GO:000612	GO:000813	GO:000574	932	698	0.75	-0.42
H30001984	H300019845	ENSG0000	NR_131180	151648	SGOL1	shugoshin-	GO:000027	GO:000551	GO:000077	330	315	0.95	-0.07
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_022893	53335	BCL11A	B-cell CLL	GO:000012	GO:000097	GO:000563	12	17	1.47	0.56
H30001895	H300018957	ENSG0000	NM_004775	9331	B4GALT6	UDP-Gal.b	GO:000597	GO:000837	GO:000013	14	17	1.23	0.30
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	-	389118	CDHR4	cadherin-re	GO:000715	GO:000550	GO:0005886	plasma m	5		
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	-	RP11-297E	-	-	-	-	1459	1249	0.86	-0.22
H30000646	H300006460	ENSG0000	-	-	RP11-220J	-	-	-	-	2228	2037	0.91	-0.13
H30000635	H300006354	ENSG0000	XM_011521	342035	GLDN	gliomedin	GO:003252	GO:008608	GO:0005578	proteinaceous extracellular matri			
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	-	286065	MAPK6PS4	mitogen-ac	-	-	-	95	112	1.19	0.25
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_011517	4603	MYBL1	MYB proto	GO:000636	GO:000097	GO:0005634	nucleus	3		
H30000989	H300009891	ENSG0000	-	-	RP11-321E	-	-	-	-		10		
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001292	346007	EYS	eyes shut	GO:004340	GO:000367	GO:0070062	extracellular exosome			
opHsV0400	opHsV0400003	-	NR_110142	284415	VSTM1	V-set and	GO:000237	GO:000512	GO:000561	4	11	2.62	1.39
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_207380	388115	C15orf52	chromosom	-	GO:004482	-	8	15	1.99	0.99
H30001908	H300019088	ENSG0000	NM_001040	4301	MLLT4	myeloid/lyr	GO:000715	GO:000551	GO:000565	21	26	1.24	0.31
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_003518	8339	HIST1H2BC	histone clu	GO:000222	GO:000367	GO:000078	5409	3451	0.64	-0.65
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XR_931287	341350	OVCH1	ovo-chymas	GO:000650	GO:000425	GO:000557	5	11	2.10	1.07
H30001032	H300010323	ENSG0000	NM_001077	155382	VPS37D	VPS37D, E	GO:000691	-	GO:000081	13	12	0.98	-0.03
H30000786	H300007862	ENSG0000	NM_001243	125488	TTC39C	tetratricop	-	-	-	19	23	1.19	0.26
H30000205	H300002054	ENSG0000	XM_005268	10106	CTDSP2	CTD small	GO:000193	GO:000551	GO:000565	92	71	0.77	-0.38
H30000684	H300006848	ENSG0000	NR_045021	125144	LRRC75A	LRRC75A a	-	GO:000551	GO:000573	8262	7844	0.95	-0.07
H30000773	H300007735	ENSG0000	NM_181535	162605	KRT28	keratin 28,	GO:000815	GO:000367	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005882	intermedi		
H30000657	H300006570	ENSG0000	XM_006718	101927789	LOC10192	putative ub	-	-	-	932	590	0.63	-0.66
H30001826	H300018268	ENSG0000	NR_022012	256076	COL6A5	collagen ty	GO:000715	GO:000551	GO:000557	12	37	3.07	1.62
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_014470	27289	RND1	Rho family	GO:000701	GO:000392	GO:000582	47	42	0.90	-0.15
opHsV0400	opHsV0400009	ENSG0000	NM_005499	10054	UBA2	ubiquitin lik	GO:001692	GO:000551	GO:000565	2082	2698	1.30	0.37
H30001432	H300014320	ENSG0000	XM_011523	8824	CES2	carboxylest	GO:000680	GO:004737	GO:000561	143	125	0.88	-0.19
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011542	9672	SDC3	syndecan 3	GO:000152	-	GO:000579	6	7	1.23	0.30
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_181605	337968	KRTAP6-3	keratin ass	-	-	GO:000588	111	104	0.94	-0.09
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_001039	83999	KREMEN1	kringle con	GO:000715	GO:000551	GO:001602	38	38	0.98	-0.03
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001100	55022	PID1	phosphotypr	GO:000193	GO:000551	GO:0005654	nucleopla	7		
H30002050	H300020500	ENSG0000	NM_001284	66037	BOLL	boule homd	GO:000712	GO:000016	GO:0005737	cytoplasm			
H30002024	H300020242	ENSG0000	NM_053052	116841	SNAP47	synaptosom	GO:001608	GO:000548	GO:000588	132	109	0.83	-0.28
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_011519	387640	SKIDA1	SKI/DACH	-	-	-		7		
H30001402	H300014023	ENSG0000	XM_011525	8844	KSR1	kinase supp	GO:000016	GO:000467	GO:0005783	endoplasmic reticulum,GO:00057			
H30002120	H300021200	ENSG0000	NM_001168	200172	SLFN1	schlafen lik	-	GO:000552	-				
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011538	283455	KSR2	kinase supp	GO:000646	GO:000467	GO:0005737	cytoplasm,GO:0016020	membran		
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011524	81565	NDEL1	nudE neuro	GO:000013	GO:000551	GO:000077	37	60	1.61	0.69
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_011521	196951	FAM227B	family with	-	-	-		11		
opHsV0400	opHsV0400001	-	-	-	-	-	-	-	-				
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_011515	1576	CYP3A4	cytochrom	GO:000662	GO:000449	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005789	endoplasm		
H30002058	H300020581	ENSG0000	XM_011540	64210	MMS19	MMS19 hor	GO:000016	GO:000371	GO:000563	103	78	0.76	-0.39
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NG_011403	553820	EEF1A1P3	eukaryotic	-	-	-	1284	1470	1.14	0.19
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_001113	339263	C17orf51	chromosom	-	-	-		7		
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001316	388963	C2orf81	chromosom	-	-	-	39	37	0.95	-0.07
H30002133	H300021339	ENSG0000	NM_006750	6645	SNTB2	syntrophin	-	GO:000377	GO:000573	34	35	1.02	0.03
H30001931	H300019316	ENSG0000	NM_006617	10763	NES	nestin	GO:000008	GO:000367	GO:000573	33	35	1.08	0.11
H30001857	H300018576	ENSG0000	NM_001276	51575	ESF1	ESF1 nucle	GO:000635	GO:004482	GO:000561	203	214	1.06	0.08
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_001286	171024	SYNPO2	synaptopod	-	GO:000377	GO:0005634	nucleus,GO:0005925	focal adhes		
opHsV0400	opHsV0400006	-	NM_030967	81851	KRTAP1-1	keratin ass	GO:000815	-	GO:0045095	keratin fila	5		
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XR_943393	145282	MIPOL1	mirror-imag	-	GO:000551	GO:000563	46	64	1.39	0.48
opHsV0400	opHsV0400000	-	-	-	-	-	-	-	-	8028	7704	0.96	-0.06
H30002015	H300020155	ENSG0000	XM_005256	93649	MYOCD	myocardin	GO:000012	GO:000104	GO:0005634	nucleus	3		
H30002150	H300021507	ENSG0000	NM_018031	11180	WDR6	WD repeat	GO:000705	GO:000551	GO:000573	20	22	1.10	0.14
H30002150	H300021506	ENSG0000	XM_005256	80205	CHD9	chromodom	GO:000635	GO:000367	GO:000563	369	444	1.20	0.27
H30002120	H300021205	ENSG0000	NM_001001	89882	TPD52L3	tumor prot	-	GO:000551	-				
H30002122	H300021227	ENSG0000	NM_018153	84168	ANTXR1	anthrax tox	GO:000716	GO:000488	GO:0005886	plasma m	5		
H30002100	H300021000	ENSG0000	XM_011544	3636	INPPL1	inositol pol	GO:000195	GO:000377	GO:000573	138	143	1.03	0.05
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011516	6522	SLC4A2	solute carr	GO:000681	GO:000545	GO:000588	238	201	0.84	-0.24
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_004234	9310	ZNF235	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus	3		
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XM_011544	8822	FGF17	fibroblast g	GO:000016	GO:000510	GO:000557	17	22	1.28	0.36
opHsV0400	opHsV0400009	ENSG0000	XM_005249	5575	PRKAR1B	protein kin	GO:000309	GO:000486	GO:000582	48	30	0.63	-0.68
H30002029	H300020299	ENSG0000	NM_001145	9711	RUBCN	RUN and c	GO:000237	GO:000551	GO:000565	5	15	3.19	1.68
opHsV0400	opHsV0400003	-	-	-	-	-	-	-	-	205	205	1.00	0.00
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001316	3676	ITGA4	integrin sub	GO:000197	GO:000196	GO:0005886	plasma m	7		
H30000763	H300007634	ENSG0000	NR_038443	153743	PPP1R2P3	protein pho	GO:000597	GO:000486	GO:000016	77	77	1.01	0.01
H20001805	H200018055	ENSG0000	NM_153368	219770	GJD4	gap junctio	GO:000715	-	GO:0005922	connexon	4		
H20000515	H200005152	ENSG0000	NM_014018	28957	MRPS28	mitochondr	GO:000699	GO:004482	GO:000573	389	241	0.62	-0.69
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NR_028288	27004	TCL6	T-cell leuk	-	-	-		6		
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_011540	9721	GPRIN2	G protein r	-	GO:000551	-	16	12	0.73	-0.45
H30002039	H300020396	ENSG0000	XM_006717	57720	GPRI07	G protein-d	GO:007258	GO:003205	GO:000576	37	56	1.51	0.60
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_024689	79742	CXorf36	chromosom	-	-	GO:000557	33	41	1.22	0.29

opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_006720	123355	LRRC28	leucine rich	-	-	-	27	38	1.39	0.47
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XR_949730	10004	NAALADL1	N-acetyl	GO:000650	GO:000418	GO:001602	167	155	0.93	-0.11
H30002093	H300020935	ENSG0000	NM_001285	253260	RICTOR	RPTOR ind	GO:000193	GO:000551	GO:000582	89	110	1.23	0.30
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001031	54859	ELP6	elongator a	GO:000632	GO:000367	GO:003358	820	707	0.86	-0.21
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_152423	139221	MUM1L1	melanoma	-	-	GO:0070062	extracellular	exosome		
H30002032	H300020320	ENSG0000	NM_003862	8817	FGF18	fibroblast g	GO:000016	GO:000510	GO:0005576	extracellu	4		
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_011516	285971	ZNF775	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	145	94	0.65	-0.62
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_006721	388324	INCA1	inhibitor of	GO:000828	GO:000486	GO:000563	28	32	1.12	0.17
opHsV0400	opHsV0400002	-	-	-	-	-	-	-	-	55	72	1.31	0.39
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NR_024583	29797	POM121L8	POM121 tr	-	-	-	-	7		
H30000861	H300008619	ENSG0000	NM_001001	138803	OR13C3	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:000588	18	18	0.96	-0.06
H20000497	H200004974	ENSG0000	XR_242098	64983	MRPL32	mitochondr	GO:000641	GO:000373	GO:000574	1156	868	0.75	-0.41
H30000666	H300006668	ENSG0000	NM_203453	403313	PLPP6	phospholipi	GO:000815	GO:001678	GO:001602	78	82	1.05	0.06
opHsV0400	opHsV0400011	ENSG0000	XM_005257	7716	VEZF1	vascular er	GO:000152	GO:000367	GO:000563	158	192	1.21	0.28
H30000965	H300009655	ENSG0000	NM_005946	4489	MT1A	metallothio	GO:001003	GO:000551	GO:000563	5	7	1.37	0.45
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NR_045218	90933	TRIM41	tripartite m	GO:001656	GO:000551	GO:000573	72	78	1.08	0.11
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001134	9922	IQSEC1	IQ motif an	GO:003003	GO:000508	GO:000563	42	41	0.99	-0.01
H30002043	H300020435	ENSG0000	NM_001077	84000	TMPRSS13	transmemb	GO:000650	GO:000425	GO:001602	10	13	1.33	0.41
H30002139	H300021397	ENSG0000	NM_001318	257364	SNX33	sorting nex	GO:000028	GO:000551	GO:000576	25	30	1.20	0.26
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NR_033361	23023	TMCC1	transmemb	-	-	GO:000578	13	28	2.07	1.05
H30002113	H300021137	ENSG0000	NM_032108	10501	SEMA6B	semaphorin	GO:000175	GO:003021	GO:000588	11	14	1.32	0.40
H30002111	H300021110	ENSG0000	XM_006722	64772	ENGASE	endo-beta	GO:000815	GO:003392	GO:000582	31	34	1.10	0.14
H30002087	H300020871	ENSG0000	NM_001024	7048	TGFBR2	transformin	GO:000156	GO:000467	GO:000582	72	54	0.74	-0.43
H30000645	H300006458	ENSG0000	NM_001144	148867	SLC30A7	solute carr	GO:001004	GO:000538	GO:000573	41	62	1.51	0.60
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001042	389	RHOC	ras homolo	GO:000091	GO:000487	GO:000563	733	693	0.95	-0.08
H30002055	H300020556	ENSG0000	XM_005250	5506	PPP1R3A	protein pho	GO:000597	-	GO:0016021	integral c	4		
opHsV0400	opHsV0400009	ENSG0000	NM_001290	441925	BECN2	beclin 2	GO:000004	GO:000551	GO:000040	20	19	0.99	-0.01
H30000149	H300001490	ENSG0000	NR_038868	439916	LINC00615	long interge	-	-	-	19	29	1.53	0.61
H30000069	H300000699	ENSG0000	-	400581	GRAPL	GRB2-rela	-	-	-	-	-		
AHsV1000	AHsV10000934	ENSG0000	NM_000984	6147	RPL23A	ribosomal p	GO:000002	GO:000016	GO:000563	1424	1313	0.92	-0.12
AHsV1000	AHsV10001520	ENSG0000	XM_005257	5914	RARA	retinoic aci	GO:000012	GO:000090	GO:000079	7	15	2.27	1.18
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_133509	5890	RAD51B	RAD51 par	GO:000070	GO:000015	GO:000563	4	8	1.91	0.93
CHsGV100	CHsGV100039	ENSG0000	XM_011518	5711	PSMD5	proteasome	GO:000008	GO:000551	GO:000050	736	937	1.27	0.35
H20001208	H200012081	ENSG0000	NM_002799	5695	PSMB7	proteasome	GO:000008	GO:000429	GO:000050	6403	6387	1.00	0.00
H20000594	H200005947	ENSG0000	NM_000165	2697	GJA1	gap junctio	GO:000164	GO:000487	GO:0000139	Golgi membrane,	GO:0005739	mit	
H20000660	H200006607	ENSG0000	NM_181702	2669	GEM	GTP bindin	GO:000695	GO:000028	GO:0005634	nucleus,	GO:0009898	cytoplasmic	
AHsV1000	AHsV10001450	ENSG0000	NM_001278	2323	FLT3LG	fms related	GO:000193	GO:000510	GO:000561	51	47	0.92	-0.11
AHsV1000	AHsV10002819	ENSG0000	NM_004472	2297	FOXD1	forkhead bd	GO:000635	GO:000098	GO:000563	14	15	1.11	0.15
H20000571	H200005710	ENSG0000	NM_001003	2123	EVI2A	ecotropic v	GO:000716	GO:000488	GO:0016021	integral component of membrane			
DHsGV100	DHsGV1000303	-	XR_936990	105372717	LOC105372	uncharacte	-	-	-	17	17	1.00	0.00
H20000065	H200000653	ENSG0000	NM_001958	1917	EEF1A2	eukaryotic	GO:000641	GO:000374	GO:0005634	nucleus,	3		
H20000020	H200000200	ENSG0000	NM_004951	1880	GPR183	G protein-c	GO:000225	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,	GO:0005887	in	
AHsV1000	AHsV10001141	ENSG0000	NM_006218	5290	PIK3CA	phosphatid	GO:000152	GO:000467	GO:000582	66	90	1.36	0.44
H20000659	H200006598	ENSG0000	NM_182649	5111	PCNA	proliferatin	GO:000008	GO:000070	GO:000078	7154	6834	0.96	-0.07
CHsGV100	CHsGV1000083	ENSG0000	XM_006718	5091	PC	pyruvate c	GO:000597	GO:000367	GO:000573	8	15	1.99	0.99
H30000261	H300002616	ENSG0000	NM_000909	4886	NPY1R	neuropepti	GO:000315	GO:000160	GO:0005829	cytosol,	GO:0005886	plasma mem	
H20000612	H200006122	ENSG0000	NM_000270	4860	PNP	purine nucl	GO:000613	GO:000188	GO:000562	1207	866	0.72	-0.48
H20001409	H200014099	-	NM_001928	1675	CFD	complemen	GO:000257	GO:000425	GO:000557	629	384	0.61	-0.71
H20000675	H200006759	ENSG0000	NM_001199	1647	GADD45A	growth arre	GO:000007	GO:000104	GO:000563	3189	3216	1.01	0.01
H20000035	H200000353	ENSG0000	NM_000758	1437	CSF2	colony stim	GO:000016	GO:000512	GO:000557	63	59	0.94	-0.09
H20000068	H200000682	ENSG0000	NM_001884	1404	HAPLN1	hyaluronan	GO:000150	GO:000554	GO:0005576	extracellu	3		
AHsV1000	AHsV10001426	ENSG0000	XM_011509	1196	CLK2	CDC like ki	GO:000646	GO:000467	GO:000563	167	150	0.90	-0.16
H20001383	H200013839	ENSG0000	NM_001311	1173	AP2M1	adaptor rel	GO:000688	GO:000504	GO:000573	3796	2825	0.74	-0.43
H20001958	H200019588	ENSG0000	XM_006718	983	CDK1	cyclin-depe	GO:000008	GO:000467	GO:000078	5474	4827	0.88	-0.18
AHsV1000	AHsV10001432	ENSG0000	NM_000074	959	CD40LG	CD40 ligand	GO:000695	GO:000512	GO:0005615	extracellular space,	GO:0005886	plasma mem	
AHsV1000	AHsV10001660	ENSG0000	NM_006913	6048	RNF5	ring finger	GO:000961	GO:000484	GO:001602	15	25	1.65	0.73
H20000108	H200001082	ENSG0000	NM_001243	5870	RAB6A	RAB6A, me	GO:000004	GO:000392	GO:000013	379	671	1.77	0.82
AHsV1000	AHsV10000187	ENSG0000	NM_002862	5834	PYGB	phosphoryl	GO:000597	GO:000551	GO:000573	36	83	2.32	1.22
H30001147	H300011479	ENSG0000	XM_011536	5663	PSEN1	presenilin 1	GO:000004	GO:000417	GO:000013	88	82	0.94	-0.09
AHsV1000	AHsV10000347	ENSG0000	NM_002764	5631	PRPS1	phosphorib	GO:000597	GO:000028	GO:000218	2791	2039	0.73	-0.45
AHsV1000	AHsV10003353	ENSG0000	NR_135007	2635	GBP3	guanylate b	GO:000815	GO:000392	GO:0000139	Golgi membrane,	GO:0048471	per	
CHsGV100	CHsGV1000408	ENSG0000	XM_011519	2620	GAS2	growth arre	GO:000691	-	GO:0005829	cytosol,	GO:0005884	actin filamer	
AHsV1000	AHsV10000429	ENSG0000	NM_000509	2266	FGG	fibrinogen g	GO:000257	GO:000510	GO:0005576	extracellu	5		
CHsGV100	CHsGV1000236	ENSG0000	NM_001291	2250	FGF5	fibroblast g	GO:000016	GO:000510	GO:0005576	extracellu	8		
H20001568	H200015682	ENSG0000	NM_005234	2063	NR2F6	nuclear rec	GO:000012	GO:000098	GO:000563	912	673	0.74	-0.44
CHsGV100	CHsGV1000256	ENSG0000	NM_001304	2043	EPHA4	EPH recep	GO:000715	GO:000467	GO:0005737	cytoplasm,	GO:0005741	mitochon	
H30000011	H300000118	ENSG0000	NM_004090	1845	DUSP3	dual specif	GO:000018	GO:000472	GO:000177	239	176	0.74	-0.44
H20001568	H200015680	ENSG0000	NM_004949	1824	DSC2	desmocollir	GO:000715	GO:000550	GO:000588	65	150	2.30	1.20
AHsV1000	AHsV10003227	ENSG0000	XR_942480	5238	PGM3	phosphoglu	GO:000604	GO:000028	GO:000557	627	698	1.11	0.15
H20000651	H200006519	ENSG0000	NM_001040	5064	PALM	paralemmir	GO:000692	GO:000551	GO:000563	11	14	1.24	0.31
H20001609	H200016097	ENSG0000	NM_002565	5030	P2RY4	pyrimidiner	GO:000720	GO:000552	GO:0005829	cytosol,	GO:0005886	plasma mem	
H30002036	H300020363	ENSG0000	NM_001145	4841	NONO	non-POU c	GO:000039	GO:000016	GO:000563	2465	2326	0.94	-0.08
CHsGV100	CHsGV1000170	ENSG0000	NM_005385	4820	NKTR	natural kille	GO:000041	GO:000375	GO:001602	141	218	1.54	0.63
H30002058	H300020588	ENSG0000	NR_104221	1622	DBI	diazepam b	GO:000166	GO:000828	GO:000573	1811	1502	0.83	-0.27
AHsV1000	AHsV10001324	ENSG0000	NM_021080	1600	DAB1	Dab, reelin	GO:000716	GO:000551	GO:0005730	nucleolus	3		
H30001988	H300019880	ENSG0000	NR_045774	1386	ATF2	activating t	GO:000012	GO:000097	GO:000563	393	369	0.94	-0.09
CHsGV100	CHsGV1000284	ENSG0000	XM_011524	1353	COX11	COX11 cyt	GO:000758	GO:000412	GO:000573	1396	1245	0.89	-0.17
AHsV1000	AHsV10000783	ENSG0000	NM_000745	1138	CHRNA5	cholinergic	GO:000681	GO:000488	GO:000588	232	119	0.51	-0.97
H20000803	H200008036	-	XM_011536	1113	CHGA	chromogran	GO:000202	-	GO:000561	6	8	1.33	0.41
H20000847	H200008471	ENSG0000	XM_011521	939	CD27	CD27 mole	GO:000695	GO:000488	GO:000557	293	166	0.57	-0.82
AHsV1000	AHsV10002939	ENSG0000	NM_000733	916	CD3E	CD3e mole	GO:000266	GO:000488	GO:000177	24	23	0.97	-0.05
AHsV1000	AHsV10000985	ENSG0000	NM_001206	5992	RFX4	regulatory	GO:000636	GO:000097	GO:0005634	nucleus			
H20000009	H200000098	ENSG0000	NM_00										

H20000770	H200007706	ENSG0000	NM_005245	2195	FAT1	FAT atypic	GO:000701	GO:000550	GO:000563	121	139	1.15	0.20
H30000031	H300000314	ENSG0000	XR_931600	105369633	LOC10536	uncharacter	-	-	-	109	87	0.80	-0.32
H30001923	H300019230	ENSG0000	XM_011515	2006	ELN	elastin	GO:000758	GO:000520	GO:000557	13	14	1.12	0.16
H20000677	H200006772	ENSG0000	NM_001937	1805	DPT	dermatopo	GO:000715	-	GO:0005578	proteinaceous extracellular matri			
CHsGV100	CHsGV1000404	ENSG0000	XR_933225	1783	DYNC1LI2	dynein cyto	GO:000022	GO:000377	GO:000581	137	157	1.14	0.19
AHsV1000	AHsV10002363	ENSG0000	NM_001166	5184	PEPD	peptidase I	GO:000650	GO:000417	GO:007006	387	302	0.78	-0.36
CHsGV100	CHsGV1000075	ENSG0000	NM_001319	5008	OSM	oncostatin	GO:000267	GO:000512	GO:000557	208	231	1.11	0.15
H20001468	H200014687	ENSG0000	NM_002544	4974	OMG	oligodendro	GO:000715	GO:004280	GO:0005886	plasma m	6		
CHsGV100	CHsGV1000313	ENSG0000	NM_004556	4794	NFKBIE	NFKB inhib	GO:004294	GO:000551	GO:000573	171	161	0.94	-0.09
H30002277	H300022772	ENSG0000	NM_172388	4772	NFATC1	nuclear fac	GO:000222	GO:000098	GO:000079	44	41	0.93	-0.11
H30000740	H300007405	ENSG0000	NM_000771	1559	CYP2C9	cytochrom	GO:000680	GO:000156	GO:0005789	endoplasmic reticulum membrane			
H30000138	H300001380	ENSG0000	NM_001199	1520	CTSS	cathepsin S	GO:000222	GO:000196	GO:000557	125	376	3.02	1.59
CHsGV100	CHsGV1000382	ENSG0000	NM_000494	1308	COL17A1	collagen ty	GO:000716	GO:000551	GO:000557	35	33	0.95	-0.07
H20000699	H200006995	ENSG0000	NM_000393	1290	COL5A2	collagen ty	GO:000150	GO:000367	GO:0005576	extracellu	8		
AHsV1000	AHsV10002956	ENSG0000	NM_000078	1071	CETP	cholesteryl	GO:000664	GO:000531	GO:0005576	extracellu	4		
AHsV1000	AHsV10002144	ENSG0000	NM_001804	1044	CDX1	caudal type	GO:000636	GO:000098	GO:000563	25	24	0.95	-0.07
H20000701	H200007012	ENSG0000	XM_011514	896	CCND3	cyclin D3	GO:000193	GO:000469	GO:000030	1551	1577	1.02	0.02
DHsGV100	DHsGV1000495	-	-	-	-	-	-	-	-				
AHsV1000	AHsV10000882	ENSG0000	XM_011523	5934	RBL2	retinoblast	GO:000027	GO:000367	GO:000563	149	215	1.44	0.53
CHsGV100	CHsGV1000266	ENSG0000	NM_001099	5757	PTMA	prothymosi	GO:000635	GO:000551	GO:000563	19555	13029	0.67	-0.59
H20000053	H200000534	ENSG0000	NM_000956	5732	PTGER2	prostagland	GO:000718	GO:000495	GO:0005886	plasma m	3		
H20000863	H200008636	ENSG0000	XM_011524	5573	PRKAR1A	protein kin	GO:000170	GO:000486	GO:000177	964	1131	1.17	0.23
H30000556	H300005569	ENSG0000	NM_201348	5549	PRELP	proline/arg	GO:000150	GO:000520	GO:0005576	extracellu	4		
AHsV1000	AHsV10002560	ENSG0000	NM_000147	2517	FUCA1	fucosidase	GO:000600	GO:000456	GO:000573	401	535	1.34	0.42
H20000354	H200003548	ENSG0000	NM_005252	2353	FOS	FBJ murine	GO:000166	GO:000097	GO:000563	128	141	1.10	0.14
H30002094	H300020942	ENSG0000	NM_001319	2173	FABP7	fatty acid b	GO:000681	GO:000521	GO:0005654	nucleoplasm,GO:0005737	cytopla		
DHsGV100	DHsGV1000161	-	-	-	-	-	-	-	-	551	448	0.81	-0.30
H30000071	H300000714	ENSG0000	NM_004096	1979	EIF4EBP2	eukaryotic	GO:000641	GO:000551	GO:000573	995	1117	1.12	0.17
AHsV1000	AHsV10002911	ENSG0000	NM_001080	1955	MEGF9	multiple EG	GO:000815	-	GO:000557	39	43	1.10	0.13
H20000782	H200007828	ENSG0000	NM_004014	1756	DMD	dystrophin	GO:000202	GO:000216	GO:000563	160	201	1.26	0.33
H20001629	H200016296	ENSG0000	NM_001039	1733	DIO1	deiodinase	GO:000659	GO:000480	GO:0005789	endoplasm	8		
CHsGV100	CHsGV1000182	ENSG0000	NM_000922	5140	PDE3B	phosphodie	GO:000152	GO:000411	GO:000578	65	113	1.72	0.79
CHsGV100	CHsGV1000323	ENSG0000	NM_000273	4935	GPR143	G protein-c	GO:000672	GO:000493	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005765	lysosoma		
H20001392	H200013920	ENSG0000	NM_001204	4907	NT5E	5'-nucleoti	GO:000614	GO:000016	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005886	plasma m		
H20000193	H200001939	ENSG0000	NM_002495	4724	NDUFS4	NADH:ubiq	GO:000193	GO:000813	GO:000573	2326	3083	1.33	0.41
CHsGV100	CHsGV1000335	ENSG0000	NM_002489	4697	NDUFA4	NDUFA4, m	GO:000612	GO:000412	GO:000573	11546	9820	0.85	-0.23
AHsV1000	AHsV10001883	ENSG0000	NM_001290	1495	CTNNA1	catenin alp	GO:000154	GO:000519	GO:000166	840	1172	1.40	0.48
H20001154	H200011549	ENSG0000	NM_001193	1465	CSRP1	cysteine ar	GO:007052	GO:000827	GO:000563	148	146	0.99	-0.02
H30001896	H300018963	ENSG0000	NM_001160	1268	CNR1	cannabinoid	GO:000286	GO:000494	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005887	in		
H30001213	H300012136	ENSG0000	NM_031409	1235	CCR6	chemokine	GO:000240	GO:000487	GO:0005829	cytosol,G	6		
H20001370	H200013702	ENSG0000	NM_001261	1025	CDK9	cyclin-dep	GO:000628	GO:000097	GO:000565	104	106	1.02	0.03
H20000419	H200004197	ENSG0000	NM_004932	1004	CDH6	cadherin 6	GO:000715	GO:000550	GO:000588	6	8	1.29	0.37
H20000529	H200005293	ENSG0000	NM_001232	845	CASQ2	calsequest	GO:000202	GO:000550	GO:0005622	intracellul	4		
H20000747	H200007476	-	XM_006718	833	CARS	cysteinyln-t	GO:000641	GO:000004	GO:000573	1124	1402	1.25	0.32
H20002059	H200020595	ENSG0000	NR_045511	27201	GPR78	G protein-c	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma m	7		
H30001249	H300012499	ENSG0000	XM_005249	27153	ZNF777	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000557	52	53	1.01	0.01
H20001883	H200018834	ENSG0000	NR_046366	10212	DDX39A	DEAD-box	GO:000039	GO:000400	GO:000563	2586	2026	0.78	-0.35
H30001088	H300010886	ENSG0000	XM_011524	10197	PSME3	proteasome	GO:000008	GO:000203	GO:000050	116	100	0.87	-0.21
CHsGV100	CHsGV1000078	ENSG0000	XM_011537	10024	TROAP	trophinin as	GO:000715	GO:000551	GO:000573	283	244	0.86	-0.21
AHsV1000	AHsV10001954	ENSG0000	XM_011542	10003	NAALAD2	N-acetylata	GO:000650	GO:000418	GO:0005886	plasma m	4		
H30001727	H300017274	-	NM_001042	9859	CEP170	centrosoma	-	GO:000551	GO:000573	191	195	1.02	0.03
H30002110	H300021103	ENSG0000	XM_011525	9842	PLEKHM1	pleckstrin f	GO:000691	GO:004687	GO:000576	516	488	0.95	-0.08
AHsV1000	AHsV10000117	ENSG0000	XM_011522	9677	PPIP5K1	diphosphoir	GO:000602	GO:000082	GO:0005654	nucleopla	11		
CHsGV100	CHsGV1000346	ENSG0000	NM_001134	9653	HS2ST1	heparan su	GO:000597	GO:000814	GO:000013	173	216	1.25	0.32
CHsGV100	CHsGV1000283	ENSG0000	NM_001033	6387	CXCL12	C-X-C mo	GO:000156	GO:000510	GO:0005576	extracellular region,GO:0005615			
CHsGV100	CHsGV1000119	ENSG0000	XM_011518	6366	CC21	C-C motif	GO:000176	GO:000800	GO:0005576	extracellu	5		
CHsGV100	CHsGV1000076	ENSG0000	NM_001002	6175	RPLP0	ribosomal p	GO:000018	GO:000373	GO:0005634	nucleus,G	7		
CHsGV100	CHsGV1000221	ENSG0000	NM_001012	23480	SEC61G	Sec61 tran	GO:000247	GO:000551	GO:000578	2475	2509	1.01	0.02
H20000250	H200002506	ENSG0000	XM_006721	23460	ABCA6	ATP bindin	GO:000686	GO:000552	GO:0016021	integral component of membrane			
H30001330	H300013306	ENSG0000	NM_001286	9474	ATG5	autophagy	GO:000004	GO:000551	GO:000573	82	70	0.85	-0.23
H20000126	H200001266	ENSG0000	NM_001242	9448	MAP4K4	mitogen-ac	GO:000646	GO:000411	GO:000573	185	176	0.95	-0.07
H20000262	H200002626	ENSG0000	XM_006711	9249	DHRS3	dehydroger	GO:000152	GO:000016	GO:000578	201	172	0.85	-0.23
CHsGV100	CHsGV1000345	ENSG0000	NR_131777	9211	LG1	leucine-ric	GO:000739	GO:000510	GO:0005576	extracellular region,GO:0005615			
CHsGV100	CHsGV1000350	ENSG0000	XM_011544	9046	DOK2	docking pro	GO:000716	GO:000505	GO:000582	358	278	0.78	-0.36
H20000240	H200002403	ENSG0000	NM_003960	9027	NAT8	N-acetyltra	GO:000674	GO:000446	GO:000578	12	13	1.15	0.20
H30001503	H300015032	ENSG0000	NM_001101	8821	INPP4B	inositol pol	GO:000664	GO:000551	GO:0005829	cytosol			
H20000262	H200002627	ENSG0000	NM_003845	8798	DYRK4	dual specif	GO:001810	GO:000467	GO:000563	25	34	1.37	0.45
H20001402	H200014024	ENSG0000	NM_006243	5525	PPP2R5A	protein pho	GO:000716	GO:000551	GO:000015	887	961	1.08	0.12
CHsGV100	CHsGV1000293	ENSG0000	XM_005268	5502	PPP1R1A	protein pho	GO:000597	GO:000486	GO:000561	40	44	1.09	0.13
H20000687	H200006870	ENSG0000	NM_000297	5311	PKD2	polycystin	GO:000165	GO:000510	GO:0002133	polycystin	9		
AHsV1000	AHsV10000643	ENSG0000	NM_001284	27124	INPP5J	inositol pol	GO:000664	GO:000444	GO:0001726	ruffle,GO:	5		
H30001308	H300013089	ENSG0000	XM_005256	27077	B9D1	B9 protein	GO:000170	GO:000815	GO:000581	79	68	0.87	-0.21
H20000180	H200001800	ENSG0000	XM_011515	10165	SLC25A13	solute carr	GO:000597	GO:000373	GO:000573	589	521	0.88	-0.18
H20001522	H200015220	ENSG0000	XM_006714	10146	G3BP1	G3BP stres	GO:000681	GO:000367	GO:000563	1292	1246	0.96	-0.05
H20001285	H200012853	ENSG0000	NM_005128	9980	DOPEY2	dopey famil	GO:000689	GO:000367	GO:000013	23	56	2.47	1.31
AHsV1000	AHsV10002025	ENSG0000	XM_005269	9958	USP15	ubiquitin sp	GO:000651	GO:000419	GO:000563	629	546	0.87	-0.20
AHsV1000	AHsV10003496	ENSG0000	NM_014775	9814	SFI1	SFI1 centri	GO:000008	GO:000551	GO:000581	7	16	2.16	1.11
H20000637	H200006379	ENSG0000	NM_014755	9792	SERTAD2	SERTA dor	GO:000635	GO:000371	GO:000563	213	205	0.96	-0.05
CHsGV100	CHsGV1000278	ENSG0000	NM_001042	9637	FEZ2	fasciculatio	GO:000716	GO:000551	-	269	350	1.30	0.38
H30001536	H300015368	ENSG0000	XM_011519	9615	GDA	guanine de	GO:000613	GO:000827	GO:000562	55	60	1.09	0.13
H20000618	H200006189	ENSG0000	XM_005271	6342	SCP2	sterol carri	GO:000669	GO:000006	GO:000565	2161	2128	0.98	-0.02
CHsGV100	CHsGV1000136	ENSG0000	NM_002972	6305	SBF1	SET bindin	GO:000647	GO:000813	GO:0005634	nucleus,G	10		
AHsV1000	AHsV10002857	-	NM_000967	6122	RPL3	ribosomal p	GO:000002						

CHsTV100	CHsTV1000009	ENSG0000	NM_003947	8997	KALRN	kalirin, Rho	GO:000646	GO:000467	GO:0005829	cytosol,G	7				
H20000080	H200000807	ENSG0000	NM_004199	8974	P4HA2	prolyl 4-hy	GO:001840	GO:000465	GO:000563		218	186	0.85	-0.23	
H20001427	H200014279	ENSG0000	XM_011522	8773	SNAP23	synaptosom	GO:000255	GO:000548	GO:000565		1458	1404	0.96	-0.05	
H20000511	H200005119	ENSG0000	NR_073490	8741	TNFSF13	tumor necr	GO:000242	GO:000510	GO:0005576	extracellu	6				
AHsV1000	AHsV10003489	ENSG0000	NM_006721	5469	MED1	mediator c	GO:000012	GO:000097	GO:000015		332	338	1.02	0.02	
CHsGV100	CHsGV1000352	ENSG0000	NM_006234	5439	POLR2J	polymerase	GO:000039	GO:000105	GO:000563		66	54	0.81	-0.30	
H20001181	H200011813	-	-	-	-	-	-	-	-		7				
CHsGV100	CHsGV1000215	ENSG0000	NR_037804	100532724	NPHP3-AC	NPHP3-AC	-	-	-		5	17	3.59	1.85	
H30000432	H300004325	ENSG0000	XM_005250	26959	HBP1	HMG-box t	GO:000635	GO:000367	GO:000565		197	168	0.85	-0.23	
CHsGV100	CHsGV1000283	ENSG0000	NM_005740	10126	DNAL4	dynein axo	GO:000701	GO:000377	GO:000573		30	41	1.35	0.44	
H20000445	H200004450	ENSG0000	NM_005727	10103	TSPAN1	tetraspanin	GO:000716	GO:000551	GO:000573		41	40	0.99	-0.02	
CHsGV100	CHsGV1000035	ENSG0000	NM_005461	9935	MAFB	v-maf avia	GO:000635	GO:000097	GO:0005634	nucleus,G	4				
CHsGV100	CHsGV1000276	ENSG0000	XM_011523	9914	ATP2C2	ATPase se	GO:000687	GO:000538	GO:000013		126	113	0.90	-0.15	
H20000677	H200006779	ENSG0000	XM_011515	9771	RAPGEF5	Rap guanin	GO:000726	GO:000508	GO:0005634	nucleus	6				
AHsV1000	AHsV10002417	ENSG0000	XM_006716	9747	TCAF1	TRPM8 cha	GO:000681	GO:000551	GO:000588		216	359	1.67	0.74	
H20000220	H200002203	ENSG0000	XR_943564	9578	CDC42BPB	CDC42 bin	GO:000646	GO:000028	GO:0005737	cytoplasm	3				
H30000203	H300002037	ENSG0000	NM_004887	9547	CXCL14	C-X-C mo	GO:000693	GO:000551	GO:000561		29	30	1.03	0.04	
H20001104	H200011042	ENSG0000	NM_001319	6279	S100A8	S100 calci	GO:000181	GO:000550	GO:0005576	extracellu	3				
AHsV1000	AHsV10001334	ENSG0000	NM_001247	6249	CLIP1	CAP-Gly d	GO:000027	GO:000367	GO:000077		67	143	2.12	1.08	
AHsV1000	AHsV10001689	ENSG0000	NM_002930	6014	RIT2	Ras-like wi	GO:000716	GO:000392	GO:0005634	nucleus,GO:0005886	plasma mem				
CHsGV100	CHsGV1000273	ENSG0000	XM_011509	23381	SMG5	SMG5 nons	GO:000018	GO:000551	GO:000563		83	79	0.96	-0.06	
DHsGV100	DHsGV1000350	-	-	-	-	-	-	-	-		38	37	0.99	-0.02	
H20000521	H200005219	ENSG0000	NM_004794	9363	RAB33A	RAB33A, m	GO:000726	GO:000392	GO:000562		21	23	1.09	0.13	
AHsV1000	AHsV10003034	ENSG0000	XM_005253	9332	CD163	CD163 mol	GO:000689	GO:000504	GO:0005576	extracellular region,GO:0005886					
CHsGV100	CHsGV1000386	ENSG0000	XM_011517	9134	CCNE2	cyclin E2	GO:000007	GO:000551	GO:000565		325	304	0.93	-0.10	
H20001353	H200013532	ENSG0000	NM_004693	9119	KRT75	keratin 75	GO:000224	GO:000519	GO:000588		6	11	1.99	0.99	
AHsV1000	AHsV10000282	ENSG0000	NM_001276	8930	MBD4	methyl-Cp	GO:000628	GO:000369	GO:000078		524	636	1.21	0.28	
H30000186	H300001869	ENSG0000	XM_005250	8896	BUD31	BUD31 hor	GO:000039	GO:000370	GO:000079		2681	2440	0.91	-0.14	
H20001660	H200016609	ENSG0000	NR_073435	8723	SNX4	sorting nex	GO:000689	GO:000515	GO:000573		464	490	1.06	0.08	
H20001501	H200015011	ENSG0000	NM_030587	8704	B4GALT2	UDP-Gal:b	GO:000597	GO:000383	GO:000013		144	91	0.63	-0.67	
H20000840	H200008404	ENSG0000	XM_005273	5423	POLB	polymerase	GO:000626	GO:000368	GO:000563		986	873	0.89	-0.18	
H30001881	H300018814	ENSG0000	XM_011523	5376	PMP22	peripheral r	GO:000726	GO:000551	GO:000588		171	207	1.21	0.27	
AHsV1000	AHsV10002362	ENSG0000	XM_011519	5209	PFKFB3	6-phospho	GO:000597	GO:000387	GO:000565		300	210	0.70	-0.51	
H20000342	H200003422	ENSG0000	XM_011535	26586	CKAP2	cytoskeletal	GO:000028	-	GO:000092		312	288	0.92	-0.12	
DHsTV100	DHsTV1000016	-	NG_008043	1674	DES	desmin	GO:000693	GO:000520	GO:000582		219	173	0.79	-0.34	
CHsGV100	CHsGV1000032	ENSG0000	XM_011521	10082	GPC6	glypican 6	GO:000152	GO:004339	GO:0005578	proteinac	3				
H30001875	H300018758	ENSG0000	XM_005249	10061	ABCF2	ATP bindin	GO:000681	GO:000521	GO:000574		845	914	1.08	0.11	
CHsGV100	CHsGV1000234	ENSG0000	NM_001278	9900	SV2A	synaptic ve	GO:000683	GO:000487	GO:000573		16	22	1.34	0.42	
AHsV1000	AHsV10003225	ENSG0000	NM_014831	9881	TRANK1	tetratricop	-	GO:000552	-		10	27	2.68	1.42	
CHsGV100	CHsGV1000246	ENSG0000	NM_021645	9724	UTP14C	UTP14, sm	GO:000636	-	GO:000573		125	126	1.01	0.02	
H20001392	H200013921	ENSG0000	NM_012288	9697	TRAM2	translocati	GO:001503	GO:000551	GO:001602		56	95	1.71	0.77	
CHsGV100	CHsGV1000185	ENSG0000	NR_038103	9524	TECR	trans-2,3-e	GO:001943	GO:000551	GO:000563		1075	854	0.79	-0.33	
DHsGV100	DHsGV1000078	-	-	-	-	-	-	-	-		21	27	1.29	0.36	
H30000673	H300006732	-	NM_001028	6230	RPS25	ribosomal p	GO:000018	GO:000372	GO:000563		24396	22520	0.92	-0.12	
AHsV1000	AHsV10000814	ENSG0000	NM_001012	6202	RPS8	ribosomal p	GO:000018	GO:000373	GO:000563		42560	29761	0.70	-0.52	
AHsV1000	AHsV10001705	ENSG0000	NM_000537	5972	REN	renin	GO:000182	GO:000419	GO:000557		7	10	1.48	0.56	
CHsGV100	CHsGV1000033	ENSG0000	NM_001145	23331	TTC28	tetratricop	GO:000706	-	GO:000092		47	42	0.90	-0.16	
DHsGV100	DHsGV1000088	-	-	-	-	-	-	-	-		14	19	1.38	0.47	
H30000384	H300003840	ENSG0000	NM_004232	9306	SOCS6	suppressor	GO:000646	GO:000486	GO:000177		56	61	1.09	0.13	
AHsV1000	AHsV10002720	ENSG0000	XR_935006	105371913	LOC10537	uncharacte	-	-	-		182	221	1.21	0.28	
H20000624	H200006242	ENSG0000	NM_001037	9097	USP14	ubiquitin sp	GO:000651	GO:000419	GO:000050		2653	2077	0.78	-0.35	
CHsTV100	CHsTV1000020	ENSG0000	NM_006984	9071	CLDN10	claudin 10	GO:000681	GO:000519	GO:000573		12	14	1.24	0.31	
H20000625	H200006251	-	NM_003897	8870	IER3	immediate	GO:000156	GO:000551	GO:000563		428	888	2.08	1.05	
CHsGV100	CHsGV1000055	ENSG0000	NM_003884	8850	KAT2B	lysine acet	GO:000632	GO:000097	GO:000012		66	113	1.70	0.76	
CHsGV100	CHsGV1000047	ENSG0000	NM_001297	8682	PEA15	phosphoprc	GO:000007	GO:000551	GO:000582		142	143	1.01	0.01	
H20000527	H200005277	ENSG0000	XM_011515	8662	EIF3B	eukaryotic	GO:000173	GO:000016	GO:000565		4392	2569	0.59	-0.77	
H30000985	H300009854	ENSG0000	NM_001136	5349	FXYD3	FXYD doma	GO:000682	GO:000525	GO:000578		78	72	0.92	-0.12	
H20000437	H200004379	ENSG0000	XM_011545	5331	PLCB3	phospholipa	GO:000307	GO:000443	GO:000565		45	52	1.17	0.22	
AHsV1000	AHsV10001636	ENSG0000	NR_103731	5163	PDK1	pyruvate d	GO:000600	GO:000467	GO:000573		38	68	1.77	0.83	
AHsV1000	AHsV10002324	ENSG0000	XM_006719	79600	TCTN1	tectonic fa	GO:000170	-	GO:000561		7	21	3.15	1.66	
CHsGV100	CHsGV1000369	ENSG0000	XM_005256	79003	MIS12	MIS12 kine	GO:000007	GO:000551	GO:000044		249	246	0.99	-0.02	
DHsGV100	DHsGV1000046	ENSG0000	NM_001144	65998	C11orf95	chromosom	-	-	-		200	187	0.93	-0.10	
H20000391	H200003910	ENSG0000	XM_006722	64772	ENGASE	endo-beta	GO:000815	GO:003392	GO:000582		44	50	1.12	0.16	
H30000015	H300000150	ENSG0000	NM_022735	64746	ACBD3	acyl-CoA b	GO:000669	GO:000006	GO:000013		273	294	1.08	0.11	
H30001144	H300011444	ENSG0000	NM_001251	63970	TP53AIP1	tumor prot	GO:000691	GO:000367	GO:0005739	mitochondrion					
CHsGV100	CHsGV1000144	ENSG0000	NM_001199	63924	CIDEC	cell death i	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus,G	4				
H20000282	H200002820	ENSG0000	NM_016006	51099	ABHD5	abhydrolas	GO:000663	GO:000384	GO:000563		286	230	0.80	-0.32	
H20001142	H200011424	ENSG0000	XM_005266	51082	POLR1D	polymerase	GO:000636	GO:000105	GO:000565		1932	1636	0.85	-0.24	
H20001071	H200010718	ENSG0000	NM_015714	50486	G0S2	GO/G1 swi	GO:004425	GO:000367	GO:000573		16	127	7.72	2.95	
CHsGV100	CHsGV1000093	ENSG0000	NM_014600	30845	EH3	EH domain	GO:000759	GO:000367	GO:0005634	nucleus,GO:0005737	cytoplasm,C				
H20001069	H200010690	ENSG0000	XM_006721	29109	FHOD1	formin hom	GO:004594	GO:000377	GO:000172		235	171	0.73	-0.46	
AHsV1000	AHsV10003302	ENSG0000	NM_001288	29086	BABAM1	BRISC and	GO:000072	GO:000551	GO:000563		566	651	1.15	0.20	
CHsGV100	CHsGV1000012	ENSG0000	NM_020964	57724	EPG5	ectopic P-	GO:003245	-	GO:000573		22	24	1.10	0.13	
AHsV1000	AHsV10000449	ENSG0000	NR_027753	57467	HHATL	hedgehog a	GO:006026	-	GO:0005783	endoplasmic reticulum,GO:00057					
H20000942	H200009428	ENSG0000	NM_020673	57403	RAB22A	RAB22A, m	GO:000689	GO:000392	GO:000172		75	76	1.02	0.03	
AHsV1000	AHsV10002344	ENSG0000	NM_001276	56987	BBX	bobby sox	GO:000635	GO:000367	GO:000565		18	31	1.73	0.79	
H20000560	H200005602	ENSG0000	NM_020197	56950	SMYD2	SET and M	GO:000012	GO:000099	GO:000563		671	725	1.08	0.11	
AHsV1000	AHsV10000095	ENSG0000	NM_018930	56126	PCDHB10	protocadhe	GO:000715	GO:000550	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in				
AHsV1000	AHsV10000459	ENSG0000	NM_018926	56100	PCDHB6	protocadhe	GO:000715	GO:000550	GO:000588		182	109	0.60	-0.74	
H30001889	H300018890	ENSG0000	NM_014367	26355	FAM162A	family with	GO:000691	GO:000551	GO:000573		3568	2650	0.74	-0.43	
CHsGV100	CHsGV1000066	ENSG0000	NM_012180	26269	FBX08	F-box prot	GO:000651	GO:000							

H30001453	H300014531	ENSG0000	XM_005254	64397	ZNF106	zinc finger	GO:000828	GO:000151	GO:000573	55	48	0.88	-0.19		
H20000375	H200003758	ENSG0000	XM_011523	63826	SRR	serine race	GO:000656	GO:000028	GO:000573	89	86	0.97	-0.05		
CHsGV100	CHsGV1000385	ENSG0000	XM_005252	60560	NAA35	N(alpha)-ac	GO:004306	GO:000551	GO:000573	383	359	0.94	-0.10		
AHsV1000	AHsV10000301	ENSG0000	NR_122106	51057	WDPCP	WD repeat	GO:000182	-	GO:000585	16	28	1.75	0.81		
CHsGV100	CHsGV1000124	ENSG0000	NM_016063	51020	HDDC2	HD domain	-	GO:000551	GO:000573	2037	1517	0.74	-0.43		
AHsV1000	AHsV10002881	ENSG0000	XM_011536	30001	ERO1A	endoplasmic	GO:000030	GO:000375	GO:000578	203	256	1.26	0.33		
H20000163	H200001637	ENSG0000	XM_011539	29974	A1CF	APOBEC1	GO:000639	GO:000016	GO:0005654	nucleoplasm	3				
H30000192	H300001924	ENSG0000	XM_011516	29028	ATAD2	ATPase fam	GO:000635	GO:000368	GO:000563	789	761	0.97	-0.05		
H30001262	H300012626	ENSG0000	XM_011544	28971	AAMDC	adipogenesis	GO:004306	GO:000551	GO:000573	116	119	1.03	0.04		
AHsV1000	AHsV10002072	ENSG0000	NR_036529	57653	LOC10049	LOC10049	-	-	-	31	33	1.09	0.13		
H20001500	H200015008	ENSG0000	NM_001033	57228	SMAGP	small cell a	GO:000715	GO:000487	GO:000565	175	212	1.21	0.28		
H20000257	H200002574	ENSG0000	NM_001081	57187	THOC2	THO complex	GO:000639	GO:000372	GO:000034	719	738	1.03	0.04		
H20000302	H200003021	ENSG0000	NM_001128	106821730	BUB1B-PA	BUB1B-PA	-	-	-		8				
H20000105	H200001050	ENSG0000	NM_020122	56888	KCMF1	potassium	GO:000815	GO:000827	-	477	583	1.22	0.29		
AHsV1000	AHsV10002780	ENSG0000	NM_001122	55974	SLC50A1	solute carr	GO:000864	GO:004294	GO:000013	291	293	1.00	0.01		
AHsV1000	AHsV10001448	ENSG0000	XM_011544	55909	BIN3	bridging int	GO:000091	GO:000551	GO:000573	253	283	1.12	0.16		
AHsV1000	AHsV10000588	ENSG0000	NM_001308	26191	PTPN22	protein tyr	GO:000647	GO:000472	GO:0005634	nucleus,GO	24				
CHsGV100	CHsGV1000284	ENSG0000	NM_001018	26135	SERBP1	SERPINE1	GO:004298	GO:000373	GO:000563	6203	5433	0.88	-0.19		
AHsV1000	AHsV10003177	ENSG0000	NM_015444	25907	TMEM158	transmemb	-	GO:004227	GO:001602	560	711	1.27	0.34		
AHsV1000	AHsV10003125	ENSG0000	NM_015417	25876	TFE1	sperm flag	GO:000815	GO:000367	GO:0005575	cellular_co	6				
H20000630	H200006303	ENSG0000	NM_014330	23645	PPP1R15A	protein pho	GO:000193	GO:000551	GO:000016	91	126	1.39	0.48		
AHsV1000	AHsV10001269	ENSG0000	NM_138971	23621	BACE1	beta-site A	GO:000650	GO:000154	GO:0005768	endosome,GO:0005770	late endo				
AHsV1000	AHsV10000489	ENSG0000	NM_024296	79140	CCDC28B	coiled-coil	GO:004238	GO:000551	GO:000573	297	193	0.65	-0.62		
H30000819	H300008197	ENSG0000	NM_032409	65018	PINK1	PTEN indu	GO:000042	GO:000028	GO:000015	37	43	1.15	0.21		
CHsGV100	CHsGV100025	ENSG0000	XM_011538	64897	C12orf43	chromosom	-	GO:000551	-	90	85	0.94	-0.09		
AHsV1000	AHsV10000854	ENSG0000	XM_011545	64319	FBR3	fibrosin	-	-	-	68	70	1.02	0.03		
H30001776	H300017769	ENSG0000	XM_011540	64210	MMS19	MMS19 hom	GO:000016	GO:000371	GO:000563	22	27	1.25	0.33		
H20000250	H200002504	ENSG0000	NM_021640	60314	C12orf10	chromosom	GO:003564	GO:000367	GO:0005634	nucleus,GO	16				
H20000879	H200008792	ENSG0000	XR_943740	102723319	LOC10272	uncharacte	-	-	-	184	157	0.85	-0.23		
H30000074	H300000746	ENSG0000	XM_006716	51001	MTERF3	mitochondr	GO:000042	GO:000369	GO:000573	458	412	0.90	-0.15		
H20001196	H200011964	ENSG0000	XM_011520	50856	CLEC4A	C-type lec	GO:000222	GO:000488	GO:000588	5	10	2.06	1.05		
H20000778	H200007787	ENSG0000	NM_203344	29946	SERTAD3	SERTA dom	GO:000635	GO:000551	GO:000563	89	126	1.42	0.50		
AHsV1000	AHsV10003410	ENSG0000	NM_001271	29920	PYCR2	pyrroline-5	GO:000656	GO:000473	GO:000573	2412	2799	1.16	0.21		
AHsV1000	AHsV10003207	ENSG0000	NM_016354	28231	SLC04A1	solute carr	GO:004240	GO:001534	GO:000588	54	46	0.84	-0.25		
H30000709	H300007093	ENSG0000	NM_014502	27339	PRPF19	pre-mRNA	GO:000020	GO:000551	GO:000097	1273	877	0.69	-0.54		
AHsV1000	AHsV10000127	ENSG0000	XM_011537	57570	TRMT5	tRNA meth	GO:000640	GO:005290	GO:000563	4	17	4.39	2.13		
H20001124	H200011248	ENSG0000	NM_020427	57152	SLURP1	secreted L	GO:000177	GO:000512	GO:000557	40	39	0.96	-0.06		
AHsV1000	AHsV10001010	ENSG0000	NR_046115	57127	RHBG	Rh family B	GO:000699	GO:000851	GO:0005886	plasma m	6				
H20001171	H200011715	ENSG0000	NM_001142	56681	SAR1A	secretion a	GO:000688	GO:000552	GO:000579	502	462	0.92	-0.12		
AHsV1000	AHsV10001111	ENSG0000	XM_011542	56649	TMPRSS4	transmemb	GO:000650	GO:000425	GO:0016021	integral c	3				
AHsV1000	AHsV10001149	ENSG0000	XM_011545	55867	SLC22A11	solute carr	GO:001571	GO:000545	GO:000588	6	16	2.49	1.32		
DHsGV100	DHsGV1000347	-	-	-	-	-	-	-	-	59	58	0.98	-0.03		
AHsV1000	AHsV10003364	ENSG0000	XM_005260	26074	CFAP61	cilia and fla	GO:005511	GO:001649	-						
CHsGV100	CHsGV1000254	ENSG0000	XM_005254	26050	SLITRK5	SLIT and N	GO:000726	-	GO:001602	6	10	1.75	0.81		
CHsGV100	CHsGV1000404	ENSG0000	NM_145804	25841	ABTB2	ankyrin rep	GO:009723	GO:000367	GO:000557	13	18	1.39	0.47		
AHsV1000	AHsV10003076	ENSG0000	XM_011521	25820	ARIH1	ariadne RB	GO:000020	GO:000484	GO:000015	203	261	1.28	0.36		
AHsV1000	AHsV10002189	ENSG0000	NM_014320	23593	HEBP2	heme bindi	GO:001091	GO:000551	GO:000573	176	223	1.27	0.34		
CHsGV100	CHsGV1000040	ENSG0000	NM_176787	23556	PIGN	phosphatid	GO:000650	GO:005137	GO:000578	57	73	1.27	0.35		
AHsV1000	AHsV10000694	ENSG0000	XM_011538	387885	CFAP73	cilia and fla	-	-	-	24	33	1.34	0.42		
H30001945	H300019452	ENSG0000	NM_022826	64844	42436	membrane	GO:000264	GO:000827	-	646	659	1.02	0.03		
CHsGV100	CHsGV1000097	ENSG0000	NM_001319	64793	CEP85	centrosoma	GO:000646	GO:000551	GO:000024	111	126	1.13	0.18		
CHsGV100	CHsGV1000378	ENSG0000	XR_933939	64118	DUS1L	dihydrourid	GO:000294	GO:001715	GO:000582	230	190	0.83	-0.27		
AHsV1000	AHsV10000438	ENSG0000	NM_001286	64092	SAMSN1	SAM doma	GO:000282	GO:000178	GO:000172	1841	1810	0.98	-0.02		
CHsGV100	CHsGV1000132	ENSG0000	XM_006717	58499	ZNF462	zinc finger	GO:000632	GO:000367	GO:0005634	nucleus	5				
DHsGV100	DHsGV1000537	ENSG0000	XM_011509	100191040	C2CD4D	C2 calcium	-	GO:000550	-	6					
H20001689	H200016895	ENSG0000	NM_016943	50831	TAS2R3	taste 2 rec	GO:000158	GO:000852	GO:000588	10	9	0.94	-0.09		
H30000475	H300004754	ENSG0000	XM_011523	50628	GEMIN4	gem nuclea	GO:000038	GO:000551	GO:000563	43	38	0.87	-0.20		
H20001143	H200011433	ENSG0000	XM_006715	29887	SNX10	sorting nex	GO:000689	GO:000551	GO:000563	257	298	1.16	0.21		
AHsV1000	AHsV10002516	ENSG0000	NM_001283	29761	USP25	ubiquitin sp	GO:000646	GO:000484	GO:000563	130	229	1.76	0.82		
CHsGV100	CHsGV1000254	ENSG0000	NM_001271	27301	APEX2	APEX nucl	GO:000628	GO:000367	GO:000563	80	80	1.01	0.01		
AHsV1000	AHsV10003127	ENSG0000	NM_015702	27249	MMADHC	methylmalc	GO:000676	-	GO:000573	5662	4877	0.86	-0.22		
AHsV1000	AHsV10001681	ENSG0000	NM_020741	57501	KIAA1257	-	-	-	-						
H20000344	H200003444	ENSG0000	NM_020375	57103	TIGAR	TP53 indu	GO:000293	GO:000408	GO:000562	13	13	1.02	0.03		
H20000158	H200001587	ENSG0000	XR_241201	57035	RSRP1	arginine/se	-	GO:000551	-	1635	2107	1.29	0.37		
H20001431	H200014313	ENSG0000	NM_001080	56271	BEX4	brain expre	-	-	GO:000563	4579	3940	0.86	-0.22		
H20001526	H200015267	ENSG0000	XM_006715	56164	STK31	serine/thre	GO:000646	GO:000467	GO:0001669	acrosoma	8				
AHsV1000	AHsV10002627	ENSG0000	NM_018417	55811	ADCY10	adenylate d	GO:000335	GO:000028	GO:0005634	nucleus,GO:0005737	cytoplasm,C				
H30000103	H300001038	ENSG0000	NM_018351	55785	FGD6	FYVE, Rho	GO:000701	GO:000508	GO:000172	11	20	1.86	0.90		
H30002000	H300020008	ENSG0000	XM_006715	26031	OSBPL3	oxysterol b	GO:000686	GO:000551	GO:000582	140	162	1.16	0.21		
CHsGV100	CHsGV1000075	-	NM_001300	25998	IBTK	inhibitor of	GO:000193	GO:001990	GO:000565	142	193	1.36	0.45		
AHsV1000	AHsV10001763	ENSG0000	NM_012134	25802	LMOD1	leiomodoin 1	GO:000693	GO:000377	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005829	cytosol,GO				
AHsV1000	AHsV10003474	ENSG0000	NR_104292	25771	TBC1D22A	TBC1 doma	GO:004354	GO:000509	-	34	52	1.52	0.61		
H20001474	H200014747	ENSG0000	NM_012292	23526	HMHA1	histocompa	GO:000726	GO:000509	GO:000582	23	23	1.01	0.02		
CHsGV100	CHsGV1000004	ENSG0000	NM_015348	23505	TMEM131	transmemb	GO:000815	GO:000367	GO:000557	32	49	1.54	0.62		
DHsGV100	DHsGV1000198	ENSG0000	NM_022831	64853	AIDA	axin interad	GO:000995	GO:000551	GO:000557	828	1289	1.56	0.64		
CHsGV100	CHsGV100037	-	NM_001079	653275	CFC1B	cripto, FRL	GO:000736	-	GO:000557	5	9	1.92	0.94		
DHsGV100	DHsGV1000443	ENSG0000	XM_011513	646730	LOC646730	uncharacte	-	-	-						
DHsGV100	DHsGV1000309	ENSG0000	NM_001080	646498	C3orf84	chromosom	-	-	-		4				
AHsV1000	AHsV10000529	ENSG0000	NM_175884	168455	CCDC71L	coiled-coil	-	-	-	29	79	2.70	1.43		
H30001170	H300011708	ENSG0000	NM_145290	166647	ADGRA3	adhesion G	GO:000716	GO:000493	GO:0009897	external s	4				
AHsV1000	AHsV10002499	ENSG0000	NM_001317	157769	FAM91A1	family with	-	-	-	165	211	1.28	0.36		
H30000611	H300006112	ENSG0000	XM_005250	155006	TMEM213	transmemb	-	-	GO:001602	6	10	1.53	0.61		
AHsV1000	AHsV10002552	ENSG0000	NM_001097	148930	KNCN	kinocilin	-	-	GO:0016021	integral c	9				
CHsGV100	CHsGV1000225	ENSG0000													

H30001907	H300019076	ENSG0000	NM_001098	10786	SLC17A3	solute carr	GO:000681	GO:000543	GO:0005737 cytoplasm,GO:0005789 endoplasm				
DHsGV100	DHsGV1000014	-	-	-	-	-	-	-	16	17	1.08	0.11	
DHsGV100	DHsGV1000181	ENSG0000	NM_001164	100288323	KRTAP21	keratin ass	-	GO:000588	11	13	1.15	0.20	
DHsGV100	DHsGV1000569	-	-	-	-	-	-	-	39	38	0.98	-0.03	
DHsGV100	DHsGV1000371	-	-	-	-	-	-	-	11	16	1.48	0.56	
DHsGV100	DHsGV1000395	-	NG_029476	1523	CUX1	cut-like ho	GO:000012	GO:000097	GO:0000139 Golgi membrane,GO:0005634 nuc				
DHsGV100	DHsGV1000101	ENSG0000	NM_203378	4151	MB	myoglobin	GO:000166	GO:000534	GO:0070062 extracellular exosome				
DHsGV100	DHsGV1000252	-	-	-	-	-	-	-	18	21	1.11	0.15	
DHsGV100	DHsGV1000282	-	NG_021300	139411	PTCHD1	patched do	GO:000722	GO:000367	GO:000588	73	65	0.89	-0.17
DHsGV100	DHsGV1000507	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000491	ENSG0000	-	-	RP11-166F	-	-	-	16	19	1.18	0.24	
opHsV0400	opHsV0400010	ENSG0000	XM_011538	728568	C12orf73	chromosom	-	GO:000557	571	477	0.83	-0.26	
DHsGV100	DHsGV1000480	ENSG0000	-	-	RP11-402U	-	-	-	-	6	-	-	-
H30002212	H300022124	ENSG0000	XM_006719	6249	CLIP1	CAP-Gly d	GO:000027	GO:000367	GO:000077	35	75	2.13	1.09
DHsGV100	DHsGV1000352	-	NG_030004	6624	FSCN1	fascin activ	GO:000704	GO:000377	GO:000172	9	13	1.42	0.50
DHsGV100	DHsGV1000352	ENSG0000	-	-	CTD-2083I	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000264	ENSG0000	NM_001142	9392	TGFBRAP1	transformin	GO:000635	GO:000516	GO:000576	105	83	0.79	-0.34
DHsGV100	DHsGV1000175	-	-	-	-	-	-	-	24	27	1.12	0.16	
DHsGV100	DHsGV1000549	-	-	-	-	-	-	-	99	97	0.98	-0.03	
DHsGV100	DHsGV1000073	-	-	-	-	-	-	-	-	3	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000272	-	-	-	-	-	-	-	8	11	1.30	0.38	
DHsGV100	DHsGV1000298	-	-	-	-	-	-	-	189	172	0.91	-0.14	
DHsGV100	DHsGV1000186	ENSG0000	NR_125363	643783	USP46-AS	USP46 ant	-	-	4	9	2.07	1.05	
DHsGV100	DHsGV1000050	-	NG_029172	5346	PLIN1	perilipin 1	GO:000662	GO:000828	GO:000578	9	13	1.40	0.48
DHsGV100	DHsGV1000023	-	-	-	-	-	-	-	11	18	1.62	0.70	
DHsGV100	DHsGV1000110	ENSG0000	NR_033777	441687	TEX21P	testis expr	-	-	-	6	-	-	-
H30000543	H300005434	ENSG0000	NM_001131	6304	SATB1	SATB hom	GO:000012	GO:000097	GO:000563	23	25	1.09	0.13
DHsGV100	DHsGV1000098	-	-	-	-	-	-	-	39	38	0.96	-0.06	
DHsGV100	DHsGV1000101	ENSG0000	-	23255	MTCL1	microtubule	GO:000157	GO:000551	GO:0000922 spindle po	3	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000146	-	NG_030034	6811	STX5	syntaxin 5	GO:000688	GO:000014	GO:0000139 Golgi men	6	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000052	-	-	-	-	-	-	-	-	4	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000530	ENSG0000	NR_036482	442524	DPY19L2P	DPY19L2 p	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000060	-	-	-	-	-	-	-	10	16	1.57	0.65	
AHsV10000	AHsV10000572	-	-	-	-	-	-	-	-	11	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000181	ENSG0000	-	1838	DTNB	dystrobrevi	-	GO:000551	GO:000573	6	14	2.25	1.17
DHsGV100	DHsGV1000389	ENSG0000	-	-	RP11-679E	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000441	ENSG0000	NM_001127	8837	CFLAR	CASP8 and	GO:000691	GO:000202	GO:0005737 cytoplasm	3	-	-	-
H20001141	H200011413	ENSG0000	NM_001199	4057	LTF	lactotransf	GO:000150	GO:000367	GO:0005576 extracellu	5	-	-	-
H30001915	H300019155	ENSG0000	NM_013430	2678	GGT1	gamma-glu	GO:000268	GO:000384	GO:000561	30	36	1.21	0.27
H20000334	H200003347	ENSG0000	NM_031966	891	CCNB1	cyclin B1	GO:000008	GO:000511	GO:000092	3800	3720	0.98	-0.03
DHsGV100	DHsGV1000488	-	-	-	-	-	-	-	-	4	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000403	ENSG0000	XR_427279	54986	ULK4	unc-51 like	GO:000022	GO:000467	-	5	8	1.61	0.69
DHsGV100	DHsGV1000569	ENSG0000	-	23770	FKBP8	FK506 bind	GO:000041	GO:000375	GO:0005789 endoplasmic reticulum membrane	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000473	ENSG0000	NR_038390	100288077	WTAPP1	Wilms tumo	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000119	-	-	-	-	-	-	-	-	7	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000422	ENSG0000	NM_001193	51548	SIRT6	sirtuin 6	GO:000072	GO:000368	GO:000563	163	144	0.88	-0.18
DHsGV100	DHsGV1000439	ENSG0000	XM_005257	9625	AATK	apoptosis-2	GO:000742	GO:000467	GO:000578	62	56	0.91	-0.14
DHsGV100	DHsGV1000441	-	-	-	-	-	-	-	-	11	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_011525	642843	CPSF4L	cleavage ar	-	GO:000372	-	14	19	1.37	0.45
DHsGV100	DHsGV1000182	ENSG0000	NR_027420	389834	LOC389834	ankyrin rep	-	-	-	14	27	1.96	0.97
H20001201	H200012019	ENSG0000	XM_011516	57016	AKR1B10	aldo-keto r	GO:000152	GO:000175	GO:0005764 lysosome,GO:0005829 cytosol,GO	-	-	-	-
AHsV10000	AHsV10002858	ENSG0000	NM_001080	441027	TMEM150C	transmemb	GO:001050	-	GO:0005764 lysosome,GO:0005765 lysosomal	-	-	-	-
H30000174	H300001744	ENSG0000	-	7418	VDAC1P4	voltage-de	-	-	-	1103	888	0.80	-0.31
DHsGV100	DHsGV1000104	-	-	-	-	-	-	-	20	19	0.96	-0.06	
DHsGV100	DHsGV1000432	ENSG0000	XM_011522	5170	PDPK1	3-phospho	GO:000222	GO:000467	GO:000562	86	92	1.06	0.09
DHsGV100	DHsGV1000363	-	-	-	-	-	-	-	-	4	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000467	-	-	-	-	-	-	-	247	216	0.87	-0.20	
DHsGV100	DHsGV1000476	ENSG0000	-	5786	PTPRA	protein tyr	GO:000016	GO:000472	GO:000562	80	61	0.77	-0.39
DHsGV100	DHsGV1000209	-	-	-	-	-	-	-	40	42	1.03	0.05	
AHsV10000	AHsV10000010	ENSG0000	XM_011525	23347	SMCHD1	structural r	GO:005127	GO:000552	GO:000078	34	55	1.60	0.68
DHsGV100	DHsGV1000219	ENSG0000	NG_009171	9274	BCL7C	B-cell CLL	GO:000691	-	-	36	40	1.10	0.14
DHsGV100	DHsGV1000312	-	XR_918411	105371783	LOC10537	uncharacte	-	-	-	48	43	0.88	-0.18
H30001907	H300019077	ENSG0000	XM_011514	5269	SERPINB6	serpin pept	GO:000760	GO:000202	GO:000561	823	638	0.78	-0.37
DHsGV100	DHsGV1000035	ENSG0000	-	-	RP3-525N	-	-	-	-	16	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000517	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
H20001709	H200017093	ENSG0000	NR_047675	54976	C20orf27	chromosom	GO:000815	GO:000367	GO:000557	146	80	0.54	-0.88
AHsV10000	AHsV10000408	ENSG0000	XM_011540	83938	C10orf11	chromosom	GO:003031	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000199	-	NG_029838	6525	SMTN	smoothelin	GO:000693	GO:000377	GO:000565	15	19	1.27	0.35
DHsGV100	DHsGV1000508	ENSG0000	XR_922293	105371620	LOC10537	uncharacte	-	-	-	8	12	1.60	0.68
DHsGV100	DHsGV1000033	ENSG0000	NM_001242	167227	DCP2	decapping f	GO:000018	GO:000372	GO:0000932 cytoplasmic mRNA processing bc	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000216	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000293	ENSG0000	-	-	RP11-163C	-	-	-	-	6	-	-	-
CHsGV100	CHsGV1000120	ENSG0000	XM_011542	79707	NOL9	nucleolar p	GO:000044	GO:000372	GO:000573	144	133	0.93	-0.11
DHsGV100	DHsGV1000361	-	NG_033878	1804	DPP6	dipeptidyl p	GO:000650	GO:000823	GO:000588	5	7	1.52	0.61
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	XM_011537	641372	ACOT6	acyl-CoA t	GO:001943	GO:005268	GO:0005782 peroxisomal matrix,GO:0005829 d	-	-	-	-
AHsV10000	AHsV10003518	ENSG0000	XM_011545	552900	BOLA2	bolA family	-	-	-	35	40	1.15	0.20
AHsV10000	AHsV10003258	ENSG0000	NM_001004	440590	ZYG11A	zyg-11 fam	GO:001656	GO:000484	GO:003146	43	37	0.86	-0.22
DHsTV100	DHsTV1000005	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
H20000390	H200003909	ENSG0000	NM_203292	5932	RBBP8	retinoblast	GO:000007	GO:000001	GO:000563	349	382	1.10	0.13
AHsV10000	AHsV10002890	ENSG0000	NR_134299	54826	GIN1	gypsy retro	GO:001507	GO:000367	-	104	164	1.57	0.65
DHsGV100	DHsGV1000220	-	-	-	-	-	-	-	-	226	195	0.86	-0.21
DHsGV100	DHsGV1000186	ENSG0000	NM_001318	348180	CTU2	cytosolic th	GO:000209	GO:000004	GO:000573	98	73	0.75	-0.42
DHsGV100	DHsGV1000243	-	NG_011451	3687	ITGAX	integrin sub	GO:000715	GO:000487	GO:000588	34	29	0.86	-0.22
DHsGV100	DHsGV1000023	ENSG0000	NM_002862	5834	PYGB	phosphoryl	GO:000597	GO:000551	GO:000573	18	21	1.20	0.27
DHsGV100	DHsGV1000331	-	-	-	-	-	-	-	-	34	32	0.96	-0.05
DHsGV100	DHsGV1000059	-	-	-	-	-	-	-	-	10	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000461	-	NG_007380	3851	KRT4	keratin 4, t	GO:000701	GO:000519	GO:000563	75	65	0.87	-0.20
DHsGV100	DHsGV1000041	-	-	-	-	-	-	-	-	6	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000114	-	XM_011529	105372715	LOC10537	uncharacte	-	-	-	111	93	0.84	-0.25

H30002148	H300021488	ENSG0000	NR_033255	1841	DTYMK	deoxythym	GO:000622	GO:000479	GO:000575	1716	1403	0.82	-0.29
DHsGV100	DHsGV100012	ENSG0000	NR_033249	2653	GCSH	glycine clea	GO:000654	GO:000404	GO:000573	906	716	0.79	-0.34
H20000587	H200005878	ENSG0000	NM_001320	522	ATP5J	ATP synth	GO:002176	GO:000521	GO:000027	6494	5124	0.79	-0.34
CHsGV100	CHsGV100033	ENSG0000	NM_138454	115861	NXNL1	nucleoredo	GO:004549	-	GO:000564	35	35	1.01	0.01
DHsGV100	DHsGV1000082	-	-	-	-	-	-	-	-	18	19	1.07	0.09
DHsGV100	DHsGV1000258	-	-	-	-	-	-	-	-	-	5	-	-
DHsGV100	DHsGV1000396	-	-	-	-	-	-	-	-	-	3	-	-
DHsGV100	DHsGV1000007	ENSG0000	XM_011526	147872	CCDC155	coiled-coil	GO:000072	GO:000551	GO:000078	25	24	0.95	-0.08
DHsGV100	DHsGV1000385	ENSG0000	XM_011544	10992	SF3B2	splicing fac	GO:000039	GO:000551	GO:000565	4	8	2.14	1.10
DHsGV100	DHsGV1000003	ENSG0000	NR_003083	386757	SLC6A10P	solute carr	-	-	-	38	29	0.78	-0.36
AHsV1000	AHsV10000851	ENSG0000	NM_001114	100137047	JMJD7	jumonji dor	-	GO:000551	-	40	48	1.20	0.27
AHsV1000	AHsV10002270	ENSG0000	XR_949954	503497	MS4A13	membrane	-	-	GO:0016021	integral component of membrane	-	-	-
AHsV1000	AHsV10001289	ENSG0000	XM_011509	448834	KPRP	keratinocyt	-	-	GO:0005737	cytoplasm,GO:0070062	extracellu	-	-
opHsV0400	opHsV0400009	ENSG0000	NM_001012	440023	KRTAP5-6	keratin ass	-	GO:000551	GO:0005882	intermediate filament	-	-	-
CHsGV100	CHsGV1000174	-	NM_214461	408029	C2orf27B	chromosom	-	-	-	6	8	1.28	0.36
H20000624	H200006240	ENSG0000	NM_006813	10957	PNRC1	proline rich	GO:000635	GO:000551	GO:0005634	nucleus	8	-	-
H20000282	H200002823	ENSG0000	NM_006092	10392	NOD1	nucleotide	GO:000018	GO:000551	GO:000573	46	54	1.17	0.22
H30002250	H300022506	ENSG0000	NR_037712	5892	RAD51D	RAD51 par	GO:000070	GO:000015	GO:000078	49	48	0.98	-0.03
H20001061	H200010615	ENSG0000	XM_006717	5253	PHF2	PHD finger	GO:000188	GO:000371	GO:000077	82	103	1.25	0.32
H30002132	H300021323	ENSG0000	XR_949463	661	POLR3D	polymerase	GO:000638	GO:000105	GO:000079	148	189	1.27	0.35
H30001435	H300014357	ENSG0000	NR_036462	378708	APITD1	apoptosis-i	GO:000027	GO:000367	GO:000077	424	461	1.09	0.12
H20000735	H200007356	ENSG0000	NM_001524	3060	HCRT	hypocretin	GO:000720	GO:003177	GO:000557	79	65	0.82	-0.29
H30001966	H300019665	ENSG0000	NM_130787	160	AP2A1	adaptor rel	GO:000688	GO:000551	GO:000582	41	48	1.17	0.22
H20000044	H200000449	ENSG0000	NM_012089	23456	ABCB10	ATP bindin	GO:000681	GO:000521	GO:000574	615	788	1.28	0.36
H20000516	H200005165	ENSG0000	NM_033448	112802	KRT71	keratin 71,	GO:003106	GO:000519	GO:000573	146	152	1.04	0.05
H20000492	H200004928	ENSG0000	XM_011537	6729	SRP54	signal reco	GO:000641	GO:000392	GO:000563	682	715	1.05	0.07
H30001953	H300019538	ENSG0000	XM_005268	23390	ZDHC17	zinc finger	GO:000716	GO:000487	GO:000013	25	35	1.40	0.49
H20000737	H200007377	ENSG0000	NM_001308	93349	SP140L	SP140 nuc	-	GO:000367	GO:000563	54	88	1.64	0.71
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_002463	4600	MX2	MX dynami	GO:000695	GO:000392	GO:000563	10	15	1.50	0.59
H20000851	H200008511	ENSG0000	NM_001402	1915	EEF1A1	eukaryotic	GO:000635	GO:000004	GO:0005615	extracellular space,GO:0005634	r	-	-
H20001423	H200014233	ENSG0000	XM_011516	2990	GUSB	glucuronida	GO:000597	GO:000456	GO:000561	1026	1057	1.03	0.04
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_000707	553	AVPR1B	arginine va	GO:000199	GO:000500	GO:0005768	endosome	8	-	-
H30002021	H300020217	-	XM_005245	29922	NME7	NME/NM23	GO:000335	GO:000455	GO:000581	53	54	1.04	0.05
H30001086	H300010862	ENSG0000	NM_001135	29967	LRP12	LDL recept	GO:000689	GO:000504	GO:000588	47	77	1.64	0.72
H20000341	H200003412	ENSG0000	NM_015470	26056	RAB11FIP3	RAB11 fam	GO:003577	GO:000551	GO:000013	64	68	1.05	0.07
H30002097	H300020977	ENSG0000	XM_011517	11168	PSIP1	PC4 and S	GO:000039	GO:000110	GO:000563	176	352	2.00	1.00
H30000776	H300007764	ENSG0000	NM_019856	8736	MYOM1	myomesin	GO:000223	GO:000551	GO:0005863	striated m	7	-	-
H30001991	H300019919	ENSG0000	NR_104019	79083	MLPH	melanophili	GO:000688	GO:000551	GO:0030425	dendrite,C	3	-	-
H30001864	H300018648	ENSG0000	XM_011536	3183	HNRNPC	heterogene	GO:000039	GO:000016	GO:000079	8946	5694	0.64	-0.65
H20000019	H200000197	ENSG0000	NR_027763	2997	GYS1	glycogen sy	GO:000597	GO:000437	GO:000582	57	46	0.81	-0.31
H20001014	H200010141	ENSG0000	NM_004830	9439	MED23	mediator c	GO:000635	GO:000371	GO:000565	74	68	0.92	-0.11
H20000671	H200006719	ENSG0000	XM_011525	9775	EIF4A3	eukaryotic	GO:000018	GO:000372	GO:000565	3428	2371	0.69	-0.53
H20001457	H200014572	-	XM_011542	8915	BCL10	B-cell CLL	GO:000178	GO:000202	GO:000177	118	123	1.04	0.06
H20001069	H200010693	ENSG0000	XM_011542	4798	NFRKB	nuclear fac	GO:000628	GO:000202	GO:000563	35	33	0.95	-0.08
H30001724	H300017241	ENSG0000	XM_011524	4302	MLL7	myeloid/lyr	GO:000635	GO:000551	GO:000563	31	39	1.27	0.35
H20001131	H200011311	ENSG0000	NM_001320	8620	NPFF	neuropepti	GO:000243	GO:000166	GO:000557	76	76	1.00	0.00
H20001399	H200013990	ENSG0000	NM_000894	3972	LHB	luteinizing	GO:000670	GO:000510	GO:000557	340	255	0.75	-0.41
H20001078	H200010785	ENSG0000	NM_006760	7379	UPK2	uroplakin 2	GO:000727	GO:000551	GO:0005887	integral c	6	-	-
H20000705	H200007052	ENSG0000	NM_003142	6741	SSB	Sjogren syr	GO:000640	GO:000004	GO:000078	3699	3740	1.01	0.02
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_002282	3889	KRT83	keratin 83,	GO:000756	GO:000519	GO:0005615	extracellu	9	-	-
H20001805	H200018059	ENSG0000	NM_001205	140730	RIMS4	regulating s	GO:000683	GO:004432	GO:003005	41	49	1.17	0.23
H20000642	H200006421	ENSG0000	NM_001039	8239	USP9X	ubiquitin sp	GO:000012	GO:000419	GO:000573	556	590	1.06	0.09
H20000512	H200005123	ENSG0000	XR_929838	7270	TTF1	transcriptid	GO:000633	GO:000367	GO:000563	152	161	1.06	0.08
H30001414	H300014146	ENSG0000	NM_199344	375035	SFT2D2	SFT2 doma	GO:000815	GO:000367	GO:001602	64	74	1.15	0.20
H30001360	H300013605	ENSG0000	XM_011539	118980	SFXN2	sideroflexin	GO:003422	GO:001507	GO:000574	55	50	0.91	-0.14
H20000246	H200002469	ENSG0000	NM_001018	10456	HAX1	HCLS1 ass	GO:000700	GO:000511	GO:000563	2151	2591	1.20	0.27
H20001575	H200015750	ENSG0000	NM_015913	51060	TXNDC12	thioredoxin	GO:004545	GO:000551	GO:000578	931	1084	1.16	0.22
H20001420	H200014207	ENSG0000	NM_012430	26984	SEC22A	SEC22 hon	GO:000688	GO:000014	GO:000578	193	196	1.02	0.02
H20000464	H200004647	ENSG0000	XM_005256	10052	GJC1	gap junctio	GO:000157	GO:000521	GO:000578	18	24	1.34	0.43
H20000982	H200009827	ENSG0000	NM_020982	9080	CLDN9	claudin 9	GO:001603	GO:000519	GO:0005886	plasma m	10	-	-
H20000675	H200006752	ENSG0000	XM_011518	5537	PPP6C	protein pho	GO:000008	GO:000472	GO:000013	234	240	1.02	0.04
H30002057	H300020573	ENSG0000	NM_015184	23228	PLCL2	phospholipa	GO:000232	GO:000443	GO:0005737	cytoplasm	5	-	-
H20000281	H200002819	ENSG0000	XM_005250	4147	MAN2	matriisin 2	GO:000176	GO:000367	GO:0005578	proteinaceous extracellular matri	-	-	-
H20000349	H200003498	ENSG0000	NM_005907	4121	MAN1A1	mannosidas	GO:000649	GO:000457	GO:000013	481	439	0.91	-0.13
H30000777	H300007777	ENSG0000	-	2866	GPR42	G protein-c	GO:000718	GO:000493	GO:0005887	integral c	3	-	-
H30002020	H300020203	ENSG0000	NR_034035	10772	SRSF10	serine/argi	GO:000024	GO:000016	GO:000563	1552	1748	1.13	0.17
H20001286	H200012863	ENSG0000	NM_001300	23097	CDK19	cyclin-depe	GO:000646	GO:000469	GO:000563	65	108	1.65	0.72
H20001217	H200012178	-	NM_007147	7728	ZNF175	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000565	206	295	1.43	0.52
H20001073	H200010733	ENSG0000	NR_028400	100303453	TSNAX-DI	TSNAX-DI	-	-	-	514	448	0.87	-0.20
H20001058	H200010588	ENSG0000	NM_006898	3232	HOXD3	homeobox	GO:000635	GO:000370	GO:000563	20	28	1.43	0.52
H20000065	H200000659	ENSG0000	XM_005268	2735	GLI1	GLI family	GO:000164	GO:000097	GO:000563	16	24	1.49	0.57
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_000729	885	CCK	cholecysto	GO:000166	GO:000517	GO:000557	58	52	0.89	-0.17
H20001675	H200016753	ENSG0000	NM_007195	11201	POLI	polymerase	GO:000626	GO:000368	GO:000562	75	96	1.28	0.36
H30002069	H300020699	ENSG0000	NM_004437	2035	EPB41	erythrocyte	GO:000801	GO:000377	GO:000563	134	172	1.29	0.36
H20000580	H200005802	-	NM_001700	566	AZU1	azurocidin	GO:000177	GO:000425	GO:000557	9	15	1.63	0.71
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_182589	285242	HTR3E	5-hydroxyt	GO:000721	GO:000488	GO:0005886	plasma m	10	-	-
H30001662	H300016620	ENSG0000	NM_000811	2559	GABRA6	gamma-am	GO:000681	GO:000489	GO:000588	6	15	2.39	1.26
H20001399	H200013992	ENSG0000	NM_199361	7165	TPD52L2	tumor prot	GO:004212	GO:000551	GO:000573	377	317	0.84	-0.25
H20001120	H200011200	ENSG0000	NM_001145	8277	TKTL1	transketola	GO:000600	GO:000480	GO:0005634	nucleus,G	5	-	-
H30000752	H300007523	ENSG0000	-	653232	RPL15P3	ribosomal p	-	-	-	35775	23704	0.66	-0.59
H20000016	H200000163	ENSG0000	NM_004146	4713	NDUFB7	NADH:ubiq	GO:000612	GO:000813	GO:000573	1571	1253	0.80	-0.33
H20001032	H200010329	ENSG0000	NM_001919	1632	EC1	enoyl-CoA	GO:000663	GO:000416	GO:000573	1136	924	0.81	-0.30
H20000085	H200000856	ENSG0000	NR_034059	5707	PSMD1	proteasome	GO:000008	GO:000417	GO:000050	2570	2043	0.79	-0.33</

H20001759	H200017596	ENSG0000	NR_040101	116138	KLHDC3	kelch doma	GO:000713	GO:000368	GO:000079	531	444	0.84	-0.26	
H20000333	H200003332	ENSG0000	NR_036553	79072	FASTKD3	FAST kinas	GO:000646	GO:000467	GO:000573	500	382	0.76	-0.39	
H30000751	H300007518	ENSG0000	NM_004097	2016	EMX1	empty spira	GO:000170	GO:000551	GO:0005634	nucleus,G	9			
H20001531	H200015310	ENSG0000	XM_011514	11131	CAPN11	calpain 11	GO:000650	GO:000419	GO:0001669	acrosoma	8			
H20000008	H200000089	ENSG0000	XM_011538	6895	TARBP2	TAR (HIV-	GO:000646	GO:000372	GO:000563		86	72	0.84	-0.25
H20000668	H200006681	ENSG0000	NM_021976	6257	RXRβ	retinoid X r	GO:000170	GO:000097	GO:000563		83	102	1.23	0.29
H20000321	H200003210	ENSG0000	NM_001277	101243544	ERCC6-PC	ERCC6-PC	-	-	-		38	36	0.94	-0.08
H20000583	H200005830	ENSG0000	NM_001351	1618	DAZL	deleted in a	GO:000155	GO:000016	GO:000563		20	27	1.34	0.42
H20001543	H200015433	-	NM_004091	1870	E2F2	E2F transc	GO:000027	GO:000104	GO:000565		117	126	1.08	0.11
H20000234	H200002340	ENSG0000	NM_004865	9519	TBPL1	TATA-box	GO:000167	GO:000367	GO:000567		2234	2436	1.09	0.12
opHsV0400	opHsV0400000	-	NM_001290	7365	UGT2B10	UDP glucur	GO:000662	GO:001502	GO:0005789	endoplasr	5			
H30001567	H300015676	ENSG0000	NM_000762	1548	CYP2A6	cytochrom	GO:000680	GO:000550	GO:000578		81	82	1.01	0.01
H30000802	H300008023	ENSG0000	XM_011544	1135	CHRNA2	cholinergic	GO:000681	GO:000488	GO:000588		6	12	1.88	0.91
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_006001	7278	TUBA3C	tubulin alp	GO:000645	GO:000392	GO:000563		390	251	0.64	-0.63
H20000752	H200007522	ENSG0000	NM_001057	6865	TACR2	tachykinin	GO:000693	GO:000499	GO:000588		20	21	1.04	0.06
H20000531	H200005311	ENSG0000	NM_001306	55351	STK32B	serine/thre	GO:001810	GO:000467	GO:000562		50	40	0.81	-0.30
H20001096	H200010968	ENSG0000	XM_011538	55188	RIC8B	RIC8 guanil	GO:000718	GO:000196	GO:000573		56	63	1.14	0.18
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_005205	1339	COX6A2	cytochrom	GO:000609	GO:000412	GO:000575		9	14	1.68	0.75
H20001706	H200017063	ENSG0000	NM_000098	1376	CP2	carbitine p	GO:000663	GO:000409	GO:000565		288	278	0.97	-0.05
H20000557	H200005571	ENSG0000	NM_007204	11218	DDX20	DEAD-box	GO:000012	GO:000367	GO:000563		478	449	0.94	-0.09
H20001672	H200016720	ENSG0000	XM_011522	9493	KIF23	kinesin fam	GO:000002	GO:000377	GO:000563		374	300	0.80	-0.32
H20001304	H200013046	ENSG0000	NM_007129	7546	ZIC2	Zic family r	GO:000184	GO:000367	GO:000563		79	64	0.81	-0.30
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_004975	3745	KCNB1	potassium	GO:000150	GO:000525	GO:000562		11	12	1.12	0.16
H20000712	H200007121	ENSG0000	NM_022908	64943	NT5DC2	5'-nucleoti	GO:001631	GO:000825	-		625	459	0.73	-0.45
H30000994	H300009946	ENSG0000	XM_011540	9148	NEURL1	neuralized	GO:000641	GO:000484	GO:000588		76	70	0.92	-0.12
H20001317	H200013174	ENSG0000	XM_006722	27231	NMRK2	nicotinamid	GO:000943	GO:000551	GO:000562		9	10	1.19	0.25
H30001688	H300016883	-	-	-	-	-	-	-	-		165	153	0.93	-0.10
H30002042	H300020427	ENSG0000	NM_016574	1813	DRD2	dopamine r	GO:000165	GO:000159	GO:000166		5	12	2.46	1.30
H20000062	H200000629	ENSG0000	NR_033674	9993	DGCR2	DiGeorge s	GO:000715	GO:003024	GO:001602		650	588	0.90	-0.14
H20000106	H200001063	ENSG0000	NM_001300	10902	BRD8	bromodoma	GO:000632	GO:000370	GO:000081		848	936	1.10	0.14
H20000347	H200003470	ENSG0000	NM_030818	81576	CCDC130	coiled-coil	GO:000961	GO:000551	GO:000557		283	285	1.01	0.01
H20000635	H200006358	ENSG0000	NM_032509	84549	MAK16	MAK16 hor	-	GO:004482	GO:000573		695	602	0.87	-0.21
H20000537	H200005378	ENSG0000	NR_033290	92689	FAM114A1	family with	-	GO:000551	GO:0005737	cytoplasm	7			
H20000676	H200006764	ENSG0000	XM_011519	89891	WDR34	WD repeat	GO:000699	GO:000551	GO:000573		761	788	1.03	0.05
H20001604	H200016042	ENSG0000	-	-	RP4-560B	-	-	-	-		976	704	0.72	-0.47
H20001440	H200014409	ENSG0000	NM_020802	57562	CEP126	centrosoma	GO:000705	GO:000551	GO:0005737	cytoplasm	3			
H20000648	H200006485	ENSG0000	NM_001014	8532	CPZ	carboxypep	GO:000650	GO:000418	GO:000578	proteinac	8			
H20000112	H200001129	ENSG0000	XM_011544	51201	ZDHHC2	zinc finger	GO:001834	GO:000827	GO:000578		42	60	1.43	0.52
H20001744	H200017446	ENSG0000	XM_011522	54985	HCFC1R1	host cell fa	-	-	GO:000563		104	107	1.03	0.04
H20000188	H200001884	ENSG0000	XM_011542	79594	MUL1	mitochondr	GO:000026	GO:000484	GO:000565		171	162	0.94	-0.08
H20001171	H200011717	ENSG0000	NM_016039	51637	C14orf166	chromosom	GO:000635	GO:000099	GO:000563		859	762	0.89	-0.17
H20001117	H200011174	ENSG0000	NR_130118	81628	TSC22D4	TSC22 don	GO:000635	GO:000370	GO:000563		88	88	0.99	-0.01
H20001316	H200013160	ENSG0000	XM_011523	64127	NOD2	nucleotide	GO:000018	GO:000377	GO:000573		12	22	1.82	0.86
H20000727	H200007273	ENSG0000	NM_138499	170394	PWWP2B	PWWP don	-	GO:000551	GO:0005654	nucleopla	5			
H20000228	H200002286	ENSG0000	XM_005274	55048	VPS37C	VPS37C, E	GO:000691	GO:000551	GO:000081		367	274	0.75	-0.42
H20002043	H200020439	ENSG0000	NM_001304	148156	ZNF558	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000557		78	106	1.37	0.45
H20000860	H200008606	ENSG0000	NM_015688	27146	FAM184B	family with	-	-	-					
H20000329	H200003290	ENSG0000	NM_001145	55789	DEPDC1B	DEP domai	GO:000726	GO:000509	GO:000582		623	599	0.96	-0.06
H30000479	H300004795	ENSG0000	NM_001271	340205	TREML1	triggering r	GO:001972	GO:000551	GO:0005737	cytoplasm	9			
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_181604	337967	KRTAP6-2	keratin ass	-	-	GO:000588		27	26	0.95	-0.07
H30002103	H300021038	ENSG0000	XM_006718	154810	AMOTL1	angiomotin	GO:000336	GO:000551	GO:000573		65	54	0.82	-0.28
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_153221	148113	CILP2	cartilage in	-	GO:000403	GO:000578	proteinac	9			
H20001999	H200019994	ENSG0000	NM_033504	113452	TMEM54	transmemb	GO:000815	GO:000367	GO:000557		140	118	0.84	-0.25
H20001369	H200013695	ENSG0000	NM_174881	92359	CRB3	crumbs 3, c	GO:003432	GO:000551	GO:000588		43	40	0.93	-0.11
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_005253	51434	ANAPC7	anaphase p	GO:000027	GO:001990	GO:000563		715	781	1.09	0.13
H20000800	H200008000	ENSG0000	XM_005257	1659	DHX8	DEAH-box	GO:000039	GO:000400	GO:000563		124	129	1.04	0.06
H20001477	H200014773	ENSG0000	NM_007017	11063	SOX30	SRY-box 3	GO:000635	GO:000098	GO:0005634	nucleus	7			
H20000593	H200005934	ENSG0000	NM_020342	57181	SLC39A10	solute carr	GO:000290	GO:000538	GO:000588		158	144	0.91	-0.13
H20001448	H200014486	ENSG0000	XM_011517	80778	ZNF34	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563		74	70	0.94	-0.09
H20000311	H200003111	ENSG0000	NM_017673	54823	SWT1	SWT1, RNA	-	-	-		37	38	1.05	0.07
H20001227	H200012277	ENSG0000	NM_001318	9014	TAF1B	TATA-box	GO:000018	GO:000116	GO:000563		158	185	1.17	0.23
H20001569	H200015698	ENSG0000	NM_018910	56141	PCDHA7	protocadhe	GO:000715	GO:000550	GO:000588		31	26	0.84	-0.25
H20000091	H200000910	ENSG0000	NM_000991	6158	RPL28	ribosomal p	GO:000018	GO:000372	GO:000573		46	56	1.23	0.30
H20001894	H200018944	ENSG0000	NM_001159	11279	KLF8	Kruppel-lik	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus				
H20001558	H200015585	ENSG0000	NR_073537	79959	CEP76	centrosoma	GO:000008	GO:000551	GO:000581		311	251	0.81	-0.31
H20000167	H200001673	ENSG0000	NM_032313	84273	NOA1	nitric oxide	GO:000691	GO:000392	GO:000573		432	383	0.89	-0.18
H20000142	H200001425	ENSG0000	XM_006716	7419	VDAC3	voltage dep	GO:000682	GO:000016	GO:000563		4950	3736	0.75	-0.41
H20001719	H200017192	ENSG0000	XM_011542	56980	PRDM10	PR domain	GO:000635	GO:000367	GO:000563		37	41	1.09	0.13
H20001703	H200017033	ENSG0000	XM_011516	55131	RBM28	RNA bindin	GO:000639	GO:000016	GO:000568		793	802	1.01	0.02
H20001234	H200012346	ENSG0000	NM_014469	27288	RBMXL2	RNA bindin	-	GO:000016	GO:0005634	nucleus,G	4			
H20000066	H200000663	ENSG0000	NM_001039	2879	GPX4	glutathione	GO:000632	GO:000460	GO:000563		1493	1202	0.80	-0.31
H20000242	H200002420	ENSG0000	XM_011522	91433	RCCD1	RCC1 dom	-	-	GO:000573		100	101	1.01	0.02
H20000442	H200004422	ENSG0000	NM_001278	732	C8B	complemen	GO:000695	GO:003240	GO:000557		233	159	0.68	-0.56
H20001546	H200015461	ENSG0000	NM_018930	56126	PCDHB10	protocadhe	GO:000715	GO:000550	GO:000588		5	10	2.31	1.21
H20001620	H200016208	ENSG0000	NM_175063	284361	EMC10	ER membra	-	-	GO:000557		166	155	0.93	-0.11
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	-	282617	IFNL3	interferon,	GO:000725	GO:000510	GO:0005615	extracellu	5			
H30000502	H300005026	ENSG0000	NM_080831	140881	DEFB129	defensin be	GO:004274	-	GO:0005576	extracellu	4			
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_175057	134860	TAAR9	trace amin	GO:000718	GO:000159	GO:000588		4	11	2.64	1.40
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011543	85480	TSLP	thymic strc	-	GO:000512	GO:000561		43	30	0.71	-0.49
H20001403	H200014032	ENSG0000	NM_032782	84868	HAVCR2	hepatitis A	GO:000225	GO:004687	GO:000986	cell surfac	6			
H30000542	H300005421	ENSG0000	XM_011539	119391	GSTO2	glutathione	GO:000674	GO:000436	GO:00					

H20001696	H200016963	ENSG0000	NM_022104	63935	PCIF1	PDX1 C-te	GO:001092	-	GO:000565	46	53	1.14	0.19
H20001623	H200016234	ENSG0000	NR_104240	55687	TRMU	tRNA 5-me	GO:000214	GO:000004	GO:000565	227	204	0.90	-0.15
H20000715	H200007158	ENSG0000	XM_011524	54475	NLE1	notchless	GO:000175	-	GO:000563	169	129	0.76	-0.39
H20000135	H200001359	ENSG0000	NM_001127	27248	ERLEC1	endoplasm	GO:003043	GO:000194	GO:000578	184	179	0.97	-0.04
H20000473	H200004733	ENSG0000	NM_001166	51176	LEF1	lymphoid e	GO:000012	GO:000097	GO:000563	223	186	0.83	-0.26
H20001700	H200017008	ENSG0000	NM_001278	27043	PELP1	proline, glu	GO:000635	GO:000368	GO:000563	352	223	0.63	-0.66
H20000144	H200001440	ENSG0000	XM_011544	83877	TM2D2	TM2 domai	-	-	GO:001602	748	547	0.73	-0.45
H20001636	H200016368	ENSG0000	XM_011537	115811	IQCD	IQ motif co	-	-	-	-	10	-	-
H20001281	H200012812	ENSG0000	XM_005256	57567	ZNF319	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	59	58	0.99	-0.02
H20000078	H200000789	ENSG0000	NM_015544	26022	TMEM98	transmemb	-	-	GO:000578	488	410	0.84	-0.25
H20001575	H200015759	ENSG0000	XM_011541	553115	PEF1	penta-EF-	GO:000650	GO:000419	GO:000573	213	210	0.99	-0.02
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_011542	253935	ANGPTL5	angiopoietin	-	-	GO:000557	50	42	0.84	-0.25
H30001229	H300012299	ENSG0000	XM_011519	219681	ARMC3	armadillo re	-	-	GO:0070062	extracellu	4	-	-
H30000770	H300007703	ENSG0000	NM_174899	130888	FBXO36	F-box prot	GO:003114	-	-	20	28	1.38	0.46
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_011524	125115	KRT40	keratin 40,	-	GO:000519	GO:0005882	intermedi	6	-	-
H20000849	H200008498	ENSG0000	XM_006720	84312	BRMS1L	breast cand	GO:000012	GO:000440	GO:007082	67	68	1.02	0.03
H30001634	H300016342	ENSG0000	XM_011520	83857	TMTC1	transmemb	-	-	GO:000573	6	13	2.06	1.04
H30000310	H300003103	ENSG0000	NR_109808	29085	PHPT1	phosphohis	GO:000647	GO:000472	GO:000582	248	207	0.84	-0.26
H30001929	H300019298	ENSG0000	NM_001136	10533	ATG7	autophagy	GO:000042	GO:000483	GO:000040	169	196	1.16	0.21
H20000295	H200002956	ENSG0000	NM_016258	51441	YTHDF2	YTH N(6)-r	GO:000695	GO:000551	GO:000093	934	905	0.97	-0.05
H20001267	H200012678	ENSG0000	NM_032329	84289	ING5	inhibitor of	GO:000626	GO:000368	GO:000563	44	33	0.73	-0.45
H20001226	H200012263	ENSG0000	NM_018039	55693	KDM4D	lysine deme	GO:000072	GO:003245	GO:000565	178	119	0.67	-0.59
H20001462	H200014625	ENSG0000	NM_020340	57221	ARFGEF3	ARFGEF fa	GO:001092	GO:000508	GO:001602	6	11	1.83	0.87
H20000884	H200008840	ENSG0000	XM_005253	80018	NAA25	N(alpha)-ad	GO:001719	GO:000459	GO:000565	476	459	0.96	-0.05
H20001540	H200015402	ENSG0000	NM_015603	26093	CCDC9	coiled-coil	-	GO:000551	-	87	73	0.84	-0.25
H20000092	H200000921	ENSG0000	NM_014077	26017	FAM32A	family with	GO:000691	GO:000551	GO:000563	652	711	1.09	0.12
H20000438	H200004383	ENSG0000	NM_001887	1414	CRYBB1	crystallin b	GO:000760	GO:000521	-	16	20	1.23	0.30
H20001403	H200014039	ENSG0000	NM_001253	988	CDC5L	cell divisio	GO:000027	GO:000122	GO:000097	16	24	1.53	0.61
H20001442	H200014425	ENSG0000	XM_011517	58524	DMRT3	doublesex a	GO:000635	GO:000098	GO:0005634	nucleus	-	-	-
H20000996	H200009960	ENSG0000	XM_006711	9696	CROCC	ciliary rootl	GO:000704	GO:000377	GO:000191	35	42	1.20	0.26
H20000686	H200006865	ENSG0000	XM_011544	23649	POLA2	polymerase	GO:000006	GO:000367	GO:000565	239	259	1.09	0.12
H20001443	H200014431	ENSG0000	NM_014898	22835	ZFP30	ZFP30 zinc	GO:000635	GO:000367	GO:000563	78	123	1.58	0.66
H20001291	H200012913	ENSG0000	NM_032410	84376	HOOK3	hook micro	GO:000703	GO:000551	GO:000024	68	76	1.12	0.17
H20001347	H200013471	ENSG0000	XM_005267	145376	PPP1R36	protein pho	GO:001092	GO:000486	-	10	13	1.31	0.39
H20001620	H200016209	ENSG0000	XM_011519	83592	AKR1E2	aldo-keto r	GO:005511	GO:005057	GO:000573	52	49	0.95	-0.08
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_011517	389677	RBM12B	RNA bindin	-	GO:000016	-	64	102	1.60	0.68
H30000952	H300009523	ENSG0000	NM_182973	360200	TMPRSS9	transmemb	GO:003163	GO:000425	GO:000588	51	45	0.89	-0.17
H30002120	H300021206	ENSG0000	NR_033427	200894	ARL13B	ADP ribosy	GO:000194	GO:000551	GO:000592	130	98	0.75	-0.41
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_005257	162466	PHOSPHO	phosphatas	GO:000195	GO:001646	GO:000582	12	14	1.13	0.18
H30002242	H300022426	ENSG0000	XM_005252	120071	GYLTL1B	glycosyltra	GO:003526	GO:000216	GO:000013	25	17	0.67	-0.58
H20001062	H200010622	ENSG0000	NM_001317	116135	LRR3B	leucine ric	-	-	GO:001602	4	10	2.40	1.27
H20000183	H200001835	ENSG0000	NM_030571	80762	NDFIP1	Nedd4 fami	GO:000276	GO:000487	GO:000013	348	310	0.89	-0.16
H30002032	H300020326	ENSG0000	XM_005265	79930	DOK3	docking pro	GO:000726	GO:000515	GO:000573	41	37	0.90	-0.15
H20000606	H200006066	ENSG0000	NM_001302	9049	AIP	aryl hydroc	GO:000662	GO:000371	GO:000565	287	289	1.01	0.01
H20002044	H200020441	ENSG0000	XM_011540	6623	SNCG	synuclein g	GO:000726	GO:000551	GO:000573	64	72	1.12	0.17
H30000835	H300008357	ENSG0000	XM_005251	158234	TRMT10B	tRNA meth	GO:003225	GO:000816	-	131	158	1.20	0.27
H30001678	H300016787	ENSG0000	NM_152568	157848	NKX6-3	NK6 homeo	GO:000170	GO:004356	GO:000563	54	46	0.85	-0.23
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_138391	92703	TMEM183A	transmemb	-	GO:000551	GO:001602	971	872	0.90	-0.16
H30002085	H300020852	ENSG0000	NM_030663	4184	SMCP	sperm mito	GO:000734	GO:000367	GO:0005737	cytoplasm	GO:0005739	mitochon	-
H30000890	H300008902	ENSG0000	NR_110549	653691	TCAF2P1	TRPM8 cha	-	-	-	-	5	-	-
H30001116	H300011164	ENSG0000	NM_015358	23515	MORC3	MORC fam	GO:000646	GO:000372	GO:000565	99	114	1.15	0.20
H30001171	H300011713	ENSG0000	XM_011542	64221	ROBO3	roundabout	GO:000176	-	GO:001602	92	89	0.96	-0.05
H30002053	H300020534	ENSG0000	XM_011523	80790	CMIP	c-Maf indu	-	GO:000551	GO:000563	10	25	2.58	1.37
H20001417	H200014178	ENSG0000	NM_001199	100526832	PHOSPHO	PHOSPHO	GO:001656	GO:000484	GO:003146	208	195	0.94	-0.09
H20001983	H200019836	ENSG0000	NM_138568	90332	EXOC3L2	exocyst co	GO:000688	GO:000014	GO:000014	67	59	0.88	-0.19
H20001658	H200016580	ENSG0000	NM_018070	23648	SSBP3	single star	GO:000224	GO:000369	GO:000563	52	55	1.06	0.08
H20001882	H200018828	ENSG0000	NM_152731	221336	BEND6	BEN domai	GO:000012	GO:000110	GO:000563	10	20	2.05	1.04
H20000806	H200008061	ENSG0000	XM_011524	1748	DLX4	distal-less	GO:000012	GO:000097	GO:000563	51	47	0.92	-0.12
H30000283	H300002830	-	NM_001002	390157	OR8K1	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma m	6	-	-
H30000453	H300004535	ENSG0000	NR_002189	391257	SUMO1P1	SUMO1 ps	-	-	-	224	228	1.02	0.03
H30000016	H300000169	ENSG0000	NM_001164	256006	ANKRD31	ankyrin rep	-	-	-	-	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_181426	339829	CCDC39	coiled-coil	GO:000194	-	GO:000585	11	17	1.54	0.62
H30002016	H300020165	ENSG0000	NM_001303	55197	RRPD1A	regulation d	GO:007094	GO:000551	GO:001659	474	570	1.20	0.27
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_003870	8826	IQGAP1	IQ motif co	GO:000181	GO:000509	GO:000172	701	822	1.17	0.23
H30001017	H300010177	ENSG0000	XR_929812	54534	MRPL50	mitochondr	GO:000699	-	GO:000574	1548	995	0.64	-0.64
H30001944	H300019444	ENSG0000	XM_006720	85446	ZFX2	zinc finger	GO:000635	GO:000827	GO:000563	19	20	1.05	0.07
H20002023	H200020234	ENSG0000	XM_011538	6667	SP1	Sp1 transc	GO:000150	GO:000097	GO:000079	92	99	1.07	0.10
H20001599	H200015992	ENSG0000	NM_002548	4991	OR1D2	olfactory re	GO:000006	GO:000493	GO:0005622	intracellular	GO:0005886	plasma	-
H20001341	H200013410	ENSG0000	NM_001184	10009	ZBTB33	zinc finger	GO:000635	GO:000551	GO:000563	75	98	1.30	0.38
H20001932	H200019325	ENSG0000	XM_005268	79446	WDR25	WD repeat	-	GO:000551	-	36	51	1.40	0.48
H20001029	H200010293	ENSG0000	NM_198566	375444	C5orf34	chromosom	-	-	-	168	215	1.28	0.36
H30000323	H300003239	ENSG0000	XM_006715	136288	C7orf57	chromosom	-	-	-	-	-	-	-
H30000692	H300006929	ENSG0000	XM_011537	91977	MYOZ3	myozenin 3	-	GO:000551	GO:0030018	Z disc	-	-	-
H30001039	H300010393	ENSG0000	NM_152385	130162	CLHC1	clathrin he	-	GO:000551	-	11	19	1.67	0.74
H30000006	H300000068	ENSG0000	XM_006711	343450	KCNT2	potassium	GO:007180	GO:000524	GO:0008076	voltage-gated potassium channe	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_011515	1780	DYNC11I	dynein cyto	GO:000688	GO:000377	GO:0000776	kinetocho	9	-	-
H30000762	H300007626	ENSG0000	NM_001029	130106	CIB4	calcium an	-	GO:000028	-	-	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_173829	285672	SREK1IP1	SREK1 inte	GO:000639	GO:000367	-	662	645	0.98	-0.04
H30000271	H300002719	ENSG0000	XM_011519	221078	NSUN6	NOP2/Sun	GO:003225	GO:000372	-	103	121	1.18	0.24
H20000286	H200002861	ENSG0000	XM_011543	90459	ERI1	exoribonuc	GO:000625	GO:000840	GO:000563	260	393	1.51	0.59
H20000857	H200008576	ENSG0000	NM_001283	51507	RTFDC1	replication	GO:000815	GO:000367	GO:000557	879	776	0.88	-0.18
H20000326	H200003267	ENSG0000	NM_005983	6502	SKP2	S-phase ki	GO:000008	GO:000551	GO:000563	613	444	0.73	-0.46
H20002047	H200020477	ENSG0000	XM_011534	122060	SLAIN1	SLAIN mot	-	GO:000551	-	-	-	-	-
H20001277	H200012776	ENSG0000	NM_001281	51605	TRMT6	t							

H30002009	H300020096	ENSG0000	XR_429120	91012	CERS5	ceramide s	GO:000666	GO:000367	GO:000578	196	217	1.11	0.15
H30000805	H300008050	ENSG0000	NM_001290	55619	DOCK10	dedicator o	GO:000726	GO:000367	GO:0005622	intracellular,GO:0016020		membra	
H30001939	H300019399	ENSG0000	NM_001297	57231	SNX14	sorting nex	GO:001503	GO:008002	GO:000576	1010	1099	1.09	0.12
H20001704	H200017045	ENSG0000	XM_011542	100506504	LOC10050	uncharacte	-	-	-	-	4		
H20000482	H200004829	ENSG0000	NM_001126	64785	GINS3	GINS comp	GO:000027	-	GO:000565	338	294	0.87	-0.20
H20001946	H200019469	ENSG0000	NM_152288	93129	ORAI3	ORAI calci	GO:000211	GO:000551	GO:001602	172	331	1.93	0.95
H20000539	H200005394	ENSG0000	NM_001303	91464	ISX	intestine s	GO:000012	GO:000122	GO:0005634	nucleus		4	
H20001021	H200010219	ENSG0000	NR_126503	58503	PROL1	proline rich	GO:000189	GO:000486	GO:0005576	extracellular region,GO:0005615			
H30001690	H300016901	ENSG0000	NR_104006	84340	GFM2	G elongatio	GO:000699	GO:000374	GO:0005622	intracellul		8	
H30000695	H300006952	ENSG0000	NM_001040	153733	CCDC112	coiled-coil	-	GO:000551	-	65	71	1.08	0.12
H30000020	H300000207	ENSG0000	NR_002826	401010	NOC2LP2	NOC2 like	-	-	-	198	137	0.69	-0.53
H30000346	H300003469	ENSG0000	NM_001305	400569	MED11	mediator c	GO:000635	GO:000110	GO:000015	110	100	0.90	-0.15
H30000369	H300003698	ENSG0000	-	128615	PIEZO1P1	piezo-type	-	-	-	22	26	1.20	0.26
H30000615	H300006156	ENSG0000	NM_001143	729020	RPEL1	ribulose-5-	GO:000905	GO:000475	GO:000582	191	154	0.81	-0.31
H30001580	H300015803	ENSG0000	NM_153810	143384	CACUL1	CDK2 asso	GO:000008	GO:000551	GO:000568	53	69	1.31	0.39
H30002047	H300020472	ENSG0000	XM_005252	55691	FRMD4A	FERM dom	GO:009016	GO:003067	GO:000573	14	13	0.94	-0.09
H20000671	H200006713	ENSG0000	XM_011517	5339	PLEC	plectin	GO:000691	GO:000377	GO:000573	266	332	1.25	0.32
H20000105	H200001054	ENSG0000	NM_203290	9533	POLR1C	polymerase	GO:000636	GO:000105	GO:000565	1029	665	0.65	-0.63
H20000202	H200002025	ENSG0000	NM_001243	2001	ELF5	E74 like ET	GO:000171	GO:000097	GO:0005634	nucleus,G		4	
H20001289	H200012893	-	NM_001174	80758	PRR7	proline rich	-	-	GO:001602	42	38	0.90	-0.15
H20001001	H200010013	ENSG0000	NM_001288	79007	DBNDD1	dysbindin (-	-	GO:000573	16	15	0.94	-0.09
H30000864	H300008640	ENSG0000	-	392288	MAP1LC3E	microtubule	-	-	-	304	353	1.16	0.22
H30001218	H300012183	ENSG0000	NM_002444	4478	MSN	moesin	GO:000692	GO:000372	GO:000193	244	276	1.13	0.18
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_005686	9580	SOX13	SRY-box 1	GO:000635	GO:000097	GO:0005634	nucleus,G		8	
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_005850	10262	SF3B4	splicing fac	GO:000037	GO:000016	GO:000565	64	61	0.97	-0.05
opHsV0400	opHsV0400000	-	-	-	-	-	-	-	-	59	65	1.10	0.14
H30001780	H300017809	ENSG0000	NM_005896	3417	IDH1	isocitrate d	GO:000609	GO:000028	GO:000573	251	337	1.34	0.42
H30001936	H300019368	ENSG0000	NM_001136	284252	KCTD1	potassium	GO:000635	GO:000371	GO:000563	12	19	1.69	0.75
H30000002	H300000021	ENSG0000	NM_006614	10752	CHL1	cell adhesi	GO:000176	GO:000202	GO:000557	7	9	1.27	0.34
H20001455	H200014557	ENSG0000	NM_001039	79147	FKRP	fukutin rela	GO:001648	GO:001674	GO:000013	50	57	1.14	0.18
H20001689	H200016893	ENSG0000	NM_001290	51276	ZNF571	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus		4	
H20001433	H200014339	ENSG0000	NM_025009	9662	CEP135	centrosoma	GO:000008	GO:000551	GO:000581	99	125	1.27	0.34
H20001956	H200019562	ENSG0000	NM_032898	84984	CEP19	centrosoma	-	GO:000551	GO:000092	86	106	1.23	0.30
H20001934	H200019340	ENSG0000	NM_001290	84640	USP38	ubiquitin sp	GO:000651	GO:000484	-	558	535	0.96	-0.06
H30000518	H300005183	ENSG0000	NM_177998	133060	OTOP1	otopetrin 1	GO:003121	-	GO:0005615	extracellu		8	
H30002088	H300020884	ENSG0000	NM_152394	131831	ERICH6	glutamate r	-	-	-	-	-	-	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001317	6132	RPL8	ribosomal p	GO:000018	GO:000372	GO:000573	17142	14212	0.83	-0.27
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001008	388561	ZNF761	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	13	31	2.48	1.31
H30000446	H300004466	ENSG0000	XM_011545	255762	PDZD9	PDZ domai	-	-	-	-	-	-	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011515	346288	42627	septin 14	GO:000704	GO:000551	GO:000573	20	34	1.66	0.73
H30002046	H300020466	ENSG0000	XR_945874	9231	DLG5	discs large	GO:000646	GO:000551	GO:000573	30	30	0.99	-0.01
H30000372	H300003722	ENSG0000	NR_048566	151242	PPP1R1C	protein pho	GO:000646	GO:000486	GO:0005737	cytoplasm		3	
H20000559	H200005593	ENSG0000	XM_011539	27291	R3HCC1L	R3H domai	-	GO:000016	GO:003514	151	161	1.06	0.09
H20002013	H200020130	ENSG0000	NR_026678	84283	TMEM79	transmemb	GO:000207	GO:000551	GO:000576	62	62	1.00	0.00
H20000366	H200003664	ENSG0000	NM_032883	84969	TOX2	TOX high n	GO:000635	GO:000108	GO:0005654	nucleopla		5	
H20000352	H200003523	ENSG0000	NR_111923	11133	KPTN	kaptin (acti	GO:000692	GO:000377	GO:000563	78	56	0.72	-0.48
H20000358	H200003584	ENSG0000	XM_011540	8861	LDB1	LIM domair	GO:000097	GO:000110	GO:000079	180	108	0.60	-0.73
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_153033	154881	KCTD7	potassium	GO:005126	-	GO:000582	10	22	2.13	1.09
H30002032	H300020325	ENSG0000	NM_175062	255426	RASGEF1C	RasGEF do	GO:000726	GO:000508	GO:0005622	intracellul		8	
H30000916	H300009164	ENSG0000	-	644928	RPS26P15	ribosomal p	-	-	-	7526	5369	0.71	-0.49
H30001530	H300015304	ENSG0000	XM_011536	207	AKT1	v-akt murin	GO:000006	GO:000467	GO:000563	197	198	1.01	0.01
H30000838	H300008380	ENSG0000	NM_033109	87178	PNPT1	polyribonuc	GO:000095	GO:000017	GO:000573	1142	952	0.83	-0.26
H30000448	H300004483	ENSG0000	NM_001077	80742	PRR3	proline rich	-	GO:000551	-	141	124	0.88	-0.19
H30001740	H300017403	-	NR_130757	123811	FOPNL	FGFR1OP	GO:003445	-	GO:000563	797	894	1.12	0.17
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_001135	51164	DCTN4	dynactin su	GO:000688	GO:000551	GO:000563	285	393	1.38	0.47
H20000190	H200001909	ENSG0000	NM_001307	10620	ARID3B	AT-rich int	GO:000636	GO:000097	GO:000563	53	52	0.97	-0.05
H20001126	H200011261	ENSG0000	NM_001080	152573	SHISA3	shisa family	GO:000727	GO:000551	GO:0005789	endoplasmic reticulum membrane			
H20001087	H200010875	ENSG0000	XM_011538	256710	GLIPR1L1	GLI pathog	GO:000733	-	GO:0001669	acrosoma		9	
H20000051	H200000517	ENSG0000	NM_000999	6169	RPL38	ribosomal p	GO:000018	GO:000372	GO:000582	13939	10188	0.73	-0.45
H20001984	H200019848	ENSG0000	XM_011523	54921	CHTF8	chromosom	GO:000626	GO:000367	GO:000563	259	271	1.05	0.07
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001197	1842	ECM2	extracellula	GO:000716	GO:000517	GO:0005578	proteinaceous extracellular matri			
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_182895	91179	SCARF2	scavenger	GO:000715	GO:000551	GO:0005925	focal adhe		4	
H30002213	H300022139	ENSG0000	NR_037714	100529207	RAD51L3-	RAD51L3-	-	-	-	10	18	1.71	0.77
H30001849	H300018499	ENSG0000	NM_001166	9319	TRIP13	thyroid hor	GO:000155	GO:000371	GO:000167	294	308	1.05	0.07
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_006719	6857	SYT1	synaptotag	GO:000551	GO:000014	GO:0005886	plasma m		4	
opHsV0400	opHsV0400002	-	NR_038400	54143	LINC00308	long interge	-	-	-	-	3		
opHsV0400	opHsV0400001	-	XM_006715	6991	TCTE3	t-complex-	GO:000681	GO:000377	GO:000573	44	43	0.98	-0.03
opHsV0400	opHsV0400001	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	
H30002163	H300021630	ENSG0000	XM_006721	55803	ADAP2	ArfGAP wit	GO:000750	GO:000509	GO:000573	14	21	1.44	0.52
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_174951	171482	FAM9A	family with	GO:000728	GO:000551	GO:000563	371	422	1.14	0.19
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	-	645348	TUBA3GP	tubulin, alp	-	-	-	50	39	0.79	-0.33
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001024	170487	ACTL10	actin like 1	-	-	-	36	32	0.89	-0.17
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_032790	84876	ORAI1	ORAI calci	GO:000211	GO:000551	GO:000577	233	255	1.09	0.13
H30000776	H300007768	ENSG0000	NM_001039	388558	ZNF808	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	139	195	1.40	0.49
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NR_108107	642633	FAM230B	family with	-	-	-	16	32	2.04	1.03
H30000800	H300008001	ENSG0000	NM_152770	255119	C4orf2	chromosom	-	-	-	-	-	-	
H30000147	H300001472	ENSG0000	NM_138330	171392	ZNF675	zinc finger	GO:000012	GO:000097	GO:000563	153	199	1.30	0.38
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	-	-	RP11-751A	-	-	-	-	-	-	-	
H30000910	H300009103	ENSG0000	NM_001005	390152	OR8H3	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma m		5	
H30000970	H300009708	ENSG0000	NM_001005	390067	OR52H1	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021		in	
opHsV0400	opHsV0400009	ENSG0000	NR_040108	728175	LOC72817	uncharacte	-	-	-	-	-	-	
H30000405	H300004054	ENSG0000	XM_011519	23185	LARP4B	La ribonuci	GO:004572	GO:000016	GO:000573	470	384	0.82	-0.29
H30000350	H300003509	ENSG0000	NR_034171	645212	EIF3J-AS1	EIF3J antis	-	-	-	66	59	0.89	-0.17
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NR_026873	285908	LINC00174	long interge	-	-	-	12	16	1.28	0.36
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_005425	7142	TNP2	transition p	GO:000727	GO:000367	GO:000078	16	23	1.45	0.53
H30000710	H300007104	ENSG0000	-	-	RP11-9980								

opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001261	8943	AP3D1	adaptor rel	GO:000672	GO:000521	GO:000013	167	175	1.04	0.06
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001005	5318	PKP2	plakophilin	GO:000215	GO:000367	GO:0005634 nucleus,G	5			
H30000272	H300002728	ENSG0000	NM_152424	139285	AMER1	APC memb	GO:001605	GO:000551	GO:0005634 nucleus,G	4			
H30000781	H300007812	ENSG0000	NM_018941	2055	CLN8	ceroid-lipo	GO:000130	-	GO:000573	35	36	1.05	0.06
H30001024	H300010243	ENSG0000	NR_002774	93164	HTR7P1	5-hydroxyt	-	-	-		4		
opHsV0400	opHsV0400002	-	NM_176890	259296	TAS2R50	taste 2 rec	GO:000158	GO:003303	GO:0005886 plasma membrane,GO:0016021 in				
H30000135	H300001352	ENSG0000	NM_152219	125111	GJD3	gap junctio	GO:000715	GO:000521	GO:000588	37	32	0.88	-0.18
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_006198	5121	PCP4	Purkinje ce	GO:000164	GO:000372	GO:0005634 nucleus,G	5			
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NR_028057	55344	PLCXD1	phosphatid	GO:000662	GO:000808	-	567	632	1.12	0.16
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	-	100130109	SNRPEP4	small nucle	-	-	-	6911	5772	0.84	-0.26
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_153633	3221	HOXC4	homeobox	GO:000635	GO:000370	GO:000563	19	20	1.06	0.09
H30001007	H300010071	ENSG0000	NM_182548	222662	LHFPL5	lipoma HMG	GO:000681	GO:000551	GO:001602	51	43	0.85	-0.24
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_203405	388818	KRTAP26-	keratin ass	-	GO:000551	GO:000588	5	11	2.10	1.07
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_006716	85002	FAM86B1	family with	GO:003225	GO:000816	-	20	29	1.40	0.49
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_011545	399909	PCNX3	pecanex hc	-	-	GO:0016021 integral c	5			
H30000760	H300007609	ENSG0000	NR_033184	339500	ZNF678	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	8	16	2.14	1.10
H30000390	H300003905	ENSG0000	NM_001005	390181	OR5AK2	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886 plasma membrane,GO:0016021 in				
H30000194	H300001942	ENSG0000	NM_001037	245937	DEFB124	defensin be	GO:004274	-	GO:000557	15	21	1.39	0.48
H30000280	H300002805	ENSG0000	NM_147198	259240	WFDC9	WAP four-	-	GO:000551	GO:0005576 extracellu				
H30000323	H300003237	ENSG0000	-	-	RP11-429E	-	-	-	-	8	14	1.71	0.77
H30001151	H300011519	ENSG0000	XM_011519	144108	SPTY2D1	SPT2 chro	GO:000633	GO:000104	GO:000557	20	33	1.62	0.70
H30000516	H300005165	ENSG0000	NM_001030	6232	RPS27	ribosomal p	GO:000002	GO:000367	GO:000563	20672	18756	0.91	-0.14
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_005253	66005	CHID1	chitinase d	GO:000597	GO:000456	GO:000561	187	159	0.85	-0.24
H30001858	H300018585	ENSG0000	XR_933430	79726	WDR59	WD repeat	GO:000815	GO:000367	GO:000557	102	90	0.88	-0.19
H30001855	H300018551	ENSG0000	NM_024833	79891	ZNF671	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	15	21	1.36	0.44
H30001851	H300018510	ENSG0000	NM_001308	7145	TNS1	tensin 1	GO:000704	GO:000377	GO:000573	85	65	0.77	-0.38
H30001954	H300019544	ENSG0000	NM_001284	51528	JKAMP	JNK1/MAF	GO:000698	GO:003162	GO:000578	428	379	0.88	-0.18
H30001845	H300018451	ENSG0000	NM_001198	84883	AIFM2	apoptosis i	GO:000863	GO:000367	GO:000561	137	94	0.68	-0.55
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001010	352999	C6orf58	chromosom	GO:000727	-	GO:0005615 extracellu	8			
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	-	643790	HMGNI1P38	high mobil	-	-	-	4864	4424	0.91	-0.14
opHsV0400	opHsV0400001	-	-	-	-	-	-	-	-	6			
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_182536	200504	GKN2	gastrokine	-	-	GO:000557	30	38	1.25	0.32
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	-	391496	OR5S1P	olfactory re	-	-	-	34	46	1.36	0.44
H30000508	H300005081	-	NM_014566	8386	OR1D5	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:000588	5	9	1.74	0.80
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	-	100421397	HNRNP1A1P	heterogene	-	-	-	2004	1691	0.84	-0.24
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001017	161291	TMEM30B	transmemb	GO:000686	GO:000551	GO:0005886 plasma m	12			
H30000323	H300003238	ENSG0000	NM_007156	7789	ZXDA	zinc finger,	GO:000635	GO:000367	GO:0005634 nucleus	12			
H30000570	H300005707	ENSG0000	-	7682	MKRN4P	makorin rin	GO:001656	GO:000827	-	170	170	1.00	0.00
H30000794	H300007947	ENSG0000	XM_011531	105373297	LOC105373	endogenou	-	-	GO:0005886 plasma m	4			
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	-	391714	TRIM75P	tripartite m	-	GO:000827	GO:0005615 extracellu				
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XM_011516	7697	ZNF138	zinc finger	GO:000635	GO:000097	GO:000563	151	203	1.35	0.43
H30000472	H300004728	ENSG0000	XM_011516	286075	ZNF707	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	44	40	0.92	-0.12
H30000050	H300000505	ENSG0000	NM_001001	390075	OR52N5	olfactory re	GO:000716	GO:000493	GO:0005886 plasma m	10			
H30000528	H300005289	ENSG0000	NM_001136	137814	NKX2-6	NK2 homeo	GO:000635	GO:000370	GO:000563	8	13	1.71	0.77
H30000566	H300005662	ENSG0000	NM_203374	147808	ZNF784	zinc finger	GO:000224	GO:000367	GO:000563	128	103	0.80	-0.32
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	-	643872	HMGNI2P6	high mobil	-	-	-	11779	12021	1.02	0.03
H30000947	H300009471	ENSG0000	XM_005257	124599	CD300LB	CD300 mol	GO:000244	-	GO:0005886 plasma m	10			
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001037	245928	DEFB114	defensin be	GO:003166	GO:000153	GO:0005576 extracellu				
H30000155	H300001559	ENSG0000	NR_002171	283491	OR7E156P	olfactory re	-	-	-	41	49	1.21	0.27
H30002179	H300021797	ENSG0000	XM_005267	22990	PCNX1	pecanex hc	-	-	GO:0016021 integral c	14			
H30001992	H300019920	ENSG0000	NM_001130	5337	PLD1	phospholipa	GO:000664	GO:000463	GO:000013	71	122	1.70	0.77
H30001039	H300010392	ENSG0000	NM_001289	10170	DHRS9	dehydroger	GO:000820	GO:000402	GO:0005789 endoplasm	4			
H30001966	H300019662	ENSG0000	XM_011536	55778	ZNF839	zinc finger	-	GO:004687	-	162	96	0.59	-0.75
H30001842	H300018425	ENSG0000	NM_001292	55	ACPP	acid phosph	GO:000614	GO:000399	GO:000561	33	62	1.86	0.89
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	79470	OR51J1	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886 plasma membrane,GO:0016021 in				
opHsV0400	opHsV0400001	-	NM_176888	259294	TAS2R19	taste 2 rec	GO:000158	GO:003303	GO:0005886 plasma membrane,GO:0016021 in				
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	389101	RPL23AP4	ribosomal p	-	-	-	3277	3161	0.96	-0.05
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_011517	158358	KIAA2026	KIAA2026	-	-	-	55	60	1.10	0.14
H30000887	H300008873	ENSG0000	XM_011522	9677	PIIP5K1	diphosphoir	GO:000602	GO:000082	GO:0005654 nucleopl	6			
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_011539	374355	CCDC172	coiled-coil	-	GO:000551	-	4			
H30000168	H300001689	ENSG0000	NM_001004	219428	OR4C16	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:0005886 plasma m	6			
H30000361	H300003615	ENSG0000	NR_026791	253018	HCG27	HLA compl	-	-	-	6	20	3.63	1.86
H30002148	H300021480	ENSG0000	NR_024127	85028	SNHG12	small nucle	-	-	-	875	850	0.97	-0.04
H30000749	H300007497	ENSG0000	XM_006711	102724970	LOC102724	putative un	-	-	-	4			
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001258	81466	OR2L5	olfactory re	GO:000718	GO:000367	GO:0005886 plasma membrane,GO:0016021 in				
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_001316	147650	SPACA6	sperm acro	-	GO:000551	GO:001602	192	172	0.90	-0.16
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_003514	8336	HIST1H2AM	histone clu	GO:000634	GO:000367	GO:000078	811	470	0.58	-0.79
H30000125	H300001253	ENSG0000	-	79274	OR52L2P	olfactory re	GO:000716	GO:000493	GO:000588	6	11	1.90	0.93
H30000208	H300002082	ENSG0000	-	730016	QRSL1P1	glutaminyl-	-	-	-	61	78	1.29	0.37
H30000453	H300004536	ENSG0000	NM_001080	342898	SYCN	syncollin	GO:000688	-	GO:0030658 transport vesicle membrane,GO:0				
H30000735	H300007358	ENSG0000	XM_006719	144811	LACC1	laccase dor	-	-	-				
H30000777	H300007771	ENSG0000	NM_001085	768239	PSAPL1	prosaposin	GO:000668	GO:000166	GO:0005615 extracellu	9			
opHsV0400	opHsV0400001	-	XR_952001	284241	LOC28424	synaptojan	-	-	-	3			
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_153757	266812	NAP1L5	nucleosom	GO:000633	-	GO:000563	64	42	0.65	-0.61
H30000857	H300008571	ENSG0000	-	649446	DLGAP1-A	DLGAP1 ar	-	-	-	14			
H30000288	H300002882	ENSG0000	NM_002175	3452	IFNA21	interferon,	GO:000225	GO:000512	GO:0005576 extracellu				
opHsV0400	opHsV0400011	ENSG0000	NM_001010	388662	SLC6A17	solute carr	GO:000333	GO:000532	GO:000588	883	784	0.89	-0.17
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NR_028337	400624	FLJ45079	-	-	-	-	8	14	1.79	0.84
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_005951	4496	MT1H	metallothio	GO:001003	GO:000551	GO:000563	35	38	1.08	0.11
H30001960	H300019609	ENSG0000	NM_001286	1728	NQO1	NAD(P)H d	GO:000652	GO:000395	GO:000573	1892	3353	1.77	0.83
H30000433	H300004330	ENSG0000	NM_001204	100533183	ZNF664-F	filamin-inte	GO:004870	GO:000551	GO:000573	199	185	0.93	-0.11
H30000054	H300000547	ENSG0000	NM_006945	6703	SPRR2D	small prolin	GO:000854	GO:000519	GO:000153	255	242	0.95	-0.07
H30000215	H300002157	ENSG0000	NR_024247	84939	MUM1	melanoma	GO:000628	GO:000551	GO:000563	145	179	1.24	0.31
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NR_104401	6504	SLAMF1	signaling ly	GO:000225	GO:000161	GO:000989	4	10	2.66	1.41
H30001986	H300019864	ENSG0000	XM_006711	4139	MARK1	microtubule	GO:000176	GO:000028	GO:000573	9	12	1.39	0.47
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_011540	64081	PBLD	phenazine	GO:000905	GO:000367	GO:000573	36	41	1.13	0.17
H30002182	H300021821	-											

H30002170	H300021705	ENSG0000	NM_001145	1375	CPT1B	carnitine pa	GO:000663	GO:000409	GO:000573	12	28	2.26	1.18
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_001098	100049587	SIGLEC14	sialic acid b	GO:000715	GO:003024	GO:000588	5	9	1.84	0.88
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XM_011540	84435	ADGRA1	adhesion G	GO:000716	GO:000493	GO:0016021	integral c	4		
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_011538	55010	PARBP	PARP1 bin	GO:000628	GO:000367	GO:000078	68	100	1.47	0.56
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_005269	56899	ANKS1B	ankyrin rep	GO:190038	GO:004687	GO:000573	29	30	1.03	0.04
H30001840	H300018403	ENSG0000	NM_001261	83932	SPRTN	SprT-like N	GO:000628	GO:000367	GO:000563	224	180	0.80	-0.31
H30001840	H300018401	ENSG0000	NM_001122	3920	LAMP2	lysosomal a	GO:000257	GO:000551	GO:000561	383	587	1.53	0.62
H30000964	H300009646	ENSG0000	NR_036600	7576	ZNF28	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	35	50	1.42	0.50
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_001008	344807	CD200R1L	CD200 rec	-	-	GO:0016021	integral c	3		
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_011535	387911	C1QTNF9B	C1q and tu	-	GO:000551	GO:0005581	collagen trimer,GO:0070062	extra		
H30002254	H300022540	-	NM_001319	2550	GABBR1	gamma-am	GO:000164	GO:000496	GO:0005615	extracellu	5		
H30001268	H300012683	ENSG0000	NM_001167	3556	IL1RAP	interleukin	GO:000646	GO:000487	GO:0005576	extracellu	8		
H30002229	H300022299	ENSG0000	XM_011523	84501	SPIRE2	spire type	GO:001503	GO:000377	GO:0005829	cytosol,GO:0005856	cytoskeleton		
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	NM_001204	339122	RAB43	RAB43, me	GO:000703	GO:000392	GO:000576	132	112	0.84	-0.24
H30002229	H300022297	ENSG0000	NM_001113	100131187	TSTD1	thiosulfate	-	-	GO:000573	14	21	1.49	0.58
H30001064	H300010642	ENSG0000	XM_011523	124739	USP43	ubiquitin sp	GO:000628	GO:000823	GO:0005654	nucleopla	5		
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_020353	57088	PLSCR4	phospholipi	GO:001712	GO:000550	GO:000588	10	14	1.43	0.52
H30002064	H300020647	ENSG0000	NM_001130	3156	HMGCR	3-hydroxy	GO:000669	GO:000442	GO:000577	817	721	0.88	-0.18
H30001877	H300018770	ENSG0000	NM_001040	3955	LFNG	LFNG O-fu	GO:000154	GO:000367	GO:0005576	extracellu	4		
H30001109	H300011093	ENSG0000	NM_030649	116983	ACAP3	ArfGAP wit	GO:004354	GO:000509	-	5	10	2.07	1.05
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_006000	7277	TUBA4A	tubulin alph	GO:000008	GO:000392	GO:000557	529	453	0.86	-0.22
H30001159	H300011593	ENSG0000	NM_001304	8646	CHRD	chordin	GO:000150	GO:000551	GO:000561	42	40	0.96	-0.05
H30000888	H300008883	ENSG0000	NM_014971	22979	EFR3B	EFR3 homd	GO:004685	GO:000551	GO:000582	309	243	0.79	-0.35
H30002219	H300022193	-	NM_001288	55888	ZKSCAN7	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus	11		
opHsV0400	opHsV0400003	-	NM_005018	5133	PDCD1	programme	GO:000264	GO:000487	GO:0005886	plasma m	5		
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_011523	100033411	DUXB	double hor	-	-	-	-	-		
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_152540	152579	SCFD2	sec1 family	GO:000690	GO:000367	GO:000557	200	128	0.64	-0.65
H30000573	H300005739	ENSG0000	NM_001004	343406	OR10R2	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:000588	8	15	1.94	0.96
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_207356	339448	C1orf174	chromosom	-	GO:000551	GO:000563	503	408	0.81	-0.30
H30000605	H300006059	ENSG0000	-	442227	EEF1B2P5	eukaryotic	-	-	-	5			
H30000132	H300001322	ENSG0000	NM_001005	390144	OR5D16	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma m	4		
H30000969	H300009690	ENSG0000	NM_001004	401667	OR51A2	olfactory re	GO:000716	GO:000493	GO:0005886	plasma m	7		
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_020343	57186	RALGAP2	Ral GTPase	GO:003248	GO:000509	GO:000561	4	18	4.10	2.04
H30001890	H300018903	-	NM_001287	200424	TET3	tet methyl	GO:000649	GO:000367	GO:000193	104	85	0.82	-0.29
opHsV0400	opHsV0400009	-	XM_005250	101928422	LOC101928	protein FA	-	-	-	89	76	0.85	-0.23
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	XM_005255	10921	RNPS1	RNA bindin	GO:000018	GO:000016	GO:000563	780	743	0.95	-0.07
H30000483	H300004833	ENSG0000	NM_004598	6695	SPOCK1	sparc/oste	GO:000155	GO:000486	GO:0005578	proteinaceous	extracellular matri		
H30002030	H300020301	ENSG0000	NM_032331	9718	ECE2	endothelin	GO:000726	GO:000422	GO:000013	311	190	0.61	-0.72
H30002209	H300022092	ENSG0000	NM_001024	8936	WASF1	WAS prote	GO:000646	GO:000377	GO:000574	109	80	0.73	-0.46
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001171	26127	FGFR1OP2	FGFR1 onc	GO:004206	GO:000551	GO:000582	289	241	0.83	-0.26
H30001962	H300019627	ENSG0000	XM_011521	50804	MYEF2	myelin expr	GO:000635	GO:000016	GO:0005634	nucleus,GO:0005654	nucleoplasm		
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_032601	84693	MCEE	methylmal	GO:000663	GO:000449	GO:000575	124	98	0.79	-0.33
H30001335	H300013353	ENSG0000	NM_033127	89866	SEC16B	SEC16 hom	GO:000688	GO:000551	GO:000013	4	7	1.62	0.70
H30001850	H300018507	ENSG0000	NM_172108	3785	KCNQ2	potassium	GO:000681	GO:000524	GO:0005886	plasma m	12		
opHsV0400	opHsV0400004	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-		
H30000650	H300006500	-	XR_932489	441728	LOC441728	golgin-like	-	-	-	38	34	0.89	-0.17
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001288	100101467	ZSCAN30	zinc finger	GO:000635	GO:000370	GO:000563	4	18	4.62	2.21
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NR_104274	128989	TANGO2	transport a	-	-	GO:000573	148	133	0.90	-0.15
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_011534	64478	CSMD1	CUB and S	-	-	GO:001602	88	77	0.88	-0.19
H30000313	H300003139	-	-	-	-	-	-	-	-	9			
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	-	128322	NUTF2P4	nuclear tra	-	-	-	401	250	0.62	-0.68
H30000098	H300000988	-	-	-	-	-	-	-	-	13	20	1.53	0.61
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	-	220064	ORAOV1	oral cancer	GO:000815	GO:000367	GO:0005575	cellular_co	4		
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_001001	414918	DENND6B	DENN dom	GO:004354	GO:001711	GO:005503	39	36	0.92	-0.12
H30001093	H300010938	ENSG0000	NM_001424	2013	EMP2	epithelial m	GO:000176	GO:000517	GO:000013	8	12	1.51	0.59
H30002235	H300022351	ENSG0000	NR_026782	374977	MROH7	maestro he	-	-	GO:000561	23	28	1.26	0.33
H30001382	H300013822	ENSG0000	NM_138999	81832	NETO1	neuropilin a	GO:000761	GO:003525	GO:0005576	extracellular region,GO:0014069			
H30000004	H300000048	ENSG0000	XM_006716	619279	ZNF704	zinc finger	-	GO:004687	-	-	-		
H30002018	H300020188	ENSG0000	NM_001040	63946	DMRTC2	DMRT like	GO:000635	GO:000098	GO:000174	75	61	0.82	-0.29
opHsV0400	opHsV0400000	-	XM_006720	91833	WDR20	WD repeat	-	GO:000551	-	62	75	1.20	0.26
H30001987	H300019872	ENSG0000	NM_002855	5818	NECTIN1	nectin cell	GO:000208	GO:000161	GO:000557	17	24	1.39	0.48
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_018409	55805	LRP2BP	LRP2 bindi	-	GO:000551	GO:000573	4	8	2.11	1.08
H30001867	H300018673	ENSG0000	NM_001308	64863	METTL4	methyltran	GO:000613	GO:000367	-	140	184	1.32	0.40
H30000087	H300000872	ENSG0000	NR_026966	100130691	LOC100130	uncharacte	-	-	-	8	12	1.50	0.58
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NR_033684	283459	GATC	glutamyl-tf	GO:000645	GO:000551	GO:000573	464	369	0.80	-0.33
H30000170	H300001706	ENSG0000	XM_011522	146206	RLTPR	RGD motif	GO:000716	GO:000554	GO:000172	96	72	0.75	-0.41
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_001127	51062	ATL1	atlastin GT	GO:000702	GO:000392	GO:000013	13	17	1.27	0.34
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_005257	3858	KRT10	keratin 10	GO:003021	GO:003028	GO:000561	45	37	0.83	-0.27
H30001969	H300019695	ENSG0000	NM_015250	23299	BICD2	bicaudal D	GO:007238	GO:000551	GO:000573	13	16	1.19	0.25
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_005269	84975	MFSD5	major facilit	GO:001568	GO:000551	GO:000588	92	60	0.65	-0.63
H30000222	H300002225	ENSG0000	XM_011537	10193	RNF41	ring finger	GO:000020	GO:000484	GO:000582	91	138	1.51	0.60
H30002016	H300020162	ENSG0000	XR_934366	124930	ANKRD13E	ankyrin rep	-	-	GO:000576	6	8	1.41	0.49
opHsV0400	opHsV0400005	-	-	-	-	-	-	-	-	5242	8072	1.54	0.62
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_207407	389208	TMPRSS11	transmemb	GO:000650	GO:000425	GO:0005576	extracellu	4		
AHsV10000	AHsV10000871	ENSG0000	NM_003214	7005	TEAD3	TEA domai	GO:000635	GO:000108	GO:000565	51	64	1.24	0.31
CHsGV100	CHsGV1000198	ENSG0000	NM_003157	6787	NEK4	NIMA relat	GO:000027	GO:000467	GO:000573	150	138	0.92	-0.12
H20000520	H200005207	ENSG0000	NM_003149	6769	STAC	SH3 and cy	GO:000716	GO:000551	GO:000582	14	16	1.20	0.26
H20001555	H200015557	-	XM_011538	6601	SMARCC2	SWI/SNF r	GO:000012	GO:000097	GO:000079	709	653	0.92	-0.12
AHsV10000	AHsV10000249	ENSG0000	XM_005253	6579	SLCO1A2	solute carr	GO:000820	GO:000851	GO:000588	7	15	2.17	1.12
H20000022	H200000223	ENSG0000	NM_002164	3620	IDO1	indoleamine	GO:000237	GO:000483	GO:0005829	cytosol,G	4		
H30001099	H300010996	ENSG0000	NM_001172	3603	IL16	interleukin	GO:000635	GO:000512	GO:0005615	extracellular space,GO:0005634	r		
H30000821	H300008210	ENSG0000	XM_006718	3338	DNAJC4	DnaJ heat	GO:000645	GO:000551	GO:001602	131	167	1.28	0.35
H20000610	H200006108	-	NM_021979	3306	HSPA2	heat shock	GO:000698	GO:000551	GO:0000795	synaptone	8		
H30000754	H300007548	ENSG0000	NR_134495	3094	HINT1	histidine tri	GO:000635	GO:000016	GO:000011	14247	11916	0.84	-0.26
H20001373	H200013733	ENSG0000	NM_001525	3061	HCRTR1	hypocretin	GO:000721	GO:000493					

H20000672	H200006728	ENSG0000	NM_002345	4060	LUM	lumican	GO:000597	GO:000520	GO:000576	extracellular region,GO:000578				
H20000017	H200000175	ENSG0000	NM_000423	3849	KRT2	keratin 2, t	GO:000854	GO:000520	GO:000561	19	19	0.97	-0.05	
H20000786	H200007862	ENSG0000	NM_002258	3820	KLRB1	killer cell le	GO:000716	GO:000488	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021 in				
H20000230	H200002306	ENSG0000	XM_011543	819	CAMLG	calcium mo	GO:000188	GO:000551	GO:000578	638	561	0.88	-0.19	
H20000015	H200000158	ENSG0000	NM_004057	795	S100G	S100 calcul	-	GO:000549	GO:001632	65	49	0.75	-0.42	
H20001115	H200011155	ENSG0000	NM_001708	611	OPN1SW	opsin 1 (co	GO:000152	GO:000487	GO:0005887	integral c	4			
CHsGV100	CHsGV100000	ENSG0000	NM_024649	582	BBS1	Bardet-Bie	GO:000189	GO:000110	GO:000581	82	77	0.94	-0.09	
H20000864	H200008648	ENSG0000	XM_011524	379	ARL4D	ADP ribosy	GO:000726	GO:000392	GO:000573	117	107	0.92	-0.13	
AHsV1000	AHsV10000979	ENSG0000	NM_001317	361	AQP4	aquaporin 4	GO:000309	GO:000537	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005886	plasma m			
H20000081	H200000817	ENSG0000	NM_000029	183	AGT	angiotensin	GO:000154	GO:000486	GO:0005576	extracellu	3			
H30000606	H300006066	ENSG0000	XM_011544	156	ADRBK1	adrenergic,	GO:000202	GO:000467	GO:000573	79	106	1.33	0.41	
H20000807	H200008077	ENSG0000	NM_207013	6923	TCEB2	transcriptid	GO:000636	GO:000551	GO:000565	4577	3644	0.80	-0.33	
AHsV1000	AHsV10000769	ENSG0000	NR_109843	6744	SSFA2	sperm spec	-	GO:000510	GO:000563	159	181	1.14	0.19	
H30000963	H300009631	ENSG0000	NM_003132	6723	SRM	spermidine	GO:000659	GO:000476	GO:000582	5719	2933	0.51	-0.96	
AHsV1000	AHsV10002515	ENSG0000	NM_001145	6560	SLC12A4	solute carr	GO:000681	GO:001537	GO:000576	120	108	0.90	-0.15	
H30000939	H300009392	ENSG0000	XM_006721	6524	SLC5A2	solute carr	GO:000597	GO:000536	GO:000588	60	50	0.83	-0.28	
H20000581	H200005813	ENSG0000	XM_011517	3574	IL7	interleukin	GO:000236	GO:000512	GO:0005576	extracellular region,GO:0005615				
H20000682	H200006821	ENSG0000	NM_001318	3557	IL1RN	interleukin	GO:000166	GO:000512	GO:000561	51	52	1.01	0.02	
H30000198	H300001984	ENSG0000	NM_001537	3281	HSBP1	heat shock	GO:000012	GO:000371	GO:000563	2074	1746	0.84	-0.25	
AHsV1000	AHsV10002801	ENSG0000	NM_000523	3239	HOXD13	homeobox	GO:000150	GO:000097	GO:000563	7	9	1.40	0.49	
AHsV1000	AHsV10003203	ENSG0000	NM_001184	3033	HADH	hydroxyacy	GO:000663	GO:000385	GO:000565	914	1028	1.12	0.17	
AHsV1000	AHsV10003192	ENSG0000	XM_011536	3002	GZMB	granzyme B	GO:000191	GO:000425	GO:0001772	immunological synapse,GO:00056				
H30000782	H300007828	ENSG0000	NM_001506	2854	GPR32	G protein-c	GO:000718	GO:000493	GO:000588	21	22	1.05	0.07	
H20000748	H200007489	ENSG0000	NM_005290	2838	GPR15	G protein-c	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005887 in				
AHsV1000	AHsV10001511	ENSG0000	XM_005268	4234	METTL1	methyltran	GO:000640	GO:000004	GO:000563	138	115	0.83	-0.27	
H30001925	H300019256	ENSG0000	NM_001289	4046	LSP1	lymphocyte	GO:000692	GO:000377	GO:000588	44	38	0.85	-0.23	
AHsV1000	AHsV10001473	ENSG0000	XM_011535	4008	LMO7	LIM domain	GO:0001656	GO:000484	GO:0000151	ubiquitin l	14			
H30001848	H300018485	ENSG0000	NM_000218	3784	KCNQ1	potassium	GO:000223	GO:000524	GO:000573	801	712	0.89	-0.17	
H20000198	H200001980	ENSG0000	NM_002240	3763	KCNJ6	potassium	GO:000681	GO:000524	GO:0005794	Golgi appa	4			
H20000551	H200005513	ENSG0000	XR_428428	768	CA9	carbonic ar	GO:000200	GO:000408	GO:000573	41	36	0.88	-0.19	
H20000101	H200001019	ENSG0000	NR_073519	738	VPS51	VPS51, GA	GO:000686	GO:000367	GO:000093	340	399	1.17	0.23	
H20000702	H200007022	ENSG0000	NM_001278	558	AXL	AXL recept	GO:000176	GO:000161	GO:000561	6	19	3.33	1.74	
H20000144	H200001442	ENSG0000	NM_001294	533	ATP6V0B	ATPase H+	GO:000687	GO:000521	GO:000022	3336	2618	0.78	-0.35	
CHsGV100	CHsGV100006	ENSG0000	NM_000040	345	APOC3	apolipoprot	GO:000152	GO:000554	GO:0005576	extracellular region,GO:0005615				
AHsV1000	AHsV10002954	ENSG0000	NM_001638	319	APOF	apolipoprot	GO:000662	GO:000510	GO:0005576	extracellu	3			
H30000213	H300002131	ENSG0000	NM_001278	135	ADORA2A	adenosine	GO:000197	GO:000160	GO:0005886	plasma m	5			
H20000288	H200002888	ENSG0000	XM_005255	115	ADCY9	adenylate c	GO:000309	GO:000401	GO:000562	21	22	1.09	0.12	
AHsV1000	AHsV10002314	ENSG0000	NM_001001	6876	TAGLN	transgelin	GO:000751	GO:000377	GO:000573	4	17	4.61	2.20	
H20000008	H200000084	ENSG0000	NM_001040	6696	SPP1	secreted p	GO:000164	GO:000512	GO:0005576	extracellu	3			
AHsV1000	AHsV10003042	ENSG0000	XM_011525	6668	SP2	Sp2 transc	GO:000170	GO:000098	GO:000563	69	48	0.70	-0.52	
H20000609	H200006090	ENSG0000	NM_001289	6507	SLC1A3	solute carr	GO:000150	GO:000531	GO:000574	6	9	1.43	0.52	
AHsV1000	AHsV10001750	ENSG0000	NM_173217	6480	ST6GAL1	ST6 beta-g	GO:000605	GO:000383	GO:000013	2038	1231	0.60	-0.73	
H30000736	H300007360	ENSG0000	NM_001013	3486	IGFBP3	insulin like	GO:000155	GO:000196	GO:000557	38	34	0.88	-0.18	
CHsGV100	CHsGV100023	ENSG0000	NM_000629	3454	IFNAR1	interferon a	GO:000725	GO:000490	GO:000576	7	11	1.47	0.55	
CHsGV100	CHsGV100023	ENSG0000	NR_046609	100874323	HOXA10-A	HOXA10 ar	-	-	-	16	20	1.22	0.29	
AHsV1000	AHsV10003452	ENSG0000	XM_006715	3181	HNRNPA2B	heterogene	GO:000012	GO:000016	GO:000563	12833	12323	0.96	-0.06	
H20000028	H200000282	ENSG0000	XM_011520	2984	GUCY2C	guanylate c	GO:000618	GO:000401	GO:0005789	endoplasmic reticulum membrane				
AHsV1000	AHsV10002694	ENSG0000	XM_011535	2963	GTF2F2	general tra	GO:000039	GO:000099	GO:000563	833	735	0.88	-0.18	
H20001432	H200014327	ENSG0000	NM_001098	2825	GPR1	G protein-c	GO:000718	GO:000493	GO:000588	70	65	0.93	-0.10	
AHsV1000	AHsV10003200	ENSG0000	NM_002078	2803	GOLGA4	golgin A4	GO:000004	GO:000551	GO:000013	272	377	1.39	0.47	
H20000719	H200007193	ENSG0000	NM_001197	4170	MCL1	myeloid cel	GO:000170	GO:000551	GO:000563	1559	1991	1.28	0.35	
CHsGV100	CHsGV1000054	ENSG0000	XM_005254	3981	LIG4	ligase IV, D	GO:000001	GO:000367	GO:000078	47	61	1.30	0.38	
H20001461	H200014610	ENSG0000	XM_005250	3952	LEP	leptin	GO:000012	GO:000517	GO:0005576	extracellular region,GO:0005615				
H20001196	H200011967	ENSG0000	NM_004972	3717	JAK2	Janus kinas	GO:000016	GO:000467	GO:000563	140	142	1.01	0.01	
H20000606	H200006060	ENSG0000	NM_002216	3698	ITIH2	inter-alpha	GO:001095	GO:000486	GO:0005576	extracellu	8			
AHsV1000	AHsV10003412	ENSG0000	NM_004053	705	BYSL	bystin like	GO:000046	GO:000551	GO:000563	1630	1030	0.63	-0.66	
H30000219	H300002193	ENSG0000	NM_006887	678	ZFP36L2	ZFP36 ring	GO:000028	GO:000367	GO:000563	733	652	0.89	-0.17	
H30002100	H300021009	ENSG0000	XM_011519	509	ATP5C1	ATP syntha	GO:000611	GO:001688	GO:000027	6710	5665	0.84	-0.24	
H20001587	H200015875	ENSG0000	NM_005172	474	ATOH1	atonal bHL	GO:000176	GO:000097	GO:0005634	nucleus				
H30000390	H300003900	ENSG0000	NM_001152	292	SLC25A5	solute carr	GO:000611	GO:000373	GO:000563	9554	8136	0.85	-0.23	
H20001241	H200012416	ENSG0000	XM_011538	269	AMHR2	anti-Muller	GO:000188	GO:000470	GO:000588	131	71	0.54	-0.89	
H20000358	H200003587	ENSG0000	NM_001278	92	ACVR2A	activin A re	GO:000170	GO:000467	GO:000573	24	35	1.46	0.55	
H20000031	H200000313	ENSG0000	NM_001111	54	ACP5	acid phosp	GO:000150	GO:000399	GO:0005615	extracellular space,GO:0005764				
CHsGV100	CHsGV100022	ENSG0000	NM_004605	6820	SULT2B1	sulfotransf	GO:000010	GO:000402	GO:000563	9	12	1.40	0.48	
H20000610	H200006100	ENSG0000	NM_000454	6647	SOD1	superoxide	GO:000018	GO:000478	GO:000557	18488	12194	0.66	-0.60	
AHsV1000	AHsV10002758	ENSG0000	NM_003087	6623	SNCG	synuclein g	GO:000726	GO:000551	GO:000573	62	99	1.60	0.68	
H30001963	H300019639	ENSG0000	XM_011525	6442	SGCA	sarcoglycar	GO:000693	GO:000550	GO:000573	55	52	0.94	-0.08	
H30000030	H300000306	ENSG0000	XM_011523	6416	MAP2K4	mitogen-ac	GO:000222	GO:000467	GO:000563	118	128	1.08	0.11	
H20000633	H200006334	-	NM_002167	3399	ID3	inhibitor of	GO:000012	GO:000370	GO:000563	176	93	0.53	-0.92	
H20001608	H200016081	ENSG0000	NM_024012	3361	HTR5A	5-hydroxyt	GO:000718	GO:000499	GO:000579	6	13	2.16	1.11	
AHsV1000	AHsV10002948	ENSG0000	NM_001319	3159	HMGA1	high mobili	GO:000626	GO:000120	GO:000563	4353	2808	0.65	-0.63	
H30000260	H300002609	-	NM_020056	3118	HLA-DQA2	major histo	GO:000695	GO:003239	GO:000013	73	67	0.91	-0.13	
H20000693	H200006931	ENSG0000	NM_000178	2937	GSS	glutathione	GO:000652	GO:000028	GO:000582	1291	1287	1.00	-0.01	
AHsV1000	AHsV10002625	ENSG0000	XM_011542	2915	GRM5	glutamate r	GO:000720	GO:000493	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005886	plasma m			
H20000586	H200005866	ENSG0000	NM_006496	2773	GNAI3	guanine nu	GO:000681	GO:000166	GO:000573	389	370	0.95	-0.07	
H20000388	H200003885	ENSG0000	NM_001243	2745	GLRX	glutaredoxi	GO:001594	GO:000905	GO:000563	296	361	1.22	0.28	
AHsV1000	AHsV10002953	ENSG0000	NM_005907	4121	MAN1A1	mannosidas	GO:000649	GO:000457	GO:000013	347	353	1.02	0.03	
H20000689	H200006892	ENSG0000	NM_002291	3912	LAMB1	laminin sub	GO:000715	GO:000517	GO:000557	94	142	1.51	0.59	
AHsV1000	AHsV10002237	ENSG0000	XM_011538	3887	KRT81	keratin 81,	-	GO:000519	GO:000561	204	163	0.80	-0.33	
AHsV1000	AHsV10001030	ENSG0000	XM_005268	3679</										

H30000701	H300007014	ENSG0000	NM_016626	51320	MEX3C	mex-3 RNA	GO:000341	GO:000551	GO:000563	72	93	1.30	0.38
H30001237	H300012375	ENSG0000	NM_016588	51299	NRN1	neurtin 1	GO:000739	-	GO:0005886	plasma membrane,GO:0030054 c			
H30000970	H300009702	ENSG0000	XM_011537	11021	RAB35	RAB35, me	GO:000091	GO:000392	GO:000013	133	157	1.18	0.23
AHsV1000	AHsV10001099	-	NM_001317	11000	SLC27A3	solute carr	GO:000167	GO:000016	GO:001602	37	52	1.41	0.49
AHsV1000	AHsV10001575	ENSG0000	NM_006652	10816	SPINT3	serine pept	GO:001095	GO:000486	GO:0005576	extracellular region			
AHsV1000	AHsV10000487	ENSG0000	NM_001285	10788	IQGAP2	IQ motif co	GO:000716	GO:000377	GO:000573	36	40	1.11	0.16
AHsV1000	AHsV10001841	ENSG0000	XM_011515	10603	SH2B2	SH2B adap	GO:000716	GO:000487	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005829	cytosol,G		
H20001677	H200016777	ENSG0000	XM_011539	10579	TACC2	transformin	GO:000022	GO:001990	GO:000563	8	11	1.38	0.46
opHsV0400	opHsV0400007	-	XM_011537	10426	TUBGCP3	tubulin garr	GO:000008	GO:000519	GO:000092	105	125	1.19	0.25
H20000670	H200006704	ENSG0000	NM_006317	10409	BASP1	brain abund	GO:000735	GO:000371	GO:0005634	nucleus,GO:0005737	cytoplasm,C		
AHsV1000	AHsV10002888	ENSG0000	XM_011536	7272	TTK	TTK protei	GO:000705	GO:000467	GO:000581	276	327	1.19	0.25
H30001718	H300017181	ENSG0000	XM_011542	7225	TRPC6	transient re	GO:000681	GO:000377	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005829	cytosol,G		
H30001995	H300019955	ENSG0000	NM_001178	7029	TFDP2	transcriptid	GO:000027	GO:000098	GO:000563	1132	1263	1.12	0.16
H20001544	H200015448	ENSG0000	XM_005266	11215	AKAP11	A-kinase a	GO:001073	GO:000815	GO:000577	157	163	1.04	0.06
H20000382	H200003828	ENSG0000	XM_011534	11193	WBP4	WW domain	GO:004529	GO:000367	GO:000565	41	59	1.44	0.52
AHsV1000	AHsV10000114	ENSG0000	NM_003736	8641	PCDHGB4	protocadhe	GO:000715	GO:000550	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016020	m		
AHsV1000	AHsV10001843	ENSG0000	NM_004192	8623	ASMTL	acetylserot	GO:000815	GO:000367	GO:000573	51	79	1.55	0.63
CHsGV100	CHsGV1000116	ENSG0000	XR_944778	8435	SOAT2	sterol O-ac	GO:000820	GO:000006	GO:000578	70	64	0.92	-0.11
H20001288	H200012880	ENSG0000	XM_005257	8405	SPOP	speckle typ	GO:000012	GO:000108	GO:000563	612	599	0.98	-0.03
H20001734	H200017345	ENSG0000	NM_001077	7922	SLC39A7	solute carr	GO:000688	GO:000538	GO:000565	307	490	1.60	0.67
H20001887	H200018872	ENSG0000	NM_006764	7866	IFRD2	interferon-	-	GO:000367	GO:000563	229	206	0.90	-0.15
H20001368	H200013682	ENSG0000	NM_001079	7494	XBP1	X-box bind	GO:000012	GO:000097	GO:000563	1092	1175	1.08	0.11
CHsGV100	CHsGV1000048	ENSG0000	NM_003388	7461	CLIP2	CAP-Gly d	-	GO:005101	GO:000587	22	31	1.41	0.50
H20001580	H200015804	ENSG0000	NM_001195	4678	NASP	nuclear aut	GO:000182	GO:000551	GO:000079	6261	4424	0.71	-0.50
H20000651	H200006514	ENSG0000	NM_000261	4653	MYOC	myocilin, tr	GO:000164	GO:000196	GO:0005578	proteinaceous extracellular matri			
H20000701	H200007019	ENSG0000	NM_002422	4314	MMP3	matrix met	GO:000650	GO:000417	GO:0005576	extracellular region,GO:0005578			
CHsGV100	CHsGV1000111	ENSG0000	NM_016545	51278	IER5	immediate	-	GO:000551	-	521	447	0.86	-0.22
AHsV1000	AHsV10001908	ENSG0000	NM_001318	51256	TBC1D7	TBC1 doma	GO:003139	GO:000509	GO:001602	1609	1513	0.94	-0.09
H20000594	H200005942	ENSG0000	NM_006826	10971	YWHAQ	tyrosine 3-	GO:000636	GO:000551	GO:000573	5025	3665	0.73	-0.46
AHsV1000	AHsV10003241	ENSG0000	NM_006809	10953	TOMM34	translocase	GO:000662	GO:000551	GO:000563	198	302	1.53	0.61
AHsV1000	AHsV10001389	ENSG0000	XM_011509	10765	KDM5B	lysine deme	GO:000632	GO:000367	GO:000563	402	444	1.10	0.14
H20000494	H200004943	ENSG0000	NR_033349	10742	RAI2	retinoic aci	GO:000979	GO:000367	GO:0005575	cellular_co	4		
CHsGV100	CHsGV1000228	ENSG0000	XM_011509	10560	SLC19A2	solute carr	GO:000676	GO:000551	GO:000588	173	155	0.90	-0.15
AHsV1000	AHsV10003478	ENSG0000	NM_006402	10542	LAMTOR5	late endosc	GO:000636	GO:000508	GO:000576	2519	2714	1.08	0.11
H20000774	H200007742	ENSG0000	NM_197974	10384	BTN3A3	butyrophilin	GO:000245	-	GO:000573	12	19	1.66	0.73
AHsV1000	AHsV10001295	ENSG0000	XM_011535	10345	TRDN	triadin	GO:000687	GO:000510	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005783	endoplasm		
CHsGV100	CHsGV1000216	ENSG0000	NM_003292	7175	TPR	translocate	GO:000012	GO:000367	GO:000077	248	288	1.16	0.21
H20000186	H200001865	ENSG0000	NM_001308	7145	TNS1	tensin 1	GO:000704	GO:000377	GO:000573	36	30	0.85	-0.24
H20000051	H200000515	ENSG0000	NM_001062	6947	TCN1	transcobala	GO:000676	GO:003141	GO:000557	10	142	13.88	3.79
CHsGV100	CHsGV1000088	ENSG0000	XM_005254	11173	ADAMTS7	ADAM met	GO:000649	GO:000422	GO:0005578	proteinaceous extracellular matri			
AHsV1000	AHsV10001456	ENSG0000	NM_001319	11146	GLMN	glomulin, F	GO:000157	GO:000517	GO:000562	355	406	1.14	0.19
AHsV1000	AHsV10000270	ENSG0000	NR_026909	8576	STK16	serine/thre	GO:000636	GO:000107	GO:000573	63	80	1.28	0.35
H30001383	H300013837	ENSG0000	XM_005252	8555	CDC14B	cell divisio	GO:000628	GO:000472	GO:000563	84	114	1.36	0.45
H30000603	H300006038	ENSG0000	NM_012193	8322	FZD4	frizzled cla	GO:000157	GO:000493	GO:000588	40	52	1.30	0.37
H20000675	H200006757	ENSG0000	NM_004653	8284	KDM5D	lysine deme	GO:000245	GO:000367	GO:0005575	cellular_co	3		
H20000748	H200007481	ENSG0000	NM_001199	7818	DAP3	death asso	GO:000699	GO:000373	GO:000565	3327	2784	0.84	-0.26
CHsGV100	CHsGV1000214	-	NM_007153	7757	ZNF208	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	17	19	1.15	0.20
H20001404	H200014043	ENSG0000	XM_011536	7430	EZR	ezrin	GO:000012	GO:000377	GO:000172	793	1015	1.28	0.36
H30000598	H300005989	-	XM_011514	7407	VARS	valyl-tRNA	GO:000641	GO:000216	GO:000573	510	500	0.98	-0.03
AHsV1000	AHsV10001640	ENSG0000	NM_002473	4627	MYH9	myosin, hea	GO:000021	GO:000014	GO:000172	388	435	1.12	0.17
H30001422	H300014225	ENSG0000	XM_006719	4604	MYBPC1	myosin bind	GO:000715	GO:000377	GO:0005829	cytosol,GO:0030016	myofibril,GO		
H20000685	H200006857	ENSG0000	NM_001204	4258	MGST2	microsomal	GO:000675	GO:000436	GO:000578	1008	1036	1.03	0.04
CHsGV100	CHsGV1000325	-	NM_001083	51206	GP6	glycoprotei	GO:000716	GO:000487	GO:000588	125	88	0.70	-0.51
H20001557	H200015571	ENSG0000	NM_001005	51179	HAO2	hydroxyaci	GO:001939	GO:000397	GO:000573	34	35	1.03	0.04
CHsGV100	CHsGV1000367	ENSG0000	NM_006717	10927	SPIN1	spindlin 1	GO:000727	GO:000551	GO:000563	70	84	1.21	0.27
CHsGV100	CHsGV1000345	ENSG0000	NM_006699	10905	MAN1A2	mannosidas	GO:000649	GO:000457	GO:000013	67	98	1.47	0.56
AHsV1000	AHsV10001951	ENSG0000	NR_046347	10713	USP39	ubiquitin sp	GO:000024	GO:000827	GO:000565	765	793	1.04	0.05
H30001393	H300013935	ENSG0000	NM_006567	10667	FARS2	phenylalan	GO:000641	GO:000004	GO:000573	146	107	0.74	-0.44
AHsV1000	AHsV10003182	ENSG0000	XM_011536	10516	FBLN5	fibulin 5	GO:000155	GO:000517	GO:000557	11	19	1.81	0.85
H20001900	H200019004	ENSG0000	XM_011509	10485	C1orf61	chromosom	-	-	GO:0005634	nucleus			
H20001351	H200013511	ENSG0000	NM_001265	10308	ZNF267	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	104	121	1.16	0.22
DHsGV100	DHsGV1000406	-	XR_938439	101059915	LOC101059	uncharacter	-	-	-	4			
H20000557	H200005572	ENSG0000	NM_003278	7123	CLEC3B	C-type lec	GO:000150	GO:000550	GO:000165	67	55	0.81	-0.30
CHsGV100	CHsGV1000399	ENSG0000	NM_003263	7096	TLR1	toll like rec	GO:000222	GO:000487	GO:0005794	Golgi apparatus,GO:0005886	plas		
H20000345	H200003455	ENSG0000	NM_001297	6902	TBCA	tubulin fold	GO:000645	GO:000551	GO:000573	3019	2770	0.92	-0.12
AHsV1000	AHsV10000672	ENSG0000	NM_007051	11124	FAF1	Fas associa	GO:000691	GO:000551	GO:000563	605	623	1.03	0.04
H20000351	H200003514	ENSG0000	NM_001293	11098	PRSS23	protease, s	GO:000650	GO:000425	GO:000563	7	11	1.52	0.60
CHsGV100	CHsGV1000018	-	XM_011543	8538	BARX2	BARX hom	GO:000012	GO:000097	GO:000563	197	178	0.91	-0.14
AHsV1000	AHsV10002676	ENSG0000	XM_011540	8513	LIPF	lipase F, ga	GO:000610	GO:000480	GO:0005575	cellular_component,GO:0005576			
H30000414	H300004141	ENSG0000	NM_012227	8225	GLTPBP6	GTP bindin	-	GO:000552	GO:000573	108	80	0.74	-0.43
H20001430	H200014300	ENSG0000	XM_011523	8140	SLC7A5	solute carr	GO:000652	GO:001517	GO:000573	712	1307	1.84	0.88
CHsGV100	CHsGV1000253	ENSG0000	NM_001085	7710	ZNF154	zinc finger	GO:000635	GO:000097	GO:0005634	nucleus	4		
CHsGV100	CHsGV1000175	ENSG0000	XR_926305	7629	ZNF76	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	28	35	1.28	0.35
CHsGV100	CHsGV1000395	ENSG0000	NM_003366	7385	UQCRC2	ubiquinol-c	GO:000611	GO:000422	GO:000565	3236	2910	0.90	-0.15
H20001382	H200013822	ENSG0000	XM_005252	7357	UGCG	UDP-gluco	GO:000666	GO:000812	GO:000013	155	108	0.70	-0.52
AHsV1000	AHsV10002323	ENSG0000	NM_002458	727897	MUC5B	mucin 5B, c	GO:000649	GO:000551	GO:0005615	extracellular space,GO:0005796			
H30000548	H300005482	ENSG0000	NM_198954	4521	NUDT1	nudix hydro	GO:000619	GO:000392	GO:000563	529	496	0.94	-0.09
H20000657	H200006571	ENSG0000	NR_027308	4207	MEF2BNC	MEF2BNC	-	-	-	57	51	0.89	-0.17
AHsV1000	AHsV10001835	ENSG0000	NM_016180	51151	SLC45A2	solute carr	GO:000760	-	GO:0016021	integral ce	9		
H20000153	H200001538	ENSG0000	NM_001174	51125	GOLGA7	golgin A7	GO:001823	GO:000551	GO:000217	801	650	0.81	-0.30
H20001095	H200010950	ENSG0000	NM_053036	10886	NPFPR2	neuropepti	GO:000718	GO:000493	GO:000588	5	8	1.64	0.71
H30002287	H300022877	-	NR_103518	10859	LILRB1	leukocyte i	GO:000191						

H30000926	H300009266	ENSG0000	XM_011542	7049	TGFBR3	transformin	GO:000166	GO:000502	GO:000557	177	164	0.92	-0.11	
AHsV1000	AHsV10001589	ENSG0000	NM_003179	6855	SYP	synaptophy	GO:000689	GO:000521	GO:000802	24	30	1.24	0.31	
DHsGV100	DHsGV1000059	ENSG0000	-	83648	FAM167A	family with	-	GO:000551	-	941	821	0.87	-0.20	
H20001041	H200010417	ENSG0000	NM_001281	11047	ADRM1	adhesion re	GO:000636	GO:000202	GO:000050	733	645	0.88	-0.19	
H20001473	H200014731	ENSG0000	NM_003610	8480	RAE1	ribonucleic	GO:000027	GO:000372	GO:000563	1902	1304	0.69	-0.55	
AHsV1000	AHsV10001041	ENSG0000	XM_011537	8451	CUL4A	cullin 4A	GO:000008	GO:000551	GO:000565	700	449	0.64	-0.64	
AHsV1000	AHsV10003053	ENSG0000	NR_123733	8076	MFAP5	microfibrilla	GO:003019	GO:000520	GO:0001527	microfibril,GO:0005576	extracellu			
H30000479	H300004794	ENSG0000	NR_033343	8000	PSCA	prostate st	-	-	GO:0005886	plasma membrane,GO:0031225	ar			
CHsGV100	CHsGV1000373	ENSG0000	NM_021030	7561	ZNF14	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	36	61	1.67	0.74	
H30002097	H300020973	ENSG0000	XM_011517	7534	YWHAZ	tyrosine 3-	GO:000636	GO:000551	GO:000561	5246	4781	0.91	-0.13	
AHsV1000	AHsV10000472	ENSG0000	NM_181891	7323	UBE2D3	ubiquitin co	GO:000012	GO:000484	GO:000565	4402	3533	0.80	-0.32	
H30000941	H300009413	ENSG0000	NM_003331	7297	TYK2	tyrosine kir	GO:000646	GO:000471	GO:000563	314	358	1.14	0.19	
CHsGV100	CHsGV100021	ENSG0000	NM_002438	4360	MRC1	mannose re	GO:000689	GO:000161	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005887	in			
AHsV1000	AHsV10003365	ENSG0000	NR_103506	4336	MOBP	myelin-ass	GO:000739	GO:000551	GO:0005739	mitochond	6			
H30001911	H300019110	ENSG0000	XR_429315	4149	MAX	MYC assoc	GO:000635	GO:000097	GO:000563	540	805	1.49	0.58	
H20001149	H200011493	ENSG0000	NM_031310	83483	PLVAP	plasmalemr	GO:000016	GO:000551	GO:0005901	caveola,G	4			
AHsV1000	AHsV10001817	ENSG0000	NM_001005	81061	OR11H1	olfactory re	GO:000716	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005887	in			
CHsGV100	CHsGV1000174	ENSG0000	NM_030648	80854	SETD7	SET domai	GO:000632	GO:000203	GO:000565	25	26	1.07	0.09	
H20000923	H200009239	ENSG0000	NM_006710	80149	ZC3H12A	zinc finger	GO:000029	GO:000367	GO:000093	15	19	1.30	0.38	
AHsV1000	AHsV10003156	ENSG0000	XM_011522	80125	CCDC33	coiled-coil	-	GO:000551	-	9	11	1.26	0.33	
DHsGV100	DHsGV1000473	ENSG0000	-	6238	RRBP1	ribosome b	GO:000164	GO:000487	GO:000578	141	110	0.78	-0.36	
H30001242	H300012425	ENSG0000	NM_001010	79822	ARHGAP28	Rho GTPase	GO:000726	GO:000509	GO:000565	8	22	2.71	1.44	
AHsV1000	AHsV10001836	ENSG0000	NR_132401	54802	TRIT1	tRNA isope	GO:000640	GO:000552	GO:000557	262	283	1.08	0.11	
H30000199	H300001992	ENSG0000	NM_017594	54769	DIRAS2	DIRAS fam	GO:000726	GO:000552	GO:0005622	intracellul	4			
CHsGV100	CHsGV1000074	ENSG0000	XR_944589	54407	SLC38A2	solute carr	GO:000333	GO:000551	GO:000588	609	914	1.50	0.59	
H20001709	H200017094	ENSG0000	XM_011518	54187	NANS	N-acetyln	GO:000648	GO:000878	GO:000573	1784	1360	0.76	-0.39	
H30000181	H300001815	ENSG0000	NR_036454	51652	CHMP3	charged mu	GO:000092	GO:000551	GO:000081	274	364	1.33	0.41	
H20000571	H200005717	ENSG0000	NM_015980	51617	HMP19	HMP19 pro	GO:000721	GO:003205	GO:0016021	integral component of membrane				
AHsV1000	AHsV10003145	ENSG0000	NR_026728	55741	EDEM2	ER degrada	GO:000645	GO:000194	GO:000578	52	62	1.19	0.25	
CHsGV100	CHsGV1000133	ENSG0000	NM_018665	55510	DDX43	DEAD-box	GO:001050	GO:000372	GO:0005622	intracellul	6			
CHsGV100	CHsGV1000075	ENSG0000	NM_001317	55422	ZNF331	zinc finger	GO:000635	GO:000097	GO:000563	24	29	1.24	0.31	
AHsV1000	AHsV10002607	ENSG0000	NM_001014	55208	DCUN1D2	defective in	GO:004511	GO:003162	GO:000015	7	16	2.18	1.13	
AHsV1000	AHsV10000562	ENSG0000	NM_018313	55193	PBRM1	polybrom	GO:000189	GO:000367	GO:000022	97	107	1.11	0.15	
CHsGV100	CHsGV1000026	ENSG0000	NM_017912	55008	HERC6	HECT and	GO:000224	GO:000484	GO:0005634	nucleus,GO:0005737	cytoplasm,C			
H30001878	H300018785	ENSG0000	XM_011518	54981	NMRK1	nicotinamid	GO:000943	GO:000551	-	15	21	1.38	0.47	
AHsV1000	AHsV10001482	ENSG0000	XM_005265	23286	WWC1	WW and C2	GO:000012	GO:000371	GO:0005634	nucleus,GO:0005737	cytoplasm,C			
AHsV1000	AHsV10000069	ENSG0000	XM_011537	23263	MCF2L	MCF.2 cell	GO:000726	GO:000508	GO:0005615	extracellular space,GO:0005829	c			
AHsV1000	AHsV10001761	ENSG0000	XM_011523	23108	RAP1GAP2	RAP1 GTP	GO:000836	GO:000509	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005813	centrosom			
CHsGV100	CHsGV1000124	ENSG0000	XM_006717	23082	PPRC1	peroxisome	GO:000635	GO:000016	GO:000563	47	45	0.95	-0.07	
AHsV1000	AHsV10002133	ENSG0000	NR_033679	22900	CARD8	caspase re	GO:000691	GO:000551	GO:000563	19	35	1.88	0.91	
CHsGV100	CHsGV1000101	-	XM_006719	22877	MLXIP	MLX intera	GO:000635	GO:000098	GO:000563	42	42	1.00	0.00	
AHsV1000	AHsV10001347	-	NM_001123	81872	KRTAP2-1	keratin ass	-	-	GO:0045095	keratin filament				
AHsV1000	AHsV10002236	ENSG0000	NM_030573	80764	THAP7	THAP dom	GO:000635	GO:000367	GO:000569	560	501	0.89	-0.16	
CHsGV100	CHsGV1000403	ENSG0000	NM_001097	80723	SLC35G2	solute carr	-	-	GO:000579	22	37	1.68	0.75	
AHsV1000	AHsV10000149	ENSG0000	NM_024993	80059	LRRTM4	leucine rich	GO:000646	GO:000486	GO:0005737	cytoplasm,GO:0016021	integral c			
CHsGV100	CHsGV1000105	ENSG0000	XM_011544	80005	DOCK5	dedicator d	GO:000726	GO:000508	GO:000573	26	19	0.73	-0.46	
CHsGV100	CHsGV1000031	ENSG0000	NM_024735	79791	FBXO31	F-box prot	GO:000697	GO:003033	GO:001900	9	12	1.30	0.38	
H20001142	H200011422	ENSG0000	NM_024713	79768	KATNBL1	katanin p80	-	GO:000551	GO:000573	42	64	1.54	0.62	
H20001997	H200019970	ENSG0000	XM_011539	54708	-	42434	membrane	GO:000020	GO:000484	GO:000574	58	79	1.35	0.43
H30001087	H300010878	-	NR_046384	54623	PAF1	PAF1 hom	GO:000012	GO:000099	GO:000565	9	17	1.78	0.83	
CHsGV100	CHsGV1000235	ENSG0000	NM_018964	54020	SLC37A1	solute carr	GO:000682	GO:002285	GO:001602	14	20	1.38	0.46	
H20001822	H200018222	ENSG0000	XM_011538	53831	GPR84	G protein-c	GO:000720	GO:000852	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005887	in			
H20001733	H200017330	ENSG0000	NR_049768	51574	LARP7	La ribonuc	GO:000639	GO:000016	GO:000563	545	606	1.11	0.15	
AHsV1000	AHsV10000777	ENSG0000	NM_001193	51548	SIRT6	sirtuin 6	GO:000072	GO:000368	GO:0005634	nucleus,G	7			
AHsV1000	AHsV10002331	ENSG0000	XM_011538	55681	SCYL2	SCY1 like p	GO:000209	GO:000467	GO:000579	116	171	1.47	0.56	
AHsV1000	AHsV10000138	ENSG0000	XM_005258	55352	COPRS	coordinator	GO:000632	GO:000551	GO:000563	1182	902	0.76	-0.39	
H20001428	H200014286	ENSG0000	XM_005269	55332	DRAM1	DNA dama	GO:000691	GO:000551	GO:000573	33	34	1.04	0.05	
AHsV1000	AHsV10002259	ENSG0000	NM_001083	55172	DNAAF2	dynein (axo	GO:000223	GO:000551	GO:000573	202	152	0.75	-0.41	
H20000132	H200001322	ENSG0000	NR_038150	55148	UBR7	ubiquitin pr	GO:000815	GO:000367	-	557	557	1.00	0.00	
AHsV1000	AHsV10001606	ENSG0000	XR_247205	54961	SSH3	slingshot p	GO:000806	GO:000367	GO:0005634	nucleus,G	5			
AHsV1000	AHsV10000798	ENSG0000	NM_017815	54930	HAUS4	HAUS augr	GO:000706	GO:000367	GO:000573	244	465	1.90	0.93	
H20000421	H200004211	ENSG0000	XM_011515	23242	COBL	cordon-ble	GO:000057	GO:000378	GO:0001726	ruffle,GO:	4			
H20000547	H200005479	ENSG0000	XM_006718	23220	DTX4	deltex 4, E	GO:000721	GO:000827	GO:000582	125	109	0.87	-0.20	
CHsGV100	CHsGV1000218	ENSG0000	NM_014071	23054	NCOA6	nuclear rec	GO:000154	GO:000368	GO:000563	22	25	1.13	0.18	
CHsGV100	CHsGV1000318	ENSG0000	NM_015018	23033	DOPEY1	dopey fami	GO:001503	-	-	-	4			
H20001297	H200012976	ENSG0000	NM_014913	22850	ADNP2	ADNP hom	GO:000635	GO:000367	GO:000557	172	150	0.87	-0.20	
H20000595	H200005957	-	XM_011516	22827	PUF60	poly(U) bin	GO:000635	GO:000016	GO:000565	1223	845	0.69	-0.53	
CHsGV100	CHsGV1000225	ENSG0000	XM_005270	81621	KAZALD1	Kazal type	GO:000150	GO:000552	GO:000561	7	13	1.75	0.81	
AHsV1000	AHsV10001353	ENSG0000	NM_025222	80335	WDR82	WD repeat	GO:005156	GO:000368	GO:000078	109	178	1.64	0.71	
AHsV1000	AHsV10003228	ENSG0000	NM_173050	80274	SCUBE1	signal pept	GO:000695	GO:000550	GO:000561	36	37	1.03	0.04	
CHsGV100	CHsGV1000402	ENSG0000	XM_011542	79971	WLS	wntless Wn	GO:000170	GO:000487	GO:0000139	Golgi membrane,GO:0005769	ear			
H20001291	H200012914	ENSG0000	NM_001142	79934	ADCK4	aarF domai	GO:000646	GO:000467	GO:000582	42	60	1.41	0.50	
CHsGV100	CHsGV1000076	ENSG0000	XM_011542	79739	TTL7	tubulin tyr	GO:000739	GO:000552	GO:0005737	cytoplasm	6			
CHsGV100	CHsGV1000228	ENSG0000	NM_024656	79709	COLGALT	collagen be	GO:000815	GO:005021	GO:000578	195	162	0.83	-0.27	
AHsV1000	AHsV10001786	ENSG0000	NM_019066	54551	MAGEL2	MAGE fami	GO:000635	GO:000484	GO:0005634	nucleus,GO:0005768	endosome,C			
H20001091	H200010919	ENSG0000	XM_011516	54517	PUS7	pseudourid	GO:000152	GO:000998	GO:000563	422	311	0.74	-0.44	
AHsV1000	AHsV10002225	ENSG0000	NM_001243	53347	UBASH3A	ubiquitin as	GO:000181	GO:000551	GO:000563	20	48	2.38	1.25	
H20000187	H200001877	ENSG0000	XR_931305	51768	TM7SF3	transmemb	GO:000815	GO:000367	GO:000588	311	317	1.02	0.03	
AHsV1000	AHsV10002394	ENSG0000	NM_001286	51504	TRMT112	tRNA meth	GO:000640	GO:000551	GO:004323	4608	3336	0.72	-0.47	
H20001732	H200017327	ENSG0000	NM_016297	51449	PCYOX1	prenylcyste	GO:003032	GO:000173	GO:000576	180	210	1.16	0.22	
CHsGV100	CHsGV1000125	ENSG0000	XR_930878	55626	AMBRA1	autophagy/	GO:000828	GO:000551	GO:000573	58	55	0.95	-0.07	
AHsV1000	AHsV10001033	ENSG0000	XM_011545	55298	RNF121	ring finger								

H20001429	H200014292	ENSG0000	XM_011520	23012	STK38L	serine/thre	GO:000646	GO:000028	GO:000573	15	23	1.49	0.58
H30002200	H300022000	ENSG0000	NM_001318	22981	NINL	ninein like	GO:000008	GO:000550	GO:000581	44	48	1.08	0.11
H20000128	H200001289	ENSG0000	NM_001003	11343	MGLL	monoglycer	GO:000662	GO:000462	GO:0005654	nucleoplasm,GO:0005789	endoplasm		
CHsGV100	CHsGV1000403	ENSG0000	NM_012214	11320	MGAT4A	mannosyl (4	GO:000649	GO:000845	GO:000013	29	27	0.94	-0.08
H30001595	H300015956	ENSG0000	XM_005273	81551	STMN4	stathmin 4	GO:000701	GO:001563	GO:000573	14	20	1.42	0.51
CHsGV100	CHsGV1000348	ENSG0000	NM_025151	80223	RAB11FIP1	RAB11 fam	GO:001503	GO:001713	GO:000573	120	129	1.07	0.10
H20001888	H200018887	ENSG0000	NM_194271	80196	RNF34	ring finger	GO:001656	GO:000203	GO:000563	572	577	1.01	0.01
H30001470	H300014705	ENSG0000	NM_001160	79899	PRR5L	proline rich	GO:000193	GO:003162	GO:000573	6	11	1.84	0.88
CHsGV100	CHsGV1000086	ENSG0000	XR_928494	105369147	LOC105369	uncharacte	-	-	-	20	21	1.07	0.09
AHsV1000	AHsV10002226	ENSG0000	NM_001304	79676	OGFOD2	2-oxogluta	GO:005511	GO:000550	-	85	124	1.46	0.54
H20000368	H200003680	ENSG0000	NM_024605	79658	ARHGAP10	Rho GTPase	GO:000691	GO:000509	GO:0005829	cytosol,GO:		12	
CHsGV100	CHsGV1000218	ENSG0000	NR_135078	54482	TRMT13	tRNA meth	GO:000640	GO:000817	-	160	199	1.24	0.31
CHsGV100	CHsGV1000077	ENSG0000	NM_018457	54458	PRR13	proline rich	GO:000635	GO:000551	GO:000563	627	513	0.82	-0.29
CHsGV100	CHsGV1000062	ENSG0000	NM_016332	51734	MSRB1	methionine	GO:000697	GO:000377	GO:000557	274	238	0.87	-0.21
H20000128	H200001281	ENSG0000	NM_016217	51696	HECA	hdc homolo	GO:003032	GO:000367	GO:000563	54	61	1.14	0.20
CHsGV100	CHsGV1000387	ENSG0000	NM_016091	51386	EIF3L	eukaryotic	GO:000173	GO:000374	GO:000165	1273	1061	0.83	-0.26
CHsGV100	CHsGV1000044	ENSG0000	NM_015852	51351	ZNF117	zinc finger	GO:000635	GO:000097	GO:000563	54	63	1.15	0.20
H30000454	H300004540	ENSG0000	XM_011545	55561	CDC42BP1	CDC42 bin	GO:000646	GO:000028	GO:000573	30	26	0.89	-0.17
AHsV1000	AHsV10003191	-	NM_001104	55251	PCMTD2	protein-L-	GO:000647	GO:000471	GO:000573	115	127	1.10	0.14
CHsGV100	CHsGV1000138	ENSG0000	NM_018214	55227	LRRC1	leucine rich	-	-	GO:0005737	cytoplasm,GO:0016020	membran		
AHsV1000	AHsV10002729	ENSG0000	XM_005250	55063	ZCWPW1	zinc finger	-	GO:000827	-	-	9		
CHsGV100	CHsGV1000231	ENSG0000	NM_017952	55037	PTCD3	pentatricop	GO:000641	GO:000551	GO:000573	90	86	0.95	-0.08
H30000978	H300009786	ENSG0000	NM_017709	54855	FAM46C	family with	-	GO:000551	-	18	22	1.27	0.34
H30000771	H300007715	ENSG0000	XM_011542	54827	NXPE4	neurexophi	GO:000815	GO:000367	GO:0070062	extracellular	exosome		
H20001820	H200018208	ENSG0000	NM_001304	23152	CIC	capicua tra	GO:000012	GO:000367	GO:000563	72	56	0.78	-0.36
H30000438	H300004389	ENSG0000	XM_006721	23135	KDM6B	lysine deme	GO:000243	GO:000368	GO:0005634	nucleus,GO:		9	
AHsV1000	AHsV10002743	ENSG0000	NM_012235	22937	SCAP	SREBF cha	GO:000166	GO:000551	GO:000013	44	41	0.95	-0.08
H20001078	H200010780	ENSG0000	NM_012072	22918	CD93	CD93 mole	GO:000223	GO:000184	GO:0005886	plasma membrane,GO:0009986	cy		
AHsV1000	AHsV10001162	ENSG0000	XM_011524	11276	SYNRG	synergic, ga	GO:000688	GO:000551	GO:000573	28	44	1.53	0.62
H30000924	H300009248	-	NM_007227	11250	GPR45	G protein-c	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in		
DHsGV100	DHsGV1000070	-	NG_008489	5172	SLC26A4	solute carr	GO:000681	GO:000525	GO:0005886	plasma m		6	
DHsGV100	DHsGV1000294	-	XM_011526	105372109	LOC105372	uncharacte	-	-	-	-	4		
DHsGV100	DHsGV1000473	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000388	ENSG0000	-	166815	TIGD2	tigger trans	-	GO:000367	GO:000563	25	25	1.00	0.00
DHsGV100	DHsGV1000452	ENSG0000	NR_036489	284215	DLGAP1-A	DLGAP1 ar	-	-	-	-	-	-	-
AHsV1000	AHsV10001821	ENSG0000	NM_198475	284069	FAM171A2	family with	-	-	GO:001602	16	17	1.07	0.09
AHsV1000	AHsV10001088	ENSG0000	NM_001242	257044	C1orf101	chromosom	-	-	GO:0036128	CatSper complex			
AHsV1000	AHsV10003591	ENSG0000	NM_152914	256302	NATD1	N-acetyltra	-	GO:000551	-	55	46	0.84	-0.26
AHsV1000	AHsV10003524	ENSG0000	NM_001040	221711	SYCP2L	synaptoner	-	-	GO:000565	102	142	1.39	0.48
H20002011	H200020112	ENSG0000	NM_145063	221443	OARD1	O-acyl-AD	GO:004227	GO:000188	-	711	770	1.08	0.12
AHsV1000	AHsV10002105	-	NR_027999	201299	RDM1	RAD52 mo	GO:000016	GO:000573	-	17	34	2.04	1.03
AHsV1000	AHsV10000677	ENSG0000	NM_001102	200726	LOC200726	hCG165798	-	-	-	-	-	-	-
CHsGV100	CHsGV1000158	ENSG0000	NM_001135	83638	C11orf68	chromosom	-	GO:000551	-	47	54	1.14	0.19
AHsV1000	AHsV10001964	ENSG0000	XM_011509	343413	FCRL6	Fc recepto	-	GO:001990	GO:0009897	external s		8	
AHsV1000	AHsV10001454	ENSG0000	XM_011524	342618	SLFN14	schlafen fa	GO:000640	GO:000452	GO:0005634	nucleus,GO:		3	
AHsV1000	AHsV10000492	ENSG0000	XM_011539	317662	FAM149B1	family with	-	-	-	19	53	2.81	1.49
DHsGV100	DHsGV1000003	-	NR_038874	286177	LOC286177	uncharacte	-	-	-	-	3		
AHsV1000	AHsV10000397	ENSG0000	XM_006717	92400	RBM18	RNA bindin	GO:000223	GO:000016	-	174	188	1.08	0.11
H20001580	H200015805	ENSG0000	XM_011517	92140	MTDH	metadherin	GO:000012	GO:000108	GO:000563	1927	1811	0.94	-0.09
CHsGV100	CHsGV1000026	ENSG0000	XM_011520	89869	PLCZ1	phospholipa	GO:000681	GO:000443	GO:0005634	nucleus,GO:0005829	cytosol,GO:		
CHsGV100	CHsGV1000184	ENSG0000	NM_033106	85569	GALP	galanin like	GO:000721	GO:000517	GO:0005575	cellular_component,GO:0005576			
H20000574	H200005749	ENSG0000	NM_032783	84869	CBR4	carbonyl re	GO:000663	GO:000395	GO:000575	134	140	1.05	0.07
H30002112	H300021126	ENSG0000	NM_032704	84790	TUBA1C	tubulin alph	GO:000645	GO:000392	GO:000563	2678	1596	0.60	-0.75
H20000542	H200005422	ENSG0000	NM_032319	84279	PRADC1	protease-a	-	GO:000551	GO:000557	718	509	0.71	-0.50
AHsV1000	AHsV10000711	ENSG0000	NM_032283	84243	ZDHHC18	zinc finger	GO:001834	GO:000827	GO:000579	91	102	1.13	0.17
H20001062	H200010627	ENSG0000	NM_001136	55758	RCOR3	REST core	GO:000635	GO:000367	GO:000563	78	122	1.57	0.65
DHsGV100	DHsGV1000111	ENSG0000	NR_036505	100128361	LOC100128	uncharacte	-	-	-	4	16	4.12	2.04
DHsGV100	DHsGV1000502	-	-	-	-	-	-	-	-	11	12	1.15	0.20
H30001803	H300018032	ENSG0000	XM_005250	51366	UBR5	ubiquitin pr	GO:000020	GO:000372	GO:000563	240	251	1.05	0.07
DHsTV100	DHsTV1000002	-	-	-	-	-	-	-	-	31	71	2.31	1.21
AHsV1000	AHsV10002436	ENSG0000	XM_011523	283847	CCDC79	coiled-coil	GO:000712	GO:000367	GO:0000781	chromosome, telomeric region,GO:			
AHsV1000	AHsV10003107	ENSG0000	NR_126500	283551	LINC01588	long interge	-	GO:000551	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000102	ENSG0000	NR_029409	255512	TOLLIP-AS	TOLLIP an	-	-	-	-	4		
AHsV1000	AHsV10001697	ENSG0000	-	254958	REXO1L1P	REX1, RNA	GO:009030	GO:000367	GO:0005634	nucleus,GO:		4	
H20002080	H200020805	ENSG0000	NM_001190	221223	CES5A	carboxylest	GO:000815	GO:005268	GO:0005615	extracellu		5	
AHsV1000	AHsV10002862	ENSG0000	NM_194247	220988	HNRNPA3	heterogene	GO:000039	GO:000016	GO:000563	1147	1410	1.23	0.30
AHsV1000	AHsV10000534	ENSG0000	NR_046427	199990	FAAP20	Fanconi an	GO:000628	GO:000551	GO:000565	238	178	0.75	-0.42
H30001566	H300015663	ENSG0000	NM_001105	199223	TTC21A	tetratricop	GO:003572	-	GO:000592	37	38	1.02	0.02
AHsV1000	AHsV10001366	ENSG0000	NM_031286	83442	SH3BGL3	SH3 domai	GO:003083	GO:000509	GO:000563	825	1478	1.79	0.84
DHsGV100	DHsGV1000275	ENSG0000	NM_001199	340900	EBLN1	endogenou	-	-	-	28	31	1.11	0.15
AHsV1000	AHsV10000341	ENSG0000	NM_178563	340351	AGBL3	ATP/GTP	GO:000650	GO:000418	GO:0005829	cytosol			
CHsGV100	CHsGV1000233	ENSG0000	NR_104429	285755	PPIL6	peptidylpro	GO:000041	GO:000375	-	-	-	-	-
H30000499	H300004997	ENSG0000	NM_194439	285498	RNF212	ring finger	GO:000631	GO:000827	GO:0000795	synaptoner		6	
H20000138	H200001387	ENSG0000	XM_005268	91754	NEK9	NIMA relat	GO:000027	GO:000467	GO:000563	117	137	1.18	0.24
AHsV1000	AHsV10000177	ENSG0000	XM_011519	91452	ACBD5	acyl-CoA b	GO:000681	GO:000006	GO:000563	42	65	1.57	0.65
AHsV1000	AHsV10003062	ENSG0000	NM_033125	85413	SLC22A16	solute carr	GO:000727	GO:000527	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005887	in		
AHsV1000	AHsV10001866	-	NM_033184	85294	KRTAP2-4	keratin ass	-	-	GO:0045095	keratin filament			
AHsV1000	AHsV10002765	ENSG0000	NM_001271	84699	CREB3L3	cAMP resp	GO:000267	GO:000097	GO:0005634	nucleus,GO:0005783	endoplasmic		
AHsV1000	AHsV10002855	ENSG0000	NR_103802	84650	EBPL	emopamil b	GO:001612	GO:004775	GO:000578	729	653	0.89	-0.16
AHsV1000	AHsV10001914	ENSG0000	NM_032222	84182	FAM188B	family with	-	-	-	22	38	1.74	0.80
AHsV1000	AHsV10000640	ENSG0000	XM_005249	84132	USP42	ubiquitin sp	GO:000651	GO:000484	-	28	36	1.29	0.37
H30001892	H300018927	ENSG0000	XM_006710	55706	NDC1	NDC1 trans	GO:000027	GO:001705	GO:000563	614	493	0.80	-0.32
DHsGV100	DHsGV1000001	ENSG0000	NR_110373	102682016	LINC01159	long interge	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000363	ENSG0000	-	399923	FLJ42102	uncharacte	-	-	-	7	10	1.28	0.35
DHsGV100	DHsGV1000553	ENSG0000	-	6296	ACSM3	acyl-CoA s	GO:000663	GO:000367	GO:0005575	cellular_co		4	
DHsGV100	DHsGV1000549	ENSG0000	NM_001145	729991	BORCS8	BLOC-1 re	GO:000750	GO:000551	-	161	13		

CHsGV100	CHsGV100001	ENSG0000	NM_145756	252884	ZNF396	zinc finger	GO:000635	GO:000370	GO:0005634 nucleus,G	13			
AHsV1000	AHsV10000894	ENSG0000	NM_001145	219855	SLC37A2	solute carr	GO:000682	GO:002285	GO:0016021 integral component of membrane				
CHsGV100	CHsGV1000265	ENSG0000	XM_006719	219287	AMER2	APC memb	GO:000739	GO:000551	GO:000588	54	53	0.99	-0.01
AHsV1000	AHsV10003567	ENSG0000	NM_152644	196792	FAM24B	family with	-	-	GO:000557	52	59	1.15	0.20
H20000152	H200001529	ENSG0000	XM_011521	192683	SCAMP5	secretory d	GO:000688	GO:000551	GO:0000139 Golgi mem	11			
AHsV1000	AHsV10000022	ENSG0000	XM_006716	81790	RNF170	ring finger	GO:001656	GO:000551	GO:000578	99	145	1.46	0.55
AHsV1000	AHsV10001036	ENSG0000	NM_001135	339834	CCDC36	coiled-coil	GO:000223	GO:000551	-				
CHsGV100	CHsGV1000086	ENSG0000	NM_001244	339390	CLEC4G	C-type lec	GO:000271	GO:000161	GO:000588	5	11	2.19	1.13
CHsGV100	CHsGV1000275	ENSG0000	NM_173653	285195	SLC9A9	solute carr	GO:000681	GO:000551	GO:0016021 integral c	8			
CHsGV100	CHsGV1000103	ENSG0000	NM_001134	284759	SIRPB2	signal regul	-	-	GO:001602	105	95	0.91	-0.14
AHsV1000	AHsV10001996	ENSG0000	NM_207308	91181	NUP210L	nucleoporin	GO:000728	-	GO:0016021 integral component of membrane				
H30001444	H300014442	ENSG0000	XM_006716	90956	ADCK2	aarF domai	GO:000646	GO:000467	GO:001602	312	249	0.80	-0.33
H20000304	H200003045	ENSG0000	XM_011520	85004	RERG	RAS-like, d	GO:000726	GO:000392	GO:000563	16	24	1.52	0.60
AHsV1000	AHsV10002781	ENSG0000	XM_011542	84958	SYTL1	synaptotag	GO:000688	GO:000550	GO:0005886 plasma m	29			
H30002026	H300020263	ENSG0000	NM_001142	84620	ST6GAL2	ST6 beta-g	GO:000648	GO:000383	GO:0000139 Golgi membrane,GO:0016021 inte				
AHsV1000	AHsV10000086	ENSG0000	NM_032485	84515	MCM8	minichromd	GO:000008	GO:000367	GO:000563	88	130	1.47	0.56
H30001359	H300013592	ENSG0000	NM_032126	84066	TEX35	testis expr	-	-	GO:000563	15	23	1.55	0.63
AHsV1000	AHsV10000174	-	NM_001319	83939	EIF2A	eukaryotic	GO:000641	GO:000004	GO:000561	18	28	1.57	0.65
AHsV1000	AHsV10001241	ENSG0000	XM_011538	55652	SLC48A1	solute carr	GO:001588	GO:000551	GO:000576	29	63	2.16	1.11
DHsGV100	DHsGV1000045	ENSG0000	NM_001190	100127983	C8orf88	chromosom	GO:004594	GO:000819	GO:000573	533	411	0.77	-0.38
DHsGV100	DHsGV100033	ENSG0000	-	-	RP11-419I	-	-	-	-	8	17	2.16	1.11
DHsGV100	DHsGV1000123	ENSG0000	-	-	AC019118.	-	-	-	-	270	237	0.88	-0.19
DHsGV100	DHsGV1000504	ENSG0000	-	-	RP11-432M	-	-	-	-	37	29	0.80	-0.33
H30000499	H300004990	-	NM_178864	266743	NPAS4	neuronal P	GO:000636	GO:000097	GO:000563	54	53	0.99	-0.02
CHsGV100	CHsGV1000118	ENSG0000	XM_011539	259217	HSPA12A	heat shock	GO:000815	GO:000367	GO:007006	13	15	1.16	0.21
AHsV1000	AHsV10001285	ENSG0000	XM_011516	225689	MAPK15	mitogen-ac	GO:000012	GO:000470	GO:0005576 extracellular region,GO:0005622 i				
CHsGV100	CHsGV1000105	ENSG0000	XM_011519	222389	BEND7	BEN domai	-	GO:000551	GO:007006	24	45	1.89	0.92
AHsV1000	AHsV10002357	ENSG0000	NM_145305	203427	SLC25A43	solute carr	GO:000641	GO:000373	GO:000574	11	25	2.34	1.23
AHsV1000	AHsV10000192	ENSG0000	NM_182539	202500	TCTE1	t-complex-	-	-	-		4		
CHsGV100	CHsGV100012	ENSG0000	NM_172344	170850	KCNG3	potassium	GO:000726	GO:000525	GO:0005783 endoplasmic reticulum,GO:00058				
CHsGV100	CHsGV1000340	ENSG0000	NM_173798	170261	ZCCHC12	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0016607 nuclear sp	8			
AHsV1000	AHsV10003112	ENSG0000	NR_134851	81578	COL21A1	collagen ty	GO:003019	-	GO:0005576 extracellu	3			
CHsGV100	CHsGV1000118	ENSG0000	NM_181725	339175	METTL2A	methyltran	GO:003048	GO:001642	-	80	97	1.21	0.27
AHsV1000	AHsV10000215	ENSG0000	NM_001304	338382	RAB7B	me	GO:000726	GO:000552	GO:0005764 lysosome,GO:0005770 late endos				
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	NM_001136	284546	C1orf185	chromosom	-	-	GO:0016021 integral component of membrane				
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	NM_001012	284390	ZNF763	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	7	7	1.03	0.04
AHsV1000	AHsV10002278	-	NM_001145	90522	YIF1B	Yip1 intera	-	-	GO:0016021 integral c	6			
AHsV1000	AHsV10001174	ENSG0000	NR_134506	90120	C9orf69	chromosom	GO:000704	GO:000551	GO:000563	298	300	1.01	0.01
CHsGV100	CHsGV100013	ENSG0000	NM_032847	84933	C8orf76	chromosom	-	-	-	481	458	0.95	-0.07
AHsV1000	AHsV10001751	ENSG0000	NR_104259	84905	ZNF341	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634 nucleus	7			
CHsGV100	CHsGV1000105	ENSG0000	NM_032482	84444	DOT1L	DOT1 like	GO:000632	GO:000367	GO:000565	5	13	2.39	1.26
AHsV1000	AHsV10003497	ENSG0000	XM_011538	84329	HVCN1	hydrogen v	GO:000733	GO:002284	GO:000588	8	28	3.57	1.84
H30000573	H300005738	ENSG0000	NM_031951	83889	WDR87	WD repeat	-	-	GO:0005737 cytoplasm				
H20001743	H200017432	ENSG0000	NM_031479	83729	INHBE	inhibin beta	GO:001086	GO:000512	GO:0005615 extracellu	50			
AHsV1000	AHsV10001216	ENSG0000	XM_006719	55605	KIF21A	kinesin fam	GO:000701	GO:000377	GO:000573	234	251	1.08	0.11
H20001707	H200017070	ENSG0000	XM_011538	41	ASIC1	acid sensin	GO:000681	GO:000551	GO:0005886 plasma m	6			
DHsGV100	DHsGV1000257	-	-	-	-	-	-	-	-	6			
DHsGV100	DHsGV100021	ENSG0000	-	5129	CDK18	cyclin-dep	GO:000646	GO:000469	GO:000557	53	48	0.92	-0.12
DHsGV100	DHsGV1000016	ENSG0000	NM_016249	51438	MAGEC2	MAGE fami	GO:004425	GO:000551	GO:000563	120	101	0.84	-0.25
DHsGV100	DHsGV1000045	-	-	-	-	-	-	-	-	52	46	0.90	-0.16
DHsGV100	DHsGV1000396	-	-	-	-	-	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000526	-	-	-	-	-	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000556	ENSG0000	XR_938380	105373204	LOC10537	uncharacte	-	-	-	15	17	1.12	0.17
DHsGV100	DHsGV1000240	ENSG0000	NG_042168	146050	ZSCAN29	zinc finger	GO:000635	GO:000098	GO:000563	30	30	1.00	0.00
DHsGV100	DHsGV1000163	ENSG0000	NR_034003	100130298	LOC100130	hCG18163	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000195	ENSG0000	XR_940232	105374796	LOC10537	uncharacte	-	-	-		8		
DHsGV100	DHsGV1000555	-	-	-	-	-	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000572	-	-	-	-	-	-	-	-		3		
DHsGV100	DHsGV1000306	-	-	-	-	-	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000055	-	-	-	-	-	-	-	-		5		
AHsV1000	AHsV10003079	ENSG0000	XM_006716	138311	FAM69B	family with	-	GO:000551	GO:000578	61	39	0.64	-0.64
DHsGV100	DHsGV1000526	-	-	-	-	-	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000565	ENSG0000	NR_038832	100133311	HOXA-AS3	HOXA clus	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000342	ENSG0000	XM_005255	463	ZFH3	zinc finger	GO:000012	GO:000104	GO:0005634 nucleus,G	6			
DHsGV100	DHsGV1000338	ENSG0000	-	-	RP11-244E	-	-	-	-		3		
DHsGV100	DHsGV1000503	ENSG0000	-	100316904	SAP25	Sin3A-assc	GO:000635	-	GO:0005634 nucleus,G	6			
CHsGV100	CHsGV1000134	ENSG0000	XR_929766	2800	GOLGA1	golgin A1	GO:000004	GO:000551	GO:000579	10	26	2.60	1.38
AHsV1000	AHsV10002535	ENSG0000	NM_001080	389072	PLEKHM3	pleckstrin	GO:003555	GO:004687	GO:0005622 intracellu	5			
AHsV1000	AHsV10002899	ENSG0000	-	388795	EFCAB8	EF-hand ca	-	GO:000550	-				
AHsV1000	AHsV10002426	ENSG0000	NM_199344	375035	SFT2D2	SFT2 doma	GO:000815	GO:000367	GO:001602	84	89	1.07	0.09
CHsGV100	CHsGV1000109	ENSG0000	XM_006719	374470	C12orf42	chromosom	-	-	-		6		
H30000168	H300001683	ENSG0000	NM_001198	9296	ATP6V1F	ATPase H+	GO:000687	GO:000551	GO:000582	2751	1768	0.64	-0.64
DHsGV100	DHsGV1000117	-	-	-	-	-	-	-	-	5	8	1.66	0.73
DHsGV100	DHsGV1000215	-	-	-	-	-	-	-	-	7	12	1.75	0.81
DHsGV100	DHsGV1000454	-	NG_012260	10840	ALDH1L1	aldehyde d	GO:000673	GO:000382	GO:000573	44	40	0.90	-0.15
DHsGV100	DHsGV1000334	-	-	-	-	-	-	-	-		3		
DHsGV100	DHsGV1000504	ENSG0000	NG_021399	7536	SF1	splicing fac	GO:000024	GO:000371	GO:000563	57	54	0.94	-0.09
DHsGV100	DHsGV1000545	-	-	-	-	-	-	-	-	11	15	1.34	0.42
DHsGV100	DHsGV1000261	-	-	-	-	-	-	-	-	51	46	0.89	-0.17
AHsV1000	AHsV10001957	ENSG0000	XM_011514	8899	PRPF4B	pre-mRNA	GO:000039	GO:000467	GO:000565	393	380	0.97	-0.05
DHsGV100	DHsGV1000178	-	-	-	-	-	-	-	-	710	651	0.92	-0.13
DHsGV100	DHsGV1000272	-	-	-	-	-	-	-	-	57	62	1.10	0.13
DHsGV100	DHsGV1000424	ENSG0000	XM_011514	7745	ZKSCAN8	zinc finger	GO:000635	GO:000370	GO:0005634 nucleus	4			
DHsGV100	DHsGV1000010	-	NG_007465	1604	CD55	CD55 mole	GO:000688	GO:000161	GO:000013	76	60	0.79	-0.34
DHsGV100	DHsGV1000295	-	-	-	-	-	-	-	-		9		
DHsGV100	DHsGV1000449	ENSG0000	-	-	AP000438.	-	-	-	-		6		
DHsGV100	DHsGV1000381	ENSG0000	NG_023352	1663	DDX11	DEAD/H (A	GO:000613	GO:000369	GO:000079	205	162	0.79	-0.34
DHsGV100	DHsGV1000185	-	XR_950625	105379432	LOC10537	uncharacte	-	-	-	6	13	2.36	1.24
CHsGV100	CHsGV1000203	ENSG0000	NM_002467	4609	MYC	v-myc avia	GO:000012	GO:000097	GO:000563	1189	587	0.49	-1.02

DHsGV100	DHsGV1000122	-	-	-	-	-	-	-	-	57	62	1.10	0.14
DHsGV100	DHsGV1000513	-	-	-	-	-	-	-	-	-	6		
DHsGV100	DHsGV1000086	ENSG0000	NM_001129	100130958	SYCE1L	synaptonemal	GO:000713	-	GO:0000795 synaptonemal	5			
DHsGV100	DHsGV1000201	-	-	-	-	-	-	-	-	237	189	0.80	-0.33
H20001110	H200011106	ENSG0000	NM_207396	388591	RNF207	ring finger 1	GO:001062	GO:000551	GO:004847	26	24	0.92	-0.12
AHsV10000	AHsV10000019	ENSG0000	NM_001319	388325	SCIMP	SLP adaptor	GO:000712	GO:000551	GO:0001772 immunological synapse,GO:00160				
AHsV10000	AHsV10001008	ENSG0000	NM_001207	353355	ZNF233	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634 nucleus				
CHsGV100	CHsGV1000061	ENSG0000	NM_178570	349667	RTN4RL2	reticulon 4	GO:000646	GO:000486	GO:000573	57	57	1.00	-0.01
H20000806	H200008063	ENSG0000	NM_021629	59345	GNB4	guanine nu	GO:000611	GO:000487	GO:000576	92	78	0.85	-0.24
DHsGV100	DHsGV1000205	-	-	-	-	-	-	-	-	11	14	1.28	0.36
DHsGV100	DHsGV1000187	-	-	-	-	-	-	-	-	9	14	1.55	0.63
DHsGV100	DHsGV1000213	ENSG0000	NR_038378	441242	LOC441242	uncharacte	-	-	-		4		
DHsGV100	DHsGV1000325	-	-	-	-	-	-	-	-		3		
DHsGV100	DHsGV1000342	ENSG0000	NM_080725	140809	SRXN1	sulfiredoxin	GO:000697	GO:000552	GO:0005829 cytosol		9		
DHsGV100	DHsGV1000137	ENSG0000	XM_005274	101927789	LOC101927	putative ub	-	-	-		6		
DHsGV100	DHsGV1000245	-	-	-	-	-	-	-	-	51	44	0.87	-0.20
DHsGV100	DHsGV1000085	-	-	-	-	-	-	-	-	121	112	0.92	-0.12
DHsGV100	DHsGV1000326	ENSG0000	NR_033240	100129794	SLC25A21	SLC25A21	-	-	-	40	56	1.40	0.48
DHsGV100	DHsGV1000020	-	-	-	-	-	-	-	-	9	12	1.33	0.42
DHsGV100	DHsGV1000104	ENSG0000	NR_038919	100128993	LOC100128	uncharacte	-	-	-		4		
DHsGV100	DHsGV1000529	ENSG0000	XR_930121	100507103	LOC100507	uncharacte	-	-	-	26	25	0.96	-0.05
DHsGV100	DHsGV1000277	ENSG0000	NG_015986	275	AMT	aminometh	GO:000654	GO:000404	GO:0005739 mitochondr		9		
DHsGV100	DHsGV1000577	ENSG0000	NR_037931	100286979	ANAPC1P1	anaphase p	-	-	-		3		
DHsGV100	DHsGV1000448	-	-	-	-	-	-	-	-	64	55	0.86	-0.22
DHsGV100	DHsGV1000047	ENSG0000	NM_001317	100132813	LOC100132	uncharacte	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000030	ENSG0000	XR_924831	100873988	FGF12-AS	FGF12 anti	-	-	-		5		
DHsGV100	DHsGV1000153	-	-	-	-	-	-	-	-	55	50	0.91	-0.13
DHsGV100	DHsGV1000250	ENSG0000	NM_178012	347733	TUBB2B	tubulin bet	GO:000176	GO:000392	GO:000563	14	18	1.28	0.36
DHsGV100	DHsGV1000273	ENSG0000	XR_941310	100130798	LOC100130	uncharacte	-	-	-		3		
DHsGV100	DHsGV1000346	-	-	-	-	-	-	-	-		6		
DHsGV100	DHsGV1000205	ENSG0000	XM_011545	387787	LIPT2	lipoyl(octar	GO:000910	GO:001641	GO:000575	19	23	1.21	0.28
AHsV10000	AHsV10001178	ENSG0000	NM_001300	387129	NPSR1	neuropepti	GO:000721	GO:000500	GO:0005737 cytoplasm,GO:0005886 plasma m				
H30001163	H300011632	ENSG0000	NM_182616	348110	ARPIN	actin-relat	GO:003033	GO:000551	GO:003002	4	8	2.09	1.06
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	NM_001013	347487	CXorf66	chromosom	-	-	GO:0016021 integral component of membrane				
H30001865	H300018651	ENSG0000	XM_011536	11154	AP4S1	adaptor rel	GO:000689	GO:000521	GO:000590	68	66	0.97	-0.05
DHsGV100	DHsGV1000225	-	-	-	-	-	-	-	-		7		
DHsGV100	DHsGV1000284	ENSG0000	-	-	RP11-795F	-	-	-	-		8		
DHsGV100	DHsGV1000402	-	-	-	-	-	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000425	-	XM_005250	54742	LY6K	lymphocyte	-	-	GO:000557	20	21	1.08	0.11
DHsGV100	DHsGV1000222	ENSG0000	-	10005	ACOT8	acyl-CoA t	GO:000663	GO:000510	GO:0005739 mitochondr		6		
DHsGV100	DHsGV1000085	-	-	-	-	-	-	-	-	10	13	1.28	0.36
AHsV10000	AHsV10003422	ENSG0000	NR_131160	9477	MED20	mediator c	GO:000635	GO:000110	GO:000015	317	321	1.01	0.02
DHsGV100	DHsGV1000540	-	-	-	-	-	-	-	-		8		
AHsV10000	AHsV10001602	ENSG0000	NR_126024	100129603	LOC100129	uncharacte	-	-	-		4		
DHsGV100	DHsGV1000475	ENSG0000	NM_001302	348	APOE	apolipoprot	GO:000030	GO:000154	GO:000557	168	188	1.12	0.17
AHsV10000	AHsV10003371	-	-	-	-	-	-	-	-	32	28	0.85	-0.24
DHsGV100	DHsGV1000378	ENSG0000	NR_109879	101927233	SEMA6A-AS	SEMA6A a	-	-	-	26	29	1.13	0.18
DHsGV100	DHsGV1000473	-	-	-	-	-	-	-	-		5		
DHsGV100	DHsGV1000058	-	-	-	-	-	-	-	-	96	85	0.89	-0.17
DHsGV100	DHsGV1000076	ENSG0000	NM_182705	359845	FAM101B	family with	GO:000183	GO:003100	GO:0005737 cytoplasm,GO:0032432 actin filar				
DHsGV100	DHsGV1000188	-	-	-	-	-	-	-	-	12	17	1.37	0.46
DHsGV100	DHsGV1000200	ENSG0000	XR_939114	102723928	LOC102723	uncharacte	-	-	-	16	31	1.91	0.94
DHsGV100	DHsGV1000008	ENSG0000	NR_110591	101927318	LOC101927	uncharacte	-	-	-	5	11	1.97	0.98
DHsGV100	DHsGV1000509	ENSG0000	NM_001282	100131303	LOC100131	uncharacte	-	-	-	18	20	1.07	0.10
DHsGV100	DHsGV1000125	ENSG0000	NR_049793	100130476	LOC100130	uncharacte	-	-	-				
H20000095	H200000958	ENSG0000	XM_011534	2802	GOLGA3	golgin A3	GO:000689	GO:000521	GO:000013	303	282	0.93	-0.10
AHsV10000	AHsV10002547	ENSG0000	NM_198085	378925	RNF148	ring finger	-	GO:000827	GO:0016021 integral component of membrane				
AHsV10000	AHsV10000362	ENSG0000	XM_011516	375611	SLC26A5	solute carr	GO:000293	GO:000525	GO:0005737 cytoplasm,GO:0005887 integral c				
AHsV10000	AHsV10003136	ENSG0000	XM_011515	346288	42627	septin 14	GO:000704	GO:000551	GO:000573	24	53	2.19	1.13
AHsV10000	AHsV10000435	ENSG0000	NM_001099	344558	SH3RF3	SH3 domai	-	GO:000551	-				
H30000605	H300006054	ENSG0000	XM_011516	79872	CBLL1	Cbl proto-c	GO:000716	GO:000484	GO:000015	98	115	1.18	0.24
H20000503	H200005036	ENSG0000	NM_015431	25893	TRIM58	tripartite m	GO:001656	GO:000827	GO:000562	111	99	0.90	-0.15
H30002215	H300022153	ENSG0000	NR_126566	9622	KLK4	kallikrein re	GO:000650	GO:000425	GO:0005576 extracellu		4		
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_005410	6414	SEPP1	selenoprote	GO:000188	GO:000843	GO:000557	31	35	1.14	0.19
H20000588	H200005881	ENSG0000	XM_011542	4317	MMP8	matrix met	GO:000650	GO:000422	GO:0005576 extracellu		5		
H20001400	H200014003	ENSG0000	NM_001851	1297	COL9A1	collagen ty	GO:000189	GO:003002	GO:000557	11	13	1.22	0.29
H30001481	H300014818	ENSG0000	NM_139202	23209	MLC1	megalencep	GO:000681	GO:000521	GO:0005737 cytoplasm		10		
H20001064	H200010649	-	NM_001290	11027	LILRA2	leukocyte i	GO:000225	GO:000382	GO:0005576 extracellu		14		
H20000137	H200001376	ENSG0000	NM_003812	8745	ADAM23	ADAM met	GO:000650	GO:000422	GO:0005576 extracellu		3		
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_003508	8326	FZD9	frizzled cla	GO:000718	GO:000493	GO:000573	22	27	1.23	0.30
H30001228	H300012289	ENSG0000	NM_004540	4685	ANCAM2	neural cell	GO:000715	-	GO:000588	139	190	1.37	0.45
H20000331	H200003310	-	XM_011520	4040	LRP6	LDL recept	GO:000184	GO:000504	GO:000557	302	275	0.91	-0.13
H30000317	H300003174	ENSG0000	NM_001197	638	BIK	BCL2-inter	GO:000691	GO:000551	GO:001250	36	31	0.86	-0.21
H20000475	H200004752	ENSG0000	NM_001172	26051	PPP1R16B	protein pho	GO:000193	GO:000551	GO:000563	68	175	2.57	1.36
H20000027	H200000270	ENSG0000	XM_011545	9610	RIN1	Ras and Ra	GO:000689	GO:000509	GO:000573	69	68	0.98	-0.03
H20000834	H200008343	ENSG0000	NM_080552	140679	SLC32A1	solute carr	GO:000333	GO:001517	GO:000588	130	127	0.98	-0.03
H20002030	H200020302	ENSG0000	NM_001319	117248	GALNT15	polypeptide	GO:000649	GO:000465	GO:000013	4681	4365	0.93	-0.10
H20000555	H200005551	ENSG0000	XM_011520	57101	ANO2	anoctamin	GO:003422	GO:000522	GO:0005654 nucleopla		3		
H20001136	H200011361	ENSG0000	NR_110309	55808	ST6GALNA	ST6 (alpha	GO:000157	GO:000166	GO:000013	92	136	1.48	0.56
H20000820	H200008207	ENSG0000	NM_001009	23028	KDM1A	lysine deme	GO:000012	GO:000108	GO:000078	800	612	0.77	-0.39
H30000628	H300006285	-	-	-	-	-	-	-	-	7410	6102	0.82	-0.28
H30000117	H300001171	ENSG0000	NM_001172	8228	PNPLA4	patatin like	GO:000815	GO:000367	GO:000557	550	480	0.87	-0.20
DHsGV100	DHsGV1000037	-	-	-	-	-	-	-	-		6		
DHsGV100	DHsGV1000103	-	NM_001172	857	CAV1	caveolin 1	GO:000012	GO:000117	GO:000013	28	27	0.96	-0.06
DHsGV100	DHsGV1000412	ENSG0000	NM_005314	2925	GRPR	gastrin rele	GO:000718	GO:000852	GO:000588	10	14	1.41	0.50
H30002124	H300021244	ENSG0000	NM_001001	7360	UGP2	UDP-gluco	GO:000597	GO:000398	GO:000563	1114	1387	1.25	0.32
H30001978	H300019785	ENSG0000	XM_005251	4799	NFX1	nuclear tra	GO:000012	GO:000097	GO:000563	158	145	0.91	-0.13
H20001984	H200019846	ENSG0000	XM_005266	3146	HMGB1	high mobil	GO:000012	GO:000040	GO:000079	1624	1794	1.10	0.14
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NR_103727	5408	PNLIPRP2	pancreatic	GO:000664	GO:000462	GO:0005576 extracellu		10		

H2000048	H20000486	ENSG0000	NM_001318	3818	KLKB1	kallikrein B	GO:000254	GO:000425	GO:000576	extracellu	3			
H2000044	H20000447	ENSG0000	NM_004291	9607	CARTPT	CART prep	GO:000018	GO:000367	GO:0005615	extracellu	9			
H20000509	H200005092	ENSG0000	NM_002986	6356	CCL11	C-C motif	GO:000193	GO:000551	GO:000557		33	34	1.02	0.03
H20001989	H200019890	ENSG0000	NM_006587	10699	CORIN	corin, serin	GO:000305	GO:000425	GO:000557		10	16	1.59	0.67
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_033171	10317	B3GALT5	Beta-1,3-g	GO:000648	GO:000849	GO:0000139	Golgi men	5			
H30000490	H300004906	ENSG0000	NM_001282	7355	SLC35A2	solute carr	GO:000601	GO:000535	GO:000013		16	18	1.15	0.21
H20000509	H200005094	ENSG0000	XM_011520	6833	ABCC8	ATP bindin	GO:000611	GO:000526	GO:000588		11	19	1.74	0.80
H2000060	H20000601	ENSG0000	XM_011523	3768	KCNJ12	potassium	GO:000681	GO:000524	GO:0005886	plasma m	8			
H20000686	H200006869	ENSG0000	NM_001256	2995	GYPC	glycophorin	-	GO:000551	GO:000588		1171	1153	0.98	-0.02
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_005249	58498	MYL7	myosin ligh	GO:000693	GO:000550	GO:0005829	cytosol,G	9			
H20000408	H200004084	ENSG0000	NM_003013	6423	SFRP2	secreted fr	GO:000156	GO:000196	GO:000561		24	28	1.17	0.23
H20001136	H200011369	ENSG0000	XM_011539	2674	GFR1	GDNF fami	GO:000716	GO:000510	GO:000588		39	44	1.13	0.18
H20001996	H200019968	ENSG0000	NM_181272	113540	CMTM1	CKLF like	GO:000693	GO:000512	GO:0005615	extracellu	5			
H30002043	H300020437	ENSG0000	XM_011543	84866	TMEM25	transmemb	-	GO:000551	GO:000557		20	28	1.44	0.53
H30000522	H300005221	ENSG0000	NM_019074	54567	DLL4	delta-like 4	GO:000012	GO:000511	GO:000588		7	13	2.03	1.02
H20001773	H200017731	ENSG0000	XR_245694	51310	SLC22A17	solute carr	GO:000687	GO:000488	GO:000577		13	20	1.59	0.67
H30001016	H300010163	ENSG0000	-	280661	EIF1AXP1	eukaryotic	-	-	-		3328	2948	0.89	-0.18
H30000258	H300002583	ENSG0000	NM_001278	6391	SDHC	succinate c	GO:000609	GO:000010	GO:000573		1168	843	0.72	-0.47
DHsGV100	DHsGV1000305	-	-	-	-	-	-	-	-		16	20	1.20	0.26
H30002106	H300021065	ENSG0000	XM_011520	6764	ST5	suppressio	GO:004354	GO:001711	-				4	
DHsGV100	DHsGV1000062	-	-	-	-	-	-	-	-		12	18	1.42	0.50
DHsGV100	DHsGV1000031	ENSG0000	NM_001315	5116	PCNT	pericentrin	GO:000008	GO:000551	GO:0000242	pericentri	6			
DHsGV100	DHsGV1000187	-	-	-	-	-	-	-	-		10	15	1.47	0.55
H30000562	H300005627	ENSG0000	NM_001007	347252	IGFBPL1	insulin like	GO:000155	GO:000552	GO:000557		17	20	1.18	0.24
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_032579	84666	RETNLB	resistin like	GO:000828	GO:000367	GO:000557		67	59	0.88	-0.19
H30000633	H300006334	ENSG0000	NM_002169	3442	IFNA5	interferon,	GO:000225	GO:000512	GO:000557		7	13	1.71	0.78
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_006718	2249	FGF4	fibroblast g	GO:000016	GO:000510	GO:0005576	extracellu	6			
H20001623	H200016231	ENSG0000	NM_000186	3075	CFH	complemen	GO:000695	GO:000551	GO:000557		234	519	2.22	1.15
H30000918	H300009186	ENSG0000	NM_201589	389692	MAFA	v-maf aviar	GO:000635	GO:000097	GO:000563		11	17	1.50	0.58
H30002127	H300021273	ENSG0000	XM_011542	10003	NAALAD2	N-acetyl	GO:000650	GO:000418	GO:0005886	plasma m	3			
H20001576	H200015766	ENSG0000	NM_006536	9635	CLCA2	chloride ch	GO:000650	GO:000522	GO:0005576	extracellu	7			
H30001473	H300014739	ENSG0000	NM_005073	6564	SLC15A1	solute carr	GO:000681	GO:000542	GO:0005886	plasma m	4			
H30000731	H300007315	ENSG0000	NM_003042	6529	SLC6A1	solute carr	GO:000681	GO:000532	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005887 in				
H20000043	H200000438	ENSG0000	NM_001099	2687	GGT5	gamma-glu	GO:000650	GO:000384	GO:0005886	plasma m	8			
H20000541	H200005413	ENSG0000	NR_048570	2135	EXTL2	exostosin-	GO:000602	GO:000188	GO:000578		255	258	1.01	0.01
H20001771	H200017715	ENSG0000	XM_011525	84923	FAM104A	family with	-	GO:000551	-		285	279	0.98	-0.03
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_023002	404037	HAPLN4	hyaluronan	GO:000150	GO:000554	GO:000557		12	15	1.23	0.30
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_177551	338442	HCAR2	hydroxycar	GO:000178	GO:007055	GO:000588		6	11	1.72	0.78
H20000342	H200003428	ENSG0000	XM_006720	81537	SGPP1	sphingosine	GO:000666	GO:004239	GO:000578		40	43	1.08	0.11
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_024993	80059	LRRMT4	leucine ric	GO:000646	GO:000486	GO:0005737	cytoplasm	3			
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001122	50614	GALNT9	polypeptide	GO:000649	GO:000465	GO:000013		29	31	1.06	0.08
H30000934	H300009344	ENSG0000	NM_014037	28968	SLC6A16	solute carr	GO:000333	GO:000532	GO:000562		11	17	1.55	0.63
H30000364	H300003642	-	-	-	-	-	-	-	-		14	16	1.15	0.20
H30000942	H300009424	ENSG0000	NM_015444	25907	TMEM158	transmemb	-	GO:004227	GO:001602		84	77	0.92	-0.13
DHsGV100	DHsGV1000450	-	-	-	-	-	-	-	-		37	26	0.69	-0.53
DHsGV100	DHsGV1000235	-	-	-	-	-	-	-	-		23	22	0.95	-0.07
DHsGV100	DHsGV1000282	-	-	-	-	-	-	-	-			5		
DHsGV100	DHsGV1000048	-	-	-	-	-	-	-	-					
DHsGV100	DHsGV1000002	-	-	-	-	-	-	-	-		90	98	1.09	0.12
H30002081	H300020815	ENSG0000	NM_020451	57190	SEPN1	selenoprote	GO:000301	GO:000367	GO:000578		54	50	0.93	-0.10
H20000870	H200008706	ENSG0000	NM_022046	43847	KLK14	kallikrein re	GO:000650	GO:000425	GO:0005615	extracellu	6			
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	-	1	A1BG	alpha-1-B	GO:000815	GO:000367	GO:000557		4	11	2.56	1.36
H30001141	H300011412	ENSG0000	NM_001184	56955	MEPE	matrix extr	GO:000150	GO:000520	GO:0005578	proteinac	7			
H30000284	H300002840	ENSG0000	NM_152443	145226	RDH12	retinol dehy	GO:000152	GO:000474	GO:0005622	intracellul	10			
H30001923	H300019233	ENSG0000	NR_103820	84271	POLDIP3	polymerase	GO:001697	GO:000016	GO:000034		89	81	0.91	-0.13
H20000286	H200002866	ENSG0000	NM_004784	9348	NDST3	N-deacetyl	GO:001501	GO:001501	GO:0000139	Golgi men	5			
H20000741	H200007418	ENSG0000	NM_001282	8809	IL18R1	interleukin	GO:000695	GO:000487	GO:000588		38	140	3.65	1.87
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001293	6336	SCN10A	sodium volt	GO:000202	GO:000524	GO:0001518	voltage-gated sodium channel co				
H20000990	H200009907	ENSG0000	NM_020440	5738	PTGFRN	prostagland	GO:003438	GO:000551	GO:000578		64	78	1.22	0.29
H20000055	H200000552	ENSG0000	NM_156039	1441	CSF3R	colony stim	GO:000695	GO:000487	GO:000557		64	70	1.10	0.14
H20000525	H200005258	ENSG0000	NM_001291	1016	CDH18	cadherin 18	GO:000715	GO:000550	GO:000588		6	13	2.32	1.21
H30000912	H300009124	ENSG0000	NM_002068	2769	GNA15	guanine nu	GO:000720	GO:000166	GO:0005829	cytosol,G	17			
H20001262	H200012621	ENSG0000	NM_139249	245802	MSA46E	membrane	-	-	GO:001602		15	21	1.41	0.50
H30000667	H300006678	ENSG0000	NM_178422	164091	PAQR7	progesterin a	GO:000727	GO:000370	GO:000588		18	18	1.01	0.01
H20000965	H200009657	ENSG0000	XM_005250	64598	MOSPD3	motile sper	GO:000750	-	GO:000578		36	36	1.00	0.00
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XR_930885	59307	SIGIRR	single immu	GO:000196	GO:000551	GO:001602		577	485	0.84	-0.25
H20001821	H200018218	ENSG0000	NM_017417	26290	GALNT8	polypeptide	GO:000649	GO:000465	GO:0000139	Golgi men	5			
H20001154	H200011547	ENSG0000	XM_005245	6006	RHCE	Rh blood gr	GO:000699	GO:000851	GO:000588		749	740	0.99	-0.02
DHsGV100	DHsGV1000287	-	-	-	-	-	-	-	-					
DHsGV100	DHsGV1000459	-	-	-	-	-	-	-	-		50	44	0.89	-0.17
DHsGV100	DHsGV1000387	-	-	-	-	-	-	-	-					
H30001671	H300016718	ENSG0000	XM_005251	7038	TG	thyroglobul	GO:000716	GO:000517	GO:000557		9	14	1.54	0.63
DHsGV100	DHsGV1000386	-	XR_110033	100293612	LOC100293	uncharacte	-	-	-			8		
DHsGV100	DHsGV1000146	ENSG0000	NR_125994	102724312	LOC102724	uncharacte	-	-	-		32	41	1.30	0.38
DHsGV100	DHsGV1000095	-	-	-	-	-	-	-	-		11	15	1.32	0.40
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001183	537	ATP6AP1	ATPase H+	GO:000687	GO:000521	GO:000577		241	321	1.33	0.41
H30001961	H300019618	ENSG0000	XM_005268	9604	RNF14	ring finger	GO:000020	GO:000371	GO:000015		581	553	0.95	-0.07
H30001777	H300017777	ENSG0000	NM_001037	6792	CDKL5	cyclin depe	GO:000176	GO:000467	GO:0005634	nucleus,GO:0005654 nucleoplasm				
H20000865	H200008651	ENSG0000	NM_001289	51529	ANAPC11	anaphase p	GO:000027	GO:000484	GO:000565		4057	3991	0.98	-0.02
H20001195	H200011958	ENSG0000	XM_011524	79018	GID4	GID comple	-	-	-		12	19	1.59	0.67
H20001293	H200012932	ENSG0000	XR_934574	84073	MYCBPAP	MYCBP as	GO:000726	GO:000551	GO:0005737	cytoplasm,GO:0016020 membran				
H20000835	H200008356	ENSG0000	XM_006719	79866	BORA	bora, auror	GO:000008	GO:000551	GO:000582		152	238	1.57	0.65
H20001160	H200011600	ENSG0000	NM_032353	84313	VPS25	vacuolar pr	GO:000635	GO:000519	GO:000081		974	831	0.85	-0.23
H20001869	H200018692	ENSG0000	NM_001308	55337	C19orf66	chromosom	GO:003434	GO:000372	GO:000563		21	25	1.21	0.28
H20001194	H200011948	ENSG0000	NM_001432	2069	EREG	epiregulin	GO:000016	GO:000515	GO:000557		4	16	4.01	2.01
H20000310	H200003103													

H30001860	H300018600	ENSG0000	XM_011524	201294	UNC13D	unc-13 hor	GO:000243	GO:000551	GO:000576	55	52	0.94	-0.09	
H20001289	H200012892	ENSG0000	NM_033670	85417	CCNB3	cyclin B3	GO:000007	GO:000551	GO:000565	nucleoplasm				
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001136	66000	TMEM108	transmemb	GO:000815	GO:000367	GO:000557	16	19	1.13	0.18	
H30001912	H300019122	ENSG0000	NM_021733	60385	TSKS	testis spec	GO:001092	GO:000551	GO:000166	15	18	1.20	0.26	
H20001228	H200012281	ENSG0000	NM_130906	53938	PPIL3	peptidylpro	GO:000039	GO:000375	GO:007101	280	354	1.26	0.34	
H30000162	H300001621	ENSG0000	NM_016059	51645	PPIL1	peptidylpro	GO:000039	GO:000375	GO:007006	650	505	0.78	-0.37	
H20001543	H200015434	ENSG0000	XM_011524	23558	WBP2	WW domain	GO:004518	GO:000097	GO:000079	275	263	0.96	-0.06	
H20000198	H200001986	ENSG0000	NM_001207	23332	CLASP1	cytoplasmic	GO:000008	GO:000216	GO:000077	121	152	1.25	0.33	
H20000541	H200005418	ENSG0000	XM_011519	8789	FBP2	fructose-bi	GO:000597	GO:000551	GO:000563	43	41	0.94	-0.09	
H20000006	H200000068	ENSG0000	NM_000379	7498	XDH	xanthine de	GO:000193	GO:000485	GO:000561	5	6			
H30001949	H300019496	ENSG0000	XM_005254	22801	ITGA11	integrin sub	GO:000164	GO:000551	GO:000588	6	11	1.68	0.75	
H20001914	H200019149	ENSG0000	NM_018676	55901	THSD1	thrombospe	-	-	GO:000557	11	19	1.72	0.78	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001040	51665	ASB1	ankyrin rep	GO:001656	GO:000367	GO:000562	95	56	0.59	-0.77	
H30000442	H300004426	ENSG0000	NM_032020	2519	FUCA2	fucosidase	GO:000600	GO:000456	GO:000561	1103	1106	1.00	0.00	
H20001489	H200014899	ENSG0000	XM_011525	83538	TTC25	tetratricop	-	GO:000551	GO:000573	7	9			
H20001978	H200019783	ENSG0000	XM_011522	85455	DISP2	dispatched	GO:000722	GO:000367	GO:000557	43	50	1.14	0.19	
H20001984	H200019840	ENSG0000	XM_005253	113675	SDSL	serine dehy	GO:000652	GO:000367	GO:000573	47	99	2.11	1.07	
H20001142	H200011423	ENSG0000	NM_032471	5570	PKIB	protein kin	GO:003221	GO:000486	GO:000563	284	321	1.13	0.18	
H20000835	H200008353	ENSG0000	XM_011538	84749	USP30	ubiquitin sp	GO:000042	GO:000419	GO:000573	63	59	0.93	-0.11	
H20001910	H200019108	ENSG0000	NM_001009	170463	SSBP4	single strar	-	GO:000369	GO:000563	460	359	0.78	-0.36	
H20000704	H200007045	ENSG0000	NM_003476	8048	CSRP3	cysteine ar	GO:000197	GO:000551	GO:000563	nucleus,GO:000586	cytoskeleto			
H20000550	H200005504	ENSG0000	NM_018664	55509	BATF3	basic leucir	GO:000012	GO:000097	GO:000563	19	35	1.80	0.85	
H20001961	H200019614	ENSG0000	NR_029375	84292	WDR83	WD repeat	GO:000016	GO:000551	GO:000568	26	38	1.49	0.57	
H30000930	H300009303	ENSG0000	NM_001319	2978	GUCA1A	guanylate d	GO:000716	GO:000550	GO:000191	20	26	1.32	0.40	
H20001602	H200016028	ENSG0000	NM_004465	2255	FGF10	fibroblast g	GO:000013	GO:000510	GO:000557	7	13	1.90	0.92	
H20001154	H200011546	ENSG0000	NM_053053	117143	TADA1	transcriptic	GO:000632	GO:000371	GO:000565	381	321	0.84	-0.25	
H20001561	H200015615	ENSG0000	NM_021243	58527	ABRACL	ABRA C-te	-	-	-	85	120	1.40	0.49	
H20001972	H200019727	ENSG0000	XM_011534	91937	TIMD4	T-cell imm	-	-	GO:001602	581	526	0.91	-0.14	
H30002015	H300020158	ENSG0000	XM_011523	57610	RANBP10	RAN bindin	-	-	GO:000563	6	12	1.91	0.94	
H20001297	H200012977	ENSG0000	XM_011536	57096	RPGRIP1	retinitis pig	GO:000760	GO:000551	GO:000593	10	17	1.69	0.76	
opHsV0400	opHsV0400009	ENSG0000	NM_016486	51249	TMEM69	transmemb	-	-	GO:001602	1031	848	0.82	-0.28	
H20000746	H200007469	ENSG0000	XM_011542	50937	CDON	cell adhesio	GO:000170	GO:000551	GO:000586	plasma m	4			
H30001453	H300014534	ENSG0000	-	22884	WDR37	WD repeat	-	-	-	76	63	0.84	-0.26	
H30002110	H300021101	ENSG0000	NM_005094	10999	SLC27A4	solute carr	GO:000157	GO:000016	GO:000578	50	39	0.79	-0.35	
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_021109	7114	TMSB4X	thymosin b	GO:000257	GO:000378	GO:000557	17534	19573	1.12	0.16	
H20000511	H200005110	ENSG0000	NM_005420	6783	SULT1E1	sulfotransfe	GO:000680	GO:000430	GO:000582	32	35	1.11	0.15	
H30000309	H300003094	ENSG0000	NM_001190	10552	ARPC1A	actin relate	GO:000726	GO:000377	GO:000582	968	1221	1.26	0.33	
H20000370	H200003705	ENSG0000	NM_001206	11186	RASSF1	Ras associ	GO:000697	GO:000551	GO:000092	156	213	1.36	0.45	
H30001846	H300018461	ENSG0000	NM_001184	89801	PPP1R3F	protein pho	GO:000597	GO:001990	GO:001602	14	18	1.30	0.38	
H20001891	H200018910	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	
H20001745	H200017450	ENSG0000	XM_005266	51082	POLR1D	polymerase	GO:000636	GO:000105	GO:000565	191	182	0.95	-0.07	
H30001857	H300018573	ENSG0000	NM_023068	6614	SIGLEC1	sialic acid b	GO:000689	GO:003024	GO:000557	292	227	0.78	-0.36	
H20001280	H200012804	ENSG0000	XM_011541	58511	DNASE2B	deoxyribon	GO:000625	GO:000453	GO:000576	extracellu	4			
H20001765	H200017654	ENSG0000	NM_016097	51124	IER3IP1	immediate	GO:200026	-	GO:000578	611	822	1.35	0.43	
H20000078	H200000782	ENSG0000	XM_006721	201266	SLC39A11	solute carr	GO:007157	GO:000538	GO:000563	89	117	1.32	0.40	
H20001459	H200014593	ENSG0000	XM_011524	96597	TBC1D27	TBC1 doma	-	-	-	4	8	1.94	0.96	
H20000434	H200004340	ENSG0000	NM_020386	57110	HRASL5	HRAS like	GO:001604	GO:001674	GO:001602	36	26	0.72	-0.47	
H20001579	H200015799	ENSG0000	NM_001109	50945	TBX22	T-box 22	GO:000012	GO:000367	GO:000563	nucleus	3			
H20000962	H200009624	ENSG0000	XM_011523	64282	PAPD5	PAP assoc	GO:000636	GO:000367	GO:000557	172	135	0.78	-0.35	
H20000777	H200007779	ENSG0000	NM_004386	1463	NCAN	neurocan	GO:000150	GO:000550	GO:000557	11	18	1.57	0.65	
H20000788	H200007889	ENSG0000	NM_004334	683	BST1	bone marro	GO:000695	GO:000395	GO:000588	23	26	1.10	0.13	
H20001935	H200019353	ENSG0000	NM_031275	56158	TEX12	testis expr	GO:000071	-	GO:000080	9	13	1.41	0.50	
H20001288	H200012887	ENSG0000	NM_031955	83893	SPATA16	spermatoge	GO:000727	-	GO:000579	4				
H20001708	H200017088	ENSG0000	NM_001318	84874	ZNF514	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	81	86	1.06	0.08	
H20001783	H200017830	ENSG0000	NM_019855	56344	CABP5	calcium bin	GO:000716	GO:000550	GO:000582	9	14	1.50	0.59	
H20001548	H200015484	ENSG0000	NM_018396	55798	METTL2B	methyltrans	GO:003048	GO:001642	-	1105	871	0.79	-0.34	
H20001763	H200017638	ENSG0000	NM_013347	29935	RPA4	replication	GO:000007	GO:000369	GO:000563	6	14	2.56	1.36	
H20001285	H200012851	ENSG0000	NM_014471	27290	SPINK4	serine pept	GO:001095	GO:000486	GO:000557	9	14	1.50	0.58	
H30001944	H300019445	ENSG0000	XM_011521	10518	CIB2	calcium an	GO:000720	GO:000028	GO:000175	74	63	0.85	-0.24	
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_005479	10023	FRAT1	frequently	GO:000057	-	GO:000582	27	35	1.28	0.36	
H30001317	H300013172	ENSG0000	NM_005612	5978	REST	RE1 silenci	GO:000012	GO:000104	GO:000078	83	80	0.96	-0.05	
H20001424	H200014240	ENSG0000	NM_002856	5819	NECTIN2	nectin cell	GO:000167	GO:000161	GO:000588	141	140	0.99	-0.02	
H30000336	H300003366	ENSG0000	NM_001001	415117	STX19	syntaxin 19	GO:000688	GO:000014	GO:000588	16	23	1.47	0.56	
H30000865	H300008656	ENSG0000	NM_175607	152330	CNTN4	contactin 4	GO:000715	-	GO:000557	7	10	1.55	0.63	
H30000239	H300002390	ENSG0000	NM_017419	51802	ASIC5	acid sensin	GO:001599	GO:001525	GO:000586	plasma m	8			
H20000404	H200004049	ENSG0000	XM_005245	55092	TMEM51	transmemb	GO:000815	GO:000367	GO:000575	cellular co	6			
H20001349	H200013496	ENSG0000	NM_052933	114960	TSGA13	testis spec	GO:190395	-	-	3				
H20001053	H200010534	ENSG0000	XM_011545	54843	SYTL2	synaptotag	GO:000688	GO:000178	GO:000573	cytoplasm,GO:000586	plasma m			
H30001975	H300019752	ENSG0000	NM_001193	51548	SIRT6	sirtuin 6	GO:000072	GO:000368	GO:000563	15	21	1.38	0.47	
H20001807	H200018072	ENSG0000	NM_001318	116835	HSPA12B	heat shock	-	GO:000551	-	shock	30	32	1.09	0.13
H20001762	H200017623	ENSG0000	NM_032301	84261	FBXW9	F-box and	-	GO:000551	-	112	104	0.93	-0.11	
H20000256	H200002562	-	XM_005255	84662	GLIS2	GLIS family	GO:000012	GO:000107	GO:000563	65	59	0.91	-0.13	
H20001402	H200014023	ENSG0000	NM_001304	55321	TMEM74B	transmemb	-	-	GO:001602	172	118	0.69	-0.54	
H20000421	H200004216	ENSG0000	NM_001282	84898	PLXDC2	plexin doma	-	GO:000551	GO:001602	integral c	7			
H20000831	H200008319	ENSG0000	NM_001167	79886	CAAP1	caspase ac	GO:000691	-	-	221	217	0.98	-0.02	
H30002013	H300020139	ENSG0000	XM_011521	176	ACAN	aggrecan	GO:000150	GO:000520	GO:000557	10	12	1.18	0.24	
H20001234	H200012348	ENSG0000	XM_011515	135892	TRIM50	tripartite m	GO:000815	GO:000827	GO:000573	47	43	0.92	-0.12	
H20002130	H200021306	ENSG0000	XR_945598	118924	FRA10AC1	fragile site,	-	GO:000551	GO:000563	279	375	1.34	0.42	
H20000098	H200000985	ENSG0000	XM_005245	51093	RRNAD1	ribosomal F	GO:003116	GO:000017	GO:001602	136	135	1.00	-0.01	
H20000139	H200001393	ENSG0000	NM_015953	51070	NOSIP	nitric oxide	GO:004308	GO:000551	GO:000013	921	773	0.84	-0.25	
H20001048	H200010480	ENSG0000	NM_018358	55324	ABCF3	ATP bindin	GO:000815	GO:000551	GO:001602	334	259	0.78	-0.36	
H20001299	H200012992	ENSG0000	NM_001168	54940	OCLAD1	OCLAD doma	-	GO:000551	GO:000573	1287	1393	1.08	0.11	
H20000875	H200008753	ENSG0000	XR_944518	26259	FBXW8	F-box and	GO:000703	GO:000484	GO:000573	12	19	1.61	0.69	
H20001127	H200011271	ENSG0000												

H20001549	H200015499	-	XM_011542	55823	VPS11	VPS11, CO	GO:000688	GO:000016	GO:000576	223	199	0.89	-0.16
H30000377	H300003778	-	NR_026864	124221	PRSS30P	protease, s	-	-	-	8	14	1.88	0.91
H30000827	H300008278	ENSG0000	XM_011544	219982	OR5A1	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021 in			
H30000516	H300005160	ENSG0000	NM_001005	219858	OR8B12	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:000588	47	47	1.00	-0.01
H30001570	H300015701	ENSG0000	NM_001807	1056	CEL	carboxyl es	GO:000662	GO:000382	GO:000557	31	37	1.20	0.26
H30000327	H300003274	ENSG0000	XM_011518	23099	ZBTB43	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	108	156	1.45	0.54
H30001989	H300019899	ENSG0000	NM_024996	85476	GFM1	G elongatio	GO:000699	GO:000374	GO:000573	448	359	0.80	-0.32
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_174897	128859	BPIFB6	BPI fold co	-	GO:000828	GO:000557	24	26	1.08	0.11
H30000425	H300004252	ENSG0000	NM_052906	114794	ELFN2	extracellula	GO:001092	GO:000486	GO:000561	26	26	1.00	0.00
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NR_045573	51477	ISYNA1	inositol-3-	GO:000602	GO:000451	GO:000582	245	199	0.82	-0.30
H30001874	H300018741	ENSG0000	NM_001288	84167	C19orf44	chromosom	-	GO:000551	-	9	14	1.49	0.58
H30001004	H300010045	ENSG0000	NM_138814	150379	PNPLA5	patatin like	GO:001604	GO:001678	-	25	25	0.97	-0.05
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001003	51537	MTFP1	mitochondr	GO:000026	-	GO:000574	271	205	0.76	-0.40
H30000271	H300002710	ENSG0000	XM_011539	9671	WSCD2	WSC doma	-	-	GO:0016021	integral c	9		
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_031894	53940	FTHL17	ferritin, hea	GO:000682	GO:000819	GO:000562	1086	1369	1.26	0.33
H30000732	H300007324	ENSG0000	XM_011522	9101	USP8	ubiquitin sp	GO:000028	GO:000419	GO:0001669	acrosoma	5		
H30001912	H300019129	ENSG0000	XM_011520	171017	ZNF384	zinc finger	GO:000635	GO:001712	GO:000563	27	38	1.41	0.49
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_004609	6939	TCF15	transcriptio	GO:000175	GO:000367	GO:000563	10	15	1.47	0.56
H30001901	H300019014	ENSG0000	NM_001042	51123	ZNF706	zinc finger	GO:000641	GO:004687	GO:000563	2251	1740	0.77	-0.37
H30000038	H300000382	ENSG0000	XM_011539	159296	NKX2-3	NK2 homed	GO:000177	GO:000367	GO:0005575	cellular cd	13		
H30001170	H300011703	ENSG0000	NM_004134	3313	HSPA9	heat shock	GO:000645	GO:000551	GO:000573	1657	1780	1.07	0.10
H30000114	H300001146	ENSG0000	NM_001016	6206	RPS12	ribosomal p	GO:000018	GO:000373	GO:000582	28882	21330	0.74	-0.44
H20001230	H200012300	ENSG0000	NR_001541	83863	TTY5	testis-spec	-	-	-				
H20001135	H200011352	ENSG0000	XM_011515	221937	FOXK1	forkhead bd	GO:000635	GO:000097	GO:000563	38	32	0.84	-0.25
H20001093	H200010938	ENSG0000	NM_001146	89886	SLAMF9	SLAM fami	-	-	GO:001602	8	11	1.48	0.56
H20000222	H200002221	ENSG0000	NM_152268	25973	PARS2	proyl-tRNA	GO:000641	GO:000482	GO:000575	90	76	0.84	-0.25
H20000426	H200004261	ENSG0000	NM_016940	10069	RWD2B	RWD doma	GO:000815	GO:000367	GO:000557	455	393	0.86	-0.21
H30000426	H300004269	ENSG0000	NM_014565	8383	OR1A1	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021 in			
H30000868	H300008681	ENSG0000	NM_012182	27023	FOXB1	forkhead bd	GO:000165	GO:000098	GO:000563	5	13	2.46	1.30
H30000959	H300009595	ENSG0000	NM_001005	441639	OR9K2	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021 in			
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	NM_194296	202051	SPATA24	spermatoge	GO:000635	GO:000367	GO:000563	42	33	0.80	-0.32
H30000531	H300005319	ENSG0000	-	140863	SPINT5P	serine pept	-	-	-				
H30000954	H300009543	-	NM_001304	56244	BTNL2	butyrophilir	-	-	GO:0016021	integral c	6		
H30000524	H300005242	ENSG0000	NM_181716	201161	CENPV	centromere	GO:000166	GO:000367	GO:000077	581	622	1.07	0.10
H30000283	H300002839	ENSG0000	-	79283	OR5P1P	olfactory re	-	-	-	8	14	1.89	0.92
H30001969	H300019690	ENSG0000	XM_006721	54758	KLHDC4	kelch doma	-	GO:000551	-	139	118	0.85	-0.23
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_003758	8669	EIF3J	eukaryotic	GO:000173	GO:000374	GO:000582	2443	1982	0.81	-0.30
H30000691	H300006915	-	NM_022551	6222	RPS18	ribosomal p	GO:000018	GO:000373	GO:000563	52292	34266	0.66	-0.61
H30001872	H300018727	-	NM_003890	8857	FCGBP	Fc fragmen	-	GO:000551	GO:0070062	extracellu	6		
H30000056	H300000566	ENSG0000	NM_002536	4943	TBC1D25	TBC1 doma	GO:000691	GO:000509	GO:0005776	autophago	8		
H30001022	H300010227	ENSG0000	NR_002193	159162	RBMY2FP	RNA bindin	-	-	-				
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_017712	54858	PGPEP1	pyroglutam	GO:000650	GO:000823	GO:000582	86	71	0.83	-0.27
H30000018	H300000188	ENSG0000	NM_032681	84767	TRIM51	tripartite m	-	GO:000827	GO:0005622	intracellu	4		
H30001964	H300019644	ENSG0000	XM_011514	23408	SIRT5	sirtuin 5	GO:000634	GO:000395	GO:000563	141	170	1.20	0.26
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_006717	79695	GALNT12	polypeptide	GO:000649	GO:000465	GO:000013	494	493	1.00	-0.01
H30000957	H300009571	ENSG0000	NM_001292	346007	EYS	eyes shut	GO:004340	GO:000367	GO:0070062	extracellular exosome			
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_011538	64426	SUDS3	SDS3 hom	GO:000012	GO:000440	GO:000563	100	127	1.28	0.35
H30001884	H300018841	ENSG0000	XM_011538	57460	PPM1H	protein pho	GO:000647	GO:000472	GO:000563	6	25	4.11	2.04
H20000444	H200004445	ENSG0000	NR_024084	79685	SAP30L	SAP30-like	GO:000632	GO:000367	GO:000563	310	349	1.13	0.17
H20000415	H200004151	ENSG0000	NM_018241	55751	TMEM184C	transmemb	GO:000681	GO:000521	GO:001602	44	49	1.11	0.16
H20000263	H200002638	ENSG0000	NM_001142	117283	IP6K3	inositol hex	GO:000646	GO:000083	GO:000563	5	13	2.69	1.43
H30001897	H300018972	ENSG0000	NM_032013	57446	NDRG3	NDRG fami	GO:000716	GO:000367	GO:000573	85	102	1.20	0.26
H20001991	H200019911	ENSG0000	NM_138410	112616	CMTM7	CKLF like	GO:000233	GO:000512	GO:000561	26	18	0.69	-0.53
H30000082	H300000823	ENSG0000	XM_011539	282973	JAKMIP3	Janus kinas	-	GO:000801	GO:0005794	Golgi apparatus			
H30000860	H300008603	ENSG0000	-	100129566	SNRPCP2	small nucle	-	-	-	1051	666	0.63	-0.66
H30000488	H300004883	ENSG0000	NM_145304	202865	C7orf33	chromosom	-	-	-		11		
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_011516	23414	ZFPM2	zinc finger	GO:000012	GO:000107	GO:000563	11	12	1.07	0.10
H30001531	H300015313	ENSG0000	XR_934540	7266	DNAJC7	DnaJ heat	GO:000645	GO:000551	GO:000565	559	780	1.39	0.48
H30000147	H300001474	-	XM_011522	105371045	LOC10537	uncharacte	-	-	-	7	10	1.48	0.57
H30000818	H300008184	ENSG0000	NM_144602	123970	C16orf78	chromosom	-	-	GO:0005634	nucleus	6		
opHsV0400	opHsV0400000	-	NM_001288	3429	IFI27	interferon,	GO:000012	GO:000110	GO:000563	10	20	2.09	1.06
H30002171	H300021716	ENSG0000	XM_011523	9013	TAF1C	TATA-box	GO:000018	GO:000116	GO:000012	199	225	1.13	0.18
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_006719	54602	NDFIP2	Nedd4 fami	GO:000703	GO:000487	GO:000013	722	727	1.01	0.01
H30001439	H300014398	ENSG0000	NM_006773	8886	DDX18	DEAD-box	GO:001050	GO:000400	GO:000573	1090	721	0.66	-0.60
H30001848	H300018480	ENSG0000	XM_005273	23259	DDHD2	DDHD dom	GO:000664	GO:001678	GO:000573	247	260	1.05	0.08
H30001218	H300012188	ENSG0000	XM_005257	7703	PCGF2	polycomb g	GO:000012	GO:000367	GO:000079	268	292	1.09	0.12
H30001715	H300017153	ENSG0000	NM_020812	57572	DOCK6	dedicator o	GO:000726	GO:000508	GO:000573	29	34	1.15	0.20
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XR_243572	9513	FXR2	FMR1 auto	GO:000223	GO:000372	GO:000563	40	55	1.37	0.45
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	-	128580	RPS4XP3	ribosomal p	-	-	-	8321	6741	0.81	-0.30
H30000900	H300009009	ENSG0000	-	7300	TYRL	tyrosinase-	-	-	-		3		
H30001895	H300018950	ENSG0000	XM_006710	79947	DHDDS	dehydrodol	GO:000648	GO:000209	GO:000578	70	63	0.90	-0.16
H30000202	H300002021	ENSG0000	NM_198582	377007	KLHL30	kelch like f	GO:001656	GO:000484	GO:0031463	Cul3-RIN	9		
H30000119	H300001192	ENSG0000	NM_001029	120237	DBX1	developing	GO:000635	GO:004356	GO:000563	81	74	0.92	-0.12
H30001992	H300019923	ENSG0000	XM_011524	2145	EZH1	enhancer o	GO:000635	GO:000368	GO:000565	58	56	0.97	-0.04
H20000262	H200002622	ENSG0000	NR_073090	64769	MEAF6	MYST/Esa	GO:000632	GO:000551	GO:000565	516	605	1.17	0.23
H20002099	H200020992	ENSG0000	NM_138815	151871	DPPA2	developme	GO:000635	GO:000368	GO:000563	101	67	0.66	-0.61
H20000708	H200007089	ENSG0000	NM_032343	84303	CHCHD6	coiled-coil	GO:000697	GO:000551	GO:000573	76	78	1.02	0.03
H20002118	H200021189	ENSG0000	NR_110122	92822	ZNF276	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	109	90	0.83	-0.27
H20002104	H200021045	ENSG0000	NM_001306	152485	ZNF827	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus			
H30000524	H300005244	ENSG0000	XM_011538	643246	MAP1LC3B	microtubule	GO:000004	GO:000801	GO:000042	1251	1317	1.05	0.07
H30000092	H300000924	ENSG0000	NM_152262	90594	ZNF439	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	23	35	1.57	0.65
H30002125	H300021254	ENSG0000	XR_950783	283899	INO80E	INO80 com	GO:000626	GO:000551	GO:000563	75	70	0.94	-0.10
H30000411	H300004113	ENSG0000	NR_135169	126669	SHE	Src homolo	-	GO:000551	-				
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001080	729359	PLIN4	perilipin 4	-	-	GO:0005737	cytoplasm	6		
H30001728	H30001												

opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_011516	6561	SLC13A1	solute carr	GO:000827	GO:001538	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005887 in				
H30000374	H300003743	-	NR_003613	5379	PMS2P1	PMS1 hom	GO:000629	GO:000369	GO:003238	281	303	1.08	0.11	
H30001200	H300012004	ENSG0000	NM_005565	3937	LCP2	lymphocyte	GO:000695	GO:000551	GO:0005829	cytosol,G	14			
H30001916	H300019163	ENSG0000	XM_011516	6608	SMO	smoothene	GO:000012	GO:000493	GO:000579	6	13	2.41	1.27	
H30000152	H300001524	ENSG0000	XM_005269	84190	METTL25	methyltran	GO:003225	GO:000816	-	19	23	1.19	0.26	
H30001012	H300010120	ENSG0000	NM_019897	56656	OR2S2	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:000588	13	14	1.12	0.16	
H30000090	H300000908	ENSG0000	NR_028049	130916	MTERF4	mitochondr	GO:000635	GO:000369	GO:000573	86	84	0.98	-0.02	
H30002114	H300021148	ENSG0000	NM_001031	112812	FDX1L	ferredoxin	GO:000670	GO:000551	GO:000575	206	176	0.85	-0.23	
H30001997	H300019971	ENSG0000	XM_005265	80315	CPEB4	cytoplasmic	GO:000293	GO:000016	GO:000563	52	58	1.10	0.14	
H30002006	H300020061	ENSG0000	XM_005269	54619	CCNJ	cyclin J	-	-	GO:000563	22	32	1.42	0.51	
H30001090	H300010903	ENSG0000	XM_011516	6878	TAF6	TATA-box	GO:000635	GO:000367	GO:000563	50	52	1.04	0.06	
H20001690	H200016907	ENSG0000	NM_018655	55891	LENEP	lens epithe	GO:000727	GO:000367	-	-	13			
H20000133	H200001333	ENSG0000	NM_024534	100288413	ERVMER34	endogenou	-	-	GO:0016021	integral component of membrane				
H20000822	H200008225	ENSG0000	NM_020184	26504	CNNM4	cyclin and	GO:000760	GO:001508	GO:001602	40	50	1.23	0.30	
H20000754	H200007542	ENSG0000	NM_173490	134285	TMEM171	transmemb	-	GO:000551	GO:001602	73	68	0.93	-0.11	
H20001003	H200010039	ENSG0000	NR_028402	57325	CSRP2BP	CSRP2 bin	GO:000008	GO:000440	GO:000563	64	91	1.42	0.50	
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_006710	5792	PTPRF	protein tyr	GO:000715	GO:000472	GO:0005887	integral c	6			
H30001946	H300019460	ENSG0000	XM_011518	4957	ODF2	outer dens	GO:000008	GO:000519	GO:000092	211	244	1.15	0.21	
H30001941	H300019419	ENSG0000	NM_001185	3431	SP110	SP110 nuc	GO:000635	GO:000367	GO:000563	68	84	1.23	0.30	
H30001964	H300019649	ENSG0000	NM_020232	56984	PSMG2	proteasome	GO:000709	GO:000551	GO:000563	1097	931	0.85	-0.24	
H30001993	H300019932	ENSG0000	NM_032279	84239	ATP13A4	ATPase 13	GO:000687	GO:000552	GO:0005789	endoplasmic reticulum membrane				
H30000237	H300002370	ENSG0000	NM_001001	135941	OR2A14	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:000588	11	11	1.08	0.11	
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_011523	388335	TMEM220	transmemb	-	-	GO:0016021	integral component of membrane				
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001004	391191	OR2AK2	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021 in				
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_181624	337963	KRTAP23-	keratin ass	-	GO:000551	GO:000588	34	30	0.89	-0.17	
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	100128834	CLK3P2	CDC-like k	-	-	-	4	8	1.84	0.88	
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	-	RP11-26H	-	-	-	-	3307	3898	1.18	0.24	
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_011534	644994	SMIM23	small integr	-	-	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021 in				
H30000819	H300008192	ENSG0000	NM_130848	140947	DCANP1	dendritic c	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus,GO:0005737 cytoplasm				
H30001650	H300016500	-	-	-	-	-	-	-	-	6				
H30000668	H300006681	ENSG0000	XM_005272	9719	ADAMTSL2	ADAMTS li	GO:000650	GO:000422	GO:0005578	proteinac	3			
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_011543	347411	MPC1L	mitochondr	GO:000685	-	GO:0005743	mitochondrial inner membrane,GO				
opHsV0400	opHsV0400003	-	NM_181429	353164	TAS2R42	taste 2 rec	GO:000158	GO:003303	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021 in				
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	-	106478982	TUBB8P2	tubulin beta	-	-	-	4				
H30000638	H300006385	ENSG0000	NM_133498	171169	SPACA4	sperm acro	GO:000715	-	GO:000166	21	21	0.99	-0.02	
H30000400	H300004001	ENSG0000	NR_034094	100129827	MRV11-AS	MRV11 anti	-	-	-					
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	-	100129736	CDV3P1	CDV3 pseu	-	-	-	190	208	1.09	0.13	
H30000422	H300004222	-	NM_001012	339344	MYPOP	Myb-relate	GO:000012	GO:000097	GO:000563	17	24	1.36	0.44	
H30000973	H300009734	-	-	-	-	-	-	-	-	110	131	1.19	0.25	
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_001024	25855	BRMS1	breast can	GO:000012	GO:000440	GO:000563	241	226	0.94	-0.09	
H30000644	H300006449	ENSG0000	-	-	RP11-430L	-	-	-	-	682	672	0.98	-0.02	
H30000068	H300000681	ENSG0000	XM_011522	79834	PEAK1	pseudopod	GO:001647	GO:000471	GO:000565	53	55	1.04	0.06	
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001114	597	BCL2A1	BCL2 relat	GO:000183	GO:000551	GO:0005741	mitochondrial outer membrane				
H30001938	H300019384	ENSG0000	XM_011521	337867	UBAC2	UBA domai	GO:007097	GO:000551	GO:000578	158	166	1.05	0.07	
H30001934	H300019346	ENSG0000	XM_005253	9645	MICAL2	microtubule	GO:000194	GO:000377	GO:000563	9	26	3.02	1.59	
H30001987	H300019876	ENSG0000	NM_024103	79085	SLC25A23	solute carr	GO:000208	GO:000373	GO:000574	187	133	0.71	-0.49	
opHsV0400	opHsV0400006	-	NM_032955	199	AIF1	allograft inf	GO:000177	GO:000367	GO:000189	90	254	2.82	1.49	
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XM_011535	389421	LIN28B	lin-28 hom	GO:000635	GO:000367	GO:000573	242	283	1.17	0.22	
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_011513	57501	KIAA1257	KIAA1257	-	-	-	13	18	1.41	0.49	
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_181615	337975	KRTAP20-	keratin ass	-	-	GO:000588	45	53	1.18	0.24	
opHsV0400	opHsV0400003	-	-	-	-	-	-	-	-					
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NG_007311	152302	CIDECP	cell death-	-	-	-	58	70	1.21	0.27	
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001012	503582	ARGFX	arginine-fff	GO:000635	GO:004356	GO:0005634	nucleus				
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_007341	6450	SH3BGR	SH3 domai	GO:000646	GO:000507	GO:000582	67	87	1.30	0.38	
opHsV0400	opHsV0400002	-	-	-	-	-	-	-	-					
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001145	389761	SPATA31D	SPATA31 s	GO:000728	-	GO:0016021	integral component of membrane				
H30000942	H300009427	ENSG0000	NM_001172	441509	GLRA4	glycine rec	GO:000721	GO:001659	GO:000588	34	43	1.23	0.30	
H30000144	H300001442	ENSG0000	-	7116	TMSB4XP2	thymosin b	-	-	-	7349	13092	1.78	0.83	
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	-	-	RP11-119H	-	-	-	-	110	68	0.62	-0.70	
H30000294	H300002945	ENSG0000	NM_198270	4810	NHS	NHS actin	GO:000208	-	GO:0005737	cytoplasm	10			
H30000788	H300007881	ENSG0000	NM_001005	119695	OR52R1	olfactory re	GO:000716	GO:000493	GO:000588	67	57	0.85	-0.23	
H30000194	H300001946	ENSG0000	NR_044994	119437	CTAGE7P	CTAGE fan	-	-	-	5				
H30000301	H300003012	ENSG0000	NM_198722	386724	AMIGO3	adhesion m	GO:000715	-	GO:001602	5	11	2.11	1.08	
H30000752	H300007522	ENSG0000	NM_153836	200407	CREG2	cellular rep	GO:005511	GO:001018	GO:000557	18	18	0.96	-0.06	
H30002110	H300021107	ENSG0000	NR_130967	124152	IQCK	IQ motif co	-	-	-	4				
H30000084	H300000843	ENSG0000	XM_011517	158038	LINGO2	leucine ric	GO:000740	-	GO:0016021	integral c	7			
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	-	-	RP11-223J	-	-	-	-	10				
H30000381	H300003813	-	XR_928346	642475	MROH6	maestro he	-	-	-	72	60	0.83	-0.26	
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_031370	3184	HNRNPD	heterogene	GO:000039	GO:000016	GO:000563	5765	5665	0.98	-0.03	
H30001920	H300019206	ENSG0000	XM_006711	93611	FBXO44	F-box prot	-	GO:000551	GO:001900	21	24	1.14	0.19	
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XM_006721	246176	GAS2L2	growth arre	GO:000157	GO:000801	GO:0001725	stress fib	10			
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_206914	25895	METTL21B	methyltran	GO:003225	GO:000816	GO:000562	41	50	1.24	0.31	
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_011525	59342	SCPEP1	serine carb	GO:004257	GO:000418	GO:000582	63	54	0.86	-0.22	
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_011518	389827	TMEM8C	transmemb	GO:000751	-	GO:0005886	plasma m	7			
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	NM_001098	342977	NANOS3	nanos hom	GO:000641	GO:000372	GO:000093	18	21	1.15	0.20	
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_011524	25794	FSCN2	fascin activ	GO:000760	GO:000377	GO:0005737	cytoplasm,GO:0015629 actin cyt				
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	-	RP11-266I	-	-	-	-					
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_011537	121006	FAM186A	family with	-	-	-					
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_005252	79896	THNSL1	threonine s	GO:000815	GO:000367	GO:000557	115	111	0.97	-0.05	
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_011519	441549	CDNF	cerebral do	-	GO:000808	GO:000557	28	27	0.93	-0.10	
H30000791	H300007913	ENSG0000	NM_152599	162387	MFSD6L	major facili	-	-	GO:0016021	integral c	4			
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	654433	PAX8-AS1	PAX8 antis	-	-	-	22	28	1.28	0.35	
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001161	401387	LRRD1	leucine-ric	GO:000716	-	-					
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_032287	84247	LDOC1L	leucine zip	-	-	-	8	20	2.44	1.29	
opHsV0400	opHsV0400003	-	-	-	-	-	-	-	-					
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_139175	168433	RNF133	ring finger	GO:005186	GO:000827	GO:0005789	end				

opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_011545	374403	TBC1D10C	TBC1 doma	GO:004214	GO:000509	GO:000562	27	28	1.05	0.07	
H30000990	H300009903	ENSG0000	NM_147193	148979	GLIS1	GLIS family	GO:000012	GO:000097	GO:000563	15	15	1.02	0.03	
H30000049	H300000494	ENSG0000	NM_001272	283951	C16orf91	chromosom	-	-	GO:001602	1149	665	0.58	-0.79	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_153376	257236	CCDC96	coiled-coil	-	-	GO:0005737	cytoplasm	11			
H30000195	H300001955	ENSG0000	-	-	AP000593.	-	-	-	-	49	39	0.79	-0.34	
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_005248	255488	RNF144B	ring finger	GO:000020	GO:000484	GO:000015	401	304	0.76	-0.40	
H30001925	H300019254	ENSG0000	NR_102308	59285	CACNG6	calcium vol	GO:000681	GO:000524	GO:000588	37	33	0.89	-0.17	
H30001846	H300018468	ENSG0000	NM_003180	6861	SYT5	synaptotag	GO:000611	GO:000550	GO:001602	17	21	1.21	0.27	
H30001900	H300019001	ENSG0000	NM_021732	60370	AVPI1	arginine va	GO:000018	GO:000551	-	60	66	1.10	0.14	
H30001895	H300018958	ENSG0000	XM_006719	55259	CASC1	cancer sus	-	-	-	-	-	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	-	-	RP11-162A	-	-	-	-	4040	2726	0.67	-0.57	
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_178434	353144	LCE3C	late cornifi	GO:001814	GO:000519	GO:000153	30	25	0.83	-0.26	
H30000104	H300001044	ENSG0000	NM_001005	219956	OR9Q1	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma m	3			
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_011535	10345	TRDN	triadin	GO:000687	GO:000510	GO:0005737	cytoplasm,	GO:0005783	endoplasm		
H30000772	H300007722	ENSG0000	-	-	RP11-249L	-	-	-	-	4794	3709	0.77	-0.37	
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	-	390166	OR5M5P	olfactory re	-	-	-	-	-	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	391026	ACTN4P2	actinin, alp	-	-	-	-	7			
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_011538	390327	OR6C70	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,	GO:0016021	in		
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_011519	83860	TAF3	TATA-box	GO:000012	GO:000203	GO:000563	66	64	0.96	-0.05	
opHsV0400	opHsV0400003	-	XR_946390	101928125	LOC10192	uncharacte	-	-	-	-	4			
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	-	100421828	HNRNCP4	heterogene	-	-	-	86	91	1.07	0.10	
opHsV0400	opHsV0400003	-	-	-	-	-	-	-	-	24429	18165	0.74	-0.43	
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	NM_004807	9394	HS6ST1	heparan su	GO:000152	GO:000814	GO:000013	76	61	0.80	-0.33	
H30000198	H300001988	ENSG0000	-	440243	GOLGA6L2	golgin A6 fa	-	-	-	23	22	0.93	-0.10	
H30000673	H300006731	ENSG0000	XM_011514	389384	C6orf222	chromosom	-	-	-	-	4			
H30000519	H300005199	ENSG0000	NM_033036	89792	GAL3ST3	galactose-	GO:000599	GO:000173	GO:001602	38	37	0.95	-0.07	
H30000205	H300002056	ENSG0000	NR_033289	256356	GK5	glycerol kin	GO:001631	GO:000437	GO:000573	12	32	2.76	1.46	
H30000773	H300007732	ENSG0000	NM_175871	126074	SWSAP1	SWIM-type	GO:000072	GO:000369	GO:000563	286	297	1.04	0.06	
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	NM_001276	200159	C1orf100	chromosom	-	-	-	15	34	2.24	1.16	
H30001014	H300010143	ENSG0000	-	100421681	PTP4A1P7	protein tyr	-	-	-	70	132	1.89	0.92	
H30000475	H300004752	ENSG0000	-	79549	OR6J1	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:000588	15	24	1.63	0.70	
H30000277	H300002773	ENSG0000	NM_207420	155184	SLC2A7	solute carr	GO:000864	GO:002289	GO:0005886	plasma membrane,	GO:0016021	in		
H30000559	H300005593	ENSG0000	-	645993	RPL31P57	ribosomal p	-	-	-	3043	3407	1.12	0.16	
H30000974	H300009740	ENSG0000	NM_001010	388701	C1orf189	chromosom	-	GO:000551	-	-	-	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_011509	126668	TDRD10	tudor doma	-	GO:000016	-	8	12	1.52	0.60	
H30001147	H300011470	ENSG0000	NM_153449	144195	SLC2A14	solute carr	GO:000727	GO:000535	GO:000563	591	560	0.95	-0.08	
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_001134	23576	DDAH1	dimethylarg	GO:000005	GO:000382	GO:0005739	mitochondrion,	GO:0005829	cytos		
H30002050	H300020508	ENSG0000	XM_011535	2911	GRM1	glutamate r	GO:000018	GO:000493	GO:000563	6	14	2.37	1.24	
H30002024	H300020248	ENSG0000	NR_037664	5778	PTPN7	protein tyr	GO:000647	GO:000472	GO:000573	166	152	0.92	-0.12	
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001050	6752	SSTR2	somatostat	GO:000693	GO:000499	GO:0005737	cytoplasm	3			
H30002285	H300022852	ENSG0000	NM_001039	247	ALOX15B	arachidona	GO:000662	GO:000550	GO:0005622	intracellul	8			
H30002123	H300021238	ENSG0000	NM_001172	163255	ZNF540	zinc finger	GO:000635	GO:000090	GO:0005634	nucleus,G	4			
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_153219	147807	ZNF524	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus	10			
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_011519	144100	PLEKHA7	pleckstrin f	GO:004521	GO:007009	GO:0005634	nucleus,	GO:0005737	cytoplasm,G		
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_173479	126248	WDR88	WD repeat	-	-	-	-	3			
H30002079	H300020798	ENSG0000	NM_001158	146849	CCDC42	coiled-coil	-	GO:000551	-	9	16	1.77	0.82	
H30002076	H300020766	ENSG0000	XM_011516	1584	CYP11B1	cytochrom	GO:000670	GO:000450	GO:0005739	mitochondrion,	GO:0005743	mitoc		
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	-	8969	HIST1H2A	histone clu	GO:000634	GO:000367	GO:000078	126	130	1.04	0.05	
H30000905	H300009051	ENSG0000	XM_006715	3117	HLA-DQA1	major histo	GO:000695	GO:003239	GO:0000139	Golgi membrane,	GO:0005765	lys		
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	-	392308	OR13E1P	olfactory re	-	-	-	-	5			
H30001128	H300011282	ENSG0000	NM_001077	283130	SLC25A45	solute carr	GO:000641	GO:000373	GO:000574	7	7	1.09	0.12	
H30002130	H300021309	ENSG0000	NM_001136	22847	ZNF507	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	81	71	0.88	-0.19	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_007176	11161	C14orf1	chromosom	GO:000815	GO:000367	GO:000578	341	346	1.01	0.02	
H30002270	H300022702	ENSG0000	XM_006717	10580	SORBS1	sorbin rel	GO:000693	GO:000377	GO:0001725	stress fib	8			
H30000651	H300006519	ENSG0000	NM_138368	91056	AP5B1	adaptor and	GO:001503	GO:000551	GO:000576	59	53	0.90	-0.15	
H30002188	H300021885	ENSG0000	NM_031496	56146	PCDHA2	protocadhe	GO:000715	GO:000550	GO:0005634	nucleus,	GO:0005783	endoplasmic		
H30002047	H300020470	ENSG0000	NM_001204	4718	NDUFC2	NADH:ubiq	GO:000612	GO:000813	GO:000573	5354	3980	0.74	-0.43	
H30001857	H300018572	ENSG0000	NM_001012	128853	DUSP15	dual specif	GO:000717	GO:000472	GO:000573	52	45	0.88	-0.19	
H30002015	H300020157	ENSG0000	XM_005256	84916	UTP4	UTP4, sma	GO:000635	GO:000551	GO:000165	1002	765	0.76	-0.39	
H30002147	H300021477	ENSG0000	XM_011517	84875	PARP10	poly(ADP-r	GO:000647	GO:000395	GO:000563	34	32	0.92	-0.12	
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_004974	3737	KCNA2	potassium	GO:000681	GO:000524	GO:000578	12	16	1.38	0.47	
H30002121	H300021210	ENSG0000	NM_000928	5319	PLA2G1B	phospholipa	GO:000018	GO:000462	GO:0005576	extracellu	7			
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XM_011538	7480	WNT10B	wingless-ty	GO:000008	GO:000510	GO:000557	17	21	1.24	0.31	
H30002100	H300021006	ENSG0000	NR_037793	122769	LRR1	leucine rich	GO:001656	GO:000551	-	497	497	1.00	0.00	
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_011544	79698	ZMAT4	zinc finger	GO:007233	GO:000203	GO:000563	35	38	1.09	0.12	
H30001320	H300013204	ENSG0000	NM_004491	2909	ARHGAP35	Rho GTPase	GO:000012	GO:000097	GO:000563	880	638	0.72	-0.46	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_005273	2039	DMTN	dematin ac	GO:000646	GO:000377	GO:000582	83	74	0.89	-0.17	
H30000040	H300000408	-	-	-	-	-	-	-	-	221	191	0.86	-0.22	
H30000304	H300003045	ENSG0000	NR_110308	440184	LINC00238	long interge	-	-	-	39	42	1.09	0.12	
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NR_024497	399744	LINC00999	long interge	-	-	-	349	280	0.80	-0.31	
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_005271	6421	SFPQ	splicing fac	GO:000012	GO:000016	GO:000078	197	145	0.74	-0.44	
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_030641	80830	APOL6	apolipoprot	GO:000686	GO:000828	GO:0005576	extracellu	9			
H20000428	H200004282	ENSG0000	NM_001282	282991	BLOC1S2	biogenesis	GO:000702	GO:000551	GO:000093	792	930	1.17	0.23	
H20000901	H200009019	ENSG0000	XM_011517	63978	PRDM14	PR domain	GO:000012	GO:000372	GO:0005654	nucleoplasm				
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NR_028288	27004	TCL6	T-cell leuk	-	-	-	-	6			
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_011515	9734	HDAC9	histone dea	GO:000012	GO:000371	GO:0000118	histone d	11			
H30000380	H300003807	ENSG0000	NM_152724	6251	RSU1	Ras suppre	GO:000716	GO:000551	GO:000582	92	90	0.98	-0.03	
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001135	54539	NDUFB11	NADH:ubiq	GO:002290	GO:000551	GO:000573	1815	1438	0.79	-0.34	
H30002212	H300022120	ENSG0000	XM_011537	121643	FOXN4	forkhead b	GO:000194	GO:000115	GO:000563	7	15	2.03	1.02	
H30002156	H300021563	ENSG0000	XM_005251	158135	TTL11	tubulin tyr	GO:001809	GO:000552	GO:000573	50	59	1.19	0.25	
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XM_005256	162515	SLC16A11	solute carr	GO:000662	GO:001512	GO:000578	8	12	1.55	0.63	
H30002119	H300021193	ENSG0000	NM_012318	3954	LETM1	leucine zip	GO:004240	GO:000550	GO:000573	131	78	0.60	-0.74	
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NR_033650	7536	SF1	splicing fac	GO:000024	GO:000371	GO:0005634	nucleus,G	5			
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001205	23305	ACSL6	acyl-CoA s	GO:000167	GO:000446	GO:0005741	mitochon	6			
H30002090	H300020903	ENSG0000	NM_016329	51460	SCMBT1	Scm-like w</								

opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NR_038365	399827	LINC01164	long interge	-	-	-			3		
H30000856	H300008567	ENSG0000	XM_011521	123722	FSD2	fibronectin	-	GO:000551	-					
H30000823	H300008236	ENSG0000	NM_001139	242	ALOX12B	arachidona	GO:000649	GO:000405	GO:000582	5	13	2.77	1.47	
H20000100	H200001001	ENSG0000	NM_001290	55665	URGCP	upregulator	GO:000704	GO:000552	GO:000563	19	30	1.58	0.66	
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NR_015359	404201	WDFY3-AS	WDFY3 ant	-	-	-			3		
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_007157	158586	ZXDB	zinc finger,	GO:000635	GO:000367	GO:000563	11	20	1.77	0.82	
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_011521	4122	MAN2A2	mannosidas	GO:000601	GO:000455	GO:000013	23	51	2.25	1.17	
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_015345	23500	DAAM2	dishevelled	GO:000736	GO:000377	GO:007006	32	31	0.98	-0.03	
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001134	91775	NXPE3	neurexophi	-	-	GO:000557	9	23	2.60	1.38	
H30000624	H300006243	ENSG0000	XM_011521	51496	CTDSPL2	CTD small	GO:000647	GO:000472	GO:000565	223	229	1.03	0.04	
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001105	339778	C2orf70	chromosom	-	-	GO:0005634 nucleus					
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_005266	79612	NAA16	N(alpha)-ad	GO:000647	GO:000459	GO:000563	23	37	1.62	0.70	
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_005256	64359	NXN	nucleoredo	GO:001605	GO:000479	GO:0005634 nucleus,GO:0005829 cytosol					
H30002111	H300021111	ENSG0000	XM_011524	125058	TBC1D16	TBC1 doma	GO:000191	GO:000509	GO:0005769 early endo		4			
H30002087	H300020874	ENSG0000	NM_152524	151246	SGOL2	shugoshin-	GO:000027	GO:000551	GO:000077	183	235	1.29	0.36	
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_011509	467	ATF3	activating t	GO:000012	GO:000097	GO:000563	20	59	2.95	1.56	
H30002058	H300020589	ENSG0000	XM_005256	55027	HEATR3	HEAT repe	-	-	-	143	117	0.82	-0.29	
H30002280	H300022804	ENSG0000	XR_945591	118611	C10orf90	chromosom	-	-	GO:0005737 cytoplasm,GO:0005813 centroso					
opHsV0400	opHsV0400008	ENSG0000	NM_001304	4586	MUC5AC	mucin 5AC	GO:000649	GO:000520	GO:000561	50	39	0.78	-0.35	
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001278	100131539	ZNF705E	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634 nucleus		10			
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NR_132656	645843	TMEM14EF	transmemb	-	-	GO:0016021 integral component of membrane					
AHsV1000	AHsV10002239	ENSG0000	XM_006718	6150	MRPL23	mitochondr	GO:000641	GO:000016	GO:000573	2111	1971	0.93	-0.10	
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NR_110892	5915	RARB	retinoic aci	GO:000012	GO:000097	GO:0005634 nucleus,GO:0005654 nucleoplasm					
AHsV1000	AHsV10002021	ENSG0000	XR_931522	5893	RAD52	RAD52 hor	GO:000072	GO:000367	GO:000563	16	23	1.39	0.48	
H20001408	H200014083	ENSG0000	NM_002811	5713	PSMD7	proteasome	GO:000008	GO:000551	GO:000050	986	913	0.93	-0.11	
H30001549	H300015493	ENSG0000	NM_004159	5696	PSMB8	proteasome	GO:000008	GO:000429	GO:000050	255	191	0.75	-0.41	
CHsGV100	CHsGV10000316	ENSG0000	XM_005266	2700	GJA3	gap junctio	GO:000681	GO:000417	GO:000592	41	47	1.14	0.19	
CHsGV100	CHsGV100023	ENSG0000	NM_001131	2670	GFAP	glial fibrillar	GO:000961	GO:000517	GO:000573	9	12	1.31	0.39	
H20000591	H200005910	ENSG0000	NM_182925	2324	FLT4	fms related	GO:000193	GO:000471	GO:0005576 extracellu		3			
H20001022	H200010225	ENSG0000	NM_012188	2299	FOXI1	forkhead bc	GO:000636	GO:000097	GO:0005634 nucleus					
H20000106	H200001067	ENSG0000	XM_005257	2124	EV12B	ecotropic v	-	-	GO:000588	10	229	22.89	4.52	
H30002212	H300022128	ENSG0000	NM_001291	2100	ESR2	estrogen re	GO:000012	GO:000104	GO:000557	13	13	0.96	-0.06	
H30001871	H300018719	-	XM_006716	1936	EEF1D	eukaryotic	GO:000635	GO:000367	GO:000563	5475	4682	0.86	-0.23	
AHsV1000	AHsV10001354	ENSG0000	NM_001113	1889	ECE1	endothelin	GO:000166	GO:000417	GO:000576	21	86	4.17	2.06	
H20001568	H200015687	ENSG0000	NM_006219	5291	PIK3CB	phosphatid	GO:000018	GO:000551	GO:000563	577	720	1.25	0.32	
H20001492	H200014927	ENSG0000	NM_002593	5118	PCOLCE	procollagen	GO:000650	GO:000551	GO:000561	165	115	0.70	-0.52	
H20000075	H200000755	ENSG0000	XM_005269	5092	PCBD1	pterin-4 al	GO:000635	GO:000371	GO:000565	631	649	1.03	0.04	
CHsGV100	CHsGV100016	ENSG0000	NM_000910	4887	NPY2R	neuropepti	GO:000166	GO:000160	GO:0005829 cytosol,GO:0005886 plasma mem					
CHsGV100	CHsGV100039	ENSG0000	NM_002517	4861	NPAS1	neuronal P	GO:000012	GO:000098	GO:000563	66	62	0.95	-0.08	
H20001138	H200011387	ENSG0000	NM_213566	1676	DDFA	DNA fragm	GO:000630	GO:000551	GO:000079	492	393	0.80	-0.33	
H20001984	H200019847	ENSG0000	XM_011538	1649	DDIT3	DNA dama	GO:000012	GO:000097	GO:000563	509	1184	2.33	1.22	
H20000882	H200008829	ENSG0000	NM_000395	1439	CSF2RB	colony stim	GO:000016	GO:000487	GO:000562	33	37	1.14	0.19	
CHsGV100	CHsGV100012	ENSG0000	XM_011537	1407	CRY1	cryptochro	GO:000012	GO:000016	GO:000563	334	295	0.88	-0.18	
H20000590	H200005903	ENSG0000	XM_005254	1198	CLK3	CDC like ki	GO:000646	GO:000467	GO:000166	186	232	1.25	0.32	
CHsGV100	CHsGV100003	ENSG0000	NM_001318	1176	AP3S1	adaptor rel	GO:000688	GO:000521	GO:000579	1281	1315	1.03	0.04	
AHsV1000	AHsV10002043	ENSG0000	XM_011515	989	42620	septin 7	GO:000091	GO:000519	GO:000077	1659	1586	0.96	-0.07	
CHsGV100	CHsGV100027	ENSG0000	NM_001256	962	CD48	CD48 mole	GO:000695	GO:000551	GO:0005886 plasma m		16			
CHsGV100	CHsGV100032	ENSG0000	XM_005266	6049	RNF6	ring finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	303	260	0.86	-0.22	
AHsV1000	AHsV10002440	ENSG0000	XM_011545	5871	MAP4K2	mitogen-ad	GO:000018	GO:000467	GO:000013	143	130	0.91	-0.14	
H20000019	H200000196	ENSG0000	NM_001163	5836	PYGL	phosphoryl	GO:000597	GO:000206	GO:000573	96	138	1.44	0.53	
AHsV1000	AHsV10001869	ENSG0000	NM_006905	5669	PSG1	pregnancy	GO:000756	GO:000551	GO:0005576 extracellular region					
H20000070	H200000704	ENSG0000	NM_002765	5634	PRPS2	phosphorib	GO:000601	GO:000028	GO:000218	576	419	0.73	-0.46	
CHsGV100	CHsGV1000143	ENSG0000	NM_001301	2637	GBX2	gastrulatio	GO:000156	GO:000097	GO:000563	4	8	1.88	0.91	
AHsV1000	AHsV10002873	ENSG0000	NM_000820	2621	GAS6	growth arre	GO:000176	GO:000178	GO:000557	100	89	0.89	-0.17	
H20000036	H200000369	ENSG0000	NM_001042	2268	FGR	FGR proto	GO:000276	GO:000178	GO:000574	8	11	1.41	0.49	
DHsGV100	DHsGV1000019	ENSG0000	NG_012413	7431	VIM	vimentin	GO:000691	GO:000194	GO:000573	595	565	0.95	-0.07	
CHsGV100	CHsGV1000074	ENSG0000	NM_001982	2065	ERBB3	erb-b2 rec	GO:000016	GO:000471	GO:000561	15	16	1.06	0.09	
H20000406	H200004065	ENSG0000	NM_001318	2044	EPHA5	EPH recep	GO:000741	GO:000500	GO:0005791 rough end		7			
H30000894	H300008949	ENSG0000	NM_004419	1847	DUSP5	dual specifi	GO:000016	GO:000472	GO:000565	408	334	0.82	-0.29	
H30000164	H300001643	ENSG0000	NR_073202	1826	DSCAM	Down synd	GO:000715	GO:000551	GO:0005576 extracellular region,GO:0005886					
AHsV1000	AHsV10001504	ENSG0000	NM_021965	5239	PGM5	phosphoglu	GO:000597	GO:000028	GO:0001725 stress fiber,GO:0005829 cytosol,					
AHsV1000	AHsV10001436	ENSG0000	NM_001319	5066	PAM	peptidylglyc	GO:000151	GO:000450	GO:000561	6	13	2.05	1.03	
H20000256	H200002569	ENSG0000	XM_011545	5031	P2RY6	pyrimidiner	GO:000720	GO:000493	GO:000588	12	16	1.37	0.45	
AHsV1000	AHsV10000790	ENSG0000	XM_011538	4842	NOS1	nitric oxide	GO:000166	GO:000451	GO:0001917 photoreceptor inner segment,GO					
H20000748	H200007480	ENSG0000	NM_002509	4821	NKX2-2	NK2 homeo	GO:000332	GO:000115	GO:0005654 nucleopla		5			
H20001032	H200010322	ENSG0000	XM_005265	1627	DBN1	drebrin 1	GO:000701	GO:000377	GO:000573	90	78	0.86	-0.21	
AHsV1000	AHsV10003245	ENSG0000	NM_001244	1601	DAB2	Dab, mitoge	GO:000193	GO:000551	GO:000573	477	334	0.70	-0.51	
AHsV1000	AHsV10003018	ENSG0000	XM_011522	1387	CREBBP	CREB bindi	GO:000012	GO:000097	GO:000012	6	13	2.25	1.17	
AHsV1000	AHsV10000719	ENSG0000	NM_001868	1357	CPA1	carboxypep	GO:000650	GO:000418	GO:0005615 extracellu		3			
CHsGV100	CHsGV1000105	ENSG0000	NM_000748	1141	CHRN2	cholinergic	GO:000150	GO:000488	GO:0005886 plasma m		4			
H20000058	H200000582	ENSG0000	NM_001819	1114	CHGB	chromograr	-	GO:000517	GO:000557	5	10	1.98	0.99	
AHsV1000	AHsV10001905	ENSG0000	NM_001243	940	CD28	CD28 mole	GO:000286	GO:000202	GO:0001772 immunological synapse,GO:00058					
CHsGV100	CHsGV1000286	ENSG0000	XM_006718	917	CD3G	CD3g mole	GO:000646	GO:000488	GO:0005886 plasma membrane,GO:0005887 in					
CHsGV100	CHsGV1000112	ENSG0000	NM_001025	5993	RFX5	regulatory	GO:000012	GO:000097	GO:000563	128	133	1.04	0.05	
H20000052	H200000525	ENSG0000	NM_002852	5806	PTX3	pentraxin 3	GO:000187	GO:000184	GO:000557	11	16	1.44	0.52	
AHsV1000	AHsV10001946	-	XM_006716	5789	PTPRD	protein tyr	GO:000647	GO:000500	GO:0005887 integral component of plasma me					
AHsV1000	AHsV10002376	ENSG0000	XM_005256	5606	MAP2K3	mitogen-ad	GO:000018	GO:000467	GO:000565	28	32	1.14	0.19	
H20000037	H200000373	ENSG0000	NM_001289	5589	PRKCSH	protein kin	GO:000645	GO:000508	GO:000562	242	262	1.08	0.11	
H20001678	H200016785	ENSG0000	NM_001480	2587	GALR1	galanin rec	GO:000718	GO:000496	GO:0005829 cytosol,GO:0005886 plasma mem					
CHsGV100	CHsGV100021	ENSG0000	NM_000812	2560	GABRB1	gamma-am	GO:000681	GO:000489	GO:0005635 nuclear e		3			
H20000639	H200006391	ENSG0000	XM_005244	2224	FDPS	farnesyl dip	GO:000669	GO:000416	GO:000565	4947	4441			

H30001434	H300014343	ENSG0000	XM_011517	4796	TONSL	tonsoku-lik	GO:000072	GO:000371	GO:000565	40	37	0.92	-0.12
H20001602	H200016027	ENSG0000	NM_001258	4773	NFATC2	nuclear fac	GO:000012	GO:000097	GO:0005634 nucleus,G		8		
CHsGV100	CHsGV100027	ENSG0000	NM_000772	1562	CYP2C18	cytochrom	GO:000680	GO:000449	GO:0005789 endoplasr		6		
CHsGV100	CHsGV1000016	ENSG0000	NM_001336	1522	CTS2	cathepsin 2	GO:000200	GO:000419	GO:000013	67	155	2.32	1.22
CHsGV100	CHsGV1000016	ENSG0000	NM_001858	1310	COL19A1	collagen ty	GO:000150	GO:000520	GO:0005576 extracellular region,GO:0005578				
CHsGV100	CHsGV1000149	ENSG0000	NM_001848	1291	COL6A1	collagen ty	GO:000164	GO:004840	GO:000557	4	9	2.36	1.24
H20000840	H200008407	ENSG0000	XM_011536	1073	CFL2	cofilin 2	GO:003004	GO:000377	GO:000561	110	95	0.86	-0.21
H20000639	H200006392	ENSG0000	XM_011534	1045	CDX2	caudal type	GO:000012	GO:000098	GO:0000794 condense		7		
AHsV1000	AHsV10001439	ENSG0000	NM_001238	898	CCNE1	cyclin E1	GO:000008	GO:000371	GO:000030	592	426	0.72	-0.47
CHsGV100	CHsGV1000288	ENSG0000	NM_001757	873	CBR1	carbonyl re	GO:001714	GO:000409	GO:000582	278	217	0.78	-0.36
H30000163	H300001638	ENSG0000	NM_002899	5947	RBP1	retinol bind	GO:000152	GO:000521	GO:000565	247	186	0.75	-0.41
CHsGV100	CHsGV1000328	ENSG0000	XM_011520	5763	PTMS	parathymos	GO:000237	-	GO:000563	500	368	0.74	-0.44
H30001805	H300018057	ENSG0000	XM_011541	5733	PTGER3	prostaglan	GO:000166	GO:000487	GO:000563	14	13	0.93	-0.10
CHsGV100	CHsGV1000075	ENSG0000	NM_004157	5576	PRKAR2A	protein kin	GO:000309	GO:000486	GO:000573	149	181	1.22	0.28
CHsGV100	CHsGV1000213	ENSG0000	XM_005267	5550	PREP	prolyl endo	GO:000650	GO:000425	GO:000563	632	565	0.89	-0.16
AHsV1000	AHsV10001265	ENSG0000	XM_011545	2521	FUS	FUS RNA b	GO:000039	GO:000016	GO:000563	6388	5914	0.93	-0.11
CHsGV100	CHsGV1000192	ENSG0000	NM_001114	2354	FOSB	FBJ murine	GO:000012	GO:000097	GO:000563	30	27	0.90	-0.16
AHsV1000	AHsV10000704	ENSG0000	NM_001018	2177	FANCD2	Fanconi an	GO:000628	GO:000551	GO:000079	89	145	1.63	0.71
CHsGV100	CHsGV1000077	ENSG0000	XM_011537	2155	F7	coagulation	GO:000269	GO:000194	GO:000557	86	81	0.95	-0.08
H30002279	H300022797	ENSG0000	NM_001291	1981	EIF4G1	eukaryotic	GO:000018	GO:000374	GO:000573	2586	1839	0.71	-0.49
H20001915	H200019156	ENSG0000	NM_001964	1958	EGR1	early growt	GO:000012	GO:000097	GO:000563	1286	976	0.76	-0.40
CHsGV100	CHsGV1000074	ENSG0000	XR_929728	1757	SARDH	sarcosine d	GO:003599	GO:000554	GO:000573	9	13	1.44	0.53
AHsV1000	AHsV10002946	ENSG0000	NM_000793	1734	DIO2	deiodinase,	GO:000151	GO:000480	GO:0005886 plasma membrane,GO:0016020 m				
H30002215	H300022151	ENSG0000	NM_001111	15141	PDE4A	phosphodie	GO:000619	GO:000411	GO:000582	15	17	1.11	0.15
AHsV1000	AHsV10003316	ENSG0000	XM_005253	4940	OAS3	2'-5'-oligo	GO:000613	GO:000173	GO:000561	6	14	2.51	1.33
CHsGV100	CHsGV1000368	ENSG0000	NM_001007	4914	NTRK1	neurotroph	GO:000018	GO:000471	GO:000576	65	96	1.48	0.57
H30001882	H300018829	ENSG0000	XM_005274	4728	NDUFS8	NADH:ubiq	GO:000612	GO:000395	GO:000573	823	561	0.68	-0.55
H30001141	H300011415	ENSG0000	NR_104169	4698	NDUFA5	NADH:ubiq	GO:000612	GO:000813	GO:000574	7977	5767	0.72	-0.47
H20000555	H200005558	ENSG0000	XM_011523	1497	CTNS	cystinosin,	GO:000208	GO:001518	GO:000576	55	41	0.75	-0.42
H20000191	H200001917	ENSG0000	NM_001300	1466	CSRP2	cysteine ar	GO:000727	GO:000367	GO:000563	116	44	0.38	-1.41
H20000582	H200005826	ENSG0000	NM_001841	1269	CNR2	cannabinoid	GO:000197	GO:000494	GO:0005886 plasma m		6		
H20000043	H200000434	ENSG0000	XR_934750	105371774	LOC10537	uncharacte	-	-	-	16	16	0.97	-0.04
H20000836	H200008365	ENSG0000	NM_000389	1026	CDKN1A	cyclin-dep	GO:000007	GO:000486	GO:000030	30	45	1.50	0.58
H30001647	H300016479	ENSG0000	NM_033646	1005	CDH7	cadherin 7	GO:000715	GO:000550	GO:0005886 plasma membrane,GO:0016021 in				
AHsV1000	AHsV10003429	ENSG0000	NM_000388	846	CASR	calcium ser	GO:000150	GO:000443	GO:0005886 plasma membrane,GO:0005887 in				
H20000062	H200000628	ENSG0000	XM_011543	834	CASP1	caspase 1	GO:000166	GO:000417	GO:0005576 extracellu		10		
H20001769	H200017690	ENSG0000	NM_018485	27202	C5AR2	complemen	GO:000693	GO:000494	GO:000588	6	15	2.45	1.29
AHsV1000	AHsV10002360	ENSG0000	NM_015695	27154	BRPF3	bromodoma	GO:000257	GO:000551	GO:000557	27	61	2.27	1.18
H20000834	H200008341	ENSG0000	NM_005805	10213	PSMD14	proteasome	GO:000008	GO:000551	GO:000050	5281	4506	0.85	-0.23
H20002103	H200021030	ENSG0000	XM_006719	10198	MPHOSPH	M-phase p	-	-	GO:000013	184	281	1.53	0.61
AHsV1000	AHsV10002232	-	NM_005481	10025	MED16	mediator c	GO:000635	GO:000371	GO:000563	45	60	1.31	0.39
AHsV1000	AHsV10003161	ENSG0000	XR_949728	10004	NAALADL1	N-acetyl	GO:000650	GO:000418	GO:0016021 integral c		7		
H20000323	H200003238	ENSG0000	XM_011525	9862	MED24	mediator c	GO:000635	GO:000110	GO:000015	228	234	1.02	0.03
H20000411	H200004115	ENSG0000	NM_014799	9843	HEPH	hephaestin	GO:000682	GO:000432	GO:000562	305	452	1.48	0.57
CHsGV100	CHsGV100036	ENSG0000	XM_011515	9678	PHF14	PHD finger	GO:000012	GO:000827	GO:000563	133	151	1.13	0.18
H20000786	H200007866	ENSG0000	NM_144949	9655	SOCS5	suppressor	GO:000717	GO:000486	GO:000573	122	129	1.06	0.08
H30000363	H300003635	ENSG0000	NM_003000	6390	SDHB	succinate d	GO:000609	GO:000551	GO:000565	3805	3762	0.99	-0.02
H20001593	H200015938	ENSG0000	XM_011516	6369	CCL24	C-C motif	GO:000193	GO:000800	GO:000561	59	60	1.01	0.01
H30000042	H300000427	ENSG0000	NM_213725	6176	RPLP1	ribosomal p	GO:000018	GO:000373	GO:000573	36443	29218	0.80	-0.32
H30001653	H300016536	ENSG0000	NM_001243	23481	PES1	pescadillo r	GO:000046	GO:000372	GO:000079	76	56	0.74	-0.43
AHsV1000	AHsV10003222	ENSG0000	NM_172232	23461	ABCA5	ATP bindin	GO:000686	GO:000552	GO:0000139 Golgi membrane,GO:0005764 lys				
AHsV1000	AHsV10002464	ENSG0000	NM_004850	9475	ROCK2	Rho associ	GO:000091	GO:000467	GO:000563	56	83	1.47	0.56
H20001424	H200014244	ENSG0000	NM_004271	9450	LY86	lymphocyte	GO:000691	-	GO:0005615 extracellular space,GO:0005886 g				
H30000669	H300006697	ENSG0000	XM_011537	9252	RPS6KA5	ribosomal p	GO:000181	GO:000028	GO:000563	83	90	1.08	0.11
H20000845	H200008454	ENSG0000	XR_934118	9212	AURKB	aurora kina	GO:000012	GO:000467	GO:000077	1268	988	0.78	-0.36
H20001465	H200014653	ENSG0000	XM_006711	9048	ARTN	artemin	GO:000716	GO:000510	GO:0005615 extracellu		7		
CHsGV100	CHsGV1000363	ENSG0000	XM_011522	9028	RHBDL1	rhomboid, v	GO:000716	GO:000425	GO:000574	12	15	1.23	0.30
AHsV1000	AHsV10001710	ENSG0000	NM_003868	8823	FGF16	fibroblast g	GO:000016	GO:000510	GO:0005576 extracellular region,GO:0005615				
H20000406	H200004061	ENSG0000	NM_001271	8800	PEX11A	peroxisoma	GO:000703	GO:000551	GO:0005777 peroxisome,GO:0005778 peroxisc				
CHsGV100	CHsGV1000176	ENSG0000	XM_011545	5526	PPP2R5B	protein pho	GO:001046	GO:000551	GO:000015	10	18	1.80	0.85
H20001661	H200016610	ENSG0000	NR_133014	5504	PPP1R2	protein pho	GO:000597	GO:000486	GO:000016	196	315	1.61	0.69
H20001072	H200010721	-	NM_181871	5313	PKLR	pyruvate ki	GO:000166	GO:000028	GO:000582	53	37	0.70	-0.52
CHsGV100	CHsGV1000166	ENSG0000	NM_014423	27125	AFF4	AF4/FMR2	GO:000635	GO:000370	GO:0008023 transcript		17		
H30001552	H300015529	ENSG0000	NM_001012	27086	FOXP1	forkhead b	GO:000290	GO:000098	GO:0005634 nucleus,G		5		
AHsV1000	AHsV10001276	ENSG0000	NM_014252	10166	SLC25A15	solute carr	GO:000005	GO:000006	GO:000574	110	112	1.02	0.03
H20001434	H200014344	ENSG0000	NM_005755	10148	EBI3	Epstein-Ba	GO:000695	GO:000489	GO:0005576 extracellular region,GO:0005615				
H30000684	H300006842	ENSG0000	NM_005130	9982	FGFBP1	fibroblast g	GO:000223	GO:000551	GO:0005576 extracellular region,GO:0005615				
CHsGV100	CHsGV1000009	ENSG0000	XM_011522	9960	USP3	ubiquitin sp	GO:000027	GO:000484	GO:000079	311	370	1.19	0.25
AHsV1000	AHsV10000220	ENSG0000	NR_130136	9819	TSC22D2	TSC22 don	GO:000635	GO:000370	-	144	202	1.40	0.49
AHsV1000	AHsV10000776	ENSG0000	NM_014756	9793	CKAP5	cytoskelet	GO:000008	GO:000551	GO:000092	407	556	1.37	0.45
CHsGV100	CHsGV1000292	ENSG0000	XM_011543	9638	FEZ1	fasciculati	GO:000681	GO:000508	GO:000573	29	48	1.65	0.73
H30001655	H300016552	ENSG0000	XM_011535	9617	MTRF1	mitochondr	GO:000644	GO:000374	GO:000573	98	87	0.89	-0.17
AHsV1000	AHsV10002110	ENSG0000	NM_001098	6345	SRL	sarcalumen	-	GO:000552	GO:0033018 sarcoplasmic reticulum lumen				
H20001569	H200015691	ENSG0000	NM_001017	6307	MSMO1	methylster	GO:000663	GO:000025	GO:000578	903	809	0.90	-0.16
H30000603	H300006031	ENSG0000	NM_000968	6124	RPL4	ribosomal p	GO:000018	GO:000372	GO:000563	19769	17751	0.90	-0.16
H20000835	H200008352	ENSG0000	NR_125394	23423	TMED3	transmemb	GO:000688	-	GO:000013	609	476	0.78	-0.35
AHsV1000	AHsV10001947	ENSG0000	XM_006717	23404	EXOSC2	exosome c	GO:000028	GO:000017	GO:000017	407	411	1.01	0.01
CHsGV100	CHsGV1000192	ENSG0000	NM_001290	9427	ECEL1	endothelin	GO:000301	GO:000422	GO:0005622 intracellu		12		
H30002114	H300021140	ENSG0000	XM_011517	9401	RECQL4	RecQ like	GO:000073	GO:000040	GO:000563	199	162	0.82	-0.29
CHsGV100	CHsGV1000396	ENSG0000	XM_011516	9179	AP4M1	adaptor rel	GO:000688	GO:000521	GO:000013	73	61	0.84	-0.25
CHsGV100	CHsGV1000196	ENSG0000	XM_011520	9152	SLC6A5	solute carr	GO:000681	GO:000532	GO:0005886 plasma membrane,GO:0005887 in				
AHsV1000	AHsV10001006	ENSG0000	NM_001079	9001	HAP1	huntingtin-	GO:000688	GO:000551	GO:0005634 nucleus,G	</			

DHsTV100	DHsTV1000015	-	-	-	-	-	-	-	-	10	11	1.17	0.23
H20000860	H200008600	ENSG0000	XM_006720	10127	ZNF263	zinc finger	GO:000635	GO:000370	GO:000563	147	137	0.93	-0.10
AHsV1000	AHsV10002588	ENSG0000	XM_005269	10105	PIPF	peptidylpro	GO:000041	GO:000375	GO:000575	3173	2300	0.72	-0.46
CHsGV100	CHsGV1000263	ENSG0000	NM_001198	9936	CD302	CD302 mol	GO:000690	GO:003024	GO:0005902	microvillus,GO:0005938	cell corte		
H20000115	H200001153	ENSG0000	NM_014862	9915	ARNT2	aryl hydroc	GO:000166	GO:000097	GO:0005634	nucleus,G	11		
H20000996	H200009966	ENSG0000	XM_011525	9772	TMEM94	transmemb	-	-	GO:000565	54	70	1.29	0.37
AHsV1000	AHsV10002370	ENSG0000	NM_001100	9749	PHACTR2	phosphatas	GO:004308	GO:000377	GO:001602	619	1129	1.82	0.87
CHsGV100	CHsGV1000348	ENSG0000	NM_001171	9581	PREPL	prolyl endo	GO:000650	GO:000425	GO:000579	250	311	1.25	0.32
H30000379	H300003797	ENSG0000	NM_001039	9551	ATP5J2	ATP synth	GO:001599	GO:001688	GO:000027	5518	4015	0.73	-0.46
H20001181	H200011819	ENSG0000	NM_002965	6280	S100A9	S100 calciu	GO:000181	GO:000487	GO:000557	16	16	1.02	0.03
H20001102	H200011029	ENSG0000	NM_021136	6252	RTN1	reticulon 1	GO:003018	GO:000551	GO:0005789	endoplasmic reticulum membrane			
H30000871	H300008716	-	NM_002931	6015	RING1	ring finger	GO:000635	GO:000368	GO:000173	831	792	0.95	-0.07
H30002067	H300020678	ENSG0000	XM_011515	23382	AHCYL2	adenosylho	GO:000673	GO:000401	GO:000578	16	30	1.87	0.90
AHsV1000	AHsV10003565	ENSG0000	NM_001173	23363	OBSL1	obscurin-li	GO:000022	GO:000551	GO:000573	24	31	1.31	0.39
H20001065	H200010653	ENSG0000	XM_006719	9365	KL	klotho	GO:000016	GO:000456	GO:0005576	extracellular region,GO:0005615			
H30001871	H300018714	ENSG0000	XM_011522	9333	TGM5	transglutan	GO:000646	GO:000381	GO:0005737	cytoplasm			
CHsGV100	CHsGV1000269	ENSG0000	XM_011524	9135	RABEP1	rabaptin, R	GO:000689	GO:000509	GO:000576	172	177	1.03	0.04
AHsV1000	AHsV10001884	ENSG0000	XM_011525	9120	SLC16A6	solute carr	GO:001571	GO:000802	GO:0005887	integral component of plasma me			
CHsGV100	CHsGV1000133	ENSG0000	NM_003927	8932	MBD2	methyl-Cp	GO:000012	GO:000097	GO:000011	473	441	0.93	-0.10
H30002136	H300021366	ENSG0000	NM_153051	8897	MTMR3	myotubular	GO:000647	GO:000443	GO:0005654	nucleopl	8		
AHsV1000	AHsV10002961	ENSG0000	NM_001300	8724	SNX3	sorting nex	GO:000689	GO:000551	GO:000573	667	816	1.22	0.29
H20000303	H200003033	ENSG0000	NM_003782	8705	B3GALT4	Beta-1,3-g	GO:000648	GO:000849	GO:000013	31	34	1.09	0.12
H20001101	H200011011	ENSG0000	NM_001308	5424	POLD1	polymerase	GO:000027	GO:000016	GO:000010	287	242	0.84	-0.24
CHsGV100	CHsGV1000130	ENSG0000	NM_001034	5393	EXOSC9	exosome c	GO:000028	GO:000017	GO:000017	1403	1276	0.91	-0.14
AHsV1000	AHsV10000906	ENSG0000	NM_001002	5211	PFKL	phosphofru	GO:000597	GO:000387	GO:000582	147	159	1.08	0.11
H20001725	H200017255	ENSG0000	NM_022163	26589	MRPL46	mitochondr	GO:000699	GO:000367	GO:000557	628	481	0.77	-0.38
H20001908	H200019082	ENSG0000	NM_001304	26520	TMM9	translocase	GO:000662	GO:000521	GO:000573	656	642	0.98	-0.03
AHsV1000	AHsV10000902	ENSG0000	XR_930842	10083	USH1C	USH1 prote	GO:000008	GO:000551	GO:0001750	photoreceptor outer segment,GO			
H30001813	H300018132	ENSG0000	XM_011519	10062	NR1H3	nuclear rec	GO:000012	GO:000367	GO:000079	47	49	1.03	0.05
CHsGV100	CHsGV1000100	ENSG0000	XR_934628	9902	MRC2	mannose re	GO:000164	GO:000551	GO:0005925	focal adhe	6		
H20000816	H200008169	ENSG0000	XM_005266	9882	TBC1D4	TBC1 dom	GO:001619	GO:000509	GO:000573	134	110	0.82	-0.28
CHsGV100	CHsGV1000028	-	XM_011522	9727	RAB11FIP3	RAB11 fam	GO:000091	GO:000550	GO:000565	12	18	1.47	0.55
AHsV1000	AHsV10000185	ENSG0000	NM_014676	9698	PUM1	pumilio RN	GO:000689	GO:000372	GO:000093	144	192	1.33	0.41
H20001261	H200012618	ENSG0000	NM_004869	9525	VPS4B	vacuolar pr	GO:000092	GO:000551	GO:000092	260	294	1.13	0.18
CHsGV100	CHsGV1000383	ENSG0000	NM_005099	9507	ADAMTS4	ADAM met	GO:000150	GO:000202	GO:0005576	extracellu	6		
AHsV1000	AHsV10000335	ENSG0000	NM_001029	6231	RPS26	ribosomal p	GO:000018	GO:000372	GO:000573	559	425	0.76	-0.40
AHsV1000	AHsV10000225	ENSG0000	NM_001013	6203	RPS9	ribosomal p	GO:000018	GO:000373	GO:000563	15297	13764	0.90	-0.15
AHsV1000	AHsV10003397	ENSG0000	NM_002910	5973	RENBP	renin bindir	GO:000604	GO:000486	GO:007006	83	80	0.96	-0.06
CHsGV100	CHsGV1000116	ENSG0000	XM_011515	23333	DPY19L1	dpy-19 like	GO:001840	GO:000003	GO:000563	152	127	0.84	-0.26
H20000242	H200002424	ENSG0000	XM_006719	23306	NEMP1	nuclear en	GO:000815	GO:000367	GO:000563	411	517	1.26	0.33
H20000664	H200006646	ENSG0000	NM_001040	9308	CD83	CD83 mole	GO:000181	-	GO:000588	65	66	1.02	0.03
AHsV1000	AHsV10003027	ENSG0000	NR_134957	9270	ITGB1BP1	integrin sub	GO:000204	GO:000509	GO:000172	37	52	1.41	0.49
H20001259	H200012590	ENSG0000	XM_005271	9099	USP2	ubiquitin sp	GO:000012	GO:000419	GO:000563	17	14	0.84	-0.26
H30000056	H300000560	ENSG0000	NM_199328	9073	CLDN8	claudin 8	GO:001633	GO:000519	GO:0005783	endoplasmic reticulum,GO:00058			
AHsV1000	AHsV10000589	-	-	-	-	-	-	-	-	195	260	1.33	0.41
H20001059	H200010591	ENSG0000	XM_011525	8851	CDK5R1	cyclin-depe	GO:000007	GO:000467	GO:000563	13	18	1.38	0.46
H20000642	H200006425	ENSG0000	NR_033684	283459	GATC	glutamyl-tF	GO:000645	GO:000551	GO:000573	4444	3425	0.77	-0.38
AHsV1000	AHsV10002401	ENSG0000	NM_001317	728689	EIF3CL	eukaryotic	GO:000173	GO:000374	GO:000585	776	814	1.05	0.07
H30000625	H300006256	ENSG0000	NM_001316	5351	PLOD1	procollagen	GO:000166	GO:000819	GO:000578	349	236	0.68	-0.56
AHsV1000	AHsV10001423	ENSG0000	NM_001172	5332	PLCB4	phospholipa	GO:001604	GO:000443	GO:000563	19	20	1.02	0.03
H20001053	H200010536	ENSG0000	NM_001199	5164	PKD2	pyruvate de	GO:000600	GO:000467	GO:000565	10	12	1.26	0.34
H20000209	H200002091	ENSG0000	NM_001258	79605	PGBD5	piggyBac tr	-	-	GO:0016021	integral c	8		
H20001251	H200012519	ENSG0000	NM_024042	79006	METR1	meteorin, g	GO:001000	-	GO:000561	143	125	0.88	-0.19
AHsV1000	AHsV10000108	ENSG0000	NM_001282	66000	TMEM108	transmemb	GO:000815	GO:000367	GO:0005575	cellular_component,GO:0016021			
CHsGV100	CHsGV1000395	ENSG0000	NM_001288	64777	RMND5B	required fo	-	-	-	109	141	1.29	0.37
H30001197	H300011972	ENSG0000	NR_110328	64747	MFSD1	major facilit	GO:005508	-	GO:001602	450	659	1.46	0.55
AHsV1000	AHsV10001262	ENSG0000	XM_011541	63976	PRDM16	PR domain	GO:000012	GO:000371	GO:0005634	nucleus,GO:0005829	cytosol,GO:		
AHsV1000	AHsV10002415	ENSG0000	NM_022095	63925	ZNF335	zinc finger	GO:000170	GO:000097	GO:0005634	nucleus,G	8		
AHsV1000	AHsV10003186	ENSG0000	NM_016009	51100	SH3GLB1	SH3-doma	GO:000691	GO:000551	GO:000013	377	559	1.48	0.57
H20000049	H200000490	ENSG0000	NM_015973	51083	GAL	galanin/GM	GO:000695	GO:000496	GO:000557	512	316	0.62	-0.70
CHsGV100	CHsGV1000403	ENSG0000	XM_011523	50488	MINK1	misshapen	GO:000195	GO:000467	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005794	Golgi app		
H20001914	H200019147	ENSG0000	NM_014601	30846	EHD2	EH domain	GO:000689	GO:000367	GO:0005634	nucleus,G	7		
H20000781	H200007811	ENSG0000	NM_001008	29114	TAGLN3	transgelin 3	GO:000012	-	GO:0005634	nucleus,GO:0043209	myelin shea		
H30002047	H300020474	ENSG0000	XM_005271	29087	THYN1	thymocyte	-	-	GO:000563	885	1126	1.27	0.35
H30001158	H300011582	ENSG0000	NM_020967	57727	NCOA5	nuclear rec	GO:000635	GO:000368	GO:000561	145	176	1.21	0.28
CHsGV100	CHsGV1000111	ENSG0000	NM_001134	57468	SLC12A5	solute carr	GO:000681	GO:001510	GO:000588	11	14	1.22	0.29
H30001523	H300015236	ENSG0000	NM_177538	57404	CYP20A1	cytochrom	GO:005511	GO:000449	GO:001602	53	68	1.27	0.34
AHsV1000	AHsV10000978	-	NM_020242	56992	KIF15	kinesin fam	GO:000701	GO:000367	GO:000581	75	105	1.40	0.49
AHsV1000	AHsV10002828	ENSG0000	XM_011519	56952	PRTFDC1	phosphorib	GO:000616	GO:000016	GO:000582	64	110	1.71	0.77
AHsV1000	AHsV10003232	ENSG0000	NM_018940	56129	PCDH7	protocadhe	GO:000715	GO:000550	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in		
AHsV1000	AHsV10000281	ENSG0000	NM_018923	56103	PCDHGB2	protocadhe	GO:000715	GO:000550	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in		
AHsV1000	AHsV10000268	ENSG0000	NM_001242	26468	LHX6	LIM homeo	GO:000635	GO:000370	GO:000563	133	96	0.72	-0.47
AHsV1000	AHsV10001087	ENSG0000	NM_018438	26270	FBXO6	F-box prot	GO:000007	GO:000194	GO:000573	165	190	1.15	0.20
H20000219	H200002194	ENSG0000	NM_001167	25975	EGFL6	EGF like dd	GO:000704	GO:000517	GO:0005604	basement membrane,GO:0005615			
CHsGV100	CHsGV1000205	ENSG0000	NM_001168	25937	WWTR1	WW domain	GO:000012	GO:000371	GO:000563	9	16	1.87	0.90
CHsGV100	CHsGV1000295	ENSG0000	NM_012420	24138	IFIT5	interferon i	GO:004508	GO:000004	GO:0005886	plasma membrane,GO:0015629	ar		
H20001977	H200019777	ENSG0000	NM_031412	23710	GABARAP	GABA(A) r	GO:000004	GO:000551	GO:000042	115	87	0.76	-0.41
CHsGV100	CHsGV1000329	ENSG0000	NR_104249	79364	ZXDC	ZXD family	GO:000635	GO:000367	GO:000557	7	19	2.73	1.45
CHsGV100	CHsGV100003	ENSG0000	XM_006710	65979	PHACTR4	phosphatas	GO:000175	GO:000377	GO:000573	172	207	1.20	0.27
AHsV1000	AHsV10001369	-	NM_023015	65123	INTS3	integrator c	GO:000628	GO:000551	GO:0005634	nucleus,G	10		
AHsV1000	AHsV10002837	ENSG0000	XM_011534	64478	CSMD1	CUB and S	-	-	GO:0016021	integral c	8		
H20001823	H200018231	ENSG0000	XM_005268	64398	MPP5	membrane	GO:000201	GO:000551	GO:000565	50	57	1.12	0.17
CHsGV100	CHsGV1000123	ENSG0000</											

AHsV1000	AHsV10002002	-	XM_005249	28973	MRPS18B	mitochondr	GO:000641	GO:000373	GO:000565	1738	1559	0.90	-0.16
CHsGV100	CHsGV1000398	ENSG0000	NM_001317	57654	UVSSA	UV stimula	GO:000628	GO:000099	GO:000565	19	28	1.46	0.55
AHsV1000	AHsV10003201	ENSG0000	NM_001190	57232	ZNF630	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus	7		
CHsGV100	CHsGV100023	ENSG0000	XM_011521	57188	ADAMTSL1	ADAMTS li	GO:000650	GO:000551	GO:0005578	proteinaceous extracellular matri			
H20001163	H200011635	ENSG0000	NM_020169	56925	LXN	latexin	GO:000695	GO:000551	GO:0005737	cytoplasm,GO:0070062	extracellu		
H20000161	H200001619	ENSG0000	XM_011539	56889	TM9SF3	transmemb	-	-	GO:001602	501	616	1.23	0.30
AHsV1000	AHsV10000592	ENSG0000	NM_001079	653275	CFC1B	cripto, FRL	GO:000736	-	GO:0005576	extracellular region			
AHsV1000	AHsV10001383	ENSG0000	NM_001006	55914	ERBIN	erb2 inter	GO:000660	GO:000510	GO:000560	124	178	1.44	0.52
H20001938	H200019384	ENSG0000	XM_005257	26207	PITPNC1	phosphatid	GO:000716	GO:000551	GO:000565	17	22	1.27	0.34
H30000367	H300003673	ENSG0000	XM_005250	26136	TES	testin LIM	GO:000828	GO:000551	GO:000563	141	491	3.47	1.80
CHsGV100	CHsGV100040	ENSG0000	NM_015446	25909	AHCTF1	AT-hook c	GO:000027	GO:000367	GO:000077	255	262	1.03	0.04
H20000578	H200005781	ENSG0000	NM_015419	25878	MXRA5	matrix-rem	GO:000815	GO:000367	GO:0070062	extracellu	6		
CHsGV100	CHsGV1000133	ENSG0000	NM_001291	23646	PLD3	phospholipa	GO:000664	GO:000463	GO:000578	226	299	1.32	0.40
H20000722	H200007220	ENSG0000	NM_001130	23624	CBLC	Cbl proto-c	GO:000716	GO:000178	GO:000563	11	15	1.34	0.43
AHsV1000	AHsV10003130	ENSG0000	NM_024299	79144	PPDPF	pancreatic	GO:000170	-	-	466	690	1.48	0.57
H20000141	H200001419	ENSG0000	NM_022912	65055	REEP1	receptor ad	GO:003238	GO:000551	GO:000573	14	18	1.26	0.33
CHsGV100	CHsGV1000134	ENSG0000	NR_126051	64900	LPIN3	lipin 3	GO:000664	GO:000371	GO:0005634	nucleus,G	4		
CHsGV100	CHsGV100003	ENSG0000	NM_022454	64321	SOX17	SRY-box 1	GO:000012	GO:000122	GO:000563	8	12	1.48	0.57
CHsGV100	CHsGV1000188	ENSG0000	NM_011519	64215	DNAJC1	DnaJ heat	GO:000641	GO:000167	GO:000578	174	306	1.76	0.82
H20000333	H200003339	ENSG0000	NM_021732	60370	AVP11	arginine va	GO:000018	GO:000551	-	116	124	1.07	0.10
AHsV1000	AHsV10000657	ENSG0000	NM_033066	58538	MPP4	membrane	GO:003541	-	GO:0005654	nucleoplasm,GO:0005737	cytopla		
H20000367	H200003674	ENSG0000	NM_016058	51002	TPRKB	TP53RK bir	GO:000640	GO:000551	GO:000563	1598	1461	0.91	-0.13
H20000743	H200007439	ENSG0000	NM_001204	50859	SPOCK3	sparc/oste	GO:000716	GO:000550	GO:0005578	proteinaceous extracellular matri			
CHsGV100	CHsGV1000324	ENSG0000	NM_013376	29950	SERTAD1	SERTA dor	GO:000007	GO:000551	-	197	183	0.93	-0.11
AHsV1000	AHsV10002425	ENSG0000	XM_005245	29922	NME7	NME/NM23	GO:000335	GO:000455	GO:000581	396	377	0.95	-0.07
CHsGV100	CHsGV1000393	ENSG0000	NM_019844	28234	SLCO1B3	solute carr	GO:000820	GO:000851	GO:0005886	plasma m	4		
AHsV1000	AHsV10002161	ENSG0000	XM_006719	27340	UTP20	UTP20, sm	GO:000044	GO:000551	GO:000565	24	31	1.33	0.41
AHsV1000	AHsV10001701	ENSG0000	XM_011541	57576	KIF17	kinesin fam	GO:000699	GO:000552	GO:0005829	cytosol,G	6		
CHsGV100	CHsGV1000122	ENSG0000	NM_001145	57153	SLC44A2	solute carr	GO:000664	GO:000487	GO:000576	81	82	1.01	0.02
H20001432	H200014322	ENSG0000	NR_104417	57128	LYRM4	LYR motif	GO:004428	-	GO:000563	672	714	1.06	0.09
AHsV1000	AHsV10002244	ENSG0000	NM_021254	56683	C21orf59	chromosom	GO:004885	-	GO:000563	690	822	1.19	0.25
H20001151	H200011517	ENSG0000	NM_001040	56650	CLDND1	claudin dor	-	-	GO:000998	490	609	1.24	0.31
AHsV1000	AHsV10002791	ENSG0000	NR_051952	55869	HDAC8	histone dea	GO:000012	GO:000440	GO:000011	133	194	1.45	0.54
AHsV1000	AHsV10001096	ENSG0000	NM_015691	55841	WWC3	WWC family	GO:000012	GO:001990	GO:0005829	cytosol	3		
AHsV1000	AHsV10001578	ENSG0000	NM_015596	26085	KLK13	kallikrein re	GO:000650	GO:000425	GO:000557	6	9	1.58	0.66
H20000423	H200004239	ENSG0000	XM_005245	26052	DNM3	dynamain 3	GO:000689	GO:000392	GO:0001917	photorece	9		
H30001891	H300018914	ENSG0000	NM_015387	25843	MOB4	MOB family	GO:000681	GO:000551	GO:000573	392	426	1.09	0.12
H20001559	H200015594	ENSG0000	XM_006716	25822	DNAJB5	DnaJ heat	GO:000012	GO:000551	GO:000563	233	214	0.92	-0.12
H20000594	H200005943	ENSG0000	NM_181837	23595	ORC3	origin recog	GO:000008	GO:000368	GO:000078	879	904	1.03	0.04
CHsGV100	CHsGV1000406	ENSG0000	NM_012477	23559	WBP1	WW domain	GO:000815	GO:000551	GO:000557	107	87	0.82	-0.29
CHsGV100	CHsGV1000088	ENSG0000	NM_001129	79047	KCTD15	potassium	GO:000727	GO:000551	-	54	113	2.08	1.06
AHsV1000	AHsV10001360	ENSG0000	NM_022827	64847	SPATA20	spermatoge	GO:000727	GO:000382	GO:0005576	extracellular region			
H20000605	H200006056	ENSG0000	NM_022780	64795	RMND5A	required fo	-	GO:000551	-	184	173	0.94	-0.08
H20000529	H200005290	ENSG0000	NM_022159	64123	ADGRL4	adhesion G	GO:000716	GO:000493	GO:0005886	plasma m	3		
CHsGV100	CHsGV100002	ENSG0000	XM_005267	64093	SMOC1	SPARC rel	GO:000165	GO:000550	GO:000560	38	47	1.23	0.30
CHsGV100	CHsGV100023	ENSG0000	NM_021061	58500	ZNF250	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus	7		
CHsGV100	CHsGV1000208	ENSG0000	XM_011545	58473	PLEKHB1	pleckstrin p	GO:000727	GO:000487	GO:0005737	cytoplasm,GO:0016021	integral c		
H20001689	H200016896	ENSG0000	NM_016944	50832	TAS2R4	taste 2 rec	GO:000158	GO:000852	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in		
CHsGV100	CHsGV100004	ENSG0000	XM_011539	50632	CALY1	calcyon ne	GO:000689	GO:0003205	GO:000588	31	33	1.05	0.07
H20000612	H200006126	ENSG0000	NM_013285	29889	GNL2	guanine nu	GO:000815	GO:000392	GO:000563	2471	1818	0.74	-0.44
H20000529	H200005292	ENSG0000	NM_014550	29775	CARD10	caspase re	GO:000646	GO:000551	GO:000573	6	15	2.68	1.42
CHsGV100	CHsGV1000195	ENSG0000	NM_001003	27303	RBMS3	RNA bindin	GO:004572	GO:000016	GO:0005737	cytoplasm	5		
H20000966	H200009661	ENSG0000	NM_001199	27250	PDCD4	programme	GO:000691	GO:000372	GO:000563	185	247	1.34	0.42
CHsGV100	CHsGV1000123	ENSG0000	NM_001282	57502	NLGN4X	neurologin 4	GO:000336	GO:000487	GO:000561	57	54	0.96	-0.06
AHsV1000	AHsV10000135	ENSG0000	XM_006718	57104	PNPLA2	patatin like	GO:000664	GO:000480	GO:000578	29	36	1.22	0.29
H30002134	H300021347	ENSG0000	XM_011515	57037	ANKMY2	ankyrin rep	-	GO:000551	GO:000592	364	287	0.79	-0.34
AHsV1000	AHsV10000155	ENSG0000	XM_011519	56288	PARD3	par-3 famil	GO:000022	GO:000508	GO:000581	89	113	1.27	0.35
AHsV1000	AHsV10000290	ENSG0000	XM_005269	56165	TDRD1	tudor doma	GO:000727	GO:000551	GO:000573	11	14	1.26	0.33
CHsGV100	CHsGV1000073	ENSG0000	XM_006720	55812	SPATA7	spermatoge	GO:000728	GO:000551	GO:000593	40	47	1.19	0.25
H20000307	H200003075	ENSG0000	NR_028343	55786	ZNF415	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005730	nucleolus,GO:0005737	cytoplasm		
CHsGV100	CHsGV1000088	ENSG0000	NM_015551	26032	SUSD5	sushi doma	GO:000715	GO:000554	GO:001602	17	21	1.22	0.28
AHsV1000	AHsV10001396	ENSG0000	XR_950775	26000	TBC1D10B	TBC1 doma	GO:004214	GO:000509	GO:000573	103	96	0.94	-0.10
H20000669	H200006697	ENSG0000	XM_005248	25803	SDEF	SAM pointe	GO:000012	GO:000098	GO:000563	6	12	1.89	0.92
H20001539	H200015391	ENSG0000	NM_015373	25776	CBY1	chibby hom	GO:000810	GO:000551	GO:000563	186	168	0.90	-0.15
CHsGV100	CHsGV100001	ENSG0000	NM_001281	23528	ZNF281	zinc finger	GO:000012	GO:000097	GO:000563	222	190	0.86	-0.22
H20001473	H200014733	ENSG0000	NM_001318	23506	GLTSCR1L	GLTSCR1	-	-	-	123	158	1.29	0.36
DHsGV100	DHsGV100004	ENSG0000	NR_034179	653712	LOC65371	intraflagella	-	-	-				
DHsTV100	DHsTV1000008	ENSG0000	XM_011536	60468	BACH2	BTB domai	GO:000012	GO:000098	GO:0005634	nucleus,GO:0005737	cytoplasm,C		
DHsGV100	DHsGV1000536	-	-	-	-	-	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000260	-	XM_011511	83607	AMMECR1	AMMECR1	-	-	-	19	31	1.60	0.67
CHsGV100	CHsGV1000016	ENSG0000	NM_153236	168537	GMAP7	GTPase, IM	-	GO:000392	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005811	lipid parti		
AHsV1000	AHsV10002006	ENSG0000	NM_145291	166793	ZBTB49	zinc finger	GO:000635	GO:000122	GO:0005634	nucleus,G	10		
AHsV1000	AHsV10000955	ENSG0000	NM_001007	157773	C8orf48	chromosom	-	GO:000551	-				
AHsV1000	AHsV10002569	ENSG0000	NM_001001	155054	ZNF425	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus,G	12		
CHsGV100	CHsGV1000004	ENSG0000	NM_001300	149041	RC3H1	ring finger	GO:000028	GO:000373	GO:000093	23	28	1.22	0.29
H30000367	H300003675	ENSG0000	NM_145173	148252	DIRAS1	DIRAS fam	GO:000726	GO:000392	GO:000562	26	19	0.73	-0.46
CHsGV100	CHsGV1000158	ENSG0000	XM_011542	143872	ARHGAP4	Rho GTPas	GO:000716	GO:000509	-	6	17	2.86	1.51
AHsV1000	AHsV10001827	ENSG0000	NM_130848	140947	DCANP1	dendritic c	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus,GO:0005737	cytoplasm		
CHsGV100	CHsGV1000206	ENSG0000	XM_011542	79639	TMEM53	transmemb	-	-	GO:000563	13	16	1.26	0.34
DHsGV100	DHsGV1000380	-	-	-	-	-	-	-	-	10	12	1.26	0.33
CHsGV100	CHsGV100033	ENSG0000	XR_929801	401563	C9orf139	chromosom	-	-	-	27	31	1.12	0.17
DHsGV100	DHsGV1000046	ENSG0000	-	-	RP11-12D	-	-	-	-	7	10	1.43	0.52
DHsGV100	DHsGV1000425	-	NM_001144	391322	LOC39132	D-dopachr	-	-	-	22	32	1.44	0.52
AHsV1000	AHsV10000287	ENSG0000	NM_153216	134187	POU5F2	POU domai	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus	5		
AHsV1000													

CHsGV100	CHsGV1000093	ENSG0000	NM_052911	114799	ESCO1	establishme	GO:000027	GO:001674	GO:000078	53	71	1.34	0.42
AHsV1000	AHsV10002919	ENSG0000	NM_080866	114571	SLC22A9	solute carr	GO:000991	GO:000545	GO:000588	integral component of plasma me			
AHsV1000	AHsV10001759	-	NM_021177	57819	LSM2	LSM2 hom	GO:000028	GO:000372	GO:000093	1723	1708	0.99	-0.01
DHsGV100	DHsGV1000273	-	-	-	-	-	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000224	-	-	-	-	-	-	-	-	17	23	1.38	0.47
DHsGV100	DHsGV1000398	-	-	-	-	-	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000516	-	-	-	-	-	-	-	-	205	174	0.85	-0.24
H20001652	H200016520	ENSG0000	NM_181713	165324	UBXN2A	UBX domai	GO:000703	GO:000859	GO:000563	242	236	0.97	-0.04
AHsV1000	AHsV10002970	ENSG0000	XM_011509	163486	DENN1B	DENN dom	GO:001503	GO:001711	GO:000582	20	45	2.24	1.16
H30001051	H300010512	ENSG0000	-	154075	SAMD3	sterile alph	-	GO:000551	-		8		
CHsGV100	CHsGV1000148	ENSG0000	NR_103795	152518	NFXL1	nuclear tra	GO:000012	GO:000097	GO:000563	65	65	0.99	-0.01
AHsV1000	AHsV10002012	ENSG0000	NM_001080	147699	PPM1N	protein pho	GO:000647	GO:000028	-	45	38	0.86	-0.22
AHsV1000	AHsV10003309	ENSG0000	XM_011523	147111	NOTUM	notum pect	GO:001605	GO:199069	GO:000557	188	150	0.80	-0.32
AHsV1000	AHsV10000958	ENSG0000	NM_080675	140732	SUN5	Sad1 and L	GO:000699	GO:000367	GO:000557	cellular_component,GO:0005635			
AHsV1000	AHsV10000506	ENSG0000	NM_018083	140467	ZNF358	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	12	19	1.63	0.71
AHsV1000	AHsV10003270	ENSG0000	XM_011523	79567	FAM65A	family with	GO:000815	GO:000367	GO:000573	8	13	1.67	0.74
DHsGV100	DHsGV1000166	ENSG0000	NR_036501	401321	LINC00997	long interge	-	-	-		6		
opHsV0400	opHsV0400008	ENSG0000	NM_001168	401115	C4orf48	chromosom	-	-	GO:000557	431	387	0.90	-0.16
DHsGV100	DHsGV1000494	-	-	-	-	-	-	-	-	11	15	1.38	0.47
AHsV1000	AHsV10000717	ENSG0000	XM_011521	390598	SKOR1	SKI family	GO:000012	GO:000371	GO:000563	nucleus,GO		3	
H20002126	H200021268	ENSG0000	-	131890	GRK7	G protein-c	GO:000760	GO:000470	GO:009738	1 photoreceptor disc membrane			
AHsV1000	AHsV10002901	ENSG0000	NM_152392	130872	AHSA2	AHA1, acti	GO:003278	GO:000167	-	88	128	1.46	0.54
AHsV1000	AHsV10003505	ENSG0000	NM_152356	126069	ZNF491	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	29	45	1.58	0.66
AHsV1000	AHsV10002769	ENSG0000	NM_001042	125150	ZSWIM7	zinc finger	GO:000072	GO:000551	GO:000563	89	121	1.37	0.45
AHsV1000	AHsV10000361	ENSG0000	NM_018593	117247	SLC16A10	solute carr	GO:000681	GO:000521	GO:000588	plasma membrane,GO:0005887 in			
H30001530	H300015303	ENSG0000	NM_053052	116841	SNAP47	synaptosom	GO:001608	GO:000548	GO:000588	320	255	0.80	-0.33
AHsV1000	AHsV10002849	ENSG0000	XM_011537	113251	LARP4	La ribonuc	GO:000701	GO:000016	GO:001602	223	231	1.04	0.06
AHsV1000	AHsV10001039	ENSG0000	NM_001308	112703	FAM71E1	family with	-	-	GO:000563	10	13	1.34	0.42
CHsGV100	CHsGV1000196	ENSG0000	NM_020940	57700	FAM160B1	family with	-	-	-		10		
AHsV1000	AHsV10001854	-	-	-	-	-	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000009	-	-	-	-	-	-	-	-				
AHsV1000	AHsV10002210	ENSG0000	XM_011525	645369	TMEM200C	transmemb	-	-	GO:001602	1 integral component of membrane			
AHsV1000	AHsV10002986	-	NM_001080	644943	RASSF10	Ras associ	GO:000716	-	GO:000092	2 spindle po	3		
CHsGV100	CHsGV1000305	ENSG0000	NM_001102	162962	ZNF836	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	146	133	0.91	-0.14
AHsV1000	AHsV10003003	ENSG0000	XM_011521	161502	CFAP161	cilia and fla	-	-	-	89	32	0.36	-1.48
CHsGV100	CHsGV1000138	ENSG0000	NM_001288	151613	TTC14	tetratricop	-	GO:000367	-	297	332	1.12	0.16
CHsGV100	CHsGV1000224	ENSG0000	NM_152519	151050	KANSL1L	KAT8 regul	-	-	GO:000012	3 histone ac	3		
AHsV1000	AHsV10002794	ENSG0000	XM_006721	146664	MGAT5B	mannosyl (G	GO:000648	GO:000551	GO:000013	9 Golgi men	9		
AHsV1000	AHsV10001726	ENSG0000	XM_011545	146177	VWA3A	von Willebr	-	-	GO:000557	6 extracellular region			
AHsV1000	AHsV10000326	ENSG0000	NM_001017	139425	DCAF8L1	DDB1 and	-	-	-				
CHsGV100	CHsGV1000070	ENSG0000	NM_001135	138429	PIP5K1L	phosphatid	GO:004685	GO:000552	GO:000573	10	16	1.67	0.74
AHsV1000	AHsV10001284	ENSG0000	NM_001282	79175	ZNF343	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	nucleus		13	
AHsV1000	AHsV10001719	ENSG0000	NR_033831	400952	LINC01121	long interge	-	-	-	18	21	1.16	0.22
DHsGV100	DHsGV1000365	-	XM_003846	400682	LOC400682	zinc finger	-	-	-	534	455	0.85	-0.23
AHsV1000	AHsV10002734	ENSG0000	NM_001005	390063	OR51I1	olfactory re	GO:000716	GO:000493	GO:000588	4	8	1.97	0.98
AHsV1000	AHsV10003033	ENSG0000	XM_011517	389668	XKR9	XK related	-	-	GO:001602	6 membrane			
AHsV1000	AHsV10002778	ENSG0000	NM_001029	130106	CIB4	calcium anc	-	GO:000028	-	47	45	0.96	-0.06
H30000904	H300009047	ENSG0000	NM_080610	128821	CST9L	cystatin 9-	GO:001095	GO:000486	GO:000557	6 extracellu	7		
AHsV1000	AHsV10000736	ENSG0000	XM_011523	124751	KRBA2	KRAB-A d	GO:000635	GO:000367	GO:000562	2 intracellular			
CHsGV100	CHsGV1000263	ENSG0000	NM_173475	123879	DCUN1D3	defective in	GO:001022	GO:000367	GO:000015	1 ubiquitin l	25		
AHsV1000	AHsV10000456	ENSG0000	NM_001288	116173	CMTM5	CKLF like	GO:000693	GO:000512	GO:000561	164	121	0.74	-0.44
DHsTV100	DHsTV1000003	-	-	-	-	-	-	-	-		5		
CHsGV100	CHsGV1000053	ENSG0000	XM_011535	94240	EPSTI1	epithelial st	-	-	-		9		
CHsGV100	CHsGV1000262	ENSG0000	NM_053044	94031	HTRA3	HtrA serine	GO:000155	GO:000417	GO:000557	4 extracellu			
AHsV1000	AHsV10000670	ENSG0000	NM_001303	57599	WDR48	WD repeat	GO:000072	GO:000551	GO:000563	145	146	1.01	0.01
DHsGV100	DHsGV1000286	-	XR_942078	105370256	LOC105370	uncharacte	-	-	-		5		
AHsV1000	AHsV10003172	ENSG0000	NM_001039	646962	HRCT1	histidine ric	-	-	GO:001602	5 integral co			
DHsGV100	DHsGV1000544	-	-	-	-	-	-	-	-	13	18	1.35	0.43
DHsGV100	DHsGV1000076	-	-	-	-	-	-	-	-	8	8	1.00	0.00
AHsV1000	AHsV10002048	ENSG0000	XM_011539	159686	CFAP58	cilia and fla	-	GO:000551	GO:000561	5 extracellu	3		
H30001310	H300013102	ENSG0000	XM_011518	158427	TSTD2	thiosulfate	GO:000815	GO:000367	GO:000557	148	213	1.44	0.52
CHsGV100	CHsGV1000252	ENSG0000	NM_001304	150290	DUSP18	dual specif	GO:000018	GO:000472	GO:000563	7	17	2.41	1.27
CHsGV100	CHsGV1000078	ENSG0000	NM_153606	149647	FAM71A	family with	-	-	GO:000563	4 nucleus			
AHsV1000	AHsV10001447	ENSG0000	NM_138476	145553	MDP1	magnesium	GO:003533	GO:000472	GO:007006	112	144	1.29	0.37
AHsV1000	AHsV10003259	ENSG0000	XR_931275	144568	A2ML1	alpha-2-ma	GO:001095	GO:000486	GO:000561	5 extracellular space,GO:0070062 e			
CHsGV100	CHsGV1000287	ENSG0000	XM_011516	137835	TMEM71	transmemb	-	-	GO:001602	1 integral component of membrane			
AHsV1000	AHsV10001568	ENSG0000	XM_011535	135250	RAET1E	retinoic aci	GO:000191	GO:000382	GO:000557	6 extracellular region,GO:0005886			
H30000316	H300003166	ENSG0000	NR_134470	79077	DCTPP1	dCTP pyro	GO:000914	GO:000028	GO:000582	2353	1621	0.69	-0.54
DHsGV100	DHsGV1000123	-	-	-	-	-	-	-	-	46	32	0.69	-0.53
AHsV1000	AHsV10001871	ENSG0000	NM_001145	399697	CTXN2	cortexin 2	-	-	GO:001602	1 integral component of membrane			
DHsTV100	DHsTV1000007	-	NR_134614	105374972	LOC105374	uncharacte	-	-	-				
AHsV1000	AHsV10000414	ENSG0000	NM_001164	389177	TMEM212	transmemb	-	-	GO:001602	1 integral component of membrane			
AHsV1000	AHsV10000021	-	NM_153213	128272	ARHGEF19	Rho guanin	GO:003295	GO:000508	-	147	131	0.89	-0.16
AHsV1000	AHsV10002498	ENSG0000	XM_011509	127579	DCST2	DC-STAMP	-	-	GO:001602	35	31	0.89	-0.18
CHsGV100	CHsGV1000384	ENSG0000	NM_172193	122773	KLHDC1	kelch doma	-	-	GO:000573	3 cytoplasm			
AHsV1000	AHsV10003416	ENSG0000	XM_011537	121391	KRT74	keratin 74,	GO:004510	GO:000519	GO:000573	7 cytoplasm,GO:0045095 keratin fil			
AHsV1000	AHsV10001495	ENSG0000	XM_011509	115350	FCRL1	Fc recepto	-	-	GO:000588	6 plasma membrane,GO:0016021 in			
H20001787	H200017874	ENSG0000	NM_017784	114884	OSBPL10	oxysterol b	GO:000662	GO:000178	GO:000573	3 cytoplasm			
CHsGV100	CHsGV100022	ENSG0000	NM_001134	93587	TRMT10A	tRNA meth	GO:000640	GO:000004	GO:000563	47	73	1.56	0.64
AHsV1000	AHsV10002643	-	NM_145166	92999	ZBTB47	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	13	15	1.12	0.16
CHsGV100	CHsGV1000176	ENSG0000	XM_011525	57532	NUFIP2	nuclear fra	-	GO:000372	GO:000563	50	79	1.56	0.65
H20000651	H200006513	ENSG0000	NM_005415	6574	SLC20A1	solute carr	GO:000679	GO:000487	GO:000588	3448	4373	1.27	0.34
DHsGV100	DHsGV1000263	-	XR_926725	105375027	LOC105375	uncharacte	-	-	-	13	15	1.14	0.19
DHsGV100	DHsGV1000295	ENSG0000	XM_006721	1267	CNP	2',3'-cyclic	GO:000022	GO:000372	GO:000561	7 extracellu			
DHsGV100	DHsGV1000065	-	-	-	-	-	-	-	-		9		
DHsGV100	DHsGV1000085	-	-	-	-	-	-	-	-		3		
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	-	-	XXbac-BP	-	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000384	-	-	-	-	-	-	-	-	12	24	1.94	0.96
DHsGV100	DHsGV1000549	ENSG0000	NM_001303	84617	TUBB6	tubulin bet	GO:000645	GO:000367	GO:000563	12	14	1.15	0.20

DHsGV100	DHsGV100024	ENSG0000	-	54509	RHOF	ras homolo	GO:000701	GO:000392	GO:000582	14	12	0.91	-0.14
DHsGV100	DHsGV100019	ENSG0000	NM_031910	114904	C1QTNF6	C1q and tu	GO:007020	GO:000551	GO:000558	32	27	0.84	-0.26
AHsV1000	AHsV10001524	-	NM_001126	100144748	KLLN	killin, p53-r	GO:000691	GO:000367	GO:0005634	nucleus,GO:0005730	nucleolus		
AHsV1000	AHsV10002682	ENSG0000	XM_005252	503542	SPRN	shadow of	GO:000660	GO:000367	GO:0005730	nucleolus,GO:0005829	cytosol,GO		
AHsV1000	AHsV10003088	ENSG0000	NM_001128	448835	LCE6A	late cornifi	GO:003142	-	-	27	25	0.91	-0.14
AHsV1000	AHsV10001867	ENSG0000	NR_033971	440034	DKFZp686k	uncharacte	-	-	-				
AHsV1000	AHsV10002693	ENSG0000	NM_001001	414061	DNAJB3	DnaJ heat	-	-	GO:0070062	extracellular	exosome		
H20001024	H200010243	ENSG0000	NM_006831	10978	CLP1	cleavage ar	GO:000039	GO:000552	GO:000021	667	469	0.70	-0.51
H20000422	H200004226	ENSG0000	NM_001319	10450	PPIE	peptidylpro	GO:000039	GO:000016	GO:000563	849	902	1.06	0.09
H20000742	H200007426	ENSG0000	NM_000536	5897	RAG2	recombinat	GO:000232	GO:000367	GO:0005654	nucleopla	9		
H20001053	H200010537	ENSG0000	NM_153426	5308	PITX2	paired like	GO:000012	GO:000097	GO:000563	10	16	1.67	0.74
H20001235	H200012359	ENSG0000	NM_001015	860	RUNX2	runt relate	GO:000150	GO:000097	GO:000079	18	25	1.37	0.45
opHsV0400	opHsV0400001	-	-	-	-	-	-	-	-	382	346	0.91	-0.14
H30000731	H300007317	ENSG0000	NM_005954	4504	MT3	metallothio	GO:000006	GO:000550	GO:000561	329	299	0.91	-0.14
H20001634	H200016345	ENSG0000	XM_011540	6441	SFTPD	surfactant	GO:000181	GO:000551	GO:000557	14	14	0.98	-0.03
H20000573	H200005739	ENSG0000	NM_005382	4741	NEFM	neurofilame	GO:003369	GO:000520	GO:000588	60	54	0.91	-0.14
H30001539	H300015390	ENSG0000	XM_011538	196374	KRT78	keratin 78,	-	GO:000519	GO:000561	6	10	1.61	0.69
H20001167	H200011673	ENSG0000	NM_020137	56850	GRIPAP1	GRIP1 assc	GO:000815	GO:000367	GO:000576	93	143	1.55	0.63
H20000279	H200002791	ENSG0000	NM_032283	84243	ZDHHC18	zinc finger	GO:001834	GO:000827	GO:000579	167	155	0.93	-0.11
H20000050	H200000509	ENSG0000	NM_000348	6716	SRD5A2	steroid 5 al	GO:000670	GO:000386	GO:0005789	endoplasmic	reticulum	membrane	
H20000343	H200003435	ENSG0000	NM_002556	5007	OSBP	oxysterol b	GO:001591	GO:000551	GO:000013	238	254	1.07	0.09
H20001215	H200012154	ENSG0000	XM_011523	2027	ENO3	enolase 3 (GO:000597	GO:000028	GO:000001	52	60	1.15	0.20
H20000502	H200005026	ENSG0000	NM_000521	3074	HEXB	hexosamin	GO:000150	GO:000456	GO:000166	909	765	0.84	-0.25
H20000034	H200000341	ENSG0000	NM_001764	910	CD1B	CD1b mole	GO:000225	GO:000551	GO:0005765	lysosomal	12		
H20000037	H200000377	ENSG0000	XM_011521	2562	GABRB3	gamma-am	GO:000681	GO:000489	GO:0005886	plasma m	10		
H20001359	H200013595	ENSG0000	NR_047666	58513	EPS15L1	epidermal g	GO:000689	GO:000550	GO:000563	64	58	0.91	-0.13
H20000649	H200006499	ENSG0000	NM_001242	5862	RAB2A	RAB2A, me	GO:000027	GO:000392	GO:000013	536	419	0.78	-0.35
H20000840	H200008402	ENSG0000	NM_004159	5696	PSMB8	proteasome	GO:000008	GO:000429	GO:0000502	proteasom	4		
H20000690	H200006907	ENSG0000	XM_011544	7994	KAT6A	lysine acet	GO:000300	GO:000367	GO:000078	253	293	1.16	0.21
H20000883	H200008839	ENSG0000	XM_011516	51085	MLXIPL	MLX intera	GO:000012	GO:000097	GO:000563	12	17	1.43	0.52
H30001980	H300019806	ENSG0000	NM_001301	11100	HNRNPUL	heterogene	GO:000039	GO:000372	GO:000563	540	461	0.85	-0.23
H20000027	H200000276	ENSG0000	XM_011536	3002	GZMB	granzyme B	GO:000191	GO:000425	GO:000177	24	23	0.96	-0.06
H30001860	H300018606	ENSG0000	XM_005269	55118	CRTAC1	cartilage ac	GO:000741	GO:000550	GO:000557	5	11	2.11	1.07
H20000648	H200006480	ENSG0000	XR_429741	9785	DEAH-box	DEAH-box	GO:000039	GO:000400	GO:000563	186	198	1.07	0.09
H20001658	H200016581	ENSG0000	XM_011522	8924	HERC2	HECT and	GO:000072	GO:000484	GO:000563	175	247	1.41	0.49
H30000111	H300001113	ENSG0000	NM_033176	644524	NKX2-4	NK2 homeo	GO:000635	GO:000367	GO:000557	18	22	1.22	0.28
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001170	4303	FOXO4	forkhead b	GO:000635	GO:000098	GO:000563	165	147	0.89	-0.16
H20002016	H200020162	ENSG0000	NR_037882	100533107	RTEL1-TN	RTEL1-TN	-	-	-	58	58	1.00	0.00
H20000068	H200000683	ENSG0000	NM_001184	4295	MLN	motilin	GO:000718	GO:000510	GO:000557	138	114	0.83	-0.27
H20001533	H200015331	ENSG0000	XM_011539	26103	LRIT1	leucine-ric	GO:000815	GO:000367	GO:003017	4	13	3.01	1.59
H30000425	H300004257	ENSG0000	NM_005664	7681	MKRN3	makorin rin	GO:001656	GO:000551	GO:003052	57	61	1.07	0.10
H30000352	H300003522	ENSG0000	NM_033033	3888	KRT82	keratin 82,	GO:000815	GO:003028	GO:004509	7	19	2.68	1.42
H30000038	H300000381	ENSG0000	XM_011536	145270	PRIMA1	proline rich	GO:004213	GO:001989	GO:001602	23	30	1.31	0.39
H30000629	H300006296	ENSG0000	NM_194434	9218	VAPA	VAMP assc	GO:000666	GO:000487	GO:000013	1617	1250	0.77	-0.37
H20000786	H200007867	ENSG0000	XM_011536	7272	TTK	TTK protei	GO:000705	GO:000467	GO:000581	491	547	1.11	0.16
H20001785	H200017851	ENSG0000	XR_945825	81855	SFXN3	sideroflexin	GO:003422	GO:001507	GO:000573	59	53	0.90	-0.15
H30002135	H300021357	ENSG0000	NR_108072	126129	CPT1C	carnitine pa	GO:000663	GO:000409	GO:000574	22	28	1.27	0.35
H30001945	H300019458	ENSG0000	XM_011519	10730	YME1L1	YME1 like	GO:000651	GO:000417	GO:000565	1808	2107	1.17	0.22
H20001732	H200017321	ENSG0000	NM_016306	51726	DNAJB11	DnaJ heat	GO:000645	GO:000551	GO:000578	855	892	1.04	0.06
H20000333	H200003334	ENSG0000	XM_011545	55331	ACER3	alkaline cer	GO:000666	GO:007077	GO:000578	110	127	1.15	0.20
H20000491	H200004912	ENSG0000	NM_001110	10804	GJB6	gap junctio	GO:000691	-	GO:0005829	cytosol,G	10		
H20000139	H200001392	ENSG0000	NM_006539	10368	CACNG3	calcium vol	GO:000681	GO:000524	GO:000588	132	103	0.78	-0.36
H20000180	H200001806	ENSG0000	NM_005973	5546	PRCC	papillary re	GO:000709	GO:000551	GO:000563	227	202	0.89	-0.17
H20001571	H200015713	ENSG0000	NM_014935	22874	PLEKHA6	pleckstrin p	-	-	-	7			
H20000431	H200004314	ENSG0000	NM_001276	8930	MBD4	methyl-Cp	GO:000628	GO:000369	GO:000078	453	503	1.11	0.15
H20000699	H200006994	ENSG0000	XM_011545	5871	MAD4K2	mitogen-ad	GO:000018	GO:000467	GO:000013	106	98	0.92	-0.12
H30001970	H300019703	ENSG0000	XM_011525	55890	GPRC5C	G protein-c	GO:000718	GO:000493	GO:0005887	integral c	17		
H30001890	H300018908	ENSG0000	NM_006302	7841	MOGS	mannosyl-c	GO:000645	GO:000457	GO:000578	93	82	0.88	-0.19
H20001276	H200012761	ENSG0000	NM_017913	55664	CDC37L1	cell divisio	GO:000645	GO:000551	GO:000573	77	78	1.01	0.02
H20001074	H200010741	ENSG0000	NM_001199	7746	ZSCAN9	zinc finger	GO:000635	GO:000370	GO:000563	99	103	1.04	0.05
H20001017	H200010175	ENSG0000	XM_011515	7291	TWIST1	twist family	GO:000012	GO:000098	GO:000563	6	14	2.39	1.26
H20000039	H200000397	ENSG0000	XM_011544	3508	IGHMBP2	immunoglob	GO:000626	GO:000004	GO:000563	118	99	0.84	-0.24
H20000066	H200000664	ENSG0000	NM_001130	2935	GSPT1	G1 to S ph	GO:000008	GO:000374	GO:000562	2418	1517	0.63	-0.67
H20000035	H200000350	ENSG0000	NM_001252	1208	CLPS	colipase	GO:000152	GO:000804	GO:000557	136	130	0.96	-0.06
H20000850	H200008506	ENSG0000	NM_001270	29079	MED4	mediator c	GO:000635	GO:000110	GO:000563	752	605	0.80	-0.31
H20000636	H200006362	ENSG0000	XM_006717	6709	SPTAN1	spectrin al	GO:000016	GO:000377	GO:000582	41	54	1.31	0.39
H20000206	H200002061	ENSG0000	XM_005251	1384	CRAT	carnitine O	GO:000681	GO:000409	GO:000573	56	64	1.14	0.19
H30002105	H300021055	ENSG0000	XM_011520	322	APBB1	amyloid bet	GO:000628	GO:000154	GO:000563	396	299	0.75	-0.41
H20001189	H200011896	ENSG0000	NM_000815	2563	GABRD	gamma-am	GO:000681	GO:000489	GO:000588	4	10	2.62	1.39
H30001847	H300018472	ENSG0000	XM_006715	10758	TRAF3IP2	TRAF3 inte	GO:000178	GO:000510	GO:000557	51	63	1.24	0.32
H20000524	H200005249	ENSG0000	XM_011524	11011	TLK2	tousled like	GO:000167	GO:000467	GO:000563	266	263	0.99	-0.02
H20000617	H200006179	ENSG0000	NM_002951	6185	RPN2	ribophorin	GO:000641	GO:000457	GO:000042	3194	2829	0.89	-0.18
H20001479	H200014798	ENSG0000	NM_004548	4716	NDUFB10	NADH:ubiq	GO:000612	GO:000551	GO:000574	1315	1324	1.01	0.01
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_181425	2395	FXN	frataxin	GO:000611	GO:000432	GO:000573	66	64	0.98	-0.03
H30001961	H300019619	ENSG0000	NM_001261	5715	PSMD9	proteasome	GO:000008	GO:000371	GO:000563	945	845	0.89	-0.16
H20001624	H200016242	ENSG0000	XM_006720	122786	FRMD6	FERM dom	GO:000338	GO:000551	GO:000573	50	45	0.90	-0.15
H20000108	H200001089	ENSG0000	NM_177968	5495	PPM1B	protein ph	GO:000647	GO:000028	GO:000582	376	426	1.14	0.18
H30001429	H300014294	ENSG0000	XM_011538	83892	KCTD10	potassium	GO:001656	GO:000484	GO:000565	60	55	0.92	-0.12
H30001982	H300019820	ENSG0000	XM_006718	5241	PGR	progester	GO:000154	GO:000097	GO:0005654	nucleopla	9		
H30002221	H300022213	ENSG0000	XM_006716	5108	PCM1	pericentrio	GO:000008	GO:000551	GO:000024	545	873	1.60	0.68
H20000714	H200007144	ENSG0000	NM_001127	3988	LIPA	lipase A, ly	GO:000090	GO:000477	GO:000576	65	58	0.90	-0.16
H20001004	H200010047	ENSG0000	NM_012316	23633	KPNA6	karyopherin	GO:000660	GO:000551	GO:000564	71	77	1.08	

H20001028	H200010284	ENSG0000	NM_004964	3065	HDAC1	histone dea	GO:000012	GO:000097	GO:000011	1960	1744	0.89	-0.17	
H20000798	H200007986	ENSG0000	NM_015975	51616	TAF9B	TATA-box	GO:000012	GO:000371	GO:000565	476	383	0.80	-0.31	
H30000901	H300009016	ENSG0000	NM_001077	7367	UGT2B17	UDP glucur	GO:000820	GO:000197	GO:000578	30	29	0.97	-0.05	
H30000442	H300004429	ENSG0000	NM_000766	1553	CYP2A13	cytochrom	GO:000680	GO:000550	GO:000578	21	24	1.14	0.19	
H20000193	H200001936	ENSG0000	NR_046317	1137	CHRNA4	cholinergic	GO:000150	GO:000488	GO:0005886	plasma m	5			
H30000229	H300002294	ENSG0000	NM_001270	7846	TUBA1A	tubulin alph	GO:000008	GO:000392	GO:000563	36	39	1.10	0.14	
H20000016	H200000169	ENSG0000	NM_002354	4072	EPCAM	epithelial c	GO:000165	GO:000551	GO:000588	649	587	0.90	-0.15	
H20000372	H200003720	ENSG0000	NM_001243	27148	STK36	serine/thre	GO:000335	GO:000028	GO:000563	32	31	0.98	-0.03	
H20000132	H200001321	ENSG0000	XM_011509	25778	DSTYK	dual serine	GO:001810	GO:000467	GO:000573	161	253	1.57	0.65	
H30000671	H300006714	ENSG0000	NR_036625	7416	VDAC1	voltage dep	GO:000042	GO:000551	GO:000563	2809	2143	0.76	-0.39	
opHsV0400	opHsV0400002	-	NM_002490	4700	NDUFA6	NADH:ubiq	GO:000612	GO:000813	GO:000574	534	411	0.77	-0.38	
H20000085	H200000857	ENSG0000	XM_005257	23580	CDC42EP4	CDC42 effe	GO:000726	GO:000509	GO:000573	56	59	1.06	0.08	
H20000709	H200007093	ENSG0000	XM_011537	10540	DCTN2	dynactin su	GO:000008	GO:000377	GO:000077	412	398	0.96	-0.05	
H20001572	H200015720	ENSG0000	XR_946800	9132	KCNQ4	potassium	GO:000681	GO:000525	GO:000573	40	25	0.61	-0.70	
H30000882	H300008827	ENSG0000	XR_930866	3746	KCNC1	potassium	GO:000681	GO:000524	GO:000588	28	27	0.97	-0.04	
H30001913	H300019138	ENSG0000	NM_006600	10726	NUDC	nudC nucle	GO:000027	GO:000551	GO:000565	1167	1136	0.97	-0.04	
H30001973	H300019739	ENSG0000	NR_037570	9054	NFS1	NFS1 cyste	GO:000009	GO:000551	GO:000563	122	99	0.81	-0.30	
H30002046	H300020460	ENSG0000	NM_001168	3708	ITPR1	inositol 1,4	GO:000166	GO:000521	GO:000563	266	282	1.06	0.08	
H30001936	H300019366	ENSG0000	XM_011519	3601	IL15RA	interleukin	GO:000716	GO:000487	GO:000013	97	83	0.85	-0.24	
H20000923	H200009232	ENSG0000	NM_001113	1889	ECE1	endothelin	GO:000166	GO:000417	GO:000576	17	67	3.86	1.95	
H20000091	H200000915	ENSG0000	NR_110022	1736	DKC1	dyskerin ps	GO:000049	GO:000372	GO:000563	3840	2971	0.77	-0.37	
H20000831	H200008315	ENSG0000	XM_011542	676	BRDT	bromodoma	GO:000120	GO:000371	GO:0005634	nucleus				
H20001275	H200012751	ENSG0000	NM_021231	58509	CACTIN	cactin, spli	GO:000039	GO:000551	GO:000563	330	353	1.07	0.10	
H20000724	H200007241	ENSG0000	NM_023074	65251	ZNF649	zinc finger	GO:000012	GO:000370	GO:000561	20	18	0.92	-0.13	
H20001103	H200011036	ENSG0000	NM_006635	10794	ZNF460	zinc finger	GO:000635	GO:000097	GO:0005634	nucleus	4			
H20001410	H200014109	ENSG0000	NM_033051	57864	SLC46A2	solute carr	GO:004302	GO:001529	GO:0005886	plasma m	7			
H20000536	H200005361	ENSG0000	NM_018122	55157	DARS2	aspartyl-tR	GO:000641	GO:000004	GO:000563	512	369	0.72	-0.47	
H20001750	H200017503	ENSG0000	NM_001307	29099	COMMD9	COMM dom	GO:000635	GO:000551	GO:000563	199	169	0.85	-0.24	
H20001311	H200013113	ENSG0000	NM_018248	55247	NEIL3	nei like DN	GO:000628	GO:000040	GO:000563	133	142	1.07	0.10	
H20001215	H200012156	ENSG0000	XM_005251	51101	ZC2HC1A	zinc finger	-	GO:000551	-	8	15	1.94	0.95	
H20000800	H200008008	ENSG0000	XM_005256	83693	HSDL1	hydroxyste	GO:005511	GO:001649	GO:000573	171	275	1.61	0.69	
H20000072	H200000723	ENSG0000	XM_011522	7023	TFAP4	transcripti	GO:000636	GO:000097	GO:000563	8	14	1.88	0.91	
H20000587	H200005872	ENSG0000	NM_002830	5775	PTPN4	protein tyr	GO:000647	GO:000472	GO:000573	52	55	1.07	0.10	
H20000829	H200008295	ENSG0000	XM_011545	81691	LOC81691	exonucleas	GO:009030	GO:000016	GO:000573	149	218	1.46	0.55	
H20001363	H200013635	ENSG0000	NM_022659	64641	EBF2	early B-ce	GO:000170	GO:000097	GO:000563	35	32	0.92	-0.12	
H20002087	H200020879	ENSG0000	NM_144694	148268	ZNF570	zinc finger	GO:000635	GO:000097	GO:000563	13	17	1.36	0.44	
H20000231	H200002317	ENSG0000	XM_006718	5866	RAB3IL1	RAB3A int	GO:001503	GO:000551	-	118	59	0.50	-0.99	
H20001740	H200017409	ENSG0000	NM_001318	51475	CABP2	calcium bin	GO:000716	GO:000550	GO:0005794	Golgi apparatus,GO:0005886	plas			
H20001503	H200015033	ENSG0000	NM_001244	79931	TNIP3	TNFAIP3 ir	GO:000275	GO:000551	-					
H20000104	H200001046	ENSG0000	NM_001308	26009	ZZZ3	zinc finger	GO:000632	GO:000367	GO:000563	179	266	1.49	0.57	
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_011517	340371	NRBP2	nuclear rec	GO:000646	GO:000467	GO:000573	36	33	0.89	-0.16	
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_176820	338321	NLRP9	NLR family	-	GO:000552	GO:000573	18	18	1.00	-0.01	
H20001071	H200010714	ENSG0000	XM_005249	155038	GIMAP8	GTPase, IM	-	GO:000552	GO:0005654	nucleopla	5			
H30000631	H300006311	-	NM_145057	148170	CDC42EP5	CDC42 effe	GO:000725	GO:000509	GO:000573	496	384	0.77	-0.37	
H20000745	H200007450	ENSG0000	NM_001243	114548	NLRP3	NLR family	GO:000267	GO:000551	GO:0005576	extracellu	8			
H20001873	H200018739	ENSG0000	NM_033195	92483	LDHAL6B	lactate def	GO:000597	GO:000445	GO:000563	14	13	0.88	-0.18	
H20001103	H200011039	ENSG0000	NM_000400	2068	ERCC2	excision re	GO:000166	GO:000367	GO:000043	96	101	1.06	0.08	
H30001918	H300019180	ENSG0000	NM_003616	8487	GEMIN2	gem nuclea	GO:000024	GO:000551	GO:000563	367	373	1.02	0.02	
H20000416	H200004166	ENSG0000	NM_017785	54908	SPDL1	spindle app	GO:000013	GO:000551	GO:000092	584	701	1.20	0.26	
H20001324	H200013242	ENSG0000	XM_011542	79830	ZMYM1	zinc finger	-	GO:000367	GO:000563	109	135	1.24	0.32	
H20001448	H200014487	ENSG0000	XM_005255	124056	NOXO1	NADPH oxi	GO:000680	GO:000551	GO:0005622	intracellul	7			
H20000014	H200000141	ENSG0000	NR_033393	6738	TROVE2	TROVE dom	GO:000252	GO:000372	GO:000563	1225	1059	0.86	-0.21	
H20001623	H200016230	ENSG0000	NM_016252	57448	BIRC6	baculoviral	GO:000646	GO:000484	GO:000092	149	217	1.46	0.54	
H20001168	H200011680	ENSG0000	XM_011525	84687	PPP1R9B	protein pho	GO:000156	GO:000486	GO:0000164	protein ph	4			
H20001109	H200011099	ENSG0000	XM_006717	23232	TBC1D12	TBC1 dom	GO:004354	GO:000509	-	16	33	2.06	1.04	
H20001263	H200012631	ENSG0000	NM_014467	27286	SRPX2	sushi-repe	GO:000152	GO:000510	GO:0005615	extracellular space,GO:0005737	c			
H20000428	H200004281	ENSG0000	NM_020774	57534	MIB1	mindbomb	GO:000156	GO:000484	GO:000573	141	217	1.54	0.62	
H20000089	H200000894	ENSG0000	NM_024522	79570	NKAIN1	Na+/K+ tra	GO:000202	GO:005111	GO:000588	7	13	1.93	0.95	
H20001642	H200016425	ENSG0000	NM_025227	80341	BPIFB2	BPI fold co	-	GO:000828	GO:000561	357	334	0.94	-0.10	
opHsV0400	opHsV0400010	ENSG0000	XM_011516	57154	SMURF1	SMAD spec	GO:000020	GO:000484	GO:000565	54	63	1.16	0.21	
H30002011	H300020110	ENSG0000	XM_011536	55147	RBM23	RNA bindin	GO:000639	GO:000016	GO:000563	117	132	1.13	0.17	
H20002127	H200021273	ENSG0000	NM_207186	283297	OR10A4	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:000588	5	12	2.41	1.27	
H20000993	H200009932	ENSG0000	NM_177401	90007	MDN1	midnolin	GO:003313	GO:001990	GO:000573	111	118	1.07	0.10	
H20000398	H200003985	ENSG0000	NR_104472	59271	EVA1C	eva-1 hom	-	GO:003024	GO:0016021	integral c	4			
H20000600	H200006006	-	XM_011520	6050	RNH1	ribonuclea	GO:000640	GO:000551	GO:000565	385	285	0.74	-0.43	
H20001806	H200018062	ENSG0000	-	442175	RPLP2P1	ribosomal p	-	-	-		6			
opHsV0400	opHsV0400010	ENSG0000	NM_001040	284612	SYPL2	synaptophy	GO:000681	GO:000521	GO:003028	8	13	1.55	0.63	
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_172140	282618	IFNL1	interferon,	GO:000282	GO:000510	GO:0005576	extracellu	9			
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_080836	140901	STK35	serine/thre	GO:000646	GO:000467	GO:000573	93	87	0.94	-0.09	
H20001985	H200019857	ENSG0000	XM_011535	135112	NCOA7	nuclear rec	GO:000635	GO:000551	GO:000562	146	287	1.97	0.98	
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_001291	89778	SERPINB1	serpin pept	GO:001095	GO:000486	GO:0005615	extracellu	7			
H20000809	H200008098	ENSG0000	XM_011521	84899	TMTC4	transmemb	-	-	GO:001602	84	84	1.01	0.01	
H30000020	H300000204	ENSG0000	NM_152945	129831	RBM45	RNA bindin	GO:000739	GO:000016	GO:000563	242	227	0.94	-0.09	
H30001748	H300017481	-	XM_006719	80824	DUSP16	dual specif	GO:000018	GO:000472	GO:000563	62	59	0.94	-0.09	
H30000817	H300008171	ENSG0000	NM_198468	253714	MMS22L	MMS22 like	GO:000072	GO:000551	GO:000565	70	92	1.31	0.39	
H20001234	H200012343	ENSG0000	NM_001031	90639	COX19	COX19 cyt	GO:000662	-	GO:000573	26	38	1.47	0.56	
H20000079	H200000796	ENSG0000	NM_001191	10772	SRSF10	serine/argi	GO:000024	GO:000016	GO:000563	476	538	1.13	0.18	
H20000306	H200003068	ENSG0000	NM_005875	10289	EIF1B	eukaryotic	GO:000641	GO:000374	GO:000557	2145	2440	1.14	0.19	
H20000342	H200003429	ENSG0000	NM_020801	57561	ARRDC3	arrestin do	GO:000165	GO:000551	GO:000576	149	372	2.49	1.32	
H20001982	H200019820	ENSG0000	XM_011515	2128	EVX1	even-skipp	GO:000979	GO:000370	GO:0005654	nucleopla	3			
H20001210	H200012108	-	NR_038198	80714	PBX4	pre-B-cell	GO:000636	GO:000370	GO:000174	21	26	1.20	0.26	
H20001987	H200019872	ENSG0000	NM_178491											

H20001254	H200012540	ENSG0000	NM_024747	79803	HPS6	HPS6, biog	GO:000699	GO:001713	GO:000578	324	246	0.76	-0.39	
H20001337	H200013375	ENSG0000	NM_015982	51087	YBX2	Y-box bind	GO:000635	GO:000367	GO:000563	189	162	0.86	-0.22	
H20000598	H200005988	ENSG0000	XR_945799	64318	NOC3L	NOC3 like	GO:004544	GO:000368	GO:000563	197	170	0.86	-0.21	
H30000588	H300005880	ENSG0000	NM_153252	254065	BRWD3	bromodoma	GO:000635	-	GO:000563	34	35	1.04	0.05	
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_001039	219972	MPEG1	macrophag	-	-	GO:001602	7	14	1.82	0.86	
H20002050	H200020508	ENSG0000	NM_152393	131377	KLHL40	kelch like f	GO:001656	GO:000484	GO:003146	29	27	0.95	-0.08	
H30000696	H300006961	ENSG0000	NM_001167	126282	TNFAIP8L	TNF alpha	GO:003200	GO:000551	GO:000573	94	87	0.92	-0.12	
H20000592	H200005927	ENSG0000	XM_011525	84336	TMEM101	transmemb	GO:000716	GO:000487	GO:000557	329	290	0.88	-0.18	
H30001935	H300019354	ENSG0000	NM_001159	83998	REG4	regeneratin	-	GO:000550	GO:000557	19	28	1.51	0.59	
H20000460	H200004609	ENSG0000	NM_016370	51209	RAB9B	RAB9B, me	GO:000726	GO:000551	GO:0005886	plasma m	4			
opHsV0400	opHsV0400002	-	XM_005250	10584	COLEC10	collectin su	-	GO:000553	GO:000557	4	13	3.01	1.59	
H20001659	H200016599	ENSG0000	NM_018352	55319	TMA16	translation	-	GO:000551	GO:000563	403	382	0.95	-0.08	
H20001919	H200019192	ENSG0000	NM_030908	79541	ORA2A4	olfactory re	GO:000718	GO:000367	GO:000588	25	34	1.35	0.43	
H20000767	H200007671	ENSG0000	NM_004474	2306	FOXO2	forkhead b	GO:000635	GO:000098	GO:0005634	nucleus				
H20000514	H200005144	ENSG0000	NM_015950	51069	MRPL2	mitochondr	GO:000218	GO:000373	GO:000574	520	457	0.88	-0.19	
H20000518	H200005187	ENSG0000	NM_016497	51258	MRPL51	mitochondr	GO:000641	GO:000373	GO:000574	1487	1118	0.75	-0.41	
H20000123	H200001237	ENSG0000	NM_001288	29086	BABAM1	BRISC and	GO:000072	GO:000551	GO:000563	665	797	1.20	0.26	
H20000578	H200005783	ENSG0000	NM_014931	22870	PPP6R1	protein pho	GO:000688	GO:000551	GO:000013	263	265	1.00	0.01	
H20001491	H200014915	-	NM_005650	6942	TCF20	transcripti	GO:000635	GO:000367	GO:000563	172	176	1.03	0.04	
H20001178	H200011788	ENSG0000	XM_011545	9739	SETD1A	SET domai	GO:000632	GO:000016	GO:000563	242	204	0.84	-0.25	
H20001109	H200011092	ENSG0000	XM_011520	55711	FAR2	fatty acyl-	GO:000861	GO:005006	GO:000577	62	93	1.50	0.59	
H20001422	H200014224	ENSG0000	NR_104262	55749	CCAR1	cell divisio	GO:000039	GO:000104	GO:000565	375	508	1.35	0.44	
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_018094	23708	GSPT2	G1 to S ph	GO:000018	GO:000374	GO:000582	46	41	0.90	-0.16	
H30001968	H300019685	ENSG0000	NM_033004	22861	NLRP1	NLR family	GO:000691	GO:000551	GO:000562	93	94	1.01	0.01	
H20000551	H200005512	ENSG0000	NM_001124	440957	SMIM4	small integr	-	-	GO:001602	1025	803	0.78	-0.35	
H20000252	H200002520	ENSG0000	NM_145202	118471	PRAP1	proline-rich	-	GO:000551	GO:000557	9	16	1.74	0.80	
H20000932	H200009320	ENSG0000	NM_001270	5015	OTX2	orthodentid	GO:000170	GO:000097	GO:0005634	nucleus,GO:0005737	cytoplasm,C			
H30000157	H300001570	ENSG0000	NR_121210	389898	UBE2NL	ubiquitin co	GO:000630	GO:003162	GO:000563	971	624	0.64	-0.64	
H30000601	H300006013	ENSG0000	NM_006382	374286	CDRT1	CMT1A dup	GO:000815	GO:000367	GO:0005575	cellular_co	6			
H20000134	H200001341	ENSG0000	NM_001105	200933	FBXO45	F-box prot	GO:000176	GO:000551	GO:001406	613	620	1.01	0.02	
H30000586	H300005869	ENSG0000	NM_153232	163126	EID2	EP300 inte	GO:000635	GO:000551	GO:000562	255	303	1.19	0.25	
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001206	646754	TRIM64C	tripartite m	-	GO:000827	GO:000562	119	75	0.63	-0.66	
H20000760	H200007602	ENSG0000	XM_011521	116179	TGM7	transglutam	GO:001814	GO:000381	-	9	14	1.49	0.57	
H30001079	H300010798	ENSG0000	XM_006720	80765	STAR5	STAR relat	GO:000670	GO:003205	GO:000582	17	17	0.94	-0.08	
H20001523	H200015236	ENSG0000	XM_011537	79944	L2HGDH	L-2-hydrox	GO:000610	GO:004754	GO:000573	190	177	0.93	-0.10	
H20000924	H200009242	ENSG0000	XM_011545	9092	SART1	squamous	GO:000038	GO:000551	GO:000565	343	389	1.14	0.18	
H20000605	H200006059	ENSG0000	NM_148955	6642	SNX1	sorting nex	GO:000688	GO:000515	GO:000573	742	547	0.74	-0.44	
H30002099	H300020993	ENSG0000	XR_242515	84720	PIGO	phosphatid	GO:000650	GO:000367	GO:000578	52	50	0.97	-0.04	
H30002098	H300020980	ENSG0000	XM_011515	136242	PRSS37	protease, s	GO:000650	GO:000425	GO:0005576	extracellu	8			
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_173852	200185	KRTCAP2	keratinocyt	GO:000815	GO:000367	GO:000557	2087	1947	0.93	-0.10	
H30002085	H300020855	ENSG0000	XM_011509	126668	TDRD10	tudor doma	-	GO:000016	-	7	16	2.18	1.13	
H30000526	H300005268	ENSG0000	NM_001284	150275	CCDC117	coiled-coil	-	GO:000551	-	47	60	1.28	0.36	
H30001780	H300017806	ENSG0000	NM_009586	6493	SIM2	single-minc	GO:000012	GO:000098	GO:0005654	nucleoplasm				
H30000148	H300001484	ENSG0000	NM_001301	136991	ASZ1	ankyrin rep	GO:000714	GO:000487	GO:0005737	cytoplasm,GO:0071546	pi-body			
H30002053	H300020538	ENSG0000	NM_139284	163175	LG14	leucine-rich	GO:000834	-	GO:000557	30	32	1.08	0.11	
H20001638	H200016385	ENSG0000	NM_032504	285175	UNC80	unc-80 hor	GO:003422	-	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in			
H20000770	H200007701	ENSG0000	NM_001145	80726	KIAA1683	KIAA1683	-	GO:000551	GO:000563	50	49	0.98	-0.03	
H20000290	H200002909	ENSG0000	NM_182752	127262	TPRG1L	tumor prot	GO:000815	GO:000367	GO:000802	55	72	1.31	0.39	
H20000130	H200001304	ENSG0000	NM_004319	460	ASTN1	astrotactin	GO:000176	-	GO:0005575	cellular_component,GO:0005768				
H20000752	H200007525	ENSG0000	NM_016955	51091	SEPSECS	Sep (O-ph	GO:000151	GO:000004	GO:000563	71	76	1.07	0.09	
H30000449	H300004494	ENSG0000	NM_001004	390162	OR5M9	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma m	6			
H30000626	H300006269	ENSG0000	NM_080608	128497	SPATA25	spermatoge	GO:000728	GO:000367	GO:000557	46	43	0.93	-0.10	
H30000527	H300005273	ENSG0000	NM_153234	167410	LIX1	limb and C	GO:009735	-	GO:0005737	cytoplasm				
H30000983	H300009830	ENSG0000	NM_017816	55646	LYAR	Ly1 antibo	-	GO:000551	GO:000563	638	654	1.02	0.04	
H30000592	H300005923	ENSG0000	NM_030632	80816	ASXL3	additional s	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus	3			
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	-	92017	SNX29	sorting nex	-	GO:003509	GO:0070062	extracellu	9			
H30000987	H300009872	ENSG0000	NM_001005	254973	OR1L4	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:000588	18	22	1.18	0.23	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_016360	51204	TACO1	translation	GO:000641	-	GO:000563	292	257	0.88	-0.18	
H20001619	H200016198	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
H20000312	H200003122	ENSG0000	NM_001142	79640	C22orf46	chromosom	-	-	GO:000557	29	35	1.19	0.25	
H20001754	H200017545	ENSG0000	NM_004045	475	ATOX1	antioxidant	GO:000030	GO:000537	GO:000582	592	484	0.82	-0.29	
H20001169	H200011691	ENSG0000	NM_138414	112869	SGF29	SAGA com	GO:000632	GO:000551	GO:000567	115	150	1.30	0.38	
H20000155	H200001555	ENSG0000	XM_006718	25988	HINFP	histone H4	GO:000007	GO:000097	GO:000563	66	56	0.85	-0.23	
H30001196	H300011962	ENSG0000	NM_006265	5885	RAD21	RAD21 cof	GO:000027	GO:000122	GO:000077	738	979	1.33	0.41	
H30001734	H300017344	ENSG0000	NM_006348	10466	COG5	component	GO:000688	GO:000367	GO:000013	136	220	1.62	0.69	
H30000787	H300007872	ENSG0000	NR_109856	129401	NUP35	nucleoporin	GO:000027	GO:000016	GO:000563	492	409	0.83	-0.27	
H30000775	H300007752	ENSG0000	NR_002141	388762	OR2M1P	olfactory re	-	-	-	-	-	-	-	-
H30002068	H300020688	ENSG0000	XM_011522	115992	RNF166	ring finger	GO:000020	GO:000827	GO:000562	308	322	1.04	0.06	
H30000473	H300004731	ENSG0000	NM_001271	100310846	ANKRD61	ankyrin rep	-	-	-	-	3			
H30002123	H300021230	ENSG0000	NM_005869	10283	CWC27	CWC27 spl	GO:000039	GO:000375	GO:007101	296	350	1.18	0.24	
H30000660	H300006603	ENSG0000	NM_174908	152137	CCDC50	coiled-coil	-	GO:000551	GO:000573	322	463	1.44	0.53	
H20000412	H200004123	ENSG0000	NM_019121	284352	PPP1R37	protein pho	GO:001092	GO:000486	-	25	39	1.52	0.61	
H20001102	H200011022	ENSG0000	NM_000124	2074	ERCC6	excision re	GO:000030	GO:000367	GO:000563	7	18	2.78	1.47	
H20000360	H200003607	ENSG0000	NM_001276	23262	PPIP5K2	diphosphoir	GO:000602	GO:000082	GO:000582	332	485	1.46	0.55	
H20000220	H200002208	ENSG0000	XM_006721	55028	C17orf80	chromosom	GO:000815	GO:000367	GO:001602	118	121	1.03	0.04	
H20001318	H200013182	ENSG0000	NM_001836	1215	CMA1	chymase 1	GO:000200	GO:000425	GO:0005576	extracellu	6			
H30000105	H300001050	ENSG0000	XM_011544	283212	KLHL35	kelch like f	-	GO:000551	-	-	-	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	-	340749	RPL7AP8	ribosomal p	-	-	-	6279	4937	0.79	-0.35	
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_021198	58190	CTDSP1	CTD small	GO:000193	GO:000551	GO:000563	86	74	0.86	-0.22	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001178	57282	SLC4A10	solute carr	GO:000681	GO:000545	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in			
H30000690	H300006906	ENSG0000	XM_011537	83851	SYT16	synaptotag	GO:000688	GO:000550	GO:0005623	cell				
H30000542	H300005427	ENSG0000	XM_011538	283373	ANKRD52	ankyrin rep	-	GO:000551	-	-	6			
H30001942	H300019422	ENSG0000	NM_014640	9654	TTL4	tubulin tyrc	GO:001809	GO:000552	GO:000					

H30000761	H300007610	ENSG0000	NR_131168	154386	LINC01600	long interge	-	-	-	40	38	0.96	-0.06
H30000100	H300001006	ENSG0000	NM_001164	651746	ANKRD33E	ankyrin rep	-	-	-	9	13	1.49	0.57
H30000216	H300002164	ENSG0000	-	149224	RPS7P4	ribosomal p	-	-	-	10878	9865	0.91	-0.14
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_181844	255877	BCL6B	B-cell CLL	GO:000012	GO:000097	GO:000563	38	27	0.70	-0.52
H30002064	H300020648	ENSG0000	XM_006721	11269	DDX19B	DEAD-box	GO:000640	GO:000372	GO:000563	190	173	0.91	-0.13
H30000354	H300003545	ENSG0000	XM_005269	119392	SFR1	SWI5 deper	GO:000072	GO:000551	GO:000563	119	121	1.02	0.03
H30000416	H300004164	ENSG0000	XM_011537	121256	TMEM132D	transmemb	GO:001092	GO:000551	GO:001602	19	24	1.26	0.33
H30001108	H300011081	ENSG0000	XM_011520	2059	EPS8	epidermal g	GO:000716	GO:000377	GO:000590	14	16	1.17	0.23
H20002016	H200020163	ENSG0000	NM_177938	54681	P4HTM	prolyl 4-hy	GO:004564	GO:000550	GO:000578	8	16	2.10	1.07
H20000610	H200006101	ENSG0000	NM_000509	2266	FGG	fibrinogen g	GO:000257	GO:000510	GO:0005576	extracellular region,GO:0005577			
H20001913	H200019137	ENSG0000	XM_005268	27165	GLS2	glutaminase	GO:000636	GO:000435	GO:0005739	mitochondrion,GO:0005759	mitoc		
H20001339	H200013390	ENSG0000	NM_024323	79173	C19orf57	chromosom	GO:000727	GO:000367	GO:000557	31	37	1.20	0.26
H20001383	H200013836	ENSG0000	NR_046384	54623	PAF1	PAF1 homod	GO:000012	GO:000099	GO:000565	361	290	0.80	-0.32
H30000020	H300000209	ENSG0000	XM_005252	84131	CEP78	centrosoma	GO:000008	-	GO:000581	231	195	0.84	-0.25
H30000399	H300003998	ENSG0000	NM_001002	158835	AWAT2	acyl-CoA v	GO:001002	GO:004719	GO:0005789	endoplasm	4		
H30000756	H300007568	ENSG0000	-	130500	CISD1P1	CDGSH iro	-	-	-	1286	845	0.66	-0.61
H30002022	H300020224	ENSG0000	NM_001304	57592	ZNF687	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	19	29	1.49	0.58
H30000990	H300009908	ENSG0000	NM_032834	84920	ALG10	ALG10, alp	GO:000648	GO:000458	GO:0005789	endoplasmic reticulum membrane			
H30001952	H300019527	ENSG0000	NM_001011	29789	OLA1	Obg-like A	GO:004603	GO:000551	GO:000573	1247	1605	1.29	0.36
opHsV0400	opHsV0400000	-	NM_001110	5555	PRH2	proline-rich	-	GO:000551	GO:000561	20	32	1.59	0.67
H30000125	H300001250	ENSG0000	NM_018462	55845	BRK1	BRICK1, S	GO:000170	GO:000551	GO:000582	4	11	2.50	1.32
H20000342	H200003423	ENSG0000	XM_011515	155061	ZNF746	zinc finger	GO:000012	GO:000097	GO:000563	135	130	0.96	-0.06
H20001872	H200018728	ENSG0000	NM_031958	83896	KRTAP3-1	keratin ass	-	GO:000519	GO:004509	26	32	1.23	0.30
H20001907	H200019073	ENSG0000	XR_243272	253982	ASPHD1	aspartate b	GO:001819	GO:005121	GO:001602	9	14	1.47	0.55
H20001362	H200013629	ENSG0000	XM_011517	138724	C9orf131	chromosom	-	-	-		4		
H20001338	H200013383	ENSG0000	NM_152667	140838	NANP	N-acetyln	GO:000604	GO:005012	GO:000557	90	92	1.02	0.03
H30001538	H300015385	ENSG0000	NM_020139	56898	BDH2	3-hydroxyb	GO:000663	GO:000385	GO:000573	76	81	1.07	0.09
H30000061	H300000618	ENSG0000	NM_001291	201625	DNAH12	dynein axon	GO:000701	GO:000377	GO:0005737	cytoplasm	4		
H30000118	H300001186	ENSG0000	NM_001190	93099	DMKN	dermokine	GO:190357	GO:000551	GO:0005615	extracellular space,GO:0070062	e		
H30000516	H300005167	ENSG0000	NR_046202	126526	C19orf47	chromosom	-	GO:000551	GO:000565	9	15	1.56	0.64
H30000398	H300003981	ENSG0000	NM_152387	130535	KCTD18	potassium	GO:005126	-	-	19	36	1.85	0.89
H30000981	H300009813	ENSG0000	NM_198450	139322	APOOL	apolipoprot	-	GO:000551	GO:000573	58	55	0.96	-0.06
H30002046	H300020467	ENSG0000	XM_011537	114134	SLC2A13	solute carr	GO:001599	GO:000535	GO:000588	18	25	1.41	0.49
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	-	100128853	ZNF725P	zinc finger	-	-	-	40	54	1.37	0.45
H20000812	H200008129	ENSG0000	NM_152260	27079	RPUSD2	RNA pseud	GO:000815	GO:000998	GO:000557	374	241	0.65	-0.63
H20000851	H200008512	ENSG0000	NM_001286	79411	GLB1L	galactosida	GO:000597	GO:000456	GO:000557	11	18	1.61	0.69
H20000197	H200001970	ENSG0000	NM_001145	79177	ZNF576	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	185	126	0.68	-0.55
H20000317	H200003173	ENSG0000	XM_011542	81573	ANKRD13C	ankyrin rep	GO:000662	GO:000510	GO:000578	70	84	1.20	0.26
H20001452	H200014523	ENSG0000	NM_030949	81706	PPP1R14C	protein pho	GO:004232	GO:000486	GO:000573	79	69	0.87	-0.20
H30001301	H300013013	ENSG0000	NM_005918	4191	MDH2	malate deh	GO:000597	GO:003006	GO:000563	2947	1973	0.67	-0.58
H30001024	H300010240	ENSG0000	-	645927	MCFD2P1	multiple co	-	-	-	67	114	1.72	0.78
H30000794	H300007940	ENSG0000	NM_001012	6202	RPS8	ribosomal p	GO:000018	GO:000373	GO:000563	34548	24253	0.70	-0.51
H30001379	H300013795	ENSG0000	NM_145807	126147	NTN5	netrin 5	-	-	GO:0005576	extracellu	4		
H30002025	H300020255	ENSG0000	NM_001122	57223	PPP4R3B	protein pho	GO:000647	-	GO:000565	39	86	2.19	1.13
H30000455	H300004556	-	NR_073065	11270	NRM	nurim (nucl	GO:000815	GO:000367	GO:000563	190	166	0.87	-0.20
H30000494	H300004943	ENSG0000	-	7526	YES1P1	YES1 pseu	-	-	-	164	253	1.55	0.63
H30001932	H300019325	ENSG0000	XM_011535	23281	MTUS2	microtubule	-	GO:000551	GO:0005634	nucleus,G	3		
H20000092	H200000927	ENSG0000	NM_024523	79571	GCC1	GRIP and c	GO:000004	GO:000551	GO:000013	186	254	1.37	0.45
H20000155	H200001551	ENSG0000	NM_001037	84792	FAM220A	family with	-	-	GO:000563	73	77	1.06	0.08
H20000326	H200003268	ENSG0000	NM_022786	64801	ARV1	ARV1 hom	GO:000666	-	GO:000578	2493	2581	1.04	0.05
H20001468	H200014683	ENSG0000	-	646702	HLA-DPA2	major histo	-	-	-	4	8	1.72	0.78
H20001610	H200016109	ENSG0000	NM_004189	8403	SOX14	SRY-box 1	GO:000012	GO:000098	GO:0005575	cellular cd	4		
H30001921	H300019219	ENSG0000	XM_011517	57589	RIC1	RIC1 homo	GO:004214	GO:000551	GO:000582	19	36	1.83	0.87
H30002072	H300020721	ENSG0000	NM_001135	91319	DERL3	derlin 3	GO:001827	GO:000551	GO:003017	31	28	0.88	-0.18
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_018040	55105	GPATCH2	G-patch do	GO:001092	GO:000367	GO:000573	5	7	1.29	0.37
H30001985	H300019851	ENSG0000	NR_045684	140469	MYO3B	myosin IIIB	GO:000760	GO:000014	GO:0001750	photoreceptor outer segment,GC			
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_006719	89795	NAV3	neuron nav	-	GO:000552	GO:000564	47	59	1.26	0.33
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_011538	613227	HIGD1C	HIG1 hypox	-	-	GO:0016021	integral component of membrane			
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001012	340562	SATL1	spermidine	GO:000815	GO:000808	-				
H30000943	H300009430	ENSG0000	-	338799	LINC01089	long interge	-	-	-	152	133	0.87	-0.20
H30000345	H300003457	ENSG0000	-	28869	IGKV6D-4	immunoglob	-	-	-	26	26	0.99	-0.02
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_005276	284021	MILR1	mast cell ir	GO:003300	-	GO:000588	20	72	3.58	1.84
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	-	RP1-130G	-	-	-	-	887	1208	1.36	0.45
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NR_073117	255324	EPGN	epithelial m	GO:000016	GO:000515	GO:0005615	extracellular space,GO:0005622	i		
opHsV0400	opHsV0400009	ENSG0000	-	728962	RPL7P56	ribosomal p	-	-	-	4736	4661	0.98	-0.02
H30000392	H300003926	ENSG0000	NM_001164	647024	C6orf132	chromosom	-	-	-	4	6	1.55	0.63
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001009	388697	HRNR	homerin	GO:000224	GO:000550	GO:0001533	cornified envelope,GO:0005634	n		
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NR_002923	286554	BCORP1	BCL6 core	-	-	-				
H30000535	H300005356	ENSG0000	NM_001005	341568	OR8S1	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:0005886	plasma m	10		
opHsV0400	opHsV0400004	-	NR_028594	401898	ZNF833P	zinc finger	-	GO:000367	-	7			
H30000121	H300001217	ENSG0000	NM_001005	390151	OR8H2	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in		
H30000810	H300008107	ENSG0000	NM_152997	260436	FDCSP	follicular de	-	-	GO:000557	10	13	1.23	0.30
H30000217	H300002174	ENSG0000	-	283193	OR5AZ1P	olfactory re	-	-	-				
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_003489	8204	NRIP1	nuclear rec	GO:000012	GO:000104	GO:000011	90	85	0.95	-0.08
H30000278	H300002781	ENSG0000	NM_001282	85474	LBX2	ladybird ho	GO:000635	GO:000367	GO:000563	16	21	1.31	0.38
H30000474	H300004744	ENSG0000	NM_153330	165721	DNAJB8	DnaJ heat	GO:006107	GO:004418	GO:0005634	nucleus,GO:0005829	cytosol		
H30000174	H300001749	ENSG0000	XR_949882	282679	AQP11	aquaporin 1	GO:000681	GO:000367	GO:0005829	cytosol,G	3		
H30000435	H300004355	ENSG0000	NM_001193	389170	LEKR1	leucine, glu	-	-	-		13		
H30001874	H300018747	ENSG0000	NM_001136	51343	FZR1	fizzy/cell d	GO:000027	GO:000551	GO:000565	136	128	0.95	-0.08
H30001858	H300018582	ENSG0000	NM_001174	57060	PCBP4	poly(rC) bir	-	GO:000367	GO:000573	25	27	1.08	0.11
H30001959	H300019599	ENSG0000	XM_011537	79944	L2HGDH	L-2-hydrox	GO:000610	GO:004754	GO:000573	148	158	1.06	0.09
H30001854	H300018541	ENSG0000	XM_005249	54887	UHRF1BP1	UHRF1 bin	-	GO:000551	-	11	27	2.52	1.34
H30001980	H300019801	ENSG0000	NM_001286	9474	ATG5	autophagy	GO:000004	GO:000551	GO:000573	924	895	0.97	-0.05
H30001311	H300013115	ENSG0000	XM_011542	9923	ZBTB40	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	14	20	1.41	0.49
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NR_026814	83656	FAM167A	FAM167A	-	-	-		4		
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_011538</										

opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_007224	11247	NXP4	neurexophil	GO:000721	GO:000367	GO:000557	30	29	0.94	-0.09
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_138992	25825	BACE2	beta-site A	GO:000650	GO:000154	GO:0005768	endosome,	GO:0005783	endoplasm	
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_001013	340578	DCAF12L2	DDB1 and	-	-	-	175	155	0.89	-0.17
H30000572	H300005722	ENSG0000	NM_207481	344148	NCKAP5	NCK assoc	GO:000815	-	GO:0005575	cellular_co	3		
H30000093	H300000931	ENSG0000	NM_003523	8344	HIST1H2B	histone clu	GO:000222	GO:000367	GO:000078	2819	1582	0.56	-0.83
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NR_027908	401253	LINC00336	long interge	-	-	-				
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_003535	8356	HIST1H3J	histone clu	GO:000018	GO:000367	GO:000022	3763	2897	0.77	-0.38
H30000910	H300009109	ENSG0000	NM_001004	219869	OR10G8	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma m	5		
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_012083	23401	FRAT2	frequently	GO:000727	GO:000367	GO:000557	40	32	0.80	-0.32
opHsV0400	opHsV0400008	ENSG0000	NR_103821	442075	EMC3-AS1	EMC3 antis	-	-	-	24	40	1.64	0.71
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_153364	196472	FAM71C	family with	-	GO:000551	GO:0005634	nucleus			
H30000343	H300003431	ENSG0000	NM_005053	5886	RAD23A	RAD23 hor	GO:000628	GO:000368	GO:000050	1090	955	0.88	-0.19
H30000678	H300006780	ENSG0000	XM_011519	256815	C10orf67	chromosom	-	-	-				
H30000792	H300007921	ENSG0000	-	-	CTNNA1	-	-	-	-	66	76	1.16	0.22
H30000560	H300005608	ENSG0000	NM_001256	253639	ZNF620	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	462	483	1.04	0.06
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001015	4350	MPG	N-methylp	GO:000628	GO:000368	GO:000565	213	158	0.74	-0.43
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_017879	55659	ZNF416	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	27	29	1.08	0.11
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XM_011542	8556	CDC14A	cell divisio	GO:000709	GO:000472	GO:000092	90	75	0.83	-0.27
H30002256	H300022567	ENSG0000	XM_006718	27122	DKK3	dickkopf W	GO:000965	-	GO:000561	64	63	0.98	-0.03
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_001301	1175	AP2S1	adaptor rel	GO:000688	GO:000521	GO:000582	1731	1775	1.03	0.04
H30000446	H300004469	ENSG0000	NM_001146	390010	NKX1-2	NK1 homeo	GO:000635	GO:004356	GO:0005634	nucleus	8		
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001258	116447	TOP1MT	topoisomer	GO:000626	GO:000367	GO:000563	692	606	0.88	-0.19
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NR_103715	100996279	LINC00269	long interge	-	-	-		8		
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_176817	5726	TAS2R38	taste 2 rec	GO:000158	GO:003303	GO:000588	13	17	1.27	0.35
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001134	389114	ZNF662	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus	3		
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	-	CTC-232P	-	-	-	-	11922	9740	0.82	-0.29
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_003728	8633	UNC5C	unc-5 netr	GO:000691	GO:000504	GO:0005886	plasma m	9		
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	-	RP11-69E	-	-	-	-	5	11	2.14	1.10
opHsV0400	opHsV0400004	-	-	-	-	-	-	-	-				
H30001085	H300010853	ENSG0000	NM_001308	163059	ZNF433	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	18	35	1.95	0.97
H30000532	H300005323	-	NR_001278	1556	CYP2B7P	cytochrom	-	-	-				
H30000250	H300002502	ENSG0000	NM_152355	126068	ZNF441	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	7	28	3.83	1.94
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	-	388122	RPSAP5	ribosomal p	-	-	-	17916	14619	0.82	-0.29
H30000179	H300001790	ENSG0000	NR_040044	439941	FER1L6-A	FER1L6 an	-	-	-	32	33	1.03	0.04
H30000306	H300003062	-	NR_036695	645884	RPS7P5	ribosomal p	-	-	-	1319	1180	0.89	-0.16
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NR_104071	284417	TMEM150E	transmemb	GO:001050	-	GO:000576	7	13	1.91	0.93
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_033113	89887	ZNF628	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus	6		
H30000511	H300005113	ENSG0000	NM_173824	285237	C3orf38	chromosom	GO:000691	-	-	123	125	1.02	0.03
H30000401	H300004012	ENSG0000	XM_011544	220032	GDPD4	glyceroph	GO:000662	GO:000888	GO:0016021	integral c	4		
H30000109	H300001097	ENSG0000	-	-	CTA-215D	-	-	-	-	8421	6783	0.81	-0.31
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001004	127623	OR2B11	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:000588	9	15	1.59	0.67
H30001865	H300018657	ENSG0000	XM_006720	60686	C14orf93	chromosom	-	GO:000551	GO:000557	54	69	1.27	0.35
H30001879	H300018793	ENSG0000	NM_003987	5076	PAX2	paired box	GO:000165	GO:000098	GO:000563	31	28	0.92	-0.11
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XR_945784	55680	RUFY2	RUN and F	-	GO:004687	GO:000563	39	42	1.09	0.12
H30001843	H300018435	ENSG0000	XM_005266	11215	AKAP11	A-kinase a	GO:001073	GO:000815	GO:000577	5	15	3.12	1.64
H30001842	H300018427	ENSG0000	XM_011539	1355	COX15	COX15 cyt	GO:000612	GO:000412	GO:000573	137	111	0.81	-0.30
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001962	1946	EFNA5	ephrin-A5	GO:000193	GO:000516	GO:0005576	extracellu	4		
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	387071	FAM136BP	family with	-	-	-	307	209	0.68	-0.55
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001105	646625	URAD	ureidoimida	GO:000614	GO:001683	GO:000557	6	13	1.95	0.97
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	-	RP11-2C2	-	-	-	-	71	44	0.62	-0.69
H30000929	H300009298	ENSG0000	NM_018219	55231	CCDC87	coiled-coil	GO:000022	GO:000551	-		6		
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_153051	8897	MTMR3	myotubular	GO:000647	GO:000443	GO:000565	18	26	1.40	0.49
H30000959	H300009593	ENSG0000	-	81330	OR4A13P	olfactory re	-	-	-				
H30000796	H300007961	ENSG0000	NM_177478	94033	FTMT	ferritin mit	GO:000682	GO:000432	GO:000563	52	49	0.95	-0.08
H30000141	H300001411	ENSG0000	NR_003952	643955	ZNF733P	zinc finger	-	-	-	97	105	1.07	0.10
H30000094	H300000940	ENSG0000	-	389844	FTH1P19	ferritin, hea	GO:000682	GO:000819	GO:000562	131	171	1.31	0.39
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_003524	8345	HIST1H2B	histone clu	GO:000632	GO:000367	GO:000078	6292	3993	0.63	-0.66
H30002288	H300022887	ENSG0000	NM_002957	6256	RXRA	retinoid X r	GO:000012	GO:000097	GO:000079	41	40	0.99	-0.01
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_207362	343990	KIAA1211L	KIAA1211-	-	-	-		5		
H30000128	H300001281	-	-	-	-	-	-	-	-	9879	6795	0.69	-0.54
H30000564	H300005641	-	NR_026835	283011	FLJ37201	tigger trans	-	-	-				
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_016518	51268	PIPOX	pipecolic ac	GO:000655	GO:000510	GO:0005777	peroxisome,	GO:0005782	peroxisc	
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_032272	84232	MAF1	MAF1 hom	GO:000635	GO:000099	GO:000562	356	331	0.93	-0.10
H30000941	H300009419	ENSG0000	NM_148961	150677	OTOS	otospiralin	GO:000760	-	GO:000557	19	27	1.41	0.50
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	-	106478960	CYP2AC1F	cytochrom	-	-	-		9		
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_005268	6710	SPTB	spectrin be	GO:000016	GO:000377	GO:000573	288	276	0.96	-0.06
H30000224	H300002240	ENSG0000	-	283982	LINC00469	long interge	-	-	-	167	141	0.85	-0.24
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_002248	3780	KCNN1	potassium	GO:000681	GO:000551	GO:0005886	plasma m	7		
opHsV0400	opHsV0400010	ENSG0000	NR_034131	388719	LINC00272	long interge	-	-	-				
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NR_027257	400710	FLJ26850	-	-	-	-	8	13	1.63	0.70
H30002248	H300022489	-	NM_001204	534	ATP6V1G2	ATPase H+	GO:000687	GO:001682	GO:0005829	cytosol,G	9		
H30001112	H300011124	ENSG0000	NM_001271	286128	ZFP41	ZFP41 zinc	GO:000635	GO:000367	GO:000563	13	16	1.23	0.29
opHsV0400	opHsV0400007	-	-	-	-	-	-	-	-	31	49	1.59	0.67
H30000359	H300003597	ENSG0000	NM_001017	6701	SPRR2B	small prolin	GO:000854	GO:000519	GO:000153	141	143	1.02	0.03
H30002265	H300022652	ENSG0000	XM_011537	113251	LARP4	La ribonuci	GO:000701	GO:000016	GO:001602	405	363	0.90	-0.16
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XR_426784	5129	CDK18	cyclin-depe	GO:000646	GO:000469	GO:0005575	cellular_co	9		
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_011542	9731	CEP104	centrosom	-	GO:000551	GO:000581	111	94	0.85	-0.24
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_011524	28964	GIT1	G protein-c	GO:000741	GO:000509	GO:0005737	cytoplasm	7		
H30002188	H300021883	ENSG0000	NR_134888	10695	CNPY3	canopy FG	GO:000222	GO:000510	GO:000578	142	133	0.94	-0.10
H30002212	H300022121	ENSG0000	XM_006719	10220	GDF11	growth diff	GO:000150	GO:000512	GO:000557	1450	1171	0.81	-0.31
H30001416	H300014162	ENSG0000	NM_201517	94239	H2AFV	H2A histon	GO:000634	GO:000367	GO:000078	3851	3721	0.97	-0.05
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_011536	51199	NIN	ninein	GO:003445	GO:000550	GO:000024	42	37	0.90	-0.15
opHsV0400	opHsV0400005	-	-	-	-	-	-	-	-				
H30002109	H300021097	ENSG0000	NM_004901	9583	ENTPD4	ectonucleo	GO:000625	GO:004513	GO:000042	54	65	1.20	0.27
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XM_006722	80233	FAAP100	Fanconi an	GO:000628	GO:000367	GO:000565	20	27	1.37	0.46
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_007051	11124	FAF1	Fas associa	GO:000691	GO:000551	GO:000563	477	475	1.00	-0.01
H30001840	H300018408	ENSG0000	XM_011525	7756	ZNF207	zinc finger	GO:000007	GO:000367	GO:000077	2788	2010	0.72	-0.47
H30001967	H3000												

H30000564	H300005646	ENSG0000	NM_001009	338821	SLCO1B7	solute carr	GO:000681	GO:000521	GO:000588	8	9	1.21	0.28
H30000744	H300007449	-	NR_130933	100288254	LOC100288	uncharacte	-	-	-		3		
H30001092	H300010927	ENSG0000	NM_001015	6242	RTKN	rhotekin	GO:000691	GO:000509	GO:000557	549	475	0.87	-0.21
opHsV0400	opHsV04000005	ENSG0000	NM_001005	403278	OR5K4	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021 in			
opHsV0400	opHsV04000000	ENSG0000	-	65996	CENPBD1	CENPB DN	-	-	-	12	18	1.44	0.53
opHsV0400	opHsV04000007	ENSG0000	NM_001099	344558	SH3RF3	SH3 domai	-	GO:000551	-	11	21	1.88	0.91
opHsV0400	opHsV04000000	ENSG0000	NM_016946	50848	F11R	F11 recept	GO:000181	GO:000161	GO:000588	316	260	0.82	-0.28
opHsV0400	opHsV04000002	ENSG0000	NM_183075	113612	CYP2U1	cytochrom	GO:000680	GO:000550	GO:000578	65	50	0.78	-0.36
H30002271	H300022717	ENSG0000	NM_001254	84836	ABHD14B	abhydrolase	GO:000680	GO:000551	GO:000563	93	118	1.28	0.35
opHsV0400	opHsV04000000	ENSG0000	XR_941118	900	CCNG1	cyclin G1	GO:000007	GO:000551	GO:000563	1029	1297	1.26	0.33
opHsV0400	opHsV04000001	ENSG0000	NM_001287	23288	IQCE	IQ motif co	-	GO:000551	GO:007237	11	15	1.36	0.45
opHsV0400	opHsV04000004	ENSG0000	NM_198838	31	ACACA	acetyl-CoA	GO:000189	GO:000398	GO:000573	8	14	1.77	0.82
H30002185	H300021851	ENSG0000	NM_015488	25953	PNKD	paroxysmal	GO:001924	GO:000441	GO:000563	368	230	0.63	-0.68
H30002169	H300021693	ENSG0000	NR_026692	30835	CD209	CD209 mol	GO:000222	GO:000161	GO:000573	115	90	0.78	-0.35
opHsV0400	opHsV04000000	ENSG0000	NM_001184	63035	BCORL1	BCL6 core	GO:000635	-	GO:000565	26	32	1.22	0.29
opHsV0400	opHsV04000005	ENSG0000	NM_001297	7678	ZNF124	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	32	52	1.59	0.67
opHsV0400	opHsV04000004	ENSG0000	NM_001039	644815	FAM83G	family with	GO:003050	GO:000551	GO:000563	44	33	0.74	-0.43
opHsV0400	opHsV04000002	ENSG0000	XM_011535	102724928	LOC10272	putative cy	-	-	-				
opHsV0400	opHsV04000006	ENSG0000	XM_006719	11066	SNRNP35	small nucle	GO:000039	GO:000016	GO:000024	664	704	1.06	0.08
opHsV0400	opHsV04000005	ENSG0000	NR_027072	193629	LINC00189	long interge	-	-	-				
opHsV0400	opHsV04000006	ENSG0000	XM_011539	221002	RASGEF1A	RasGEF do	GO:000016	GO:000508	GO:000582	92	46	0.50	-0.99
opHsV0400	opHsV04000006	ENSG0000	-	400242	DICER1-AS	DICER1 an	-	-	-	33	25	0.77	-0.38
opHsV0400	opHsV04000010	ENSG0000	NM_001005	390323	OR6C75	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma m	3		
H30000641	H300006414	ENSG0000	NM_001005	390078	OR52E6	olfactory re	GO:000716	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021 in			
H30002187	H300021879	ENSG0000	NM_021196	57835	SLC4A5	solute carr	GO:000206	GO:000545	GO:000588	11	15	1.38	0.46
opHsV0400	opHsV04000008	ENSG0000	NM_001288	57335	ZNF286A	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	74	66	0.90	-0.15
H30001286	H300012860	ENSG0000	NM_020336	57148	RALGAPB	Ral GTPase	GO:003248	GO:000509	GO:000562	36	44	1.22	0.29
H30002245	H300022456	ENSG0000	XM_011544	283234	CCDC88B	coiled-coil	-	-	GO:001602	178	149	0.84	-0.26
opHsV0400	opHsV04000005	ENSG0000	NR_073102	90233	ZNF551	zinc finger	GO:000635	GO:000097	GO:000563	104	93	0.90	-0.15
H30002219	H300022199	ENSG0000	NM_024906	79966	SCD5	stearoyl-C	GO:000663	GO:000476	GO:000578	33	35	1.05	0.08
H30001887	H300018872	ENSG0000	XM_006715	8875	VNN2	vanin 2	GO:000676	GO:001715	GO:0005886	plasma m	6		
opHsV0400	opHsV04000004	ENSG0000	NR_134935	4117	MAK	male germ	GO:000635	GO:000371	GO:000175	30	26	0.87	-0.21
H30001966	H300019661	ENSG0000	NR_073121	55284	UBE2W	ubiquitin co	GO:000628	GO:000484	GO:000563	104	112	1.07	0.10
H30001609	H300016093	ENSG0000	XM_011514	6239	RREB1	ras respons	GO:000012	GO:000097	GO:000563	9	16	1.80	0.85
H30002210	H300022108	ENSG0000	XM_011519	56243	KIAA1217	KIAA1217	GO:004870	GO:000367	GO:0005737	cytoplasm	6		
H30001465	H300014655	ENSG0000	NM_001170	55796	MBNL3	muscleblind	GO:000639	GO:000551	GO:0005634	nucleus,GO:0005737 cytoplasm			
opHsV0400	opHsV04000002	ENSG0000	XM_011544	286	ANK1	ankyrin 1	GO:000688	GO:000519	GO:000563	377	267	0.71	-0.50
opHsV0400	opHsV04000003	ENSG0000	NM_001080	341392	ACSM4	acyl-CoA s	GO:000663	GO:000432	GO:0005759	mitochondrial matrix			
H30001098	H300010987	ENSG0000	NR_004858	23275	POFUT2	protein O-	GO:000170	GO:004692	GO:0005789	endoplasm	7		
opHsV0400	opHsV04000002	ENSG0000	XM_011519	220929	ZNF438	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	26	28	1.08	0.11
opHsV0400	opHsV04000005	ENSG0000	NM_001271	285753	CEP57L1	centrosome	GO:000007	GO:000367	GO:000557	329	268	0.81	-0.30
opHsV0400	opHsV04000001	ENSG0000	NM_178516	283849	EXOC3L1	exocyst co	GO:000688	GO:000014	GO:000014	19	19	1.02	0.03
opHsV0400	opHsV04000006	ENSG0000	XM_011544	29883	CNOT7	CCR4-NO	GO:000028	GO:000017	GO:000093	671	579	0.86	-0.21
opHsV0400	opHsV04000004	ENSG0000	NR_122043	254028	LOC25402	uncharacte	-	-	-	24	23	0.94	-0.09
opHsV0400	opHsV04000005	ENSG0000	NM_001307	440590	ZYG11A	zyg-11 fam	GO:001656	GO:000484	GO:003146	82	63	0.77	-0.37
opHsV0400	opHsV04000010	ENSG0000	NM_001002	387082	SUMO4	small ubiqu	GO:001692	GO:003138	GO:000563	69	70	1.02	0.02
H30000160	H300001606	ENSG0000	NM_014510	27445	PCLO	piccolo pre	GO:000701	GO:000550	GO:0005856	cytoskeleton,GO:0014069 postsy			
opHsV0400	opHsV04000010	ENSG0000	-	402643	TPM3P4	tropomyosin	-	-	-	1137	1077	0.95	-0.08
H30002243	H300022432	ENSG0000	NM_001201	81832	NETO1	neuropilin a	GO:000761	GO:003525	GO:0005576	extracellular region,GO:0014069			
H30002033	H300020334	ENSG0000	NM_001278	117289	TAGAP	T-cell activ	GO:000726	GO:000508	GO:0005829	cytosol			
H30000623	H300006230	ENSG0000	XM_011541	63950	DMRTA2	DMRT like	GO:000205	GO:000098	GO:0005634	nucleus	3		
opHsV0400	opHsV04000004	ENSG0000	NM_001199	25764	HYPK	huntingtin i	-	GO:000551	GO:000565	2048	1471	0.72	-0.48
H30002003	H300020032	ENSG0000	XM_011519	26273	FBXO3	F-box prot	GO:000650	GO:000484	GO:000565	201	209	1.04	0.05
H30001956	H300019568	ENSG0000	NM_015990	51088	KLHL5	kelch like f	GO:000815	GO:000367	GO:000573	213	275	1.29	0.37
opHsV0400	opHsV04000005	ENSG0000	XM_011525	23253	ANKRD12	ankyrin rep	-	-	GO:000565	302	369	1.22	0.29
H30002236	H300022360	ENSG0000	XM_011542	85440	DOCK7	dedicator o	GO:000022	GO:000508	GO:000592	12	23	1.81	0.85
opHsV0400	opHsV04000010	ENSG0000	NR_045587	10011	SRA1	steroid rec	GO:000635	GO:000371	GO:000563	595	587	0.99	-0.02
H30002164	H300021641	ENSG0000	NM_078628	10943	MSL3	male-speci	GO:000632	GO:000367	GO:000565	87	116	1.32	0.41
opHsV0400	opHsV04000006	ENSG0000	NM_001177	142680	SLC34A3	solute carr	GO:000681	GO:000543	GO:000588	15	16	1.11	0.15
H30000847	H300008470	ENSG0000	NM_001173	55922	NKRF	NFKB repr	GO:000635	GO:000367	GO:000563	154	138	0.90	-0.15
opHsV0400	opHsV04000002	ENSG0000	NM_018196	55217	TMLHE	trimethyllys	GO:000908	GO:000550	GO:000573	166	217	1.31	0.39
opHsV0400	opHsV04000004	ENSG0000	XM_011523	201305	SPNS3	spinster ho	GO:000337	GO:004662	GO:000576	13	16	1.27	0.34
H30001452	H300014520	ENSG0000	XM_011521	64963	MRPS11	mitochondr	GO:000002	GO:000373	GO:000573	616	546	0.89	-0.17
H30000909	H300009091	ENSG0000	NM_198534	374877	C19orf45	chromosom	-	-	-	32	21	0.65	-0.62
H30000944	H300009442	ENSG0000	-	79490	OR10G6	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:000588	21	19	0.92	-0.13
opHsV0400	opHsV04000005	ENSG0000	NM_001136	25959	KANK2	KN motif ar	GO:000012	GO:000551	GO:000573	81	76	0.94	-0.09
CHsGV100	CHsGV1000336	ENSG0000	NM_003215	7006	TEC	tec protein	GO:000225	GO:000471	GO:000582	74	126	1.70	0.77
H20000429	H200004294	ENSG0000	NM_006282	6789	STK4	serine/thre	GO:000090	GO:000028	GO:000563	83	95	1.14	0.19
H30001372	H300013722	ENSG0000	NM_007315	6772	STAT1	signal trans	GO:000012	GO:000097	GO:000079	228	245	1.07	0.10
AHsV1000	AHsV10000990	ENSG0000	XM_005269	6602	SMARCD1	SWI/SNF r	GO:000633	GO:000368	GO:001651	41	51	1.26	0.33
AHsV1000	AHsV10002474	-	NM_000301	5340	PLG	plasminoge	GO:000257	GO:000425	GO:0005576	extracellular region,GO:0005615			
H20001149	H200011497	ENSG0000	NM_001564	3622	ING2	inhibitor of	GO:000635	GO:000367	GO:000563	329	414	1.26	0.33
EHsV1000	EHsV10000001	ENSG0000	NM_002190	3605	IL17A	interleukin	GO:000691	GO:000512	GO:0005615	extracellular space,GO:0005737			
H30002020	H300020207	ENSG0000	NM_001291	3339	HSPG2	heparan su	GO:000152	GO:000551	GO:000557	6	7	1.20	0.26
H30002126	H300021265	ENSG0000	NM_002154	3308	HSPA4	heat shock	GO:000698	GO:000551	GO:000582	1627	1403	0.86	-0.21
AHsV1000	AHsV10000228	ENSG0000	XM_011514	3096	HIVEP1	human imm	GO:000012	GO:000098	GO:0005634	nucleus,GO	9		
H20001378	H200013781	ENSG0000	NM_001526	3062	HCRTR2	hypocretin	GO:000720	GO:000818	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005887 in			
AHsV1000	AHsV10002654	ENSG0000	NM_175611	2897	GRIK1	glutamate i	GO:000681	GO:000523	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005887 in			
AHsV1000	AHsV10000983	ENSG0000	NR_046321	2877	GPX2	glutathione	GO:000030	GO:000460	GO:0005737	cytoplasm	3		
H20001014	H200010142	ENSG0000	NM_002446	4294	MAP3K10	mitogen-ac	GO:000691	GO:000371	GO:000573	16	28	1.76	0.81
H20000621	H200006219	ENSG0000	NM_005359	4089	SMAD4	SMAD fami	GO:000012	GO:000097	GO:000079	276	260	0.94	-0.09
H20000643	H200006433	-	NM_001127	4061	LY6E	lymphocyte	GO:000170	-	GO:000588	255	239	0.94	-0.09

CHsGV100	CHsGV1000296	ENSG0000	XR_944953	105369764	LOC105369764	uncharacte	-	-	-	-	8		
H20001033	H200010330	ENSG0000	NM_032049	185	AGTR1	angiotensin	GO:000155	GO:000159	GO:0005622	intracellular,GO:0005829	cytosol,		
CHsGV100	CHsGV1000126	ENSG0000	NM_005160	157	ADRBK2	adrenergic,	GO:000646	GO:000467	-	6	12	2.00	1.00
H30002214	H300022144	ENSG0000	NM_003199	6925	TCF4	transcripti	GO:000635	GO:000097	GO:000079	204	234	1.15	0.20
AHsV1000	AHsV10002903	ENSG0000	NM_003145	6746	SSR2	signal sequ	GO:000641	-	GO:000578	3184	3287	1.03	0.05
H30000447	H300004474	ENSG0000	NM_080823	6725	SRMS	src-related	GO:000716	GO:000471	GO:0005737	cytoplasm	8		
AHsV1000	AHsV10001739	ENSG0000	NM_001308	6563	SLC14A1	solute carr	GO:000683	GO:000537	GO:0005730	nucleolus,GO:0005886	plasma me		
H20000010	H200000109	ENSG0000	NM_001044	6531	SLC6A3	solute carr	GO:000726	GO:000202	GO:000573	11	14	1.35	0.44
AHsV1000	AHsV10001799	ENSG0000	NR_120485	3575	IL7R	interleukin	GO:000001	GO:000382	GO:0005576	extracellular region,GO:0005886			
H30000557	H300005577	ENSG0000	NM_001318	3557	IL1RN	interleukin	GO:000166	GO:000512	GO:000561	323	284	0.88	-0.18
H30000163	H300001637	ENSG0000	NM_000862	3283	HSD3B1	hydroxy-de	GO:000669	GO:000385	GO:000574	23	26	1.16	0.21
AHsV1000	AHsV10003358	ENSG0000	NM_005143	3240	HP	haptoglobin	GO:000237	GO:000425	GO:0005576	extracellular region,GO:0005615			
H20001652	H200016529	ENSG0000	XM_011538	3034	HAL	histidine ar	GO:000654	GO:000439	GO:0005829	cytosol	4		
H20000073	H200000731	ENSG0000	NM_002104	3003	GZMK	granzyme M	GO:000650	GO:000425	GO:0005576	extracellular region			
H20000389	H200003898	ENSG0000	NM_001097	2857	GPR34	G protein-c	GO:000718	GO:000493	GO:0005887	integral component of plasma me			
CHsGV100	CHsGV1000046	ENSG0000	XM_006719	2841	GPRI8	G protein-c	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma m	8		
H20000704	H200007042	ENSG0000	NM_017459	4237	MFAP2	microfibrilla	GO:003019	GO:000196	GO:0001527	microfibril,GO:0005576	extracellu		
H30001566	H300015665	ENSG0000	NM_001001	4047	LSS	lanosterol s	GO:000669	GO:000025	GO:000578	163	106	0.65	-0.62
H20001384	H200013841	ENSG0000	XM_011542	4013	VWA5A	von Willebr	-	-	GO:0005634	nucleus,G	19		
CHsGV100	CHsGV100036	ENSG0000	XM_006716	3786	KCNQ3	potassium	GO:000681	GO:000524	GO:0005886	plasma membrane,GO:0008076	va		
H20001116	H200011167	ENSG0000	XM_005253	3764	KCNJ8	potassium	GO:000182	GO:000524	GO:000573	15	10	0.72	-0.48
H20000104	H200001041	ENSG0000	NM_001293	771	CA12	carbonic ar	GO:000673	GO:000408	GO:000588	24	23	0.97	-0.05
CHsGV100	CHsGV1000113	ENSG0000	XM_011520	744	MPPED2	metallopho	GO:000739	GO:000551	-	31	34	1.11	0.16
H20000002	H200000021	ENSG0000	NM_001185	563	AZGP1	alpha-2-gly	GO:000158	GO:000194	GO:000557	4	9	2.02	1.01
AHsV1000	AHsV10003443	-	NM_001204	534	ATP6V1G2	ATPase H+	GO:000687	GO:001682	GO:0005829	cytosol,G	3		
H20001170	H200011704	ENSG0000	NR_037932	100533990	APOC4-AF	APOC4-AF	-	-	-	146	142	0.98	-0.03
CHsGV100	CHsGV1000062	ENSG0000	XM_011521	321	APBA2	amyloid bet	GO:000170	GO:000154	GO:000588	95	94	0.99	-0.01
H20000475	H200004754	ENSG0000	XM_011523	136	ADORA2B	adenosine	GO:000018	GO:000160	GO:000562	137	143	1.04	0.06
AHsV1000	AHsV10000267	ENSG0000	XM_005249	117	ADCYAP1F	adenylate c	GO:000716	GO:000487	GO:000576	6	15	2.49	1.31
H30002191	H300021919	-	NM_003187	6880	TAF9	TATA-box	GO:000049	GO:000203	GO:000012	3590	2806	0.78	-0.36
AHsV1000	AHsV10002521	ENSG0000	NM_001014	6706	SPRR2G	small prolin	GO:000854	GO:000519	GO:000153	14	18	1.25	0.32
H30002133	H300021336	ENSG0000	NM_003111	6670	SP3	Sp3 transc	GO:000012	GO:000097	GO:000563	218	259	1.19	0.25
H30000574	H300005742	ENSG0000	NM_003038	6509	SLC1A4	solute carr	GO:000681	GO:000525	GO:000581	92	289	3.13	1.65
H30001882	H300018826	ENSG0000	XM_011542	6484	ST3GAL4	ST3 beta-g	GO:000157	GO:000383	GO:000013	47	58	1.24	0.31
H30000687	H300006874	ENSG0000	NM_001552	3487	IGFBP4	insulin like	GO:000150	GO:000510	GO:000557	137	102	0.75	-0.42
AHsV1000	AHsV10001121	ENSG0000	NM_001289	3455	IFNAR2	interferon a	GO:000635	GO:000490	GO:000557	348	348	1.00	0.00
CHsGV100	CHsGV1000176	-	NM_002143	3208	HPCA	hippocalcin	GO:000742	GO:000377	GO:003042	38	38	0.99	-0.02
AHsV1000	AHsV10001376	ENSG0000	XM_011536	3183	HNRNPC	heterogene	GO:000039	GO:000016	GO:000079	1025	868	0.85	-0.24
H20001243	H200012433	ENSG0000	NM_001522	2986	GUCY2F	guanylate c	GO:000618	GO:000401	GO:0005640	nuclear outer membrane,GO:0005			
H30002005	H300020058	ENSG0000	XM_006718	2965	GTF2H1	general tra	GO:000007	GO:000368	GO:000043	853	830	0.97	-0.04
H20001728	H200017286	ENSG0000	NM_016602	2826	CCR10	chemokine	GO:000693	GO:000493	GO:000582	51	58	1.14	0.19
CHsGV100	CHsGV1000010	ENSG0000	NM_001256	2804	GOLGB1	golgin B1	GO:000688	GO:000551	GO:0000139	Golgi mem	10		
H20000523	H200005239	ENSG0000	NM_004526	4171	MCM2	minichrom	GO:000008	GO:000367	GO:000078	2764	1805	0.65	-0.61
H30001861	H300018613	ENSG0000	XM_005269	3983	ABLIM1	actin bindir	GO:000701	GO:000377	GO:000172	4	10	2.51	1.33
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_002303	3953	LEPR	leptin rece	GO:000611	GO:000488	GO:0005576	extracellular region,GO:0005886			
H20001483	H200014833	ENSG0000	NM_002229	3726	JUNB	jun B proto	GO:000012	GO:000097	GO:000078	61	53	0.88	-0.19
AHsV1000	AHsV10000167	ENSG0000	NM_002217	3699	ITIH3	inter-alpha	GO:001095	GO:000486	GO:0005576	extracellular region,GO:0070062			
H20000653	H200006536	ENSG0000	NM_001212	708	C1QB	complemen	GO:000012	GO:000184	GO:000561	10910	7041	0.65	-0.63
H20001230	H200012307	ENSG0000	NM_001727	680	BRS3	bombesin li	GO:000600	GO:000494	GO:0005886	plasma m	5		
AHsV1000	AHsV10003543	ENSG0000	NM_001688	515	ATP5F1	ATP synth	GO:001598	GO:000551	GO:000027	13894	9487	0.68	-0.55
AHsV1000	AHsV10000439	ENSG0000	NM_000701	476	ATP1A1	ATPase Na	GO:000202	GO:000539	GO:000576	2637	1857	0.70	-0.51
AHsV1000	AHsV10001913	ENSG0000	NM_001636	293	SLC25A6	solute carr	GO:000611	GO:000373	GO:000563	9011	10369	1.15	0.20
AHsV1000	AHsV10003226	ENSG0000	NM_000036	270	AMPD1	adenosine	GO:000614	GO:000387	GO:0005829	cytosol			
CHsGV100	CHsGV1000364	ENSG0000	NM_001106	93	ACVR2B	activin A re	GO:000012	GO:000467	GO:000573	103	78	0.76	-0.39
CHsGV100	CHsGV1000156	ENSG0000	NM_020108	56	ACRV1	acrosomal	GO:000727	-	GO:000166	15	16	1.08	0.11
H20000256	H200002565	ENSG0000	XM_005269	6821	SUOX	sulfite oxid	GO:000009	GO:000848	GO:000575	39	43	1.10	0.13
H20001892	H200018923	ENSG0000	NM_001024	6648	SOD2	superoxide	GO:000030	GO:000478	GO:000573	1453	1012	0.70	-0.52
CHsGV100	CHsGV1000084	ENSG0000	NM_003088	6624	FSCN1	fascin activ	GO:000704	GO:000377	GO:000172	270	139	0.52	-0.96
H30000646	H300006466	ENSG0000	NM_000232	6443	SGCB	sarcoglycar	GO:000751	-	GO:000573	10	12	1.23	0.30
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_003011	6418	SET	SET nuclea	GO:000027	GO:000367	GO:000563	3299	3403	1.03	0.04
H30001222	H300012227	ENSG0000	XR_945727	3416	IDE	insulin degr	GO:000650	GO:000154	GO:000561	311	254	0.82	-0.29
CHsGV100	CHsGV1000204	ENSG0000	NM_000871	3362	HTR6	5-hydroxyt	GO:000718	GO:000496	GO:0005886	plasma m	4		
H20000579	H200005795	ENSG0000	NM_012485	3161	HMMR	hyaluronan	GO:000597	GO:000551	GO:000573	1375	1598	1.16	0.22
AHsV1000	AHsV10001833	-	NM_019111	3122	HLA-DRA	major histo	GO:000250	GO:002302	GO:000013	11	16	1.41	0.50
H30002220	H300022205	ENSG0000	NM_001319	2938	GSTA1	glutathione	GO:000674	GO:000436	GO:0005829	cytosol,GO:0070062	extracellular		
CHsGV100	CHsGV1000076	ENSG0000	NM_000843	2916	GRM6	glutamate r	GO:000719	GO:000164	GO:0000139	Golgi membrane,GO:0005789	end		
CHsGV100	CHsGV1000077	ENSG0000	NM_002072	2776	GNAQ	guanine nu	GO:000150	GO:000392	GO:000175	132	135	1.02	0.03
H20000640	H200006409	ENSG0000	NM_001318	2746	GLUD1	glutamate c	GO:000653	GO:000435	GO:000573	666	623	0.93	-0.10
CHsGV100	CHsGV1000186	ENSG0000	NM_000528	4125	MAN2B1	mannosidas	GO:000601	GO:000455	GO:000561	50	59	1.19	0.25
AHsV1000	AHsV10003370	ENSG0000	NM_002292	3913	LAMB2	laminin sub	GO:000715	GO:000517	GO:0005576	extracellu	7		
AHsV1000	AHsV10001551	ENSG0000	NM_002282	3889	KRT83	keratin 83,	GO:000756	GO:000519	GO:0005615	extracellu	3		
CHsGV100	CHsGV1000116	ENSG0000	NM_002207	3680	ITGA9	integrin sub	GO:000715	GO:000551	GO:000588	35	36	1.03	0.04
CHsGV100	CHsGV1000193	ENSG0000	NM_001570	3656	IRAK2	interleukin	GO:000018	GO:000467	GO:000563	10	14	1.32	0.40
H30000436	H300004365	ENSG0000	NM_001721	660	BMX	BMX non-r	GO:000186	GO:000471	GO:000582	52	18	0.35	-1.52
H20001189	H200011897	ENSG0000	NM_032966	643	CXCR5	chemokine	GO:000692	GO:000493	GO:0005886	plasma m	3		
AHsV1000	AHsV10002020	ENSG0000	XM_005256	433	ASGR2	asialoglyco	GO:000689	GO:000487	GO:0016021	integral c	4		
AHsV1000	AHsV10002798	ENSG0000	XM_011520	406	ARNTL	aryl hydroc	GO:000006	GO:000097	GO:0005634	nucleus,G	7		
AHsV1000	AHsV10001449	ENSG0000	NM_000035	229	ALDOB	aldolase, fr	GO:000188	GO:000433	GO:0005634	nucleus,G	5		
H20000654	H200006543	ENSG0000	NM_001304	211	ALAS1	5'-aminolev	GO:000677	GO:000387	GO:000565	116	108	0.94	-0.10
AHsV1000	AHsV10001628	ENSG0000	XM_011538	32	ACACB	acetyl-CoA	GO:000608	GO:000398	GO:0005634	nucleus,G	4		
CHsGV100	CHsGV1000083	-	NR_110548	15	AANAT	aralkylamin	GO:000647	GO:000405	GO:000582	10	13	1.33	0.41
CHsGV100	CHsGV1000295	ENSG0000	XM_005254	51324	SPG21	spastic par	GO:005085	GO:000551	GO:000573	714	694	0.97	-0.04
CHsGV100	CHsGV1000273	ENSG0000	NM_001278	51302	CYP39A1	cytochrom	GO:0006						

H30000891	H300008916	ENSG0000	NM_001300	10427	SEC24B	SEC24 hom	GO:000184	GO:000521	GO:000013	266	279	1.05	0.07
H20000165	H200001658	ENSG0000	XM_005268	10411	RAPGEF3	Rap guanin	GO:000152	GO:000508	GO:000588	plasma membrane,GO:0005902 m			
H20001978	H200019789	ENSG0000	NM_001310	7280	TUBB2A	tubulin bet	GO:000645	GO:000392	GO:000563	985	622	0.63	-0.66
AHsV1000	AHsV10001849	ENSG0000	XM_011517	7227	TRPS1	transcripti	GO:000012	GO:000097	GO:000563	8	16	1.94	0.95
DHsGV100	DHsGV1000223	-	NG_029066	780	DDR1	discoidin d	GO:000155	GO:000471	GO:000561	88	86	0.98	-0.03
CHsGV100	CHsGV1000325	ENSG0000	XR_243536	11216	AKAP10	A-kinase a	GO:000716	-	GO:000573	72	82	1.14	0.19
AHsV1000	AHsV10000393	ENSG0000	NM_001282	11194	ABCB8	ATP bindin	GO:000681	GO:000521	GO:000563	22	27	1.24	0.31
H20000181	H200001810	ENSG0000	NM_003737	8642	DCHS1	dachsous c	GO:000165	GO:000550	GO:000562	19	23	1.20	0.26
H30001993	H300019931	ENSG0000	NM_001114	8626	TP63	tumor prot	GO:000012	GO:000098	GO:0000790	nuclear chromatin,GO:0005634 n			
H20000365	H200003656	ENSG0000	NM_004657	8436	SDPR	serum depr	-	GO:000178	GO:000573	745	462	0.62	-0.69
H20000245	H200002453	ENSG0000	NM_001170	8406	SRPX	sushi-repe	GO:000184	-	GO:0005776	autophag	4		
H30000863	H300008630	-	NM_014234	7923	HSD17B8	hydroxyste	GO:000663	GO:000385	GO:000574	132	124	0.94	-0.09
H20001540	H200015403	ENSG0000	NM_001243	7867	MAPKAPK	mitogen-ac	GO:000018	GO:000467	GO:000563	329	244	0.74	-0.43
CHsGV100	CHsGV100039	ENSG0000	NM_001141	7499	XG	Xg blood gr	GO:000815	GO:000367	GO:000588	44	37	0.85	-0.23
H30002034	H300020344	ENSG0000	XM_011516	7462	LAT2	linker for a	GO:000225	GO:000551	GO:000562	274	219	0.80	-0.33
H30000973	H300009738	ENSG0000	NM_002483	4680	CEACAM6	carcinoemb	GO:000716	GO:000551	GO:000561	25	23	0.89	-0.17
H30000086	H300000863	ENSG0000	NM_002478	4654	MYOD1	myogenic d	GO:000038	GO:000097	GO:0000790	nuclear c	3		
H20000057	H200000574	ENSG0000	NM_002423	4316	MMP7	matrix met	GO:000277	GO:000422	GO:0005576	extracellular region,GO:0005578			
CHsGV100	CHsGV1000025	ENSG0000	NM_001297	51279	C1RL	complemen	GO:000650	GO:000425	GO:000561	4	13	3.19	1.67
H20001302	H200013027	ENSG0000	NM_001005	51257	42431	membrane	GO:000689	GO:000484	GO:000576	89	75	0.84	-0.25
CHsGV100	CHsGV100037	ENSG0000	NM_006828	10973	ASCC3	activating s	GO:000628	GO:000551	GO:000562	36	53	1.50	0.58
CHsGV100	CHsGV1000309	ENSG0000	NM_006810	10954	PDIA5	protein disu	GO:000645	GO:000375	GO:000578	173	166	0.96	-0.07
CHsGV100	CHsGV1000109	ENSG0000	NM_016272	10766	TOB2	transducer	GO:000729	GO:000551	GO:000563	11	16	1.50	0.58
H30001704	H300017048	ENSG0000	NM_030665	10743	RAI1	retinoic aci	GO:000150	GO:000370	GO:000563	109	109	0.99	-0.01
H20000692	H200006928	ENSG0000	NM_006417	10561	IFI44	interferon i	GO:000961	-	GO:0005737	cytoplasm			
H20000693	H200006932	ENSG0000	NM_006404	10544	PROCR	protein C r	GO:000695	GO:000487	GO:000557	54	44	0.82	-0.28
CHsGV100	CHsGV1000015	ENSG0000	NM_014258	10388	SYCP2	synaptone	GO:000713	GO:000367	GO:0000795	synaptonemal complex,GO:00008			
CHsGV100	CHsGV1000359	ENSG0000	NM_001199	10346	TRIM22	tripartite m	GO:000635	GO:000370	GO:0005634	nucleus,G	5		
H20000052	H200000523	ENSG0000	NM_003296	7180	CRISP2	cysteine ric	GO:001633	-	GO:0005615	extracellular space			
CHsGV100	CHsGV100008	ENSG0000	NM_003286	7150	TOP1	topoisomer	GO:000626	GO:000104	GO:000022	808	755	0.93	-0.10
H30001862	H300018628	ENSG0000	NM_000355	6948	TCN2	transcobala	GO:000676	GO:003141	GO:000557	15	26	1.69	0.76
CHsGV100	CHsGV100014	ENSG0000	NM_197941	11174	ADAMTS6	ADAM met	GO:000327	GO:000422	GO:0005578	proteinac	4		
H30001135	H300011353	ENSG0000	NM_001282	11148	HLHA2	HERV-H L	GO:000181	GO:000367	GO:0005575	cellular component,GO:0016021			
H30000551	H300005511	ENSG0000	NM_003695	8581	LY6D	lymphocyte	GO:000715	-	GO:000588	42	45	1.07	0.10
H30001959	H300019590	ENSG0000	XM_011523	8558	CDK10	cyclin-depe	GO:000646	GO:000469	-	435	355	0.82	-0.29
H20001191	H200011910	ENSG0000	NR_133921	8323	FZD6	frizzled cla	GO:000173	GO:000493	GO:000588	26	28	1.08	0.11
AHsV1000	AHsV10002142	ENSG0000	NM_004654	8287	USP9Y	ubiquitin sp	GO:000651	GO:000484	GO:0005737	cytoplasm	3		
H30001746	H300017467	ENSG0000	NM_014625	7827	NPHS2	nephrosis 2	GO:000758	GO:000551	GO:0005783	endoplasmic reticulum,GO:00058			
H20000752	H200007524	ENSG0000	XM_011520	7762	ZNF215	zinc finger	GO:000635	GO:000370	GO:000563	103	106	1.03	0.04
H20000984	H200009840	ENSG0000	XM_011519	7431	VIM	vimentin	GO:000691	GO:000194	GO:000573	6012	7792	1.30	0.37
AHsV1000	AHsV10003550	ENSG0000	NM_003370	7408	VASP	vasodilator	GO:000184	GO:000377	GO:000573	695	626	0.90	-0.15
AHsV1000	AHsV10003248	ENSG0000	XM_011523	4628	MYH10	myosin, he	GO:000028	GO:000014	GO:000172	75	83	1.11	0.15
AHsV1000	AHsV10003552	ENSG0000	NM_001278	4605	MYBL2	MYB proto	GO:000008	GO:000097	GO:000565	193	220	1.14	0.19
AHsV1000	AHsV10000652	ENSG0000	XR_932848	4261	CIITA	class II, ma	GO:000012	GO:000367	GO:0005654	nucleoplasm,GO:0016605 PML bc			
AHsV1000	AHsV10000244	ENSG0000	NM_016383	51213	LUZP4	leucine zip	GO:000640	GO:000369	GO:000563	16	18	1.16	0.22
H20000184	H200001845	ENSG0000	NM_001195	51181	DCXR	dicarbonyl/	GO:000597	GO:001665	GO:000563	1237	1065	0.86	-0.22
AHsV1000	AHsV10003279	ENSG0000	XR_428967	10929	SRSF8	serine/argi	GO:000639	GO:000016	GO:000563	115	126	1.09	0.12
H20000098	H200000983	ENSG0000	NM_001166	10908	PNPLA6	patatin like	GO:000152	GO:000462	GO:000578	20	34	1.69	0.75
H30000912	H300009126	ENSG0000	NM_006593	10716	TBR1	T-box, brai	GO:000166	GO:000097	GO:0005634	nucleus			
H20000535	H200005353	ENSG0000	XM_011536	10668	CGRRF1	cell growth	GO:000695	GO:000827	GO:000565	118	128	1.09	0.12
CHsGV100	CHsGV100014	ENSG0000	NR_049754	10520	ZNF211	zinc finger	GO:000635	GO:000097	GO:000563	11	21	1.88	0.91
AHsV1000	AHsV10001135	ENSG0000	NM_006366	10486	CAP2	CAP, aden	GO:000701	GO:000377	GO:0005886	plasma membrane,GO:0097481 n			
H20000477	H200004775	ENSG0000	XR_949754	10312	TCIRG1	T-cell imm	GO:000687	GO:000521	GO:000022	98	102	1.05	0.07
H20000318	H200003185	ENSG0000	NM_001039	10287	RGS19	regulator o	GO:000635	GO:000196	GO:000579	261	337	1.29	0.37
H20001577	H200015775	-	NM_000594	7124	TNF	tumor necr	GO:000006	GO:000202	GO:0001891	phagocytic cup,GO:0005576 extr			
H30000313	H300003135	ENSG0000	NM_001318	7097	TLR2	toll like rec	GO:000222	GO:000153	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005794 Golgi app			
CHsGV100	CHsGV1000033	ENSG0000	NM_003192	6903	TBCC	tubulin fold	GO:000090	GO:000392	GO:000573	340	273	0.80	-0.32
CHsGV100	CHsGV1000316	ENSG0000	NM_007054	11127	KIF3A	kinesin fam	GO:000699	GO:000551	GO:000581	21	18	0.83	-0.26
H30001326	H300013266	ENSG0000	NM_007040	11100	HNRNPUL1	heterogene	GO:000039	GO:000372	GO:000563	80	69	0.85	-0.23
AHsV1000	AHsV10000030	ENSG0000	NM_003659	8540	AGPS	alkylglycer	GO:000861	GO:000551	GO:000573	131	123	0.94	-0.09
AHsV1000	AHsV10000901	ENSG0000	XM_005263	8514	KCNAB2	potassium	GO:000224	GO:000403	GO:0005829	cytosol,G	8		
H20000659	H200006595	ENSG0000	NM_001135	8226	PUDP	pseudourid	GO:000620	GO:000367	GO:000582	494	407	0.82	-0.28
H20001093	H200010937	ENSG0000	XM_011525	8153	RND2	Rho family	GO:000716	GO:000392	GO:000208	63	53	0.84	-0.25
CHsGV100	CHsGV1000174	ENSG0000	NM_003446	7712	ZNF157	zinc finger	GO:000012	GO:000367	GO:0005634	nucleus			
AHsV1000	AHsV10001159	ENSG0000	NR_123719	7690	ZNF131	zinc finger	GO:000635	GO:000098	GO:000563	189	239	1.27	0.34
AHsV1000	AHsV10003235	ENSG0000	NM_006003	7386	UQCRCF1	ubiquinol-c	GO:000972	GO:000812	GO:000573	5105	3709	0.73	-0.46
DHsGV100	DHsGV1000190	-	-	-	-	-	-	-	-	40	35	0.89	-0.17
AHsV1000	AHsV10001084	ENSG0000	NM_005961	4588	MUC6	mucin 6, ol	GO:000649	GO:000520	GO:000557	12	13	1.04	0.06
H20000806	H200008064	ENSG0000	NM_005956	4522	MTHFD1	methylenet	GO:000010	GO:000432	GO:000573	1378	1106	0.80	-0.32
H20000791	H200007914	ENSG0000	NM_002398	4211	MEIS1	Meis home	GO:000152	GO:000097	GO:000563	23	46	1.97	0.98
CHsGV100	CHsGV100002	ENSG0000	NR_109933	51155	HN1	hematologi	-	-	GO:000563	559	516	0.92	-0.11
H20001744	H200017447	ENSG0000	NM_016103	51128	SAR1B	secretion a	GO:000247	GO:000392	GO:000578	799	698	0.87	-0.19
H30000972	H300009721	ENSG0000	NM_138964	10887	PROKR1	prokineticir	GO:000716	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005887 in			
H20000819	H200008192	ENSG0000	XM_011544	10863	ADAM28	ADAM met	GO:000650	GO:000422	GO:000557	38	38	1.01	0.01
H20001497	H200014976	ENSG0000	XM_006718	10647	SCGB1D2	secretoglob	-	-	GO:0005615	extracellular space			
H30000693	H300006936	ENSG0000	NM_001313	10628	TXNIP	thioredoxin	GO:000012	GO:000485	GO:000563	2044	1825	0.89	-0.16
CHsGV100	CHsGV1000373	ENSG0000	NM_006347	10465	PIIH	peptidylpro	GO:000039	GO:000375	GO:000565	3899	2855	0.73	-0.45
H20000362	H200003622	ENSG0000	XM_011509	10446	LRN2	leucine rich	GO:000715	GO:000487	GO:0016021	integral component of membrane			
AHsV1000	AHsV10002217	ENSG0000	XM_011522	10265	IRX5	iroquois ho	GO:000202	GO:000549	GO:000563	40	40	1.00	0.00
H20000278	H200002786	ENSG0000	XM_005251	10244	RABEPK	Rab9 effec	GO:000689	-	GO:000576	538	528	0.98	-0.03
CHsGV100	CHsGV1000362	ENSG0000	NM_000362	7078	TIMP3	TIMP meta	GO:000741	GO:000202	GO:000557	92	170	1.85	0.89
H20001041	H200010414	ENSG0000	NM_003244	7050	TGIF1	TGFB indu	GO:000012	GO:000097	GO:000565	407	423	1.04	0.06
H20000680	H200006804	ENSG0000</											

CHsGV100	CHsGV100030	ENSG0000	NM_006961	7567	ZNF19	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634 nucleus	7			
H20001550	H200015509	ENSG0000	NM_001079	7535	ZAP70	zeta chain	GO:000225	GO:000178	GO:0001772 immunological synapse,GO:00057				
H30000414	H300004142	ENSG0000	NM_001202	7324	UBE2E1	ubiquitin cd	GO:000020	GO:000484	GO:000015	3770	5169	1.37	0.46
AHsV1000	AHsV10002437	ENSG0000	NM_001071	7298	TYMS	thymidylate	GO:000008	GO:000016	GO:000563	3178	3160	0.99	-0.01
H20000291	H200002912	-	XM_005274	4361	MRE11A	MRE11 hor	GO:000001	GO:000001	GO:000078	309	336	1.08	0.12
AHsV1000	AHsV10001796	ENSG0000	XM_011514	4337	MOC51	molybdenu	GO:000676	GO:000552	GO:000563	27	47	1.73	0.79
H30001973	H300019730	ENSG0000	NM_203378	4151	MB	myoglobin	GO:000166	GO:000534	GO:007006	21	25	1.17	0.22
AHsV1000	AHsV10002054	ENSG0000	XM_011525	83538	TTC25	tetratricop	-	GO:000551	GO:000573	4	15	3.41	1.77
CHsGV100	CHsGV100028	ENSG0000	NM_001005	81099	OR4F17	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:0005886 plasma membrane,GO:0016021 in				
AHsV1000	AHsV10001050	-	NM_030651	80863	PRRT1	proline rich	GO:000960	-	GO:000588	45	49	1.07	0.10
H30001100	H300011005	ENSG0000	XM_005274	80150	ASRGL1	asparaginas	GO:000650	GO:000394	GO:000563	104	77	0.75	-0.42
H20000915	H200009159	ENSG0000	XM_011537	80127	BBOF1	basal body	GO:004445	-	GO:000573	24	26	1.08	0.12
AHsV1000	AHsV10002620	ENSG0000	NM_024786	79844	ZDHC11	zinc finger	GO:000815	GO:000827	GO:000578	26	26	0.99	-0.01
CHsGV100	CHsGV100028	ENSG0000	NM_024766	79823	CAMKMT	calmodulin	GO:000760	GO:001802	GO:000563	29	29	0.99	-0.01
AHsV1000	AHsV10002934	ENSG0000	NM_001077	54807	ZNF586	zinc finger	GO:000635	GO:000097	GO:000563	71	64	0.91	-0.13
AHsV1000	AHsV10001911	ENSG0000	XM_011539	54777	CFAP46	cilia and fla	GO:000650	GO:000823	GO:0005634 nucleus,GO:0005856 cytoskeleto				
AHsV1000	AHsV10001581	ENSG0000	NM_001166	54413	NLGN3	neurologin 3	GO:000208	GO:000487	GO:0005615 extracellular space,GO:0005887 i				
CHsGV100	CHsGV100030	ENSG0000	NM_018947	54205	CYCS	cytochrom	GO:000030	GO:000472	GO:000015	4	5	1.23	0.29
AHsV1000	AHsV10002603	ENSG0000	NM_001278	51654	CDK5RAP1	CDK5 regul	GO:000742	GO:001988	GO:000557	427	408	0.96	-0.06
CHsGV100	CHsGV100034	ENSG0000	XM_011515	51619	UBE2D4	ubiquitin cd	GO:001656	GO:000484	-	64	93	1.46	0.55
H20000466	H200004666	ENSG0000	XM_005253	55742	PARVA	parvin alph	GO:000204	GO:000377	GO:0005829 cytosol,GO:0005856 cytoskeleto				
CHsGV100	CHsGV100008	ENSG0000	NM_018666	55511	SAGE1	sarcoma ar	-	-	GO:000563	311	448	1.44	0.53
AHsV1000	AHsV10001387	ENSG0000	NM_018566	55432	YOD1	YOD1 deub	GO:003043	GO:000484	-	368	367	1.00	-0.01
CHsGV100	CHsGV100033	ENSG0000	NM_001170	55210	ATAD3A	ATPase far	GO:001604	GO:000552	GO:000573	434	320	0.74	-0.44
H30000336	H300003361	ENSG0000	NR_130899	55194	EVA1B	eva-1 hom	GO:009877	GO:000551	GO:001602	344	368	1.07	0.10
CHsGV100	CHsGV100024	ENSG0000	NM_017914	55009	C19orf24	chromosom	-	-	GO:000557	221	156	0.71	-0.50
H30001545	H300015454	ENSG0000	NM_017884	54984	PINX1	PIN2/TERF	GO:000700	GO:000551	GO:000022	206	177	0.86	-0.21
AHsV1000	AHsV10001051	ENSG0000	XM_011518	23287	AGTPBP1	ATP/GTP	GO:000175	GO:000418	GO:000563	99	97	0.98	-0.03
CHsGV100	CHsGV100039	ENSG0000	NM_017590	23264	ZC3H7B	zinc finger	GO:001603	GO:000551	GO:000563	10	13	1.34	0.43
CHsGV100	CHsGV100014	ENSG0000	XM_011538	23109	DDN	dendrin	GO:004594	GO:000097	GO:0005634 nucleus,G	5			
H20001328	H200013281	ENSG0000	XM_011542	23086	EXPH5	exophilin 5	GO:000333	GO:001713	GO:000576	6	16	2.72	1.44
CHsGV100	CHsGV100009	ENSG0000	NM_001291	22902	RUFY3	RUN and F	GO:000701	GO:000551	GO:000573	60	111	1.84	0.88
H20000460	H200004608	ENSG0000	NM_014939	22878	TRAPP8	trafficking p	GO:000004	GO:000551	GO:000040	407	422	1.04	0.05
H20001887	H200018870	ENSG0000	XM_011519	81873	ARPC5L	actin relate	GO:000815	GO:000367	GO:000573	1291	1420	1.10	0.14
CHsGV100	CHsGV100031	ENSG0000	XM_005244	80772	CPTP	ceramide-1	GO:000666	GO:000554	GO:000563	21	24	1.14	0.19
CHsGV100	CHsGV100020	ENSG0000	NM_001136	80724	ACAD10	acyl-CoA c	GO:000663	GO:000006	GO:000573	10	15	1.51	0.59
AHsV1000	AHsV10002616	ENSG0000	XM_006720	80063	ATF7IP2	activating t	GO:000635	-	GO:000563	22	45	2.02	1.02
CHsGV100	CHsGV100009	ENSG0000	NM_001243	80006	TRAPPC13	trafficking p	-	GO:000551	-	365	419	1.15	0.20
H20001223	H200012239	ENSG0000	XM_005253	79794	C12orf49	chromosom	-	GO:000551	GO:000557	31	46	1.49	0.58
H30001888	H300018886	ENSG0000	NM_024715	79770	TXNDC15	thioredoxin	GO:004545	-	GO:000562	57	68	1.19	0.25
H20001033	H200010339	ENSG0000	NM_001102	54726	OTUD4	OTU deubi	GO:007110	GO:000484	GO:000557	211	246	1.16	0.22
AHsV1000	AHsV10001326	ENSG0000	NM_017554	54625	PARP14	poly(ADP-r	GO:000635	GO:000395	GO:0005634 nucleus,G	16			
AHsV1000	AHsV10000949	ENSG0000	NM_020528	54039	PCBP3	poly(rC) bir	GO:001607	GO:000367	GO:0005634 nucleus,GO:0005829 cytosol,GO:				
AHsV1000	AHsV10003450	ENSG0000	NM_014432	53832	IL20RA	interleukin	GO:001922	GO:000489	GO:0005886 plasma membrane,GO:0016021 in				
H30002057	H300020579	ENSG0000	XM_011517	51582	AZIN1	antizyme in	GO:000652	GO:000458	GO:000563	695	689	0.99	-0.01
CHsGV100	CHsGV100009	ENSG0000	NM_016322	51552	RAB14	RAB14, me	GO:000689	GO:000194	GO:000013	415	452	1.09	0.12
AHsV1000	AHsV10002574	ENSG0000	NM_024718	55684	RABL6	RAB, memb	GO:000726	GO:000551	GO:000563	106	101	0.95	-0.07
CHsGV100	CHsGV100014	ENSG0000	NM_018407	55353	LAPTM4B	lysosomal p	GO:000681	GO:000551	GO:001250	3526	3246	0.92	-0.12
H20001165	H200011657	ENSG0000	NM_018373	55333	SYNJ2BP	synaptojan	GO:000193	GO:000551	GO:000573	169	130	0.77	-0.38
H20000384	H200003840	ENSG0000	NM_018141	55173	MRPS10	mitochondr	GO:000223	GO:000367	GO:000573	1092	967	0.89	-0.18
CHsGV100	CHsGV100009	ENSG0000	NM_018109	55149	MTPAP	mitochondr	GO:000635	GO:000028	GO:0005739 mitochondrion,GO:0043231 intrac				
AHsV1000	AHsV10000468	ENSG0000	NR_126526	54963	UCKL1	uridine-cyt	GO:000620	GO:000484	GO:000563	112	108	0.96	-0.06
CHsTV100	CHsTV1000014	ENSG0000	NM_001105	55769	ZNF83	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634 nucleus	9			
AHsV1000	AHsV10000936	ENSG0000	NM_001195	23243	ANKRD28	ankyrin rep	GO:000688	GO:000551	GO:000013	287	319	1.11	0.15
H30001921	H300019217	ENSG0000	XM_006716	23221	RHOBTB2	Rho related	GO:000726	GO:000552	GO:000582	76	63	0.83	-0.27
CHsGV100	CHsGV1000013	ENSG0000	NM_015039	23057	NMNAT2	nicotinamid	GO:000676	GO:000030	GO:0000139 Golgi membrane,GO:0005770 late				
AHsV1000	AHsV10001144	ENSG0000	NM_001161	23034	SAMD4A	sterile alph	GO:000635	GO:000551	GO:0005737 cytoplasm	7			
AHsV1000	AHsV10000260	ENSG0000	XM_011519	22852	ANKRD26	ankyrin rep	-	-	GO:000581	78	91	1.16	0.22
CHsGV100	CHsGV100014	ENSG0000	NM_001286	22828	SCAF8	SR-related	GO:000639	GO:000016	GO:000565	235	205	0.87	-0.20
AHsV1000	AHsV10003486	ENSG0000	XM_011545	81622	UNC93B1	unc-93 hor	GO:000222	-	GO:000013	23	33	1.45	0.53
CHsGV100	CHsGV100013	ENSG0000	NM_025225	80339	PNPLA3	patatin like	GO:000664	GO:000462	GO:0005789 endoplasm	8			
H20000137	H200001375	ENSG0000	NM_001195	80301	PLEKHO2	pleckstrin h	-	-	-	79	86	1.09	0.13
AHsV1000	AHsV10000632	ENSG0000	XM_011517	79977	GRHL2	grainyhead	GO:000184	GO:000116	GO:0005634 nucleus,G	9			
H20001516	H200015160	ENSG0000	NM_024877	79935	CNTD2	cyclin N-te	-	-	-	35	32	0.93	-0.10
CHsGV100	CHsGV100014	ENSG0000	XM_005252	79741	CCDC7	coiled-coil	-	-	-				
H20000545	H200005453	ENSG0000	NM_024657	79710	MORC4	MORC fam	-	GO:000551	GO:0005654 nucleoplasm				
H30001599	H300015999	ENSG0000	NM_001184	54552	GNL3L	guanine nu	GO:003139	GO:000392	GO:000563	121	82	0.67	-0.57
AHsV1000	AHsV10002933	ENSG0000	NM_001184	54521	WDR44	WD repeat	GO:003033	GO:001713	GO:000579	158	159	1.00	0.00
AHsV1000	AHsV10000939	ENSG0000	NM_018557	53353	LRP1B	LDL recept	GO:000170	GO:000504	GO:0016021 integral component of membrane				
CHsGV100	CHsGV100038	ENSG0000	NM_133646	51776	ZAK	sterile alph	GO:000007	GO:000028	GO:000563	131	167	1.27	0.35
H20000826	H200008263	ENSG0000	NM_016406	51506	UFC1	ubiquitin-fd	GO:003497	GO:000551	GO:007006	1223	1080	0.88	-0.18
AHsV1000	AHsV10002108	ENSG0000	NR_045562	51454	GULP1	GULP, eng	GO:000686	GO:000487	GO:000573	131	101	0.77	-0.38
H30001362	H300013629	ENSG0000	NR_033230	55627	SMPD4	sphingomye	GO:000666	GO:000476	GO:0000139 Golgi mem	4			
CHsGV100	CHsGV100026	ENSG0000	XM_006717	55301	OLAH	oleoyl-ACH	GO:000663	GO:000432	-		4		
AHsV1000	AHsV10000750	ENSG0000	NM_001303	55280	CWF19L1	CWF19-like	GO:000815	GO:000367	GO:000557	243	226	0.93	-0.10
H20000353	H200003538	ENSG0000	XM_011541	55116	TMEM39B	transmemb	GO:000223	-	GO:001602	69	79	1.15	0.20
AHsV1000	AHsV10000101	ENSG0000	NM_001184	55086	CXorf57	chromosom	-	GO:000551	-				
CHsGV100	CHsGV100002	ENSG0000	XM_005273	54904	WHSC1L1	Wolf-Hirsch	GO:000632	GO:000551	GO:000563	74	87	1.17	0.22
H20000363	H200003631	ENSG0000	XM_011518	54881	TEX10	testis expr	-	GO:000551	GO:000573	604	370	0.61	-0.71
H30000635	H300006358	ENSG0000	XM_005255	23199	GSE1	Gse1 coiled	-	GO:000551	-	632	562	0.89	-0.17
AHsV1000	AHsV10001814	ENSG0000	NM_001261	23175	LPIN1	lipin 1	GO:000027	GO:000367	GO:000563	118	183	1.55	0.63
CHsGV100	CHsGV100001	ENSG0000	NM_015001	23013	SPEN	spen family	GO:000012	GO:000016	GO:0005634 nucleus,G	9			
CHsGV100	CHsGV100039	ENSG0000	XM_005252	22982	DIP2C	disco intera	GO:000815	GO:000367	GO:0005575 cellular_cc	4			

CHsGV100	CHsGV1000114	ENSG0000	XM_011542	79871	RPAP2	RNA polym	GO:000930	GO:000842	GO:000563	172	217	1.26	0.34
CHsGV100	CHsGV1000323	ENSG0000	NM_001142	79677	SMC6	structural r	GO:000072	GO:000551	GO:000078	399	472	1.18	0.24
CHsGV100	CHsGV1000294	ENSG0000	XM_011543	79660	PPP1R3B	protein pho	GO:000597	GO:000472	GO:0000164	8			
AHsV1000	AHsV10000457	ENSG0000	NM_022720	54487	DGCR8	DGCR8 mic	GO:001046	GO:000372	GO:000563	99	163	1.65	0.72
CHsGV100	CHsGV1000238	ENSG0000	NM_031901	54460	MRPS21	mitochondr	GO:000641	GO:000373	GO:000574	3405	2668	0.78	-0.35
H30000485	H300004855	ENSG0000	XM_011523	51741	WWOX	WW domain	GO:000164	GO:000110	GO:000563	36	40	1.12	0.16
AHsV1000	AHsV10000568	ENSG0000	XM_005257	51701	NLK	nemo-like	GO:000016	GO:000028	GO:000563	309	459	1.48	0.57
AHsV1000	AHsV10000577	ENSG0000	NM_001286	51390	AIG1	androgen-i		GO:000551	GO:001602	419	505	1.20	0.27
CHsGV100	CHsGV1000365	ENSG0000	NM_015888	51361	HOOK1	hook micro	GO:000703	GO:000377	GO:0005874	microtubule			
CHsGV100	CHsGV1000271	ENSG0000	XM_011545	55567	DNAH3	dynein axo	GO:000153	GO:000377	GO:0005858	axonemal	6		
H20000232	H200002325	ENSG0000	NM_018263	55252	ASXL2	additional s	GO:000012	GO:000367	GO:000079	456	538	1.18	0.24
H20000164	H200001646	ENSG0000	NM_001103	55228	PNMAL1	paraneopla				271	249	0.92	-0.12
AHsV1000	AHsV10000605	ENSG0000	XM_011517	55064	SPATA6L	spermatoge					6		
H30000375	H300003754	ENSG0000	NM_017955	55038	CDCA4	cell divisio		GO:000551	GO:000563	291	247	0.85	-0.23
H30001923	H300019238	ENSG0000	NM_001171	54857	GDPD2	glyceropho	GO:000662	GO:000888	GO:0005737	cytoplasm			
AHsV1000	AHsV10003461	ENSG0000	XM_011524	54828	BCAS3	breast card	GO:000152	GO:000368	GO:000563	8	18	2.31	1.21
AHsV1000	AHsV10002264	ENSG0000	NM_001278	23155	CLCC1	chloride ch	GO:190247	GO:000525	GO:000563	253	269	1.06	0.09
H30001117	H300011171	ENSG0000	XM_011525	23136	EPB41L3	erythrocyte	GO:000155	GO:000377	GO:0005737	cytoplasm			
AHsV1000	AHsV10001558	ENSG0000	NR_110766	22941	SHANK2	SH3 and m	GO:000741	GO:000551	GO:0001750	photorece	11		
H20001549	H200015498	ENSG0000	NM_012325	22919	MAPRE1	microtubule	GO:000008	GO:000551	GO:000573	2804	2170	0.77	-0.37
H20001726	H200017269	ENSG0000	NM_016381	11277	TREX1	three prime	GO:000625	GO:000369	GO:000563	13	26	2.05	1.04
H20000989	H200009893	ENSG0000	NM_004778	11251	PTGDR2	prostagland	GO:000693	GO:000178	GO:000562	13	20	1.55	0.63
DHsGV100	DHsGV1000315										7		
DHsGV100	DHsGV1000495	ENSG0000	NR_046406	51060	TXNDC12	thioredoxin	GO:004545	GO:000551	GO:0005788	endoplas	6		
AHsV1000	AHsV10001940	ENSG0000	NM_001043	751071	METTL12	methyltran	GO:003225	GO:000816	GO:000573	45	63	1.42	0.51
DHsGV100	DHsGV1000150									631	543	0.86	-0.22
AHsV1000	AHsV10001359	ENSG0000	XM_011525	284217	LAMA1	laminin sub	GO:000201	GO:000510	GO:0005576	extracellular region			
AHsV1000	AHsV10000471	ENSG0000	XM_005257	284071	MEIOC	meiosis spe							
AHsV1000	AHsV10001588	ENSG0000	NM_152784	257062	CATSPERD	cation char	GO:000727	GO:000551	GO:0005886	plasma membrane			
CHsGV100	CHsGV1000122	ENSG0000	XM_011519	256329	LMNTD2	lamin tail d	GO:004802			7	11	1.63	0.71
H30000748	H300007481	ENSG0000	XM_011514	221749	PXDC1	PX domain		GO:003509		4	8	2.17	1.12
AHsV1000	AHsV10000524	ENSG0000	XM_011514	221458	KIF6	kinesin fam	GO:000701	GO:000377	GO:0001673	male germ cell nucleus			
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_011523	201305	SPNS3	spinster ho	GO:000337	GO:004662	GO:000576	5	8	1.44	0.53
H20000811	H200008114	ENSG0000	NM_001128	200734	SPRED2	sprouty rel	GO:000018	GO:000517	GO:000588	318	335	1.05	0.07
CHsGV100	CHsGV1000310	ENSG0000	NM_031452	83640	FAM103A1	family with	GO:000637	GO:000372	GO:000563	562	544	0.97	-0.05
AHsV1000	AHsV10000447	ENSG0000	XM_006711	343450	KCNT2	potassium	GO:007180	GO:000524	GO:0008076	voltage-gated potassium channel			
CHsGV100	CHsGV1000302	ENSG0000	NM_001146	342865	VSTM2B	V-set and			GO:001602	17	21	1.25	0.32
CHsGV100	CHsGV1000013	ENSG0000	XM_011536	317761	C14orf39	chromosom	GO:000727	GO:000367	GO:0005575	cellular_component			
AHsV1000	AHsV10001829	ENSG0000	XM_005251	286204	CRB2	crumbs 2, d	GO:000170	GO:000550	GO:0005886	plasma membrane			
AHsV1000	AHsV10000823	ENSG0000	XM_011539	92558	CCDC64	coiled-coil	GO:003117	GO:001713	GO:000573	10	14	1.37	0.45
CHsGV100	CHsGV1000197	ENSG0000	NM_001017	92196	DAPL1	death asso	GO:001050	GO:007051			5		
H30000631	H300006313		NM_033229	89870	TRIM15	tripartite m	GO:000750	GO:000551	GO:000562	107	101	0.94	-0.08
AHsV1000	AHsV10001972	ENSG0000	NM_033107	85865	GTPBP10	GTP-bindin	GO:000815	GO:000028	GO:000569	79	104	1.32	0.40
AHsV1000	AHsV10003372	ENSG0000	XM_011542	84871	AGBL4	ATP/GTP	GO:000650	GO:000418	GO:0005794	Golgi apparatus			
CHsGV100	CHsGV1000253	ENSG0000	NM_032718	84804	MFSD9	major facili	GO:005508	GO:000521	GO:001602	11	21	1.88	0.91
AHsV1000	AHsV10002593	ENSG0000	NR_026678	84283	TMEM79	transmemb	GO:000207	GO:000551	GO:000576	67	108	1.62	0.69
H30001216	H300012160	ENSG0000	NM_001031	84245	MRI1	methylthio	GO:000009	GO:004280	GO:000573	47	43	0.90	-0.15
H20000584	H200005846	ENSG0000	NM_018256	55759	WDR12	WD repeat	GO:000046	GO:000551	GO:000565	1608	1194	0.74	-0.43
DHsGV100	DHsGV1000242										7		
AHsV1000	AHsV10000169	ENSG0000			RP11-797H					93	139	1.50	0.58
DHsGV100	DHsGV1000077	ENSG0000	NR_036483	207147	TRY2P	trypsinog				20	20	1.03	0.04
DHsGV100	DHsGV1000181	ENSG0000	NM_001256	730183	LOC730183	uncharacte				7	12	1.88	0.91
AHsV1000	AHsV10001776	ENSG0000	XM_011523	283848	CES4A	carboxylest	GO:000815	GO:005268	GO:0005615	extracellular space			
AHsV1000	AHsV10000295	ENSG0000	XM_005267	283571	PROX2	prospero h	GO:000012	GO:000107	GO:000563	21	22	1.04	0.06
CHsGV100	CHsGV1000288	ENSG0000	NM_152890	255631	COL24A1	collagen ty	GO:000224	GO:000520	GO:0005576	extracellu	3		
AHsV1000	AHsV10000616		NM_001128	255027	MPV17L	MPV17 mit	GO:001073	GO:000367	GO:0005739	mitochondrion			
CHsGV100	CHsGV1000211	ENSG0000	XM_011535	221264	AK9	adenylate	GO:000617	GO:000455	GO:0005634	nucleus			
AHsV1000	AHsV10003026	ENSG0000	XM_011539	220992	ZNF485	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	69	69	1.00	0.00
AHsV1000	AHsV10002083	ENSG0000	NM_201546	200008	CDCP2	CUB domai			GO:0005576	extracellu	6		
AHsV1000	AHsV10001966	ENSG0000	NM_152654	199699	DAND5	DAN domai	GO:000314	GO:001601	GO:0005576	extracellu	6		
H30001254	H300012547	ENSG0000	XM_005253	83445	GSG1	germ cell a		GO:000551	GO:000578	35	35	1.00	0.00
DHsGV100	DHsGV1000265												
AHsV1000	AHsV10001779	ENSG0000	XM_011517	340419	RSPO2	R-spondin	GO:000164	GO:000510	GO:0005576	extracellular region			
AHsV1000	AHsV10000353	ENSG0000	NM_205864	285782	CAGE1	cancer ant		GO:000551					
DHsGV100	DHsGV1000035	ENSG0000	NR_028342	285501	LINC01098	long interge					6		
H30001229	H300012293	ENSG0000	XM_005271	91801	ALKBH8	alkB homol	GO:000209	GO:000004	GO:000563	77	58	0.75	-0.41
H20000187	H200001879	ENSG0000	NM_138370	91461	PKDCC	protein kin	GO:000150	GO:000467	GO:000557	31	36	1.18	0.24
H20001429	H200014299	ENSG0000	NM_033103	85415	RHPN2	rhopilin, R	GO:000726		GO:000565	123	49	0.40	-1.33
AHsV1000	AHsV10003394	ENSG0000	NM_033064	85300	ATCAY	ataxia, cere	GO:000679	GO:000430	GO:0005737	cytoplasm			
AHsV1000	AHsV10001131	ENSG0000	NM_032608	84700	MYO18B	myosin XVI	GO:000815	GO:000377	GO:0005634	nucleus	3		
H20001581	H200015816	ENSG0000	NM_032566	84651	SPINK7	serine pept	GO:190000	GO:000486	GO:000557	251	202	0.80	-0.31
AHsV1000	AHsV10001813	ENSG0000	XM_011518	84186	ZCCHC7	zinc finger		GO:000551	GO:000573	138	186	1.34	0.43
H20001897	H200018979	ENSG0000	NM_001286	84134	TOMM40L	translocase	GO:000681	GO:000367	GO:000574	85	62	0.73	-0.46
CHsGV100	CHsGV1000319	ENSG0000	XM_011541	55707	NECAP2	NECAP en	GO:000689		GO:000562	687	561	0.82	-0.29
DHsGV100	DHsGV1000159	ENSG0000	NR_110663	100128139	LINC01233	long interge				7	11	1.59	0.67
DHsGV100	DHsGV1000086									79	62	0.78	-0.36
DHsGV100	DHsGV1000391	ENSG0000			AC097532.						6		
DHsGV100	DHsGV1000010	ENSG0000	XM_011522	729993	SHISA9	shisa family	GO:004817		GO:000832	36	23	0.65	-0.61
H30002135	H300021355	ENSG0000	NM_001177	8801	SUCLG2	succinate-	GO:000609	GO:000477	GO:000563	164	192	1.17	0.23
H20002127	H200021271	ENSG0000	NM_001002	283159	OR8D1	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:000588	36	34	0.95	-0.08
AHsV1000	AHsV10002904	ENSG0000	XM_011538	254050	LRRC43	leucine rich							
AHsV1000	AHsV10001819	ENSG0000	XM_011524	252983	STXBP4	syntaxin bi	GO:000660	GO:000551	GO:000565	57	56	0.97	-0.04
AHsV1000	AHsV10003499	ENSG0000	NM_001005	219865	OR8G5	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane			
AHsV1000	AHsV10001746	ENSG0000	NM_001039	219293	ATAD3C	ATPase far		GO:000552					
CHsGV100	CHsGV1000021	ENSG0000	NM_001198	196883	ADCY4	adenylate d	GO:000309	GO:000401	GO:0005737	cytoplasm	4		
H30000773	H300007731	ENSG0000	XM_011539	196051	PLPP4	phospholipi	GO:000664	GO:000819	GO:0005886	plasma m	4		
H20001411	H200014111	ENSG0000	NM_030955	81792	ADAMTS12	ADAM met	GO:000716	GO:000422	GO:0005578	proteinaceous extracellular matri			
CHsGV100	CHsGV1000066		NM_178554	339855	KY	kyphoscolid	GO:000650	GO:000823	GO:0005856				

CHsGV100	CHsGV1000174	ENSG0000	NR_103826	285203	EOGT	EGF domain	GO:000649	GO:001626	GO:000578	20	35	1.78	0.83
DHsGV100	DHsGV1000014	ENSG0000	NR_040095	284801	MIR663A	MIR663A h	-	-	-	-	-	-	-
AHsV1000	AHsV10002451	ENSG0000	NM_138369	91272	BOD1	biorientatio	GO:000706	-	GO:000077	324	359	1.11	0.15
CHsGV100	CHsGV1000335	-	NM_138367	90987	ZNF251	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	28	39	1.41	0.49
AHsV1000	AHsV10001067	ENSG0000	NR_103510	85007	PHYKPL	5-phospho	GO:000655	GO:000551	GO:000575	25	103	4.10	2.03
CHsGV100	CHsGV1000352	ENSG0000	XM_011543	84959	UBASH3B	ubiquitin as	GO:000646	GO:000472	GO:0005634 nucleus,GO:0005737 cytoplasm	-	-	-	-
AHsV1000	AHsV10001107	ENSG0000	XM_005256	84622	ZNF594	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634 nucleus	-	-	-	-
H20001175	H200011753	ENSG0000	NR_037573	84516	DCTN5	dynactin su	GO:000328	GO:000551	GO:000077	412	443	1.08	0.11
AHsV1000	AHsV10000227	ENSG0000	NR_133924	84068	SLC10A7	solute carr	GO:000681	GO:001529	GO:001602	107	122	1.14	0.19
H20001948	H200019485	ENSG0000	NR_135160	83941	TM2D1	TM2 domain	GO:000718	GO:000154	GO:000565	431	435	1.01	0.01
H30000846	H300008467	ENSG0000	XM_006716	55656	INTS8	integrator c	GO:001618	GO:000551	GO:003203	687	623	0.91	-0.14
DHsGV100	DHsGV1000296	ENSG0000	NM_001318	6196	RPS6KA2	ribosomal p	GO:000155	GO:000028	GO:000563	11	14	1.31	0.39
AHsV1000	AHsV10001724	-	NG_012262	7150	TOP1	topoisomer	GO:000626	GO:000104	GO:0000228 nuclear chromosome,GO:0000932	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000086	ENSG0000	NR_038997	729911	ANKRD34C	ANKRD34C	-	-	-	6	10	1.68	0.75
DHsGV100	DHsGV1000256	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
CHsGV100	CHsGV1000125	ENSG0000	NM_025048	266977	ADGRF1	adhesion G	GO:000716	GO:000493	GO:0005576 extracellular region,GO:0005886	-	-	-	-
H20001390	H200013903	ENSG0000	XM_011539	259230	SGMS1	sphingomye	GO:000666	GO:001630	GO:000013	388	222	0.57	-0.80
AHsV1000	AHsV10000910	ENSG0000	NM_001037	245913	DEFB110	defensin be	GO:004274	-	GO:0005576 extracellu	4	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XR_243399	222487	ADGRG3	adhesion G	GO:000716	GO:000493	GO:000588	104	118	1.14	0.19
H30000619	H300006190	ENSG0000	NM_152694	203430	ZCCHC5	zinc finger	-	GO:000367	-	4	10	2.59	1.38
CHsGV100	CHsGV1000333	ENSG0000	NM_152688	202559	KHDRBS2	KH domain	GO:000635	GO:000551	GO:000563	15	17	1.11	0.15
H30001055	H300010554	ENSG0000	NM_133475	170961	ANKRD24	ankyrin rep	-	-	-	-	3	-	-
AHsV1000	AHsV10000255	ENSG0000	NM_001164	170370	FAM170B	family with	GO:008015	GO:000551	GO:0001669 acrosomal vesicle,GO:0002081 o	-	-	-	-
CHsGV100	CHsGV1000148	ENSG0000	XM_006719	81602	CDADC1	cytidine an	GO:000815	GO:000827	-	24	40	1.67	0.74
CHsGV100	CHsGV100018	ENSG0000	NM_001004	339184	CCDC144N	coiled-coil	-	-	-	12	15	1.28	0.35
AHsV1000	AHsV10000437	ENSG0000	NM_181745	338557	FFAR4	free fatty a	GO:000718	GO:000550	GO:0005886 plasma membrane,GO:0005887 in	-	-	-	-
AHsV1000	AHsV10000689	ENSG0000	-	100507044	NBPF5P	neuroblast	-	-	GO:000573	18	23	1.26	0.34
AHsV1000	AHsV10000473	ENSG0000	NR_134326	284391	ZNF844	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	7	10	1.35	0.43
AHsV1000	AHsV10002917	ENSG0000	XM_005249	90523	MLIP	muscular L	GO:000012	GO:000119	GO:0005635 nuclear e	4	-	-	-
CHsGV100	CHsGV1000166	ENSG0000	NM_001197	90196	SYS1	Sys1 golgi	GO:000004	-	GO:000580	116	100	0.86	-0.22
H30002008	H300020085	ENSG0000	XM_005253	84934	RITA1	RBPJ inter	GO:000012	GO:000551	GO:000563	270	203	0.75	-0.42
AHsV1000	AHsV10003023	ENSG0000	XM_011519	84909	C9orf3	chromosom	GO:000650	GO:000417	GO:0005730 nucleolus	14	-	-	-
AHsV1000	AHsV10001675	ENSG0000	NM_032430	84446	BRSK1	BR serine/	GO:000646	GO:000028	GO:0005634 nucleus,GO:0005654 nucleoplasm	-	-	-	-
CHsGV100	CHsGV1000245	ENSG0000	NM_032370	84330	ZNF414	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	63	66	1.05	0.07
AHsV1000	AHsV10003004	ENSG0000	NM_001317	83891	SNX25	sorting nex	GO:001503	GO:000367	GO:000557	18	36	1.96	0.97
H20001797	H200017973	ENSG0000	XM_011523	83752	LONP2	lon peptida	GO:000651	GO:000202	GO:000563	180	157	0.87	-0.20
H20000805	H200008051	ENSG0000	NR_104587	55608	ANKRD10	ankyrin rep	GO:006082	GO:000551	-	127	143	1.12	0.16
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011539	101	ADAM8	ADAM met	GO:000090	GO:000422	GO:000210	11	20	1.92	0.94
H20000131	H200001313	ENSG0000	XR_930854	23360	FNBP4	formin bind	-	GO:000551	GO:000565	301	510	1.69	0.76
DHsGV100	DHsGV1000164	-	XR_940876	105377106	LOC10537	uncharacte	-	-	-	-	8	-	-
DHsGV100	DHsGV1000468	ENSG0000	-	-	CTC-526N	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000395	ENSG0000	-	23770	FKBP8	FK506 bind	GO:000041	GO:000375	GO:0005789 endoplasm	3	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000532	-	-	-	-	-	-	-	-	11	11	1.01	0.01
DHsGV100	DHsGV1000148	-	-	-	-	-	-	-	-	5	9	1.75	0.81
DHsGV100	DHsGV1000136	ENSG0000	NM_001317	6450	SH3BGR	SH3 domain	GO:000646	GO:000507	GO:000582	36	37	1.03	0.05
DHsGV100	DHsGV1000206	ENSG0000	XM_005261	339665	SLC35E4	solute carr	-	-	GO:001602	6	7	1.09	0.12
DHsGV100	DHsGV1000012	ENSG0000	NM_001145	100130311	C17orf107	chromosom	-	-	-	12	15	1.19	0.25
DHsGV100	DHsGV1000543	ENSG0000	NR_109793	100130155	MIR124-2	MIR124-2	-	-	-	43	45	1.06	0.09
DHsGV100	DHsGV1000291	-	NG_030334	5924	RASGRF2	Ras protein	GO:000016	GO:000508	GO:0005789 endoplasmic reticulum membrane	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000060	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000176	-	-	-	-	-	-	-	-	-	3	-	-
DHsGV100	DHsGV1000522	-	NG_009005	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000504	ENSG0000	NM_001270	4128	MAOA	monoamine	GO:000657	GO:000813	GO:0005739 mitochondrion,GO:0005741 mitoc	-	-	-	-
H30000060	H300000608	ENSG0000	NM_001099	25994	HIGD1A	HIG1 hypox	GO:004306	-	GO:000574	6482	4583	0.71	-0.50
DHsGV100	DHsGV1000245	ENSG0000	NR_029192	100133315	LOC100133	transient re	GO:000001	GO:000368	GO:000563	30	23	0.76	-0.39
DHsGV100	DHsGV1000092	-	-	-	-	-	-	-	-	10	15	1.48	0.57
DHsGV100	DHsGV1000050	ENSG0000	NM_012248	22928	SEPHS2	selenophos	GO:001626	GO:000475	GO:0005575 cellular_component	-	-	-	-
AHsV1000	AHsV10001292	ENSG0000	NM_001100	4620	MYH2	myosin, hea	GO:000177	GO:000014	GO:0005794 Golgi appa	4	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000150	-	XM_011521	775	CACNA1C	calcium vol	GO:000611	GO:000524	GO:000209	201	185	0.92	-0.12
AHsV1000	AHsV10000443	ENSG0000	NM_001007	389075	RESP18	regulated e	GO:000170	-	GO:0005576 extracellular region,GO:0005783	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV100025	ENSG0000	NM_001256	388813	LOC388813	uncharacte	-	-	-	-	4	-	-
AHsV1000	AHsV10000828	ENSG0000	NM_001003	375057	C1orf95	chromosom	-	-	GO:001602	10	12	1.27	0.34
AHsV1000	AHsV10000827	ENSG0000	XM_011536	374569	ASPG	asparaginas	GO:000652	GO:000384	-	9	17	1.95	0.97
H20001003	H200010037	ENSG0000	XM_011542	80263	TRIM45	tripartite m	GO:006034	GO:000827	GO:000565	24	29	1.21	0.28
AHsV1000	AHsV10001917	ENSG0000	NM_015255	23304	UBR2	ubiquitin pr	GO:000634	GO:000551	GO:000015	89	119	1.33	0.42
H30001999	H300019992	ENSG0000	XM_011516	27010	TPK1	thiamin pyr	GO:000676	GO:000478	GO:000582	35	39	1.11	0.15
DHsGV100	DHsGV1000386	ENSG0000	XR_950916	440346	LOC440346	uncharacte	-	-	-	5	8	1.80	0.85
DHsTV100	DHsTV1000008	-	NG_007727	7535	ZAP70	zeta chain	GO:000225	GO:000178	GO:000177	110	101	0.92	-0.13
DHsGV100	DHsGV1000019	ENSG0000	-	-	AC008060	-	-	-	-	23	29	1.27	0.35
DHsGV100	DHsGV1000138	-	-	-	-	-	-	-	-	120	103	0.86	-0.22
DHsGV100	DHsGV1000434	-	NG_022928	9612	NCOR2	nuclear rec	GO:000012	GO:000367	GO:000011	12	15	1.23	0.30
DHsGV100	DHsGV1000187	-	-	-	-	-	-	-	-	-	8	-	-
H30002228	H300022284	ENSG0000	NM_001319	3159	HMGA1	high mobil	GO:000626	GO:000120	GO:000563	759	569	0.75	-0.42
DHsGV100	DHsGV1000156	ENSG0000	NR_102400	100652740	PYCARD-AP	PYCARD a	-	-	-	36	35	0.98	-0.02
DHsGV100	DHsGV1000505	ENSG0000	NR_034182	100129196	MATN1-AS	MATN1 ant	-	-	-	-	5	-	-
DHsGV100	DHsGV1000048	-	-	-	-	-	-	-	-	7	10	1.52	0.60
DHsGV100	DHsGV1000440	-	-	-	-	-	-	-	-	-	7	-	-
H20001168	H200011682	-	XM_005255	54700	RRN3	RRN3 hom	GO:000170	GO:000116	GO:000563	316	293	0.93	-0.11
DHsGV100	DHsGV1000118	-	-	-	-	-	-	-	-	4	10	2.42	1.28
DHsGV100	DHsGV1000493	ENSG0000	NM_001195	100507290	ZNF865	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634 nucleus	-	3	-	-
DHsGV100	DHsGV1000001	ENSG0000	-	-	RP11-90J7	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV100004	ENSG0000	NR_033242	100131801	PET100	PET100 ho	GO:003361	-	GO:000573	1072	935	0.87	-0.20
DHsGV100	DHsGV1000270	-	-	-	-	-	-	-	-	72	43	0.60	-0.74
DHsGV100	DHsGV1000565	ENSG0000	NG_008644	81608	FIP1L1	factor inter	GO:000039	GO:000551	GO:000565	12	16	1.30	0.38
DHsGV100	DHsGV1000086	ENSG0000	NR_120495	100130887	ATE1-AS1	ATE1 antis	-	-	-	-	3	-	-
CHsGV100	CHsGV1000262	ENSG0000	-	388595	TMEM82	transmemb	-	-	GO:001602	348	273	0.79	-0.35
AHsV1000	AHsV10000988	ENSG0000	NM_207386	388336	SHISA6	shisa family	GO:004817	-	GO:0032281 AMPA glutamate receptor compl	-	-	-	-
AHsV1000	AHsV10002150	ENSG0000	NM_021649	353376	TICAM2	toll like rec	GO:000222	GO:000487	GO:0005769 early end	12	-	-	-
CHsGV100	CHsGV1000274	ENSG0000	XM_005257	350383	GPR142	G protein-d	GO:000718	GO:000493	GO:0005737 cytoplasm	8	-	-	-

opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011522	9187	SLC24A1	solute carr	GO:000681	GO:000526	GO:000588	34	36	1.06	0.08
DHsGV100	DHsGV1000314	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000453	-	-	-	-	-	-	-	-	18	18	0.99	-0.01
DHsGV100	DHsGV1000207	ENSG0000	-	256158	HMCN2	hemiceptin	GO:005089	GO:000550	GO:000557	571	419	0.73	-0.45
DHsGV100	DHsGV1000405	-	-	-	-	-	-	-	-	9	16	1.75	0.80
DHsGV100	DHsGV1000053	-	-	-	-	-	-	-	-	52	41	0.80	-0.33
DHsGV100	DHsGV1000133	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000034	-	-	-	-	-	-	-	-	93	74	0.80	-0.33
DHsGV100	DHsGV1000295	ENSG0000	XR_936088	105372468	LOC10537	uncharacte	-	-	-	82	53	0.65	-0.62
DHsGV100	DHsGV100034	ENSG0000	NM_001101	199800	ADM5	adrenomed	-	-	GO:000557	399	324	0.81	-0.30
AHsV1000	AHsV10001281	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000354	-	NG_015888	1021	CDK6	cyclin-dep	GO:000008	GO:000469	GO:000030	42	41	0.97	-0.05
DHsGV100	DHsGV1000316	ENSG0000	NR_110944	101928880	LOC10192	uncharacte	-	-	-	18	23	1.27	0.34
DHsGV100	DHsGV1000368	-	-	-	-	-	-	-	-	86	71	0.83	-0.27
DHsGV100	DHsGV1000091	-	-	-	-	-	-	-	-	-	5	-	-
DHsGV100	DHsGV1000510	ENSG0000	XR_942218	105371426	LOC10537	uncharacte	-	-	-	-	6	-	-
DHsGV100	DHsGV1000335	ENSG0000	-	-	RP11-15H	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000438	-	-	-	-	-	-	-	-	-	3	-	-
DHsGV100	DHsGV1000165	ENSG0000	-	-	CTD-2243	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000267	ENSG0000	-	-	AC003075	-	-	-	-	-	4	-	-
DHsGV100	DHsGV1000137	ENSG0000	-	-	RP5-1028L	-	-	-	-	6	11	1.76	0.82
DHsGV100	DHsGV1000226	-	-	-	-	-	-	-	-	64	54	0.85	-0.24
AHsV1000	AHsV10002764	ENSG0000	NM_001130	387836	CLEC2A	C-type lec	GO:004226	GO:000551	GO:0005886 plasma membrane,GO:0016021 in	-	-	-	-
CHsGV100	CHsGV1000015	ENSG0000	-	387328	ZNF322P1	zinc finger	-	-	-	61	86	1.40	0.49
CHsGV100	CHsGV100038	ENSG0000	NM_182619	348174	CLEC18A	C-type lec	-	GO:000551	GO:0005615 extracellular space,GO:0005768 e	-	-	-	-
AHsV1000	AHsV10002099	ENSG0000	NM_001032	347517	RAB41	RAB41, me	GO:000689	GO:000551	GO:0005794 Golgi apparatus	-	-	-	-
H30001519	H300015192	ENSG0000	XM_006720	85439	STON2	stonin 2	GO:000224	GO:000551	GO:000573	31	24	0.75	-0.41
DHsGV100	DHsGV1000425	ENSG0000	XM_006722	9625	AATK	apoptosis-	GO:000742	GO:000467	GO:000578	24	28	1.16	0.21
DHsGV100	DHsGV1000061	ENSG0000	XR_929550	105376014	LOC10537	uncharacte	-	-	-	-	6	-	-
DHsGV100	DHsGV1000187	-	-	-	-	-	-	-	-	-	4	-	-
DHsGV100	DHsGV1000212	ENSG0000	-	-	AC079154	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000045	-	NG_033863	6576	SLC25A1	solute carr	GO:000597	GO:000373	GO:000563	58	42	0.73	-0.46
DHsGV100	DHsGV1000385	-	NG_008352	3889	KRT83	keratin 83	GO:000756	GO:000519	GO:0005615 extracellu	-	4	-	-
DHsGV100	DHsGV1000130	-	-	-	-	-	-	-	-	-	11	-	-
DHsGV100	DHsGV1000280	ENSG0000	XM_011524	9196	KCNAB3	potassium	GO:000681	GO:000524	GO:0005737 cytoplasm	-	5	-	-
H20001181	H200011812	ENSG0000	NM_019059	54543	TOMM7	translocase	GO:000042	GO:000551	GO:000573	8176	6220	0.76	-0.39
DHsGV100	DHsGV1000517	-	NG_012299	3890	KRT84	keratin 84	GO:000194	GO:000520	GO:0045095 keratin fil	-	6	-	-
AHsV1000	AHsV10002667	ENSG0000	XR_938319	100128818	LPEQ6126	uncharacte	-	-	GO:0005576 extracellular region	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000186	-	-	-	-	-	-	-	-	6	11	1.86	0.89
DHsGV100	DHsGV1000412	-	-	-	-	-	-	-	-	1179	1128	0.96	-0.06
DHsGV100	DHsGV1000572	-	-	-	-	-	-	-	-	132	111	0.84	-0.25
DHsGV100	DHsGV1000248	-	-	-	-	-	-	-	-	97	71	0.73	-0.45
DHsGV100	DHsGV1000047	-	-	-	-	-	-	-	-	64	54	0.85	-0.24
DHsGV100	DHsGV1000447	-	-	-	-	-	-	-	-	7	8	1.18	0.24
DHsGV100	DHsGV1000144	ENSG0000	NR_034118	100132273	NDUFA6-A	NDUFA6 ar	-	-	-	12	12	1.02	0.02
DHsGV100	DHsGV100052	ENSG0000	NG_029146	4170	MCL1	myeloid cel	GO:000170	GO:000551	GO:000563	19	21	1.11	0.15
DHsGV100	DHsGV1000225	ENSG0000	NR_120518	100130480	LINC01387	long interse	-	-	-	-	3	-	-
DHsGV100	DHsGV100041	ENSG0000	XR_944568	51134	CEP83	centrosome	GO:000699	GO:000367	GO:000579	13	27	2.09	1.06
CHsGV100	CHsGV1000344	ENSG0000	NM_152585	159163	RBM1YF	RNA bindin	GO:000639	GO:000016	GO:0005575 cellular component,GO:0005634	-	-	-	-
AHsV1000	AHsV10000581	ENSG0000	XM_011518	375743	PTAR1	protein pre	GO:001834	GO:000831	GO:000573	50	60	1.21	0.28
AHsV1000	AHsV10001497	ENSG0000	NM_001001	346517	OR6V1	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:000588	5	6	1.09	0.12
H30000403	H300004039	ENSG0000	XM_011511	344561	GPR148	G protein-c	GO:000718	GO:000493	GO:0005886 plasma membrane,GO:0016021 in	-	-	-	-
H20001658	H200016587	ENSG0000	NM_001242	81847	RNF146	ring finger	GO:001605	GO:000484	GO:000563	154	210	1.36	0.45
H30000815	H300008152	ENSG0000	XM_005266	26224	FBXL3	F-box and	GO:000762	GO:000484	GO:000015	124	135	1.09	0.13
H20001628	H200016282	ENSG0000	NM_005478	10022	INSL5	insulin like	GO:000815	GO:000517	GO:000557	9	13	1.45	0.54
H20000476	H200004760	ENSG0000	XM_011523	6462	SHBG	sex hormor	-	GO:000549	GO:0005576 extracellu	-	5	-	-
H30000709	H300007097	ENSG0000	NM_005045	5649	RELN	reelin	GO:000090	GO:000471	GO:000557	14	16	1.12	0.17
H20000683	H200006835	ENSG0000	XM_011537	1280	COL2A1	collagen ty	GO:000150	GO:003002	GO:000557	16	21	1.29	0.37
H30000896	H300008962	ENSG0000	NM_001283	23308	ICOSLG	inducible T	GO:000225	GO:000510	GO:0005886 plasma m	-	3	-	-
H20001084	H200010843	ENSG0000	XM_006719	11061	LECT1	leukocyte d	GO:000150	-	GO:0005578 proteinac	-	6	-	-
H20000833	H200008339	ENSG0000	NM_003813	8747	ADAM21	ADAM met	GO:000650	GO:000422	GO:000588	16	23	1.43	0.52
H20000362	H200003628	-	NM_001008	8459	TPST2	tyrosylprot	GO:000647	GO:000847	GO:000013	294	204	0.69	-0.53
H20000047	H200000470	ENSG0000	NM_002507	4804	NGFR	nerve grow	GO:000688	GO:000154	GO:000557	18	17	0.99	-0.02
H30000593	H300005930	ENSG0000	NR_110005	4043	LRPAP1	LDL recept	GO:000645	GO:000487	GO:000557	512	328	0.64	-0.64
H20000583	H200005835	ENSG0000	NM_001316	685	BTC	betacellulin	GO:000016	GO:000515	GO:0005576 extracellu	-	4	-	-
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011521	26276	VPS33B	VPS33B, la	GO:000690	GO:000551	GO:000573	150	143	0.96	-0.06
H20000255	H200002554	ENSG0000	NM_001297	10256	CNKSR1	connector	GO:000716	GO:000551	GO:000588	62	58	0.92	-0.12
H30000295	H300002956	ENSG0000	XR_429293	145581	LRFN5	leucine ric	GO:000740	-	GO:0009986 cell surfac	-	4	-	-
H30001773	H300017736	ENSG0000	XM_011518	117531	TMC1	transmemb	GO:005091	GO:000524	GO:0009897 external s	-	4	-	-
H20001771	H200017713	ENSG0000	NM_001167	57113	TRPC7	transient re	GO:000682	GO:000551	GO:000563	7	11	1.73	0.79
H20001556	H200015568	ENSG0000	NR_073070	55858	TMEM165	transmemb	GO:000648	-	GO:000576	761	675	0.89	-0.17
H30000482	H300004821	ENSG0000	-	641457	CRIP1P4	cysteine-ri	-	-	-	21	20	0.98	-0.03
H20001428	H200014282	ENSG0000	NM_000477	213	ALB	albumin	GO:000189	GO:000367	GO:0005576 extracellu	-	15	-	-
DHsGV100	DHsGV1000491	-	-	-	-	-	-	-	-	42	35	0.84	-0.26
DHsGV100	DHsGV1000134	-	-	-	-	-	-	-	-	153	147	0.96	-0.06
DHsGV100	DHsGV1000172	-	-	-	-	-	-	-	-	128	73	0.57	-0.81
DHsGV100	DHsGV1000455	-	NM_000633	596	BCL2	B-cell CLL	GO:000020	GO:000202	GO:000563	4	15	3.46	1.79
DHsGV100	DHsGV1000274	-	-	-	-	-	-	-	-	-	7	-	-
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_005253	5896	RAG1	recombinat	GO:000225	GO:000367	GO:000563	11	16	1.40	0.49
H20001900	H200019006	ENSG0000	NM_015014	23029	RBM34	RNA bindin	-	GO:000016	GO:000563	687	717	1.04	0.06
H30000573	H300005736	ENSG0000	NM_000446	5444	PON1	paraoxonas	GO:000960	GO:000406	GO:0005576 extracellular region,GO:0005615	-	-	-	-
H20002024	H200020247	ENSG0000	NM_000229	3931	LCAT	lecithin-ch	GO:000664	GO:000460	GO:000557	97	90	0.93	-0.10
H20001521	H200015211	ENSG0000	NM_003292	7175	TPR	translocate	GO:000012	GO:000367	GO:0000776 kinetocho	-	9	-	-
H30000744	H300007445	ENSG0000	NM_002990	6367	CCL22	C-C motif	GO:000254	GO:000800	GO:000557	16	23	1.45	0.53
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011539	10718	NRG3	neuregulin	GO:000155	GO:000510	GO:000557	69	61	0.89	-0.18
H20000168	H200001682	ENSG0000	NM_014255	10330	CNPY2	canopy FG	GO:001062	GO:000551	GO:000578	628	638	1.01	0.02
H20000742	H200007423	ENSG0000	NM_001167	7380	UPK3A	uroplakin 3	GO:000090	GO:000551	GO:000578	14	13	0.97	-0.04
H30002048	H300020480	ENSG0000	NM_003183	6868	ADAM17	ADAM met	GO:000166	GO:000422	GO:000573	54	90	1.66	0.73
H20001494	H200014948	ENSG0000	XM_011509	3776	KCNK2	potassium	GO:000323	GO:001527	GO:000563	7	13	1.89	0.91

H20000740	H200007401	ENSG0000	XM_011517	3037	HAS2	hyaluronan	GO:000157	GO:005050	GO:0005737 cytoplasm	5			
H20001042	H200010427	ENSG0000	NM_001199	140465	MYL6B	myosin ligh	GO:000693	GO:000377	GO:000582	369	297	0.80	-0.31
H30000853	H300008535	ENSG0000	XM_011545	6494	SIPA1	signal-indu	GO:000701	GO:000509	GO:000563	644	539	0.84	-0.26
H20000281	H200002813	ENSG0000	XM_005273	2675	GFRA2	GDNF fami	GO:000716	GO:001616	GO:0005886 plasma m	3			
H30000678	H300006783	ENSG0000	XR_429442	114294	LACTB	lactamase	GO:000815	GO:001678	GO:000573	104	96	0.93	-0.11
H20000662	H200006625	ENSG0000	XM_011520	84867	PTPN5	protein tyr	GO:000193	GO:000178	GO:000578	32	30	0.94	-0.08
H30002001	H300020012	ENSG0000	XM_011517	54714	CNGB3	cyclic nucl	GO:000681	GO:000522	GO:0001750 photoreceptor outer segment,GC				
H20001691	H200016915	ENSG0000	NM_138636	51311	TLR8	toll like rec	GO:000177	GO:000367	GO:000013	11	15	1.29	0.37
H30000266	H300002667	ENSG0000	NM_014752	9789	SPCS2	signal pepti	GO:000641	GO:000823	GO:000578	3811	2902	0.76	-0.39
H30000922	H300009229	ENSG0000	-	100287372	IGHV3OR1	immunoglob	-	-	-		5		
DHsGV100	DHsGV1000310	-	-	-	-	-	-	-	-	7	10	1.38	0.46
DHsGV100	DHsGV1000352	ENSG0000	NR_134868	347862	PDDC1	Parkinson d	GO:000815	GO:000367	GO:007006	54	32	0.60	-0.73
DHsGV100	DHsGV1000344	-	-	-	-	-	-	-	-	22	26	1.18	0.24
DHsGV100	DHsGV1000103	ENSG0000	-	64101	LRRC4	leucine ric	GO:000646	GO:000486	GO:000573	5	7	1.26	0.33
DHsGV100	DHsGV1000405	-	-	-	-	-	-	-	-				
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_181809	353500	BMP8A	bone morph	GO:000150	GO:000512	GO:000561	13	17	1.33	0.41
H20001885	H200018850	ENSG0000	NM_033199	90226	UCN2	urocortin 2	GO:000617	GO:000166	GO:0005576 extracellular region,GO:0005615				
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_021002	3443	IFNA6	interferon,	GO:000225	GO:000512	GO:000557	17	17	1.02	0.03
H20000760	H200007600	ENSG0000	NM_002009	2252	FGF7	fibroblast g	GO:000016	GO:000511	GO:000557	68	61	0.90	-0.15
H20001395	H200013950	ENSG0000	XM_005245	3080	CFHR2	complemer	-	-	GO:000557	109	119	1.09	0.12
H20001165	H200011654	ENSG0000	NM_170609	167	CRISP1	cysteine ric	GO:000733	GO:000524	GO:000561	500	550	1.10	0.14
H20001529	H200015291	ENSG0000	XM_011521	10021	HCN4	hyperpolari	GO:000202	GO:000522	GO:0005886 plasma membrane,GO:0016021 in				
H20001177	H200011778	ENSG0000	NM_014713	9741	LAPTM4A	lysosomal p	GO:000681	-	GO:000579	1444	1546	1.07	0.10
H20000046	H200000467	ENSG0000	NM_003054	6571	SLC18A2	solute carr	GO:000197	GO:000527	GO:000588	9	12	1.30	0.38
H20000647	H200006476	ENSG0000	XM_011523	6530	SLC6A2	solute carr	GO:000681	GO:000533	GO:0005886 plasma m	6			
H30000268	H300002685	ENSG0000	NM_198407	2693	GHSR	growth hor	GO:000718	GO:000161	GO:0005886 plasma membrane,GO:0009986 c				
H20000518	H200005182	ENSG0000	XM_006717	2218	FKTN	fukutin	GO:000739	GO:001674	GO:000013	46	55	1.19	0.25
H20000693	H200006937	ENSG0000	NM_007357	22796	COG2	component	GO:000688	GO:000551	GO:000013	204	161	0.79	-0.34
H30000630	H300006306	ENSG0000	NM_206833	404217	CTXN1	cortexin 1	-	-	GO:001602	453	305	0.67	-0.57
H30000493	H300004936	ENSG0000	NM_181885	339403	RXFP4	relaxin/insu	GO:000720	GO:000494	GO:000588	47	38	0.80	-0.32
H20001225	H200012257	ENSG0000	NM_001017	81793	TLR10	toll like rec	GO:000222	GO:000488	GO:0005886 plasma membrane,GO:0016020 m				
H30001314	H300013147	ENSG0000	XM_006720	80063	ATF7IP2	activating t	GO:000635	-	GO:000563	68	73	1.07	0.10
H30000357	H300003578	ENSG0000	NM_037912	50624	CUZD1	CUB and z	GO:000693	-	GO:0016021 integral c	15			
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011509	28982	FLVCR1	feline leuke	GO:000156	GO:000521	GO:000573	309	240	0.78	-0.36
H30000975	H300009756	ENSG0000	-	441050	PTGES3P3	prostagland	-	-	-	1031	766	0.74	-0.43
H30000621	H300006211	ENSG0000	XM_011522	732265	LOC732265	uncharacte	-	-	-	380	303	0.80	-0.33
DHsGV100	DHsGV1000074	-	XM_011514	23564	DDAH2	dimethylarg	GO:000005	GO:000382	GO:000573	106	87	0.82	-0.29
DHsTV100	DHsTV1000010	-	-	-	-	-	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000464	-	-	-	-	-	-	-	-		4		
DHsGV100	DHsGV1000521	-	-	-	-	-	-	-	-		9		
DHsGV100	DHsGV1000048	ENSG0000	XM_006719	2998	GYS2	glycogen sy	GO:000597	GO:000437	GO:0005737 cytoplasm	4			
H20001185	H200011850	ENSG0000	NM_022360	64184	EDDM3B	epididymal	-	GO:000367	GO:0005576 extracellular region				
H20001688	H200016885	ENSG0000	XM_005273	50604	IL20	interleukin	GO:000695	GO:000512	GO:000557	11	11	1.07	0.10
H20001131	H200011318	ENSG0000	XM_011522	181	AGRP	agouti relat	GO:000721	GO:000510	GO:000561	12	14	1.16	0.21
H20000772	H200007720	ENSG0000	NM_021817	60484	HAPLN2	hyaluronan	GO:000150	GO:000554	GO:000557	12	18	1.54	0.62
H30000554	H300005545	ENSG0000	NM_173849	145258	GSC	goosecoid	GO:000012	GO:000108	GO:000563	34	39	1.16	0.21
H30000529	H300005291	ENSG0000	XM_011524	84667	HES7	hes family	GO:000012	GO:000367	GO:000563	143	150	1.05	0.07
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011537	9369	NRXN3	neurexin 3	GO:000152	GO:000487	GO:0005623 cell,GO:0005887 integral compon				
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_011525	8811	GALR2	galanin rec	GO:000693	GO:000496	GO:000582	10	18	1.80	0.85
H30000736	H300007366	ENSG0000	NM_001039	6340	SCNN1G	sodium cha	GO:000681	GO:000521	GO:0005886 plasma m	6			
H20000801	H200008015	ENSG0000	XM_011520	5795	PTPRJ	protein tyr	GO:000157	GO:000472	GO:0001772 immunolo	5			
H30002249	H300022499	ENSG0000	NM_005215	1630	DCC	DCC netrin	GO:000176	GO:000488	GO:0005829 cytosol,G	3			
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001816	1088	CEACAM8	carcinoemb	GO:000695	-	GO:0005615 extracellu	11			
H20001188	H200011886	ENSG0000	NM_016592	2778	GNAS	GNAS com	GO:000189	GO:000367	GO:000172	11	16	1.45	0.53
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_153259	255231	MCOLN2	mucolipin 2	GO:003422	-	GO:000588	5	12	2.35	1.24
H30000673	H300006737	ENSG0000	NM_001258	165530	CLEC4F	C-type lec	GO:000689	GO:003024	GO:001602	21	21	1.00	-0.01
H20000295	H200002958	ENSG0000	XM_011541	64645	MFSD14A	major facili	GO:005508	GO:000521	GO:001602	331	265	0.80	-0.32
H30000530	H300005309	ENSG0000	NM_021637	59353	TMEM35	transmemb	GO:000815	GO:000367	GO:0005575 cellular_cc	10			
H20001710	H200017109	ENSG0000	NR_102350	27036	SIGLEC7	sialic acid b	GO:000715	GO:000487	GO:000588	62	58	0.94	-0.08
H30000510	H300005102	ENSG0000	XM_006711	23632	CA14	carbonic ar	GO:001570	GO:000408	GO:0005886 plasma m	6			
DHsGV100	DHsGV1000452	ENSG0000	NM_001318	100507679	MUC22	mucin 22	-	-	GO:0016021 integral component of membrane				
DHsGV100	DHsGV1000108	-	-	-	-	-	-	-	-	108	95	0.88	-0.19
DHsGV100	DHsGV1000432	-	-	-	-	-	-	-	-				
H30002163	H300021631	ENSG0000	NM_000199	6448	SGSH	N-sulfogluc	GO:000597	GO:000382	GO:004320	62	41	0.67	-0.58
DHsGV100	DHsGV1000153	-	-	-	-	-	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000248	-	XM_011520	118426	BORCS5	BLOC-1 re	-	GO:000551	GO:001602	7	12	1.71	0.77
DHsGV100	DHsGV1000200	-	NG_021275	30848	CTAG2	cancer/tes	GO:000815	GO:000367	GO:000581	56	54	0.95	-0.07
H30000241	H300002417	ENSG0000	NM_207348	284723	SLC25A34	solute carr	GO:000641	GO:000373	GO:0005743 mitochond	7			
H30000572	H300005725	ENSG0000	XM_006716	23144	ZC3H3	zinc finger	GO:000637	GO:000367	GO:000563	11	14	1.23	0.30
H30002165	H300021651	ENSG0000	NM_007337	9940	DLEC1	deleted in l	GO:000828	GO:000367	GO:0005737 cytoplasm				
H20001444	H200014442	ENSG0000	XM_006721	201292	TRIM65	tripartite m	GO:001050	GO:000827	GO:000562	109	106	0.97	-0.04
H20001098	H200010986	ENSG0000	XM_011523	57336	ZNF287	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	26	28	1.07	0.10
H20000255	H200002550	ENSG0000	XM_011525	55852	TEX2	testis expr	GO:000666	GO:000367	GO:001602	208	197	0.94	-0.08
H20001344	H200013449	ENSG0000	NM_018283	55270	NUDT15	nudix hydr	GO:000620	GO:000841	GO:000582	403	380	0.94	-0.09
H20000248	H200002489	ENSG0000	NM_032280	84240	ZCCHC9	zinc finger	GO:000635	GO:000827	GO:000573	645	596	0.93	-0.11
H20000207	H200002077	ENSG0000	NM_001308	55337	C19orf66	chromosom	GO:003434	GO:000372	GO:000563	28	41	1.47	0.56
H20000261	H200002610	ENSG0000	XM_011525	60386	SLC25A19	solute carr	GO:000223	GO:000373	GO:000563	423	255	0.60	-0.73
H20000397	H200003978	ENSG0000	NR_104423	57380	MRS2	MRS2, mag	GO:004501	GO:001509	GO:000574	692	527	0.76	-0.39
H20001518	H200015183	ENSG0000	NM_005957	4524	MTHFR	methylenet	GO:000166	GO:000448	GO:000582	25	30	1.20	0.26
H20000186	H200001866	ENSG0000	XM_006720	3990	LIPC	lipase C, he	GO:000166	GO:000462	GO:0005576 extracellu	9			
H20000885	H200008856	ENSG0000	NM_152622	166968	MIER3	MIER fami	GO:000635	GO:000367	GO:000563	58	91	1.57	0.65
H20000630	H200006302	ENSG0000	XM_011516	114569	MAL2	mal, T-cell	-	GO:000551	GO:001250	81	88	1.10	0.13
H20001912	H200019128	ENSG0000	NM_033626	90060	CCDC120	coiled-coil	GO:000727	GO:000551	GO:0005768 endosome	3			
H30001387	H300013871	ENSG0000	NM_001146	79143	CCOAT7	membrane	GO:000664	GO:000551	GO:000578	16	18	1.11	0.15
H20000471	H200004718	ENSG0000	XM_011516	60561	RINT1	RAD50 inte	GO:000704	GO:000551	GO:000578	537	421	0.78	-0.35
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_020639	54101	RIPK4	receptor in	GO:000200	GO:000467	GO:000573	96	82	0.86	-0.22
H30001867	H300018670	ENSG0000	NM_001278	51654	CDK5RAP1								

H20001815	H200018156	ENSG0000	NM_017413	8862	APLN	apelin	GO:000202	GO:000166	GO:000557	71	63	0.89	-0.17	
opHsV0400	opHsV0400008	ENSG0000	XM_011542	7813	EV5	ecotropic v	GO:000704	GO:000509	GO:000563	40	46	1.14	0.19	
H20000323	H200003233	ENSG0000	NM_001305	81533	ITFG1	integrin alp	-	-	GO:001602	442	442	1.00	0.00	
H20000465	H200004653	ENSG0000	NM_018837	55959	SULF2	sulfatase 2	GO:000182	GO:000406	GO:000561	17	24	1.37	0.46	
H30001190	H300011903	ENSG0000	NM_001257	84679	SLC9A7	solute carr	GO:000681	GO:000551	GO:0000139	8	8			
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XR_927480	54467	ANKIB1	ankyrin rep	GO:000020	GO:000551	GO:000015	95	94	0.99	-0.02	
H20001589	H200015897	ENSG0000	NM_018906	56145	PCDHA3	protocadhe	GO:000715	GO:000550	GO:000588	10	16	1.55	0.63	
H20001969	H200019699	ENSG0000	XR_931757	146059	CDAN1	codanin 1	GO:000632	GO:000551	GO:000563	9	14	1.46	0.55	
H20000206	H200002068	ENSG0000	NR_038118	326625	MMAB	methylmalc	GO:000676	GO:000552	GO:0005759	mitochon	11			
H20001515	H200015153	ENSG0000	XM_011523	53630	BCO1	beta-carot	GO:000152	GO:000383	GO:000582	114	76	0.67	-0.58	
H20000100	H200001002	ENSG0000	NM_006700	10966	TRAFD1	TRAF-type	GO:003409	GO:000551	-	486	456	0.94	-0.09	
H20000038	H200000385	ENSG0000	NM_002152	3270	HRC	histidine ric	GO:000202	GO:000550	GO:000582	59	46	0.78	-0.35	
H20001070	H200010702	ENSG0000	NM_006942	6665	SOX15	SRY-box 1	GO:000012	GO:000098	GO:000563	55	45	0.81	-0.30	
H20000413	H200004131	ENSG0000	NM_030578	80776	B9D2	B9 protein	GO:000027	GO:000551	GO:000563	42	43	1.02	0.03	
H20002033	H200020337	ENSG0000	NM_138289	139741	ACTRT1	actin-relat	GO:000223	-	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005856	cytoskele			
H20000696	H200006961	-	XM_011542	3145	HMBS	hydroxyme	GO:000166	GO:000441	GO:000079	971	422	0.43	-1.20	
H20000740	H200007403	ENSG0000	NM_004473	2304	FOXE1	forkhead bd	GO:000012	GO:000098	GO:000563	16	23	1.40	0.49	
H20000339	H200003398	ENSG0000	XM_006718	143884	CWF19L2	CWF19-like	GO:000815	GO:000382	-	101	87	0.87	-0.21	
H20001232	H200012328	ENSG0000	NM_001318	113115	MTRF2	mitochondr	GO:000026	GO:000551	GO:000573	795	642	0.81	-0.31	
H20001642	H200016427	ENSG0000	XM_011537	78991	PCYOX1L	prenylcyste	GO:000302	GO:000173	GO:000557	52	64	1.24	0.31	
H30000162	H300001623	ENSG0000	XM_011521	57611	ISLR2	immunoglob	GO:004577	-	GO:000588	103	84	0.82	-0.29	
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_006718	57104	PNPLA2	patatin like	GO:000664	GO:000480	GO:000578	287	240	0.83	-0.26	
H30001903	H300019035	ENSG0000	XM_011515	51251	NT5C3A	5'-nucleoti	GO:000620	GO:000016	GO:000573	548	511	0.93	-0.10	
H20001689	H200016890	ENSG0000	NM_016247	50939	IMPG2	interphotor	GO:000760	GO:000520	GO:000557	17	22	1.28	0.36	
H30001517	H300015170	ENSG0000	XM_011523	22899	ARHGEF15	Rho guanin	GO:003502	GO:000508	GO:000573	38	38	1.00	0.00	
H20001187	H200011878	-	NM_001172	11026	LILRA3	leukocyte i	GO:000225	GO:000382	GO:000557	25	27	1.04	0.06	
H20000508	H200005087	ENSG0000	NM_003285	7143	TNR	tenascin R	GO:000715	-	GO:000557	61	57	0.93	-0.10	
H20001645	H200016454	ENSG0000	NM_003162	6801	STRN	striatin	GO:000762	GO:000551	GO:000015	57	61	1.06	0.08	
H20001938	H200019386	ENSG0000	XM_011537	10677	AVIL	advillin	GO:000701	GO:000377	GO:000573	13	17	1.30	0.37	
H20000380	H200003801	ENSG0000	NM_001318	11190	CEP250	centrosom	GO:000008	GO:000551	GO:000581	135	112	0.83	-0.26	
H30000554	H300005548	ENSG0000	NM_001008	340533	KIAA2022	KIAA2022	GO:000739	-	-					
H20001134	H200011349	ENSG0000	NM_001134	148418	SAMD13	sterile alph	-	-	-	7	21	2.92	1.54	
H20001582	H200015822	ENSG0000	NR_002451	79963	ABCA11P	ATP bindin	GO:000681	GO:000521	GO:001602	23	36	1.61	0.68	
H20001694	H200016946	ENSG0000	NM_017700	54848	ARHGEF38	Rho guanin	GO:003502	GO:000508	GO:0005737	cytoplasm	5			
H20001537	H200015377	ENSG0000	NM_005413	6496	SIX3	SIX homeo	GO:000006	GO:000098	GO:0005634	nucleus	5			
H20001253	H200012531	ENSG0000	NM_006090	10390	CEPT1	choline/eth	GO:000662	GO:000414	GO:000578	383	338	0.88	-0.18	
H20000233	H200002332	ENSG0000	NM_032286	84246	MED10	mediator c	GO:000636	GO:000110	GO:000015	1245	1358	1.09	0.13	
H20001443	H200014432	ENSG0000	XM_011524	7732	RNF112	ring finger	GO:000815	GO:000392	GO:0005634	nucleus,GO:0005737	cytoplasm,C			
H20000086	H200000865	ENSG0000	NM_006530	8089	YEATS4	YEATS dor	GO:000632	GO:000367	GO:000565	502	553	1.10	0.14	
H20000166	H200001660	ENSG0000	NR_109800	57179	KIAA1191	KIAA1191	GO:000815	GO:000367	GO:000557	169	129	0.77	-0.38	
H20000832	H200008321	ENSG0000	NM_024829	79887	PLBD1	phospholipa	GO:000664	GO:001678	GO:000561	128	125	0.98	-0.03	
H20001231	H200012310	ENSG0000	NM_001900	1473	CST5	cystatin D	GO:001095	GO:000486	GO:000557	27	25	0.92	-0.12	
H20000318	H200003189	ENSG0000	NM_001217	770	CA11	carbonic ar	-	GO:000408	GO:000557	38	47	1.23	0.30	
H20000231	H200002319	ENSG0000	NM_172364	93589	CACNA2D4	calcium vol	GO:003476	GO:000524	GO:000588	17	29	1.64	0.71	
H20001447	H200014478	ENSG0000	NM_032316	84276	NICN1	nicolin 1	-	-	GO:000563	73	83	1.15	0.20	
H20001534	H200015343	ENSG0000	NM_144582	113419	TEX261	testis expr	GO:000688	GO:009702	GO:003013	186	185	0.99	-0.01	
H20001327	H200013275	ENSG0000	NM_019886	56548	CHST7	carbohydr	GO:000597	GO:000151	GO:000013	24	29	1.22	0.29	
H20000574	H200005742	ENSG0000	NM_001290	55802	DCP1A	decapping	GO:000018	GO:000372	GO:000093	172	161	0.93	-0.10	
H30000728	H300007284	ENSG0000	NM_182981	29948	OSGIN1	oxidative s	GO:000727	GO:000551	GO:000557	54	91	1.70	0.76	
H20000743	H200007436	ENSG0000	NM_014484	27304	MOCS3	molybdenum	GO:000209	GO:000479	GO:000582	123	107	0.87	-0.20	
H30000691	H300006916	ENSG0000	NM_006391	10527	IPO7	importin 7	GO:000660	GO:000521	GO:000564	81	93	1.15	0.20	
H20000359	H200003593	ENSG0000	XM_011518	10044	SH2D3C	SH2 domain	GO:000725	GO:000507	GO:0005737	cytoplasm	8			
H20001538	H200015387	ENSG0000	NM_001113	5999	RGS4	regulator o	GO:000018	GO:000196	GO:000563	16	17	1.08	0.11	
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_011523	5833	PCYT2	phosphate	GO:000664	GO:000430	GO:000557	181	157	0.87	-0.21	
H20001379	H200013795	ENSG0000	NM_001128	6444	SGCD	sarcoglycar	GO:000751	-	GO:000573	9	11	1.17	0.23	
H30000834	H300008340	ENSG0000	XM_011539	159371	SLC35G1	solute carr	GO:005148	GO:000551	GO:000578	46	49	1.07	0.09	
H30002107	H300021077	ENSG0000	NM_152299	29781	NCAPH2	non-SMC c	GO:000027	GO:000551	GO:000565	1051	905	0.86	-0.22	
H20001314	H200013143	ENSG0000	NM_080725	140809	SRXN1	sulfiredoxin	GO:000697	GO:000552	GO:000582	197	238	1.21	0.27	
H20001503	H200015031	ENSG0000	NM_001039	127731	VWA5B1	von Willebr	-	-	GO:000557	381	304	0.80	-0.32	
H20000617	H200006173	ENSG0000	XM_005274	5547	PRCP	prolylcarbo	GO:000215	GO:000418	GO:000576	296	252	0.85	-0.23	
H20000571	H200005713	ENSG0000	XM_006716	84681	HINT2	histidine tri	GO:000669	GO:000016	GO:000573	322	397	1.24	0.30	
H20001184	H200011840	ENSG0000	NM_178483	140856	SCP2D1	SCP2 ster	GO:000669	GO:001524	-		4			
H20000027	H200000273	ENSG0000	XM_006718	6737	TRIM21	tripartite m	GO:000020	GO:000367	GO:000093	69	63	0.91	-0.14	
H20001578	H200015789	ENSG0000	XM_011525	84081	NSRP1	nuclear spe	GO:000038	GO:000372	GO:000563	307	360	1.17	0.23	
H20000278	H200002785	ENSG0000	NM_001289	83541	FAM110A	family with	-	GO:000551	GO:000092	20	24	1.21	0.27	
H20000538	H200005386	ENSG0000	NM_001130	84318	CCDC77	coiled-coil	-	-	GO:000581	213	226	1.06	0.09	
H20000503	H200005039	ENSG0000	NM_001029	57480	PLEKHG1	pleckstrin p	GO:003502	GO:000508	-					
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_000693	220	ALDH1A3	aldehyde d	GO:000207	GO:000402	GO:000573	5	13	2.81	1.49	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_178861	140432	RNF113B	ring finger	-	GO:000827	-		11			
H20000633	H200006335	ENSG0000	NM_032727	9118	INA	internexin	GO:002176	GO:000520	GO:0005615	extracellu	5			
H20000175	H200001755	ENSG0000	NM_024540	79590	MRPL24	mitochondr	GO:000641	GO:000373	GO:000573	961	826	0.86	-0.22	
H20001365	H200013653	-	NM_016233	51702	PADI3	peptidyl arg	GO:001810	GO:000466	GO:0005737	cytoplasm				
H20000633	H200006332	ENSG0000	XM_006720	55466	DNAJA4	DnaJ heat	GO:000940	GO:000551	GO:0005829	cytosol,G	8			
H20000504	H200005044	ENSG0000	NM_017906	55003	PAK1IP1	PAK1 inter	GO:000828	GO:000551	GO:000565	1735	1583	0.91	-0.13	
H20000681	H200006811	ENSG0000	XM_011534	26260	FBXO25	F-box prot	GO:001656	GO:000377	GO:000015	173	142	0.82	-0.28	
H20000470	H200004705	ENSG0000	NM_015439	25901	CCDC28A	coiled-coil	-	GO:000551	-	584	517	0.89	-0.18	
H20001042	H200010428	ENSG0000	NM_004888	9550	ATP6V1G1	ATPase H+	GO:000687	GO:000551	GO:000576	1856	1807	0.97	-0.04	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_005452	9277	WDR46	WD repeat	GO:000046	GO:004482	GO:000557	619	513	0.83	-0.27	
H30002222	H300022223	ENSG0000	NM_000936	5406	PNLIP	pancreatic	GO:000152	GO:000480	GO:000557	9	16	1.74	0.80	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NR_110282	5049	PAFAH1B2	platelet act	GO:000662	GO:000384	GO:000573	151	108	0.72	-0.48	
H30001644	H300016444	ENSG0000	NM_052819	79092	CARD14	caspase re	GO:000193	GO:005070	GO:0005737	cytoplasm	3			
H30001789	H300017891	ENSG0000	NM_020820	57580	PREX1	phosphatid	GO:000680	GO:000508	GO:000573	33	3			

opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	-	100652857	TMCO5B	transmemb	-	-	GO:0016021	integral component of membrane				
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	NM_014209	2116	ETV2	ETS varian	GO:000182	GO:000097	GO:000563	7	8	1.04	0.06	
H30001406	H300014064	ENSG0000	NM_022904	64926	RASAL3	RAS protei	GO:000016	GO:000509	GO:000573	265	211	0.80	-0.32	
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_015380	25813	SAMM50	SAMM50 s	GO:000662	GO:000551	GO:000140	672	565	0.84	-0.25	
H30000512	H300005125	ENSG0000	NM_001013	402055	SRRD	SRR1 doma	GO:004851	-	-	247	175	0.71	-0.49	
H30001416	H300014165	ENSG0000	NM_015030	285527	FRYL	FRY like tra	GO:000090	-	GO:0005938	cell corte	13			
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_031889	10117	ENAM	enamelin	GO:003121	-	GO:0005578	proteinaceous extracellul				
H30000252	H300002525	ENSG0000	NR_033752	344887	LOC34488	NmrA-like	-	-	-		4			
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011520	10436	EMG1	EMG1 N1-	GO:000636	GO:000372	GO:000563	469	410	0.87	-0.19	
H30000048	H300000489	ENSG0000	-	-	RP5-1099U	-	-	-	-	439	360	0.82	-0.29	
H30000445	H300004459	ENSG0000	XM_011517	157506	RDH10	retinol deh	GO:000152	GO:000474	GO:000563	220	260	1.19	0.25	
H30001899	H300018999	ENSG0000	XM_011539	26507	CNNM1	cyclin and	GO:000681	-	GO:000588	23	26	1.17	0.23	
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_006714	83697	SLC4A9	solute carr	GO:000681	GO:000545	GO:000588	13	20	1.53	0.61	
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_080742	135152	B3GAT2	beta-1,3-g	GO:000597	GO:001501	GO:0000139	Golgi men	7			
H20000822	H200008227	ENSG0000	NM_032803	84889	SLC7A3	solute carr	GO:000681	GO:000006	GO:0005886	plasma m	4			
H20000497	H200004978	ENSG0000	XM_005251	84688	C9orf24	chromosom	GO:000728	GO:000551	GO:0002177	manchett	8			
H20001278	H200012789	ENSG0000	NM_152485	148304	C1orf74	chromosom	-	-	-	20	30	1.46	0.54	
H20000558	H200005589	ENSG0000	XM_011541	57643	ZSWIM5	zinc finger	-	GO:000827	GO:000561	12	19	1.53	0.62	
H20001929	H200019299	ENSG0000	NM_032693	84779	NAA11	N(alpha)-ad	GO:000647	GO:000459	GO:000563	116	92	0.80	-0.33	
H30000247	H300002470	ENSG0000	-	-	AC005255.	-	-	-	-					
H30000860	H300008604	ENSG0000	NM_001319	126295	ZNF57	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	95	97	1.02	0.03	
H30002127	H300021271	ENSG0000	XR_928325	28991	COMMD5	COMM dom	GO:000635	GO:000551	GO:000563	290	240	0.83	-0.28	
H30000960	H300009609	ENSG0000	XM_011537	121391	KRT74	keratin 74,	GO:004510	GO:000519	GO:000573	36	36	1.00	0.00	
H30000981	H300009814	-	NM_080870	135656	DPCR1	diffuse pan	GO:190395	-	GO:001602	40	39	0.98	-0.03	
H30002131	H300021310	ENSG0000	XM_006716	55806	HR	hair growth	GO:000635	GO:000367	GO:000011	40	40	0.98	-0.03	
H30002107	H300021076	ENSG0000	NM_003299	7184	HSP90B1	heat shock	GO:000166	GO:000372	GO:000557	1965	1221	0.62	-0.69	
H30001132	H300011323	ENSG0000	XM_011521	256764	WDR72	WD repeat	GO:007016	-	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005768	endosom			
H30001283	H300012834	ENSG0000	XM_005273	54793	KCTD9	potassium	GO:005126	GO:000551	-	321	290	0.90	-0.14	
H30000764	H300007647	ENSG0000	NR_132358	26258	BLOC1S6	biogenesis	GO:000689	GO:000551	GO:000565	344	283	0.82	-0.28	
H30000018	H300000186	ENSG0000	XM_011518	80173	IFT74	intraflagella	GO:000333	GO:000368	GO:000563	140	168	1.20	0.26	
H30000673	H300006739	ENSG0000	NM_018989	54439	RBM27	RNA bindin	GO:000639	GO:000016	GO:000573	61	65	1.07	0.10	
H30001966	H300019666	ENSG0000	NM_018304	55771	PRR11	proline rich	GO:005172	-	GO:000563	163	186	1.14	0.19	
H30001026	H300010266	ENSG0000	NM_138705	163688	CALML6	calmodulin	-	GO:000550	GO:000563	96	78	0.81	-0.30	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_005354	3727	JUN	jun D proto	GO:000012	GO:000097	GO:000078	65	58	0.91	-0.14	
H30001529	H300015297	ENSG0000	XM_005256	80262	C16orf70	chromosom	-	GO:000551	-	134	113	0.84	-0.25	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_003544	8366	HIST1H4B	histone clu	GO:000018	GO:000367	GO:000022	756	637	0.84	-0.25	
H30001898	H300018989	ENSG0000	NM_152482	148223	C19orf25	chromosom	-	GO:000551	-	227	157	0.69	-0.53	
H30000945	H300009458	ENSG0000	NM_001292	346007	EYS	eyes shut	GO:004340	GO:000367	GO:0070062	extracellular exosome				
H30000217	H300002179	ENSG0000	XM_011520	1911	PHC1	polyhomeo	GO:000727	GO:000367	GO:0001739	sex chromatin,GO:0005634	nucle			
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	NM_001287	10094	ARPC3	actin relate	GO:000692	GO:000520	GO:000582	1031	2729	2.65	1.40	
H20002044	H200020449	ENSG0000	NM_006425	10569	SLU7	SLU7 hom	GO:000037	GO:000038	GO:000563	233	232	1.00	-0.01	
H20001285	H200012850	ENSG0000	NM_005711	10085	EDIL3	EGF like re	GO:000715	GO:000517	GO:0070062	extracellu	6			
H20000760	H200007609	ENSG0000	NM_001143	221496	LEMD2	LEM domai	GO:000699	-	GO:000563	53	75	1.40	0.49	
H20001982	H200019824	ENSG0000	NM_017582	55585	UBE2Q1	ubiquitin cc	GO:000196	GO:000551	GO:000563	585	623	1.06	0.09	
H20000672	H200006726	ENSG0000	NM_144563	22934	RPIA	ribose 5-ph	GO:000597	GO:000475	GO:000582	487	316	0.65	-0.62	
H30000626	H300006262	ENSG0000	NM_001004	440097	DBX2	developing	GO:000635	GO:004356	GO:0005634	nucleus	7			
H30000991	H300009910	ENSG0000	XM_005263	84275	SLC25A33	solute carr	GO:000000	GO:000373	GO:000574	1195	949	0.79	-0.33	
H30001005	H300010057	ENSG0000	NM_001320	152189	CMTM8	CKLF like	GO:000693	GO:000512	GO:0005615	extracellu	4			
H30000423	H300004237	ENSG0000	XM_011542	83756	TAS1R3	taste 1 rec	GO:000158	GO:000852	GO:000588	77	52	0.68	-0.57	
H30000127	H300001278	ENSG0000	-	283551	LINC01588	long interge	-	GO:000551	-		5			
H30002116	H300021162	ENSG0000	NM_001291	956	ENTPD3	ectonucleo	GO:000913	GO:000551	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in			
H30000679	H300006799	ENSG0000	XM_011521	654429	LRTM2	leucine-ric	GO:000740	-	GO:0016021	integral component of membrane				
H30000025	H300000256	-	NM_006220	390502	SERPINA2	serpin pept	GO:001095	GO:000486	GO:0005615	extracellu	8			
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_005255	84264	HAGHL	hydroxyacy	GO:000815	GO:001678	-	116	75	0.65	-0.63	
H30000251	H300002514	ENSG0000	-	341757	MRPS31P2	mitochondr	-	-	-	550	466	0.85	-0.24	
H30001857	H300018575	ENSG0000	NM_001282	79175	ZNF343	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	16	27	1.65	0.73	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_018218	55230	USP40	ubiquitin sp	GO:000651	GO:000823	GO:000563	93	97	1.04	0.06	
H30000083	H300000837	ENSG0000	NM_014616	23200	ATP11B	ATPase ph	GO:000681	GO:000028	GO:000563	33	63	1.92	0.94	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001195	3949	LDLR	low density	GO:000152	GO:000161	GO:000576	271	310	1.15	0.20	
H30000400	H300004006	ENSG0000	NM_024864	79922	MRM1	mitochondr	GO:000045	GO:000372	GO:000573	83	83	0.99	-0.01	
H30000282	H300002828	ENSG0000	NM_178457	128611	ZNF831	zinc finger	GO:000635	GO:000370	GO:0005634	nucleus	8			
H30000700	H300007001	ENSG0000	NR_002932	442245	GSTM2P1	glutathione	-	-	-		7			
H30001957	H300019572	ENSG0000	NM_002763	5629	PROX1	prospero h	GO:000012	GO:000104	GO:0005634	nucleus,GO:0005737	cytoplasm			
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	NM_015164	23207	PLEKHM2	pleckstrin	GO:000703	GO:000551	GO:001000	61	61	1.00	0.00	
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	XM_011545	81622	UNC93B1	unc-93 hor	GO:000222	-	GO:000013	65	66	1.02	0.03	
H30001881	H300018811	ENSG0000	NM_001261	80755	AARSD1	alanyl-tRN	GO:000641	GO:000004	GO:000563	396	289	0.73	-0.45	
H20000058	H200000581	ENSG0000	NM_002950	6184	RPN1	ribophorin	GO:000641	GO:000457	GO:000578	732	627	0.86	-0.22	
H20000649	H200006497	ENSG0000	NR_134969	25871	C3orf17	chromosom	GO:004566	-	GO:000563	271	292	1.08	0.11	
H20001317	H200013172	ENSG0000	XM_006716	9715	FAM131B	family with	GO:000223	GO:000551	GO:0005654	nucleoplasm,GO:0005737	cytopla			
H20000758	H200007586	ENSG0000	XM_011545	115584	SLC5A11	solute carr	GO:000681	GO:000551	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in			
H20000007	H200000071	ENSG0000	NM_004575	5458	POU4F2	POU class	GO:000012	GO:000097	GO:0005634	nucleus,GO:0016007	nuclear spe			
H30000255	H300002556	ENSG0000	NM_001005	26735	OR1L3	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:0005886	plasma m	4			
H30000434	H300004347	-	NR_103538	729583	LINC01556	long interge	-	-	-	84	95	1.14	0.18	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NR_045631	27247	NFU1	NFU1 iron	GO:001622	GO:000550	GO:000563	882	957	1.09	0.12	
H30000862	H300008621	ENSG0000	NM_001004	390445	OR5AU1	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:000588	14	21	1.50	0.59	
H30000854	H300008548	ENSG0000	XM_011516	113655	MFSD3	major facili	GO:001587							

H30001606	H300016066	ENSG0000	NM_016589	51300	TIMMDC1	translocase	GO:002290	GO:000551	GO:000565	985	923	0.94	-0.09
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011540	657	BMP1A	bone morph	GO:000170	GO:000098	GO:000588	36	58	1.61	0.69
H30001877	H300018779	ENSG0000	NM_138426	113263	GLCCI1	glucocortic	-	-	GO:000573	96	88	0.92	-0.13
H20000459	H200004597	ENSG0000	NR_040001	375295	LINC01116	long interge	-	-	-	-	5	-	-
H20002073	H200020735	ENSG0000	NM_153038	151278	CCDC140	coiled-coil	-	-	-	-	-	-	-
H20001693	H200016938	ENSG0000	NM_020717	57477	SHROOM4	shroom fam	GO:000090	GO:005101	GO:0001725	stress fib	7	-	-
H20001057	H200010570	ENSG0000	NM_000562	731	C8A	complemen	GO:000695	GO:000184	GO:0005576	extracellu	5	-	-
H20000778	H200007784	ENSG0000	XM_011545	79869	CPSF7	cleavage ar	GO:000039	GO:000016	GO:000563	246	309	1.25	0.33
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_011509	223	ALDH9A1	aldehyde d	GO:000182	GO:000402	GO:000573	470	387	0.82	-0.28
H30001946	H300019461	ENSG0000	XM_011518	51759	C9orf78	chromosom	-	GO:000551	GO:000565	1264	1056	0.84	-0.26
H30001942	H300019424	ENSG0000	NM_001291	80210	ARMCG1	armadillo re	-	GO:000551	GO:007006	28	32	1.13	0.18
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001204	9236	CCPG1	cell cycle p	GO:000704	GO:000367	GO:001602	193	819	4.25	2.09
H30001914	H300019143	ENSG0000	NM_004209	9143	SYNGR3	synaptogyr	GO:002176	GO:004216	GO:000802	123	86	0.70	-0.52
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001145	100131390	SP9	Sp9 transc	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus	6	-	-
H30000186	H300001866	ENSG0000	XM_005264	388960	C2orf78	chromosom	-	-	-	-	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	-	RP11-79P5	-	-	-	-	402	435	1.08	0.11
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_181619	337977	KRTAP21	keratin ass	-	-	GO:000588	223	226	1.01	0.02
H30000381	H300003814	ENSG0000	XM_011509	200035	NUDT17	nudix hydr	GO:000815	GO:001678	-	28	39	1.38	0.46
opHsV0400	opHsV0400009	ENSG0000	NM_017761	55629	PNRC2	proline rich	GO:000018	GO:000551	GO:000093	2453	2562	1.04	0.06
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_006719	6490	PMEL	premelanos	GO:003243	GO:000551	GO:000557	4	5	1.29	0.37
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001164	727910	TLCD2	TLC domai	-	-	GO:0016021	integral c	4	-	-
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NR_027401	100132967	FAM223A	family with	-	-	-	13	13	0.97	-0.04
H30002232	H300022328	-	NM_001080	3805	KIR2DL4	killer cell in	GO:000696	GO:000488	GO:000588	66	59	0.88	-0.18
H30000751	H300007512	ENSG0000	NM_012365	393046	OR2A5	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021 in	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	-	79308	OR4P1P	olfactory re	-	-	-	7	13	1.75	0.81
H30001947	H300019477	ENSG0000	XM_005251	54914	FOCAD	focadhesin	-	GO:000551	GO:0005925	focal adhesion,GO:0016021 integ	-	-	-
H30000557	H300005571	ENSG0000	XM_011535	221264	AK9	adenylate h	GO:000617	GO:000455	GO:0005634	nucleus,GO	6	-	-
H30000609	H300006098	ENSG0000	XM_005268	196527	ANO6	anoctamin	GO:000240	GO:000522	GO:000562	244	306	1.25	0.33
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001039	414149	ACBD7	acyl-CoA b	-	GO:000006	-	10	17	1.78	0.83
H30000943	H300009432	ENSG0000	NM_001004	390442	OR11H4	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:000588	68	57	0.84	-0.26
H30001015	H300010150	ENSG0000	-	344760	VN2R1P	vomeronas	-	-	-	-	-	-	-
H30002168	H300021681	ENSG0000	NM_001130	3265	HRAS	Harvey rat	GO:000016	GO:000392	GO:000013	214	133	0.62	-0.68
H30000955	H300009551	ENSG0000	NM_203454	403314	APOBEC4	apolipoprot	GO:000639	GO:000827	-	10	-	-	-
H30000822	H300008221	ENSG0000	XM_011516	26211	OR2F1	olfactory re	GO:000716	GO:000493	GO:000588	64	51	0.80	-0.33
H30002013	H300020132	-	XM_011521	49855	SCAPER	S-phase cy	-	GO:004687	GO:0005634	nucleus,GO	10	-	-
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XR_429269	55082	ARGLU1	arginine an	GO:000635	GO:000551	GO:000565	651	739	1.14	0.18
H30001935	H300019352	ENSG0000	NM_001127	83876	MRO	maestro	-	-	GO:0005730	nucleolus	-	-	-
H30001910	H300019100	ENSG0000	XM_011542	84938	ATG4C	autophagy	GO:000004	GO:000419	GO:000557	359	346	0.96	-0.05
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XR_926031	10799	RPP40	ribonucleas	GO:000803	GO:000452	GO:000563	784	525	0.67	-0.58
H30000145	H300001450	ENSG0000	NM_001044	125704	FAM69C	family with	-	-	GO:0005789	endoplasm	6	-	-
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_000052	538	ATP7A	ATPase co	GO:000030	GO:000400	GO:000577	4	7	1.59	0.67
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_181620	337979	KRTAP22	keratin ass	-	-	GO:000588	5	10	2.00	1.00
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_178348	353131	LCE1A	late cornifi	GO:001814	GO:000519	GO:000153	214	168	0.79	-0.35
opHsV0400	opHsV0400006	-	XR_246430	338657	CCDC84	coiled-coil	-	-	-	153	200	1.31	0.39
H30001504	H300015046	ENSG0000	NM_181506	100130733	LRRC70	leucine rich	GO:000740	-	GO:0016021	integral c	10	-	-
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001134	388015	RTL1	retrotransp	GO:000727	-	GO:0016021	integral c	3	-	-
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	340460	KRT18P24	keratin 18	-	-	-	602	547	0.91	-0.14
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001142	100131211	NEMP2	nuclear env	-	-	GO:0005637	nuclear in	7	-	-
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001271	389895	LOC389895	chromosom	-	-	-	23	25	1.07	0.09
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	NR_073032	399473	SPRED3	sprouty rel	GO:000727	-	GO:001602	10	13	1.29	0.37
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001001	400935	IL17REL	interleukin	GO:001922	GO:003036	GO:000588	135	112	0.83	-0.27
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001136	643853	TMPPE	transmemb	GO:000815	GO:001678	GO:001602	13	20	1.51	0.59
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	-	26668	ORTA3P	olfactory re	-	-	-	-	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NR_033768	100379220	TMED11P	transmemb	-	-	-	-	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_024840	79898	ZNF613	zinc finger	GO:000012	GO:000370	GO:000563	18	32	1.75	0.81
H30000405	H300004058	ENSG0000	XM_011515	135886	WBCSR28	Williams-B	-	-	GO:0016021	integral component of membrane	-	-	-
H30000092	H300000925	ENSG0000	-	-	RP11-543E	-	-	-	-	2206	1376	0.62	-0.68
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NR_111005	388815	MIR99AHG	mir-99a-le	-	-	-	-	-	-	-
H30002145	H300021457	ENSG0000	-	-	AC007967.	-	-	-	-	9	13	1.50	0.58
H30002140	H300021407	ENSG0000	NR_024163	1163	CKS1B	CDC28 pro	GO:000007	GO:000551	GO:000565	3483	3528	1.01	0.02
H30002205	H300022056	ENSG0000	NM_001318	22872	SEC31A	SEC31 hon	GO:000247	GO:000551	GO:000013	2342	1875	0.80	-0.32
H30001932	H300019326	ENSG0000	XM_011535	9205	ZMYM5	zinc finger	GO:000635	GO:000098	GO:000563	106	98	0.92	-0.12
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NR_023926	56651	LINC00470	long interge	GO:000815	GO:000367	GO:000557	129	194	1.50	0.58
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_001318	55709	KBTBD4	kelch repea	-	-	-	143	136	0.95	-0.08
H30001989	H300019896	ENSG0000	NM_001308	64091	POPDC2	popeye dor	GO:000202	GO:000367	GO:0016021	integral c	7	-	-
opHsV0400	opHsV0400008	ENSG0000	NM_001013	400566	C17orf97	chromosom	GO:001659	-	-	-	6	-	-
H30001500	H300015004	ENSG0000	NR_120609	729668	GOLGA2P6	golgin A2 p	-	-	-	9	14	1.55	0.63
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_207426	399823	FOXI2	forkhead b	GO:000635	GO:000098	GO:0005634	nucleus	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	-	RP11-5P18	-	-	-	-	15	25	1.70	0.77
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_178431	353142	LCE3A	late cornifi	GO:001814	GO:000519	GO:0001533	cornified	7	-	-
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	-	RP13-150K	-	-	-	-	46	35	0.78	-0.37
H30000256	H300002560	ENSG0000	XM_011523	147111	NOTUM	notum pect	GO:001605	GO:199069	GO:000557	275	202	0.73	-0.45
H30000305	H300003052	ENSG0000	XR_934361	114659	LRRC37B	leucine rich	-	-	GO:000573	12	25	2.04	1.03
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	NM_001143	145853	C15orf61	chromosom	-	-	GO:000557	579	495	0.85	-0.23
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001085	643803	KRTAP24	keratin ass	-	GO:000519	GO:0045095	keratin filament	-	-	-
H30001926	H300019260	ENSG0000	NM_001145	84929	FIBCD1	fibrinogen C	-	GO:000551	GO:001602	13	17	1.30	0.37
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001039	145873	MESP2	mesoderm	GO:000635	GO:000367	GO:000563	19	19	1.01	0.01
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001190	100130519	TMEM221	transmemb	-	-	GO:0016021	integral c	8	-	-
H30000203	H300002033	ENSG0000	NM_001136	283933	ZNF843	zinc finger	-	GO:000367	-	172	139	0.81	-0.31
H30000397	H300003973	ENSG0000	NM_173538	168975	CNBD1	cyclic nucl	-	-	-	-	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_011534	253314	EIF4E1B	eukaryotic	GO:000641	GO:000374	GO:000573	17	18	1.04	0.06
H30000443	H300004433	ENSG0000	NM_145053	143630	UBQLNL	ubiquilin-lik	-	-	-	-	8	-	-
H30000966	H300009664	ENSG0000	NM_001001	134083	OR2Y1	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021 in	-	-	-
H30000165	H300001656	ENSG0000	-	403297	OR7E155P	olfactory re	-	-	-	14	19	1.41	0.50
H30000083	H300000830	ENSG0000	-	-	RP11-302F	-	-	-	-	91	98	1.08	0.12
H30001518	H300015182	ENSG0000	NM_199227	254042	METAP1D	methionyl a	GO:000650	GO:000417	GO:000573	20	28	1.40	0.49
opHsV0400	opHsV0400004	-	NR_134870	11074	TRIM31	tripartite m	GO:001656	GO:000551	GO:0005739	mitochondrion,GO:0005829 cytos	-	-	-

H30001900	H300019002	ENSG0000	XM_005269	30819	KCNIP2	potassium	GO:000551	GO:000525	GO:000573	7	15	2.28	1.19
H30001895	H300018959	ENSG0000	XM_011520	4033	LRMP	lymphoid-r	GO:000237	-	GO:000092	5	147	29.66	4.89
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XM_011538	440107	PLEKHG7	pleckstrin	GO:003502	GO:000508	-	-	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	-	RP11-1611	-	-	-	-	-	-	-	-
H30000178	H300001786	ENSG0000	NM_001005	219957	OR9Q2	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in	-	-
H30000221	H300002219	ENSG0000	NM_001160	128366	OR6P1	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma m	6	-	-
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_004943	1762	DMWD	dystrophia	-	GO:000367	GO:000557	248	186	0.75	-0.42
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	730094	C16orf52	chromosom	-	-	-	24	33	1.39	0.47
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NR_027068	100130771	EFCAB10	EF-hand ca	-	GO:000550	-	11	10	0.87	-0.20
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XR_944714	79050	NOC4L	nucleolar c	GO:000636	GO:000551	GO:000563	262	208	0.80	-0.33
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	-	388478	SDCCAG3F	serological	-	-	-	56	54	0.96	-0.05
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001013	391211	R2G6	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in	-	-
H30000859	H300008594	ENSG0000	NM_017975	55055	ZWILCH	zwlch kin	GO:000027	GO:000551	GO:0000776	kinetocho	8	-	-
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_175883	162998	OR7D2	olfactory re	GO:000635	GO:000493	GO:0005886	plasma m	4	-	-
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XR_427432	100287290	LOC10028	cytokine re	-	-	-	-	7	-	-
H30000437	H300004372	ENSG0000	XM_006720	161176	SYNE3	spectrin re	GO:000701	GO:000551	GO:000563	28	31	1.08	0.12
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_004074	1351	COX8A	cytochrom	GO:000223	GO:000412	GO:000574	7340	5394	0.73	-0.44
H30000166	H300001669	ENSG0000	NM_001170	148345	C1orf127	chromosom	-	-	-	-	3	-	-
H30001011	H300010119	ENSG0000	NM_153708	132112	RTP1	receptor (c	GO:000158	GO:003184	GO:000562	12	16	1.37	0.45
H30000592	H300005928	ENSG0000	NM_180991	353189	SC04C1	solute carr	GO:000727	GO:001534	GO:000588	5	17	3.34	1.74
H30000787	H300007874	ENSG0000	NM_001145	375337	TOPAZ1	testis and c	-	GO:004687	GO:0005829	cytosol	-	-	-
H30000626	H300006265	ENSG0000	-	-	RP3-431A	-	-	-	-	44	46	1.05	0.07
H30000772	H300007727	ENSG0000	XM_005268	121275	OR10AD1	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in	-	-
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NR_026548	114043	TSPEAR-A	TSPEAR ar	-	-	-	-	-	-	-
H30000429	H300004297	ENSG0000	NR_125338	128344	PIFO	primary cili	GO:003003	GO:000551	GO:0005634	nucleus,G	3	-	-
H30000419	H300004191	ENSG0000	NM_139248	200879	LIPH	lipase H	GO:001604	GO:000462	GO:000561	5	6	1.33	0.41
H30000050	H300000502	ENSG0000	NR_027242	146336	SSTR5-AS	SSTR5 ant	-	-	-	-	5	-	-
H30000003	H300000031	ENSG0000	NM_153690	131583	FAM43A	family with	-	-	-	-	-	-	-
H30002053	H300020539	ENSG0000	NM_001077	140890	SREK1	splicing reg	GO:000639	GO:000016	GO:000565	446	393	0.88	-0.18
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001244	153562	MARVELD2	MARVEL d	GO:000760	GO:000551	GO:000573	12	15	1.24	0.31
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_018263	55252	ASXL2	additional s	GO:000012	GO:000367	GO:000079	11	22	2.02	1.02
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	-	643503	TARDBPP	TAR DNA b	-	-	-	-	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_005269	91523	PCED1B	PC-esteras	-	GO:000551	-	118	123	1.04	0.06
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001286	4300	MLL3	myeloid/lyr	GO:000635	GO:000551	GO:0005634	nucleus,GO:0008023	transcriptio	-	-
H30002124	H300021241	ENSG0000	XR_926126	24149	ZNF318	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000565	8	17	2.22	1.15
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_001030	164	AP1G1	adaptor rel	GO:000688	GO:000521	GO:000013	244	291	1.19	0.25
H30002280	H300022808	ENSG0000	NM_198531	374868	ATP9B	ATPase ph	GO:000689	GO:000028	GO:000576	10	18	1.78	0.83
H30002080	H300020801	ENSG0000	XM_011522	124093	CCDC78	coiled-coil	GO:000300	-	GO:000581	13	15	1.19	0.25
H30002233	H300022335	ENSG0000	XM_011517	4796	TONSL	tonsoku-lik	GO:000072	GO:000371	GO:000565	229	189	0.82	-0.28
H30000095	H300000956	ENSG0000	XM_011540	8187	ZNF239	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	209	210	1.01	0.01
H30001027	H300010278	ENSG0000	NR_126059	203414	LINC01560	long interge	-	-	-	35	38	1.10	0.14
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XM_006721	4077	NBR1	neighbor of	GO:001623	GO:000551	GO:000040	176	168	0.95	-0.07
H30002256	H300022566	ENSG0000	XR_428864	9537	TP53I11	tumor prot	GO:000695	-	GO:001602	224	199	0.89	-0.17
H30001993	H300019935	ENSG0000	NM_133334	7468	WHSC1	Wolf-Hirsch	GO:000012	GO:000368	GO:000563	41	42	1.01	0.02
H30001725	H300017259	ENSG0000	NM_001130	8291	DYSF	dysferlin	GO:000177	GO:000550	GO:000576	9	10	1.19	0.25
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_005255	10101	NUBP2	nucleotide	GO:001622	GO:000016	GO:000563	196	135	0.68	-0.55
H30002142	H300021427	ENSG0000	NM_001172	81839	VANGL1	VANGL pla	GO:000727	GO:000551	GO:001602	34	41	1.20	0.26
H30001520	H300015208	ENSG0000	NM_018911	56140	PCDHA8	protocadhe	GO:000715	GO:000550	GO:000588	80	70	0.88	-0.19
H30002047	H300020471	ENSG0000	XM_011537	63894	VIPAS39	VPS33B in	GO:000635	GO:000551	GO:000573	47	65	1.39	0.48
H30002044	H300020441	ENSG0000	XM_011545	9344	TAOK2	TAO kinase	GO:000018	GO:000467	GO:000563	13	19	1.44	0.52
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_011525	85464	SSH2	slingshot p	GO:000647	GO:000367	GO:0005615	extracellu	7	-	-
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XR_243121	57184	FAM219B	family with	-	-	-	51	59	1.15	0.21
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_011520	55367	PIDD1	p53-induce	GO:000691	GO:000512	GO:000563	56	55	0.98	-0.03
H30002122	H300021221	-	NM_001282	126014	OSCAR	osteoclast	GO:005077	-	GO:000557	26	26	1.00	0.00
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XM_006721	1107	CHD3	chromodom	GO:000632	GO:000367	GO:000563	14	20	1.45	0.53
H30001924	H300019249	ENSG0000	XM_005277	55695	NSUN5	NOP2/Sun	GO:000636	GO:000816	GO:000563	145	106	0.73	-0.45
H30002098	H300020981	ENSG0000	XM_011517	57094	CPA6	carboxypep	GO:000650	GO:000418	GO:0005578	proteinac	7	-	-
H30002072	H300020727	ENSG0000	NM_000960	5739	PTGIR	prostagland	GO:000718	GO:000493	GO:000582	44	35	0.79	-0.34
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XR_929811	54461	FBXW5	F-box and	GO:000706	GO:000551	GO:000573	143	117	0.82	-0.29
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_152275	92104	TTC30A	tetratricop	GO:004207	-	GO:000592	24	41	1.72	0.78
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_001083	79098	C1orf116	chromosom	GO:000815	GO:000367	GO:0005737	cytoplasm,GO:0070062	extracellu	-	-
H30001104	H300011043	ENSG0000	NM_033054	64005	MYO1G	myosin IG	GO:000245	GO:000377	GO:000189	82	63	0.76	-0.39
H30002209	H300022094	ENSG0000	NM_001193	64577	ALDH8A1	aldehyde d	GO:004257	GO:000175	GO:0005622	intracellular,GO:0005829	cytosol,	-	-
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NR_033742	83957	FRMD8P1	FERM dom	-	-	GO:000585	41	42	1.01	0.01
H20002127	H200021272	ENSG0000	NM_012378	26493	OR8B8	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma m	5	-	-
H20001138	H200011389	ENSG0000	XM_011517	80728	ARHGAP35	Rho GTPase	GO:000726	-	GO:000563	76	59	0.77	-0.37
H30002271	H300022718	ENSG0000	NM_020744	57504	MTA3	metastasis	GO:000632	GO:000368	GO:000563	186	155	0.83	-0.26
H30001104	H300011045	ENSG0000	NM_001312	22854	NTNG1	netrin G1	GO:000740	GO:000551	GO:0046658	anchored component of plasma m	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_006717	29982	NRBF2	nuclear rec	GO:000635	GO:000551	GO:000565	218	234	1.07	0.10
H30002036	H300020366	ENSG0000	NM_001555	3547	IGSF1	immunoglob	GO:000635	GO:000487	GO:000557	60	51	0.86	-0.23
H30002009	H300020095	ENSG0000	NM_017822	54934	KANSL2	KAT8 regul	GO:000632	GO:000551	GO:000012	390	325	0.83	-0.26
H30002158	H300021585	ENSG0000	NM_001272	54084	TSPEAR	thrombospe	GO:000760	GO:000367	GO:0005576	extracellular region,GO:0009986	-	-	-
H30002143	H300021436	ENSG0000	NR_003239	128439	SNHG11	small nucle	-	-	-	99	86	0.87	-0.19
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_153223	153241	CEP120	centrosom	GO:002198	GO:000551	GO:000573	29	52	1.79	0.84
H30002119	H300021194	ENSG0000	NM_203284	3516	RBPJ	recombinat	GO:000012	GO:000015	GO:000219	610	556	0.91	-0.13
H30002094	H300020941	ENSG0000	NM_001031	154313	CFAP206	cilia and fla	-	GO:000551	-	39	39	1.00	0.01
H30002090	H300020909	ENSG0000	NM_017861	54965	PIGX	phosphatid	GO:000650	-	GO:000578	215	237	1.11	0.14
H30002065	H300020658	ENSG0000	XM_011516	84255	SLC37A3	solute carr	GO:000682	GO:002285	GO:000573	87	73	0.85	-0.24
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_032458	84295	PHF6	PHD finger	GO:000635	GO:000367	GO:000077	127	180	1.42	0.51
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_003868	8823	FGF16	fibroblast g	GO:000016	GO:000510	GO:0005576	extracellu	7	-	-
H30001298	H300012984	ENSG0000	-	-	RP13-770	-	-	-	-	700	561	0.80	-0.32
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_173651	401024	FSIP2	fibrous she	-	-	GO:000573	11	13	1.24	0.31
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001080	256394	SERPINA1	serpin pept	GO:001095	GO:000486	GO:0005615	extracellular space	-	-	-
H30000567	H300005675	-	-	-	-	-	-	-	-	23	28	1.19	0.25
H20000375	H200003755	ENSG0000	NM_016060	51003	M								

opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001166	93109	TMEM44	transmemb	-	-	GO:001602	6	13	2.13	1.09
H30000528	H300005284	ENSG0000	XR_931852	54816	ZNF280D	zinc finger	GO:000012	GO:000122	GO:000563	21	38	1.83	0.87
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_153835	165082	ADGRF3	adhesion G	GO:000716	GO:000493	GO:0016021	integral c	7		
H30002139	H300021390	ENSG0000	XM_006718	254122	SNX32	sorting nex	GO:000689	GO:000551	GO:000576	17	19	1.10	0.14
H30002100	H300021002	ENSG0000	XM_011542	219855	SLC37A2	solute carr	GO:000682	GO:002285	GO:001602	37	33	0.88	-0.18
H30002057	H300020571	ENSG0000	NM_001080	4645	MYO5B	myosin VB	GO:000309	GO:000014	GO:0016459	myosin cd	4		
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XM_005244	149628	PYHIN1	pyrin and H	GO:000704	-	GO:0016607	nuclear speck			
H30002082	H300020829	-	NM_001277	148789	B3GALNT2	beta-1,3-N	GO:000648	GO:000837	GO:000013	50	62	1.24	0.30
H30002059	H300020593	ENSG0000	XM_005269	118788	PIK3AP1	phosphoino	GO:001406	GO:003631	GO:000582	31	35	1.13	0.17
H30002055	H300020559	ENSG0000	NR_047562	27295	PDLIM3	PDZ and L	GO:000701	GO:000551	GO:0005737	cytoplasm,	GO:0015629	actin cyt	
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NR_001591	387590	TPTEP1	transmemb	-	-	-	565	642	1.14	0.18
H30000434	H300004341	ENSG0000	NM_001282	51427	ZNF107	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000557	19	43	2.26	1.18
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001136	100129583	FAM47E	family with	-	-	-	31	54	1.75	0.80
H20001429	H200014296	ENSG0000	NM_000986	6152	RPL24	ribosomal p	GO:000002	GO:000372	GO:000573	24003	22365	0.93	-0.10
H30000416	H300004160	ENSG0000	XM_011538	5916	RARG	retinoic aci	GO:000012	GO:000097	GO:000079	67	54	0.82	-0.29
H20002046	H200020461	ENSG0000	NM_002880	5894	RAF1	Raf-1 prot	GO:000016	GO:000467	GO:000563	535	489	0.91	-0.13
AHsV1000	AHsV10002159	ENSG0000	NM_002812	5714	PSMD8	proteasome	GO:000008	-	GO:000050	5866	6034	1.03	0.04
AHsV1000	AHsV10002935	ENSG0000	XM_011525	5697	PYY	peptide YY	GO:000692	GO:000166	GO:0005576	extracellular region,	GO:0005615		
H30000550	H300005506	ENSG0000	NM_000166	2705	GJB1	gap junctio	GO:000681	GO:000524	GO:0005789	endoplasmic reticulum membrane			
H20000584	H200005842	ENSG0000	NM_001127	2672	GFI1	growth fact	GO:000008	GO:000107	GO:000563	39	73	1.86	0.89
H20000037	H200000370	ENSG0000	XM_006711	2326	FMO1	flavin conta	GO:000608	GO:000449	GO:0005788	endoplasmic reticulum lumen,	GO		
H20000006	H200000064	ENSG0000	XM_011520	2305	FOXM1	forkhead bo	GO:000008	GO:000098	GO:000563	113	122	1.08	0.11
CHsGV100	CHsGV1000234	ENSG0000	XM_011524	2125	EVPL	envoplakin	GO:000854	GO:000519	GO:0001533	cornified	9		
DHsGV100	DHsGV1000165	-	-	-	-	-	-	-	-		3		
AHsV1000	AHsV10001002	ENSG0000	XR_921751	1939	EIF2D	eukaryotic	GO:000173	GO:000374	GO:000563	317	364	1.15	0.20
H20001472	H200014729	-	NM_001398	1891	ECH1	enoyl-CoA	GO:000663	GO:000510	GO:000573	1061	1305	1.23	0.30
AHsV1000	AHsV10000057	ENSG0000	NM_005026	5293	PIK3CD	phosphatid	GO:000177	GO:000551	GO:000582	399	701	1.76	0.81
CHsGV100	CHsGV1000244	ENSG0000	XM_011523	5119	CHMP1A	charged mu	GO:000092	GO:000551	GO:000079	281	226	0.80	-0.31
AHsV1000	AHsV10003475	ENSG0000	XR_931615	5095	PCCA	propionyl-C	GO:000663	GO:000407	GO:000575	136	150	1.10	0.14
H20000734	H200007343	ENSG0000	NM_001317	4889	NPY5R	neuropepti	GO:000267	GO:000160	GO:000573	8	11	1.41	0.49
H20000967	H200009676	ENSG0000	NM_002518	4862	NPAS2	neuronal P	GO:000635	GO:000104	GO:0005634	nucleus,	3		
AHsV1000	AHsV10003075	ENSG0000	NR_135152	1677	DFFB	DNA fragm	GO:000630	GO:000453	GO:000079	166	159	0.96	-0.06
H20000839	H200008397	ENSG0000	NM_001084	100037417	DDTL	D-dopachr	GO:000815	GO:001682	GO:000573	2104	1597	0.76	-0.40
H20000056	H200000563	ENSG0000	NR_033662	1440	CSF3	colony stim	GO:000695	GO:000512	GO:000561	36	36	1.00	0.00
CHsGV100	CHsGV1000136	ENSG0000	NM_000394	1409	CRYAA	crystallin a	GO:000760	GO:000521	GO:000563	22	24	1.09	0.13
CHsGV100	CHsGV1000312	ENSG0000	NM_000391	1200	TPP1	tripeptidyl	GO:000650	GO:000417	GO:000573	147	137	0.94	-0.10
H20001463	H200014639	ENSG0000	NM_001285	1179	CLCA1	chloride ch	GO:000650	GO:000522	GO:0005615	extracellu	3		
H20000568	H200005687	ENSG0000	XM_011525	990	CDC6	cell divisio	GO:000007	GO:000016	GO:000092	1653	1437	0.87	-0.20
H20000690	H200006908	ENSG0000	NM_001040	963	CD53	CD53 mole	GO:000716	GO:000551	GO:000177	749	1389	1.85	0.89
H20001776	H200017768	ENSG0000	NM_001319	6051	RNPEP	arginyl amir	GO:000650	GO:000417	GO:000557	628	838	1.33	0.41
H20000498	H200004987	ENSG0000	XM_005254	5873	RAB27A	RAB27A, m	GO:000660	GO:000392	GO:000175	361	640	1.77	0.82
AHsV1000	AHsV10002738	ENSG0000	XM_011520	5858	PZP	pregnancy-	GO:000756	GO:000486	GO:0005576	extracellu	3		
H20000689	H200006899	ENSG0000	NM_148976	5682	PSMA1	proteasome	GO:000008	GO:000372	GO:000050	3995	4293	1.07	0.10
H20000225	H200002257	ENSG0000	XM_005256	5636	PRPSAP2	phosphorib	GO:000613	GO:000028	GO:000218	756	615	0.81	-0.30
H20001425	H200014252	ENSG0000	NR_102317	2639	GCDH	glutaryl-Co	GO:000655	GO:000006	GO:000573	312	224	0.72	-0.48
AHsV1000	AHsV10000992	ENSG0000	NM_002049	2623	GATA1	GATA bind	GO:000012	GO:000097	GO:000563	675	368	0.54	-0.88
H30000483	H300004831	ENSG0000	NM_000143	2271	FH	fumarate h	GO:000609	GO:000433	GO:000573	619	736	1.19	0.25
AHsV1000	AHsV10002399	ENSG0000	NM_002009	2252	FGF7	fibroblast g	GO:000016	GO:000511	GO:0005576	extracellular region,	GO:0005615		
CHsGV100	CHsGV1000268	ENSG0000	NM_001301	2070	EYA4	EYA transd	GO:000628	GO:000472	GO:0005634	nucleus,	GO:0005737	cytoplasm	
AHsV1000	AHsV10002188	ENSG0000	XM_005248	2045	EPHA7	EPH recept	GO:000193	GO:000471	GO:000588	219	157	0.71	-0.48
H20000842	H200008426	ENSG0000	NM_001946	1848	DUSP6	dual specifi	GO:000016	GO:000472	GO:000565	6	7	1.30	0.38
H20001426	H200014262	ENSG0000	NM_001285	1827	RCAN1	regulator o	GO:000635	GO:000016	GO:000563	398	434	1.09	0.12
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XR_947831	5241	PGR	progester	GO:000154	GO:000097	GO:000565	7	11	1.58	0.66
H30002124	H300021240	ENSG0000	NM_138938	5068	REG3A	regeneratin	GO:000695	GO:000551	GO:0005615	extracellu	7		
H30000675	H300006758	ENSG0000	NM_002566	5032	P2RY11	purinergic r	GO:000197	GO:000487	GO:000562	225	151	0.67	-0.58
H30002015	H300020156	ENSG0000	XM_011524	4843	NOS2	nitric oxide	GO:000166	GO:000451	GO:0005622	intracellular,	GO:0005634	nucleus	
AHsV1000	AHsV10002958	ENSG0000	NR_046072	4824	NKX3-1	NK3 homed	GO:000165	GO:000097	GO:0005622	intracellu	4		
CHsGV100	CHsGV1000248	ENSG0000	NM_001918	1629	DBT	dihydrolipe	GO:000908	GO:003162	GO:000573	68	72	1.06	0.09
AHsV1000	AHsV10002782	ENSG0000	NR_125349	1604	CD55	CD55 mole	GO:000688	GO:000161	GO:000013	1572	2081	1.32	0.40
H30000586	H300005863	-	NM_001136	1388	ATF6B	activating t	GO:000635	GO:000370	GO:000562	132	158	1.19	0.26
H20000016	H200000160	ENSG0000	NM_001870	1359	CPA3	carboxypep	GO:000200	GO:000418	GO:0005576	extracellular region,	GO:0005615		
AHsV1000	AHsV10000423	ENSG0000	NM_005199	1146	CHRNA3	cholinergic	GO:000681	GO:000488	GO:0005886	plasma membrane,	GO:0005887	in	
CHsGV100	CHsGV1000126	ENSG0000	XM_011509	1116	CHI3L1	chitinase 3	GO:000597	GO:000456	GO:0005578	proteinac	6		
CHsGV100	CHsGV1000248	ENSG0000	NM_005191	941	CD80	CD80 mole	GO:000717	GO:000161	GO:0005622	intracellu	7		
CHsGV100	CHsGV1000186	ENSG0000	NM_000734	919	CD247	CD247 mol	GO:001603	GO:000488	GO:0005737	cytoplasm,	GO:0005886	plasma m	
H30001858	H300018583	ENSG0000	NM_002922	5996	RGS1	regulator o	GO:000695	GO:000196	GO:0005737	cytoplasm	7		
H20000137	H200001379	ENSG0000	NR_026591	5810	RAD1	RAD1 ched	GO:000007	GO:000368	GO:000563	1201	1027	0.86	-0.23
H20001412	H200014123	ENSG0000	NM_005608	5790	PTPRCAP	protein tyr	GO:000695	-	GO:000588	33	39	1.19	0.25
H30001852	H300018522	ENSG0000	XM_011521	5607	MAP2K5	mitogen-ac	GO:000012	GO:000467	GO:000563	121	110	0.91	-0.14
H20000655	H200006556	ENSG0000	XR_946708	5590	PRKCZ	protein kin	GO:000022	GO:000467	GO:000563	7	7	1.02	0.02
H20000744	H200007448	ENSG0000	XM_005256	2588	GALNS	galactosam	GO:000597	GO:000394	GO:004320	50	48	0.97	-0.05
AHsV1000	AHsV10001232	ENSG0000	XM_011521	2562	GABRB3	gamma-am	GO:000681	GO:000489	GO:0005886	plasma membrane,	GO:0005887	in	
H20000018	H200000187	ENSG0000	NM_004109	2230	FDX1	ferredoxin	GO:000670	GO:000550	GO:000573	137	116	0.85	-0.24
H20001482	H200014829	ENSG0000	NM_001165	2199	FBLN2	fibulin 2	GO:001081	GO:000520	GO:000557	17	17	1.05	0.07
H20001176	H200011766	ENSG0000	NM_207047	2029	ENSA	endosulfine	GO:000008	GO:000486	GO:000565	200	149	0.75	-0.42
H20000389	H200003897	ENSG0000	XM_006720	2013	EMP2	epithelial m	GO:000176	GO:000517	GO:000013	86	55	0.63	-0.66
H30001747	H300017477	ENSG0000	NM_001244	1808	DNYSL2	dihydropyri	GO:000197	GO:000415	GO:000573	32	30	0.93	-0.10
H20000639	H200006399	ENSG0000	NM_001318	1786	DNMT1	DNA (cytos	GO:000012	GO:000367	GO:000563	957	784	0.82	-0.29
H30001270	H300012705	ENSG0000	NR_133009	5190	PEX6	peroxisoma	GO:000662	GO:000551	GO:000573	112	97	0.86	-0.21
H30000715	H300007158	ENSG0000	NM_001185	5010	CLDN11	claudin 11	GO:000728	GO:000519	GO:000588	18	21	1.21	0.27
AHsV1000	AHsV10001327	ENSG0000	NM_015560	4976	OPA1	OPA1, mitc	GO:000000	GO:000028	GO:000565	1158	896	0.77	-0.37
AHsV1000	AHsV10000924	ENSG0000	XM_005251	4799	NFX1	nuclear tra	GO:000012	GO:000097	GO:000563	99	115	1.17	0.22

AHsV1000	AHsV10000222	ENSG0000	NM_001761	899	CCNF	cyclin F	GO:000032	GO:000551	GO:000563	61	73	1.18	0.24
DHsGV100	DHsGV1000276	-	-	-	-	-	-	-	-	29	26	0.90	-0.15
H30000052	H300000523	ENSG0000	NM_004164	5948	RBP2	retinol bind	GO:000152	GO:000521	GO:000582	14	21	1.49	0.57
H30000291	H300002914	ENSG0000	NM_005250	5764	PTN	pleiotrophin	GO:000188	GO:000486	GO:0005604 basement membrane,GO:0005615				
H20001484	H200014848	ENSG0000	NM_000958	5734	PTGER4	prostagland	GO:000279	GO:000495	GO:0005886 plasma membrane,GO:0016021 in				
CHsGV100	CHsGV1000348	ENSG0000	NM_011516	5577	PRKAR2B	protein kin	GO:000008	GO:000486	GO:000573	1419	978	0.69	-0.54
H20000055	H200000557	ENSG0000	NM_005041	5551	PRF1	perforin 1	GO:000177	GO:000550	GO:000557	32	30	0.95	-0.07
H20000779	H200007797	ENSG0000	NM_001097	2525	FUT3	fucosyltran	GO:000931	GO:000841	GO:0000139 Golgi men		11		
H30000650	H300006509	ENSG0000	NM_005253	2355	FOSL2	FOS like ar	GO:000333	GO:000097	GO:0005634 nucleus,G		3		
H20001799	H200017999	ENSG0000	NM_021922	2178	FANCE	Fanconi an	GO:000628	GO:000367	GO:000563	172	151	0.88	-0.19
DHsGV100	DHsGV1000125	ENSG0000	NM_011522	79652	TFMEM204	transmemb	GO:000194	-	GO:000588	7	12	1.90	0.92
H20001968	H200019688	ENSG0000	NM_183004	1983	EIF5	eukaryotic	GO:000641	GO:000374	GO:000563	3260	3968	1.22	0.28
H20000036	H200000364	ENSG0000	NM_011539	1959	EGR2	early growt	GO:000636	GO:000097	GO:0005634 nucleus,G		10		
AHsV1000	AHsV10001025	ENSG0000	NM_005251	1759	DNM1	dynamins 1	GO:000203	GO:000392	GO:0001917 photoreceptor inner segment,GO				
AHsV1000	AHsV10000283	ENSG0000	NM_001362	1735	DIO3	deiodinase,	GO:000659	GO:000480	GO:0005886 plasma m		8		
AHsV1000	AHsV10002204	ENSG0000	NM_001104	5144	PDE4D	phosphodie	GO:000202	GO:000411	GO:0005813 centrosome,GO:0005829 cytosol				
H20000611	H200006115	ENSG0000	NM_011539	4942	OAT	ornithine ar	GO:000760	GO:000458	GO:000573	2952	1563	0.53	-0.92
H30002038	H300020389	ENSG0000	NM_005252	4915	NTRK2	neurotroph	GO:000157	GO:000552	GO:000579	31	31	0.99	-0.01
H20000040	H200000406	ENSG0000	NM_011521	4734	NEED4	neural prec	GO:000225	GO:000551	GO:000015	168	294	1.75	0.81
AHsV1000	AHsV10000764	ENSG0000	NM_001164	4703	NEB	nebulin	GO:000751	GO:000377	GO:0005829 cytosol,GO:0015629 actin cytosk				
AHsV1000	AHsV10003381	ENSG0000	NM_001085	1500	CTNND1	catenin del	GO:000635	GO:000510	GO:000563	334	449	1.34	0.43
H20001314	H200013144	ENSG0000	NM_000099	1471	CST3	cystatin C	GO:000165	GO:000154	GO:000557	528	411	0.78	-0.36
AHsV1000	AHsV10002586	ENSG0000	NR_024091	386607	ZFP91-CN	ZFP91-CN	-	-	-	8	15	1.90	0.93
H30000821	H300008216	ENSG0000	NM_005201	1237	CCR8	chemokine	GO:000693	GO:000495	GO:0005829 cytosol,GO:0005886 plasma mem				
CHsGV100	CHsGV100009	ENSG0000	NM_004064	1027	CDKN1B	cyclin-depe	GO:000007	GO:000486	GO:000563	137	172	1.25	0.32
AHsV1000	AHsV10002102	ENSG0000	NM_005255	1006	CDH8	cadherin 8	GO:000715	GO:000550	GO:0005886 plasma membrane,GO:0016021 in				
H20000628	H200006283	ENSG0000	NM_001752	847	CAT	catalse	GO:000030	GO:000404	GO:000561	1634	891	0.54	-0.88
CHsGV100	CHsGV1000225	ENSG0000	NM_032983	835	CASP2	caspase 2	GO:000155	GO:000419	GO:000563	323	293	0.91	-0.14
AHsV1000	AHsV10002700	ENSG0000	NM_005254	7158	TP53BP1	tumor prot	GO:000007	GO:000110	GO:000077	565	532	0.94	-0.09
CHsGV100	CHsGV1000196	ENSG0000	NM_014433	27156	RSPH14	radial spok	GO:000815	GO:000367	GO:000557	47	38	0.82	-0.28
CHsGV100	CHsGV1000376	ENSG0000	NM_005808	10217	CTDSPL	CTD small	GO:000193	GO:000367	GO:000563	92	78	0.85	-0.24
H20001492	H200014920	ENSG0000	NM_005791	10199	MPHOSPH	M-phase p	GO:000037	GO:000551	GO:000569	1847	1515	0.82	-0.29
H20001388	H200013880	ENSG0000	NM_011524	1353	COX11	COX11 cyt	GO:000758	GO:000412	GO:000573	366	345	0.94	-0.08
H20001773	H200017736	ENSG0000	NM_005469	10005	ACOT8	acyl-CoA t	GO:000663	GO:000510	GO:000573	195	213	1.10	0.13
AHsV1000	AHsV10000668	ENSG0000	NM_011516	9863	MAG2	membrane	GO:000209	GO:000487	GO:0005634 nucleus,GO:0005737 cytoplasm,C				
CHsGV100	CHsGV1000076	ENSG0000	NM_005249	9844	ELMO1	engulfment	GO:000691	GO:000551	GO:000573	8	17	2.06	1.05
CHsGV100	CHsGV100031	ENSG0000	NM_014661	9679	FAM53B	family with	GO:000815	GO:000367	GO:000557	17	18	1.05	0.07
H20001722	H200017229	-	NM_014641	9656	MDC1	mediator of	GO:000072	GO:000551	GO:000563	229	325	1.42	0.50
H30000973	H300009739	ENSG0000	NR_103459	6391	SDHC	succinate d	GO:000609	GO:000010	GO:000573	1548	1252	0.81	-0.31
AHsV1000	AHsV10002230	ENSG0000	NM_001201	6370	CCL25	C-C motif	GO:000195	GO:000517	GO:000557	40	31	0.77	-0.37
H20002131	H200021312	ENSG0000	NM_001004	6181	RPLP2	ribosomal p	GO:000018	GO:000373	GO:000582	14348	16026	1.12	0.16
H20000212	H200002124	ENSG0000	NM_011521	23483	TGDS	TDP-gluco	GO:000922	GO:000846	-	489	443	0.91	-0.14
H30002095	H300020959	ENSG0000	NM_001040	23462	HEY1	hes related	GO:000012	GO:000098	GO:0005634 nucleus,G		12		
DHsGV100	DHsGV1000263	-	-	-	-	-	-	-	-	10	12	1.15	0.20
H20001118	H200011183	ENSG0000	NM_004836	9451	EIF2AK3	eukaryotic	GO:000150	GO:000467	GO:000573	41	76	1.83	0.87
CHsGV100	CHsGV1000288	ENSG0000	NM_001289	9253	NUMBL	numb homd	GO:000739	GO:000551	GO:000573	16	15	0.97	-0.05
AHsV1000	AHsV10000302	ENSG0000	NR_036633	9217	VAPB	VAMP (ves	GO:000666	GO:000551	GO:000013	284	378	1.33	0.41
AHsV1000	AHsV10000754	ENSG0000	NM_024430	9050	PSTPIP2	proline-ser	GO:000701	GO:000377	GO:000582	77	73	0.96	-0.06
CHsGV100	CHsGV1000005	ENSG0000	NM_005250	9031	BAZ1B	bromodoma	GO:000300	GO:000368	GO:000079	30	44	1.44	0.53
AHsV1000	AHsV10001453	ENSG0000	NM_011519	8829	NRP1	neuropilin 1	GO:000152	GO:000502	GO:0002116 semaphorin receptor complex,GC				
AHsV1000	AHsV10003242	ENSG0000	NM_003849	8802	SUCLG1	succinate-	GO:000609	GO:000477	GO:000573	1901	1411	0.74	-0.43
H30001649	H300016498	ENSG0000	NM_011536	5527	PPP2R5C	protein pho	GO:000697	GO:000551	GO:000015	89	150	1.68	0.75
H30000300	H300003005	ENSG0000	NM_005398	5507	PPP1R3C	protein pho	GO:000597	GO:000472	GO:0005829 cytosol		6		
H30001345	H300013457	ENSG0000	NM_011514	5314	PKHD1	polycystic	GO:000182	GO:000487	GO:0000775 chromoso		4		
AHsV1000	AHsV10003593	ENSG0000	NM_001291	27127	SMC1B	structural r	GO:000706	GO:000367	GO:0000775 chromosome, centromeric region				
H30000233	H300002330	ENSG0000	NM_014402	27089	UQCRCQ	ubiquinol-c	GO:002153	GO:000812	GO:000573	6525	5960	0.91	-0.13
AHsV1000	AHsV10002508	ENSG0000	NM_001199	10169	SERF2	small EDRK	GO:000815	GO:000367	GO:000563	5	15	3.01	1.59
AHsV1000	AHsV10002663	ENSG0000	NM_001184	10149	ADGRG2	adhesion G	GO:000716	GO:000493	GO:0005887 integral component of plasma me				
H30001958	H300019589	ENSG0000	NM_005131	9984	THOC1	THO comp	GO:000001	GO:000367	GO:000034	978	869	0.89	-0.17
CHsGV100	CHsGV1000033	ENSG0000	NM_017458	9961	MVP	major vault	GO:001503	GO:000551	GO:0005634 nucleus,G		7		
H30000417	H300004170	ENSG0000	NM_011515	9820	CUL7	cullin 7	GO:000022	GO:000551	GO:000563	53	95	1.79	0.84
CHsGV100	CHsGV1000338	ENSG0000	NM_014757	9794	MAML1	mastermind	GO:000316	GO:000371	GO:000219	30	28	0.95	-0.07
AHsV1000	AHsV10002629	ENSG0000	NM_011534	9639	ARHGGEF10	Rho guanin	GO:002201	GO:000508	GO:0005813 centrosor		5		
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	NM_011525	9618	TRAF4	TNF recept	GO:000691	GO:000367	GO:000563	326	327	1.00	0.00
CHsGV100	CHsGV1000063	ENSG0000	NM_002982	6347	CCL2	C-C motif	GO:000016	GO:000467	GO:0005576 extracellu		13		
H20000921	H200009211	ENSG0000	NM_006918	6309	SC5D	sterol-C5-	GO:000662	GO:000024	GO:000578	221	243	1.10	0.14
AHsV1000	AHsV10001571	ENSG0000	NM_000969	6125	RPL5	ribosomal p	GO:000002	GO:000372	GO:000563	21735	22959	1.06	0.08
AHsV1000	AHsV10002976	ENSG0000	NM_011538	23426	GRIP1	glutamate r	GO:000726	GO:000371	GO:000578	7	12	1.70	0.77
H20001025	H200010259	ENSG0000	NM_011536	23405	DICER1	dicer 1 ribo	GO:000012	GO:000367	GO:000563	36	42	1.16	0.21
H20001466	H200014669	ENSG0000	NM_004827	9429	ABCG2	ATP bindin	GO:000681	GO:000521	GO:000563	4	7	1.51	0.60
AHsV1000	AHsV10003025	ENSG0000	NM_004261	9403	42628	15 kDa sele	GO:005108	GO:000843	GO:000578	3743	3597	0.96	-0.06
H20001562	H200015624	ENSG0000	NM_003999	9180	OSMR	oncostatin	GO:000267	GO:000492	GO:000588	9	14	1.64	0.71
H20000484	H200004844	ENSG0000	NM_001319	9156	EXO1	exonucleas	GO:000072	GO:000367	GO:000563	855	710	0.83	-0.27
AHsV1000	AHsV10002670	ENSG0000	NM_003950	9002	F2RL3	F2R like th	GO:000716	GO:001505	GO:000557	62	37	0.61	-0.72
H30000774	H300007748	ENSG0000	NM_003941	8976	WASL	Wiskott-Ak	GO:000635	GO:000377	GO:000013	215	203	0.94	-0.09
AHsV1000	AHsV10000899	ENSG0000	NM_001306	8776	MTMR1	myotubular	GO:000664	GO:000443	GO:000573	42	56	1.33	0.41
CHsGV100	CHsGV1000333	ENSG0000	NR_033994	8743	TNFSF10	tumor necr	GO:000691	GO:000510	GO:000557	45	77	1.71	0.77
H20000008	H200000083	ENSG0000	NM_002703	5471	PPAT	phosphorib	GO:000008	GO:000404	GO:000582	565	413	0.73	-0.45
AHsV1000	AHsV10001427	ENSG0000	NM_011516	5445	PON2	paraoxonas	GO:000697	GO:000406	GO:000557	278	241	0.87	-0.21
H30002017	H300020178	ENSG0000	NM_002639	5268	SERPINB5	serpin pept	GO:000200	GO:000486	GO:0005615 extracellu		3		
H20000241	H200002410	ENSG0000	XR_947823	27034	ACAD8	acyl-CoA d	GO:000635	GO:000006	GO:000573	140	145	1.03	0.05
DHsGV100	DHsGV1000339	-	-	-	-	-	-	-	-	71	60	0.84	-0.25
CHsGV100	CHsGV1000292	ENSG0000	NM_133259	10128	LRPPRC	leucine ric	GO:000096	GO:00036					

H20001043	H200010435	ENSG0000	XM_005256	9552	SPAG7	sperm asso	-	GO:000367	GO:000563	269	430	1.60	0.68
CHsGV100	CHsGV1000236	ENSG0000	NM_005621	6283	S100A12	S100 calciu	GO:000254	GO:000550	GO:0005576	extracellular region,GO:0005634			
CHsGV100	CHsGV1000277	ENSG0000	NM_206901	6253	RTN2	reticulon 2	GO:004632	GO:000551	GO:000578	69	79	1.13	0.18
H20001072	H200010725	ENSG0000	NM_001256	6016	RIT1	Ras-like wi	GO:000716	GO:000551	GO:000562	366	303	0.83	-0.28
AHsV1000	AHsV10002076	ENSG0000	NM_015329	23383	MAU2	MAU2 siste	GO:000027	GO:000551	GO:000078	10	20	1.91	0.94
H30001551	H300015518	ENSG0000	NM_001100	23366	KIAA0895	KIAA0895	-	-	-				
CHsGV100	CHsGV1000266	ENSG0000	NM_001177	9370	ADIPOQ	adiponectin	GO:000166	GO:000510	GO:000557	10	17	1.60	0.68
H20000367	H200003673	ENSG0000	NM_004779	9337	CNOT8	CCR4-NOT	GO:000028	GO:000017	GO:000093	797	725	0.91	-0.14
H20001390	H200013906	ENSG0000	NM_004704	9136	RRP9	ribosomal F	GO:000636	GO:003451	GO:000563	429	323	0.75	-0.41
AHsV1000	AHsV10002684	ENSG0000	XM_005257	9121	SLC16A5	solute carr	GO:001571	GO:000802	GO:000588	31	26	0.85	-0.23
CHsGV100	CHsGV1000156	ENSG0000	NM_001135	8934	RAB29	RAB29, me	GO:000688	GO:000392	GO:000573	187	162	0.86	-0.21
H30001980	H300019804	ENSG0000	XM_005274	8898	MTMR2	myotubular	GO:000209	GO:000443	GO:000563	473	442	0.93	-0.10
AHsV1000	AHsV10001047	ENSG0000	NR_045557	8725	UR1	UR1 prefo	GO:000012	GO:000110	GO:000563	588	700	1.19	0.25
H30002117	H300021175	ENSG0000	NM_033168	8706	B3GALNT1	beta-1,3-N	GO:000648	GO:000849	GO:000013	37	44	1.19	0.26
H20000597	H200005971	ENSG0000	XM_011515	5425	POLD2	polymerase	GO:000027	GO:000367	GO:000563	1365	912	0.67	-0.58
CHsGV100	CHsGV1000238	ENSG0000	NM_002685	5394	EXOSC10	exosome c	GO:000018	GO:000016	GO:000017	636	521	0.82	-0.29
AHsV1000	AHsV10001341	ENSG0000	NM_001177	5212	VIT	vitrin	GO:001081	GO:000553	GO:0005614	interstitial matrix			
AHsV1000	AHsV10003600	ENSG0000	XM_011519	26610	ELP4	elongator a	GO:000632	GO:000099	GO:000012	366	347	0.95	-0.08
CHsGV100	CHsGV1000195	ENSG0000	NM_001317	26523	AGO1	argonaute	GO:000095	GO:000097	GO:000093	22	30	1.35	0.43
AHsV1000	AHsV10002377	ENSG0000	NM_005711	10085	EDIL3	EGF like re	GO:000715	GO:000517	GO:0070062	extracellular exosome,GO:190356			
H20000256	H200002561	ENSG0000	NM_005694	10063	COX17	COX17 cyt	GO:000609	GO:000550	GO:000573	1000	763	0.76	-0.39
AHsV1000	AHsV10003250	ENSG0000	NM_014851	9903	KLHL21	kelch like f	GO:000706	GO:000484	GO:000573	73	97	1.32	0.40
H30001925	H300019258	ENSG0000	NM_001278	9885	OSBPL2	oxysterol b	GO:000686	GO:000551	-	68	54	0.80	-0.33
CHsGV100	CHsGV1000234	ENSG0000	NM_001193	9728	SECISBP2	SECIS bind	-	GO:000551	-		9		
H30000955	H300009557	ENSG0000	XM_011517	9699	RIMS2	regulating s	GO:000688	GO:000551	GO:000562	47	44	0.93	-0.11
AHsV1000	AHsV10000418	ENSG0000	XM_006711	9528	TMEM59	transmemb	GO:000650	GO:000417	GO:000013	2316	2691	1.16	0.22
CHsGV100	CHsGV1000247	ENSG0000	NM_006988	9510	ADAMTS1	ADAM met	GO:000154	GO:000422	GO:0005604	basement membrane,GO:0005737			
AHsV1000	AHsV10000700	ENSG0000	NM_001177	6233	RPS27A	ribosomal p	GO:000008	GO:000373	GO:000561	19902	21456	1.08	0.11
CHsGV100	CHsGV1000275	ENSG0000	NM_001202	100529239	RPS10-NU	RPS10-NU	-	-	-	4138	3080	0.74	-0.43
H20000217	H200002174	ENSG0000	NM_001297	5976	UPF1	UPF1 regul	GO:000018	GO:000368	GO:000078	203	204	1.00	0.01
CHsGV100	CHsGV1000235	ENSG0000	NR_109898	23341	DNAJC16	DnaJ heat	GO:004545	-	GO:000562	21	40	1.92	0.94
AHsV1000	AHsV10002850	ENSG0000	NM_001283	23308	ICOSLG	inducible T	GO:000225	GO:000510	GO:000588	4	8	2.02	1.02
AHsV1000	AHsV10002061	ENSG0000	NM_001314	9314	KLF4	Kruppel-lik	GO:000012	GO:000098	GO:0000790	nuclear c	4		
CHsGV100	CHsGV1000023	ENSG0000	NM_004765	9274	BCL7C	B-cell CLL	GO:000691	-	-	287	229	0.80	-0.33
CHsGV100	CHsGV1000346	ENSG0000	XM_011523	9100	USP10	ubiquitin sp	GO:000628	GO:000203	GO:000563	1008	1070	1.06	0.09
CHsGV100	CHsGV1000222	ENSG0000	XM_006711	9077	DIRAS3	DIRAS fam	GO:000007	GO:000392	GO:000562	89	180	2.02	1.01
H20000687	H200006879	ENSG0000	XM_005252	8872	CDC123	cell divisio	GO:000173	-	GO:000573	3710	2819	0.76	-0.40
H20000218	H200002184	ENSG0000	NM_003887	8853	ASAP2	ArfGAP wit	GO:004308	GO:000509	GO:000588	25	30	1.17	0.22
CHsGV100	CHsGV1000056	ENSG0000	NM_006770	8685	MARCO	macrophag	GO:000222	GO:000488	GO:000558	78	76	0.98	-0.03
AHsV1000	AHsV10003166	ENSG0000	NM_003753	8664	EIF3D	eukaryotic	GO:000173	GO:000374	GO:000582	6269	5235	0.84	-0.26
H20000046	H200000463	ENSG0000	NM_001305	5354	PLP1	proteolipid	GO:000695	GO:000519	GO:000588	60	61	1.03	0.04
H30002028	H300020288	ENSG0000	NR_024071	5333	PLCD1	phospholipa	GO:000152	GO:000178	GO:000573	81	32	0.39	-1.35
H20001454	H200014544	ENSG0000	NM_001142	5165	PDK3	pyruvate de	GO:000600	GO:000467	GO:000573	11	9	0.84	-0.24
AHsV1000	AHsV10002090	ENSG0000	XR_943531	79609	VCPKMT	valosin con	GO:001802	GO:000551	GO:000557	181	230	1.27	0.35
AHsV1000	AHsV10002550	ENSG0000	NM_024046	79012	CAMKV	CaM kinase	GO:000646	GO:000467	GO:0005886	plasma membrane,GO:0030659	c		
H20001395	H200013952	ENSG0000	NM_015049	66008	TRAK2	trafficking	GO:000635	GO:000510	GO:000563	31	79	2.59	1.37
CHsGV100	CHsGV1000174	ENSG0000	NM_001135	64778	FNDC3B	fibronectin	-	GO:000551	GO:001602	52	145	2.76	1.46
AHsV1000	AHsV10002116	ENSG0000	XM_006716	64753	CCDC136	coiled-coil	-	GO:000551	GO:000573	12	23	1.95	0.96
AHsV1000	AHsV10000486	ENSG0000	NR_104260	63977	PRDM15	PR domain	GO:000635	GO:000097	GO:0005634	nucleus			
CHsGV100	CHsGV1000211	ENSG0000	NM_001303	63926	ANKEF1	ankyrin rep	-	GO:000550	-				
H30001010	H300010101	ENSG0000	XM_011521	51103	NDUFAF1	NADH:ubiq	GO:000612	GO:000551	GO:000573	707	491	0.69	-0.53
H20001160	H200011608	ENSG0000	XM_005266	51084	CRYL1	crystallin la	GO:000597	GO:000385	GO:000563	12	18	1.47	0.55
H20001486	H200014865	ENSG0000	NM_015717	50489	CD207	CD207 mol	GO:000247	GO:000553	GO:0005886	plasma m	4		
CHsTV100	CHsTV1000000	ENSG0000	NM_020994	30848	CATG2	cancer/tes	GO:000815	GO:000367	GO:000581	85	51	0.60	-0.73
CHsGV100	CHsGV1000114	ENSG0000	XM_011524	29115	SAP30BP	SAP30 bind	GO:000635	GO:000551	GO:000563	12	20	1.71	0.78
H20000272	H200002720	ENSG0000	NM_014175	29088	MRPL15	mitochondr	GO:000699	GO:000373	GO:000573	1259	1256	1.00	0.00
AHsV1000	AHsV10001348	ENSG0000	NM_001317	57728	WDR19	WD repeat	GO:000699	-	GO:000565	43	54	1.24	0.31
AHsV1000	AHsV10001652	ENSG0000	NM_020709	57469	PNMAL2	paraneopla	-	-	-				
CHsGV100	CHsGV1000125	-	XM_006720	57407	NMRAL1	NmrA-like	-	-	GO:000563	325	295	0.91	-0.14
H30001885	H300018851	ENSG0000	XM_011538	56994	CHPT1	choline phd	GO:000155	GO:000414	GO:000013	830	702	0.85	-0.24
AHsV1000	AHsV10000765	ENSG0000	XM_005256	56953	NT5M	5',3'-nucle	GO:000620	GO:000016	GO:000573	24	32	1.30	0.38
H20001776	H200017766	ENSG0000	NM_018938	56131	PCDHB4	protocadhe	GO:000715	GO:000550	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005886	plasma m		
AHsV1000	AHsV10003082	ENSG0000	NM_018922	56104	PCDHGB1	protocadhe	GO:000715	GO:000550	GO:000588	4	10	2.37	1.25
CHsGV100	CHsGV1000155	ENSG0000	NM_014369	26469	PTPN18	protein tyr	GO:000647	GO:000472	GO:000563	90	112	1.25	0.32
H20001677	H200016778	ENSG0000	XM_011535	26271	FBXO5	F-box prot	GO:000008	GO:000551	GO:000563	1108	1028	0.93	-0.11
H20000218	H200002187	ENSG0000	NM_015508	25976	TIPARP	TCDD-indu	GO:000157	GO:000395	GO:000563	359	263	0.73	-0.45
CHsGV100	CHsGV1000186	ENSG0000	NM_015473	25938	HEATR5A	HEAT repe	-	-	-	9	31	3.36	1.75
AHsV1000	AHsV10001335	ENSG0000	NR_034098	24139	EML2	echinoderm	GO:000760	GO:000510	GO:000573	83	168	2.04	1.03
CHsGV100	CHsGV1000057	ENSG0000	NM_014335	23741	EID1	EP300 inte	GO:000012	GO:000371	GO:000563	2442	1854	0.76	-0.40
H20000424	H200004249	ENSG0000	NM_030762	79365	BHLHE41	basic helix	GO:000012	GO:000097	GO:0005634	nucleus	7		
H20001545	H200015452	ENSG0000	NR_134296	65980	BRD9	bromodoma	GO:000635	GO:000367	GO:000557	235	198	0.84	-0.25
H20001292	H200012925	ENSG0000	NM_023016	65124	SOWAHC	so sondowa	-	-	-				
H30001323	H300013231	ENSG0000	NM_024164	64499	TPSB2	trypsin be	GO:000650	GO:000425	GO:000557	233	220	0.95	-0.08
H30002092	H300020923	ENSG0000	NM_022475	64399	HHIP	hedgehog in	GO:000597	GO:000551	GO:0005576	extracellular region,GO:0005737			
CHsGV100	CHsGV1000166	ENSG0000	NR_135218	63891	RNF123	ring finger	GO:001656	GO:000827	GO:0005737	cytoplasm	8		
H20000166	H200001661	ENSG0000	XM_005263	60672	MIIP	migration a	GO:001097	GO:000551	-	212	202	0.95	-0.07
AHsV1000	AHsV10002216	ENSG0000	NM_001127	51062	ATL1	atlastin GT	GO:000702	GO:000392	GO:0000137	Golgi cis cisterna,GO:0000139	G		
H30000735	H300007357	ENSG0000	NM_016068	51024	FIS1	fission, mit	GO:000026	GO:000510	GO:000573	263	193	0.73	-0.45
CHsGV100	CHsGV100033	ENSG0000	XM_011524	30009	TBX21	T-box 21	GO:000635	GO:000370	GO:000563	18	22	1.19	0.25
H30002247	H300022475	ENSG0000	NM_017613	29980	DONSON	downstrear	GO:000727	GO:000367	GO:000557	634	694	1.09	0.13
AHsV1000	AHsV10001516	ENSG0000	XR_242232	29062	WDR91	WD repeat	-	-	-	15	31	2.11	1.07
AHsV1000	AHsV10000907	ENSG0000	NR_033426	28976	ACAD9	acyl-CoA d	GO:002290	GO:000006	GO:000563	57	74	1.29	0.37
AHsV1000	AHsV10002364	ENSG0000	NM_020904	57664	PLEKHA4	pleckstrin p	GO:						

AHsV1000	AHsV10002030	ENSG0000	NR_132347	26223	FBXL21	F-box and	GO:001656	GO:000484	GO:0000151	ubiquitin ligase complex,GO:0005				
H30002290	H300022909	ENSG0000	NR_121662	26137	ZBTB20	zinc finger	GO:000012	GO:000107	GO:000563	4	11	2.54	1.35	
AHsV1000	AHsV10000411	ENSG0000	NM_015448	25911	DPCD	deleted in	GO:000335	GO:000551	GO:000563	190	194	1.02	0.03	
CHsTV100	CHsTV1000022	ENSG0000	NM_015420	25879	DCAF13	DDB1 and	GO:000046	GO:004482	GO:000563	35	34	0.98	-0.03	
H20000601	H200006014	ENSG0000	NM_005252	23647	ARFIP2	ADP ribosy	GO:000692	GO:000551	GO:000172	190	138	0.73	-0.46	
H20000275	H200002755	ENSG0000	NM_152832	23625	FAM89B	family with	GO:003051	GO:000122	GO:000573	101	96	0.95	-0.07	
CHsGV100	CHsGV1000345	-	XM_011525	79148	MMP28	matrix met	GO:000650	GO:000422	GO:000557	27	25	0.92	-0.12	
H20000647	H200006475	ENSG0000	XR_429727	65057	ACD	adrenocort	GO:000072	GO:000551	GO:000078	140	105	0.75	-0.42	
H30001913	H300019132	ENSG0000	XM_011537	64919	BCL11B	B-cell CLL	GO:000333	GO:000097	GO:0005634	nucleus,G	5			
H30001130	H300011303	ENSG0000	XM_005265	64324	NSD1	nuclear rec	GO:000012	GO:000097	GO:000565	52	68	1.32	0.40	
H20000143	H200001430	ENSG0000	NM_022366	64216	TFB2M	transcripti	GO:000639	GO:000017	GO:000573	1708	977	0.57	-0.81	
CHsGV100	CHsGV100022	ENSG0000	NM_005250	60412	EXOC4	exocyst co	GO:000690	GO:000551	GO:000014	62	89	1.43	0.52	
H20001172	H200011725	ENSG0000	XM_011541	58985	IL22RA1	interleukin	GO:000815	GO:000490	GO:000588	29	42	1.45	0.54	
H20000208	H200002087	ENSG0000	XM_011536	51004	COQ6	coenzyme	GO:000674	GO:000449	GO:000573	81	88	1.09	0.12	
CHsGV100	CHsGV1000075	-	NR_075070	50861	STMN3	stathmin 3	GO:000701	GO:001563	GO:000573	1842	1523	0.83	-0.27	
AHsV1000	AHsV10002338	ENSG0000	XR_944528	29951	PDZRN4	PDZ domai	GO:001656	GO:000484	-					
CHsGV100	CHsGV1000285	ENSG0000	NM_021971	29925	GMPPB	GDP-mann	GO:000648	GO:000447	GO:000573	34	37	1.09	0.13	
H30002136	H300021364	ENSG0000	XM_011524	28511	NKIRAS2	NFKB inhib	GO:000724	GO:000392	GO:000557	119	214	1.79	0.84	
AHsV1000	AHsV10002704	ENSG0000	XM_011539	27343	POLL	polymerase	GO:000626	GO:000367	GO:000563	12	22	1.81	0.86	
CHsGV100	CHsGV1000061	ENSG0000	NM_020817	57577	CCDC191	coiled-coil	-	-	-	9	15	1.79	0.84	
CHsGV100	CHsGV1000096	ENSG0000	NM_020433	57158	JPH2	junctophilin	GO:005120	GO:000178	GO:000582	19	19	1.00	0.00	
H20000175	H200001758	ENSG0000	NM_020410	57130	ATP13A1	ATPase 13	GO:000687	GO:000367	GO:000578	220	215	0.98	-0.04	
CHsGV100	CHsGV1000165	ENSG0000	NM_020647	56704	JPH1	junctophilin	GO:000751	GO:000367	GO:0005886	plasma m	10			
AHsV1000	AHsV10002486	-	XR_945788	56652	C10orf2	chromosom	GO:000626	GO:000202	GO:000575	78	70	0.89	-0.16	
AHsV1000	AHsV10001480	ENSG0000	NM_018489	55870	ASH1L	ash1 (abse	GO:000267	GO:000367	GO:000563	315	367	1.17	0.22	
CHsGV100	CHsGV100035	ENSG0000	NM_018460	55843	ARHGAP15	Rho GTPase	GO:000726	GO:000509	GO:000582	248	534	2.15	1.11	
AHsV1000	AHsV10002382	ENSG0000	XM_011509	26092	TOR1AIP1	torsin 1A ir	GO:003278	GO:000167	GO:000563	195	247	1.26	0.34	
H30000656	H300006564	ENSG0000	XM_005250	26053	AUTS2	autism sus	GO:000815	GO:000367	GO:000557	9	13	1.51	0.59	
AHsV1000	AHsV10001373	ENSG0000	NM_015388	25844	YIPF3	Yip1 domai	GO:003015	GO:000551	GO:000565	484	474	0.98	-0.03	
CHsGV100	CHsGV100034	ENSG0000	XM_005273	25824	PRDX5	peroxiredox	GO:000030	GO:000101	GO:000561	1232	1349	1.09	0.13	
H20001755	H200017557	ENSG0000	NM_003679	8564	KMO	kynurenine	GO:000656	GO:000450	GO:000574	337	284	0.84	-0.25	
H20001519	H200015195	ENSG0000	NM_012341	23560	GTPBP4	GTP bindin	GO:000007	GO:000392	GO:000563	2595	1759	0.68	-0.56	
AHsV1000	AHsV10002332	ENSG0000	XR_929843	79048	SECISBP2	SECIS bind	GO:000151	GO:000373	GO:000565	176	188	1.07	0.10	
H30000453	H300004534	ENSG0000	NM_022828	64848	YTHDC2	YTH domai	GO:000639	GO:000400	GO:000578	92	111	1.21	0.27	
H20001025	H200010250	ENSG0000	NM_001283	64798	DEPTOR	DEP domai	GO:000646	GO:000551	GO:0005622	intracellular				
H20000814	H200008147	ENSG0000	XM_005271	64129	TINAGL1	tubulointer	GO:000689	GO:000419	GO:000557	68	66	0.97	-0.04	
H20000312	H200003125	ENSG0000	NM_022138	64094	SMOC2	SPARC rel	GO:000716	GO:000550	GO:000560	10	22	2.31	1.21	
AHsV1000	AHsV10002301	ENSG0000	XM_011540	58504	ARHGAP22	Rho GTPase	GO:000152	GO:000509	GO:000563	45	49	1.11	0.15	
H30001956	H300019562	ENSG0000	NM_001302	58484	NLRC4	NLR family	GO:000221	GO:000028	GO:000562	44	42	0.94	-0.08	
H20001690	H200016904	ENSG0000	NM_016945	50833	TAS2R16	taste 2 rec	GO:000158	GO:000551	GO:0005783	endoplasmic reticulum,GO:00058				
CHsGV100	CHsGV1000263	ENSG0000	NM_001001	50636	ANO7	anoctamin	GO:000682	GO:000522	GO:000562	47	42	0.88	-0.19	
H30001927	H300019278	ENSG0000	NR_045669	29893	PSMC3IP	PSMC3 int	GO:000631	GO:000367	GO:000557	369	667	1.81	0.85	
CHsGV100	CHsGV1000003	ENSG0000	NM_013375	29777	ABT1	activator o	GO:000044	GO:000016	GO:000563	1208	990	0.82	-0.29	
H20001275	H200012753	ENSG0000	NM_014485	27306	HPGDS	hematopoie	GO:000669	GO:000028	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005829	cytosol			
H20001146	H200011460	ENSG0000	NM_014460	27254	CSDC2	cold shock	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus,G	8			
AHsV1000	AHsV10002711	ENSG0000	NM_020746	57506	MAVS	mitochondr	GO:000193	GO:000487	GO:000573	29	45	1.54	0.62	
H20001634	H200016346	ENSG0000	NM_001308	57105	CYSLTR2	cysteinyll le	GO:000695	GO:000163	GO:0005575	cellular co	4			
H30001459	H300014593	ENSG0000	NR_134857	57038	RARS2	arginyl-tRN	GO:000641	GO:000481	GO:000573	97	72	0.74	-0.43	
AHsV1000	AHsV10000034	ENSG0000	NM_001278	56300	IL36G	interleukin	GO:000243	GO:000512	GO:0005615	extracellu	11			
AHsV1000	AHsV10003584	ENSG0000	NM_018897	56171	DNAH7	dynein axo	GO:000153	GO:000377	GO:0005737	cytoplasm	5			
H20000402	H200004021	ENSG0000	XM_005258	55813	UTP6	UTP6, sma	GO:000046	GO:003051	GO:000573	3126	2642	0.85	-0.24	
AHsV1000	AHsV10002039	ENSG0000	NM_018360	55787	TXLNG	taxilin gamr	GO:000635	GO:001990	GO:000582	209	182	0.87	-0.20	
AHsV1000	AHsV10000412	ENSG0000	XM_011539	26033	ATRNL1	attractin lik	GO:000718	GO:003024	GO:0016021	integral component of membrane				
H20000137	H200001374	ENSG0000	NM_001320	26001	RNF167	ring finger	GO:000020	GO:000484	GO:000573	62	89	1.43	0.52	
H20000631	H200006317	ENSG0000	NM_001252	25804	LSM4	LSM4 hom	GO:000024	GO:000551	GO:000093	3224	2463	0.76	-0.39	
AHsV1000	AHsV10000334	ENSG0000	NM_001199	25777	SUN2	Sad1 and L	GO:000699	GO:000551	GO:000078	67	75	1.13	0.18	
CHsGV100	CHsGV1000366	ENSG0000	XM_006721	23531	MMD	monocyte t	GO:000646	GO:000467	GO:000576	60	105	1.76	0.81	
CHsGV100	CHsGV1000248	ENSG0000	NM_015350	23507	LRR8B	leucine-ric	GO:009865	GO:000551	GO:000573	221	277	1.26	0.33	
DHsGV100	DHsGV1000417	ENSG0000	NM_030915	81606	LBH	limb bud an	GO:000635	-	GO:000563	18	24	1.29	0.37	
H20000420	H200004206	ENSG0000	XM_006718	9159	PCSK7	proprotein	GO:001648	GO:000425	GO:003017	50	76	1.52	0.61	
DHsGV100	DHsGV1000505	-	NM_001287	646817	SETSIP	SET-like p	GO:000633	GO:000368	GO:0005634	nucleus,GO:0005654	nucleoplasm			
DHsGV100	DHsGV1000418	ENSG0000	XM_006718	22997	IGSF9B	immunoglob	GO:000715	GO:001990	GO:0005886	plasma m	7			
CHsGV100	CHsGV1000156	ENSG0000	XM_005249	168544	ZNF467	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	14	27	1.90	0.92	
AHsV1000	AHsV10000518	ENSG0000	NM_201431	166824	RASSF6	Ras associ	GO:000691	GO:000551	-					
AHsV1000	AHsV10001463	ENSG0000	XR_949382	157855	KCNU1	potassium	GO:000733	GO:000524	GO:0005886	plasma membrane,GO:0008076	v			
AHsV1000	AHsV10000276	ENSG0000	NR_110612	155066	ATP6V0E2	ATPase H+	GO:000687	GO:004262	GO:0010008	endosome	4			
opHsV0400	opHsV0400009	ENSG0000	XM_006710	56063	TMEM234	transmemb	-	GO:000551	GO:001602	10	12	1.15	0.21	
AHsV1000	AHsV10002115	ENSG0000	NM_001172	148254	ZNF555	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	34	33	0.96	-0.06	
AHsV1000	AHsV10000240	ENSG0000	XM_011542	143884	CWF19L2	CWF19-like	GO:000815	GO:000382	-	44	59	1.33	0.41	
AHsV1000	AHsV10002268	ENSG0000	NR_033183	142678	MIB2	mindbomb	GO:000721	GO:000377	GO:000015	17	23	1.39	0.48	
AHsV1000	AHsV10001464	ENSG0000	NM_001142	79640	C22orf46	chromosom	-	-	GO:000557	28	34	1.21	0.27	
CHsGV100	CHsGV1000033	ENSG0000	NM_001101	402665	IGLON5	IgLON fami	-	-	GO:000557	45	49	1.09	0.12	
CHsGV100	CHsGV1000031	ENSG0000	XM_006717	401565	FAM166A	family with	-	-	GO:0005634	nucleus				
AHsV1000	AHsV10000469	ENSG0000	NM_207422	392490	FLJ44635	TPT1-like	-	-	GO:0070062	extracellular exosome				
DHsGV100	DHsGV1000564	-	-	-	-	-	-	-	-	62	57	0.91	-0.14	
CHsGV100	CHsGV1000126	ENSG0000	NM_152407	134266	GRPEL2	GrpE like 2	GO:000645	GO:000077	GO:000573	203	293	1.45	0.53	
AHsV1000	AHsV10001302	ENSG0000	NM_152401	132954	PDCL2	phosducin	GO:000861	GO:000847	GO:0005737	cytoplasm				
AHsV1000	AHsV10002276	ENSG0000	NM_153340	127002	ATXN7L2	ataxin 7 lik	-	-	-	36	40	1.13	0.18	
CHsGV100	CHsGV1000156	-	NM_001195	126432	RINL	Ras and Ra	GO:000689	GO:000508	GO:0001726	ruffle,GO:	6			
AHsV1000	AHsV10002329	ENSG0000	XM_011542	120406	NXPE2	neurexophi	-	-	GO:0016021	integral component of membrane				
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	NM_001029											

CHsGV100	CHsGV100005	ENSG0000	NM_001139	163882	CNST	consortin, d	GO:001092	GO:000551	GO:000580	80	83	1.05	0.07
CHsGV100	CHsGV100039	ENSG0000	NR_073465	154141	MBOAT1	membrane	GO:000664	GO:001674	GO:0005789	endoplasm	20		
CHsGV100	CHsGV100011	ENSG0000	NM_001040	152559	PAQR3	progesterone a	GO:000016	GO:000487	GO:000013	291	279	0.96	-0.06
H20001508	H200015085	ENSG0000	NM_144685	147746	HIPK4	homeodom	GO:001657	GO:000467	GO:000563	708	488	0.69	-0.54
H30001299	H300012999	ENSG0000	XR_934400	147138	TMC8	transmemb	GO:000155	GO:000510	GO:000561	207	131	0.63	-0.66
opHsV0400	opHsV0400011	ENSG0000	NM_183240	140738	TMEM37	transmemb	GO:003476	GO:000524	GO:0016021	integral component of membrane			
AHsV1000	AHsV10000820	ENSG0000	XR_927369	140545	RNF32	ring finger	-	GO:000551	GO:000576	21	39	1.85	0.89
H30002226	H300022268	ENSG0000	XM_011542	79574	EPS8L3	EPS8 like 3	-	-	GO:0005737	cytoplasm	6		
opHsV0400	opHsV0400008	ENSG0000	NM_001123	401335	C7orf65	chromosom	-	-	-	24	27	1.12	0.17
AHsV1000	AHsV10000089	ENSG0000	-	401136	TMPRSS1	TMPRSS1	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV100021	ENSG0000	NM_001193	390940	PINLYP	phospholipa	GO:004308	GO:000485	GO:000557	33	15	0.46	-1.13
AHsV1000	AHsV10001011	ENSG0000	XM_011521	390616	ANKRD34C	ankyrin rep	-	-	-				
AHsV1000	AHsV10002470	ENSG0000	NM_001301	131965	METTL6	methyltran	GO:003225	GO:000816	-	243	253	1.04	0.06
AHsV1000	AHsV10002706	ENSG0000	NM_001301	130940	CCDC148	coiled-coil	-	GO:000551	-		3		
AHsV1000	AHsV10003476	ENSG0000	NM_152357	126070	ZNF440	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	61	81	1.33	0.41
AHsV1000	AHsV10002869	ENSG0000	XM_011523	125206	SLC5A10	solute carr	GO:000681	GO:000521	GO:0005886	plasma m	4		
AHsV1000	AHsV10001378	ENSG0000	NM_001271	117581	TWIST2	twist family	GO:000012	GO:000107	GO:0005634	nucleus,GO:0005667	transcriptio		
CHsGV100	CHsGV100001	ENSG0000	NM_052971	116842	LEAP2	liver expres	GO:004274	-	GO:000557	51	62	1.22	0.29
AHsV1000	AHsV10001160	ENSG0000	XM_006721	113277	TMEM106A	transmemb	GO:000815	GO:000367	GO:0016021	integral component of membrane			
AHsV1000	AHsV10000857	ENSG0000	XM_011514	112744	IL17F	interleukin	GO:000695	GO:000512	GO:0005576	extracellular region,GO:0005615			
AHsV1000	AHsV10001539	ENSG0000	XM_011538	57701	NCKAP5L	NCK assoc	GO:000157	GO:000551	GO:000573	183	150	0.82	-0.28
DHsGV100	DHsGV100027	-	NR_046461	650794	MIPEPP3	mitochondr	-	-	-	16	18	1.14	0.18
DHsGV100	DHsGV1000173	-	-	-	-	-	-	-	-	76	63	0.84	-0.25
AHsV1000	AHsV10002435	ENSG0000	NR_108066	101927181	LOC10192	uncharacte	-	-	-	39	38	0.97	-0.05
DHsGV100	DHsGV100023	ENSG0000	NM_001136	644974	ALG1L2	ALG1, chit	GO:000648	GO:000003	GO:000578	18	17	0.96	-0.07
AHsV1000	AHsV10000421	ENSG0000	NM_198457	162966	ZNF600	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	208	173	0.83	-0.26
AHsV1000	AHsV10003577	ENSG0000	NM_130901	161725	OTUD7A	OTU deubi	GO:000695	GO:000367	GO:0005634	nucleus,GO	3		
AHsV1000	AHsV10000886	ENSG0000	NM_138287	151636	DTX3L	deltex 3 lik	GO:000630	GO:000484	GO:0005634	nucleus,GO	9		
CHsGV100	CHsGV100007	ENSG0000	NM_001170	151056	PLB1	phospholipa	GO:000152	GO:000462	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in		
AHsV1000	AHsV10000096	-	-	-	-	-	-	-	-	53	56	1.05	0.07
AHsV1000	AHsV10002512	ENSG0000	XM_011545	146183	OTOA	otoancorin	GO:000716	-	GO:0005578	proteinaceous extracellular matri			
DHsGV100	DHsGV1000175	-	-	-	-	-	-	-	-	32	32	1.00	0.00
CHsGV100	CHsGV1000049	ENSG0000	XM_011518	138639	PTPDC1	protein tyr	GO:003533	GO:000472	GO:000563	17	30	1.76	0.82
CHsGV100	CHsGV1000040	ENSG0000	NM_024326	79176	FBXL15	F-box and	GO:000008	GO:000484	GO:000573	19	19	0.99	-0.02
AHsV1000	AHsV10000213	ENSG0000	NM_001039	400954	EML6	echinoderm	-	-	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005874	microtubu		
DHsGV100	DHsGV1000362	ENSG0000	-	400696	LGALS17A	Charcot-L	-	-	-	31	31	1.00	0.00
AHsV1000	AHsV10002551	ENSG0000	NM_001004	390064	OR51I2	olfactory re	GO:000716	GO:000493	GO:000588	61	52	0.85	-0.23
DHsGV100	DHsGV1000538	ENSG0000	NM_001242	389676	C8orf87	chromosom	-	-	-		3		
CHsGV100	CHsGV100015	ENSG0000	NM_172069	130271	PLEKHH2	pleckstrin H	GO:003083	GO:000377	GO:000573	6	13	2.34	1.23
AHsV1000	AHsV10003355	ENSG0000	NM_080476	128869	PIGU	phosphatid	GO:000650	GO:000392	GO:000578	374	368	0.98	-0.02
AHsV1000	AHsV10002234	ENSG0000	XM_005257	124773	C17orf64	chromosom	-	-	-				
AHsV1000	AHsV10001195	ENSG0000	XM_005256	124044	SPATA2L	spermatoge	-	-	-	9	12	1.33	0.41
AHsV1000	AHsV10002944	ENSG0000	NR_132421	116228	COX20	COX20 cyt	GO:000906	-	GO:000573	789	812	1.03	0.04
CHsGV100	CHsGV1000362	ENSG0000	NM_138783	115950	ZNF653	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	50	37	0.75	-0.42
CHsGV100	CHsGV1000343	ENSG0000	XM_011517	94241	TP53INP1	tumor prot	GO:000004	GO:000551	GO:0005634	nucleus,GO	3		
CHsGV100	CHsGV1000069	ENSG0000	NM_001300	94039	ZNF101	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	113	140	1.25	0.32
AHsV1000	AHsV10000232	ENSG0000	XM_011538	57605	PITPNM2	phosphatid	GO:000681	GO:000550	GO:001250	23	33	1.44	0.53
AHsV1000	AHsV10003163	ENSG0000	NR_047005	100874151	LINC00381	long interge	-	-	-		6		
H20000836	H200008364	-	NR_120608	203068	TUBB	tubulin bet	GO:000008	GO:000392	GO:000557	6967	6552	0.94	-0.09
DHsGV100	DHsGV1000228	-	NG_021399	7536	SF1	splicing fac	GO:000024	GO:000371	GO:000563	12	17	1.48	0.56
DHsGV100	DHsGV1000144	-	-	-	-	-	-	-	-	25	44	1.76	0.81
H30000791	H300007918	-	XM_011520	160364	CLEC12A	C-type lec	-	GO:003024	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in		
AHsV1000	AHsV10000367	ENSG0000	XM_005251	158471	PRUNE2	prune hom	GO:000679	GO:000430	GO:0005737	cytoplasm			
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	NM_001010	150297	C22orf42	chromosom	-	-	-				
CHsGV100	CHsGV100035	ENSG0000	NR_130907	149685	ADIG	adipogenin	GO:000728	-	GO:000563	61	60	0.99	-0.01
AHsV1000	AHsV10002697	ENSG0000	XM_011536	145567	TTG7B	tetratricop	GO:004685	GO:000551	GO:000582	217	241	1.11	0.15
CHsGV100	CHsGV1000055	-	NM_001300	144577	C12orf66	chromosom	-	-	GO:001563	26	25	0.97	-0.05
AHsV1000	AHsV10000706	ENSG0000	NM_144650	137872	ADHFE1	alcohol def	GO:000610	GO:004687	GO:0005739	mitochondrion,GO:0005759	mitoc		
AHsV1000	AHsV10001322	-	NM_001145	135398	C6orf141	chromosom	-	-	-		4		
AHsV1000	AHsV10001889	ENSG0000	NM_024098	79080	CCDC86	coiled-coil	GO:001603	GO:000551	GO:000563	577	327	0.57	-0.82
CHsTV100	CHsTV1000014	ENSG0000	NM_001100	400410	ST20	suppressor	GO:000183	GO:001526	GO:000574	28	40	1.44	0.53
DHsGV100	DHsGV1000059	ENSG0000	NR_040079	399715	LOC39971	uncharacte	-	-	-	32	33	1.04	0.06
CHsGV100	CHsGV1000019	ENSG0000	NM_205854	389376	SFTA2	surfactant	-	-	GO:000557	284	234	0.82	-0.28
DHsGV100	DHsGV1000544	ENSG0000	NM_001145	389203	SMIM20	small integr	-	-	GO:001602	518	539	1.04	0.06
opHsV0400	opHsV0400010	ENSG0000	NM_175055	128312	HIST3H2B	histone clu	GO:000632	GO:000367	GO:000078	219	127	0.58	-0.79
AHsV1000	AHsV10000873	ENSG0000	NM_172000	127670	TEDDM1	transmemb	-	-	GO:0016021	integral component of membrane			
CHsGV100	CHsGV1000334	ENSG0000	XM_011536	122945	NOXRED1	NADP-dep	GO:000656	GO:000367	GO:000557	5	7	1.60	0.68
CHsGV100	CHsGV1000136	ENSG0000	XM_011520	121512	FGD4	FYVE, Rho	GO:000701	GO:000377	GO:000172	9	16	1.75	0.81
H20001523	H200015230	ENSG0000	XM_005252	115399	LRRC56	leucine ric	-	-	-	19	29	1.54	0.62
AHsV1000	AHsV10001291	ENSG0000	NM_022776	114885	OSBPL11	oxysterol b	GO:000686	GO:000828	GO:000579	12	17	1.40	0.48
AHsV1000	AHsV10001663	ENSG0000	NM_172364	93589	CACNA2D4	calcium vol	GO:003476	GO:000524	GO:0005886	plasma m	13		
CHsGV100	CHsGV1000279	ENSG0000	NM_144576	93058	COQ10A	coenzyme	-	-	GO:000574	70	55	0.79	-0.34
AHsV1000	AHsV10003185	ENSG0000	NM_020776	57536	KIAA1328	KIAA1328	-	GO:000551	-				
H20001768	H200017689	ENSG0000	XM_011545	55867	SLC22A11	solute carr	GO:001571	GO:000545	GO:000588	17	23	1.36	0.44
DHsGV100	DHsGV1000332	ENSG0000	-	-	RP4-800J2	-	-	-	-	13	16	1.22	0.29
DHsGV100	DHsGV1000274	-	XR_953231	102723722	LOC10272	uncharacte	-	-	-	25	29	1.18	0.24
DHsGV100	DHsGV1000428	-	-	-	-	-	-	-	-	25	32	1.26	0.34
DHsGV100	DHsGV1000550	-	XR_956020	105375434	LOC10537	uncharacte	-	-	-	12	12	1.00	-0.01
DHsGV100	DHsGV1000307	-	-	-	-	-	-	-	-		6		
DHsGV100	DHsGV1000498	ENSG0000	XR_944553	4327	MMP19	matrix met	GO:000152	GO:000422	GO:0005576	extracellu	3		
DHsGV100	DHsGV1000145	ENSG0000	-	-	FAM197Y1	family with	-	-	-	37	35	0.95	-0.08
DHsGV100	DHsGV1000141	-	-	-	-	-	-	-	-	83	62	0.75	-0.42
AHsV1000	AHsV10003060	-	-	-	-	-	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000426	-	-	-	-	-	-	-	-	26	20	0.77	-0.37
DHsGV100	DHsGV1000548	ENSG0000	XM_011545	728588	MS4A18	membrane	-	-	GO:0016021	integral c	4		
AHsV1000	AHsV10001595	ENSG0000	NR_073565	728489	DNLZ	DNL-type	GO:000645	GO:000827	GO:000573	170	182	1.07	0.10
H20000394	H200003942	ENSG0000	NM_001009	22883	CLSTN1	calsyntenin	GO:000155	GO:000154	GO:000013	89	89	1.01	0.01
DHsGV100	DHsGV1000080	-	-	-	-	-	-	-	-		4		
DHsGV100	DHsGV1000021	-	-	-	-	-	-	-	-	88	82	0.93	-0.11

opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_006361	10481	HOXB13	homeobox	GO:000152	GO:004356	GO:000565	24	28	1.16	0.21
H30000799	H300007999	ENSG0000	NM_005057	5929	RBBP5	retinoblasto	GO:000632	GO:000551	GO:000563	95	125	1.31	0.39
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011539	5309	PITX3	paired like	GO:000208	GO:000097	GO:000563	149	138	0.93	-0.11
H20001754	H200017541	ENSG0000	NM_001277	904	CCNT1	cyclin T1	GO:000007	GO:000367	GO:000030	47	61	1.29	0.37
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001318	4045	LSAMP	limbic syste	GO:000715	GO:000551	GO:000588	6	14	2.35	1.23
H20001178	H200011780	ENSG0000	NM_003459	7781	SLC30A3	solute carr	GO:000681	GO:000551	GO:000573	66	64	0.98	-0.03
H30002240	H300022407	ENSG0000	XM_011517	9788	MTSS1	metastasis	GO:000170	GO:000378	GO:000172	6	12	2.04	1.03
H20000831	H200008318	ENSG0000	XR_934145	105371483	LOC10537	uncharacte	-	-	-	85	80	0.94	-0.09
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011538	319101	KRT73	keratin 73,	GO:000815	GO:000367	GO:0005634	nucleus,G	4		
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001317	83862	TMEM120A	transmemb	GO:000815	GO:000367	GO:000557	102	90	0.87	-0.19
H30001874	H300018743	ENSG0000	NM_001146	5178	PEG3	paternally e	GO:000012	GO:000098	GO:0005634	nucleus,GO:0005654	nucleoplasm		
H20001698	H200016980	ENSG0000	NR_048541	6730	SRP68	signal reco	GO:000641	GO:000504	GO:000573	595	550	0.92	-0.11
H20000824	H200008241	ENSG0000	XM_006719	5074	PAWR	PRKC, apo	GO:000012	GO:000371	GO:0005634	nucleus,G	4		
H20000441	H200004415	ENSG0000	NM_001243	2176	FANCC	Fanconi an	GO:000226	GO:000551	GO:000078	57	63	1.12	0.16
H20000466	H20000469	ENSG0000	XM_011524	4353	MPO	myeloperox	GO:000187	GO:000368	GO:0005615	extracellu	6		
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_011509	1510	CTSE	cathepsin B	GO:000758	GO:000419	GO:000576	12	17	1.40	0.49
H20000138	H200001386	ENSG0000	NM_198903	2566	GABRG2	gamma-am	GO:000681	GO:000489	GO:000573	14	19	1.35	0.43
H20000072	H200000720	ENSG0000	NM_001041	6476	SI	sucrase-iso	GO:000597	GO:000455	GO:000579	18	21	1.20	0.26
H30001881	H300018815	ENSG0000	NM_001142	83871	RAB34	RAB34, me	GO:000726	GO:000551	GO:0005794	Golgi apparatus,GO:0005795	Golgi		
H30001856	H300018563	ENSG0000	XR_934508	5705	PSMC5	proteasome	GO:000008	GO:000371	GO:000050	2477	2480	1.00	0.00
H20000356	H200003564	-	XM_011517	4683	NBN	nibrin	GO:000007	GO:000368	GO:000078	117	144	1.23	0.30
H20000103	H200001036	ENSG0000	NM_015702	27249	MMADHC	methylmalc	GO:000676	-	GO:000573	2788	2658	0.95	-0.07
H30002000	H300020007	ENSG0000	XM_006715	3181	HNRNPA2B1	heterogene	GO:000012	GO:000016	GO:000563	2992	2773	0.93	-0.11
H20001052	H200010525	ENSG0000	NM_018649	55506	H2AFY2	H2A histon	GO:000012	GO:000097	GO:000078	76	69	0.91	-0.14
H30001883	H300018832	ENSG0000	XM_011520	8531	YBX3	Y-box bind	GO:000012	GO:000097	GO:000563	1083	657	0.61	-0.72
H20000428	H200004280	ENSG0000	NM_014795	9839	ZEB2	zinc finger	GO:000012	GO:000367	GO:000563	116	168	1.45	0.53
H20000740	H200007409	ENSG0000	NM_003923	8928	FOXH1	forkhead bd	GO:000194	GO:000098	GO:000079	180	158	0.88	-0.18
H20001609	H200016093	ENSG0000	NM_006168	4825	NKX6-1	NK6 homeod	GO:000012	GO:000097	GO:000565	59	52	0.89	-0.16
H20000448	H200004484	ENSG0000	NM_001144	4435	CITED1	Cbp/p300	GO:000057	GO:000110	GO:000563	20	26	1.34	0.42
H30001971	H300019710	ENSG0000	NM_001184	8908	GYG2	glycogenin	GO:000597	GO:000846	GO:000582	97	110	1.13	0.18
H20000852	H200008527	ENSG0000	NM_004539	4677	NARS	asparaginyl	GO:000641	GO:000367	GO:000573	3883	3797	0.98	-0.03
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_203472	55829	VIMP	VCP intera	GO:000286	GO:000487	GO:000578	536	357	0.67	-0.59
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_016037	51118	UTP11	UTP11, sm	GO:000636	GO:000551	GO:000561	3164	2489	0.79	-0.35
H20000859	H200008599	ENSG0000	NM_001300	3891	KRT85	keratin 85,	GO:000854	GO:000519	GO:0005615	extracellu	9		
H30000978	H300009783	ENSG0000	XM_011520	341359	SYT10	synaptotag	GO:000726	GO:000550	GO:001602	25	27	1.10	0.14
H30002074	H300020741	ENSG0000	XM_006717	7410	VAV2	vav guanine	GO:000152	GO:000508	GO:0005829	cytosol,G	6		
H20000573	H200005732	ENSG0000	XM_011544	7991	TUSC3	tumor supp	GO:000648	GO:000457	GO:000573	767	591	0.77	-0.38
H20000601	H200006016	ENSG0000	XM_005251	6456	SH3GL2	SH3-domai	GO:000209	GO:000551	GO:0000139	Golgi men	3		
opHsV0400	opHsV0400003	-	NM_182971	341947	COX8C	cytochrom	GO:000612	GO:000412	GO:0005739	mitochond	3		
H20000068	H200000687	ENSG0000	XM_011544	10873	ME3	malic enzyr	GO:000609	GO:000447	GO:000573	37	40	1.09	0.12
H20001654	H200016546	-	NR_046478	55033	FKBP14	FK506 bind	GO:000041	GO:000375	GO:000578	8461	6609	0.78	-0.36
H30000150	H300001501	ENSG0000	NM_080476	128869	PIGU	phosphatid	GO:000650	GO:000392	GO:000578	374	379	1.01	0.02
H20000649	H200006493	ENSG0000	NR_037637	100527950	GJA9-MYC	GJA9-MYC	-	-	-	541	524	0.97	-0.05
H20001664	H200016647	ENSG0000	NM_006078	10369	CACNG2	calcium vol	GO:000681	GO:000524	GO:0005886	plasma m	6		
H30002021	H300020210	ENSG0000	XM_005271	5567	PRKACB	protein kin	GO:000184	GO:000028	GO:000565	11	23	1.96	0.97
H30002212	H300022127	ENSG0000	XM_011536	26030	PLEKHG3	pleckstrin P	GO:003502	GO:000508	-	5	11	2.25	1.17
H20000485	H200004852	ENSG0000	NR_120639	56922	MCCC1	methylcro	GO:000655	GO:000407	GO:000573	255	271	1.06	0.08
H20001538	H200015382	ENSG0000	NM_001270	8491	MAP4K3	mitogen-ac	GO:000018	GO:000467	GO:000573	80	158	1.97	0.98
H30000583	H300005838	ENSG0000	NM_001286	222545	GPRC6A	G protein-c	GO:000718	GO:000493	GO:0005622	intracellul	4		
H20000944	H200009446	ENSG0000	NR_135192	101928595	LOC10192	uncharacte	-	-	-	23	26	1.12	0.17
H30002217	H300022175	ENSG0000	NM_003607	8476	CDC42BP1	CDC42 bin	GO:000022	GO:000028	GO:000573	49	82	1.67	0.74
H20000026	H200000263	ENSG0000	NM_001319	7862	BRPF1	bromodoma	GO:000632	GO:000367	GO:000563	135	138	1.02	0.03
H30001741	H300017414	ENSG0000	NM_022442	7335	UBE2V1	ubiquitin cd	GO:000020	GO:000551	GO:000015	21	29	1.38	0.46
H20000418	H200004187	ENSG0000	NM_000209	3651	PDX1	pancreatic	GO:000012	GO:000097	GO:000582	4	9	2.21	1.15
H20001017	H200010177	ENSG0000	NM_001098	3090	HIC1	hypermeth	GO:000012	GO:000370	GO:000078	14	22	1.51	0.60
H20000606	H200006062	ENSG0000	NM_000756	1392	CRH	corticotrop	GO:000193	GO:000510	GO:000557	15	24	1.59	0.67
H20001015	H200010154	ENSG0000	NM_018649	55502	HES6	hes family	GO:000012	GO:000097	GO:000563	281	150	0.53	-0.90
H30001617	H300016170	ENSG0000	NM_016642	51332	SPTBN5	spectrin be	GO:000016	GO:000377	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005829	cytosol,G		
H30001320	H300013207	ENSG0000	XM_011538	4598	MVK	mevalonate	GO:000669	GO:000449	GO:000577	380	338	0.89	-0.17
H30001606	H300016061	ENSG0000	NM_001166	323	APBB2	amyloid bet	GO:000176	GO:000154	GO:000563	75	63	0.84	-0.26
H20000037	H200000376	ENSG0000	NM_002042	2569	GABRR1	gamma-am	GO:000681	GO:000489	GO:000588	13	18	1.47	0.55
H30002117	H300021174	-	-	-	-	-	-	-	-	40	33	0.83	-0.26
H20001989	H200019893	ENSG0000	XM_011521	53346	TM6SF1	transmemb	GO:000815	GO:000367	GO:000576	13	86	6.76	2.76
H30002129	H300021292	ENSG0000	NM_001024	6227	RPS21	ribosomal p	GO:000018	GO:000373	GO:000573	33068	24175	0.73	-0.45
H20000102	H200001021	ENSG0000	NM_004551	4722	NDUFS3	NADH:ubiq	GO:000612	GO:000395	GO:000563	3041	2129	0.70	-0.51
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_012084	2747	GLUD2	glutamate d	GO:000653	GO:000435	GO:000573	332	322	0.97	-0.04
H20001598	H200015984	ENSG0000	NM_005331	3049	HBQ1	hemoglobin	GO:001567	GO:000534	GO:000583	506	278	0.55	-0.86
H30000947	H300009473	ENSG0000	NM_001404	1937	EEF1G	eukaryotic	GO:000641	GO:000374	GO:000563	13199	14309	1.08	0.12
H30002138	H300021389	ENSG0000	XM_011524	22843	PPM1E	protein pho	GO:000646	GO:000472	GO:000563	23	35	1.57	0.65
H20000365	H200003652	ENSG0000	NM_138392	92799	SHKBP1	SH3KBP1	GO:004574	-	-	72	76	1.06	0.08
H20001749	H200017494	ENSG0000	XR_245387	51131	PHF11	PHD finger	GO:000635	GO:000827	GO:000563	30	56	1.86	0.90
H20001779	H200017794	ENSG0000	NM_020357	57092	PCNP	PEST prote	GO:000704	GO:000551	GO:000563	2005	2163	1.08	0.11
H30002108	H300021081	ENSG0000	XM_006720	9516	LITAF	lipopolysac	GO:000181	GO:000487	GO:000565	104	110	1.05	0.07
H20000675	H200006754	ENSG0000	XM_005257	3866	KRT15	keratin 15,	GO:000854	GO:000520	GO:000563	652	441	0.68	-0.57
H20000200	H200002008	ENSG0000	XM_011536	10516	FBLN5	fibulin 5	GO:000155	GO:000517	GO:000557	19	23	1.22	0.28
H30001940	H300019400	ENSG0000	XM_005248	2045	EPHA7	EPH recep	GO:000193	GO:000471	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005887	in		
H30000595	H300005954	ENSG0000	NM_006136	830	CAPZA2	capping act	GO:000646	GO:000377	GO:000557	1318	1207	0.92	-0.13
H30001955	H300019557	ENSG0000	NM_181488	6910	TBX5	T-box 5	GO:000200	GO:000097	GO:000563	151	140	0.93	-0.10
H20000071	H200000715	ENSG0000	XM_005244	6497	SKI	SKI proto-	GO:000012	GO:000368	GO:000563	27	33	1.20	0.27
H30001958	H300019582	ENSG0000	XR_943401	2103	ESRRB	estrogen re	GO:000183	GO:000098	GO:000563	544	439	0.81	-0.31
H20000624	H200006245	ENSG0000	XM_011524	1655	DDX5	DEAD-box	GO:000012	GO:000371	GO:000563	5568	5061	0.91	-0.14
H30002188	H300021882	ENSG0000	XR_930872	4928	NUP98	nucleoporin	GO:0						

H30002049	H300020491	ENSG0000	NM_001272	6014	RIT2	Ras-like w	GO:000716	GO:000392	GO:000563	6	8	1.26	0.34
H30000382	H300003824	ENSG0000	NM_001098	50	ACO2	aconitase 2	GO:000609	GO:000399	GO:000563	601	462	0.77	-0.38
H20000283	H200002838	ENSG0000	NM_005001	4701	NDUFA7	NADH:ubiq	GO:000612	GO:000373	GO:000573	1519	1220	0.80	-0.32
H30000869	H300008698	ENSG0000	XM_011515	28988	DBNL	drebrin like	GO:000225	GO:000377	GO:000013	109	131	1.21	0.27
H20000252	H200002521	ENSG0000	NM_001281	11258	DCTN3	dynactin su	GO:000008	GO:000519	GO:000077	592	627	1.06	0.08
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_004770	9312	KCNB2	potassium	GO:000681	GO:000525	GO:0005622	intracellu	9		
H30000240	H300002405	ENSG0000	NR_036437	3749	KCNC4	potassium	GO:000681	GO:000524	GO:000588	28	23	0.84	-0.25
H30001527	H300015270	ENSG0000	NR_103782	53371	NUP54	nucleoporin	GO:000027	GO:000548	GO:000563	768	848	1.11	0.14
H30000013	H300000130	ENSG0000	XM_011512	22871	NLGN1	neuroligin 1	GO:000208	GO:000487	GO:0005615	extracellu	6		
H20000511	H200005118	ENSG0000	NR_072999	58494	JAM2	junctional a	GO:000716	GO:000551	GO:000588	22	19	0.87	-0.20
H20001509	H200015098	ENSG0000	NM_001278	56300	IL36G	interleukin	GO:000243	GO:000512	GO:0005615	extracellular space			
H20000181	H200001814	ENSG0000	XR_946695	55268	ECHDC2	enoyl-CoA	GO:000663	GO:001682	GO:0005739	mitochon	7		
H30002147	H300021475	ENSG0000	NR_002605	10301	DLEU1	deleted in l	-	-	-	783	573	0.73	-0.45
H20000856	H200008562	ENSG0000	NM_032430	84446	BRSK1	BR serine/	GO:000646	GO:000028	GO:000563	34	28	0.81	-0.30
H20001751	H200017510	ENSG0000	NR_030765	55101	ATP5SL	ATP5S-like	-	-	GO:000573	360	317	0.88	-0.18
H20001955	H200019554	ENSG0000	NM_032689	84775	ZNF607	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	429	323	0.75	-0.41
H20001561	H200015613	ENSG0000	NM_033194	94086	HSPB9	heat shock	-	GO:000551	GO:000563	10	13	1.23	0.30
H20000449	H200004499	ENSG0000	NR_024532	85365	ALG2	ALG2, alph	GO:000648	GO:000003	GO:000563	162	171	1.05	0.08
H20001795	H200017951	-	NM_000455	6794	STK11	serine/thre	GO:000155	GO:000028	GO:000563	56	59	1.05	0.07
H20000762	H200007627	ENSG0000	NM_001017	6207	RPS13	ribosomal p	GO:000018	GO:000372	GO:000563	15661	15116	0.97	-0.05
H20001141	H200011415	ENSG0000	NM_001189	579	NKX3-2	NK3 homeod	GO:000012	GO:000097	GO:000563	31	31	1.00	0.00
H20000265	H200002652	ENSG0000	XM_011544	63898	SH2D4A	SH2 domain	GO:001092	GO:000551	GO:0005737	cytoplasm	7		
H20000531	H200005317	ENSG0000	XR_932991	105371041	LOC10537	uncharacte	-	-	-				
H20000999	H200009996	ENSG0000	XM_011524	83394	PITPNM3	PITPNM fa	GO:001591	GO:000550	GO:000562	6	12	1.86	0.89
H20000312	H200003120	ENSG0000	NM_030815	81572	PDRG1	p53 and DN	GO:000645	GO:0005108	GO:000573	380	365	0.96	-0.06
H30001280	H300012808	ENSG0000	NM_182665	83593	RASSF5	Ras associ	GO:000691	GO:000551	GO:000563	63	116	1.85	0.89
H20000207	H200002074	ENSG0000	NR_029427	64743	WDR13	WD repeat	-	-	GO:000565	347	342	0.99	-0.02
H20001229	H200012294	ENSG0000	NM_012409	23627	PRND	prion prote	GO:000687	GO:000550	GO:000588	224	175	0.78	-0.35
H20000552	H200005520	ENSG0000	XM_011544	144097	C11orf84	chromosom	-	-	-		13		
H20000749	H200007491	ENSG0000	NM_006637	10798	OR5I1	olfactory re	GO:000716	GO:000493	GO:0005886	plasma m	4		
H20000157	H200001573	ENSG0000	XM_006718	84067	FAM160A2	family with	GO:000703	GO:000551	GO:007069	85	81	0.96	-0.07
H20001602	H200016029	ENSG0000	NM_022658	3224	HOXC8	homeobox	GO:000012	GO:000370	GO:0005654	nucleoplasm,GO:0015630	microtu		
H30000736	H300007362	ENSG0000	-	728505	WDR82P1	WD repeat	-	-	-	104	114	1.10	0.13
opHsV0400	opHsV0400001	-	XM_011520	338322	NLRP10	NLR family	GO:000225	GO:000552	GO:000573	19	24	1.25	0.32
H20000723	H200007236	ENSG0000	XM_011516	157378	TMEM65	transmemb	GO:000323	-	GO:000573	40	73	1.82	0.86
H20000140	H200001406	ENSG0000	NM_153812	148479	PHF13	PHD finger	GO:000027	GO:000368	GO:000563	407	319	0.78	-0.35
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_152733	114781	BTBD9	BTB domain	GO:000761	-	-		6		
H20002094	H200020944	ENSG0000	NM_080863	92591	ASB16	ankyrin rep	GO:001656	GO:000551	GO:000562	144	131	0.91	-0.14
H20000402	H200004026	ENSG0000	NM_001516	2967	GTF2H3	general tra	GO:000628	GO:000368	GO:000043	298	306	1.03	0.04
H20001379	H200013793	ENSG0000	XR_934602	9343	EFTUD2	elongation	GO:000039	GO:000392	GO:000565	997	919	0.92	-0.12
H20000105	H200001056	ENSG0000	NM_001318	2824	GPM6B	glycoprotei	GO:000150	GO:000367	GO:0005886	plasma m	3		
H20001560	H200015602	ENSG0000	NM_152736	7741	ZSCAN26	zinc finger	GO:000635	GO:000370	GO:000563	13	28	2.20	1.14
H20001367	H200013672	ENSG0000	NM_152484	148266	ZNF569	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	19	43	2.28	1.19
H20000321	H200003217	ENSG0000	NM_005872	10286	BCAS2	breast carc	GO:000037	GO:000551	GO:000097	610	626	1.03	0.04
H20000903	H200009032	ENSG0000	NR_028482	80067	DCAF17	DDB1 and	GO:001656	-	GO:000573	55	83	1.51	0.59
H20000148	H200001480	ENSG0000	NM_016504	51264	MRPL27	mitochondr	GO:000641	GO:000373	GO:000574	1372	940	0.69	-0.55
H20000170	H200001707	ENSG0000	NR_073428	54883	CWC25	CWC25 spl	-	-	GO:000565	197	152	0.77	-0.38
H20000550	H200005503	ENSG0000	NM_032849	84935	MEDAG	mesenteric	GO:004560	-	GO:0005737	cytoplasm	4		
H20000362	H200003626	ENSG0000	NM_014008	28952	CCDC22	coiled-coil	GO:000687	GO:000551	GO:000557	42	45	1.06	0.08
H20001039	H200010391	ENSG0000	NM_001486	2646	GCKR	glucokinase	GO:000006	GO:000551	GO:0005654	nucleoplasm,GO:0005737	cytopla		
H20000831	H200008310	ENSG0000	XM_005269	51207	DUSP13	dual specifi	GO:000647	GO:000472	GO:000573	113	119	1.06	0.08
H30001095	H300010950	ENSG0000	NM_020706	57466	SCAF4	SR-related	-	GO:000016	GO:000565	478	375	0.79	-0.35
H20000358	H200003585	ENSG0000	NM_018137	55170	PRMT6	protein arg	GO:000012	GO:000368	GO:000563	394	337	0.86	-0.23
H20000794	H200007946	ENSG0000	XM_011517	195814	SDR16C5	short chain	GO:004257	GO:000474	GO:000578	15	16	1.04	0.06
H20001448	H200014485	ENSG0000	NM_144616	126306	JSRP1	junctional s	GO:000300	-	GO:001652	15	21	1.37	0.46
H20001089	H200010893	ENSG0000	NM_015679	26995	TRUB2	TruB pseud	GO:000152	GO:000998	GO:000573	814	691	0.85	-0.24
H20000729	H200007295	ENSG0000	NM_001135	3298	HSF2	heat shock	GO:000636	GO:000097	GO:000563	147	133	0.90	-0.15
H20000282	H200002827	ENSG0000	NM_014955	51603	METTL13	methyltran	GO:003225	GO:000551	-	272	207	0.76	-0.39
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001159	285231	FBXW12	F-box and	-	-	-	12	14	1.16	0.22
H30001763	H300017635	ENSG0000	NM_172240	282809	POC1B	POC1 cent	GO:000189	GO:000551	GO:000092	34	48	1.41	0.50
H30000430	H300004306	ENSG0000	XM_011509	142683	ITLN2	intelectin 2	-	GO:003024	GO:000557	5	10	2.08	1.06
H30001692	H300016921	ENSG0000	XM_011535	135228	CD109	CD109 mol	GO:000193	GO:000486	GO:000561	32	30	0.94	-0.10
H20000097	H200000978	ENSG0000	NM_001083	89846	FGD3	FYVE, Rho	GO:000701	GO:000508	GO:000172	27	32	1.18	0.24
H20000953	H200009532	ENSG0000	XM_011516	84912	SLC35B4	solute carr	GO:000611	GO:000546	GO:000013	247	267	1.08	0.11
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_011522	390664	C1QTNF8	C1q and tu	-	GO:000551	GO:000557	155	127	0.82	-0.28
H30001964	H300019645	ENSG0000	NM_183040	84062	DTNBP1	dystrobrevi	GO:000195	GO:000551	GO:000563	518	559	1.08	0.11
H30000925	H300009257	ENSG0000	NM_080825	128864	C20orf144	chromosom	-	-	-		9		
H30002027	H300020274	ENSG0000	NM_177454	165215	FAM171B	family with	-	GO:000367	GO:0016021	integral component of membrane			
H20002109	H200021098	ENSG0000	NM_001145	134111	UBE2QL1	ubiquitin co	GO:001656	GO:000551	GO:0005634	nucleus	5		
H20001500	H200015007	-	NM_145166	92999	ZBTB47	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	13	16	1.25	0.32
H20000271	H200002717	ENSG0000	NM_022130	64083	GOLPH3	golgi phosp	GO:000703	GO:000551	GO:000565	634	566	0.89	-0.16
H20001274	H200012749	ENSG0000	NM_020369	29999	FSCN3	fascin activ	GO:000701	GO:003067	GO:000573	30	30	0.99	-0.01
H20001934	H200019345	ENSG0000	NM_001312	2077	ERF	ETS2 repre	GO:000012	GO:000098	GO:000563	110	86	0.78	-0.36
H20001442	H200014421	ENSG0000	NM_001318	57167	SALL4	spalt-like t	GO:000012	GO:000370	GO:0000792	heterochr	8		
H20001771	H200017717	ENSG0000	XM_011536	56948	SDR39U1	short chain	GO:000511	GO:001649	GO:000563	475	385	0.81	-0.30
H20000278	H200002789	ENSG0000	XR_934504	55876	GSDMB	gasdermin	-	-	GO:000573	53	60	1.12	0.17
H20000298	H200002984	ENSG0000	NM_005880	10294	DNAJA2	DnaJ heat	GO:000828	GO:000194	GO:000563	820	626	0.76	-0.39
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_011514	51513	ETV7	ETS varian	GO:000012	GO:000097	GO:000563	14	20	1.45	0.53
H20000368	H200003687	ENSG0000	NM_014409	27097	TAF5L	TATA-box	GO:000632	GO:000370	GO:003091	27	43	1.57	0.65
H20001342	H200013423	ENSG0000	XR_933932	201255	LRRC45	leucine rich	-	GO:000551	GO:000565	20	24	1.20	0.26
H20000908	H200009088	ENSG0000	NM_025027	80095	ZNF606	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus	4		
H20002060	H200020609	ENSG0000	NR_028328	643923	LOC64392	uncharacte	-	-	-				
H20001122	H200011226	ENSG0000	NM_022827	64847	SPATA20	spermatoge	GO:000727	GO:000382	GO:000557	15	21	1.33	0.41
H20000926	H200009266	ENSG											

H20001435	H200014352	ENSG0000	XM_006719	84056	KATNAL1	katanin p60	GO:000728	GO:000551	GO:000573	54	53	0.99	-0.02	
H20001291	H200012916	ENSG0000	XM_011524	51225	ABI3	ABI family	GO:000692	GO:000551	GO:000562	26	35	1.36	0.44	
H30001882	H300018827	ENSG0000	XM_011519	10612	TRIM3	tripartite m	GO:000739	GO:000551	GO:000573	27	30	1.13	0.18	
H20001206	H200012062	ENSG0000	NM_000990	6157	RPL27A	ribosomal p	GO:000018	GO:000372	GO:000582	122	77	0.63	-0.66	
H20001876	H200018764	ENSG0000	NM_001160	84069	PLEKHN1	pleckstrin h	-	GO:000551	GO:000588	33	33	1.00	0.01	
H20000754	H200007546	ENSG0000	NM_032756	84842	HPDL	4-hydroxyp	GO:000907	GO:000386	-	32	39	1.20	0.26	
H20000429	H200004296	ENSG0000	XM_005249	59084	ENPP5	ectonucleo	GO:000715	GO:001678	GO:0005576	extracellu	9			
H20000082	H200000825	ENSG0000	XM_005253	50813	COP5A	COP9 signa	GO:000071	GO:000551	GO:000565	130	139	1.07	0.10	
H20001363	H200013637	ENSG0000	NM_032488	84518	CNFN	cornifelin	GO:003142	-	GO:000153	19	18	0.94	-0.09	
H20001287	H200012872	ENSG0000	NM_032836	84922	FIZ1	FLT3 intera	GO:000193	GO:000367	GO:000563	73	77	1.06	0.08	
H20000073	H200000737	ENSG0000	NM_014876	9929	JOSD1	Josephin d	GO:000650	GO:000551	GO:000573	394	403	1.02	0.03	
H20001786	H200017863	ENSG0000	NM_033260	94234	FOXQ1	forkhead b	GO:000635	GO:000098	GO:0005634	nucleus	4			
H20000370	H200003702	ENSG0000	NR_130108	55633	TBC1D22B	TBC1 dom	GO:004354	GO:000509	-	85	86	1.01	0.01	
H20000371	H200003719	ENSG0000	NM_001202	55650	PIGV	phosphatid	GO:000650	GO:000003	GO:000578	46	74	1.59	0.67	
H20001752	H200017529	ENSG0000	NM_001285	23746	AIPL1	aryl hydroc	GO:000189	GO:000191	GO:0001917	photorece	5			
opHsV0400	opHsV04000005	ENSG0000	NR_033679	22900	CARD8	caspase re	GO:000691	GO:000551	GO:000563	43	69	1.60	0.68	
H20000694	H200006949	ENSG0000	NM_020457	57215	THAP11	THAP dom	GO:000635	GO:000367	GO:000565	380	370	0.97	-0.04	
H20002071	H200020710	ENSG0000	XM_011534	220081	ERICH6B	glutamate r	-	-	-	4	11	2.57	1.36	
H20000528	H200005282	ENSG0000	NM_174912	158584	FAAH2	fatty acid a	GO:001936	GO:001678	GO:000581	6	13	2.12	1.09	
H30000409	H300004096	ENSG0000	NM_001143	390790	ARL5C	ADP ribosy	GO:000726	GO:000552	GO:0005622	intracellul	8			
opHsV0400	opHsV04000006	ENSG0000	NM_198690	386676	KRTAP10-	keratin ass	-	GO:000551	GO:004509	55	42	0.76	-0.39	
H30002078	H300020785	-	XM_011524	201299	RDM1	RAD52 mo	-	GO:000016	GO:000573	132	120	0.91	-0.13	
H30000782	H300007820	ENSG0000	NM_001144	163479	FNDC7	fibronectin	-	-	GO:000557	16	21	1.37	0.45	
H20000256	H200002560	ENSG0000	XM_005271	120425	JAML	junction ad	GO:000715	GO:000517	GO:000588	13	16	1.24	0.32	
H20000953	H200009537	ENSG0000	NM_052960	116362	RBP7	retinol bind	GO:000681	GO:000521	GO:0005737	cytoplasm				
H20001919	H200019197	ENSG0000	NM_030891	81543	LRR3	leucine ric	-	GO:000551	GO:001602	15	19	1.23	0.29	
H20001620	H200016201	ENSG0000	XM_005254	79968	WDR76	WD repeat	-	-	-	311	268	0.86	-0.22	
H20001579	H200015796	ENSG0000	XM_006716	91162	DGKI	diacylglyce	GO:000720	GO:000414	GO:000563	5	9	1.91	0.93	
opHsV0400	opHsV04000003	ENSG0000	-	7117	TMSB4XP8	thymosin b	-	-	-	11261	19452	1.73	0.79	
H30000703	H300007036	ENSG0000	NM_001199	340900	EBLN1	endogenou	-	-	-	10	14	1.41	0.50	
opHsV0400	opHsV04000000	ENSG0000	NM_153042	221656	KDM1B	lysine dem	GO:000632	GO:000367	GO:000563	34	46	1.34	0.42	
opHsV0400	opHsV04000000	ENSG0000	NM_000634	3577	CXCR1	chemokine	GO:000240	GO:000491	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016020 m				
H30001562	H300015622	ENSG0000	NM_020989	1420	CRYGC	crystallin g	GO:000760	GO:000521	GO:0005634	nucleus,G	4			
H30000191	H300001919	ENSG0000	NM_032818	84904	ARHGAP39	Rho guanin	GO:003033	GO:000508	GO:000588	120	166	1.38	0.46	
H30000255	H300002554	ENSG0000	NM_174919	201176	ARHGAP2	Rho GTPas	GO:000689	GO:000509	GO:000562	25	30	1.17	0.23	
H30002139	H300021392	ENSG0000	NM_001308	143471	PSMA8	proteasome	GO:000016	GO:000429	GO:0005634	nucleus,G	4			
H30001051	H300010519	ENSG0000	XM_011524	162282	ANKFN1	ankyrin rep	-	-	-	26	24	0.94	-0.09	
H20000367	H200003672	ENSG0000	NM_145176	154091	SLC2A12	solute carr	GO:001599	GO:000535	GO:0005886	plasma m	9			
H20000578	H200005780	ENSG0000	NM_015168	23211	ZC3H4	zinc finger	-	GO:004482	-	743	721	0.97	-0.04	
H20000679	H200006792	ENSG0000	XM_005255	267	AMFR	autocrine r	GO:000020	GO:000484	GO:000083	217	175	0.81	-0.31	
H20000566	H200005660	ENSG0000	NM_024430	9050	PSTPIP2	proline-ser	GO:000701	GO:000377	GO:000582	136	102	0.75	-0.42	
H20000413	H200004136	ENSG0000	NM_018315	55294	FBXW7	F-box and	GO:000157	GO:000370	GO:000565	73	125	1.70	0.76	
H30000464	H300004649	ENSG0000	NM_001144	387804	VSTM5	V-set and	-	-	GO:0016021	integral component of membrane				
opHsV0400	opHsV04000008	ENSG0000	NM_080721	128506	OCSTAMP	osteoclast	GO:003424	-	GO:0016021	integral c	6			
H30002263	H300022632	ENSG0000	NM_001319	50666	PAM	peptidylgly	GO:000151	GO:000450	GO:000561	15	21	1.40	0.48	
H30000082	H300000822	ENSG0000	-	-	RP11-533F	-	-	-	-	329	334	1.02	0.02	
H30000326	H300003260	ENSG0000	NR_037715	440400	RNASEK	ribonuclea	GO:000930	GO:000452	GO:000557	7	13	1.87	0.90	
opHsV0400	opHsV04000003	-	XM_011522	5073	PARN	poly(A)-spe	GO:000018	GO:000016	GO:000563	229	273	1.19	0.26	
H30000424	H300004244	ENSG0000	-	646753	RPS26P2	ribosomal p	-	-	-	8981	5486	0.61	-0.71	
H30001787	H300017871	ENSG0000	NM_177988	57129	MRPL47	mitochondr	GO:000699	GO:000367	GO:000557	322	312	0.97	-0.04	
H20001522	H200015224	ENSG0000	NM_030895	79943	ZNF696	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	48	61	1.27	0.35	
H20001245	H200012457	ENSG0000	NM_001291	26974	ZNF285	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus				
H20001902	H200019025	ENSG0000	NM_001199	497661	C18orf32	chromosom	GO:000716	GO:000487	-	339	397	1.17	0.23	
H20000624	H200006249	ENSG0000	NM_032737	84823	LMNB2	lamin B2	GO:000815	GO:000367	GO:000563	317	266	0.84	-0.25	
H20001635	H200016351	ENSG0000	NM_145020	220136	CFAP53	cilia and fla	GO:000815	GO:000367	GO:000557	7	29	4.43	2.15	
opHsV0400	opHsV04000006	ENSG0000	XM_011516	169026	SLC30A8	solute carr	GO:000682	GO:000538	GO:0005794	Golgi apparatus,GO:0005886 plas				
H30000460	H300004608	ENSG0000	NM_133468	168667	BMPER	BMP bindin	GO:000165	-	GO:0005615	extracellu	4			
H30000781	H300007818	ENSG0000	NM_182626	348738	C2orf48	chromosom	-	-	-	51	55	1.06	0.09	
H30000835	H300008351	ENSG0000	NM_001005	440699	LRR3	leucine ric	GO:000681	-	GO:0005886	plasma m	4			
H30001017	H300010176	ENSG0000	-	401973	OR10J6P	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma m	3			
H30001277	H300012771	ENSG0000	XM_006718	283229	CRACR2B	calcium rel	GO:000211	GO:000550	GO:000573	451	378	0.84	-0.26	
H30001459	H300014598	ENSG0000	NM_004362	1047	CLGN	calmegin	GO:000645	GO:000550	GO:000563	23	32	1.38	0.46	
H30000545	H300005451	ENSG0000	XM_006719	255967	PAN3	PAN3 poly	GO:000028	GO:000453	GO:000093	57	73	1.28	0.35	
H20000422	H200004225	ENSG0000	XM_006714	90249	UNC5A	unc-5 netr	GO:000691	-	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021 in				
H20000307	H200003074	ENSG0000	XM_011524	124925	SEZ6	seizure rela	GO:000834	-	GO:000561	477	373	0.78	-0.36	
H20001267	H200012674	ENSG0000	NR_125330	83890	SPATA9	spermatoge	GO:000727	-	GO:0016021	integral component of membrane				
H20000968	H200009687	ENSG0000	XM_011525	10650	PRELID3A	PRELI dom	GO:001591	GO:199005	GO:000575	74	52	0.70	-0.52	
H20000982	H200009824	ENSG0000	NM_001242	79157	MFSD11	major facilit	GO:000815	GO:000367	GO:000557	214	208	0.97	-0.04	
H30001171	H300011711	ENSG0000	XM_011545	92105	INTS4	integrator c	GO:001618	GO:000551	GO:003203	472	461	0.98	-0.03	
H30000114	H300001144	ENSG0000	-	119358	SNRPD2P1	small nucle	-	-	-	5815	5046	0.87	-0.20	
H30000713	H300007139	ENSG0000	NM_207359	339896	GADL1	glutamate d	GO:000865	GO:000406	GO:000582	18	20	1.10	0.14	
H30001014	H300010149	ENSG0000	NR_130941	80856	KIAA1715	KIAA1715	GO:000759	GO:004687	GO:000578	200	243	1.22	0.28	
H30001454	H300014546	ENSG0000	XM_011536	112840	WDR89	WD repeat	-	-	-	175	123	0.70	-0.51	
opHsV0400	opHsV04000000	ENSG0000	NM_001004	283337	ZNF740	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus	11			
H30001942	H300019423	ENSG0000	NM_001039	3300	DNAJB2	DnaJ heat	GO:000645	GO:000551	GO:0000502	proteasom	13			
H30000906	H300009062	-	-	-	-	-	-	-	-	92	85	0.92	-0.12	
H20000868	H200008686	ENSG0000	NM_033179	79339	OR51B4	olfactory re	GO:000716	GO:000493	GO:000588	197	115	0.59	-0.77	
H20000204	H200002043	ENSG0000	XM_011522	28955	DEXI	Dexi homol	-	-	-	263	228	0.87	-0.21	
H20001186	H200011869	ENSG0000	XR_922654	388699	LINC00302	long interge	-	-	-	33	39	1.18	0.24	
H20000111	H200001115	ENSG0000	XM_011519	219749	ZNF25	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	36	49	1.33	0.41	
H20001245	H200012451	ENSG0000	NM_024745	79801	SHCBP1	SHC SH2-	GO:000854	GO:000551	-	206	184	0.89	-0.16	
H30000298	H300002988	ENSG0000	NM_198568	375519	GJB7	gap junctio	GO:000715	-	GO:000592	44	41	0.93	-0.10	
H30000985	H300009851	ENSG0000	NM_001164	401207	C5orf63	chromosom	GO:005511	-	GO:000573	21	36	1.70	0.77	
H30000855	H300008557	ENSG0000	NM_152377	127795	C1orf87	chromosom	-	-	-		9			
H300020														

H20000617	H200006174	ENSG0000	XM_011521	4351	MPI	mannose p	GO:000648	GO:000447	GO:000582	93	69	0.74	-0.43	
H20000425	H200004252	ENSG0000	NM_001320	92342	METTL18	methyltran	GO:003225	GO:000816	-	238	207	0.87	-0.20	
H20001199	H200011996	ENSG0000	NM_182911	80705	TSGA10	testis spec	GO:000728	GO:000367	GO:0005575	cellular_co	4			
H20000298	H200002981	ENSG0000	NM_001270	83546	RTBDN	retbindin	-	-	GO:000557	32	24	0.75	-0.42	
H20000877	H200008778	ENSG0000	XM_011523	1770	DNAH9	dynein axol	GO:000692	GO:000377	GO:0005856	cytoskele	4			
H30000750	H300007500	ENSG0000	XM_006717	414328	IDNK	idnK, gluco	GO:000815	GO:000367	-		7			
H30002036	H300020365	ENSG0000	NM_001184	55086	CXorf57	chromosom	-	GO:000551	-					
H30000534	H300005346	-	-	-	-	-	-	-	-	1761	1796	1.02	0.03	
H30001030	H300010305	ENSG0000	NM_019032	54507	ADAMTSL4	ADAMTS li	GO:000649	GO:000202	GO:000557	81	56	0.70	-0.52	
H30000127	H300001275	ENSG0000	XM_011537	144165	PRICKLE1	prickle plan	GO:000184	GO:000551	GO:000563	5	14	2.73	1.45	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011522	84888	SPPL2A	signal pept	GO:000650	GO:000551	GO:000576	275	332	1.21	0.27	
H30000941	H300009411	ENSG0000	-	286472	RAC1P4	ras-related	-	-	-	3145	2198	0.70	-0.52	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_080650	89978	DPH6	diphthamin	GO:001718	GO:000552	GO:000563	132	155	1.18	0.23	
H20001590	H200015907	-	-	-	-	-	-	-	-	34	32	0.93	-0.10	
H20001872	H200018726	ENSG0000	NM_033185	85293	KRTAP3-3	keratin ass	-	GO:000519	GO:0045095	keratin filament				
H20000177	H200001774	-	NM_020865	170506	DHX36	DEAH-box	GO:000150	GO:000104	GO:000078	839	715	0.85	-0.23	
H20000090	H200000901	ENSG0000	NM_001144	57495	NWD2	NACHT an	-	-	-		10			
H20001155	H200011558	ENSG0000	XM_011516	7988	ZNF212	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	242	224	0.92	-0.11	
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_001258	10252	SPRY1	sprouty RT	GO:000013	GO:000551	GO:0005654	nucleopl	15			
H30001000	H300010002	ENSG0000	NM_000661	6133	RPL9	ribosomal p	GO:000018	GO:000372	GO:000563	13530	12390	0.92	-0.13	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_144688	147872	CCDC155	coiled-coil	GO:000072	GO:000551	GO:0000781	chromosome, telomeric region,GO				
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	XM_006717	286207	CFAP157	cilia and fla	-	-	-					
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001340	1539	CYL2	cylicin, bas	GO:000727	GO:000520	GO:0005634	nucleus,GO:0033150	cytoskeleta			
H30000406	H300004061	ENSG0000	-	641922	UNC93B2	unc-93 hor	-	-	-	90	72	0.80	-0.32	
H30001902	H300019020	-	NM_001033	9223	MAGI1	membrane	GO:000646	GO:000551	GO:000565	66	41	0.63	-0.67	
H30000505	H300005050	ENSG0000	XM_011542	341032	C11orf53	chromosom	-	-	-		12			
H30002068	H300020684	ENSG0000	XM_011522	124245	ZC3H18	zinc finger	-	GO:000551	GO:000565	536	389	0.73	-0.46	
H20000288	H200002889	ENSG0000	NM_001320	57406	ABHD6	abhydrolase	GO:000759	GO:000462	GO:000573	78	68	0.87	-0.20	
H20000257	H200002579	ENSG0000	NM_144628	128637	TBC1D20	TBC1 doma	GO:000167	GO:000509	GO:000578	110	157	1.44	0.52	
H20001375	H200013750	ENSG0000	XM_011523	83449	PMFBP1	polyamine r	-	-	GO:0005737	cytoplasm	8			
H20001445	H200014456	ENSG0000	NM_001145	22834	ZNF652	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	18	34	1.89	0.92	
H30002034	H300020341	ENSG0000	NM_001202	2631	GBAS	glioblastom	GO:000611	GO:000551	GO:000573	684	805	1.18	0.24	
H30000808	H300008088	ENSG0000	NM_152753	222663	SCUBE3	signal pept	GO:005126	GO:000550	GO:0005576	extracellu	3			
H30000130	H300001300	ENSG0000	-	100286918	NDUFS5P2	NADH dehy	-	-	-	1174	984	0.84	-0.26	
H30000688	H300006889	ENSG0000	NM_001080	126374	WTIP	Wilms tumo	GO:000166	GO:000371	GO:000093	18	23	1.29	0.36	
opHsV0400	opHsV0400000	-	NM_000104	1545	CYP1B1	cytochrom	GO:000152	GO:000449	GO:0005739	mitochond	3			
H30001008	H300010080	-	NG_034224	57176	VAR2	valyl-tRNA	GO:000641	GO:000216	GO:000573	10	11	1.11	0.15	
opHsV0400	opHsV0400000	-	NR_003950	150244	ZDHC8P1	zinc finger	-	-	-					
H30000384	H300003842	ENSG0000	XM_005245	254428	SLC41A1	solute carr	GO:005508	GO:000832	GO:000588	222	140	0.63	-0.66	
H20001091	H200010911	ENSG0000	-	340390	WDR97	WD repeat	GO:000035	GO:000038	GO:0071013	catalytic step 2 spliceosome				
H20001527	H200015273	ENSG0000	XM_011524	100653515	CEP295NL	CEP295 N-	-	-	GO:0031514	motile cili	7			
H20001583	H200015831	ENSG0000	NM_031435	83591	THAP2	THAP dom	-	GO:000367	GO:0005730	nucleolus	4			
H20001086	H200010864	ENSG0000	NM_173800	206338	LVRN	laeverin	GO:000650	GO:000827	GO:000573	46	39	0.86	-0.22	
H20000388	H200003888	ENSG0000	NM_017704	54851	ANKRD49	ankyrin rep	GO:000728	GO:000551	GO:000563	488	526	1.08	0.11	
H30001462	H300014628	ENSG0000	XM_011517	23189	KANK1	KN motif at	GO:000635	GO:000551	GO:0005634	nucleus,GO:0005737	cytoplasm,C			
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NR_073135	89781	HPS4	HPS4, biog	GO:000660	GO:000551	GO:000573	38	41	1.07	0.10	
H30001860	H300018601	ENSG0000	NM_001291	55350	VNN3	vanin 3	GO:000676	GO:001715	GO:0005575	cellular_co	5			
H30001999	H300019993	ENSG0000	NM_182847	55515	ASIC4	acid sensin	GO:000681	GO:000521	GO:000588	12	20	1.67	0.74	
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001001	492	ATP2B3	ATPase pla	GO:000681	GO:000538	GO:000579	272	223	0.82	-0.29	
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001089	134121	C5orf49	chromosom	-	-	-					
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	100887748	UNC93B8	unc-93 hor	-	-	-	44	56	1.28	0.35	
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001164	149466	C1orf210	chromosom	GO:000223	-	GO:0005769	early endosome,GO:0005886	plas			
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_005261	79879	CCDC134	coiled-coil	-	-	GO:0005576	extracellu	15			
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_006716	9831	ZNF623	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	22	33	1.53	0.61	
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NR_120546	51352	WT1-AS	WT1 antise	GO:000815	GO:000367	GO:000557	4	12	3.22	1.69	
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	-	114042	LINC00334	long interge	-	-	-	84	63	0.75	-0.41	
opHsV0400	opHsV0400002	-	-	-	-	-	-	-	-	313	233	0.74	-0.43	
H30000520	H300005200	ENSG0000	NM_138706	192134	B3GNT6	UDP-GlcN	GO:000649	GO:000837	GO:000013	121	98	0.81	-0.30	
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_182609	342926	ZNF677	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	28	30	1.07	0.10	
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NR_045681	26494	OR8G1	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:000588	7	11	1.60	0.68	
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	-	-	AP000476	-	-	-	-	399	726	1.82	0.86	
H30000641	H300006411	-	-	-	-	-	-	-	-	29	29	1.00	0.00	
H30000846	H300008461	ENSG0000	XM_011518	169693	TMEM252	transmemb	-	-	GO:0016021	integral component of membrane				
H30000921	H300009217	ENSG0000	NM_003311	7262	PHLDA2	pleckstrin P	GO:000189	-	GO:000573	204	140	0.69	-0.54	
H30000833	H300008331	ENSG0000	-	221017	CEP57L1P	centrosom	-	-	-	144	150	1.04	0.06	
H30000546	H300005461	ENSG0000	NM_152677	201516	ZSCAN4	zinc finger	GO:000635	GO:000370	GO:0000784	nuclear cl	3			
H30000538	H300005385	ENSG0000	NM_173589	144132	DNHD1	dynein hea	GO:000701	GO:000377	GO:003028	45	33	0.73	-0.46	
H30000495	H300004959	ENSG0000	-	728556	MEMO1P1	mediator of	-	-	-	129	123	0.96	-0.06	
H30000821	H300008213	ENSG0000	NM_001001	283092	OR4C13	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:000588	36	37	1.03	0.04	
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001013	286187	PPP1R42	protein pho	GO:001092	GO:000377	GO:0002177	manchette,GO:0005737	cytoplas			
H30001917	H300019176	ENSG0000	NM_014442	27181	SIGLEC8	sialic acid b	GO:000715	GO:000488	GO:001602	281	218	0.78	-0.37	
H30001115	H300011154	ENSG0000	NM_004546	4708	NDUFB2	NADH:ubiq	GO:000612	GO:000813	GO:000574	1350	850	0.63	-0.67	
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001164	57091	CASS4	Cas scaffol	GO:000016	GO:000015	GO:000573	148	132	0.89	-0.17	
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_005254	3843	IPO5	importin 5	GO:000005	GO:000509	GO:000563	402	341	0.85	-0.24	
H30002004	H300020040	ENSG0000	XM_005250	5218	CDK14	cyclin-depe	GO:000008	GO:000469	GO:0000308	cytoplasmic cyclin-dependent pr				
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_003528	8349	HIST2H2B	histone clu	GO:000222	GO:000367	GO:000078	226	160	0.71	-0.49	
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	-	100533646	ZNF840P	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus				
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	-	139363	MAGEA13F	melanoma	-	-	-	8	16	2.02	1.01	
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XR_921771	339416	ANKRD45	ankyrin rep	GO:000815	GO:000367	GO:000557	60	50	0.84	-0.25	
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_022725	2188	FANCF	Fanconi an	GO:000154	GO:000367	GO:000565	127	107	0.84	-0.25	
H30000204	H300002040	ENSG0000	-	-	RP11-631M	-	-	-	-	218	240	1.10	0.14	
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_011536	122553	TRAPPC6B	trafficking p	GO:000688	GO:000551	GO:000013	224	224	1.00	0.00	
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_018280	55267	PRR34	proline rich	-	-	-	18	24	1.35	0.43	
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_001001	415116	PIM3	Pim-3 prot	GO:000646	GO:000467	GO:000573	73	82	1.13	0.17	
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_006717	441476	C9orf173	chromosom	-	-	-					
H30000095	H300000958	ENSG0000	NR_027471	440173	LOC44017	uncharacte	-	-	-					
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	-	100874471	HMG2P2	high mobil	-	-						

H30000391	H300003911	ENSG0000	-	81228	OR5AK3P	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886 plasma membrane,GO:0016021 in				
H30000822	H300008227	ENSG0000	-	81487	OR10AA1P	olfactory re	-	-	-				
H30000234	H300002340	ENSG0000	NR_033244	729080	LOC729080	glycine clea	-	-	-	840	718	0.85	-0.23
H30000398	H300003985	ENSG0000	-	8585	OR7E4P	olfactory re	-	-	-	16	22	1.37	0.46
H30000161	H300001616	ENSG0000	NR_034145	284034	LINC00670	long interge	-	-	-	-	4		
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_018285	55272	IMP3	IMP3, U3 s	GO:000636	GO:000373	GO:000563	1601	921	0.58	-0.80
H30000123	H300001232	ENSG0000	-	81175	OR7E128P	olfactory re	-	-	-	-	5		
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_011522	4363	ABCC1	ATP bindin	GO:000669	GO:000521	GO:000588	9	14	1.49	0.57
H30001878	H300018783	ENSG0000	NM_002003	2219	FCN1	ficolin 1	GO:000186	GO:000166	GO:000557	87	53	0.60	-0.73
H30002004	H300020043	ENSG0000	NM_003070	6595	SMARCA2	SWI/SNF r	GO:000012	GO:000110	GO:000079	27	73	2.74	1.45
H30001964	H300019643	ENSG0000	XM_011539	9498	SLC4A8	solute carr	GO:000681	GO:000545	GO:0005886 plasma membrane,GO:0016021 in	-	-	-	-
H30002224	H300022245	ENSG0000	NM_001308	23338	JADE2	jade family	GO:004396	GO:000551	GO:000012	46	50	1.10	0.13
opHsV0400	opHsV0400002	-	-	-	-	-	-	-	-	24853	18417	0.74	-0.43
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001010	400746	NCMAP	non-compa	GO:003164	GO:001991	GO:0005887 integral c	-	8		
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_182705	359845	FAM101B	family with	GO:000183	GO:003100	GO:000573	104	76	0.73	-0.46
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_032648	84734	FAM167B	family with	-	-	-	23	21	0.93	-0.10
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_175874	144608	C12orf60	chromosom	-	-	-	46	35	0.77	-0.37
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	645440	ATP5F1P6	ATP synthe	-	-	-	4383	3498	0.80	-0.33
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001164	386746	MRGPRG	MAS relate	GO:000718	GO:000493	GO:0005887 integral c	-	7		
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001159	441234	ZNF716	zinc finger	GO:000635	GO:000097	GO:0005634 nucleus	-	3		
H30000350	H300003506	ENSG0000	NM_017730	54870	QRICH1	glutamine r	GO:000815	GO:000367	GO:000557	180	194	1.08	0.11
H30000476	H300004766	ENSG0000	NM_001243	64288	ZSCAN31	zinc finger	GO:000635	GO:000370	GO:000563	39	63	1.61	0.69
H30000597	H300005976	ENSG0000	-	6219	RPS17P2	ribosomal p	-	-	-	9244	8771	0.95	-0.08
H30000371	H300003718	ENSG0000	XR_108279	100287934	LOC100287	uncharacte	-	-	-	34	39	1.13	0.18
H30000757	H300007575	-	NM_001310	100129307	LOC100129	putative UF	-	-	-	-	6		
H30000384	H300003847	ENSG0000	NM_018706	55526	DHTKD1	dehydroge	GO:000224	GO:000459	GO:000573	182	220	1.21	0.27
H30000018	H300000184	ENSG0000	NM_001038	284083	C17orf47	chromosom	-	-	-	10	14	1.37	0.46
H30000752	H300007529	ENSG0000	-	170393	C10orf91	chromosom	-	-	-	161	133	0.83	-0.28
H30000901	H300009017	-	XM_011521	728047	GOLGA80	golgin A8 fa	-	GO:000551	GO:0005794 Golgi apparatus	-	-		
H30000933	H300009333	ENSG0000	NM_001303	205860	TRIML2	tripartite m	GO:001656	GO:001687	-	-	6		
H30000773	H300007734	ENSG0000	NM_001144	284485	RIAD1	regulatory	-	-	-	6	13	2.18	1.12
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_182506	139422	MAGEB10	MAGE fami	-	-	-	-	-		
H30000625	H300006255	ENSG0000	-	402420	EEF1A1P3	eukaryotic	-	-	-	-	-		
H30001963	H300019637	ENSG0000	XM_005268	9321	TRIP11	thyroid hor	GO:000004	GO:000371	GO:000013	69	71	1.04	0.06
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XR_921767	27252	KLHL20	kelch like f	GO:000689	GO:000377	GO:000573	116	140	1.20	0.27
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_011538	59277	NTN4	netrin 4	GO:000741	GO:000551	GO:0005604 basement	-	5		
H30001843	H300018434	ENSG0000	NM_001319	51022	GLRX2	glutaredoxi	GO:000635	GO:000375	GO:000563	673	709	1.05	0.07
H30001978	H300019781	ENSG0000	XM_011519	10771	ZMYND11	zinc finger	GO:000012	GO:000097	GO:000563	57	84	1.47	0.55
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001039	116534	MRGPRE	MAS relate	GO:000718	GO:000493	GO:000588	72	64	0.89	-0.17
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_004065	1038	CDR1	cerebellar c	-	GO:000551	-	-	-		
H30000510	H300005103	ENSG0000	XM_005260	10732	TCFL5	transcriptid	GO:000635	GO:000367	GO:000167	305	330	1.08	0.11
opHsV0400	opHsV0400002	-	-	-	-	-	-	-	-	-	9		
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001277	645864	MAGEB17	MAGE fami	-	-	-	33	36	1.11	0.15
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	-	100271643	RPL36AP3	ribosomal p	-	-	-	2520	2963	1.18	0.23
H30000374	H300003749	ENSG0000	NM_001005	81328	OR4A15	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:0005886 plasma m	-	3		
H30000697	H300006970	ENSG0000	NM_001310	200205	IBA57	IBA57 hom	GO:000678	GO:001674	GO:000575	58	48	0.83	-0.26
opHsV0400	opHsV0400006	-	NM_207421	353238	PADI6	peptidyl arg	GO:000701	GO:000466	GO:0005634 nucleus,GO:0005737 cytoplasm,C	-	-		
H30000071	H300000718	ENSG0000	-	-	AC055733.	-	-	-	-	112	129	1.16	0.21
H30000049	H300000493	ENSG0000	NR_024365	100192379	PP12613	uncharacte	-	-	-	-	6		
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NR_001542	246119	TTY10	testis-spec	-	-	-	-	-		
H30002292	H300022928	ENSG0000	NR_037807	84818	IL17RC	interleukin	GO:001922	GO:000510	GO:000588	86	99	1.15	0.20
H30000240	H300002406	ENSG0000	NM_001001	120796	OR56A1	olfactory re	GO:000726	GO:000493	GO:000588	5	9	1.79	0.84
H30000813	H300008130	ENSG0000	NR_036555	283422	LINC01559	long interge	-	-	-	31	34	1.10	0.13
H30000468	H300004684	ENSG0000	NM_182595	285877	POM121L1	POM121 tr	-	-	-	69	57	0.82	-0.29
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_005267	122664	TPPP2	tubulin poly	-	-	GO:0005737 cytoplasm	-	-		
H30000105	H300001051	ENSG0000	NR_125931	101929762	LOC101929	uncharacte	-	-	-	289	304	1.05	0.07
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_003468	7855	FZD5	frizzled cla	GO:000057	GO:000154	GO:000013	149	124	0.83	-0.26
H30000134	H300001347	ENSG0000	NM_001170	203111	ERICH5	glutamate r	-	-	-	-	-		
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_021635	59351	PBOV1	prostate ar	-	-	GO:000563	165	180	1.09	0.12
opHsV0400	opHsV0400010	ENSG0000	XM_006710	6272	SORT1	sortilin 1	GO:000150	GO:000551	GO:000576	137	160	1.17	0.22
opHsV0400	opHsV0400010	ENSG0000	NM_001010	399726	CASC10	cancer sus	-	-	-	-	6		
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NR_040021	100287792	LOC100287	uncharacte	-	-	-	25	30	1.19	0.25
H30000200	H300002001	ENSG0000	NM_005577	4018	LPA	lipoprotein,	GO:000650	GO:000196	GO:000557	19	23	1.23	0.30
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_011539	51363	CHST15	carbohydr	GO:000597	GO:000565	GO:0000139 Golgi men	-	3		
H30000151	H300001516	ENSG0000	NM_024762	79818	ZNF552	zinc finger	GO:000635	GO:000097	GO:000563	49	71	1.46	0.54
H30002087	H300020877	ENSG0000	NM_001288	130026	ICA1L	islet cell au	-	GO:000551	-	-	14		
H30002079	H300020796	ENSG0000	NR_037717	100529209	RNASEK-C	RNASEK-C	-	-	-	474	821	1.73	0.79
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_005373	4352	MPL	MPL proto	GO:000716	GO:000488	GO:0005794 Golgi appa	-	7		
H30001982	H300019823	-	NR_026567	284729	ESPNP	espin pseu	-	-	-	172	156	0.91	-0.14
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XR_934439	26574	AATF	apoptosis a	GO:000697	GO:000370	GO:000563	645	661	1.03	0.04
H30001441	H300014416	ENSG0000	NM_001318	79969	ATAT1	alpha tubul	GO:000699	GO:001979	GO:0005737 cytoplasm,GO:0005794 Golgi app	-	-		
H30001237	H300012372	ENSG0000	NM_032364	85406	DNAJC14	DnaJ heat	GO:001503	-	GO:000565	103	96	0.94	-0.10
H30001877	H300018771	ENSG0000	XM_011516	79974	CPED1	cadherin lik	-	-	GO:000578	1051	845	0.80	-0.31
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_020834	57594	HOMEZ	homeobox	GO:000012	GO:000367	GO:000563	32	40	1.25	0.32
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_001172	84671	ZNF347	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	11	30	2.58	1.37
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XM_005267	26020	LRP10	LDL recept	GO:000689	-	GO:000590	29	34	1.19	0.25
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NR_026786	89782	LRM1	leishmanoly	GO:000650	GO:000422	GO:000573	29	36	1.26	0.33
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_011519	10196	PRLMT3	protein arg	GO:000635	GO:000551	GO:000573	562	585	1.04	0.06
H30002260	H300022601	ENSG0000	XM_006718	25900	IFFO1	intermediat	-	-	GO:000588	58	49	0.84	-0.25
H30001839	H300018391	ENSG0000	XM_006722	8913	CACNA1G	calcium vol	GO:000202	GO:000833	GO:000589	8	14	1.88	0.91
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_003546	8368	HIST1H4L	histone clu	GO:000018	GO:000367	GO:0000228 nuclear chromosome,GO:0000784	-	-		
H30001004	H300010046	ENSG0000	NM_001009	400831	C20orf202	chromosom	-	-	-	-	8		
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_018072	55127	HEATR1	HEAT repe	GO:000046	GO:000551	GO:000563	208	191	0.92	-0.12
H30002134	H300021343	ENSG0000	NM_002102	2996	GYPE	glycophorin	-	-	GO:000588	768	1325	1.73	0.79
H30000957	H300009579	ENSG0000	NM_175910	284443	ZNF493	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	22	40	1.85	0.89
opHsV0400	opHsV0400004	-	-	-	-	-	-	-	-	-	8		
H30000384	H300003845	ENSG0000	XM_011538	80070	ADAMTS20	ADAM met	GO:000650	GO:000422	GO:0005578 proteinaceous extracellular matri	-	-		
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_133372	96459	FNIP1	folliculin int	GO:000012	GO:000508	GO:000573	48	75	1.56	0.64
H30001545	H3000												

opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_015512	25981	DNAH1	dynein axon	GO:000153	GO:000377	GO:0005858	axonemal dynein complex,GO:000				
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001163	83989	FAM172A	family with	-	-	GO:000557	89	97	1.10	0.13	
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NR_120525	1124	CHN2	chimerin 2	GO:000726	GO:000507	GO:000573	8	11	1.32	0.40	
H30001445	H300014451	ENSG0000	NM_032870	25957	PNISR	PNN-intera	-	GO:004482	GO:000565	1646	2056	1.25	0.32	
H30000275	H300002758	ENSG0000	NM_145298	200316	APOBEC3F	apolipoprot	GO:000223	GO:000372	GO:0000932	cytoplasm	4			
H30002169	H300021695	ENSG0000	XM_011545	27327	TNRC6A	trinucleotic	GO:000717	GO:000016	GO:000093	25	33	1.31	0.39	
opHsV0400	opHsV0400006	-	NM_016283	102157402	AK6	adenylate	GO:001594	GO:000401	GO:000565	1640	1527	0.93	-0.10	
H30002158	H300021586	ENSG0000	XM_011514	3120	HLA-DQB2	major histo	GO:000695	GO:003239	GO:000013	106	99	0.93	-0.10	
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_000086	1201	CLN3	ceroid-lipo	GO:000150	GO:000551	GO:000013	164	112	0.68	-0.56	
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_003343	7327	UBE2G2	ubiquitin co	GO:000651	GO:000484	GO:000578	1711	1277	0.75	-0.42	
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_005266	5101	PCDH9	protocadhe	GO:000715	GO:000550	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in			
H30000615	H300006159	ENSG0000	NM_001004	128368	OR10Z1	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:000588	20	25	1.27	0.34	
H30002110	H300021104	ENSG0000	XM_011518	51490	C9orf114	chromosom	GO:000704	GO:000816	GO:000077	117	94	0.81	-0.31	
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NG_021391	100131103	TATDN2P1	TatD DNas	-	-	-		4			
opHsV0400	opHsV0400010	ENSG0000	NM_001005	403273	OR5H14	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in			
H30000492	H300004920	ENSG0000	NM_001005	390037	OR52I1	olfactory re	GO:000716	GO:000493	GO:0005886	plasma m	9			
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_001303	130612	TMEM198	transmemb	GO:000727	-	GO:000588	24	24	1.04	0.05	
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_011518	54932	EXD3	exonucleas	GO:009030	GO:000367	-	61	45	0.74	-0.43	
H20001589	H200015899	ENSG0000	NM_031411	56147	PCDHA1	protocadhe	GO:000715	GO:000550	GO:0005576	extracellu	4			
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_182826	51435	SCARA3	scavenger	GO:000689	GO:000504	GO:0000139	Golgi membrane,GO:0005581	coll			
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_173632	284309	ZNF776	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	6	10	1.74	0.80	
H30001468	H300014687	ENSG0000	NM_001130	51316	PLAC8	placenta sp	GO:000828	GO:000368	-		7			
H30001887	H300018873	ENSG0000	NM_006620	10767	HBS1L	HBS1 like t	GO:000641	GO:000374	GO:000562	338	340	1.00	0.01	
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NR_073131	4739	NEDD9	neural prec	GO:000701	GO:000551	GO:0000922	spindle pole,GO:0005634	nucleus			
H30001998	H300019985	ENSG0000	XM_011517	6788	STK3	serine/thre	GO:000184	GO:000028	GO:000563	156	180	1.15	0.21	
H30002238	H300022389	ENSG0000	NG_011571	6310	ATXN1	ataxin 1	GO:000012	GO:000367	GO:0005634	nucleus,GO:0005654	nucleoplasm			
H30001342	H300013426	ENSG0000	NM_033012	8600	TNFSF11	tumor necr	GO:000150	GO:000512	GO:0005576	extracellular region,GO:0005615				
H30001728	H300017286	ENSG0000	NM_002319	4034	LRCH4	leucine-ric	GO:000739	GO:000551	GO:001660	25	28	1.08	0.12	
H30002277	H300022770	ENSG0000	NR_104226	26751	SH3YL1	SH3 and S	GO:000666	GO:000551	GO:003258	33	42	1.29	0.37	
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XM_011539	1755	DMBT1	deleted in r	GO:000183	GO:000504	GO:0005576	extracellu	6			
opHsV0400	opHsV0400004	-	XM_005257	4137	MAPT	microtubule	GO:000022	GO:000520	GO:000582	8	10	1.25	0.32	
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	-	100419554	ZNF92P1Y	zinc finger	-	-	-					
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001316	85395	FAM207A	family with	-	GO:000551	-	8	13	1.68	0.75	
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	-	-	RP11-367L	-	-	-	-	156	187	1.19	0.26	
H30000256	H300002563	ENSG0000	NM_021165	57795	BRINP2	BMP/retin	GO:000705	-	GO:0005576	extracellular region				
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_011539	220992	ZNF485	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	81	84	1.03	0.04	
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NR_046113	441116	FLJ16171	FLJ16171	-	-	-		3			
opHsV0400	opHsV0400010	ENSG0000	NM_001002	147920	IGFL2	IGF like fan	-	-	GO:0005576	extracellular region				
H30001671	H300016711	ENSG0000	NM_000896	4051	CYP4F3	cytochrom	GO:000669	GO:000449	GO:0005789	endoplasm	6			
H30001802	H300018027	ENSG0000	NM_001258	619189	SERINC4	serine inco	GO:000865	GO:001519	GO:001602	69	58	0.83	-0.26	
H30001244	H300012447	ENSG0000	XR_428699	159195	USP54	ubiquitin sp	GO:001657	GO:000551	-	4	14	3.65	1.87	
H30002239	H300022397	ENSG0000	XM_011517	23514	SPIDR	scaffolding	GO:000072	GO:000551	GO:000022	147	171	1.16	0.22	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_006711	387597	ILDR2	immunoglob	GO:000974	-	GO:0005789	endoplasmic reticulum membrane				
H30001142	H300011424	ENSG0000	NM_153374	256586	LYSM2	LysM doma	-	-	-	28	31	1.09	0.12	
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_011520	8567	MADD	MAP kinase	GO:000018	GO:000512	GO:000573	142	227	1.60	0.68	
H30001882	H300018822	ENSG0000	NM_001814	1075	CTSC	cathepsin C	GO:000191	GO:000419	GO:000013	1433	1237	0.86	-0.21	
H30001867	H300018679	ENSG0000	NM_001242	55916	NXT2	nuclear tra	GO:001503	GO:000551	GO:000565	183	197	1.08	0.11	
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_001198	3953	LEPR	leptin rece	GO:000611	GO:000488	GO:000557	131	84	0.65	-0.63	
H30002261	H300022611	ENSG0000	NM_001204	5618	PRLR	prolactin re	GO:000669	GO:000492	GO:0005576	extracellu	8			
H30001876	H300018761	ENSG0000	XR_927489	55904	KMT2E	lysine meth	GO:000244	GO:000371	GO:000565	920	901	0.98	-0.03	
opHsV0400	opHsV0400010	-	-	-	-	-	-	-	-	7	12	1.60	0.68	
H30002274	H300022743	ENSG0000	NM_133274	2204	FCAR	Fc fragmen	GO:000695	GO:001986	GO:0005576	extracellular region,GO:0005886				
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001308	54492	NEURL1B	neuralized	GO:000721	GO:000551	GO:0005769	early end	5			
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_182734	23236	PLCB1	phospholipa	GO:000008	GO:000443	GO:000079	8	20	2.56	1.35	
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	-	-	RP3-428A	-	-	-	-					
H30000541	H300005416	ENSG0000	-	-	RP11-82H	-	-	-	-	1517	1430	0.94	-0.09	
H30000745	H300007456	ENSG0000	-	390313	OR5BS1P	olfactory re	-	-	-		4			
H30000932	H300009322	ENSG0000	NM_001005	254879	OR2T6	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:000588	39	48	1.23	0.30	
AHsV1000	AHsV10003468	ENSG0000	XM_005269	7009	TMBIM6	transmemb	GO:000698	GO:000551	GO:000563	3842	4102	1.07	0.09	
H20001626	H200016261	ENSG0000	NM_198437	6790	AURKA	aurora kina	GO:000008	GO:000467	GO:000078	948	736	0.78	-0.36	
H30001530	H300015308	ENSG0000	NM_139266	6772	STAT1	signal trans	GO:000012	GO:000097	GO:000079	303	269	0.89	-0.17	
AHsV1000	AHsV10001320	ENSG0000	XM_005257	6603	SMARCD2	SWI/SNF r	GO:000633	GO:000097	GO:000079	301	337	1.12	0.16	
CHsGV100	CHsGV1000188	ENSG0000	NM_003058	6582	SLC22A2	solute carr	GO:000685	GO:000532	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005887	in			
CHsGV100	CHsGV1000107	-	NM_002193	3625	INHBB	inhibin beta	GO:000154	GO:000512	GO:000557	52	47	0.90	-0.15	
H20000700	H200007001	ENSG0000	XM_011542	3606	IL18	interleukin	GO:000016	GO:000512	GO:000557	63	65	1.03	0.04	
CHsGV100	CHsGV1000252	ENSG0000	NM_001543	3340	NDST1	N-deacetyl	GO:000016	GO:001501	GO:000013	5	8	1.52	0.60	
H30000033	H300000330	ENSG0000	NM_005347	3309	HSPA5	heat shock	GO:000257	GO:000194	GO:000563	62	92	1.47	0.56	
H20000599	H200005991	ENSG0000	NM_006734	3097	HIVEP2	human imm	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus,GO	4			
AHsV1000	AHsV10000721	ENSG0000	NM_004964	3065	HDAC1	histone dea	GO:000012	GO:000097	GO:000011	4472	3948	0.88	-0.18	
AHsV1000	AHsV10000662	ENSG0000	NM_175768	2898	GRIK2	glutamate r	GO:000166	GO:000523	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005887	in			
H30000859	H300008597	ENSG0000	NM_002084	2878	GPX3	glutathione	GO:000030	GO:000460	GO:000557	4	7	1.70	0.77	
H20001032	H200010324	ENSG0000	XR_428915	4296	MAP3K11	mitogen-ac	GO:000018	GO:000467	GO:000573	69	66	0.95	-0.07	
H20001391	H200013912	ENSG0000	XM_011521	4091	SMAD6	SMAD fami	GO:000165	GO:000097	GO:000563	224	153	0.68	-0.55	
AHsV1000	AHsV10001157	ENSG0000	XM_011509	4063	LY9	lymphocyte	GO:003274	GO:000367	GO:000588	117	101	0.87	-0.20	
H30001433	H300014335	ENSG0000	NM_005555	3854	KRT6B	keratin 6B,	GO:000739	GO:000520	GO:0045095	keratin fil	4			
H20001207	H200012075	ENSG0000	NM_182923	3831	KLC1	kinesin ligh	GO:000701	GO:000377	GO:000582	456	487	1.07	0.09	
CHsGV100	CHsGV1000343	ENSG0000	XM_011534	821	CANX	calnexin	GO:000247	GO:000194	GO:000578	4553	4083	0.90	-0.16	
H30001837	H300018377	ENSG0000	NM_001164	799	CALCR	calcitonin r	GO:000716	GO:000487	GO:0005829	cytosol,GO:0005886	plasma mem			
H30000090	H300000909	ENSG0000	NM_001318	617	BCS1L	BCS1 hom	GO:000700	GO:000551	GO:000573	545	412	0.76	-0.40	
H30000683	H300006837	ENSG0000	XM_011520	586	BCAT1	branched c	GO:000008	GO:000408	GO:000573	932	1042	1.12	0.16	
H20001033	H200010331	ENSG0000	NM_001663	382	ARF6	ADP ribosy	GO:000188	GO:000392	GO:000172	1271	1017	0.80	-0.32	
H20000510	H200005102	ENSG0000	NM_001652	363										

H20000022	H200000225	ENSG0000	NM_001166	3579	CXCR2	chemokine	GO:000240	GO:000487	GO:0005622	intracellular,GO:0005829	cytosol,								
H30000477	H300004773	ENSG0000	NM_000586	3558	IL2	interleukin	GO:000016	GO:000512	GO:0005576	extracellular region,GO:0005615									
H20000021	H200000218	ENSG0000	NM_001166	3284	HSD3B2	hydroxy-de	GO:000669	GO:000385	GO:0005743	mitochondrial inner membrane,GO									
H20000080	H200000806	ENSG0000	NM_134421	3241	HPCAL1	hippocalcin	-	GO:000550	GO:001602	381	477	1.25	0.32						
CHsGV100	CHsGV100002	ENSG0000	NM_001297	3036	HAS1	hyaluronan	GO:000597	GO:000505	GO:000573	42	41	0.97	-0.05						
H20001664	H200016644	ENSG0000	NM_005317	3004	GZMM	granzyme M	GO:000650	GO:000425	GO:000557	6	9	1.51	0.60						
CHsGV100	CHsGV100038	ENSG0000	NM_005301	2859	GPR35	G protein-c	GO:000718	GO:000493	GO:000588	14	18	1.33	0.41						
H20001054	H200010546	ENSG0000	XM_011520	2842	GPR19	G protein-c	GO:000716	GO:000493	GO:000588	4	9	2.13	1.09						
H20000965	H200009651	ENSG0000	NM_002404	4239	MFAP4	microfibrilla	GO:000715	GO:000367	GO:000152	89	88	0.99	-0.02						
CHsGV100	CHsGV100004	ENSG0000	XM_011538	4048	LTA4H	leukotriene	GO:000650	GO:000417	GO:000563	1006	807	0.80	-0.32						
H20001630	H200016305	ENSG0000	XM_011509	4014	LOR	loricrin	GO:001814	GO:000519	GO:0001533	cornified envelope,GO:0005654	n								
CHsGV100	CHsGV100021	ENSG0000	NM_002252	3790	KCNS3	potassium	GO:000611	GO:000525	GO:000573	13	15	1.19	0.25						
AHsV1000	AHsV10003081	-	XM_006718	3767	KCNJ11	potassium	GO:000293	GO:000524	GO:000563	61	57	0.94	-0.09						
H30002018	H300020185	ENSG0000	NM_001127	773	CACNA1A	calcium vol	GO:000009	GO:000524	GO:0005634	nucleus,GO	3								
H20001046	H200010464	ENSG0000	NM_014206	746	TMEM258	transmemb	-	-	GO:001602	4693	3335	0.71	-0.49						
AHsV1000	AHsV10000376	-	NM_001700	566	AZU1	azurocidin	GO:000177	GO:000425	GO:0005576	extracellu	5								
H30000409	H300004090	ENSG0000	XM_005257	535	ATP6V0A1	ATPase H+	GO:000687	GO:000551	GO:000022	489	374	0.77	-0.39						
H20000618	H200006183	ENSG0000	NM_001647	347	APOD	apolipoprot	GO:000030	GO:000531	GO:0005576	extracellular region,GO:0005615									
H20000599	H200005996	ENSG0000	NM_001127	324	APC	adenomato	GO:000028	GO:000551	GO:000077	21	34	1.61	0.69						
CHsGV100	CHsGV100040	ENSG0000	NM_001291	141	ADPRH	ADP-ribos	GO:000646	GO:000028	-	12	23	1.88	0.91						
H30001993	H300019937	ENSG0000	NM_001286	118	ADD1	adducin 1	GO:000090	GO:000377	GO:000563	548	445	0.81	-0.30						
H20001037	H200010375	ENSG0000	NM_006284	6881	TAF10	TATA-box	GO:000632	GO:000370	GO:000012	615	545	0.89	-0.17						
H30000197	H300001971	ENSG0000	NM_005416	6707	SPRR3	small prolin	GO:000854	GO:000519	GO:0001533	cornified	3								
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_003113	6672	SP100	SP100 nuc	GO:000012	GO:000367	GO:000078	8	19	2.41	1.27						
H30001675	H300016752	ENSG0000	XM_011542	6512	SLC1A7	solute carr	GO:000681	GO:000531	GO:000588	21	26	1.19	0.25						
CHsGV100	CHsGV100023	ENSG0000	NM_003034	6489	ST8SIA1	ST8 alpha-	GO:000597	GO:000382	GO:0000139	Golgi membrane,GO:0016021	inte								
H20000841	H200008419	ENSG0000	NM_000599	3488	IGFBP5	insulin like	GO:000155	GO:000196	GO:0005576	extracellular region,GO:0005622									
H30000269	H300002697	ENSG0000	NM_002176	3456	IFNB1	interferon,	GO:000225	GO:000512	GO:000557	21	26	1.24	0.31						
H20001104	H200011040	ENSG0000	NM_002144	3211	HOXB1	homeobox	GO:000635	GO:000367	GO:000563	39	24	0.60	-0.75						
AHsV1000	AHsV10000989	ENSG0000	NM_031370	3184	HNRNPD	heterogene	GO:000039	GO:000016	GO:000563	17501	12163	0.69	-0.52						
CHsGV100	CHsGV100019	ENSG0000	NM_000858	2987	GUK1	guanylate k	GO:000616	GO:000438	GO:000582	65	47	0.72	-0.47						
H30000083	H300000839	-	NM_001517	2968	GTF2H4	general tra	GO:000628	GO:000369	GO:000043	559	505	0.90	-0.15						
H20000561	H200005616	ENSG0000	NM_005281	2827	GPR3	G protein-c	GO:000718	GO:000493	GO:000588	26	22	0.83	-0.27						
H20000015	H200000150	ENSG0000	XR_945681	2805	GOT1	glutamic-o	GO:000009	GO:000406	GO:000563	748	1017	1.36	0.44						
H20001397	H200013972	ENSG0000	XM_005251	4173	MCM4	minichrom	GO:000008	GO:000369	GO:000078	2134	1540	0.72	-0.47						
H20000433	H200004330	ENSG0000	NM_002314	3984	LIMK1	LIM domair	GO:000646	GO:000467	GO:000565	38	39	1.04	0.05						
DHsGV100	DHsGV100047	ENSG0000	NR_048575	2749	GLUD1P3	glutamate c	-	-	-	14	22	1.53	0.61						
H20001036	H200010361	ENSG0000	NM_000216	3730	ANOS1	anosmin 1	GO:000692	GO:000486	GO:0005578	proteinac	4								
CHsGV100	CHsGV100021	ENSG0000	NM_002218	3700	ITIH4	inter-alpha	GO:000695	GO:000486	GO:0005576	extracellular region,GO:0005737									
AHsV1000	AHsV10001673	ENSG0000	NM_000062	710	SERPING1	serpin pept	GO:000186	GO:000486	GO:0005576	extracellu	3								
H20000598	H200005980	ENSG0000	NM_198590	682	BSG	basigin (OK	GO:000609	GO:000551	GO:000013	586	478	0.82	-0.29						
H30000432	H300004324	ENSG0000	NM_005175	516	ATP5G1	ATP synth	GO:000159	GO:000521	GO:000573	4721	2897	0.61	-0.70						
AHsV1000	AHsV10002459	ENSG0000	NM_000702	477	ATP1A2	ATPase Na	GO:000150	GO:000539	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005768	endosom								
AHsV1000	AHsV10000845	ENSG0000	XM_011518	301	ANXA1	annexin A1	GO:000073	GO:000369	GO:000153	2090	7574	3.62	1.86						
H20000698	H200006988	ENSG0000	NM_001308	271	AMPD2	adenosine	GO:000614	GO:000387	GO:000557	175	133	0.76	-0.40						
H20000806	H200008065	ENSG0000	XM_011539	94	ACVRL1	activin A re	GO:000152	GO:000467	GO:000588	15	18	1.25	0.32						
AHsV1000	AHsV10001139	ENSG0000	NM_001100	58	ACTA1	actin, alpha	GO:000693	GO:000520	GO:0001725	stress fiber,GO:0005615	extracel								
H30000557	H300005574	ENSG0000	NM_001319	6829	SUPT5H	SPT5 hom	GO:000012	GO:000368	GO:000563	480	364	0.76	-0.40						
H20000061	H200000614	ENSG0000	NM_003102	6649	SOD3	superoxide	GO:000030	GO:000478	GO:0005576	extracellu	9								
H20000812	H200008124	ENSG0000	NM_004596	6626	SNRPA	small nucle	GO:000039	GO:000016	GO:000565	2728	1987	0.73	-0.46						
CHsGV100	CHsGV100009	ENSG0000	XM_005266	6445	SGCG	sarcoglycar	GO:000751	GO:000551	GO:000573	21	41	1.98	0.98						
H30000920	H300009208	ENSG0000	NR_024022	6419	SETMAR	SET domai	GO:000072	GO:000001	GO:000079	122	92	0.76	-0.40						
CHsGV100	CHsGV100029	ENSG0000	XM_005254	3419	IDH3A	isocitrate d	GO:000597	GO:000028	GO:000563	1552	1364	0.88	-0.19						
H30002040	H300020406	ENSG0000	NM_000872	3363	HTR7	5-hydroxyt	GO:000693	GO:000499	GO:0005886	plasma m	8								
H20001494	H200014949	ENSG0000	NM_002133	3162	HMOX1	heme oxyg	GO:000152	GO:000439	GO:0005615	extracellu	8								
H30001800	H300018000	ENSG0000	NM_002124	3123	HLA-DRB1	major histo	GO:000238	GO:000161	GO:0000139	Golgi men	3								
AHsV1000	AHsV10001274	ENSG0000	XM_011514	2941	GSTA4	glutathione	GO:000674	GO:000436	GO:000582	33	43	1.31	0.39						
AHsV1000	AHsV10001858	ENSG0000	NM_181874	2917	GRM7	glutamate r	GO:000166	GO:000164	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005887	in								
AHsV1000	AHsV10000241	ENSG0000	NM_001282	2782	GNB1	guanine nu	GO:000611	GO:000392	GO:000191	874	1101	1.26	0.33						
H20000791	H200007913	ENSG0000	XM_006711	2752	GLUL	glutamate-	GO:000150	GO:000028	GO:000563	5193	4879	0.94	-0.09						
H30001291	H300012916	ENSG0000	NM_001270	4128	MAOA	monoamine	GO:000657	GO:000813	GO:000573	27	27	1.01	0.02						
H20000612	H200006124	ENSG0000	XM_005273	3914	LAMB3	laminin sub	GO:000715	GO:000519	GO:000557	76	75	0.99	-0.01						
AHsV1000	AHsV10001912	ENSG0000	XM_011538	3890	KRT84	keratin 84,	GO:000194	GO:000520	GO:0045095	keratin fil	7								
AHsV1000	AHsV10002760	ENSG0000	XM_011545	3681	ITGAD	integrin sub	GO:000695	GO:004687	GO:000588	7	12	1.57	0.66						
H30000849	H300008499	ENSG0000	NM_002198	3659	IRF1	interferon r	GO:000281	GO:000097	GO:000079	94	163	1.72	0.79						
CHsGV100	CHsGV100005	ENSG0000	XM_011534	662	BNIP1	BCL2/ader	GO:000691	GO:000548	GO:000563	390	309	0.79	-0.33						
H30000182	H300001821	ENSG0000	XM_011515	644	BLVRA	biliverdin re	GO:000677	GO:000407	GO:000582	1275	1401	1.10	0.14						
CHsGV100	CHsGV100000	ENSG0000	NM_001024	435	ASL	argininosuc	GO:000005	GO:000405	GO:000573	399	314	0.79	-0.34						
AHsV1000	AHsV10002000	ENSG0000	XM_011530	407	ARR3	arrestin 3,	GO:000193	GO:000204	GO:0001750	photoreceptor outer segment,GO									
AHsV1000	AHsV10002818	ENSG0000	XM_011524	230	ALDOC	aldolase, fr	GO:000597	GO:000433	GO:000573	1034	624	0.60	-0.73						
AHsV1000	AHsV10002209	ENSG0000	NM_000477	213	ALB	albumin	GO:000189	GO:000367	GO:0005576	extracellu	7								

AHsV1000	AHsV10001388	-	-	-	-	-	-	-	-	71	97	1.37	0.46
H20001480	H200014809	ENSG0000	XM_011538	8437	RASAL1	RAS protei	GO:000016	GO:000509	GO:0005829	cytosol,GO:0005886	plasma mem		
H20000618	H200006181	ENSG0000	NM_003564	8407	TAGLN2	transgelin 2	GO:003085	GO:000551	GO:003198	1442	1178	0.82	-0.29
AHsV1000	AHsV10003014	-	XM_011514	7936	NELFE	negative el	GO:000636	GO:000016	GO:000563	1779	1579	0.89	-0.17
H30002165	H300021653	ENSG0000	NR_110697	7869	SEMA3B	semaphorin	GO:000175	GO:003021	GO:000561	70	62	0.88	-0.18
H20000658	H200006581	ENSG0000	NM_021083	7504	XK	X-linked K	GO:000681	GO:000521	GO:000588	272	223	0.82	-0.29
H20000469	H200004699	ENSG0000	XM_011518	7464	CORO2A	coronin 2A	GO:003003	GO:005101	GO:001562	214	176	0.82	-0.29
AHsV1000	AHsV10003390	ENSG0000	XM_011517	4683	NBN	nibrin	GO:000007	GO:000368	GO:000078	362	467	1.29	0.37
AHsV1000	AHsV10002405	ENSG0000	XM_011538	4659	PPP1R12A	protein pho	GO:000008	GO:000472	GO:000077	78	131	1.69	0.76
CHsGV100	CHsGV1000186	ENSG0000	NM_004994	4318	MMP9	matrix met	GO:000150	GO:000417	GO:0005576	extracellular region,GO:0005578			
H20000862	H200008623	ENSG0000	NM_177937	51280	GOLM1	golgi memb	GO:000699	GO:000551	GO:0005615	extracellu	9		
AHsV1000	AHsV10001747	ENSG0000	XM_005274	51259	TMEM216	transmemb	GO:000699	-	GO:000582	77	76	0.99	-0.02
H30000976	H300009762	ENSG0000	NM_006830	10975	UQCRI1	ubiquinol-c	GO:000609	GO:000812	GO:000574	1496	1365	0.91	-0.13
H20001678	H200016782	ENSG0000	NM_198941	10955	SERINC3	serine inco	GO:000665	GO:001519	GO:000013	433	400	0.92	-0.11
H20000087	H200000876	ENSG0000	NM_001242	10768	AHCYL1	adenosylho	GO:000637	GO:000372	GO:000573	1574	1831	1.16	0.22
AHsV1000	AHsV10001152	ENSG0000	NM_006608	10745	PHTF1	putative ho	GO:000635	GO:000367	GO:000563	136	167	1.22	0.29
H30001265	H300012650	ENSG0000	NM_006418	10562	OLFM4	olfactomed	GO:000715	GO:000382	GO:0005615	extracellular space,GO:0005739	r		
CHsGV100	CHsGV1000034	ENSG0000	NM_001289	10548	TM9SF1	transmemb	GO:000691	-	GO:000042	114	116	1.01	0.02
CHsGV100	CHsGV1000126	ENSG0000	NR_033717	10389	SCML2	sex comb d	GO:000635	GO:000367	GO:000563	64	77	1.21	0.27
AHsV1000	AHsV10001397	ENSG0000	NM_019112	10347	ABCA7	ATP bindin	GO:000690	GO:000521	GO:000013	36	35	0.97	-0.05
AHsV1000	AHsV10003087	ENSG0000	NM_003298	7182	NR2C2	nuclear rec	GO:000635	GO:000370	GO:000565	9	21	2.34	1.23
AHsV1000	AHsV10000128	ENSG0000	XM_011525	7153	TOP2A	topoisomer	GO:000027	GO:000028	GO:000022	2415	2276	0.94	-0.09
H30002095	H300020952	ENSG0000	NM_001135	6949	TCOF1	treacle rib	GO:000150	GO:000521	GO:000563	80	80	1.00	0.00
CHsGV100	CHsGV1000221	ENSG0000	XM_011537	11176	BAZZA	bromodoma	GO:000018	GO:000116	GO:000565	19	25	1.30	0.38
CHsGV100	CHsGV1000278	ENSG0000	NM_007073	11149	BVES	blood vesse	GO:000192	GO:000519	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005923	bi		
AHsV1000	AHsV10000530	ENSG0000	NM_001291	8602	NOP14	NOP14 nuc	GO:000044	GO:001989	GO:000563	293	344	1.17	0.23
AHsV1000	AHsV10002035	ENSG0000	XM_005252	8559	PRPF18	pre-mRNA	GO:000035	GO:000038	GO:000563	376	375	1.00	0.00
H20000817	H200008173	ENSG0000	NM_003507	8324	FZD7	frizzled cla	GO:000635	GO:000493	GO:000588	56	49	0.88	-0.19
H20001243	H200012438	ENSG0000	NM_139135	8289	ARID1A	AT-rich int	GO:000012	GO:000367	GO:000079	41	67	1.63	0.70
H20000611	H200006111	ENSG0000	NM_006763	7832	BTG2	BTG family	GO:000012	GO:000107	GO:007006	19	28	1.46	0.55
H30000241	H300002412	ENSG0000	NM_001102	7763	ZFAND5	zinc finger	GO:000170	GO:000367	GO:000557	253	287	1.13	0.18
H20000507	H200005070	ENSG0000	XM_005267	7432	VIP	vasoactive	GO:000187	GO:000517	GO:0005576	extracellu	5		
H20001200	H200012001	ENSG0000	NM_001258	7409	VAV1	vav guanine	GO:000635	GO:000370	GO:000582	95	119	1.25	0.32
H20000612	H200006127	ENSG0000	NM_000432	4633	MYL2	myosin ligh	GO:000202	GO:000378	GO:0005829	cytosol,GO:0005856	cytoskeleton		
AHsV1000	AHsV10000848	ENSG0000	XM_011520	4607	MYBPC3	myosin bind	GO:000202	GO:000167	GO:0005829	cytosol,GO:0005863	striated mus		
CHsGV100	CHsGV100001	ENSG0000	NM_002414	4267	CD99	CD99 mole	GO:000715	-	GO:000573	579	661	1.14	0.19
H30000162	H300001628	ENSG0000	NM_016417	51218	GLRX5	glutaredoxi	GO:003009	GO:000905	GO:000563	1093	719	0.66	-0.60
H20000471	H200004715	ENSG0000	NM_016299	51182	HSPA14	heat shock	GO:005108	GO:000551	GO:000582	1195	951	0.80	-0.33
AHsV1000	AHsV10001057	ENSG0000	NM_001265	10933	MORF4L1	mortality fa	GO:000072	GO:000368	GO:000565	1863	1916	1.03	0.04
CHsGV100	CHsGV1000076	ENSG0000	XM_011518	10912	GADD45G	growth arre	GO:000018	GO:000551	GO:0005634	nucleus,G	4		
AHsV1000	AHsV10002238	ENSG0000	NM_006594	10717	AP4B1	adaptor rel	GO:000688	GO:000521	GO:000580	114	115	1.01	0.01
H20000524	H200005243	ENSG0000	NM_006570	10670	RRAGA	Ras related	GO:000636	GO:000392	GO:000563	658	635	0.96	-0.05
CHsGV100	CHsGV1000204	ENSG0000	NM_006386	10521	DDX17	DEAD-box	GO:000635	GO:000371	GO:000563	783	694	0.89	-0.17
AHsV1000	AHsV10000016	ENSG0000	NM_006369	10489	LRRC41	leucine ric	GO:001656	GO:004280	GO:000563	168	226	1.34	0.43
CHsGV100	CHsGV1000255	ENSG0000	NM_001252	10318	TNIP1	TNFAIP3 ir	GO:000275	GO:000484	GO:000562	28	31	1.09	0.12
H30001685	H300016851	-	NR_103521	10288	LILRB2	leukocyte i	GO:000225	GO:000487	GO:000561	36	33	0.90	-0.15
AHsV1000	AHsV10000552	ENSG0000	NM_003279	7125	TNNC2	troponin C	GO:000300	GO:000377	GO:0005829	cytosol,G	7		
H20000393	H200003931	ENSG0000	NM_003265	7098	TLR3	toll like rec	GO:000222	GO:000372	GO:0000139	Golgi membrane,GO:0005622	intr		
AHsV1000	AHsV10002975	-	XM_011523	6904	TBCD	tubulin fold	GO:000022	GO:000509	GO:000573	78	72	0.92	-0.12
DHsGV100	DHsGV1000266	ENSG0000	NG_033052	5297	PI4KA	phosphatid	GO:000664	GO:000443	GO:000573	25	32	1.28	0.36
H30001768	H300017684	ENSG0000	XM_005269	11101	ATE1	arginyltrans	GO:001659	GO:000405	GO:000563	14	27	1.95	0.96
AHsV1000	AHsV10001550	ENSG0000	NR_103842	8541	PPFIA3	PTPRF inte	GO:000726	GO:000551	GO:000582	84	52	0.62	-0.69
CHsGV100	CHsGV1000317	ENSG0000	NM_001303	8515	ITGA10	integrin sub	GO:000716	GO:000551	GO:0005886	plasma m	6		
DHsTV100	DHsTV1000015	-	-	-	-	-	-	-	-	-	7		
H30000833	H300008333	ENSG0000	NM_004645	8161	COIL	coilin	GO:005511	GO:000551	GO:000167	654	566	0.87	-0.21
CHsGV100	CHsGV1000365	ENSG0000	NM_003447	7718	ZNF165	zinc finger	GO:000635	GO:000370	GO:000563	15	18	1.20	0.26
H30000044	H300000445	ENSG0000	NM_003433	7691	ZNF132	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus	7		
H20000653	H200006534	ENSG0000	XM_005271	7389	UROD	uroporphyr	GO:000188	GO:000485	GO:000565	3235	1717	0.53	-0.91
AHsV1000	AHsV10001729	ENSG0000	NM_001076	7366	UGT2B15	UDP glucur	GO:000680	GO:000197	GO:0005789	endoplasmic reticulum membrane			
H30001290	H300012908	ENSG0000	XM_011524	4591	TRIM37	tripartite m	GO:000012	GO:000368	GO:000573	175	193	1.11	0.15
AHsV1000	AHsV10001170	ENSG0000	NM_000252	4534	MTM1	myotubular	GO:000647	GO:000443	GO:000172	39	64	1.64	0.71
H30002171	H300021719	ENSG0000	XM_006720	4212	MEIS2	Meis home	GO:000012	GO:000097	GO:000563	304	345	1.14	0.18
H20001212	H200012129	-	XM_005267	51156	SERPINA1	serpin pept	GO:000759	GO:000486	GO:000561	44	45	1.01	0.01
H30002114	H300021145	ENSG0000	NR_104213	51129	ANGPTL4	angiopoietin	GO:000152	GO:000485	GO:0005576	extracellular region,GO:0005578			
H20001689	H200016894	ENSG0000	XM_011542	10888	GPR83	G protein-c	GO:000716	GO:000493	GO:0005886	plasma m	5		
H20001629	H200016290	ENSG0000	NM_153320	10864	SLC22A7	solute carr	GO:001571	GO:000551	GO:0005886	plasma m	7		
H20000410	H200004105	ENSG0000	NM_001319	10651	MTX2	metaxin 2	GO:000662	GO:000551	GO:000573	2267	1694	0.75	-0.42
CHsGV100	CHsGV1000033	ENSG0000	XM_005273	10629	TAF6L	TATA-box	GO:000632	GO:000367	GO:000011	38	49	1.27	0.35
CHsGV100	CHsGV1000003	ENSG0000	XM_011515	10467	ZNHIT1	zinc finger	GO:000012	GO:000551	GO:000081	1471	1036	0.70	-0.51
AHsV1000	AHsV10002996	ENSG0000	XM_011515	10447	FAM3C	family with	GO:000727	GO:000512	GO:000557	549	608	1.11	0.15
CHsGV100	CHsGV1000014	ENSG0000	NM_001308	10267	RAMP1	receptor (G	GO:000152	GO:000487	GO:0005615	extracellular space,GO:0005622	i		
H30001979	H300019790	ENSG0000	NM_005834	10245	TIMM17B	translocase	GO:000662	GO:001526	GO:000574	1509	1387	0.92	-0.12
CHsGV100	CHsGV1000256	ENSG0000	NM_003256	7079	TIMP4	TIMP meta	GO:000721	GO:000202	GO:0005578	proteinac	7		
H20000000	H200000005	ENSG0000	NM_000359	7051	TGM1	transglutan	GO:000646	GO:000381	GO:0001533	cornified	4		
H20000064	H200000644	ENSG0000	NM_013998	6863	TAC1	tachykinin	GO:000187	GO:000510	GO:0005576	extracellu	8		
AHsV1000	AHsV10000271	-	NR_134870	11074	TRIM31	tripartite m	GO:001656	GO:000551	GO:0005739	mitochondrion,GO:0005829	cytos		
AHsV1000	AHsV10002721	ENSG0000	NM_007346	11054	OPFR	opioid grow	GO:000155	GO:000498	GO:000557	55	68	1.22	0.29
H20001414	H200014149	ENSG0000	NM_003614	8484	GALR3	galanin rec	GO:000718	GO:000496	GO:000588	156	144	0.92	-0.12
AHsV1000	AHsV10000773	ENSG0000	XM_011519	8453	CUL2	cullin 2	GO:000008	GO:000551	GO:000565	772	761	0.99	-0.02
H20000661	H200006610	ENSG0000	NR_026581	8079	MLF2	myeloid leu	GO:000695	GO:000551	GO:000563	395	303	0.77	-0.38
AHsV1000	AHsV10002863	ENSG0000	NM_007371	8019	BRD3	bromodoma	GO:000635	GO:000368	GO:000563	185	201	1.08	0.12
CHsGV100	CHsGV1000394	ENSG0000	NM_001178	7569	ZNF182	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	41			

CHsGV100	CHsGV100007	ENSG0000	NM_001005	81282	OR51G2	olfactory re	GO:000716	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021 in				
H30002182	H300021824	-	NR_037860	80864	EGFL8	EGF like do	GO:000170	GO:000550	GO:000557	1068	1074	1.01	0.01	
AHsV1000	AHsV10002073	ENSG0000	NM_057175	80155	NAA15	N(alpha)-ac	GO:000152	GO:000459	GO:000563	351	339	0.97	-0.05	
AHsV1000	AHsV10003456	ENSG0000	NR_104150	80128	TRIM46	tripartite m	-	GO:000827	GO:0005622	intracellular				
AHsV1000	AHsV10003124	ENSG0000	XM_005250	79846	CFAP69	cilia and fla	-	-	-	5				
H20001313	H200013131	ENSG0000	NM_024768	79825	EFCC1	EF-hand ar	-	GO:000550	-	13	13	1.00	0.00	
H30000550	H300005500	ENSG0000	NM_017655	54810	GIPC2	GIPC PDZ	GO:000815	GO:000367	GO:0005737	cytoplasm,GO:0070062 extracellu				
H20000214	H200002145	ENSG0000	XM_006720	54778	RNF111	ring finger	GO:000020	GO:000551	GO:000563	152	191	1.25	0.32	
H20001689	H200016897	ENSG0000	NM_018980	54429	TAS2R5	taste 2 rec	GO:000158	GO:000852	GO:000588	14	27	1.87	0.90	
AHsV1000	AHsV10000193	ENSG0000	XM_006715	54209	TREM2	triggering r	GO:000258	GO:000153	GO:0005576	extracellular region,GO:0005886				
AHsV1000	AHsV10002807	ENSG0000	XM_011516	51657	STYXL1	serine/thre	GO:000647	GO:000813	GO:000562	242	289	1.19	0.25	
CHsGV100	CHsGV1000177	ENSG0000	NM_015995	51621	KLF13	Kruppel-lik	GO:000636	GO:000097	GO:0005634	nucleus	5			
AHsV1000	AHsV10001024	ENSG0000	NM_001161	55743	CHFR	checkpoint	GO:000020	GO:000016	GO:000563	42	63	1.51	0.60	
H20001111	H200011111	ENSG0000	XM_011523	55512	SMPD3	sphingomye	GO:000224	GO:000476	GO:0000137	Golgi cis cisterna,GO:0000139 G				
CHsGV100	CHsGV100040	ENSG0000	NM_018571	55437	STRADB	STE20-rela	GO:000016	GO:000467	GO:000563	158	192	1.22	0.28	
H20000535	H200005350	ENSG0000	NM_018190	55212	BBS7	Bardet-Bie	GO:000165	GO:000110	GO:000175	76	85	1.12	0.17	
H30000254	H300002541	ENSG0000	XM_005253	55196	KIAA1551	KIAA1551	-	-	-	368	558	1.52	0.60	
H20000493	H200004931	ENSG0000	XM_011536	55012	PPP2R3C	protein pho	GO:000022	GO:000551	GO:000563	158	222	1.41	0.49	
AHsV1000	AHsV10000658	ENSG0000	NM_001304	54987	C1orf123	chromosom	GO:000815	GO:000367	GO:007006	918	944	1.03	0.04	
H30001450	H300014509	ENSG0000	XM_011515	23288	IQCE	IQ motif co	-	GO:000551	GO:0072372	primary c	5			
AHsV1000	AHsV10002641	ENSG0000	NM_001297	23266	ADGRL2	adhesion G	GO:000716	GO:000493	GO:0016021	integral component of membrane				
AHsV1000	AHsV10001286	ENSG0000	NM_015088	23112	TNRC6B	trinucleotic	GO:000641	GO:000016	GO:0000932	cytoplasm	12			
AHsV1000	AHsV10002056	ENSG0000	NM_015068	23089	PEG10	paternally e	GO:000691	GO:000367	GO:0005634	nucleus,GO:0005737 cytoplasm				
H30000951	H300009513	ENSG0000	NM_001282	22903	BTBD3	BTB domai	GO:002198	-	GO:000563	95	89	0.93	-0.11	
H30002184	H300021849	ENSG0000	NM_014940	22879	MON1B	MON1 hom	GO:001619	GO:000551	-	178	193	1.09	0.12	
H20000992	H200009926	ENSG0000	NM_030981	81876	RAB1B	RAB1B, me	GO:000688	GO:000551	GO:000013	233	226	0.97	-0.05	
AHsV1000	AHsV10000332	ENSG0000	NM_130445	80781	COL18A1	collagen ty	GO:000152	GO:000519	GO:000557	39	35	0.89	-0.17	
AHsV1000	AHsV10002615	-	NM_025248	80725	SRCIN1	SRC kinase	GO:000688	GO:000551	GO:000573	11	14	1.36	0.44	
AHsV1000	AHsV10001846	ENSG0000	NR_028482	80067	DCAF17	DDB1 and	GO:001656	-	GO:000573	75	79	1.05	0.07	
H20000873	H200008732	ENSG0000	XM_011519	80010	RMI1	RecQ medi	GO:000072	GO:000016	GO:000563	255	285	1.12	0.16	
CHsGV100	CHsGV100040	ENSG0000	XM_006721	79798	ARMC5	armadillo re	-	-	GO:000573	41	49	1.19	0.25	
opHsV0400	opHsV0400008	ENSG0000	NM_024717	79772	MCTP1	multiple C2	GO:001972	GO:000550	GO:000578	10	15	1.40	0.48	
H20001755	H200017559	ENSG0000	NM_017510	54732	TMED9	transmemb	GO:000688	GO:000551	GO:000013	1652	1767	1.07	0.10	
CHsGV100	CHsGV100026	ENSG0000	NM_019089	54626	HES5	hes family	GO:000635	GO:000369	GO:000563	18	21	1.13	0.17	
AHsV1000	AHsV10001077	ENSG0000	NM_001286	54058	C21orf58	chromosom	-	-	-	32	82	2.58	1.37	
H20000532	H200005329	ENSG0000	NM_023915	53836	GPR87	G protein-c	GO:000719	GO:004502	GO:0005887	integral c	3			
H20000166	H200001665	ENSG0000	NM_001003	51586	MED15	mediator c	GO:000635	GO:000110	GO:000563	444	461	1.04	0.05	
AHsV1000	AHsV10002602	ENSG0000	NM_001256	51555	PEX5L	peroxisoma	GO:001656	GO:000026	GO:0005778	peroxisomal membrane,GO:00058				
AHsV1000	AHsV10003206	ENSG0000	NM_018000	55686	MREG	melanoregu	GO:003031	-	GO:001632	32	23	0.70	-0.51	
H20001133	H200011336	ENSG0000	NM_001282	55355	HJURP	Holliday jur	GO:000633	GO:000367	GO:000077	285	264	0.93	-0.11	
AHsV1000	AHsV10000996	ENSG0000	XM_005267	55334	SLC39A9	solute carr	GO:000682	GO:004687	GO:001602	126	157	1.24	0.31	
AHsV1000	AHsV10002252	ENSG0000	XM_006716	55174	INTS10	integrator d	GO:001618	GO:000551	GO:003203	714	654	0.92	-0.13	
H20001745	H200017455	ENSG0000	XM_011518	55151	TMEM38B	transmemb	GO:007180	GO:000526	GO:000563	641	518	0.81	-0.31	
AHsV1000	AHsV10002253	ENSG0000	NM_017860	54964	C1orf56	chromosom	-	-	GO:000557	16	29	1.79	0.84	
CHsGV100	CHsGV100001	ENSG0000	NM_017825	54936	ADPRHL2	ADP-ribos	GO:000815	GO:000464	GO:000565	267	218	0.81	-0.30	
CHsGV100	CHsGV100011	ENSG0000	NM_001100	23244	PDS5A	PDS5 cohe	GO:000027	GO:000551	GO:000077	124	135	1.09	0.13	
AHsV1000	AHsV10001356	ENSG0000	XM_011539	23223	RRP12	ribosomal F	-	GO:004482	GO:000573	142	158	1.12	0.16	
H20001408	H200014085	ENSG0000	XM_011545	23062	GGA2	golgi-assoc	GO:000688	GO:000551	GO:000579	296	217	0.73	-0.45	
H20000813	H200008134	ENSG0000	NM_001289	23035	PHLP2	PH domain	GO:000647	GO:000472	GO:000191	39	42	1.07	0.09	
H20001239	H200012397	ENSG0000	XM_011515	22853	LMTK2	lemur tyros	GO:000188	GO:000467	GO:0005769	early end	5			
AHsV1000	AHsV10000664	ENSG0000	NR_028319	22829	NLGN4Y	neuroligin 4	GO:000715	GO:000487	GO:000561	267	214	0.80	-0.32	
AHsV1000	AHsV10002796	ENSG0000	XM_011535	81624	DIAPH3	diaphanous	GO:000726	GO:000377	GO:000563	72	109	1.50	0.59	
AHsV1000	AHsV10002137	ENSG0000	NM_001320	80342	TRAF3IP3	TRAF3 inte	-	GO:000551	GO:0016021	integral component of membrane				
AHsV1000	AHsV10002274	ENSG0000	NM_001308	80303	EFHD1	EF-hand do	GO:003117	GO:000550	GO:0005743	mitochond	10			
AHsV1000	AHsV10001897	ENSG0000	NM_001167	79979	TRMT2B	tRNA meth	GO:000151	GO:000551	GO:000573	87	83	0.96	-0.06	
AHsV1000	AHsV10003551	ENSG0000	NM_024881	79939	SLC35E1	solute carr	GO:003421	-	GO:001602	125	92	0.74	-0.44	
AHsV1000	AHsV10001744	ENSG0000	NR_109844	79745	CLIP4	CAP-Gly d	-	GO:000551	-					
AHsV1000	AHsV10002444	ENSG0000	NR_051979	79711	IPO4	importin 4	GO:000005	GO:000551	GO:000079	76	65	0.86	-0.22	
AHsV1000	AHsV10002775	ENSG0000	NR_033797	54553	DKFZP434	uncharacte	-	-	-	33	40	1.20	0.26	
H20001111	H200011119	ENSG0000	NM_019048	54529	ASNSD1	asparagine	GO:000652	GO:000367	GO:000557	703	531	0.76	-0.41	
H30001262	H300012629	ENSG0000	XM_005269	53354	PANK1	pantothena	GO:000676	GO:000459	GO:000563	39	35	0.88	-0.18	
CHsGV100	CHsGV1000152	ENSG0000	NM_016604	51780	KDM3B	lysine deme	GO:000632	GO:001620	GO:000565	37	56	1.52	0.60	
H30000737	H300007376	ENSG0000	NM_001195	51510	CHMP5	charged mu	GO:000092	GO:000551	GO:000563	1288	1092	0.85	-0.24	
H20001168	H200011689	ENSG0000	NM_016316	51455	REV1	REV1, DNA	GO:000626	GO:000368	GO:000565	116	145	1.25	0.32	
CHsGV100	CHsGV1000264	ENSG0000	NM_017757	55628	ZNF407	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus	5			
H20000403	H200004037	ENSG0000	XM_005250	55303	GIMAP4	GTPase, IM	-	GO:000552	GO:0005829	cytosol				
H20001815	H200018151	ENSG0000	NM_018295	55281	TMEM140	transmemb	-	GO:000551	GO:0016021	integral component of membrane				
CHsGV100	CHsGV100013	ENSG0000	XM_011538	55117	SLC6A15	solute carr	GO:000681	GO:000529	GO:000588	21	24	1.10	0.13	
CHsGV100	CHsGV1000064	ENSG0000	XM_011539	55088	CCDC186	coiled-coil	-	-	-	15				
H30001667	H300016678	ENSG0000	XM_011519	54906	FAM208B	family with	-	GO:000551	GO:000563	714	541	0.76	-0.40	
AHsV1000	AHsV10000998	ENSG0000	NM_017747	54882	ANKHD1	ankyrin rep	GO:004508	GO:000551	GO:000565	223	219	0.98	-0.03	
CHsGV100	CHsGV1000148	ENSG0000	XM_011518	23203	PMPCA	peptidase (GO:000650	GO:000422	GO:000561	681	468	0.69	-0.54	
AHsV1000	AHsV10000216	ENSG0000	NR_134966	23177	CEP68	centrosoma	GO:001045	GO:000551	GO:000563	27	59	2.16	1.11	
AHsV1000	AHsV10001329	ENSG0000	NM_015002	23014	FBX021	F-box prot	GO:000651	GO:000367	GO:000015	921	830	0.90	-0.15	
H20001538	H200015386	ENSG0000	NM_014975	22983	MAST1	microtubule	GO:000646	GO:000028	GO:000562	97	81	0.84	-0.26	
H20000103	H200001031	ENSG0000	NM_007286	11346	SYNPO	synaptopod	GO:003223	GO:000377	GO:0001725	stress fib	4			
AHsV1000	AHsV10002356	ENSG0000	NM_007270	11328	FKBP9	FK506 bind	GO:000041	GO:000375	GO:000578	17	59	3.46	1.79	
CHsGV100	CHsGV100018	ENSG0000	NM_030797	81553	FAM49A	family with	-	-	GO:000562	28	143	5.10	2.35	
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_006722	80233	FAAP100	Fanconi an	GO:000628	GO:000367	GO:000565	15	21	1.42	0.50	
H20000936	H200009369	ENSG0000	NM_025130	80201	HKDC1	hexokinase	GO:000167	GO:000434	GO:0005829	cytosol				
H20001427	H200014276	ENSG0000	XM_005257	79902	NUP85	nucleoporin	GO:000027	GO:000551	GO:000077	1189	1056	0.89	-0.17	
AHsV1000	AHsV10003278	ENSG0000	NM_024816	79874	RABEP2	rabaptin, R	GO:000689	GO:000509	GO:000573	21	35	1.63	0.71	
H20000432	H200004329	ENSG0000												

AHsV1000	AHsV10000336	ENSG0000	NM_015896	51364	ZMYND10	zinc finger	GO:003615	GO:000551	GO:0005737 cytoplasm	7				
H30001996	H300019960	ENSG0000	NM_001134	55573	CDV3	CDV3 hom	GO:000828	GO:000367	GO:000573	200	267	1.33	0.42	
AHsV1000	AHsV10000607	ENSG0000	XM_011516	55253	TYW1	tRNA-yW s	GO:000640	GO:000550	-	96	90	0.94	-0.10	
CHsGV100	CHsGV100028	ENSG0000	NM_001317	55233	MOB1A	MOB kinas	GO:003532	GO:000551	GO:000582	1120	1270	1.13	0.18	
H20001168	H200011684	ENSG0000	XM_011523	55065	SLC52A1	solute carr	GO:003221	GO:000161	GO:000588	50	42	0.85	-0.24	
H20000185	H200001855	ENSG0000	NM_017956	55039	TRMT12	tRNA meth	GO:000640	GO:000551	-	204	127	0.62	-0.69	
AHsV1000	AHsV10002640	ENSG0000	NM_001031	54859	ELP6	elongator a	GO:000632	GO:000367	GO:003358	1003	1135	1.13	0.18	
H20000194	H200001940	ENSG0000	NM_001193	54829	ASPN	asporin	GO:000646	GO:000486	GO:000578 proteinaceous extracellular matri					
AHsV1000	AHsV10000365	ENSG0000	NM_015130	23158	TBC1D9	TBC1 doma	GO:004354	GO:000509	-					
CHsGV100	CHsGV100039	ENSG0000	XM_005251	23137	SMC5	structural r	GO:000072	GO:000551	GO:000078	112	134	1.20	0.26	
H20000448	H200004487	ENSG0000	NM_012242	22943	DKK1	dickkopf W	GO:000012	GO:000487	GO:000576 extracellular region,GO:0005615					
H20000796	H200007967	ENSG0000	XM_011509	22920	KIFAP3	kinesin ass	GO:000646	GO:000551	GO:000079	411	345	0.84	-0.25	
AHsV1000	AHsV10003578	ENSG0000	NM_014139	11280	SCN11A	sodium volt	GO:000681	GO:000524	GO:0001518 voltage-gated sodium channel cc					
AHsV1000	AHsV10003260	ENSG0000	NM_001184	11252	PACSIN2	protein kin	GO:003003	GO:000521	GO:000565	275	471	1.71	0.77	
DHsGV100	DHsGV1000138	-	-	-	-	-	-	-	-	35	39	1.09	0.13	
DHsGV100	DHsGV1000207	ENSG0000	NM_001242	100128496	C20orf78	chromosom	-	-	-	7	12	1.88	0.91	
AHsV1000	AHsV10002519	ENSG0000	NR_030726	1104	RCC1	regulator o	GO:000008	GO:000368	GO:000079	104	145	1.40	0.49	
DHsGV100	DHsGV100045	-	NG_031967	80230	RUFY1	RUN and F	GO:000689	GO:000551	GO:000563	50	43	0.86	-0.21	
AHsV1000	AHsV10001773	-	-	-	-	-	-	-	-					
DHsGV100	DHsGV1000547	ENSG0000	NR_036488	100499467	LINC00673	long interge	-	-	-		7			
CHsGV100	CHsGV100031	ENSG0000	NM_153268	257068	PLCXD2	phosphatid	GO:000716	GO:000487	-		5			
AHsV1000	AHsV10002936	ENSG0000	NR_033289	256356	GK5	glycerol kin	GO:001631	GO:000437	GO:000573	53	68	1.29	0.37	
AHsV1000	AHsV10000673	ENSG0000	NR_033851	221756	SERPINB9	serpin pept	-	-	-		5			
H30001118	H300011180	ENSG0000	NR_104442	221468	TMEM217	transmemb	-	-	GO:001602	62	55	0.89	-0.16	
CHsGV100	CHsGV1000184	ENSG0000	NM_178862	201595	STT3B	STT3B, cat	GO:000651	GO:000457	GO:000578	485	570	1.17	0.23	
CHsGV100	CHsGV1000324	ENSG0000	NM_145702	200765	TIGD1	tigger trans	-	GO:000367	GO:000563	30	30	1.01	0.01	
AHsV1000	AHsV10000576	ENSG0000	XM_011519	83641	FAM107B	family with	GO:000760	-	-		35			
CHsGV100	CHsGV1000366	ENSG0000	NM_020063	343472	BARHL2	BarH like h	GO:000170	GO:000097	GO:0005634 nucleus,GO:0005654 nucleoplasm					
AHsV1000	AHsV10002488	-	NM_001143	342900	LEUTX	leucine twe	GO:000635	GO:004356	GO:0005634 nucleus					
AHsV1000	AHsV10002587	ENSG0000	XM_011536	317762	CCDC85C	coiled-coil	GO:002198	-	GO:0005923 bicellular		3			
CHsGV100	CHsGV1000123	ENSG0000	NM_001144	286205	SCAI	suppressor	GO:000635	GO:000371	GO:000563	8	14	1.73	0.79	
H20000962	H200009621	ENSG0000	XM_011525	92579	G6PC3	glucose 6 p	GO:000597	GO:000434	GO:000578	76	83	1.09	0.12	
CHsGV100	CHsGV1000175	ENSG0000	NM_001007	92255	LMBRD2	LMBR1 dor	-	-	GO:001602	20	32	1.59	0.67	
AHsV1000	AHsV10000528	ENSG0000	NM_001320	89876	MAATS1	MYCBP-as	-	GO:000551	GO:0005739 mitochondrion					
AHsV1000	AHsV10003469	ENSG0000	NM_173568	89766	UMODL1	uromodulin	GO:000733	GO:000550	GO:0005615 extracellular space,GO:0005737 c					
H20001954	H200019548	ENSG0000	NM_001308	84873	ADGRG7	adhesion G	GO:000716	GO:000493	GO:0016021 integral component of membrane					
CHsGV100	CHsGV1000144	ENSG0000	NM_139239	84807	NFKBID	NFKB inhib	GO:000635	GO:000371	GO:0005634 nucleus		10			
CHsGV100	CHsGV1000401	ENSG0000	NM_032324	84284	NTPCR	nucleoside	GO:001631	GO:000552	GO:001602	410	371	0.90	-0.14	
CHsGV100	CHsGV1000036	ENSG0000	XM_006714	84249	PSD2	pleckstrin a	GO:003201	GO:000508	GO:0016021 integral component of membrane					
AHsV1000	AHsV10003097	ENSG0000	XM_006718	55761	TTC17	tetratricop	GO:003004	GO:000551	GO:000573	85	103	1.22	0.29	
DHsGV100	DHsGV1000423	ENSG0000	-	-	RP11-467L	-	-	-	-	14	19	1.34	0.42	
AHsV1000	AHsV10000309	-	-	-	-	-	-	-	-	11	13	1.19	0.25	
DHsGV100	DHsGV1000087	-	-	-	-	-	-	-	-	20	21	1.03	0.04	
DHsGV100	DHsGV1000414	ENSG0000	XR_940174	105374775	LOC105374	uncharacte	-	-	-	6	12	2.21	1.15	
AHsV1000	AHsV10001982	ENSG0000	NM_178516	283849	EXOC3L1	exocyst co	GO:000688	GO:000014	GO:0000145 exocyst,GO:0030133 transport ve					
H30000928	H300009289	ENSG0000	XM_011536	283629	TSSK4	testis spec	GO:000646	GO:000028	GO:0005737 cytoplasm		6			
AHsV1000	AHsV10002347	ENSG0000	NR_130719	255649	OOSP1	oocyte sec	-	-	GO:0005576 extracellu		3			
CHsGV100	CHsGV1000027	ENSG0000	NM_152769	255057	CBARP	CACN beta	GO:004595	GO:004432	GO:000588	51	41	0.82	-0.29	
CHsGV100	CHsGV1000393	ENSG0000	NM_152729	221294	NT5DC1	5'-nucleoti	GO:001631	GO:000825	-	55	73	1.31	0.39	
AHsV1000	AHsV10002491	ENSG0000	XM_011519	79741	CCDC7	coiled-coil	-	-	-		23			
AHsV1000	AHsV10001918	ENSG0000	NM_032449	200014	CC2D1B	coiled-coil	GO:000012	GO:000097	GO:0005634 nucleus,G		4			
CHsGV100	CHsGV1000136	ENSG0000	NM_199126	199704	ZNF585A	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634 nucleus		7			
H20001374	H200013742	ENSG0000	XM_005269	83448	PUS7L	pseudourid	GO:000152	GO:000372	-	98	111	1.13	0.18	
AHsV1000	AHsV10001741	ENSG0000	NM_001292	340990	OTOG	otogelin	GO:000760	GO:000519	GO:0005615 extracellular space,GO:0016324 a					
AHsV1000	AHsV10002655	ENSG0000	NM_001024	340526	RGAG4	retrotransp	-	-	-					
DHsGV100	DHsGV1000038	-	-	-	-	-	-	-	-		4			
H30000220	H300002200	ENSG0000	NM_001297	285521	COX18	COX18 cyt	GO:000853	GO:000856	GO:003130	179	215	1.20	0.26	
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	XR_943558	91828	EXOC3L4	exocyst co	GO:000688	GO:000014	GO:0000145 exocyst		10			
CHsGV100	CHsGV1000077	ENSG0000	NM_173465	91522	COL23A1	collagen ty	GO:002261	GO:000551	GO:000558	44	34	0.79	-0.34	
AHsV1000	AHsV10002396	ENSG0000	NM_152643	85442	KNDC1	kinase non	GO:000193	GO:000367	GO:0005575 cellular_cd		5			
AHsV1000	AHsV10002411	ENSG0000	NM_001080	85302	FBF1	Fas (TNFR	GO:000699	GO:000551	GO:0000922 spindle pc		3			
CHsGV100	CHsGV1000037	ENSG0000	NM_001001	84717	HDGFRP2	hepatoma-	GO:000635	GO:000367	GO:000563	184	168	0.91	-0.13	
AHsV1000	AHsV10003129	ENSG0000	XR_932954	84656	GLYR1	glyoxylate	GO:005511	GO:000367	GO:000565	62	81	1.30	0.38	
AHsV1000	AHsV10002162	ENSG0000	NM_017698	84187	TMEM164	transmemb	-	-	GO:001602	9	16	1.84	0.88	
H20001970	H200019706	ENSG0000	XM_011523	9057	SLC7A6	solute carr	GO:000646	GO:001517	GO:000588	100	94	0.94	-0.09	
AHsV1000	AHsV10002841	ENSG0000	NR_073026	55713	ZNF334	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634 nucleus					
DHsGV100	DHsGV1000436	-	-	-	-	-	-	-	-		10			
DHsGV100	DHsGV1000495	-	-	-	-	-	-	-	-	7	11	1.57	0.65	
AHsV1000	AHsV10000606	-	-	-	-	-	-	-	-					
DHsGV100	DHsGV1000487	ENSG0000	-	-	AC006116.	-	-	-	-					
DHsGV100	DHsGV1000574	ENSG0000	NR_033958	283440	LOC283440	uncharacte	-	-	-	131	110	0.84	-0.25	
CHsGV100	CHsGV1000007	-	NM_001005	283189	OR9G4	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886 plasma membrane,GO:0016021 in					
CHsGV100	CHsGV100035	ENSG0000	NM_001130	254173	TTLL10	tubulin tyr	GO:001809	GO:000551	-					
CHsTV100	CHsTV1000019	ENSG0000	NM_001003	253175	CDY1B	chromodom	GO:000728	GO:000440	GO:0005634 nucleus					
CHsGV100	CHsGV1000116	ENSG0000	XM_006718	219902	TMEM136	transmemb	-	-	GO:001602	38	29	0.76	-0.40	
DHsGV100	DHsGV1000392	-	NG_027936	24145	PANX1	pannexin 1	GO:000293	GO:000202	GO:000578	4	9	2.26	1.18	
AHsV1000	AHsV10001976	ENSG0000	XM_011521	196951	FAM227B	family with	-	-	-	23	37	1.62	0.70	
AHsV1000	AHsV10000131	ENSG0000	NM_020869	100506627	DCDC5	doublecorti	GO:003555	-	GO:0005622 intracellular					
CHsGV100	CHsGV1000226	ENSG0000	XR_928814	81796	SLCO5A1	solute carr	GO:004325	GO:001534	GO:0005887 integral c		4			
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_178342	339883	C3orf35	chromosom	-	-	GO:0016021 integral c		8			
H30000625	H300006253	ENSG0000	NM_001308	339487	ZBTB8OS	zinc finger	GO:000638	GO:004687	GO:000565	553	666	1.20	0.27	
AHsV1000	AHsV10000163	ENSG0000	NM_001159	285231	FBXW12	F-box and	-	-	-					
DHsGV100	DHsGV1000024	-	NR_038911	284889	MIF-AS1	MIF antiser	-	-	-	28	23	0.83	-0.27	
AHsV1000	AHsV10002912	ENSG0000	NM_001198	91283	MSANTD3	Myb/SANT	-	GO:004280	-	450	443	0.98	-0.02	
H20001054	H200010549	ENSG0000	XM_005272	90990	KIFC2	kinesin fam	GO:000701	GO:000377	GO:000573	89	98	1.10	0.14	
CHsGV100	CHsGV1000066	ENSG0000	NM_001297	85013	TMEM128	transmemb	GO:000815	GO:000367	GO:000557	285	277	0.97	-0.04	
CHsGV100	CHsGV1000062	ENSG0000	NM_001039	84960	CCDC183	coiled-coil	-	-	-					

AHsV1000	AHsV10000651	ENSG0000	NM_001286	84071	ARMC2	armadillo re	-	GO:000551	-						
AHsV1000	AHsV10002642	ENSG0000	NM_032029	83953	FCAMR	Fc fragmen	GO:000225	-	GO:0005886	plasma m	4				
H20000330	H200003302	ENSG0000	NM_001193	55657	ZNF692	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	183	161	0.88	-0.18		
DHsGV100	DHsGV1000457	-	-	-	-	-	-	-	-		7				
DHsGV100	DHsGV1000535	-	XM_011516	105375620	LOC10537	basic saliva	-	-	-	129	100	0.77	-0.37		
CHsGV100	CHsGV1000340	ENSG0000	NM_001101	729920	ISPD	isoprenoid	GO:000741	GO:005051	-	4	10	2.44	1.28		
DHsGV100	DHsGV1000179	-	-	-	-	-	-	-	-						
AHsV1000	AHsV10002317	ENSG0000	NM_170746	280636	C11orf31	chromosom	-	GO:004482	-	1652	1757	1.06	0.09		
CHsGV100	CHsGV1000227	ENSG0000	XM_011521	259232	NALCN	sodium lea	GO:000681	GO:000524	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021 in					
AHsV1000	AHsV10001102	ENSG0000	NM_001037	245930	DEFB116	defensin be	GO:004274	-	GO:0005576	extracellular region,GO:0009986					
AHsV1000	AHsV10003104	ENSG0000	NM_001286	222545	GPRC6A	G protein-c	GO:000718	GO:000493	GO:0005622	intracellular,GO:0005886	plasma				
CHsGV100	CHsGV1000324	ENSG0000	NM_198465	203447	NRK	Nik related	GO:000725	GO:000467	GO:0005737	cytoplasm					
DHsGV100	DHsGV1000026	ENSG0000	NR_028090	202781	PAXIP1-AS	PAXIP1 an	-	-	-	345	412	1.19	0.26		
AHsV1000	AHsV10002865	ENSG0000	NM_015338	171023	ASXL1	additional s	GO:000012	GO:000367	GO:000079	146	180	1.23	0.30		
opHsV0400	opHsV0400009	ENSG0000	XM_011539	170371	C10orf128	chromosom	-	-	GO:001602	226	164	0.72	-0.47		
AHsV1000	AHsV10002556	ENSG0000	XM_011540	81603	TRIM8	tripartite m	GO:001050	GO:000827	GO:000565	172	228	1.32	0.40		
DHsGV100	DHsGV1000036	ENSG0000	-	-	CTD-2020	-	-	-	-	22	22	1.00	0.00		
CHsGV100	CHsGV1000308	ENSG0000	XR_242697	338596	ST8SIA6	ST8 alpha	GO:000157	GO:000837	GO:000013	6	17	2.68	1.42		
AHsV1000	AHsV10000136	ENSG0000	NM_001040	284612	SYPL2	synaptophy	GO:000681	GO:000521	GO:0030285	integral component of synaptic v					
DHsGV100	DHsGV1000194	ENSG0000	NR_040029	284395	LOC28439	uncharacte	-	-	-		7				
H30001413	H300014138	ENSG0000	XM_011522	90527	DUOXA1	dual oxidas	GO:001503	-	GO:000578	10	17	1.60	0.68		
AHsV1000	AHsV10002321	ENSG0000	XM_005263	90231	KIAA2013	KIAA2013	-	-	GO:001602	164	157	0.96	-0.06		
AHsV1000	AHsV10001196	ENSG0000	NM_001258	84936	ZFYVE19	zinc finger	GO:000704	GO:000551	GO:000573	127	144	1.13	0.18		
CHsGV100	CHsGV1000027	ENSG0000	NM_032824	84910	TMEM87B	transmemb	-	-	GO:001602	68	114	1.68	0.75		
H30001798	H300017981	ENSG0000	NM_001130	84448	ABLIM2	actin bindir	GO:000635	GO:000377	GO:001562	15	17	1.10	0.14		
CHsGV100	CHsGV1000387	ENSG0000	XM_006718	84333	PCGF5	polycomb g	GO:000635	GO:000551	GO:000563	21	34	1.60	0.68		
AHsV1000	AHsV10000548	ENSG0000	NM_031957	83895	KRTAP1-5	keratin ass	GO:000815	GO:000367	GO:0005575	cellular cd	3				
CHsGV100	CHsGV1000107	ENSG0000	NM_031854	83755	KRTAP4-1	keratin ass	-	GO:000551	GO:0045095	keratin filament					
AHsV1000	AHsV10000251	ENSG0000	NM_017666	55609	ZNF280C	zinc finger	GO:000012	GO:000122	GO:000563	28	47	1.68	0.75		
H30001215	H300012150	ENSG0000	XM_005249	107	ADCY1	adenylate d	GO:000309	GO:000401	GO:0005634	nucleus,G	3				
AHsV1000	AHsV10000914	ENSG0000	NM_001281	11045	UPK1A	uroplakin 1	GO:000716	GO:004280	GO:000578	36	38	1.04	0.06		
DHsGV100	DHsGV1000177	-	-	-	-	-	-	-	-	16	15	0.89	-0.17		
DHsGV100	DHsGV1000200	-	NG_009307	51085	MLXIPL	MLX intera	GO:000012	GO:000097	GO:0005634	nucleus,GO:0005654	nucleoplasm				
DHsGV100	DHsGV1000427	-	-	-	-	-	-	-	-	56	44	0.79	-0.34		
DHsGV100	DHsGV1000067	ENSG0000	XM_011532	285423	LOC28542	uncharacte	-	-	-						
DHsGV100	DHsGV1000133	-	-	-	-	-	-	-	-	12	16	1.30	0.38		
DHsGV100	DHsGV1000331	-	XM_002342	100287387	LOC10028	uncharacte	-	-	-		3				
DHsGV100	DHsGV1000296	-	-	-	-	-	-	-	-						
DHsTV100	DHsTV1000004	ENSG0000	-	-	AC010894	-	-	-	-	55	46	0.83	-0.27		
DHsGV100	DHsGV1000169	ENSG0000	NR_037900	100130172	LOC10013	uncharacte	-	-	-		9				
DHsGV100	DHsGV1000555	ENSG0000	-	-	RP11-354M	-	-	-	-						
DHsGV100	DHsGV1000439	ENSG0000	-	100129315	VN1R66P	vomeronas	-	-	-		6				
DHsGV100	DHsGV1000545	ENSG0000	XM_011517	51305	KCNK9	potassium	GO:000681	GO:000524	GO:000588	25	27	1.06	0.09		
DHsGV100	DHsGV1000039	-	-	-	-	-	-	-	-	14	16	1.20	0.26		
DHsGV100	DHsGV1000006	-	-	-	-	-	-	-	-	26	27	1.01	0.01		
DHsGV100	DHsGV1000358	-	-	-	-	-	-	-	-						
DHsGV100	DHsGV1000370	ENSG0000	NM_018955	7314	UBB	ubiquitin B	GO:000008	GO:000551	GO:000561	10	10	0.99	-0.02		
DHsGV100	DHsGV1000548	ENSG0000	XR_430718	102724986	LOC10272	uncharacte	-	-	-						
DHsGV100	DHsGV1000251	ENSG0000	XM_011523	136	ADORA2B	adenosine	GO:000018	GO:000160	GO:000562	50	43	0.86	-0.22		
DHsGV100	DHsGV1000354	-	-	-	-	-	-	-	-	21	19	0.93	-0.10		
DHsGV100	DHsGV1000028	-	-	-	-	-	-	-	-		3				
AHsV1000	AHsV10003123	ENSG0000	NM_001007	389118	CDHR4	cadherin re	GO:000715	GO:000550	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021 in					
DHsGV100	DHsGV1000089	-	-	-	-	-	-	-	-	36	37	1.02	0.03		
DHsGV100	DHsGV1000554	ENSG0000	NR_111929	375190	FAM228B	family with	GO:004874	-	-		14				
CHsGV100	CHsGV1000100	ENSG0000	NM_199339	374768	SPEM1	spermatid r	GO:000729	-	GO:0005737	cytoplasm,GO:0016021	integral c				
H20000858	H200008589	ENSG0000	NM_001039	245973	ATP6V1C2	ATPase H+	GO:000687	GO:000551	GO:0005765	lysosomal	6				
DHsGV100	DHsGV1000300	-	-	-	-	-	-	-	-	30	35	1.15	0.21		
DHsGV100	DHsGV1000039	ENSG0000	NM_017638	54797	MED18	mediator c	GO:000635	GO:000110	GO:001659	189	148	0.79	-0.35		
DHsGV100	DHsGV1000323	-	NG_033014	10497	UNC13B	unc-13 hor	GO:000691	GO:000487	GO:0005737	cytoplasm	6				
DHsGV100	DHsGV1000483	-	-	-	-	-	-	-	-	120	104	0.87	-0.21		
DHsGV100	DHsGV1000283	ENSG0000	NM_001162	728392	LOC72839	uncharacte	-	-	-	138	160	1.16	0.22		
DHsGV100	DHsGV1000012	-	NG_012828	1453	CSNK1D	casein kina	GO:000008	GO:000194	GO:0000139	Golgi membrane,GO:0005634	nuc				
DHsGV100	DHsGV1000073	-	-	-	-	-	-	-	-	4	12	3.00	1.58		
AHsV1000	AHsV10001259	ENSG0000	NM_003761	8673	VAMP8	vesicle ass	GO:000689	GO:000014	GO:000573	1149	1468	1.28	0.35		
DHsGV100	DHsGV1000387	ENSG0000	XM_011518	320	APBA1	amyloid bet	GO:000170	GO:000154	GO:000563	7	13	1.90	0.93		
DHsGV100	DHsGV1000351	-	NR_036511	100129917	LOC10012	uncharacte	-	-	-	37	35	0.94	-0.09		
DHsGV100	DHsGV1000091	-	NG_042176	3208	HPCA	hippocalcin	GO:000742	GO:000377	GO:0030424	axon,GO:0032590	dendrite memb				
DHsGV100	DHsGV1000482	ENSG0000	XR_932447	102723640	LOC10272	uncharacte	-	-	-						
DHsGV100	DHsGV1000191	-	-	-	-	-	-	-	-						
DHsGV100	DHsGV1000255	ENSG0000	NG_028985	64746	ACBD3	acyl-CoA b	GO:000669	GO:000006	GO:0000139	Golgi membrane,GO:0005739	mit				
DHsGV100	DHsGV1000143	-	-	-	-	-	-	-	-						
DHsGV100	DHsGV1000189	ENSG0000	NM_001171	91966	CXorf40A	chromosom	-	GO:000551	-						
DHsGV100	DHsGV1000316	-	-	-	-	-	-	-	-						
DHsGV100	DHsGV1000054	-	-	-	-	-	-	-	-	21	22	1.02	0.03		
DHsGV100	DHsGV1000131	-	-	-	-	-	-	-	-	6	9	1.62	0.70		
DHsGV100	DHsGV1000476	-	XR_930745	105376447	LOC10537	uncharacte	-	-	-	60	54	0.89	-0.16		
DHsGV100	DHsGV1000119	ENSG0000	NM_001195	100130890	TSTD3	thiosulfate	-	-	-	78	92	1.18	0.24		
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	NM_001013	388610	TRNP1	TMF1-regu	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus,G	3				
AHsV1000	AHsV10001122	ENSG0000	XM_011523	388341	LRRc75A	leucine rich	-	-	-						
AHsV1000	AHsV10003527	ENSG0000	NM_181808	353497	POLN	polymerase	GO:000072	GO:000367	GO:0005634	nucleus,G	6				
AHsV1000	AHsV10001586	ENSG0000	NM_001256	352909	DNAAF3	dynein (axd	GO:004445	-	GO:000573	294	182	0.62	-0.69		
H20000351	H200003519	ENSG0000	NM_012486	5664	PSEN2	presenilin 2	GO:000166	GO:000417	GO:000013	189	159	0.84	-0.25		
DHsGV100	DHsGV1000037	-	-	-	-	-	-	-	-	97	78	0.81	-0.31		
DHsGV100	DHsGV1000053	-	-	-	-	-	-	-	-		5				
DHsGV100	DHsGV1000482	ENSG0000	NM_001002	126208	ZNF787	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	52	46	0.89	-0.17		
DHsGV100	DHsGV1000398	ENSG0000	XR_922908	284996	RNF149	ring finger	GO:001656	GO:000827	GO:001602	33	33	1.01	0.01		
DHsGV100	DHsGV1000396	-	-	-	-	-	-	-	-		6				
DHsGV100	DHsGV1000156	ENSG0000	XM_011512	9759	HDAC4	histone dea	GO:000012	GO:000102	GO:0000118	histone deacetylase complex,GO					
DHsGV100	DHsGV1000288	-	-	-	-	-	-	-	-		7				

DHsGV100	DHsGV1000127	-	NG_007727	7535	ZAP70	zeta chain	GO:000225	GO:000178	GO:0001772 immunological synapse,GO:00057				
DHsGV100	DHsGV1000556	-	-	-	-	-	-	-	-	8			
AHsV10000	AHsV10000929	ENSG0000	XM_006716	3084	NRG1	neuregulin	GO:000016	GO:000371	GO:0005576 extracellular region,GO:0005615				
DHsGV100	DHsGV1000021	-	-	-	-	-	-	-	-	22	21	0.96	-0.06
DHsGV100	DHsGV1000301	-	-	-	-	-	-	-	-	122	149	1.22	0.29
DHsGV100	DHsGV1000090	ENSG0000	NG_012517	5127	CDK16	cyclin-depe	GO:000646	GO:000467	GO:000573	82	65	0.80	-0.33
DHsTV100	DHsTV1000016	-	-	-	-	-	-	-	-	3			
DHsGV100	DHsGV1000248	-	-	-	-	-	-	-	-	5	8	1.74	0.80
DHsGV100	DHsGV1000264	-	-	-	-	-	-	-	-	40	20	0.49	-1.02
DHsGV100	DHsGV1000050	-	-	-	-	-	-	-	-	50	35	0.69	-0.53
DHsGV100	DHsGV1000071	-	-	-	-	-	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000337	-	-	-	-	-	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000444	-	-	-	-	-	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000259	-	-	-	-	-	-	-	-	9	9	1.03	0.05
CHsGV100	CHsGV1000268	ENSG0000	XM_006719	387837	CLEC12B	C-type lec	-	GO:003024	GO:0005886 plasma membrane,GO:0016021 in				
CHsGV100	CHsGV1000350	ENSG0000	NR_045791	387338	NSUN4	NOP2/Sun	GO:003116	GO:000551	GO:000576	124	167	1.35	0.43
AHsV10000	AHsV10000724	ENSG0000	XM_011524	348235	SKA2	spindle and	GO:000027	GO:000551	GO:000094	138	168	1.22	0.29
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	NM_001011	347527	ARSH	arylsulfatas	GO:000666	GO:000406	GO:000578	10	14	1.37	0.46
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_001303	1265	CNN2	calponin 2	GO:000701	GO:000377	GO:000172	273	242	0.88	-0.18
DHsGV100	DHsGV1000124	-	-	-	-	-	-	-	-	63	62	0.98	-0.04
DHsGV100	DHsGV1000122	ENSG0000	XM_011523	254272	TBC1D28	TBC1 doma	-	-	-	4	11	2.51	1.33
DHsGV100	DHsGV1000301	-	-	-	-	-	-	-	-	3			
DHsGV100	DHsGV1000280	-	-	-	-	-	-	-	-	9			
DHsGV100	DHsGV1000239	-	-	-	-	-	-	-	-	32	33	1.02	0.03
DHsGV100	DHsGV1000382	-	-	-	-	-	-	-	-	10			
DHsGV100	DHsGV1000131	ENSG0000	-	-	RP11-691C	-	-	-	-	20	43	2.10	1.07
DHsGV100	DHsGV1000234	-	NG_012528	6756	SSX1	synovial sa	GO:000635	GO:000367	GO:0005634 nucleus				
DHsGV100	DHsGV1000491	ENSG0000	-	-	RP1-72E17	-	-	-	-	15	14	0.89	-0.17
DHsGV100	DHsGV1000553	ENSG0000	XR_927317	100507421	TMEM178E	transmemb	-	-	GO:0016021 integral component of membrane				
DHsGV100	DHsGV1000126	ENSG0000	NR_024008	152641	WWC2-AS2	WWC2 anti	-	-	-	20	25	1.29	0.36
DHsGV100	DHsGV1000195	-	XM_003959	101059906	LOC101059	collagen alp	-	-	-	31	29	0.92	-0.12
DHsGV100	DHsGV1000524	ENSG0000	NM_001271	54494	C11orf71	chromosom	-	-	-		10		
DHsGV100	DHsGV1000106	-	-	-	-	-	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000495	-	-	-	-	-	-	-	-	21	21	1.00	0.00
DHsGV100	DHsGV1000472	ENSG0000	-	-	RP11-822F	-	-	-	-		9		
DHsGV100	DHsGV1000072	-	-	-	-	-	-	-	-	7	8	1.12	0.17
DHsGV100	DHsGV1000528	ENSG0000	-	401014	TEX41	testis expr	-	-	-	10	16	1.56	0.64
DHsGV100	DHsGV1000445	-	NR_109767	100131315	LOC100131	uncharacte	-	-	-		6		
DHsGV100	DHsGV1000012	-	XM_011533	10777	ARPP21	cAMP regu	GO:000815	GO:000367	GO:0005575 cellular_component,GO:0005737				
DHsGV100	DHsGV1000465	-	NG_028942	8301	PICALM	phosphatid	GO:000646	GO:000551	GO:000563	1721	1461	0.85	-0.24
AHsV10000	AHsV10001921	ENSG0000	-	379034	LINC01181	long interge	-	-	-				
CHsGV100	CHsGV1000062	ENSG0000	XR_929789	375748	ERCC6L2	excision re	GO:000628	GO:000367	GO:000563	27	38	1.43	0.52
CHsGV100	CHsGV1000111	ENSG0000	XM_011516	346606	MOGAT3	monoacylg	GO:000607	GO:000384	GO:000578	31	25	0.80	-0.32
DHsGV100	DHsGV1000242	ENSG0000	NR_028301	344595	DUBR	DPPA2 ups	-	-	-	15	18	1.19	0.25
H20000403	H200004032	ENSG0000	NM_001011	84108	PCGF6	polycomb g	GO:000012	GO:000097	GO:000563	729	634	0.87	-0.20
H30000456	H300004567	ENSG0000	XM_006716	26267	FBXO10	F-box prot	GO:000691	GO:000484	GO:000015	40	44	1.08	0.11
H30001949	H300019490	ENSG0000	XM_011544	10068	IL18BP	interleukin	GO:003249	GO:004200	GO:000557	115	88	0.77	-0.38
H20000505	H200005059	ENSG0000	XM_011542	7252	TSHB	thyroid stin	GO:000718	GO:000517	GO:0005576 extracellu		8		
H30001272	H300012726	ENSG0000	NR_045553	7059	THBS3	thrombospd	GO:000341	GO:000550	GO:000557	143	128	0.90	-0.16
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_130445	80781	COL18A1	collagen ty	GO:000152	GO:000519	GO:000557	216	179	0.83	-0.27
H20000218	H200002182	ENSG0000	NR_048537	23315	SLC9A8	solute carr	GO:000681	GO:001538	GO:000013	94	87	0.93	-0.11
H20001763	H200017633	ENSG0000	NM_021794	11085	ADAM30	ADAM met	GO:000650	GO:000422	GO:0005886 plasma m		8		
H20000829	H200008298	ENSG0000	XM_005268	8748	ADAM20	ADAM met	GO:000650	GO:000422	GO:000588	163	148	0.91	-0.14
H20000410	H200004108	ENSG0000	XM_005257	8506	CNTNAP1	contactin a	GO:000217	GO:000487	GO:000588	16	16	1.05	0.07
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_005012	4919	ROR1	receptor ty	GO:000716	GO:000471	GO:000573	12	13	1.06	0.08
H20001022	H200010221	ENSG0000	NM_005582	4064	CD180	CD180 mol	GO:000232	-	GO:0005886 plasma m		6		
H20001385	H200013853	ENSG0000	NM_001732	696	BTN1A1	butyrophilir	-	GO:000487	GO:000561	5	10	1.78	0.83
H20000554	H200005542	ENSG0000	NM_015685	27111	SDCBP2	syndecan b	GO:000739	GO:000551	GO:000573	27	28	1.03	0.04
H20000061	H200000613	ENSG0000	XM_006715	10371	SEMA3A	semaphorin	GO:000175	GO:003021	GO:0005576 extracellu		10		
H30000610	H300006108	ENSG0000	XM_011522	146223	CMTM4	CKLF like	GO:000693	GO:000512	GO:000561	21	27	1.30	0.37
H30000334	H300003347	ENSG0000	NM_080751	117532	TMC2	transmemb	GO:005091	GO:000524	GO:0016021 integral c		3		
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001142	57121	LPAR5	lysophosph	GO:000718	GO:000367	GO:000557	53	54	1.02	0.02
H30001155	H300011553	ENSG0000	NM_014825	9875	URB1	URB1 ribos	GO:000815	GO:004482	GO:000573	29	29	0.99	-0.02
H30000215	H300002155	ENSG0000	-	399942	TUBAP2	tubulin, alp	-	-	-	16709	11554	0.69	-0.53
H20000189	H200001892	ENSG0000	NM_001243	214	ALCAM	activated le	GO:000225	GO:000510	GO:0001772 immunolo		14		
DHsGV100	DHsGV1000178	-	-	-	-	-	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000234	ENSG0000	XM_011523	6398	SECTM1	secreted at	GO:000695	GO:000487	GO:000561	21	17	0.78	-0.36
DHsGV100	DHsGV1000225	-	-	-	-	-	-	-	-	38	40	1.04	0.05
DHsGV100	DHsGV1000240	-	-	-	-	-	-	-	-	11	13	1.20	0.27
DHsGV100	DHsGV1000181	ENSG0000	-	-	AP001425.	-	-	-	-				
H30001901	H300019019	ENSG0000	NM_007212	6045	RNF2	ring finger	GO:000012	GO:000368	GO:000015	250	278	1.11	0.15
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XR_245720	7011	TEP1	telomerase	GO:000072	GO:000203	GO:000078	21	23	1.08	0.11
H20000054	H200000549	ENSG0000	NM_002704	5473	PPBP	pro-platele	GO:000252	GO:000535	GO:000557	17	20	1.13	0.18
H20001551	H200015514	ENSG0000	NM_000239	4069	LYZ	lysozyme	GO:000189	GO:000379	GO:000557	111	201	1.82	0.86
H20001494	H200014944	ENSG0000	NM_006552	10648	SCGB1D1	secretoglob	-	GO:004698	GO:000561	14	22	1.60	0.67
H20000628	H200006280	ENSG0000	NM_000542	6439	SFTPB	surfactant	GO:000666	GO:000166	GO:000557	79	76	0.96	-0.06
H30000628	H300006288	ENSG0000	NM_001278	10818	FRS2	fibroblast g	GO:000016	GO:000506	GO:000576	9	18	1.94	0.96
H30001998	H300019983	ENSG0000	NM_001271	10402	ST3GAL6	ST3 beta-g	GO:000157	GO:000383	GO:0000139 Golgi membrane,GO:0016021 inte				
H20000517	H200005179	ENSG0000	NM_021194	7779	SLC30A1	solute carr	GO:000170	GO:000538	GO:000573	120	105	0.88	-0.19
H30000742	H300007429	ENSG0000	NM_005076	6900	CNTN2	contactin 2	GO:000022	GO:000194	GO:0005886 plasma m		3		
H20001086	H200010863	ENSG0000	NR_103458	3781	KCNN2	potassium	GO:000681	GO:000551	GO:0005790 smooth endoplasmic reticulum,GO				
H20001156	H200011564	ENSG0000	NM_001544	3386	ICAM3	intercellula	GO:000715	GO:000517	GO:000561	279	161	0.58	-0.79
H30001621	H300016217	ENSG0000	NM_005445	9126	SMC3	structural r	GO:000027	GO:000368	GO:000077	239	312	1.31	0.39
H20001231	H200012313	ENSG0000	XM_011516	6677	SPAM1	sperm adhe	GO:000597	GO:000441	GO:000588	9	10	1.14	0.19
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001304	2994	GYPB	glycophorin	-	GO:000551	GO:000588	885	1002	1.13	0.18
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001281	114798	SLITRK1	SLIT and N	GO:000740	-	GO:0016021 integral component of membrane				
H20001976	H200019764	ENSG0000	XM_011523	85320	ABCC11	ATP bindin	GO:000815	GO:000552	GO:0005886 plasma membrane,GO:0005887 in				
H30002089	H300020897	ENSG0000	NM_022405	54716	SLC6A20	solute carr	GO:000333	GO:000532	GO:0005886 plasma m		3		
H30001868	H300018684	ENSG0000	NM_015884	51360	MBTPS2	membrane	GO:000820	GO:000422	GO:000013	93	99	1.06	0.08

H30002178	H300021787	ENSG0000	XM_006711	163486	DENND1B	DENN dom	GO:001503	GO:001711	GO:000582	31	65	2.09	1.06
H20001093	H200010932	ENSG0000	XM_011525	57597	BAHCC1	BAH domai	GO:000634	GO:000097	GO:000078	19	25	1.31	0.39
DHsGV100	DHsGV1000172	ENSG0000	NM_015063	6543	SLC8A2	solute carr	GO:000681	GO:000543	GO:000588	15	12	0.79	-0.34
DHsTV100	DHsTV1000010	-	NG_022928	9612	NCOR2	nuclear rec	GO:000012	GO:000367	GO:000011	27	27	1.00	0.00
DHsGV100	DHsGV1000063	-	-	-	-	-	-	-	-	-	8	-	-
DHsGV100	DHsGV1000329	ENSG0000	-	-	RP11-354F	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000066	ENSG0000	-	8662	EIF3B	eukaryotic	GO:000173	GO:000016	GO:0005654 nucleopla	-	7	-	-
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NR_047595	55835	CENPJ	centromere	GO:000008	GO:000551	GO:000581	244	327	1.34	0.42
H20000548	H200005487	ENSG0000	NM_052863	92304	SCGB3A1	secretoglob	GO:003030	GO:000512	GO:000561	39	31	0.79	-0.35
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_002170	3445	IFNA8	interferon,	GO:000225	GO:000512	GO:000557	116	114	0.98	-0.03
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_000820	2621	GAS6	growth arre	GO:000176	GO:000178	GO:000557	47	37	0.80	-0.32
H20002010	H200020109	ENSG0000	XM_005252	3263	HPX	hemopexin	GO:000263	GO:000551	GO:000557	16	18	1.15	0.20
H20001407	H200014070	ENSG0000	NM_001134	174	AFP	alpha fetop	GO:000154	GO:004687	GO:000561	57	51	0.89	-0.16
H30001724	H300017247	ENSG0000	XM_005253	10060	ABCC9	ATP bindin	GO:000681	GO:000521	GO:0005886 plasma membrane,GO:0008076 v	-	-	-	-
H20001153	H200011536	ENSG0000	XM_006719	9746	CLSTN3	calsyntenin	GO:000155	GO:000550	GO:000013	46	36	0.78	-0.36
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_003055	6572	SLC18A3	solute carr	GO:000726	GO:000527	GO:0005886 plasma membrane,GO:0005887 in	-	-	-	-
H20000030	H200000308	ENSG0000	NM_001134	6533	SLC6A6	solute carr	GO:000333	GO:000532	GO:000588	162	130	0.80	-0.32
H30000101	H300001015	ENSG0000	NM_000173	2811	GP1BA	glycoprotei	GO:000090	GO:000486	GO:0005737 cytoplasm,GO:0005886 plasma m	-	-	-	-
H20000011	H200000114	ENSG0000	NM_001278	2323	FLT3LG	fms related	GO:000193	GO:000510	GO:000561	4	12	2.99	1.58
H30000929	H300009296	ENSG0000	NM_005140	1260	CNGA2	cyclic nucl	GO:000699	GO:000522	GO:000013	9	11	1.29	0.37
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	406875	FXYD6P3	FXYD doma	GO:003422	GO:000521	GO:001602	55	45	0.83	-0.27
H30000580	H300005800	ENSG0000	XM_011515	340273	ABCB5	ATP bindin	GO:000248	GO:000552	GO:0005886 plasma m	9	-	-	-
H30001894	H300018940	ENSG0000	XR_946772	81849	ST6GALNA	ST6 (alpha	GO:000157	GO:000166	GO:0000139 Golgi men	8	-	-	-
H20000330	H200003305	ENSG0000	XM_011545	80270	HSD3B7	hydroxy-de	GO:000669	GO:000385	GO:000557	31	33	1.06	0.09
H20001276	H200012767	ENSG0000	NM_001080	50651	SLC45A1	solute carr	GO:000864	GO:001529	GO:001602	175	143	0.82	-0.29
H20000223	H200002233	ENSG0000	NM_014182	29095	ORMDL2	ORMDL sp	GO:000667	-	GO:000578	264	184	0.70	-0.52
H20002070	H200020704	ENSG0000	-	347442	DCAF8L2	DDB1 and	-	-	-	-	-	-	-
H30000319	H300003190	-	-	-	-	-	-	-	-	17	21	1.21	0.28
DHsTV100	DHsTV1000003	-	NG_029921	3123	HLA-DRB1	major histo	GO:000238	GO:000161	GO:0000139 Golgi membrane,GO:0005765 lysc	-	-	-	-
AHsV1000	AHsV10000801	ENSG0000	NM_001282	7030	TFE3	transcriptio	GO:000225	GO:000097	GO:000563	116	208	1.79	0.84
DHsGV100	DHsGV1000387	-	-	-	-	-	-	-	-	160	131	0.82	-0.29
DHsGV100	DHsGV1000305	-	-	-	-	-	-	-	-	-	3	-	-
DHsGV100	DHsGV1000081	ENSG0000	XR_935204	147463	ANKRD29	ankyrin rep	-	-	-	-	-	-	-
H20001802	H200018022	ENSG0000	XM_011541	64600	PLA2G2F	phospholipa	GO:000664	GO:000462	GO:000557	4	11	2.64	1.40
H20000890	H200008905	ENSG0000	NM_020525	50616	IL22	interleukin	GO:000695	GO:000512	GO:0005576 extracellu	-	4	-	-
H20001056	H200010566	ENSG0000	NM_001318	335	APOA1	apolipoprot	GO:000152	GO:000154	GO:0005576 extracellu	8	-	-	-
H20001800	H200018009	ENSG0000	NM_022567	60506	NYX	nyctalopin	GO:000646	GO:000367	GO:000557	11	16	1.44	0.52
H30000169	H300001696	-	NM_144691	147968	CAPN12	calpain 12	GO:000650	GO:000419	GO:000562	22	22	1.01	0.01
H20000117	H200001177	ENSG0000	XM_011519	84893	FBXO18	F-box prot	GO:000072	GO:000367	GO:000078	244	215	0.88	-0.18
H20001248	H200012485	ENSG0000	XM_011545	9379	NRXN2	neurexin 2	GO:000715	GO:000488	GO:000562	16	19	1.22	0.29
H20000367	H200003676	ENSG0000	XM_005268	8906	APIG2	adaptor rel	GO:000688	GO:000551	GO:000013	16	22	1.37	0.45
H30001983	H300019838	ENSG0000	NM_003005	6403	SELP	selectin P	GO:000257	GO:000153	GO:0005615 extracellu	4	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001105	5797	PTPRM	protein tyr	GO:000193	GO:000472	GO:000573	260	213	0.82	-0.29
H20000986	H200009868	ENSG0000	XM_006721	1636	ACE	angiotensin	GO:000182	GO:000377	GO:0005576 extracellu	8	-	-	-
H30002035	H300020355	ENSG0000	XM_011515	1180	CLCN1	chloride vo	GO:000693	GO:000524	GO:0005886 plasma m	7	-	-	-
H20000435	H200004350	ENSG0000	NM_005272	2780	GNAT2	guanine nu	GO:000158	GO:000166	GO:000175	4	8	2.12	1.08
H30000060	H300000600	ENSG0000	NM_147196	259236	TMIE	transmemb	GO:000760	-	GO:001602	53	49	0.93	-0.10
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001168	166752	FRAS1	FRAS1 rela	GO:000715	GO:004687	GO:000560	11	18	1.63	0.71
opHsV0400	opHsV0400002	-	NM_172241	64693	CTAGE1	cutaneous	GO:000815	-	GO:0005575 cellular_cd	4	-	-	-
H20001496	H200014965	ENSG0000	NM_022358	60598	KCNK15	potassium	GO:003032	GO:000524	GO:000588	33	34	1.01	0.02
H20000703	H200007039	ENSG0000	NM_001014	27040	LAT	linker for a	GO:000016	GO:000507	GO:000177	10	14	1.47	0.55
H20002028	H200020285	ENSG0000	NM_080671	23704	KCNE4	potassium	GO:003476	GO:000524	GO:001602	6	9	1.60	0.68
H30000577	H300005775	-	-	-	-	-	-	-	-	7	9	1.29	0.37
DHsGV100	DHsGV100047	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000062	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000092	ENSG0000	NR_131900	100506749	AGAP1-IT	AGAP1 int	-	-	-	-	3	-	-
DHsGV100	DHsGV1000461	ENSG0000	NM_030632	80816	ASXL3	additional s	GO:000635	GO:000367	GO:000563	4	8	1.94	0.96
DHsGV100	DHsGV1000201	ENSG0000	-	57452	GALNT16	polypeptide	GO:000648	GO:000465	GO:000013	10	13	1.26	0.33
DHsGV100	DHsGV1000064	-	-	-	-	-	-	-	-	17	17	1.00	0.00
H30002197	H300021972	ENSG0000	NM_001102	22905	EPN2	epsin 2	GO:000170	GO:000551	GO:000565	5	9	1.79	0.84
H30001558	H300015584	ENSG0000	NM_005917	4190	MDH1	malate deh	GO:000223	GO:000447	GO:000561	1696	1562	0.92	-0.12
H30001975	H300019754	ENSG0000	NM_032868	84954	MPND	MPN doma	GO:000650	GO:000823	-	20	24	1.19	0.25
H20001948	H200019483	ENSG0000	XM_005257	84299	MIEN1	migration a	GO:000691	GO:000551	GO:000565	815	706	0.87	-0.21
H20001801	H200018017	ENSG0000	NM_001129	64180	DPEP3	dipeptidase	GO:000650	GO:000823	GO:003122	14	17	1.23	0.30
H20000499	H200004990	ENSG0000	XM_006722	80774	LIMD2	LIM domair	-	GO:000551	-	40	41	1.02	0.03
H20000531	H200005312	ENSG0000	XM_011535	83852	SETDB2	SET domair	GO:000194	GO:000367	GO:000563	27	61	2.24	1.17
H20000642	H200006427	ENSG0000	XR_934354	10948	STARD3	STAR relat	GO:000662	GO:000551	GO:000573	142	145	1.02	0.02
H20001911	H200019111	ENSG0000	NM_001300	79088	ZNF426	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	68	111	1.62	0.70
H20001555	H200015556	ENSG0000	NM_017607	54776	PPP1R12C	protein pho	-	GO:000551	GO:000573	133	158	1.20	0.26
H20001775	H200017758	ENSG0000	NM_033112	88745	RRP36	ribosomal P	GO:000046	GO:004482	GO:000563	829	618	0.75	-0.42
H20001127	H200011272	ENSG0000	NM_001145	4589	MUC7	mucin 7, se	GO:000649	GO:000551	GO:000579	52	52	0.98	-0.03
H30000277	H300002776	ENSG0000	XM_011524	4025	LPO	lactoperox	GO:000158	GO:002003	GO:000561	6	11	1.71	0.78
H20000882	H200008828	ENSG0000	NM_015652	26148	C10orf12	chromosom	-	GO:000551	-	34	36	1.07	0.10
H30001972	H300019728	ENSG0000	NR_024194	10043	TOM1	target of m	GO:000688	GO:000551	GO:000573	45	46	1.01	0.02
H20000721	H200007218	ENSG0000	NM_001184	53336	CPXCR1	CPX chrom	-	GO:004687	-	10	17	1.69	0.76
H20000943	H200009437	ENSG0000	NM_001161	79155	TNIP2	TNFAIP3 ir	GO:000222	GO:000551	GO:000563	103	120	1.17	0.22
H20000992	H200009929	ENSG0000	NR_033342	60680	CELF5	CUGBP, El	GO:000639	GO:000016	GO:000563	16	16	0.98	-0.02
H20000548	H200005483	ENSG0000	NM_001242	54453	RIN2	Ras and Ra	GO:000689	GO:000509	GO:0005575 cellular_cd	10	-	-	-
H30001914	H300019148	ENSG0000	XM_011516	51657	STYXL1	serine/thre	GO:000647	GO:000813	GO:000562	283	280	0.99	-0.02
H20001181	H200011816	ENSG0000	XR_428973	23584	VSIG2	V-set and	-	-	GO:000588	20	25	1.24	0.31
H20000178	H200001780	ENSG0000	XM_011521	23339	VPS39	VPS39, HC	GO:000688	-	GO:000576	103	98	0.95	-0.07
H30002070	H300020702	ENSG0000	NM_001160	8867	SYNJ1	synaptojan	GO:000664	GO:000016	GO:000582	10	18	1.78	0.83
H30002002	H300020028	ENSG0000	XM_011544	7993	UBXN8	UBX domai	GO:000733	GO:000551	GO:003017	379	395	1.04	0.06
H20001258	H200012588	ENSG0000	NM_001142	29767	TMOD2	tropomodul	GO:000693	GO:000377	GO:000586	10	13	1.25	0.32
H30001998	H300019984	ENSG0000	NM_080927	131566	DCBLD2	discoidin, C	GO:003030	GO:000551	GO:000588	7	13	1.73	0.79
H30000085	H300000852	ENSG0000	NM_001146	84217	ZMYND12	zinc finger	-	GO:004687	GO:0005622				

H20001318	H200013189	ENSG0000	XM_011538	51228	GLTP	glycolipid tr	GO:000666	GO:000551	GO:000582	49	43	0.88	-0.18	
H20001280	H200012803	ENSG0000	XM_011523	92922	CCDC102A	coiled-coil	GO:000815	GO:000377	GO:001645	21	41	1.90	0.93	
H20000108	H200001086	ENSG0000	XM_011516	9988	DMTF1	cyclin D bin	GO:000635	GO:000367	GO:000563	372	400	1.08	0.11	
H20001626	H200016260	ENSG0000	NM_001044	79230	ZNF557	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	38	44	1.15	0.21	
H20000593	H200005936	ENSG0000	NM_032731	84817	TXNDC17	thioredoxin	GO:003320	GO:000460	GO:000582	1888	1353	0.72	-0.48	
H20001101	H200011010	ENSG0000	NM_001017	725	C4BPB	complemen	GO:000695	GO:000551	GO:0005576	extracellular region,GO:0005615				
H20000468	H200004685	ENSG0000	XM_011535	57213	SPRYD7	SPRY dom	-	GO:000551	-	58	64	1.11	0.16	
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	-	3266	ERAS	ES cell exp	GO:000726	GO:000552	GO:000562	89	70	0.78	-0.36	
H20001053	H200010538	ENSG0000	NR_135007	2635	GBP3	guanylate b	GO:000815	GO:000392	GO:000013	5	13	2.41	1.27	
H20001201	H200012014	ENSG0000	NM_138395	92935	MARS2	methionyl-	GO:000641	GO:000482	GO:000575	197	118	0.60	-0.74	
H20000681	H200006817	ENSG0000	NM_021977	6581	SLC22A3	solute carr	GO:000685	GO:000532	GO:000588	106	92	0.87	-0.20	
H20000125	H200001259	ENSG0000	NM_138369	91272	BOD1	biorientatio	GO:000706	-	GO:000077	283	319	1.12	0.17	
H20001795	H200017958	ENSG0000	NM_020870	57630	SH3RF1	SH3 domai	GO:001656	GO:000551	GO:000579	37	40	1.09	0.12	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011520	57379	AICDA	activation-	GO:000639	GO:000412	GO:000017	6	12	1.88	0.91	
H30001930	H300019307	ENSG0000	NR_073449	51308	REEP2	receptor ac	GO:000223	GO:003188	GO:000578	21	22	1.04	0.06	
H20002041	H200020417	ENSG0000	NM_025237	50964	SOST	sclerostin	GO:000150	GO:000551	GO:000557	12	14	1.20	0.26	
H30002020	H300020206	ENSG0000	NM_015023	23038	WDTC1	WD and tet	GO:000012	GO:000485	GO:000563	37	35	0.93	-0.10	
H20001082	H200010820	ENSG0000	XM_006715	11062	DUS4L	dihydrourid	GO:000294	GO:001715	GO:000582	334	385	1.15	0.21	
H30001462	H300014629	ENSG0000	NR_105033	7163	TPD52	tumor prot	GO:000965	GO:000550	GO:000573	23	22	0.98	-0.03	
H20000685	H200006859	ENSG0000	NM_003167	6822	SULT2A1	sulfotransf	GO:000680	GO:000551	GO:000573	4	9	2.29	1.20	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_006686	10880	ACTL7B	actin like 7	-	GO:000520	GO:000573	22	24	1.07	0.10	
H20000486	H200004867	ENSG0000	XM_011516	25897	RNF19A	ring finger	GO:000020	GO:000813	GO:000015	134	137	1.03	0.04	
H30002198	H300021988	ENSG0000	XM_006719	25875	LETMD1	LETM1 dom	-	GO:000551	GO:000574	182	210	1.15	0.21	
H20001048	H200010486	ENSG0000	XM_011540	8505	PARG	poly(ADP-r	GO:000597	GO:000464	GO:000563	232	198	0.85	-0.23	
H20000067	H200000678	ENSG0000	NM_000422	3872	KRT17	keratin 17,	GO:000716	GO:000520	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005882	intermedi			
H20000362	H200003625	ENSG0000	NM_001142	57117	INTS12	integrator c	GO:001618	GO:000551	GO:003203	531	420	0.79	-0.34	
H20001109	H200011090	-	XM_011540	84896	ATAD1	ATPase far	GO:000209	GO:000552	GO:000573	427	380	0.89	-0.17	
H20000540	H200005402	ENSG0000	NM_003826	8774	NAPG	NSF attach	GO:000646	GO:000548	GO:000573	432	411	0.95	-0.07	
H20001474	H200014740	ENSG0000	XR_944764	84125	LRR1Q1	leucine-ric	-	-	-		7			
H20000703	H200007036	ENSG0000	NM_024501	3231	HOXD1	homeobox	GO:000635	GO:004356	GO:000563	83	64	0.77	-0.38	
H20000213	H200002137	-	NM_001080	57189	KIAA1147	KIAA1147	-	-	-	25	20	0.79	-0.35	
H20001019	H200010196	ENSG0000	XM_005255	5930	RBBP6	retinoblast	GO:000170	GO:000484	GO:000565	121	134	1.11	0.16	
H20001380	H200013802	ENSG0000	NM_033343	89884	LHX4	LIM homeo	GO:000189	GO:000551	GO:000563	66	53	0.81	-0.31	
H20001102	H200011025	ENSG0000	NM_001347	1609	DGKQ	diacylglyce	GO:000635	GO:000414	GO:000563	22	24	1.09	0.12	
H30000536	H300005366	ENSG0000	NM_080590	828	CAPS	calcyphosir	GO:003555	GO:000550	GO:000563	63	66	1.06	0.08	
H20000518	H200005183	ENSG0000	NM_017897	54995	OXSM	3-oxoacyl-	GO:000663	GO:000431	GO:000573	449	254	0.57	-0.82	
H20001911	H200019116	ENSG0000	NM_001622	197	AHSG	alpha-2-HS	GO:000150	GO:000486	GO:0005576	extracellular region,GO:0005615				
H20000566	H200005663	ENSG0000	NM_032494	84524	ZC3H8	zinc finger	GO:000012	GO:000116	GO:000563	294	372	1.26	0.34	
H30002066	H300020661	ENSG0000	NM_001253	56896	DPYSL5	dihydropyri	GO:000716	GO:000551	GO:000582	28	27	0.95	-0.07	
H30000312	H300003124	ENSG0000	NM_177959	55816	DOK5	docking pro	GO:000016	GO:000505	GO:0005622	intracellul	10			
H30001898	H300018987	-	XM_006717	29989	OBP2B	odorant bin	GO:000681	GO:000554	GO:000557	653	526	0.80	-0.31	
H30000691	H300006913	ENSG0000	NM_014501	27338	UBE2S	ubiquitin cd	GO:000646	GO:000484	GO:000568	2133	1793	0.84	-0.25	
H20000355	H200003556	ENSG0000	NM_006396	10534	SSSCA1	Sjogren syr	GO:000706	GO:000551	-	494	325	0.66	-0.60	
H20001664	H200016646	ENSG0000	NM_005490	10045	SH2D3A	SH2 domai	GO:000725	GO:000507	GO:000562	99	62	0.62	-0.69	
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_002929	6011	GRK1	G protein-c	GO:000760	GO:000467	GO:009738	14	21	1.46	0.54	
H20000658	H200006582	ENSG0000	XM_005267	5875	RABGGTA	Rab gerany	GO:000646	GO:000466	GO:000596	55	64	1.16	0.22	
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_139167	137868	SGCZ	sarcoglycar	GO:000751	-	GO:0005737	cytoplasm	5			
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011521	161742	SPRED1	sprouty rel	GO:000016	GO:000517	GO:000565	88	89	1.02	0.02	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NR_134636	23279	NUP160	nucleoporin	GO:000027	GO:000548	GO:000077	602	464	0.77	-0.37	
H20000221	H200002215	ENSG0000	NM_001286	54676	GTPBP2	GTP bindin	GO:000641	GO:000374	GO:000562	228	490	2.15	1.10	
H20000247	H200002475	ENSG0000	XM_006718	196264	MPZL3	myelin prot	GO:000715	GO:000551	GO:001602	22	80	3.59	1.85	
H20001040	H200010409	ENSG0000	NM_024678	79731	NARS2	asparaginy	GO:000641	GO:000367	GO:000573	693	551	0.80	-0.33	
H20001392	H200013929	ENSG0000	NM_015050	23070	CMTR1	cap methyl	GO:000637	GO:000367	GO:000563	249	243	0.98	-0.04	
H20001260	H200012605	ENSG0000	XM_011545	91703	ACY3	aminoacyla	GO:000680	GO:000367	GO:0005829	cytosol,G	5			
H20001338	H200013387	ENSG0000	NM_001286	54558	SPATA6	spermatoge	GO:000727	GO:003202	GO:0005576	extracellu	6			
H20000291	H200002915	-	XR_934641	10537172	LOC10537	uncharacte	-	-	-	9	16	1.79	0.84	
H20000277	H200002779	ENSG0000	NM_030811	64949	MRPS26	mitochondr	GO:000699	GO:004482	GO:000565	974	719	0.74	-0.44	
H20000223	H200002235	ENSG0000	XM_011535	55068	ENOX1	ecto-NOX	GO:004851	GO:000016	GO:0005615	extracellular space,GO:0005886				
H20000946	H200009469	ENSG0000	NM_025159	80231	CXorf21	chromosom	-	-	-					
H20000992	H200009920	ENSG0000	NM_001154	308	ANXA5	annexin A5	GO:000223	GO:000485	GO:000562	1132	1099	0.97	-0.04	
H20000256	H200002564	ENSG0000	NM_138287	151636	DTX3L	deltex 3 lik	GO:000630	GO:000484	GO:000563	33	40	1.19	0.25	
H20000384	H200003844	ENSG0000	XM_005270	85450	ITPR1P	inositol 1,4	-	-	GO:000588	103	93	0.91	-0.14	
H20001027	H200010271	ENSG0000	XM_011509	127018	LYPLAL1	lysophosph	GO:000208	GO:000462	GO:000573	1125	1149	1.02	0.03	
H20001117	H200011173	ENSG0000	NM_015871	51042	ZNF593	zinc finger	GO:000012	GO:000367	GO:000563	1276	906	0.71	-0.49	
H20002123	H200021232	ENSG0000	NM_018708	55527	FEM1A	fem-1 hom	GO:001656	GO:000484	GO:000573	206	208	1.01	0.01	
H30002051	H300020516	ENSG0000	NM_001127	55024	BANK1	B-cell scaf	GO:004211	-	-	20	28	1.41	0.50	
H20000947	H200009475	ENSG0000	XM_011521	26263	FBXO22	F-box prot	GO:000020	GO:000484	GO:000563	596	537	0.90	-0.15	
H30000499	H300004999	ENSG0000	NM_001286	26057	ANKRD17	ankyrin rep	GO:000195	GO:000368	GO:000078	262	303	1.16	0.21	
H20001777	H200017773	ENSG0000	NM_004286	9567	GTPBP1	GTP bindin	GO:000641	GO:000374	GO:000017	105	93	0.88	-0.19	
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_005684	9293	GRP52	G protein-c	GO:000196	GO:000158	GO:000588	34	37	1.10	0.14	
H20000048	H200000483	ENSG0000	XM_011524	5409	PNMT	phenyletha	GO:003225	GO:000460	GO:000582	134	105	0.78	-0.36	
H30000516	H300005166	ENSG0000	NM_001202	5052	PRDX1	peroxiredox	GO:000030	GO:000460	GO:000561	12134	8479	0.70	-0.52	
opHsV0400	opHsV0400000	-	XM_011542	79258	MMEL1	membrane	GO:000650	GO:000422	GO:000557	5	16	3.04	1.61	
H20001055	H200010552	ENSG0000	NM_001303	57595	PDZD4	PDZ domai	-	-	GO:000593	102	82	0.80	-0.33	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001005	219477	OR8J1	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in			
H30000755	H300007553	ENSG0000	NM_001004	390191	OR5B12	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in			
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001193	2357	FPR1	formyl pept	GO:000018	GO:000487	GO:0005768	endosome,GO:0005886	plasma m			
H30002136	H300021368	ENSG0000	NM_001100	9778	KIAA0232	-	-	GO:000552	-	26	63	2.46	1.30	
H30000964	H300009642	-	-	-	-	-	-	-	-		5			
H30000484	H300004846	ENSG0000	NR_003365	283507	SUGT1P3	SGT1 hom	-	-	-	37	33	0.89	-0.16	
H30000991	H300009915	ENSG0000	NM_153356	161514	TBC1D21	TBC1 dom	GO:004354	GO:000377	GO:0001669	acrosomal vesicle,GO:0070062	ex			
H30000023	H300000236	ENSG0000	NM_001308	374864	CCDC178	coiled-coil	-	-	-					
H30000743	H3000													

H30001334	H300013340	ENSG0000	NM_014924	22863	ATG14	autophagy	GO:000004	GO:000551	GO:000042	56	65	1.15	0.21
H30000906	H300009068	ENSG0000	NM_178477	140836	BANF2	barrier to a	-	GO:000367	GO:0005634	nucleus,GO:0005737	cytoplasm		
H30000520	H300005204	ENSG0000	-	389240	NACA3P	NACA fami	-	-	-	2475	2512	1.02	0.02
H30001977	H300019777	ENSG0000	XM_011539	404636	FAM45A	family with	-	-	-	178	187	1.05	0.07
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_011543	8622	FAM8B	phosphodie	GO:000166	GO:000411	GO:0005575	cellular_component,GO:0005829			
H30000943	H300009436	ENSG0000	NM_014797	9841	ZBTB24	zinc finger	GO:000224	GO:000367	GO:000563	67	75	1.12	0.17
H20000379	H200003793	ENSG0000	XM_005270	118738	ZNF488	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus	7		
H20001255	H200012551	ENSG0000	XM_011544	137994	LETM2	leucine zip	-	-	GO:0005743	mitochond	5		
H30000911	H300009113	ENSG0000	NM_016045	51012	PRELID3B	PRELI dom	GO:001591	GO:199005	GO:000575	1089	1065	0.98	-0.03
H20000496	H200004960	ENSG0000	XM_006710	55225	RAVER2	ribonucleop	GO:000039	GO:000016	GO:000563	23	25	1.13	0.17
H20000247	H200002473	ENSG0000	NR_073592	219743	TYSND1	trypsin dom	GO:000650	GO:000202	GO:000577	12	18	1.52	0.61
H30000588	H300005884	ENSG0000	NM_012352	26189	OR1A2	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma m	3		
H30000021	H300000219	ENSG0000	-	119775	OR52P2P	olfactory re	-	-	-	8	13	1.56	0.64
H30002133	H300021335	ENSG0000	XR_428164	10156	RASA4	RAS p21 p	GO:000016	GO:000509	GO:000582	45	42	0.95	-0.07
H30001420	H300014200	ENSG0000	NM_001146	140807	KRT72	keratin 72,	GO:000815	GO:000367	GO:004509	29	28	0.95	-0.07
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_172005	164237	WFDC13	WAP four-	GO:001095	GO:000486	GO:0005576	extracellular region			
H30000585	H300005856	ENSG0000	-	286544	MXRA5Y	matrix-rem	-	-	-				
H30000908	H300009087	ENSG0000	XM_011522	780776	TRVP23A	trans-golgi	GO:000930	-	GO:0030173	integral component of Golgi mem			
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_011544	143570	XRR1	X-ray radi	GO:001016	GO:000367	GO:000563	16	31	1.99	0.99
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_005273	427	ASAHI	N-acylsphir	GO:000666	GO:000382	GO:000561	369	567	1.53	0.62
H30002065	H300020653	ENSG0000	XM_011517	79848	CSPP1	centrosom	GO:003246	GO:000551	GO:000092	82	87	1.06	0.08
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_017734	54873	PALMD	palmdelphir	GO:000836	-	GO:000573	69	63	0.91	-0.14
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_017758	54890	ALKBH5	alkB homol	GO:000166	GO:001670	GO:000563	96	108	1.12	0.17
H30000882	H300008821	-	XM_011543	23191	CYFIP1	cytoplasmic	GO:000726	GO:000551	GO:000172	42	55	1.32	0.40
H30000352	H300003529	ENSG0000	NM_178466	128861	BPIFA3	BPI fold co	-	GO:000828	GO:0005576	extracellular region			
H30001384	H300013845	ENSG0000	NM_017636	54795	TRPM4	transient re	GO:000225	GO:000522	GO:000565	8	12	1.45	0.54
H30001909	H300019093	ENSG0000	NR_046336	8603	FAM193A	family with	-	-	-	27	31	1.12	0.16
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_003547	8369	HIST1H4G	histone clu	GO:000815	GO:000367	GO:000078	112	120	1.08	0.11
H30000132	H300001328	ENSG0000	XM_011536	338917	VSX2	visual syste	GO:000635	GO:004356	GO:0005634	nucleus,G	10		
H30001013	H300010130	ENSG0000	NM_001013	153918	ZC2HC1B	zinc finger	-	GO:004687	-				
H30000546	H300005465	ENSG0000	NM_001010	345895	RSPH4A	radial spok	GO:000334	GO:000367	GO:000153	5	11	2.36	1.24
H30000793	H300007931	ENSG0000	XM_005253	51184	GPN3	GPN-loop	GO:000815	GO:000551	GO:004323	1460	1243	0.85	-0.23
H20000537	H200005379	ENSG0000	NR_026763	9597	SMAD5-AS	SMAD5 ant	GO:000716	-	-				
H20001361	H200013619	ENSG0000	NM_207317	133923	ZNF474	zinc finger	-	GO:004687	-				
H20001067	H200010670	ENSG0000	XM_005255	114984	FLYWCH2	FLYWCH fa	GO:000815	GO:004482	GO:000557	150	118	0.79	-0.35
H20001434	H200014341	ENSG0000	NM_052876	112939	NACC1	nucleus ac	GO:000635	-	GO:000563	5	10	2.09	1.06
H20001236	H200012363	ENSG0000	NM_138811	136895	C7orf31	chromosom	-	GO:000551	GO:000573	17	30	1.78	0.84
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011520	55138	FAM90A1	family with	-	GO:000367	-	23	23	1.01	0.02
H30002253	H300022530	ENSG0000	XM_011524	2186	BPTF	bromodoma	GO:000012	GO:000551	GO:000563	93	123	1.32	0.40
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011524	9482	STX8	syntaxin 8	GO:000681	GO:000548	GO:000576	140	120	0.86	-0.23
H30000053	H300000530	ENSG0000	NM_001256	54973	CPSF3L	cleavage ar	GO:001618	GO:000551	GO:000573	580	344	0.59	-0.75
H30000400	H300004004	ENSG0000	NM_178161	256297	PTF1A	pancreas s	GO:000635	GO:000098	GO:0005634	nucleus,GO:0005667	transcriptio		
H30001198	H300011984	ENSG0000	NM_001098	1499	CTNNB1	catenin bet	GO:000012	GO:000108	GO:000092	452	438	0.97	-0.05
H30000763	H300007637	ENSG0000	NM_001048	728458	OPN1MW2	opsin 1 (co	GO:000152	GO:000493	GO:000588	65	49	0.75	-0.42
H30000714	H300007146	ENSG0000	XM_011536	145264	SERPINA1	serpin pept	GO:000600	GO:000486	GO:000561	10	11	1.13	0.18
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001293	10273	STUB1	STIP1 hom	GO:000020	GO:000166	GO:000015	367	248	0.68	-0.56
H30000506	H300005060	ENSG0000	NM_005830	10240	MRPS31	mitochondr	GO:000699	GO:000373	GO:000573	850	637	0.75	-0.42
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_001037	8655	DYNLL1	dynein light	GO:000008	GO:000377	GO:000077	6228	4806	0.77	-0.37
H30001407	H300014078	ENSG0000	XM_011541	55624	POMGNT1	protein O-	GO:000649	GO:000551	GO:000013	98	97	0.99	-0.01
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001319	9877	ZC3H11A	zinc finger	GO:001697	GO:000551	GO:000034	1015	1081	1.06	0.09
H30001924	H300019247	ENSG0000	NM_020871	57631	LRCH2	leucine-ric	-	-	-				
H30001185	H300011857	ENSG0000	NM_031209	81890	QTRT1	queuine tR	GO:000640	GO:000847	GO:000563	83	82	0.99	-0.02
H30001906	H300019063	ENSG0000	NM_001319	6780	STAU1	staufen do	GO:000829	GO:000372	GO:000573	126	109	0.86	-0.21
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001164	286436	H2BFM	H2B histon	GO:000633	GO:000367	GO:000078	708	358	0.51	-0.98
H30000986	H300009861	ENSG0000	NM_001135	200010	SLC5A9	solute carr	GO:000681	GO:000521	GO:0005886	plasma m	5		
H30000232	H300002320	ENSG0000	NM_178548	339488	TFAP2E	transcriptid	GO:000636	GO:000097	GO:0005634	nucleus	7		
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_014042	25906	ANAPC15	anaphase p	GO:000027	-	GO:000562	353	245	0.70	-0.52
opHsV0400	opHsV0400008	ENSG0000	NR_024058	7531	YWHAE	tyrosine 3-	GO:000008	GO:000551	GO:000573	325	336	1.04	0.05
H20000332	H200003328	ENSG0000	NM_014571	26508	HEYL	hes related	GO:000315	GO:000097	GO:0005634	nucleus,G	7		
H20001990	H200019901	ENSG0000	NM_001317	201895	SMIM14	small integr	-	-	GO:000578	53	82	1.57	0.65
H20000469	H200004692	ENSG0000	NM_001288	284348	LYPD5	LY6/PLAU	GO:000716	GO:004323	GO:0005886	plasma m	3		
H20001199	H200011998	ENSG0000	NM_181510	90199	WFDC8	WAP four-	GO:001095	GO:000486	GO:0005576	extracellular region			
H20001105	H200011053	ENSG0000	XM_011539	10570	DPYSL4	dihydropyri	GO:000739	GO:000551	GO:0005829	cytosol			
H30002249	H300022495	-	NR_028366	280657	SSX6	synovial sa	GO:000635	GO:000367	GO:000563	14	19	1.34	0.42
H30000133	H300001332	ENSG0000	NM_032524	84616	KRTAP4-4	keratin ass	-	-	GO:004509	302	212	0.70	-0.51
H30000556	H300005568	ENSG0000	NR_027650	123207	C15orf40	chromosom	-	-	-	262	256	0.98	-0.03
H30000148	H300001483	ENSG0000	XM_011545	204474	PDILT	protein dis	GO:000645	GO:000375	GO:0005783	endoplasm	4		
H30000688	H300006886	ENSG0000	XM_011523	124935	SLC43A2	solute carr	GO:000681	GO:001517	GO:000588	25	34	1.37	0.46
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011525	762	CA4	carbonic ar	GO:000673	GO:000408	GO:0005791	rough end	4		
H30002102	H300021021	ENSG0000	XM_006720	64745	METTL17	methyltran	GO:000641	GO:000550	GO:000563	463	357	0.77	-0.38
H30000951	H300009512	ENSG0000	NM_021257	58157	NGB	neuroglobin	GO:000691	GO:000534	GO:000573	51	51	0.99	-0.01
H30001455	H300014551	ENSG0000	XM_005258	55125	CEP192	centrosom	GO:000008	GO:000551	GO:000024	121	121	1.00	0.00
H30000100	H300001005	ENSG0000	-	100130934	ZNF663P	zinc finger	-	-	-		9		
H30001854	H300018545	ENSG0000	NM_001278	22837	COBLL1	cordon-ble	GO:003004	GO:000378	GO:0070062	extracellular exosome			
H30001380	H300013805	ENSG0000	NM_020884	57644	MYH7B	myosin, hea	GO:000815	GO:000377	GO:001602	6	12	2.00	1.00
H30001514	H300015141	ENSG0000	NM_000292	5256	PHKA2	phosphoryl	GO:000597	GO:000468	GO:000582	13	26	2.11	1.08
H30000167	H300001674	ENSG0000	XM_011516	389549	FEZF1	FEZ family	GO:000012	GO:000097	GO:000563	15	18	1.19	0.25
H30000424	H300004243	ENSG0000	NM_001005	90485	ZNF835	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	17	22	1.30	0.38
H30000420	H300004206	ENSG0000	XM_011517	23349	PHF24	PHD finger	-	GO:000550	-	117	68	0.58	-0.78
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	-	-	RP11-175E	-	-	-	-	15310	14334	0.94	-0.10
H30001112	H300011125	ENSG0000	NM_014709	9736	USP34	ubiquitin sp	GO:000635	GO:000419	GO:000012	98	152	1.56	0.64
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NR_026698	3836	KPNA1	karyopherin	GO:000001	GO:000551	GO:000563	184	151	0.82	-0.29
H30001028	H300010289	ENSG0000	NM_006993	10360	NPM3	nucleophos	GO:000636	GO:000551	GO:000573	1188	945	0.80	-0.33
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_011516	93408	MYL10	myosin ligh	GO:000693	GO:000550	GO:0005739	mitochondrion,GO:0005829	cytos		

H30002056	H300020566	ENSG0000	XM_011515	5137	PDE1C	phosphodie	GO:000716	GO:000411	GO:0005829	cytosol	5			
H30000613	H300006139	-	-	-	-	-	-	-	-		124	126	1.02	0.03
H30000347	H300003472	ENSG0000	NM_001004	219873	OR10S1	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:000588		43	43	1.00	0.00
opHsV0400	opHsV0400008	ENSG0000	-	340221	TNRC18P3	trinucleotic	-	-	-		166	161	0.97	-0.04
H30002061	H300020619	ENSG0000	NM_000989	6156	RPL30	ribosomal p	GO:000018	GO:000372	GO:000563		32270	28900	0.90	-0.16
H20000695	H200006954	ENSG0000	NM_002888	5918	RARRES1	retinoic aci	GO:000828	-	GO:0016021	integral component of membrane				
H20002015	H200020154	ENSG0000	NM_002881	5899	RALB	v-ral simiar	GO:000091	GO:000392	GO:000014		447	696	1.56	0.64
H20000148	H200001486	ENSG0000	NM_002814	5716	PSMD10	proteasome	GO:000008	GO:000551	GO:000050		2218	2394	1.08	0.11
H30000918	H300009187	ENSG0000	NM_002800	5698	PSMB9	proteasome	GO:000008	GO:000429	GO:000050		23	41	1.75	0.81
CHsGV100	CHsGV100015	ENSG0000	NM_001005	2707	GJB3	gap junctio	GO:000170	GO:000524	GO:0005737	cytoplasm	7			
AHsV1000	AHsV10001899	ENSG0000	NM_002056	2673	GFPT1	glutamine-	GO:000600	GO:000436	GO:000582		334	732	2.19	1.13
H20001304	H200013040	ENSG0000	XR_921761	2327	FMO2	flavin conta	GO:000608	GO:000449	GO:0005789	endoplasmic reticulum membrane				
H20000790	H200007907	ENSG0000	XM_011535	2308	FOXO1	forkhead bd	GO:000012	GO:000098	GO:000563		5	6	1.13	0.18
AHsV1000	AHsV10002084	ENSG0000	XM_011519	2132	EXT2	exostosin g	GO:000150	GO:000837	GO:000013		248	266	1.07	0.10
DHsTV100	DHsTV1000000	-	-	-	-	-	-	-	-					
H20000042	H200000428	ENSG0000	XM_005244	1942	EFNA1	ephrin-A1	GO:000012	GO:000510	GO:000557		75	42	0.57	-0.82
H20000628	H200006289	ENSG0000	NM_004092	1892	ECHS1	enoyl-CoA	GO:000663	GO:000430	GO:000573		2106	1477	0.70	-0.51
H20000118	H200001188	ENSG0000	NM_001242	5295	PIK3R1	phosphoino	GO:000167	GO:000506	GO:000563		41	55	1.35	0.43
H20000659	H200006592	ENSG0000	NM_001177	5122	PCSK1	proprotein	GO:000650	GO:000425	GO:0005615	extracellular space,GO:0030133 t				
H30001921	H300019210	ENSG0000	NM_000532	5096	PCCB	propionyl-C	GO:000663	GO:000465	GO:000573		1345	1088	0.81	-0.31
H20000524	H200005245	ENSG0000	NR_033421	4891	SLC11A2	solute carr	GO:000166	GO:000537	GO:000563		188	154	0.82	-0.28
H20000634	H200006343	ENSG0000	NM_000271	4864	NPC1	Niemann-P	GO:000648	GO:000161	GO:000557		323	428	1.33	0.41
H20000230	H200002300	ENSG0000	NM_004403	1687	DFNA5	deafness, a	GO:000691	-	GO:000573		40	75	1.87	0.91
H20000652	H200006529	ENSG0000	NM_004939	1653	DDX1	DEAD/H-b	GO:000024	GO:000367	GO:000563		4069	2832	0.70	-0.52
CHsTV100	CHsTV1000001	-	XM_011524	1444	CSHL1	chorionic s	GO:000815	GO:000517	GO:0005575	cellular component,GO:0005576				
CHsGV100	CHsGV100015	ENSG0000	XM_011542	1410	CRYAB	crystallin a	GO:000166	GO:000521	GO:000563		68	21	0.30	-1.72
CHsGV100	CHsGV100028	ENSG0000	NM_006493	1203	CLN5	ceroid-lipo	GO:000646	GO:000551	GO:000576		184	195	1.06	0.08
H30001228	H300012281	ENSG0000	NM_001171	1181	CLCN2	chloride vo	GO:000681	GO:000524	GO:000588		85	73	0.85	-0.23
H30000617	H300006172	ENSG0000	NM_001255	991	CDC20	cell divisio	GO:000027	GO:000551	GO:000092		1739	1600	0.92	-0.12
AHsV1000	AHsV10002001	ENSG0000	NR_026665	965	CD58	CD58 mole	GO:000715	GO:000510	GO:000588		835	990	1.19	0.25
H20000205	H200002054	ENSG0000	NM_002940	6059	ABCE1	ATP bindin	GO:000640	GO:000551	GO:000573		1822	1645	0.90	-0.15
CHsGV100	CHsGV100005	ENSG0000	NM_004163	5874	RAB27B	RAB27B, m	GO:000726	GO:000392	GO:0005795	Golgi stac	16			
H20000610	H200006103	ENSG0000	NM_001306	5860	QDPR	quinoid dih	GO:000188	GO:000415	GO:000573		653	585	0.89	-0.16
H20000852	H200008526	ENSG0000	NM_002787	5683	PSMA2	proteasome	GO:000008	GO:000429	GO:000050		14163	8330	0.59	-0.77
AHsV1000	AHsV10001830	ENSG0000	NM_001173	5638	PRRG1	proline rich	-	GO:000550	GO:000557		20	36	1.83	0.87
AHsV1000	AHsV10001219	ENSG0000	NM_002054	2641	GCG	glucagon	GO:000611	GO:000510	GO:0005576	extracellular region,GO:0005615				
H30002153	H300021533	ENSG0000	NM_001145	2624	GATA2	GATA bind	GO:000012	GO:000097	GO:000563		183	128	0.70	-0.52
H20000163	H200001634	ENSG0000	NM_001318	2274	FHL2	four and a	GO:000012	GO:000371	GO:000563		369	321	0.87	-0.20
H20000526	H200005264	ENSG0000	XM_011539	2253	FGF8	fibroblast g	GO:000016	GO:000510	GO:0005576	extracellu	4			
H20000646	H200006469	ENSG0000	NM_000122	2071	ERCC3	excision re	GO:000071	GO:000367	GO:000043		629	492	0.78	-0.35
CHsGV100	CHsGV100031	ENSG0000	NM_001006	2046	EPHA8	EPH recep	GO:000692	GO:000500	GO:000588		194	169	0.87	-0.20
H20001348	H200013482	ENSG0000	NM_001318	1852	DUSP9	dual specif	GO:000016	GO:000472	GO:000563		543	394	0.73	-0.46
H20001065	H200010650	ENSG0000	NM_001943	1829	DSG2	desmoglein	GO:000293	GO:000550	GO:000588		496	483	0.97	-0.04
CHsGV100	CHsGV100030	ENSG0000	NM_000927	5243	ATP bindin	ATP bindin	GO:000008	GO:000521	GO:0005886	plasma membrane,GO:0009986 c				
H30000341	H300003416	ENSG0000	XM_006717	5069	PAPPA	pregnancy-	GO:000650	GO:000422	GO:000557		40	36	0.88	-0.18
H30002121	H300021211	ENSG0000	NM_006191	5036	PA2G4	proliferatio	GO:000635	GO:000367	GO:000563		13108	6653	0.51	-0.98
H30000157	H300001571	ENSG0000	NM_000603	4846	NOS3	nitric oxide	GO:000152	GO:000378	GO:000013		201	129	0.64	-0.64
H20001205	H200012058	ENSG0000	NM_181689	4826	NNAT	neuronatin	GO:000681	-	GO:000573		41	33	0.80	-0.32
H20000017	H200000176	ENSG0000	NM_000788	1633	DKC	deoxycytid	GO:000614	GO:000413	GO:000563		598	450	0.75	-0.41
H20000625	H200006252	ENSG0000	NM_001177	1605	DAG1	dystroglyca	GO:000201	GO:000161	GO:000557		138	168	1.22	0.29
H20000225	H200002253	ENSG0000	NM_001310	1389	CREBL2	cAMP resp	GO:000635	GO:000370	GO:000563		210	218	1.04	0.05
H20000098	H200000986	ENSG0000	NM_001199	1362	CPD	carboxypep	GO:000651	GO:000418	GO:000561		232	251	1.08	0.11
H20001483	H200014835	ENSG0000	XR_945590	1147	CHUK	conserved	GO:000201	GO:000467	GO:000565		334	299	0.90	-0.16
H20001400	H200014006	ENSG0000	NM_005198	1120	CHKB	choline kin	GO:000664	GO:000410	GO:000582		214	197	0.92	-0.12
H20000380	H200003805	ENSG0000	NM_001206	942	CD86	CD86 mole	GO:000187	GO:000161	GO:000588		73	61	0.84	-0.26
H20000265	H200002656	ENSG0000	XM_011521	920	CD4	CD4 molec	GO:000181	GO:000161	GO:0005769	early endosome,GO:0005788 end				
H20000658	H200006587	ENSG0000	NM_002923	5997	RGS2	regulator o	GO:000641	GO:000196	GO:000563		210	160	0.76	-0.39
H20000389	H200003891	ENSG0000	NM_005859	5813	PURA	purine-rich	GO:000626	GO:000090	GO:000078		212	208	0.98	-0.03
H20000406	H200004069	ENSG0000	XM_011540	5791	PTPRE	protein tyr	GO:000647	GO:000500	GO:000563		5	9	1.77	0.83
H30001672	H300016729	ENSG0000	NM_002758	5608	MAP2K6	mitogen-ad	GO:000018	GO:000467	GO:0005654	nucleoplasm,GO:0005737 cytopla				
H30001901	H300019015	ENSG0000	XM_011517	5591	PRKDC	protein kin	GO:000175	GO:000369	GO:000078		1164	1381	1.19	0.25
CHsGV100	CHsGV100023	ENSG0000	NM_020474	2589	GALNT1	polypeptide	GO:000649	GO:000469	GO:000013		461	585	1.27	0.34
H20000319	H200003190	ENSG0000	NM_004961	2564	GABRE	gamma-am	GO:000681	GO:000489	GO:000588		397	515	1.30	0.38
H20000569	H200005690	ENSG0000	XM_011524	2232	FDXR	ferredoxin	GO:000609	GO:000432	GO:000573		350	294	0.84	-0.25
CHsGV100	CHsGV100035	ENSG0000	NM_000138	2200	FBN1	fibrillin 1	GO:000150	GO:000517	GO:0001527	microfibril	6			
H30001887	H300018877	ENSG0000	NM_001304	2030	SLC29A1	solute carr	GO:000613	GO:000533	GO:000588		212	160	0.76	-0.40
CHsGV100	CHsGV100030	ENSG0000	NM_001425	2014	EMP3	epithelial m	GO:000821	GO:000551	GO:000588		2944	2180	0.74	-0.43
AHsV1000	AHsV10003160	ENSG0000	NM_001387	1809	DPYSL3	dihydropyri	GO:000741	GO:000551	GO:0005615	extracellular space,GO:0005829 c				
CHsGV100	CHsGV100025	ENSG0000	XM_011519	1787	TRDMT1	tRNA aspar	GO:000197	GO:000372	GO:000565		16	22	1.35	0.44
H20000673	H200006734	ENSG0000	XM_006715	5191	PEX7	peroxisoma	GO:000176	GO:000505	GO:000577		249	229	0.92	-0.12
AHsV1000	AHsV10001029	ENSG0000	NM_002557	5016	OVGP1	oviductal g	GO:000597	GO:000456	GO:0005576	extracellu	5			
H20000010	H200000100	ENSG0000	NM_000911	4985	OPRD1	opioid rece	GO:000006	GO:000498	GO:000573		28	29	1.06	0.08
H30000066	H300000664	ENSG0000	XM_005268	4801	NFYB	nuclear tra	GO:000635	GO:000367	GO:000563		502	525	1.05	0.06
H20000645	H200006451	ENSG0000	XM_011536	4776	NFATC4	nuclear fac	GO:000012	GO:000097	GO:0005634	nucleus,GO	12			
AHsV1000	AHsV10001260	ENSG0000	XM_011515	1576	CYP3A4	cytochrom	GO:000662	GO:000449	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005789 endoplas				
H20000657	H200006579	ENSG0000	NM_001171	1524	CX3CR1	chemokine	GO:000205	GO:000495	GO:0005886	plasma m	3			
CHsGV100	CHsGV100032	ENSG0000	NM_001859	1317	SLC31A1	solute carr	GO:000682	GO:000537	GO:000577		171	255	1.49	0.58
H20000043	H200000430	ENSG0000	NM_000094	1294	COL7A1	collagen ty	GO:000688	GO:000486	GO:000013		7	16	2.38	1.25
CHsGV100	CHsGV100037	ENSG0000	NM_001252	1081	CGA	glycoprotei	GO:000716	GO:000517	GO:0005576	extracellular region,GO:0005796				
CHsGV100	CHsGV100007	ENSG0000	NM_005194	1051	CEBPB	CCAAT/en	GO:000154	GO:000097	GO:000077		959	1354	1.41	0.50
H20000662														

H20001661	H200016619	ENSG0000	NM_203372	2181	ACSL3	acyl-CoA s	GO:000167	GO:000446	GO:000574	334	578	1.73	0.79
CHsGV100	CHsGV100009	ENSG0000	NM_001313	2158	F9	coagulation	GO:000646	GO:000417	GO:000576	extracellular region,GO:0005615			
H20000867	H200008677	ENSG0000	NR_073112	1992	SERPINB1	serpin pept	GO:001095	GO:000486	GO:000561	1486	1131	0.76	-0.39
H20000591	H200005916	ENSG0000	XM_005273	1960	EGR3	early growt	GO:000193	GO:000367	GO:000563	107	91	0.85	-0.23
AHsV1000	AHsV10002388	ENSG0000	NM_001288	1760	DMPK	dystrophia	GO:000202	GO:000467	GO:000564	30	31	1.04	0.05
AHsV1000	AHsV10001949	ENSG0000	NR_110022	1736	DKC1	dyskerin ps	GO:000049	GO:000372	GO:000563	1363	1440	1.06	0.08
H20000486	H200004864	ENSG0000	NM_002601	5147	PDE6D	phosphodie	GO:000699	GO:000411	GO:000582	218	223	1.02	0.04
H30001873	H300018734	ENSG0000	NM_001301	4946	OAZ1	ornithine d	GO:000652	GO:000551	GO:000582	33692	23672	0.70	-0.51
H30002213	H300022135	ENSG0000	XR_931841	4916	NTRK3	neurotroph	GO:000018	GO:000203	GO:000573	16	18	1.09	0.12
H30002022	H300020227	ENSG0000	XM_011509	405	ARNT	aryl hydroc	GO:000166	GO:000370	GO:000563	61	59	0.97	-0.04
H20000603	H200006036	ENSG0000	NM_005002	4704	NDUFA9	NADH:ubiq	GO:000612	GO:000395	GO:000563	1709	1324	0.77	-0.37
AHsV1000	AHsV10002183	ENSG0000	NM_109988	1501	CTNND2	catenin del	GO:000176	GO:000551	GO:0005634	nucleus,GO:0005737	cytoplasm,C		
CHsGV100	CHsGV1000251	ENSG0000	NM_001323	1474	CTST6	cystatin E	GO:000854	GO:000486	GO:000153	54	48	0.89	-0.17
H30001881	H300018810	ENSG0000	XM_005257	1277	COL1A1	collagen ty	GO:000150	GO:000520	GO:000576	extracellular region,GO:0005584			
H30000310	H300003105	ENSG0000	NM_001296	1238	ACKR2	atypical ch	GO:000689	GO:000495	GO:0005769	early endo	3		
CHsGV100	CHsGV1000385	ENSG0000	XM_005252	1028	CDKN1C	cyclin-dep	GO:000012	GO:000486	GO:000563	92	50	0.54	-0.88
AHsV1000	AHsV10002302	ENSG0000	XM_011522	1009	CDH11	cadherin 1	GO:000150	GO:000550	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005886	plasma m		
AHsV1000	AHsV10001357	ENSG0000	NM_001172	857	CAV1	caveolin 1	GO:000012	GO:000117	GO:0000139	Golgi membrane,GO:0002080	acr		
AHsV1000	AHsV10003044	ENSG0000	NM_032991	836	CASP3	caspase 3	GO:000166	GO:000202	GO:000563	829	1078	1.30	0.38
H20000631	H200006315	ENSG0000	NM_014445	27230	SERP1	stress-ass	GO:000150	GO:000551	GO:000578	1869	2251	1.20	0.27
AHsV1000	AHsV10000734	ENSG0000	XR_929764	27158	NDOR1	NADPH de	GO:000821	GO:000395	GO:000563	19	24	1.27	0.34
CHsGV100	CHsGV1000187	ENSG0000	NM_005810	10219	KLRG1	killer cell le	GO:000695	GO:000487	GO:000588	21	19	0.90	-0.15
CHsGV100	CHsGV1000336	ENSG0000	NM_001308	10201	NME6	NME/NM23	GO:000616	GO:000455	GO:000573	367	352	0.96	-0.06
AHsV1000	AHsV10003281	ENSG0000	NR_024194	10043	TOM1	target of m	GO:000688	GO:000551	GO:000573	87	122	1.41	0.50
AHsV1000	AHsV10002730	ENSG0000	XM_005252	23590	PDSS1	prenyl (dec	GO:000674	GO:000001	GO:000575	230	328	1.43	0.52
AHsV1000	AHsV10001768	ENSG0000	NM_014817	9865	TRIL	TLR4 inter	GO:000271	GO:000153	GO:0046696	lipopolysaccharide receptor comp			
CHsGV100	CHsGV1000247	ENSG0000	XM_011545	9846	GAB2	GRB2 asso	GO:000716	GO:000506	GO:000573	14	37	2.58	1.37
AHsV1000	AHsV10000073	ENSG0000	NR_110988	9681	DEPDC5	DEP domai	GO:003200	GO:000509	GO:000576	38	39	1.05	0.07
CHsTV100	CHsTV1000005	ENSG0000	NM_001002	9659	PDE4DIP	phosphodie	GO:004362	GO:000551	GO:000563	211	286	1.36	0.44
CHsGV100	CHsGV1000121	ENSG0000	NM_001144	6397	SEC14L1	SEC14 like	GO:001587	GO:000551	GO:000573	113	125	1.10	0.14
H20000758	H200007582	ENSG0000	NM_002993	6372	CXCL6	C-X-C mo	GO:000269	GO:000800	GO:000576	extracellu	3		
CHsGV100	CHsGV1000016	-	NM_033363	6183	MRPS12	mitochondr	GO:000641	GO:000373	GO:000574	2233	1434	0.64	-0.64
AHsV1000	AHsV10000119	ENSG0000	NM_015344	23484	LEPROTL1	leptin rece	-	-	GO:001602	443	430	0.97	-0.04
CHsGV100	CHsGV1000297	ENSG0000	NM_012405	23463	ICMT	isoprenylcy	GO:000170	GO:000388	GO:000578	1119	1353	1.21	0.27
H20001002	H200010020	ENSG0000	NM_031205	9478	CABP1	calcium bin	GO:004230	GO:000485	GO:0000139	Golgi men	6		
H30000590	H300005903	ENSG0000	NM_001171	9452	ITM2A	integral me	-	GO:000551	GO:001602	1348	1236	0.92	-0.12
H20001268	H200012684	ENSG0000	NM_001174	9254	CACNA2D2	calcium vol	GO:000611	GO:000524	GO:0005886	plasma m	6		
AHsV1000	AHsV10001900	ENSG0000	NM_194434	9218	VAPA	VAMP asso	GO:000666	GO:000487	GO:000013	39	63	1.61	0.69
AHsV1000	AHsV10001727	ENSG0000	XR_931940	9051	PSTPIP1	proline-ser	GO:000689	GO:000551	GO:000193	9	11	1.28	0.36
H20001425	H200014259	ENSG0000	NM_003963	9032	TM4SF5	transmemb	-	-	GO:0005887	integral c	5		
AHsV1000	AHsV10002292	ENSG0000	NM_001184	8832	CD84	CD84 mole	GO:000225	GO:000551	GO:0005886	plasma m	41		
H20000856	H200008566	ENSG0000	XM_011535	8803	SUCLA2	succinate-	GO:000609	GO:000477	GO:000573	416	430	1.03	0.05
H20001209	H200012098	ENSG0000	NM_001318	4201	MEA1	male-enha	GO:000728	GO:000551	GO:000573	479	477	1.00	-0.01
CHsGV100	CHsGV1000024	ENSG0000	NM_006242	5509	PPP1R3D	protein pho	GO:000597	GO:000472	GO:004258	13	27	2.17	1.12
AHsV1000	AHsV10001371	ENSG0000	XM_005254	5315	PKM	pyruvate ki	GO:000166	GO:000028	GO:000563	261	292	1.12	0.16
CHsGV100	CHsGV1000278	ENSG0000	NM_001318	27128	CYTH4	cytohesin 4	GO:003201	GO:000508	GO:000588	15	15	1.06	0.08
H30000717	H300007172	ENSG0000	XM_011518	27090	ST6GALNA	ST6 (alpha	GO:000157	GO:000166	GO:000013	209	181	0.87	-0.21
CHsGV100	CHsGV1000395	ENSG0000	XM_011517	10171	RCL1	RNA termin	GO:000047	GO:000372	GO:000573	584	371	0.63	-0.66
AHsV1000	AHsV10001201	ENSG0000	XM_005254	10150	MBNL2	muscleblind	GO:000639	GO:004482	GO:000563	83	102	1.23	0.30
H20000092	H200000922	ENSG0000	XM_011537	9985	REC8	REC8 meio	GO:000072	-	GO:000077	11	29	2.65	1.41
H30000173	H300001733	ENSG0000	NM_005116	9962	SLC23A2	solute carr	GO:000613	GO:000852	GO:000573	4	9	2.14	1.10
H20000498	H200004982	ENSG0000	XM_011517	9821	RB1CC1	RB1 induci	GO:000004	GO:000551	GO:000573	527	417	0.79	-0.34
CHsGV100	CHsGV1000096	ENSG0000	NM_001099	9796	PHYHIP	phytanoyl-	GO:000223	-	-	16	18	1.17	0.22
H20001894	H200018946	ENSG0000	NM_001193	9641	IKBKE	inhibitor of	GO:000222	GO:000470	GO:000563	82	80	0.97	-0.04
H30002073	H300020731	ENSG0000	NM_004915	9619	ABCG1	ATP bindin	GO:000635	GO:000551	GO:000013	8	12	1.57	0.65
H20001573	H200015731	-	NM_001278	6352	CCL5	C-C motif	GO:000016	GO:000443	GO:000576	extracellular region,GO:0005615			
CHsGV100	CHsGV1000259	ENSG0000	NM_001128	6310	ATXN1	ataxin 1	GO:000012	GO:000367	GO:0005634	nucleus,G	5		
AHsV1000	AHsV10000593	ENSG0000	NM_001320	6128	RPL6	ribosomal p	GO:000002	GO:000367	GO:000563	48397	28702	0.59	-0.75
H30001859	H300018596	ENSG0000	NR_049767	23428	SLC7A8	solute carr	GO:000652	GO:000551	GO:000573	38	34	0.90	-0.15
CHsGV100	CHsGV1000328	ENSG0000	NM_021149	23406	COTL1	coactosin-	GO:000815	GO:000377	GO:000563	322	243	0.76	-0.40
H20000168	H200001687	ENSG0000	NM_004267	9435	CHST2	carbohydr	GO:000597	GO:000151	GO:000013	652	522	0.80	-0.32
H20000494	H200004941	ENSG0000	XM_006718	9404	LPXN	leupaxin	GO:000635	GO:000371	GO:000210	10	25	2.34	1.23
AHsV1000	AHsV10002495	ENSG0000	NM_001007	9184	BUB3	BUB3 mito	GO:000007	GO:000551	GO:000077	2462	2466	1.00	0.00
H20000149	H200001491	ENSG0000	XR_950100	9158	FIBP	fibroblast g	GO:000854	GO:001713	GO:000563	531	448	0.84	-0.24
AHsV1000	AHsV10001772	-	NM_001282	9016	SLC25A14	solute carr	GO:000641	GO:000373	GO:000573	295	372	1.26	0.33
H20001386	H200013869	ENSG0000	NM_001084	8985	PLOD3	procollagen	GO:000170	GO:000550	GO:000578	175	147	0.84	-0.26
AHsV1000	AHsV10001296	ENSG0000	XM_005251	8777	MPDZ	multiple PD	GO:000715	GO:000551	GO:000573	59	77	1.29	0.37
AHsV1000	AHsV10000917	-	XR_247133	8749	ADAM18	ADAM met	GO:000650	GO:000422	GO:0016020	membrane	3		
AHsV1000	AHsV10000884	ENSG0000	NM_021130	5478	PPIA	peptidylpro	GO:000041	GO:000375	GO:000557	556	519	0.93	-0.10
H20000771	H200007719	ENSG0000	NM_000941	5447	POR	P450 (cyto	GO:000342	GO:000395	GO:000573	357	264	0.74	-0.44
AHsV1000	AHsV10000699	ENSG0000	XM_011514	5269	SERPINB6	serpin pept	GO:000760	GO:000202	GO:000561	968	1122	1.16	0.21
AHsV1000	AHsV10000875	ENSG0000	NM_007052	27035	NOX1	NADPH oxi	GO:000152	GO:000551	GO:0005769	early endosome,GO:0005886	plas		
H30001980	H300019809	ENSG0000	NR_111971	26993	AKAP8L	A-kinase a	GO:000815	GO:000367	GO:000563	272	236	0.87	-0.20
AHsV1000	AHsV10003354	ENSG0000	XM_006719	10129	FRY	FRY microt	GO:000090	GO:000485	GO:0000922	spindle pole,GO:0005815	microtu		
CHsGV100	CHsGV1000205	-	NM_006778	10107	TRIM10	tripartite m	GO:000815	GO:000367	GO:000573	5	11	2.30	1.20
CHsGV100	CHsGV1000114	ENSG0000	NM_005105	9939	RBM8A	RNA bindin	GO:000018	GO:000016	GO:000563	101	154	1.53	0.61
CHsGV100	CHsGV1000077	ENSG0000	NM_014865	9918	NCAPD2	non-SMC d	GO:000027	GO:000368	GO:000022	191	177	0.93	-0.10
CHsGV100	CHsGV1000268	ENSG0000	NM_014744	9779	TBC1D5	TBC1 dom	GO:000209	GO:000509	GO:000577	47	105	2.24	1.16
H20001068	H200010684	ENSG0000	NM_001142	9754	STARD8	StAR relat	GO:000726	GO:000509	GO:000582	177	95	0.54	-0.89
H20000003	H200000039	ENSG0000	NM_004905	9588	PRDX6	peroxiredox	GO:000030	GO:000460	GO:000561	6110	4903	0.80	-0.32
AHsV1000	AHsV10002045	ENSG0000	NM_004892	9554	SEC22B	SEC22 hon	GO:000688	GO:000014	GO:000013	284	291	1.02	0.03
AHsV1000	AHsV10002557												

AHsV1000	AHsV10000467	ENSG0000	XM_006711	9122	SLC16A4	solute carr	GO:001571	GO:000802	GO:0005887	integral c	7			
CHsGV100	CHsGV1000345	ENSG0000	NM_001303	8935	SKAP2	src kinase	GO:000275	GO:000507	GO:000565	63	87	1.38	0.46	
DHsGV100	DHsGV1000535	-	-	-	-	-	-	-	-	-	5			
H20001376	H200013769	ENSG0000	XR_247215	8726	EED	embryonic	GO:000012	GO:000368	GO:000173	1284	1196	0.93	-0.10	
H20001327	H200013276	ENSG0000	NM_001261	8710	SERPINB7	serpin pept	GO:001095	GO:000486	GO:000561	257	198	0.77	-0.37	
H30002155	H300021552	ENSG0000	NM_006231	5426	POLE	polymerase	GO:000008	GO:000016	GO:000563	95	84	0.89	-0.17	
H20001410	H200014100	ENSG0000	NM_022716	5396	PRRX1	paired relat	GO:000012	GO:000110	GO:0005634	nucleus,GO:0005730	nucleolus			
H20000601	H200006018	ENSG0000	XM_011538	5213	PFKM	phosphofru	GO:000597	GO:000387	GO:000582	407	274	0.67	-0.57	
CHsGV100	CHsGV1000234	ENSG0000	NM_198944	26664	OR7C1	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in			
H20000279	H200002792	ENSG0000	XM_011535	26524	LATS2	large tumor	GO:000008	GO:000467	GO:0000922	spindle pole,GO:0005634	nucleus			
AHsV1000	AHsV10001892	ENSG0000	NM_001145	10086	HHLA1	HERV-H L	-	-	GO:0005576	extracellular region				
H20001561	H200015611	ENSG0000	XM_011521	10066	SCAMP2	secretory d	GO:000689	GO:000551	GO:000565	147	128	0.87	-0.19	
CHsGV100	CHsGV1000113	ENSG0000	XM_011524	9905	SGSM2	small G pro	GO:003449	GO:000509	GO:000573	46	49	1.07	0.10	
AHsV1000	AHsV10003368	ENSG0000	NM_201569	9887	SMG7	SMG7 nons	GO:000018	GO:000551	GO:000563	22	31	1.46	0.54	
AHsV1000	AHsV10002242	ENSG0000	XM_006716	9732	DOCK4	dedicator o	GO:000726	GO:000508	GO:000582	17	30	1.80	0.85	
CHsGV100	CHsGV1000147	ENSG0000	XM_011539	9700	ESPL1	extra spind	GO:000007	GO:000382	GO:000563	63	59	0.94	-0.09	
CHsGV100	CHsGV1000137	ENSG0000	NM_004873	9529	BAG5	BCL2 asso	GO:000645	GO:000551	GO:000563	109	104	0.95	-0.07	
H30001215	H300012154	ENSG0000	XR_242267	9512	PMPCB	peptidase (GO:000612	GO:000422	GO:000575	1794	1804	1.01	0.01	
AHsV1000	AHsV10000730	ENSG0000	NM_001031	6234	RPS28	ribosomal p	GO:000018	GO:000373	GO:000573	27372	19208	0.70	-0.51	
AHsV1000	AHsV10002960	ENSG0000	NM_001015	6205	RPS11	ribosomal p	GO:000018	GO:000373	GO:000573	31445	24783	0.79	-0.34	
H20000229	H200002291	ENSG0000	XR_950008	5977	DPF2	double PHD	GO:000635	GO:000097	GO:000079	226	222	0.98	-0.02	
CHsGV100	CHsGV1000067	ENSG0000	NM_001184	23344	ESYT1	extended s	GO:000686	GO:000551	GO:000588	269	338	1.25	0.33	
AHsV1000	AHsV10001560	ENSG0000	NM_001297	23309	SIN3B	SIN3 trans	GO:000012	GO:000110	GO:000080	37	37	1.01	0.01	
H20001336	H200013366	ENSG0000	XM_006714	9315	NREP	neuronal re	GO:001701	GO:000551	GO:000563	10	19	1.95	0.96	
H20000255	H200002558	ENSG0000	NM_001301	9275	BCL7B	B-cell CLL	GO:000691	GO:000377	GO:000557	435	454	1.04	0.06	
H20001383	H200013833	ENSG0000	XM_011522	9101	USP8	ubiquitin sp	GO:000028	GO:000419	GO:000166	221	252	1.14	0.19	
CHsGV100	CHsGV1000075	ENSG0000	NM_001304	9079	LDB2	LIM domain	GO:000194	GO:000371	GO:0005634	nucleus,G	3			
H20000564	H200005643	ENSG0000	XM_011525	8877	SPHK1	sphingosine	GO:000156	GO:000028	GO:000563	156	98	0.63	-0.67	
H20001068	H200010688	ENSG0000	NM_170697	8854	ALDH1A2	aldehyde d	GO:000156	GO:000175	GO:000573	808	524	0.65	-0.63	
AHsV1000	AHsV10002373	ENSG0000	XM_005257	8689	KRT36	keratin 36,	GO:000815	GO:003028	GO:0005882	intermediate filament,GO:007006				
AHsV1000	AHsV10001870	ENSG0000	NM_003754	8665	EIF3F	eukaryotic	GO:000173	GO:000374	GO:000582	2672	3202	1.20	0.26	
AHsV1000	AHsV10003230	ENSG0000	NM_002668	5355	PLP2	proteolipid	GO:000681	GO:000551	GO:000578	1308	1445	1.10	0.14	
H30000536	H300005364	ENSG0000	NM_006226	5334	PLCL1	phospholipa	GO:000662	GO:000443	GO:000573	105	136	1.29	0.37	
H30001837	H300018379	ENSG0000	NM_002612	5166	PKD4	pyruvate de	GO:000223	GO:000467	GO:0005739	mitochond	9			
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_024565	79616	CCNJL	cyclin J like	-	-	GO:0005634	nucleus				
H20000854	H200008548	ENSG0000	NM_024050	79016	DDA1	DET1 and l	-	GO:000551	-	307	324	1.05	0.08	
AHsV1000	AHsV10000582	ENSG0000	NR_104247	66035	SLC2A11	solute carr	GO:000864	GO:002289	GO:0005634	nucleus,G	11			
AHsV1000	AHsV10000122	ENSG0000	XM_011523	64779	MTHFSD	methenylte	-	GO:000016	-	17	34	2.06	1.04	
H30002213	H300022136	ENSG0000	XR_950831	64755	C16orf58	chromosom	-	-	GO:001602	161	196	1.22	0.29	
AHsV1000	AHsV10003570	ENSG0000	XM_011535	64062	RBM26	RNA bindin	GO:000639	GO:000016	-	62	76	1.22	0.28	
H30000758	H300007582	ENSG0000	NM_022097	63928	CHP2	calcineurin	GO:000828	GO:000550	GO:0005634	nucleus,GO:0005737	cytoplasm,G			
H30000750	H300007505	ENSG0000	XM_011518	51104	ABHD17B	abhydrolase	GO:000815	GO:001678	GO:000557	100	101	1.01	0.01	
H20000842	H200008421	ENSG0000	NM_001112	100526835	FPGT-TNN	FPGT-TNN	-	-	-					
H20000574	H200005741	ENSG0000	XM_005254	50506	DUOX2	dual oxidas	GO:000659	GO:000460	GO:000588	21	25	1.20	0.27	
H20000699	H200006999	ENSG0000	NM_014602	30849	PIK3R4	phosphoino	GO:000222	GO:000467	GO:000564	188	151	0.80	-0.32	
AHsV1000	AHsV10002829	ENSG0000	XR_933291	29117	BRD7	bromodoma	GO:000635	GO:000203	GO:000563	379	372	0.98	-0.03	
H30002121	H300021216	ENSG0000	XM_011536	29091	STXBP6	syntaxin bil	GO:000688	GO:000554	GO:0000145	exocyst,G	6			
AHsV1000	AHsV10000164	ENSG0000	NM_025190	57730	ANKRD36E	ankyrin rep	-	GO:000551	-	23	26	1.12	0.16	
CHsGV100	CHsGV1000145	ENSG0000	XM_011545	57478	USP31	ubiquitin sp	GO:000651	GO:000484	GO:000563	25	36	1.47	0.55	
AHsV1000	AHsV10001961	ENSG0000	XM_005274	57410	SCYL1	SCY1 like p	GO:000635	GO:000367	GO:000563	85	105	1.24	0.31	
H30001680	H300016808	ENSG0000	XM_006716	56996	SLC12A9	solute carr	GO:000682	GO:001537	GO:000588	232	213	0.92	-0.12	
H20000249	H200002498	ENSG0000	NM_020202	56954	NIT2	nitrilase far	GO:000610	GO:000515	GO:000573	408	423	1.03	0.05	
H20001769	H200017696	ENSG0000	NM_018899	56134	PCDHAC2	protocadhe	GO:000715	GO:000550	GO:0005887	integral component of plasma me				
H20001782	H200017824	ENSG0000	NM_032092	56105	PCDHGA1	protocadhe	GO:000715	GO:000550	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in			
H20000120	H200001200	ENSG0000	XM_005255	26470	SEZ6L2	seizure rela	-	-	GO:000578	42	20	0.48	-1.06	
AHsV1000	AHsV10001565	ENSG0000	NM_014362	26275	HIBCH	3-hydroxyli	GO:000657	GO:000386	GO:000575	561	604	1.08	0.11	
H30001858	H300018581	ENSG0000	NR_024260	25977	NECAP1	NECAP en	GO:000689	-	GO:000588	134	139	1.04	0.05	
CHsGV100	CHsGV1000154	ENSG0000	NM_015474	25939	SAMHD1	SAM doma	GO:000620	GO:000367	GO:000562	66	74	1.12	0.17	
H20000321	H200003212	ENSG0000	NM_001199	24141	LAMP5	lysosomal a	-	-	GO:000588	73	59	0.81	-0.30	
H20000804	H200008044	ENSG0000	NM_001178	23743	BHMT2	betaine--h	GO:000009	GO:000827	GO:0005829	cytosol,G	10			
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_030763	79366	HMGN5	high mobil	GO:000635	GO:000368	GO:0000785	chromatin	8			
H30000450	H300004503	ENSG0000	NM_023926	65982	ZSCAN18	zinc finger	GO:000635	GO:000098	GO:0005634	nucleus				
H30000084	H300000844	ENSG0000	NM_001142	65217	PCDH15	protocadhe	GO:000715	GO:000550	GO:0001750	photoreceptor outer segment,G				
CHsGV100	CHsGV1000292	ENSG0000	NM_022569	64579	NDST4	N-deacety	GO:001501	GO:001501	GO:0000139	Golgi men	4			
H20000350	H200003502	ENSG0000	NM_022481	64411	ARAP3	ArfGAP wit	GO:000701	GO:000509	GO:000172	75	132	1.76	0.81	
AHsV1000	AHsV10002541	ENSG0000	NM_001083	63892	THADA	thyroid ade	-	GO:000551	-	91	106	1.16	0.21	
H20000185	H200001853	ENSG0000	NM_001098	60673	ATG101	autophagy	GO:000004	GO:000551	GO:000040	220	154	0.70	-0.52	
CHsGV100	CHsGV1000148	ENSG0000	NR_046358	51066	SSUH2	ssu-2 hom	-	-	GO:0005737	cytoplasm	8			
H30002225	H300022251	-	NM_016069	51025	PAM16	presequenc	GO:000150	GO:000551	GO:000140	1498	1191	0.80	-0.33	
AHsV1000	AHsV10001491	ENSG0000	NM_001184	30011	SH3KBP1	SH3-doma	GO:000689	GO:000551	GO:0005829	cytosol,G	10			
AHsV1000	AHsV10000007	ENSG0000	XM_006717	29982	NRBF2	nuclear rec	GO:000635	GO:000551	GO:000565	291	344	1.18	0.24	
H30001902	H300019027	ENSG0000	XM_005255	29066	ZC3H7A	zinc finger	-	GO:004482	GO:000563	199	212	1.06	0.09	
H20001067	H200010672	ENSG0000	NM_014051	28978	TMEM14A	transmemb	-	GO:000551	GO:001602	344	226	0.66	-0.61	
H30002179	H300021792	ENSG0000	NM_020905	57665	RDH14	retinol deh	GO:000164	GO:000810	GO:000563	409	330	0.81	-0.31	
CHsGV100	CHsGV1000179	ENSG0000	NM_020649	57332	CBX8	chromobox	GO:000012	GO:000372	GO:0000790	nuclear cl	9			
H20000890	H200008908	ENSG0000	NM_020633	57191	VN1R1	vomeronas	GO:000718	GO:001650	GO:000588	344	257	0.75	-0.42	
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001082	56934	CA10	carbonic ar	GO:000742	GO:000367	GO:0005575	cellular cd	5			
AHsV1000	AHsV10003114	ENSG0000	XM_011541	56900	TMEM167E	transmemb	-	-	GO:000013	605	700	1.16	0.21	
CHsGV100	CHsGV100009	ENSG0000	NM_022052	56000	NXF3	nuclear RN	GO:000640	GO:000016	GO:0005634	nucleus,G	6			
DHsGV100	DHsGV1000167	ENSG0000	XM_011524	2186	BPTF	bromodoma	GO:000012	GO:000551	GO:000563	107	90	0.84	-0.26	
AHsV1000	AHsV10003090	ENSG0000	NM_006623	26227	PHGDH	phosphogly	GO:000654	GO:000461	GO:000582	817	5013			

AHsV1000	AHsV10000840	ENSG0000	NM_001001	64326	RFWD2	ring finger	GO:000697	GO:000551	GO:000013	390	562	1.44	0.53
AHsV1000	AHsV10001154	ENSG0000	NM_001193	64218	SEMA4A	semaphorin	GO:000152	GO:000551	GO:0005615	6			
H20001066	H200010661	ENSG0000	NM_001199	60436	TGIF2	TGFB indu	GO:000012	GO:000367	GO:000563	248	187	0.76	-0.40
H20000941	H200009417	ENSG0000	NM_021259	58986	TMEM8A	transmemb	GO:000715	GO:000367	GO:000576	150	195	1.30	0.38
H30001906	H300019060	ENSG0000	NM_173179	51006	SLC35C2	solute carr	GO:001062	-	GO:000579	94	74	0.79	-0.34
H20000472	H200004722	ENSG0000	NM_016422	50862	RNF141	ring finger	GO:000635	GO:000367	GO:001602	313	305	0.98	-0.04
CHsGV100	CHsGV1000084	ENSG0000	XM_011538	29953	TRHDE	thyrotropin	GO:000650	GO:000417	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005887	integral c		
H20000373	H200003730	ENSG0000	NM_205847	29926	GMPPA	GDP-mann	GO:000648	GO:000551	GO:000573	171	147	0.86	-0.22
CHsGV100	CHsGV1000109	ENSG0000	NM_020345	28512	NKIRAS1	NFKB inhib	GO:000724	GO:000392	GO:000557	41	50	1.22	0.29
AHsV1000	AHsV10002895	ENSG0000	XM_005257	27346	TMEM97	transmemb	GO:000155	GO:000551	GO:000576	649	552	0.85	-0.23
AHsV1000	AHsV10003350	-	XR_943499	57578	UNC79	unc-79 hor	GO:003422	-	GO:0005886	plasma m	3		
H20000466	H200004662	ENSG0000	XM_006720	57161	PEL12	pellino E3	GO:000193	GO:000551	GO:000582	10	20	2.11	1.08
AHsV1000	AHsV10002019	ENSG0000	NM_020412	57132	CHMP1B	charged mu	GO:000092	GO:000551	GO:000081	433	364	0.84	-0.25
CHsGV100	CHsGV1000054	ENSG0000	NM_001193	56729	RETN	resistin	GO:000756	GO:000517	GO:000561	15	15	1.02	0.04
H20001137	H200011379	ENSG0000	NM_015392	56654	NPDC1	neural proli	-	GO:000551	GO:001602	39	32	0.82	-0.29
H20001132	H200011329	ENSG0000	XM_006716	55872	PBK	PDZ bindin	GO:000646	GO:000467	GO:000557	1568	1675	1.07	0.10
H30001044	H300010448	ENSG0000	XM_006717	55844	PPP2R2D	protein phc	GO:000027	GO:000860	GO:000015	81	136	1.67	0.74
H20001907	H200019074	ENSG0000	XM_005245	26097	CHTOP	chromatin	GO:000635	GO:000551	GO:000034	1387	1338	0.96	-0.05
H20000374	H200003745	ENSG0000	XR_241847	26054	SENP6	SUMO1/se	GO:001692	GO:000551	GO:000565	285	444	1.55	0.64
H20001148	H200011483	ENSG0000	NM_001242	25847	ANAPC13	anaphase p	GO:000706	-	GO:000568	1212	954	0.79	-0.35
H20000114	H200001149	ENSG0000	NM_001171	25827	FBXL2	F-box and	GO:000646	GO:000484	GO:000573	64	37	0.57	-0.82
H20000379	H200003794	ENSG0000	NM_014323	23598	PATZ1	POZ/BTB	GO:000635	GO:000097	GO:000563	103	116	1.12	0.17
H30002247	H300022470	ENSG0000	NM_024533	23563	CHST5	carbohydr	GO:000597	GO:000151	GO:0000139	Golgi membrane,GO:0005794	Gol		
CHsGV100	CHsGV1000190	ENSG0000	NM_024080	79054	TRPM8	transient re	GO:000687	GO:000526	GO:000578	9	13	1.34	0.42
CHsGV100	CHsGV1000223	ENSG0000	NM_001193	64849	SLC13A3	solute carr	GO:000681	GO:001513	GO:0005886	plasma m	15		
H30001157	H300011575	ENSG0000	XM_011521	64799	IQCH	IQ motif co	-	-	-				
AHsV1000	AHsV10000071	ENSG0000	NM_001308	64130	LIN7B	lin-7 homo	GO:000688	GO:001990	GO:000588	34	29	0.86	-0.22
H20001134	H200011340	ENSG0000	NM_022142	64100	ELSPBP1	epididymal	GO:000733	-	GO:000557	27	28	1.01	0.01
AHsV1000	AHsV10002861	ENSG0000	XM_011516	58508	KMT2C	lysine meth	GO:000632	GO:000367	GO:000563	5	18	3.60	1.85
AHsV1000	AHsV10000200	ENSG0000	NM_021211	58486	ZBED5	zinc finger	-	GO:000367	-	239	228	0.95	-0.07
H20000776	H200007762	ENSG0000	NM_019599	50834	TAS2R1	taste 2 rec	GO:000158	GO:000852	GO:000588	7	14	2.12	1.09
AHsV1000	AHsV10001566	ENSG0000	XR_927473	50640	PNPLA8	patatin like	GO:000151	GO:000462	GO:000013	169	174	1.03	0.04
H20000705	H200007054	ENSG0000	XM_006716	29894	CPSF1	cleavage ar	GO:000039	GO:000551	GO:000565	159	148	0.93	-0.10
H30000439	H300004394	ENSG0000	NM_001243	29780	PARVB	parvin beta	GO:000715	GO:000377	GO:000582	40	52	1.32	0.40
H20001226	H200012260	ENSG0000	NM_001292	27309	ZNF330	zinc finger	GO:000815	GO:000827	GO:000077	1129	844	0.75	-0.42
H30001639	H300016390	ENSG0000	NR_045492	27257	LSM1	LSM1 homo	GO:000028	GO:000033	GO:000093	959	827	0.86	-0.21
H20000153	H200001536	ENSG0000	XM_005273	57509	MTUS1	microtubule	-	-	GO:0005615	extracellular space,GO:0005634	r		
CHsGV100	CHsGV1000347	ENSG0000	NM_020378	57106	NAT14	N-acetyltra	GO:000635	GO:000367	GO:000563	274	188	0.69	-0.55
H30002264	H300022646	ENSG0000	NM_020360	57048	PLSCR3	phospholipi	GO:000691	GO:000550	GO:000588	203	118	0.58	-0.79
H20001772	H200017728	ENSG0000	NM_019841	56302	TRPV5	transient re	GO:000681	GO:000526	GO:000588	47	44	0.94	-0.09
H20000524	H200005248	ENSG0000	NM_001306	56180	MOSPD1	motile sper	GO:000012	-	GO:000563	577	527	0.91	-0.13
AHsV1000	AHsV10003050	ENSG0000	XM_011523	55815	TSNAXIP1	translin-as	GO:000727	GO:000367	GO:0005575	cellular_component,GO:0048471			
AHsV1000	AHsV10003212	ENSG0000	XM_006715	55788	LMBRD1	LMBR1 dor	GO:000676	GO:000515	GO:000576	496	502	1.01	0.02
H20000863	H200008635	ENSG0000	XM_005254	26035	GLCE	glucuronic	GO:000597	GO:001685	GO:000013	57	111	1.94	0.96
AHsV1000	AHsV10002050	ENSG0000	NM_015529	26002	MOXD1	monooxyge	GO:000511	GO:000550	GO:0005789	endoplasmic reticulum membrane			
CHsGV100	CHsGV1000353	ENSG0000	NM_012342	25805	BAMBI	BMP and a	GO:000717	GO:000510	GO:000573	211	165	0.78	-0.35
AHsV1000	AHsV10000179	ENSG0000	XM_011509	25778	DSTYK	dual serine	GO:001810	GO:000467	GO:000573	30	60	1.99	0.99
H20001646	H200016463	ENSG0000	NM_012375	23538	OR52A1	olfactory re	GO:000716	GO:000488	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005887	in		
H30000438	H300004385	ENSG0000	NM_015351	23508	TTC9	tetratricop	GO:000041	GO:000375	GO:0005789	endoplasm	4		
CHsGV100	CHsGV1000346	ENSG0000	XM_011545	653808	ZG16	zymogen gr	GO:001503	GO:000551	GO:0005578	proteinaceous extracellular matri			
AHsV1000	AHsV10000160	ENSG0000	-	653316	FAM153C	family with	-	GO:000551	-				
AHsV1000	AHsV10002390	ENSG0000	NM_001291	646851	FAM227A	family with	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000219	ENSG0000	-	646567	OSTCP2	oligosaccha	-	-	-	1263	1077	0.85	-0.23
CHsGV100	CHsGV1000169	ENSG0000	NM_177455	168620	BHLHA15	basic helix	GO:000636	GO:000097	GO:0005634	nucleus	5		
AHsV1000	AHsV10000072	ENSG0000	NM_001145	166979	CDC20B	cell divisor	-	GO:000551	-				
AHsV1000	AHsV10003063	ENSG0000	NM_153225	157869	SBSPO1	somatomed	GO:000689	GO:000504	GO:0005578	proteinaceous extracellular matri			
CHsGV100	CHsGV1000353	ENSG0000	NM_001284	155185	AMZ1	archaelysin	GO:000650	GO:000823	-	42	41	0.98	-0.03
AHsV1000	AHsV10003113	ENSG0000	NM_001143	149095	DCST1	DC-STAMP	-	GO:000827	GO:0016021	integral component of membrane			
AHsV1000	AHsV10002848	ENSG0000	NM_152484	148266	ZNF569	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	13	34	2.67	1.42
CHsGV100	CHsGV1000346	ENSG0000	XM_011542	143888	KDEL2	KDEL moti	GO:000666	GO:000367	GO:000557	119	166	1.40	0.49
AHsV1000	AHsV10002554	ENSG0000	XM_011518	142680	SLC34A3	solute carr	GO:000681	GO:000543	GO:0005886	plasma m	9		
H20000319	H200003192	ENSG0000	XM_006720	79641	ROGD1	rogdi homo	GO:000742	-	GO:000562	257	229	0.89	-0.17
AHsV1000	AHsV10000987	ENSG0000	NM_001015	402682	UFSP1	UFM1-sped	GO:000650	GO:000367	GO:007006	75	74	0.99	-0.02
AHsV1000	AHsV10001885	ENSG0000	NM_001004	401665	OR51T1	olfactory re	GO:000716	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in		
AHsV1000	AHsV10001108	ENSG0000	NR_103709	392509	ARL13A	ADP ribosy	GO:000726	GO:000552	GO:0005622	intracellul	4		
H30001016	H300010162	ENSG0000	NM_001286	51504	TRMT112	tRNA meth	GO:000640	GO:000551	GO:004323	4491	3269	0.73	-0.46
CHsGV100	CHsGV1000228	ENSG0000	NM_152408	134359	POC5	POC5 cent	GO:000704	GO:000551	GO:000581	206	276	1.34	0.43
AHsV1000	AHsV10000611	ENSG0000	NM_001242	133396	IL31RA	interleukin	GO:000016	GO:000371	GO:0005622	intracellular,GO:0009897	externa		
AHsV1000	AHsV10003195	ENSG0000	NM_001122	127003	C1orf194	chromosom	-	-	-				
AHsV1000	AHsV10002123	ENSG0000	NR_103530	126549	ANKLE1	ankyrin rep	-	-	-	64	62	0.97	-0.05
H30000984	H300009848	ENSG0000	NM_001005	120787	OR52W1	olfactory re	GO:000716	GO:000493	GO:0005886	plasma m	4		
AHsV1000	AHsV10000849	ENSG0000	XM_005269	118788	PIK3AP1	phosphoino	GO:001406	GO:003631	GO:0005829	cytosol,G	3		
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	NM_001085	114803	MYSM1	Myb like, S	GO:000633	GO:000367	GO:000563	16	27	1.72	0.78
CHsGV100	CHsGV1000191	ENSG0000	XM_011542	114769	CARD16	caspase re	GO:001095	GO:000486	-	4	14	3.63	1.86
AHsV1000	AHsV10003483	ENSG0000	XM_011541	57822	GRHL3	grainyhead	GO:000173	GO:000122	GO:0005634	nucleus,GO:0005654	nucleoplasm		
AHsV1000	AHsV10001718	-	-	-	-	-	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000566	-	-	-	-	-	-	-	-	24	28	1.18	0.24
DHsGV100	DHsGV1000033	-	-	-	-	-	-	-	-	67	59	0.88	-0.18
DHsGV100	DHsGV1000220	ENSG0000	NM_001195	100507588	TGFBR3L	transformir	-	-	GO:0016021	integral c	4		
AHsV1000	AHsV10000344	ENSG0000	NM_001308	165631	PARP15	poly(ADP-r	GO:000635	GO:000395	GO:0005634	nucleus			
AHsV1000	AHsV10002011	-	XM_011509	164118	TTC24	tetratricop	-	-	-				
CHsGV100	CHsGV1000282	ENSG0000	NM_138574	154150	HDGFL1	hepatoma c	-	-	-	62	48	0.77	-0.38
AHsV1000	AHsV10000061	ENSG0000	NM_153027	152756	FAM218A	family with	-	GO:000551	-				
AHsV1000	AHsV10002125	-	NM_144686	147798	TMC4	transmemb	GO:000681	-	GO:0016021	integral c	5		
AHsV1000	AHsV10003216	ENSG0000	NM_001037	147166	TRIM16L	tripartite m	-	-	GO:000573	9	14	1.53	

AHsV1000	AHsV10000966	-	NM_214711	401137	PRR27	proline rich	-	-	GO:0070062	extracellular exosome									
DHsGV100	DHsGV1000501	-	-	-	-	-	-	-	-	-								6	
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	XM_011521	390637	GDPGP1	GDP-D-glu	GO:000600	GO:000016	GO:0005737	cytoplasm									
H30001355	H300013550	ENSG0000	NM_152397	132141	IQCF1	IQ motif co	GO:006047	-	GO:000166	4	10	2.62	1.39						
AHsV1000	AHsV10003071	ENSG0000	NM_001281	130951	M1AP	meiosis 1 a	GO:000639	GO:000367	GO:0005737	cytoplasm,GO:0016021	integral c								
AHsV1000	AHsV10001812	ENSG0000	NM_001080	126075	CCDC159	coiled-coil	-	-	-	-								17	
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_144612	125336	LOXHD1	lipoxigenas	GO:000760	GO:000526	GO:0016020	membrane								7	
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_011534	117608	ZNF354B	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus								7	
H20000891	H200008916	-	NM_053002	116931	MED12L	mediator c	GO:000635	GO:000110	GO:0016592	mediator complex									
CHsGV100	CHsGV1000342	ENSG0000	NM_001301	113451	AZIN2	antizyme in	GO:000659	GO:000458	GO:0005634	nucleus,GO								4	
H30001899	H300018993	ENSG0000	NR_045664	112752	IFT43	intraflagella	GO:000699	GO:000551	GO:000573	52	38	0.73	-0.45						
AHsV1000	AHsV10003030	ENSG0000	NM_020943	57703	CWC22	CWC22 hor	GO:000039	GO:000372	GO:000565	275	274	1.00	0.00						
H30001957	H300019578	ENSG0000	XM_005256	5606	MAP2K3	mitogen-ad	GO:000018	GO:000467	GO:000565	43	36	0.84	-0.25						
H30000167	H300001672	ENSG0000	-	649137	ZSCAN5C	zinc finger	GO:000635	GO:000098	GO:000563	720	374	0.52	-0.95						
H30000856	H300008569	ENSG0000	-	171222	UBE2L5P	ubiquitin-c	-	-	-	13377	11206	0.84	-0.26						
CHsGV100	CHsGV1000385	ENSG0000	NM_183242	284697	BTBD8	BTB domai	GO:000635	GO:000097	GO:0005634	nucleus,GO								6	
AHsV1000	AHsV10000746	ENSG0000	NM_207333	162967	ZNF320	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	139	121	0.87	-0.20						
AHsV1000	AHsV10000549	ENSG0000	XM_011521	161823	ADAL	adenosine	GO:000614	GO:000400	GO:000582	134	142	1.06	0.08						
CHsGV100	CHsGV1000007	ENSG0000	NM_001005	151647	FAM19A4	family with	GO:004239	GO:000551	GO:0005576	extracellular region									
AHsV1000	AHsV10001103	-	-	-	-	-	-	-	-	-								5	
AHsV1000	AHsV10000791	ENSG0000	XM_011524	146713	RBFOX3	RNA bindin	GO:000038	GO:000016	GO:0005634	nucleus,GO:0005737	cytoplasm,C								
opHsV0400	opHsV0400008	ENSG0000	XM_011522	146198	ZFP90	ZFP90 zinc	GO:000012	GO:000107	GO:000563	26	34	1.29	0.37						
H30000944	H300009444	ENSG0000	NM_207320	139562	OTUD6A	OTU deubi	GO:003552	GO:000484	-	-								10	
H30000709	H300007094	ENSG0000	XM_011517	138715	ARID3C	AT-rich int	GO:000635	GO:000367	GO:000563	6	11	1.89	0.92						
H20000244	H200002444	ENSG0000	NR_046052	79178	THTPA	thiamine tr	GO:000609	GO:000028	GO:000582	6	16	2.52	1.33						
AHsV1000	AHsV10001553	ENSG0000	NR_033873	400955	LINC01122	long interge	-	-	-	-									
AHsV1000	AHsV10000938	-	-	-	-	-	-	-	-	-								6	
AHsV1000	AHsV10000366	ENSG0000	NM_001005	390067	OR52H1	olfactory re	GO:000716	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in								
AHsV1000	AHsV10000757	ENSG0000	XM_011517	389677	RBM12B	RNA bindin	-	GO:000016	-	40	66	1.64	0.71						
AHsV1000	AHsV10001582	-	NR_110906	130340	AP1S3	adaptor rel	GO:000660	GO:000551	GO:0000139	Golgi men								4	
AHsV1000	AHsV10000971	ENSG0000	NR_104274	128989	TANGO2	transport a	-	-	GO:000573	481	579	1.20	0.27						
H30000403	H300004033	ENSG0000	NM_152344	124801	LSM12	LSM12 hor	-	-	-	435	394	0.91	-0.14						
AHsV1000	AHsV10002127	ENSG0000	XM_005255	124093	CCDC78	coiled-coil	GO:000300	-	GO:0005814	centriole,								9	
CHsGV100	CHsGV1000353	ENSG0000	NM_138785	116254	GINM1	glycoprotei	-	-	GO:001602	278	299	1.08	0.11						
H30000911	H300009117	ENSG0000	XM_006716	116039	OSR2	odd-skippe	GO:000012	GO:000097	GO:000563	78	61	0.78	-0.36						
AHsV1000	AHsV10002092	ENSG0000	NM_001205	100288695	LIMS4	LIM zinc fir	-	GO:000551	-	-								6	
CHsGV100	CHsGV1000321	-	NM_198988	94059	LENG9	leukocyte r	GO:000223	GO:004687	-	1848	1213	0.66	-0.61						
CHsGV100	CHsGV1000197	ENSG0000	NM_020846	57606	SLAIN2	SLAIN mot	GO:000702	GO:000551	GO:000573	127	204	1.60	0.68						
DHsGV100	DHsGV1000176	ENSG0000	NM_001257	647286	RD3L	retinal dege	-	-	-	-								3	
DHsGV100	DHsGV1000231	-	-	-	-	-	-	-	-	-									
DHsGV100	DHsGV1000149	-	-	-	-	-	-	-	-	6	9	1.55	0.63						
AHsV1000	AHsV10001975	ENSG0000	NM_001145	339541	C1orf228	chromosom	-	-	-	15	19	1.31	0.39						
CHsGV100	CHsGV1000025	ENSG0000	XM_011537	160419	C12orf50	chromosom	-	GO:000551	-	-									
AHsV1000	AHsV10002249	ENSG0000	NM_001282	158763	ARHGAP36	Rho GTPas	GO:000726	GO:000509	GO:0005829	cytosol									
CHsGV100	CHsGV1000381	ENSG0000	NM_152512	150350	ENTHD1	ENTH dom	-	-	-	-								5	
H20000289	H200002896	ENSG0000	NM_001303	149840	C20orf196	chromosom	-	-	-	47	46	0.98	-0.03						
AHsV1000	AHsV10002089	ENSG0000	XR_429293	145581	LRFN5	leucine ric	GO:000740	-	GO:0009986	cell surface,GO:0016021	integral								
AHsV1000	AHsV10000289	ENSG0000	XM_011537	144715	RAD9B	RAD9 ched	GO:000007	GO:000551	GO:000565	18	39	2.19	1.13						
AHsV1000	AHsV10000388	ENSG0000	XM_011517	137902	PXDNL	peroxidasin	GO:000697	GO:000451	GO:0005615	extracellular space,GO:0005737	c								
CHsGV100	CHsGV1000107	ENSG0000	NM_148959	135458	HUS1B	HUS1 ched	GO:000072	-	GO:000573	69	62	0.90	-0.16						
CHsGV100	CHsGV1000356	ENSG0000	NM_024099	79081	LBHD1	LBH domai	-	-	-	85	60	0.71	-0.50						
CHsGV100	CHsGV1000195	ENSG0000	XR_931815	400451	FAM174B	family with	-	-	GO:001602	8	13	1.66	0.73						
AHsV1000	AHsV10002135	ENSG0000	NM_001010	399814	C10orf120	chromosom	-	-	-	-									
CHsGV100	CHsGV1000223	ENSG0000	NR_104469	389383	CLPSL2	colipase lik	GO:000758	GO:000804	GO:0005576	extracellu								8	
opHsV0400	opHsV0400011	ENSG0000	NM_001159	389206	BEND4	BEN domai	-	-	-	-								6	
CHsGV100	CHsGV1000206	ENSG0000	NM_001300	128346	C1orf162	chromosom	-	-	GO:001602	5	19	3.72	1.90						
AHsV1000	AHsV10000523	ENSG0000	NM_001142	127687	C1orf122	chromosom	-	-	-	1402	1117	0.80	-0.33						
AHsV1000	AHsV10002752	ENSG0000	XM_011536	123096	SLC25A29	solute carr	GO:000641	GO:000373	GO:000574	102	78	0.77	-0.39						
AHsV1000	AHsV10002967	ENSG0000	XM_006719	121536	AEBP2	AE binding	GO:000012	GO:000097	GO:000563	54	65	1.21	0.27						
CHsGV100	CHsGV1000224	ENSG0000	XM_011517	115426	UHRF2	ubiquitin lik	GO:000651	GO:000367	GO:000563	56	67	1.20	0.26						
H30002145	H300021451	ENSG0000	XM_006721	114897	C1QTNF1	C1q and tu	GO:000720	GO:000551	GO:000558	19	19	1.03	0.05						
H20000885	H200008858	ENSG0000	NM_033296	93621	MRFP1	Morf4 famil	-	GO:000551	GO:000563	7647	7658	1.00	0.00						
AHsV1000	AHsV10001720	ENSG0000	XM_005254	93081	TEX30	testis expr	-	-	GO:000563	535	824	1.54	0.62						
AHsV1000	AHsV10001666	ENSG0000	NM_020777	57537	SORCS2	sortilin rela	GO:000721	GO:000818	GO:0016020	membrane,GO:0016021	integral c								
H20000202	H200002026	ENSG0000	NM_001159	11001	SLC27A2	solute carr	GO:000156	GO:000446	GO:000573	316	746	2.36	1.24						
DHsGV100	DHsGV1000337	-	-	-	-	-	-	-	-	-								6	
DHsGV100	DHsGV1000104	ENSG0000	XR_929801	401563	C9orf139	chromosom	-	-	-	6	8	1.32	0.40						
DHsGV100	DHsGV1000376	ENSG0000	XM_011522	89832	CHRFAM7A	CHRNA7 (c	GO:000198	GO:000523	GO:000989	279	215	0.77	-0.37						
DHsGV100	DHsGV1000242	-	-	-	-	-	-	-	-	-									
DHsGV100	DHsGV1000167	ENSG0000	NR_120352	101929221	C15orf59-A	C15orf59 a	-	-	-	-								6	
DHsGV100	DHsGV1000281	ENSG0000	-	7553	ZNF7	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	21	22	1.04	0.06						
DHsGV100	DHsGV100021	ENSG0000	-	23582	CCNDBP1	cyclin D-ty	GO:000704	GO:000551	GO:000563	32	36	1.13	0.18						
DHsGV100	DHsGV1000371	-	-	-	-	-	-	-	-	25	31	1.24	0.31						
DHsGV100	DHsGV1000083	-	-	-	-	-	-	-	-	83	73	0.89	-0.17						
DHsGV100	DHsGV1000209	-	-	-	-	-	-	-	-	10	13	1.23	0.29						
H30002217	H300022178	ENSG0000	NM_001177	6233	RPS27A	ribosomal p	GO:000008	GO:000373	GO:000561	33209	24827	0.75	-0.42						
CHsTV1000	CHsTV1000010	-	NM_022978	728492	SERF1B	small EDRC	GO:000739	GO:000367	GO:000557	11	11	1.05	0.07						
H30001908	H300019083	ENSG0000	NR_049763	23019	CNOT1	CCR4-NOT	GO:000012	GO:000453	GO:000093	714	746	1.05	0.06						
DHsGV100	DHsGV1000008	-	XM_011520	105376667	LOC10537	un													

DHsGV100	DHsGV1000238	ENSG0000	-	-	RP11-672L	-	-	-	-	1526	1298	0.85	-0.23
H30001943	H300019437	ENSG0000	XM_011535	8796	SCEL	sciellin	GO:000854	GO:000551	GO:000153	18	23	1.26	0.33
DHsGV100	DHsGV1000195	-	-	-	-	-	-	-	-	6	12	2.18	1.13
DHsGV100	DHsGV1000206	-	NG_029003	5579	PRKCB	protein kinase	GO:000027	GO:000368	GO:000563	6291	5977	0.95	-0.07
DHsGV100	DHsGV1000274	-	-	-	-	-	-	-	-	5	13	2.50	1.32
DHsGV100	DHsGV100042	-	-	-	-	-	-	-	-	20	22	1.10	0.14
DHsGV100	DHsGV1000359	ENSG0000	XM_011536	26037	SIPA1L1	signal-indu	GO:000815	GO:000367	GO:000557	36	31	0.87	-0.19
DHsGV100	DHsGV1000574	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000106	ENSG0000	NM_001145	85379	KIAA1671	KIAA1671	-	-	-	38	36	0.96	-0.06
H20000088	H200000886	ENSG0000	NM_001171	54825	CDHR2	cadherin re	GO:000715	GO:000550	GO:0005903	brush bor	3		
AHsV1000	AHsV10001793	ENSG0000	NR_131171	196913	LINC01599	long interge	-	-	-		3		
DHsGV100	DHsGV1000323	-	-	-	-	-	-	-	-	20	25	1.23	0.30
DHsGV100	DHsGV1000486	-	-	-	-	-	-	-	-		5		
H30000917	H300009179	ENSG0000	NM_001080	728269	MAGEA9B	MAGE fami	GO:000815	GO:000367	GO:000557	170	98	0.58	-0.80
H30000513	H300005130	ENSG0000	-	-	RP3-509I1	-	-	-	-		3		
DHsGV100	DHsGV1000555	-	-	-	-	-	-	-	-		3		
DHsGV100	DHsGV1000135	-	XR_241962	101927913	LOC10192	uncharacte	-	-	-		8		
DHsGV100	DHsGV1000185	-	NG_045000	-	-	-	-	-	-	19	22	1.14	0.19
AHsV1000	AHsV10002432	ENSG0000	XM_005255	83723	FAM57B	family with	GO:004559	GO:005029	GO:000013	16	13	0.81	-0.30
DHsGV100	DHsGV1000325	-	-	-	-	-	-	-	-	105	78	0.74	-0.42
DHsGV100	DHsGV1000057	-	-	-	-	-	-	-	-		8		
DHsGV100	DHsGV1000154	-	XM_011529	1565	CYP2D6	cytochrom	GO:000680	GO:000449	GO:000573	115	100	0.87	-0.20
DHsGV100	DHsGV1000090	-	-	-	-	-	-	-	-	28	32	1.13	0.18
H20000252	H200002525	ENSG0000	NM_001135	5928	RBBP4	retinoblast	GO:000008	GO:000097	GO:000079	1418	1244	0.88	-0.19
AHsV1000	AHsV10002031	-	-	-	-	-	-	-	-	11	28	2.51	1.33
AHsV1000	AHsV10002446	ENSG0000	NR_038977	441389	LINC01239	long interge	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000470	ENSG0000	NR_134288	441086	LOC441086	uncharacte	-	-	-				
H30000431	H300004315	ENSG0000	-	-	RP11-298C	-	-	-	-	9340	6763	0.72	-0.47
DHsGV100	DHsGV1000369	ENSG0000	XM_011525	23136	EPB41L3	erythrocyte	GO:000155	GO:000377	GO:000573	32	34	1.05	0.07
DHsGV100	DHsGV1000366	-	-	-	-	-	-	-	-	17	18	1.10	0.13
DHsGV100	DHsGV1000400	ENSG0000	XM_011537	57596	BEGAIN	brain enrich	-	GO:000551	GO:000573	40	38	0.94	-0.09
DHsGV100	DHsGV1000026	-	-	-	-	-	-	-	-	5	7	1.60	0.68
DHsGV100	DHsGV1000477	ENSG0000	NR_029378	100289511	LOC100289	uncharacte	-	-	-	65	81	1.25	0.32
DHsGV100	DHsGV1000462	ENSG0000	NM_004942	1673	DEFB4A	defensin be	GO:000693	-	GO:0005576	extracellular region,GO:0005796			
DHsGV100	DHsGV1000100	-	-	-	-	-	-	-	-	8	13	1.61	0.68
DHsGV100	DHsGV1000532	ENSG0000	NM_001077	25953	PNKD	paroxysmal	GO:001924	GO:000441	GO:000563	4	11	2.43	1.28
DHsGV100	DHsGV1000047	ENSG0000	NR_045483	729041	FAAHP1	fatty acid a	-	-	-	17	16	0.97	-0.04
AHsV1000	AHsV10000747	ENSG0000	XM_011520	728858	C12orf71	chromosom	-	-	-		6		
DHsGV100	DHsGV1000542	ENSG0000	-	-	AC116609	-	-	-	-	5	12	2.30	1.20
DHsGV100	DHsGV1000535	-	-	-	-	-	-	-	-				
H30000540	H300005400	ENSG0000	NM_001009	23313	KIAA0930	KIAA0930	-	-	-	89	74	0.83	-0.27
DHsGV100	DHsGV1000035	-	-	-	-	-	-	-	-		9		
DHsGV100	DHsGV1000346	ENSG0000	NM_031407	10075	HUWE1	HECT, UBA	GO:000020	GO:000367	GO:000563	25	25	1.01	0.01
DHsGV100	DHsGV1000052	-	-	-	-	-	-	-	-		10		
DHsGV100	DHsGV1000301	-	-	-	-	-	-	-	-	5	12	2.53	1.34
DHsGV100	DHsGV1000456	ENSG0000	-	440078	FAM66C	family with	-	-	-		5		
DHsGV100	DHsGV1000067	-	-	-	-	-	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000007	ENSG0000	-	-	RP11-61J1	-	-	-	-	16	23	1.45	0.53
DHsGV100	DHsGV1000109	ENSG0000	NR_037840	3600	IL15	interleukin	GO:000177	GO:000512	GO:000557	21	23	1.12	0.16
DHsGV100	DHsGV1000271	-	-	-	-	-	-	-	-	11	13	1.19	0.26
AHsV1000	AHsV10002753	ENSG0000	NM_001024	554251	FBXO48	F-box prot	-	-	-		14		
CHsGV100	CHsGV1000385	ENSG0000	NM_001128	150221	RIMBP3C	RIMS bindin	-	-	-	12	14	1.17	0.23
DHsGV100	DHsGV1000401	-	-	-	-	-	-	-	-	34	31	0.90	-0.15
H20000099	H200000994	ENSG0000	NM_024321	79171	RBM42	RNA bindin	GO:004802	GO:000016	GO:000563	153	154	1.01	0.02
DHsGV100	DHsGV1000227	ENSG0000	-	3292	HSD17B1	hydroxyste	GO:000669	GO:000382	GO:000565	32	39	1.21	0.28
DHsGV100	DHsGV1000458	-	-	-	-	-	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000524	-	NG_029604	9444	QKI	QKI, KH do	GO:000157	GO:000372	GO:000563	5	14	2.75	1.46
DHsGV100	DHsGV1000032	-	-	-	-	-	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000470	ENSG0000	-	56984	PSMG2	proteasome	GO:000709	GO:000551	GO:0005634	nucleus			
DHsGV100	DHsGV1000196	ENSG0000	-	54742	LY6K	lymphocyte	-	-	GO:000557	44	34	0.76	-0.39
DHsGV100	DHsGV1000523	ENSG0000	-	100288892	COX6CP4	cytochrom	-	-	-		6		
DHsGV100	DHsGV1000126	-	-	-	-	-	-	-	-	23	25	1.09	0.12
DHsGV100	DHsGV1000520	-	-	-	-	-	-	-	-	517	438	0.85	-0.24
DHsGV100	DHsGV1000276	-	-	-	-	-	-	-	-	32	30	0.95	-0.08
DHsGV100	DHsGV1000125	ENSG0000	XR_933061	105371076	LOC10537	uncharacte	-	-	-				
CHsGV100	CHsGV1000394	ENSG0000	NM_001039	654483	BOLA2B	bolA family	-	-	GO:007006	2195	2157	0.98	-0.03
H30002059	H300020595	ENSG0000	XM_011523	54971	BANP	BTG3 asso	GO:000635	GO:000203	GO:000565	34	34	0.98	-0.03
DHsGV100	DHsGV1000550	ENSG0000	NM_018158	22950	SLC4A1AP	solute carr	-	GO:000551	GO:000563	430	394	0.92	-0.13
DHsGV100	DHsGV1000075	-	-	-	-	-	-	-	-		5		
DHsGV100	DHsGV1000335	-	-	-	-	-	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000078	ENSG0000	NG_017197	2487	FRZB	frizzled-rel	GO:000150	GO:000493	GO:0005615	extracellu	5		
DHsGV100	DHsGV1000078	ENSG0000	NG_029673	2353	FOS	FBJ murine	GO:000166	GO:000097	GO:000563	72	69	0.96	-0.07
DHsTV100	DHsTV1000014	-	-	-	-	-	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000133	ENSG0000	-	83608	C18orf21	chromosom	-	-	-	5	12	2.51	1.33
DHsGV100	DHsGV1000303	ENSG0000	NM_001145	100170229	SRRM5	serine/argi	-	-	-		4		
CHsGV100	CHsGV1000252	ENSG0000	NM_001040	503618	DEFB104B	defensin be	GO:004274	-	GO:0005576	extracellular region,GO:0009986			
CHsGV100	CHsGV1000107	ENSG0000	NM_001017	474381	H2AFB2	H2A histon	GO:000633	GO:000367	GO:000078	6	8	1.31	0.39
opHsV0400	opHsV0400009	ENSG0000	NM_001012	440050	KRTAP5-7	keratin ass	-	-	GO:0045095	keratin fil	7		
AHsV1000	AHsV10002469	ENSG0000	NR_033923	414260	LINC00619	long interge	-	-	-				
H20001798	H200017987	ENSG0000	XM_011519	11164	NUDT5	nudix hydro	GO:000911	GO:000028	GO:000562	4006	3331	0.83	-0.27
H20001905	H200019054	ENSG0000	NM_006362	10482	NXF1	nuclear RN	GO:000640	GO:000016	GO:000034	723	634	0.88	-0.19
H20000407	H200004079	ENSG0000	NM_001198	5931	RBBP7	retinoblast	GO:000012	GO:000372	GO:000563	4086	3569	0.87	-0.20
H20001176	H200011769	ENSG0000	NM_001289	5378	PMS1	PMS1 hom	GO:000629	GO:000367	GO:000079	266	338	1.27	0.35
H30001988	H300019888	ENSG0000	NR_037649	905	CCNT2	cyclin T2	GO:000007	GO:000551	GO:000030	100	138	1.38	0.46
H20000329	H200003299	ENSG0000	XM_006711	9122	SLC16A4	solute carr	GO:001571	GO:000802	GO:000588	4	12	2.90	1.54
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011521	7782	SLC30A4	solute carr	GO:000963	GO:000538	GO:000573	35	32	0.91	-0.14
H20001340	H200013408	ENSG0000	NM_001308	27333	GOLIM4	golgi integr	GO:000681	-	GO:000565	50	47	0.94	-0.08
H30000070	H300000703	ENSG0000	XM_005271	7802	DNALI1	dynein axol	GO:000692	GO:000377	GO:000573	18	33	1.80	0.85
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_175857	337879	KRTAP8-1	keratin ass	-	GO:000551	GO:000588	29	32	1.09	0.12

H20000678	H200006787	-	NM_001130	3148	HMGB2	high mobility	GO:000193	GO:000040	GO:000079	9698	10545	1.09	0.12
H30001129	H300011296	ENSG0000	NM_015852	51351	ZNF117	zinc finger	GO:000635	GO:000097	GO:000563	982	1396	1.42	0.51
H30002031	H300020311	ENSG0000	NM_001256	23635	SSBP2	single-strand	GO:000635	GO:000369	GO:000563	379	470	1.24	0.31
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XR_942463	5134	PDCD2	programme	GO:000691	GO:000367	GO:000563	1982	1907	0.96	-0.06
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_006717	2220	FCN2	ficolin 2	GO:000186	GO:000382	GO:000576	8			
H30002048	H300020487	ENSG0000	XM_005270	7073	TIAL1	TIA1 cytot	GO:000635	GO:000016	GO:000563	451	390	0.87	-0.21
H30001884	H300018846	ENSG0000	XM_005269	5869	RAB5B	RAB5B, me	GO:000703	GO:000392	GO:000562	68	81	1.19	0.26
H20001089	H200010894	ENSG0000	NR_046401	9311	ASIC3	acid sensin	GO:000681	GO:000526	GO:000573	6	14	2.32	1.22
H20000569	H200005698	ENSG0000	XM_011518	774	CACNA1B	calcium vol	GO:000681	GO:000524	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005891	va		
H30002143	H300021438	ENSG0000	XM_005257	326624	RAB37	RAB37, me	GO:000726	GO:000551	GO:0005793	endoplasmic reticulum-Golgi inte			
H20001264	H200012641	ENSG0000	XM_005248	79810	PTCD2	pentatricop	GO:000182	GO:004482	GO:000573	182	146	0.80	-0.32
H30002042	H300020426	ENSG0000	NM_001242	4684	NCAM1	neural cell	GO:000016	GO:000161	GO:0000139	Golgi men			
H20000781	H200007818	ENSG0000	XM_005251	8777	MPDZ	multiple PD	GO:000715	GO:000551	GO:000573	33	43	1.32	0.41
H30002085	H300020858	ENSG0000	NR_003249	9987	HNRNPDL	heterogene	GO:000635	GO:000016	GO:000563	4167	3568	0.86	-0.22
H30000436	H300004360	ENSG0000	XM_006723	102724334	LOC102724	histone H2	-	-	-	7879	4302	0.55	-0.87
H30001975	H300019757	ENSG0000	NM_001256	1434	CSE1L	CSE1 chro	GO:000660	GO:000504	GO:000563	1790	1512	0.84	-0.24
H20002045	H200020459	ENSG0000	NM_001077	9970	NR1I3	nuclear rec	GO:000164	GO:000097	GO:000563	12	17	1.41	0.50
H30002039	H300020394	ENSG0000	XM_006717	8939	FUBP3	far upstrea	GO:000635	GO:000097	GO:000563	69	78	1.12	0.17
H30002011	H300020112	ENSG0000	XM_011536	4857	NOVA1	neuro-onc	GO:000039	GO:000372	GO:000563	5	9	1.76	0.82
H20000732	H200007327	ENSG0000	XM_011538	4440	MS1	musashi RN	GO:000739	GO:000016	GO:000563	20	26	1.28	0.36
H20000685	H200006850	ENSG0000	NM_005148	9094	UNC119	unc-119 lip	GO:000689	GO:000551	GO:000092	183	170	0.93	-0.11
H20000048	H200000484	ENSG0000	NM_001319	5443	POMC	proopiomel	GO:000609	GO:000166	GO:000557	35	36	1.05	0.06
H30002142	H300021420	-	NM_020469	28	ABO	ABO blood	GO:000648	GO:000438	GO:000576	extracellu	11		
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_020528	54039	PCBP3	poly(rC) bir	GO:001607	GO:000367	GO:000563	5	15	2.77	1.47
H20000436	H200004366	ENSG0000	XR_944623	5630	PRPH	peripherin	GO:004510	GO:000519	GO:000588	24	24	1.00	0.00
H20000350	H200003506	ENSG0000	NM_018425	55361	PI4K2A	phosphatid	GO:000664	GO:000028	GO:000573	15	19	1.28	0.35
H20001125	H200011254	ENSG0000	NM_015873	50853	VILL	villin-like	GO:000701	GO:000377	GO:001562	40	39	0.97	-0.04
H20000589	H200005893	ENSG0000	NM_001257	1890	TYMP	thymidine p	GO:000000	GO:000464	GO:000582	25	22	0.87	-0.21
H30001861	H300018612	ENSG0000	NM_016009	51100	SH3GLB1	SH3-doma	GO:000691	GO:000551	GO:000013	428	467	1.09	0.13
H30001909	H300019098	-	NR_037916	331	XIAP	X-linked in	GO:000691	GO:000484	GO:000563	30	32	1.06	0.09
H20000391	H200003919	ENSG0000	XM_011525	10939	AFG3L2	AFG3 like r	GO:000646	GO:000417	GO:000573	930	628	0.67	-0.57
H30001910	H300019106	ENSG0000	NM_001283	63908	NAPB	NSF attach	GO:000688	GO:000548	GO:000577	30	43	1.44	0.53
H20000775	H200007751	ENSG0000	NM_199368	26133	TRPC4AP	transient re	GO:000651	GO:000551	GO:000588	261	274	1.05	0.07
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_020435	57165	GC2	gap junctio	GO:000726	GO:000524	GO:000592	51	44	0.87	-0.19
H20001656	H200016568	ENSG0000	NM_001146	23562	CLDN14	claudin 14	GO:000646	GO:000519	GO:000578	9	13	1.42	0.50
H30002002	H300020022	ENSG0000	NM_004157	5576	PRKAR2A	protein kin	GO:000309	GO:000486	GO:000573	99	88	0.89	-0.17
H20000639	H200006393	ENSG0000	NM_002668	5355	PLP2	proteolipid	GO:000681	GO:000551	GO:000578	608	666	1.10	0.13
H20000220	H200002204	ENSG0000	NM_020533	57192	MCOLN1	mucopolin 1	GO:000681	GO:000526	GO:000573	89	74	0.83	-0.27
H30001896	H300018966	ENSG0000	NM_001198	9053	MAP7	microtubule	GO:000022	GO:000510	GO:000573	28	29	1.03	0.04
H20001725	H200017259	ENSG0000	NM_013296	29899	GPSM2	G-protein s	GO:000013	GO:000016	GO:000573	365	376	1.03	0.05
H20000043	H200000437	ENSG0000	NM_002056	2673	GFPT1	glutamine-	GO:000600	GO:000436	GO:000582	167	345	2.07	1.05
H20000387	H200003873	ENSG0000	XM_011542	8317	CDC7	cell divisio	GO:000008	GO:000467	GO:000563	513	489	0.95	-0.07
H30001572	H300015720	-	XM_011514	7936	NELFE	negative el	GO:000636	GO:000016	GO:000563	1654	1405	0.85	-0.24
H20001106	H200011061	ENSG0000	NM_001256	7376	NR1H2	nuclear rec	GO:000012	GO:000097	GO:000563	128	125	0.98	-0.03
H20000689	H200006896	ENSG0000	NR_046000	3662	IRF4	interferon r	GO:000636	GO:000097	GO:000078	10	19	1.91	0.93
H30000381	H300003818	ENSG0000	NM_004496	3169	FOXA1	forkhead b	GO:000633	GO:000098	GO:000563	148	116	0.79	-0.35
H20000036	H200000365	ENSG0000	NR_126098	1907	EDN2	endothelin	GO:000151	GO:000517	GO:000557	16	18	1.13	0.18
H20001336	H200013367	ENSG0000	NM_032390	84365	NIFK	nucleolar p	GO:000646	GO:000016	GO:000079	616	369	0.60	-0.74
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XM_011538	9182	RASSF9	Ras associ	GO:000660	GO:000521	GO:000576	11	16	1.41	0.50
H30001915	H300019151	ENSG0000	XM_005250	5189	PEX1	peroxisoma	GO:000662	GO:000551	GO:000573	101	122	1.22	0.28
H20000122	H200001226	ENSG0000	NM_003178	6854	SYN2	synapsin II	GO:000726	GO:000382	GO:003005	12	14	1.20	0.26
H20001102	H200011023	ENSG0000	NM_002043	2570	GABRR2	gamma-am	GO:000681	GO:000489	GO:000588	5	10	1.89	0.92
H20001283	H200012834	ENSG0000	XM_011542	11181	TREH	trehalase	GO:000597	GO:000455	GO:0005886	plasma membrane,GO:0046658	ar		
H20000802	H200008026	ENSG0000	NM_052932	114908	TMEM123	transmemb	GO:007026	GO:000487	GO:000989	1681	1500	0.89	-0.16
H20000818	H200008186	ENSG0000	NM_004586	6197	RPS6KA3	ribosomal p	GO:000150	GO:000028	GO:000565	306	291	0.95	-0.07
H30000650	H300006507	ENSG0000	NM_001184	4725	NDUFS5	NADH:ubiq	GO:000612	GO:000813	GO:000573	10498	5965	0.57	-0.82
H30001163	H300011637	ENSG0000	NM_001195	2936	GSR	glutathione	GO:000030	GO:000436	GO:000575	524	692	1.32	0.40
H20001705	H200017053	ENSG0000	NM_016633	51327	AHSP	alpha hemo	GO:000645	GO:000551	GO:000583	49	28	0.56	-0.84
opHsV0400	opHsV0400000	-	NM_003754	8665	EIF3F	eukaryotic	GO:000173	GO:000374	GO:000582	4550	4214	0.93	-0.11
H20001252	H200012523	-	NM_013239	28227	PPP2R3B	protein ph	GO:000008	GO:000368	GO:000015	80	104	1.29	0.37
H30001279	H300012797	ENSG0000	NM_172347	93107	KCNG4	potassium	GO:000726	GO:000525	GO:000588	12	15	1.27	0.35
H30000692	H300006924	ENSG0000	NM_006623	26227	PHGDH	phosphogly	GO:000654	GO:000461	GO:000582	774	4684	6.05	2.60
H20001495	H200014956	ENSG0000	XM_011538	5153	PDE1B	phosphodie	GO:000150	GO:000411	GO:000582	7	13	1.71	0.77
H30002018	H300020187	ENSG0000	NR_076392	9361	LONP1	lon peptida	GO:000000	GO:000369	GO:000563	696	881	1.27	0.34
H20000271	H200002713	ENSG0000	NM_006014	8270	LAGE3	L antigen f	GO:000640	GO:000367	GO:000557	2100	1336	0.64	-0.65
H20001426	H200014263	ENSG0000	NM_015002	23014	FBXO21	F-box prot	GO:000651	GO:000367	GO:000015	138	93	0.67	-0.57
H30001856	H300018568	ENSG0000	NM_133180	54869	EPS8L1	EPS8 like 1	GO:000726	GO:000377	GO:000573	16	33	2.04	1.03
H30001897	H300018977	ENSG0000	NM_032974	843	CASP10	caspase 10	GO:000650	GO:000419	GO:000582	40	54	1.35	0.43
H20000305	H200003059	ENSG0000	XM_011521	6938	TCF12	transcripti	GO:000635	GO:000097	GO:000079	350	359	1.03	0.04
H20000575	H200005751	ENSG0000	XM_011516	6604	SMARCD3	SWI/SNF r	GO:000205	GO:000368	GO:000079	10	15	1.52	0.60
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_004113	2257	FGF12	fibroblast g	GO:000325	GO:000510	GO:000561	16	24	1.50	0.59
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_011542	1656	DDX6	DEAD-box	GO:000028	GO:000372	GO:000093	73	69	0.94	-0.09
H20000792	H200007926	ENSG0000	XM_005254	7158	TP53BP1	tumor prot	GO:000007	GO:000110	GO:000077	324	290	0.89	-0.16
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001018	171568	POLR3H	polymerase	GO:000613	GO:000105	GO:000565	426	257	0.60	-0.73
H20001348	H200013481	ENSG0000	NM_004820	9420	CYP7B1	cytochrom	GO:000669	GO:000550	GO:000578	4	11	3.05	1.61
H30001215	H300012156	ENSG0000	NM_000770	1558	CYP2C8	cytochrom	GO:000608	GO:000449	GO:000578	32	27	0.86	-0.23
H20001038	H200010386	ENSG0000	NM_000747	1140	CHRN1	cholinergic	GO:000194	GO:000488	GO:000588	94	83	0.88	-0.19
H20002116	H200021160	-	-	-	-	-	-	-	-	14	19	1.38	0.47
H20000619	H200006195	ENSG0000	NM_001001	6876	TAGLN	transgelin	GO:000751	GO:000377	GO:000573	22	21	0.92	-0.11
H30001909	H300019099	ENSG0000	XR_243688	92335	STRADA	STE20-rela	GO:000646	GO:000467	GO:000563	142	122	0.86	-0.22
H20000131	H200001314	ENSG0000	NM_001254	390	RND3	Rho family	GO:000715	GO:000392	GO:0000139	Golgi men	6		
H20001904													

H30001982	H300019825	ENSG0000	NR_073499	10657	KHDRBS1	KH domain	GO:000008	GO:000367	GO:000563	1954	1604	0.82	-0.29
H30001891	H300018915	ENSG0000	NR_104167	9173	IL1RL1	interleukin	GO:000282	GO:000211	GO:000578	proteinac	13		
H20001238	H200012386	ENSG0000	NM_001258	1894	ECT2	epithelial c	GO:000090	GO:000487	GO:000563	186	194	1.04	0.06
H20000643	H200006436	ENSG0000	XM_011537	9787	DLGAP5	discs large	GO:000647	GO:000472	GO:000563	782	693	0.89	-0.17
H30002043	H300020433	ENSG0000	NR_037946	100534595	HNRNPUL2	HNRNPUL2	-	-	-	374	336	0.90	-0.16
H20000188	H200001886	ENSG0000	NM_019108	56006	SMG9	SMG9 nons	GO:000018	GO:000551	GO:000562	146	204	1.40	0.48
H20001798	H200017983	ENSG0000	NM_015284	23334	SZT2	seizure thr	GO:000741	GO:000367	GO:000577	46	55	1.19	0.26
H20000210	H200002100	ENSG0000	XM_011542	79607	FAM118B	family with	-	GO:000551	GO:001503	432	329	0.76	-0.39
H20000489	H200004891	ENSG0000	XM_006720	79696	ZC2HC1C	zinc finger	-	GO:000551	-	-	7		
H20000521	H200005218	ENSG0000	NM_021571	59082	CARD18	caspase re	GO:000695	GO:000486	GO:000557	31	50	1.60	0.68
H20000390	H200003900	ENSG0000	XM_011519	11234	HPS5	HPS5, biog	GO:000699	-	GO:003108	186	217	1.17	0.23
H20001091	H200010914	ENSG0000	XM_011542	29118	DEAD-box	DEAD-box	GO:000640	GO:000372	GO:000563	nucleus,G	4		
H20000099	H200000997	ENSG0000	XM_006716	55174	INTS10	integrator d	GO:001618	GO:000551	GO:003203	1232	1009	0.82	-0.29
H20000684	H200006843	ENSG0000	XM_011522	780776	TVP23A	trans-golgi	GO:000930	-	GO:003017	265	274	1.03	0.05
H20001508	H200015089	ENSG0000	XM_011536	25831	HECTD1	HECT dom	GO:000177	GO:000484	-	503	567	1.13	0.17
H20000296	H200002964	ENSG0000	NM_001171	51161	C3orf18	chromosom	-	-	GO:001602	integral c	8		
H20001516	H200015168	ENSG0000	NM_031439	83595	SOX7	SRY-box 7	GO:000170	GO:000370	GO:000563	32	31	0.98	-0.03
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001167	64754	SMYD3	SET and M	GO:000632	GO:000097	GO:000565	1327	1694	1.28	0.35
H20001587	H200015878	ENSG0000	NM_013939	26538	OR10H2	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:000586	plasma membrane,GO:001602	in		
H20000296	H200002965	ENSG0000	XM_006718	89849	ATG16L2	autophagy	GO:000004	-	GO:000042	50	48	0.95	-0.07
H20001235	H200012354	ENSG0000	XM_011524	83659	TEKT1	tektin 1	-	GO:000551	GO:000563	58	50	0.87	-0.20
H20000539	H200005393	ENSG0000	XM_011539	23223	RRP12	ribosomal F	-	GO:004482	GO:000573	466	343	0.74	-0.44
H20000334	H200003340	ENSG0000	NM_018323	55300	PI4K2B	phosphatid	GO:000664	GO:000443	GO:000573	195	183	0.94	-0.09
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_001004	344892	RTP2	receptor (c	GO:000158	GO:000551	GO:000562	intracellu	7		
H30000651	H300006513	ENSG0000	XM_011520	338323	NLRP14	NLR family	GO:000727	GO:000552	-	-	4		
H30000362	H300003624	ENSG0000	NM_001008	158798	AKAP14	A-kinase a	GO:000728	GO:005101	GO:000573	cytoplasm	3		
H20000361	H200003618	ENSG0000	NR_030775	149345	SHISA4	shisa family	-	-	GO:001602	145	98	0.68	-0.57
H30001714	H300017141	-	NM_052925	114823	LENG8	leukocyte r	-	GO:000551	-	10	14	1.49	0.58
H20000865	H200008659	ENSG0000	XM_011517	93035	PKHD1L1	polycystic	GO:000695	GO:000487	GO:000565	extracellu	8		
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_011535	2963	GTF2F2	general tra	GO:000039	GO:000099	GO:000563	907	742	0.82	-0.29
H30001631	H300016316	ENSG0000	NR_131175	10907	TXNL4A	thioredoxin	GO:000024	GO:000551	GO:000565	83	73	0.88	-0.19
H20001336	H200013369	ENSG0000	XM_011542	57646	USP28	ubiquitin sp	GO:000007	GO:000484	GO:000563	101	99	0.98	-0.03
H20001772	H200017725	ENSG0000	NM_003262	7095	SEC62	SEC62 hom	GO:000661	GO:000487	GO:000578	52	46	0.87	-0.20
H20000479	H200004795	ENSG0000	NM_024640	79693	YRDC	yrdc N(6)-	GO:000294	GO:000004	GO:000573	529	433	0.82	-0.29
H20000423	H200004237	ENSG0000	XM_011542	7709	ZBTB17	zinc finger	GO:000170	GO:000367	GO:000565	243	230	0.94	-0.08
H20000661	H200006611	ENSG0000	NM_012413	25797	QPCT	glutaminyl-	GO:000646	GO:000827	GO:007062	extracellular exosome			
H20001346	H200013465	ENSG0000	XM_006721	54757	FAM20A	family with	GO:000193	GO:000467	GO:000562	cell,GO:000578	endoplasmic ret		
H20001462	H200014629	ENSG0000	XM_011525	84961	FBXL20	F-box and	GO:000166	-	GO:000573	35	42	1.23	0.29
H20001165	H200011653	ENSG0000	XM_011545	11151	CORO1A	coronin 1A	GO:000177	GO:000377	GO:000177	123	536	4.37	2.13
H20001578	H200015786	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
H20001205	H200012054	ENSG0000	NR_104424	57531	HACE1	HECT dom	GO:000635	GO:000484	GO:000013	43	87	2.04	1.03
H20001349	H200013494	ENSG0000	NM_001080	285220	EPHA6	EPH recep	GO:000741	GO:000367	GO:000557	12	15	1.29	0.37
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_020778	57538	ALPK3	alpha kinas	GO:000646	GO:000467	GO:000563	16	17	1.10	0.14
H20000239	H200002397	ENSG0000	XM_011539	55662	HIF1AN	hypoxia ind	GO:000635	GO:000511	GO:000563	58	57	0.99	-0.01
H20001122	H200011222	ENSG0000	NM_002158	3344	FOXN2	forkhead bd	GO:000635	GO:000370	GO:000563	42	63	1.49	0.57
H20001622	H200016227	ENSG0000	NM_018316	55295	KLHL26	kelch like f	GO:001656	GO:000484	GO:003146	7	10	1.51	0.60
H20001546	H200015466	ENSG0000	-	55018	LINC00483	long interge	-	-	-	35	33	0.94	-0.09
H20000991	H200009914	ENSG0000	NM_020754	57514	ARHGAP3	Rho GTPase	GO:000726	GO:000509	GO:000582	cytosol,G	5		
H20001404	H200014044	ENSG0000	NM_003198	6924	TCEB3	transcriptid	GO:000635	GO:000367	GO:000561	351	247	0.71	-0.50
H30000162	H300001625	ENSG0000	NR_134900	285368	PRRT3	proline rich	-	-	GO:001602	15	19	1.26	0.33
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	XM_011539	282996	RBM20	RNA bindin	GO:000639	GO:000016	GO:000563	19	22	1.13	0.18
H30000831	H300008319	ENSG0000	NM_001142	142686	ASB14	ankyrin rep	GO:001656	-	GO:000562	5	9	1.84	0.88
H20000300	H200003003	ENSG0000	NM_145808	136319	MTPN	myotrophin	GO:000641	GO:004356	GO:000563	6940	4820	0.69	-0.53
H30001873	H300018738	ENSG0000	NR_104095	90011	KIR3DX1	killer cell in	-	-	GO:000557	21	22	1.05	0.06
H20000547	H200005472	ENSG0000	NM_032840	84926	SPRYD3	SPRY dom	-	-	-	200	150	0.75	-0.41
H20000288	H200002887	ENSG0000	NM_005067	6478	SLAH2	siah E3 ubi	GO:000651	GO:000371	GO:000563	266	194	0.73	-0.45
H20000888	H200008882	ENSG0000	XM_006722	84152	PPP1R1B	protein pho	GO:000197	GO:000486	GO:000563	22	26	1.17	0.23
H20002020	H200020201	ENSG0000	NM_052926	114824	PNMA5	paraneopla	GO:004306	GO:000551	-	11	16	1.47	0.56
H20001872	H200018729	-	NM_001165	730755	KRTAP2-3	keratin ass	-	GO:000551	GO:004509	7	15	1.99	0.99
H20002128	H200021283	ENSG0000	NM_199461	340719	NANOS1	nanos hom	GO:001063	GO:000372	GO:000573	12	9	0.75	-0.41
H20000197	H200001973	ENSG0000	NM_014041	28972	SPCS1	signal pept	GO:000641	GO:000367	GO:000578	2235	1623	0.73	-0.46
H20001455	H200014554	ENSG0000	NM_001306	64902	AGX2	alanine--gl	GO:000620	GO:000845	GO:000573	mitochon	8		
H20001811	H200018113	ENSG0000	XM_011515	135935	NOBOX	NOBOX oo	GO:000154	GO:000097	GO:000563	91	62	0.68	-0.55
H20000225	H200002255	ENSG0000	NM_022752	64763	ZNF574	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	72	55	0.77	-0.37
H20001716	H200017169	ENSG0000	NR_073207	80343	SEL1L2	SEL1L2 EF	-	-	GO:001602	integral component of membrane			
H20000222	H200002224	ENSG0000	XR_943531	79609	VCPKMT	valosin con	GO:001802	GO:000551	GO:000557	115	147	1.28	0.35
H20000769	H200007692	ENSG0000	NM_001256	8463	TEAD2	TEA domai	GO:000157	GO:000367	GO:000563	37	40	1.08	0.11
H20000303	H200003038	ENSG0000	NM_015237	23285	KIAA1107	KIAA1107	-	-	-	-	12		
H20000260	H200002606	ENSG0000	XM_005267	51562	MBIP	MAP3K12 i	GO:000017	GO:000486	GO:000563	299	277	0.93	-0.11
H20001680	H200016801	ENSG0000	NM_014079	28999	KLF15	Kruppel-lik	GO:000636	GO:000107	GO:000563	17	14	0.79	-0.33
H20000440	H200004400	ENSG0000	XM_005256	201254	STRA13	stimulated	GO:000071	GO:000367	GO:000077	3421	1593	0.47	-1.10
H20001421	H200014216	ENSG0000	NM_138421	113174	SAAL1	serum amy	-	-	GO:000561	632	458	0.72	-0.47
H20000190	H200001905	ENSG0000	XM_011539	54838	WBP1L	WW domain	-	GO:000551	GO:001602	175	141	0.81	-0.31
H20001616	H200016165	ENSG0000	NM_005222	1750	DLX6	distal-less	GO:000150	GO:000370	GO:000563	13	16	1.16	0.21
H20001135	H200011359	ENSG0000	NM_006911	6013	RLN1	relaxin 1	GO:000716	GO:000517	GO:000576	extracellu	3		
H20001998	H200019980	ENSG0000	NM_181843	254552	NUDT8	nudix hydr	GO:000815	GO:001678	GO:000573	155	111	0.71	-0.49
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_005252	221079	ARL5B	ADP ribosy	GO:000726	GO:000552	GO:000562	140	172	1.23	0.30
H30000509	H300005095	-	NM_144638	131616	TMEM42	transmemb	-	-	GO:001602	48	48	0.99	-0.01
H20002116	H200021165	ENSG0000	NM_144617	126393	HSPB6	heat shock	GO:000693	GO:000521	GO:000563	41	37	0.90	-0.15
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_032435	84451	KIAA1804	mixed linea	GO:000018	GO:000470	GO:000557	19	20	1.10	0.14
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_032138	84078	KBTD7	kelch repe	GO:000016	GO:000367	GO:000557	49	65	1.32	0.40
H20000197	H200001977	ENSG0000	NM_018948	54206	ERRF1	ERBB rece	GO:000695	GO:000509	GO:000563	30	44	1.47	0.55
H30002048	H300020483	ENSG0000	XM_005267	10640	EXOC5	exocyst co	GO:000688	GO:001716	GO:000573	156	174	1.11	0.15
H20001298	H200012980	ENSG0000											

H20000785	H200007850	ENSG0000	NM_001304	93145	OLFM2	olfactomed	GO:000760	GO:000551	GO:000576	extracellular region,GO:0005634				
H20000501	H200005014	ENSG0000	NM_015370	25770	C22orf31	chromosom	-	-	-	6	14	2.22	1.15	
H20000327	H200003276	ENSG0000	NM_012458	26517	TIMM13	translocase	GO:000662	GO:000827	GO:000573	1912	1050	0.55	-0.86	
H20000213	H200002139	ENSG0000	NM_001242	9892	SNAP91	synaptosom	GO:000726	GO:000551	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005905	c			
H20001340	H200013401	ENSG0000	XM_006718	79832	QSER1	glutamine a	-	-	-	108	115	1.07	0.09	
H20001058	H200010583	ENSG0000	NM_001317	23759	PPIL2	peptidylpro	GO:000020	GO:000375	GO:000563	47	45	0.97	-0.04	
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001042	22906	TRAK1	trafficking p	GO:000635	GO:000551	GO:000563	41	62	1.52	0.60	
H20000550	H200005500	ENSG0000	NM_032594	84684	INSM2	insulinoma	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus,GO:0005737	cytoplasm			
H20000287	H200002870	ENSG0000	XM_011536	53349	ZFYVE1	zinc finger	GO:001092	GO:000551	GO:000040	52	57	1.09	0.12	
H30000822	H300008224	ENSG0000	NM_001319	140683	BPIFA2	BPI fold co	GO:004274	GO:000153	GO:0005576	extracellu	8			
H30001023	H300010233	ENSG0000	NM_001032	391365	SULT6B1	sulfotransfe	GO:000815	GO:000814	GO:0005737	cytoplasm	5			
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_198692	386678	KRTAP10	keratin ass	-	GO:000551	GO:004509	18	21	1.15	0.20	
H30000116	H300001161	ENSG0000	NM_001142	201456	FBXO15	F-box prot	-	-	GO:001900	34	32	0.95	-0.08	
H30001001	H300010018	ENSG0000	NM_178821	164781	DAW1	dynein asse	GO:000736	-	GO:000592	6	13	2.28	1.19	
H30002047	H300020475	-	XM_006719	121601	ANO4	anoctamin	GO:000682	GO:000522	GO:000562	8	14	1.67	0.74	
H30000352	H300003525	ENSG0000	NM_181265	116966	WDR17	WD repeat	-	-	-		8			
H20000083	H200000838	ENSG0000	XM_005273	81551	STMN4	stathmin 4	GO:000701	GO:001563	GO:000573	4	10	2.27	1.18	
H30000852	H300008523	ENSG0000	XM_011522	80021	TMEM62	transmemb	GO:000815	GO:001678	GO:001602	113	111	0.99	-0.02	
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_001039	9191	DEDD	death effec	GO:000635	GO:000367	GO:000573	143	210	1.47	0.56	
H20000471	H200004716	ENSG0000	NM_001031	7159	TP53BP2	tumor prot	GO:000704	GO:000203	GO:000563	431	457	1.06	0.08	
H30000120	H300001205	-	XM_011542	120114	FAT3	FAT atypic	GO:000715	GO:000550	GO:0005886	plasma m	10			
H30000699	H300006993	ENSG0000	-	641556	RPL36AP6	ribosomal p	-	-	-					
H30002087	H300020872	ENSG0000	NM_001282	55139	ANKZF1	ankyrin rep	GO:003043	GO:000484	GO:001602	30	43	1.44	0.52	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_207330	152519	NIPAL1	NIPA like d	GO:001569	GO:001509	GO:0016021	integral component of membrane				
H30001853	H300018535	ENSG0000	NM_013360	7673	ZNF222	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	15	28	1.86	0.89	
H30000164	H300001649	ENSG0000	XM_011521	57519	STAR9	STAR relat	GO:000701	GO:000377	GO:000563	19	36	1.92	0.94	
H30001583	H300015831	ENSG0000	NM_002772	5651	TMPRSS15	transmemb	GO:000650	GO:000425	GO:0005903	brush border,GO:0016021	integra			
H30000007	H300000079	ENSG0000	NM_001004	124538	OR4D2	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:000588	8	11	1.33	0.41	
H20001983	H200019837	ENSG0000	XM_005273	79618	HMBOX1	homeobox	GO:000627	GO:000369	GO:000078	243	286	1.18	0.24	
H20000507	H200005075	ENSG0000	NM_001256	83636	C19orf12	chromosom	-	-	GO:000573	95	97	1.02	0.03	
H20001083	H200010830	ENSG0000	XM_011523	84229	DRC7	dynein regu	-	GO:000551	GO:000573	39	35	0.91	-0.13	
H20001199	H200011997	ENSG0000	XM_005269	53354	PANK1	pantothena	GO:000676	GO:000459	GO:000563	103	118	1.14	0.19	
H20000930	H200009307	ENSG0000	XM_011542	54414	SIAE	sialic acid a	GO:000268	GO:000168	GO:0005615	extracellu	13			
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_000566	2209	FCGR1A	Fc fragmen	GO:000247	GO:000505	GO:0005886	plasma m	3			
H30000019	H300000192	ENSG0000	XM_011544	220064	ORAOV1	oral cancer	GO:000815	GO:000367	GO:000557	37	60	1.63	0.71	
H30000015	H300000151	ENSG0000	NR_125341	9879	DDX46	DEAD-box	GO:000039	GO:000400	GO:000563	1351	1116	0.83	-0.28	
H30000123	H300001237	ENSG0000	NM_197965	345274	SLC10A6	solute carr	GO:000681	GO:000850	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005887	in			
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_011523	3607	FOXK2	forkhead bd	GO:000635	GO:000028	GO:000563	60	62	1.03	0.04	
H30001084	H300010841	ENSG0000	XM_011523	79068	FTO	fat mass ar	GO:000165	GO:000819	GO:000563	35	38	1.10	0.13	
H30000760	H300007603	-	-	-	-	-	-	-	-	8911	6720	0.75	-0.41	
H30002194	H300021942	ENSG0000	NM_001040	6326	SCN2A	sodium volt	GO:000681	GO:000524	GO:0001518	voltage-gated sodium channel cc				
H20000121	H200001210	ENSG0000	NM_001265	10933	MORF4L1	mortality fa	GO:000072	GO:000368	GO:000565	3130	2341	0.75	-0.42	
H20000763	H200007634	ENSG0000	XM_011519	10078	TSSC4	tumor supp	-	GO:000551	-	74	101	1.37	0.45	
H20001229	H200012291	-	NM_017833	54943	DNAJC28	DnaJ heat	GO:000030	GO:000551	GO:001711	7	14	2.00	1.00	
H20001328	H200013284	ENSG0000	NR_125736	83869	TTY14	testis-spec	-	-	-		6			
H20000457	H200004572	ENSG0000	NM_016599	51778	MYO22	myozenin 2	GO:000815	GO:000377	GO:0015629	actin cytoskeleton,GO:0030017	s			
H30000804	H300008046	ENSG0000	NM_002546	4982	TNFRSF11	tumor necr	GO:000150	GO:000487	GO:0005576	extracellu	4			
H30001336	H300013360	ENSG0000	NM_003740	8645	KCNK5	potassium	GO:000681	GO:000524	GO:000588	22	38	1.72	0.78	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001080	150726	FBXO41	F-box prot	-	-	-	15	25	1.65	0.72	
H30000006	H300000064	ENSG0000	XM_005244	163589	TDRD5	tudor doma	GO:000728	-	GO:0033391	chromatoid body,GO:0071546	pi-			
H30000502	H300005020	ENSG0000	NM_001029	388939	C2orf71	chromosom	GO:000760	-	GO:000175	37	37	0.98	-0.02	
H30000784	H300007840	ENSG0000	NM_207360	340152	ZC3H12D	zinc finger	GO:000640	GO:000451	GO:000093	8	14	1.81	0.86	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001718	654	BMP6	bone morph	GO:000012	GO:000512	GO:0005615	extracellu	8			
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_017842	55652	SLC48A1	solute carr	GO:001588	GO:000551	GO:000576	260	423	1.63	0.70	
H20000291	H200002916	ENSG0000	NM_001282	54856	GON4L	gon-4-like	GO:000635	GO:000367	GO:000563	95	102	1.08	0.11	
H20001904	H200019045	ENSG0000	NM_016291	51447	IP6K2	inositol hex	GO:000681	GO:000083	GO:000563	278	281	1.01	0.02	
H20002011	H200020115	ENSG0000	NM_052831	116843	SLC18B1	solute carr	GO:005508	-	GO:001602	672	479	0.71	-0.49	
H20000404	H200004048	ENSG0000	XM_011523	55135	WRAP53	WD repeat	GO:000700	GO:000372	GO:000563	94	65	0.69	-0.54	
H20001596	H200015962	-	XM_011514	80739	C6orf25	chromosom	GO:000722	GO:000820	GO:000578	30	27	0.90	-0.16	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011542	4863	NPAT	nuclear pro	GO:000008	GO:000371	GO:000563	233	222	0.95	-0.07	
H30001359	H300013593	ENSG0000	XM_005269	54788	DNAJB12	DnaJ heat	-	-	GO:001602	161	170	1.06	0.08	
H30001000	H300010006	ENSG0000	-	729085	FAM198A	family with	-	-	GO:0005576	extracellular region				
H30000588	H300005888	ENSG0000	-	-	AC092642.	-	-	-	-		5			
H30002011	H300020116	ENSG0000	NM_001284	90141	EFAB11	EF-hand ca	-	GO:000550	-	210	242	1.15	0.20	
H30000326	H300003268	ENSG0000	NM_001011	144983	HNRNPA11	heterogene	GO:000639	GO:000016	GO:000568	13882	11641	0.84	-0.25	
H30001665	H300016653	ENSG0000	NM_182640	64965	MRPS9	mitochondr	GO:000046	GO:000373	GO:000573	918	697	0.76	-0.40	
H30001303	H300013033	ENSG0000	XM_011538	23416	KCNH3	potassium	GO:000016	GO:000015	GO:000562	13	18	1.34	0.42	
H20001657	H200016575	ENSG0000	NM_080622	140701	ABHD16B	abhydrolas	GO:000815	GO:001678	-		5			
H20000280	H200002807	ENSG0000	NM_001172	81532	MOB2	MOB kinas	GO:000193	GO:004687	GO:000563	164	128	0.78	-0.36	
H20000811	H200008113	ENSG0000	NM_080670	113829	SLC35A4	solute carr	GO:000864	GO:000535	GO:000013	478	395	0.83	-0.28	
H20001467	H200014678	ENSG0000	-	285600	KIAA0825	-	-	-	-	6	10	1.58	0.66	
H20000630	H200006309	ENSG0000	XM_006718	84287	ZDHHC16	zinc finger	GO:000691	GO:000827	GO:000578	241	211	0.88	-0.19	
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001256	221301	FAM26D	family with	GO:003422	GO:000526	GO:0005887	integral component of plasma me				
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001310	56979	PRDM9	PR domain	GO:000631	GO:001084	GO:000565	7	21	3.17	1.67	
H30000036	H300000361	ENSG0000	XM_011542	105378804	LOC105378	leucine-ric	-	-	-	12	14	1.17	0.23	
H30000927	H300009277	ENSG0000	XM_005255	339123	JMJD8	jumonji dor	-	-	GO:007006	64	53	0.83	-0.27	
H30000445	H300004455	ENSG0000	NM_001286	132949	AASDH	aminoadipa	GO:000663	GO:000552	-	178	150	0.85	-0.24	
H30000021	H300000217	ENSG0000	-	729611	RPL29P30	ribosomal p	-	-	-	1035	1026	0.99	-0.01	
H30000965	H300009653	ENSG0000	NM_001165	10795	ZNF268	zinc finger	GO:000012	GO:000367	GO:000563	19	37	2.02	1.01	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_198514	374354	NHLRC2	NHL repeat	-	GO:000551	-	36	45	1.23	0.30	
H20001568	H200015685	-	NM_015356	23513	SCRIB	scribbled p	GO:000184	GO:000551	GO:000565	737	560	0.76	-0.40	
H20000097	H200000973	ENSG0000	NM_016030	51112	TRAPPC12	trafficking p	GO:000650	GO:000417	GO:000579	105	106	1.01	0.01	
H20001085	H200010854													

opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011520	83758	RBP5	retinol bind	GO:000681	GO:000521	GO:000573	189	159	0.84	-0.25
H30002205	H300022054	ENSG0000	NM_018392	55345	ZGRF1	zinc finger	-	GO:000827	GO:001602	27	40	1.49	0.58
H30001407	H300014070	ENSG0000	NR_134982	1573	CYP2J2	cytochrom	GO:000669	GO:000550	GO:000578	11	14	1.29	0.37
H30001965	H300019651	ENSG0000	NM_001128	56907	SPIRE1	spire type	GO:001503	GO:000377	GO:000579	57	58	1.02	0.03
H20000392	H200003925	ENSG0000	NM_032947	85027	SMIM3	small integ	-	GO:000551	GO:001602	85	163	1.93	0.95
H20001028	H200010285	ENSG0000	NM_001146	169200	TMEM64	transmemb	GO:004346	-	GO:000578	129	120	0.93	-0.11
H20000826	H200008260	ENSG0000	NM_001739	763	CA5A	carbonic ar	GO:000673	GO:000408	GO:000573	25	25	1.01	0.02
H20001451	H200014519	ENSG0000	XR_932176	105370792	LOC105370	uncharacte	-	-	-	9	14	1.59	0.67
H20000288	H200002881	ENSG0000	NM_032490	84520	C14orf142	chromosom	-	-	-	370	334	0.90	-0.15
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	-	-	RP11-93I2	-	-	-	-	-	9	-	-
H30000428	H300004286	ENSG0000	NR_049757	11102	RPP14	ribonucleas	GO:000803	GO:000372	GO:000563	578	517	0.89	-0.16
H30000801	H300008016	ENSG0000	NM_152358	126123	IZUMO2	IZUMO fam	-	-	GO:001602	10	13	1.23	0.30
H30002074	H300020747	ENSG0000	XM_011519	84885	ZDHC12	zinc finger	GO:001834	GO:000827	GO:000578	64	59	0.92	-0.12
H30000576	H300005765	ENSG0000	NM_173491	134353	LSM11	LSM11, U7	GO:000636	GO:000551	GO:000563	11	22	1.90	0.93
H30000421	H300004216	ENSG0000	NM_138408	112495	GTF3C6	general tra	GO:000635	GO:000367	GO:000012	53	44	0.82	-0.28
H30001733	H300017336	-	NM_133447	119385	AGAP11	ArfGAP wit	GO:004354	GO:000509	-	10	27	2.75	1.46
H30000603	H300006039	ENSG0000	NR_047668	134145	FAM173B	family with	-	-	GO:001602	417	404	0.97	-0.05
H20001297	H200012973	ENSG0000	XM_011521	117155	CATSPER2	cation char	GO:000727	GO:000522	GO:000588	30	28	0.91	-0.13
H20000238	H200002381	ENSG0000	NM_004891	9553	MRLP33	mitochondr	GO:000699	GO:000373	GO:000574	905	858	0.95	-0.08
H20000382	H200003824	ENSG0000	NR_045044	55906	ZC4H2	zinc finger	GO:000739	GO:000551	GO:000563	26	29	1.09	0.13
H20000497	H200004979	ENSG0000	NM_177538	57404	CYP20A1	cytochrom	GO:005511	GO:000449	GO:001602	140	145	1.03	0.05
H20000333	H200003331	ENSG0000	NM_001080	253461	ZBTB38	zinc finger	GO:000627	GO:000370	GO:000563	99	116	1.18	0.23
H30000239	H300002396	ENSG0000	-	3152	HMG2P1	high mobil	-	-	-	4774	6161	1.29	0.37
H30000589	H300005893	ENSG0000	NM_206922	401262	CRIP3	cysteine ric	-	GO:000827	GO:0005737 cytoplasm	-	3	-	-
H30002021	H300020213	ENSG0000	NM_201403	148932	MOB3C	MOB kinas	-	GO:000551	-	169	144	0.85	-0.23
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NR_003578	79986	ZNF702P	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	519	602	1.16	0.21
H30001951	H300019510	ENSG0000	NM_080592	51374	ATRAID	all-trans re	GO:001046	GO:000367	GO:000563	833	969	1.16	0.22
H30001948	H300019488	ENSG0000	NM_138572	129685	TAF8	TATA-box	GO:000183	GO:000551	GO:000563	65	62	0.95	-0.07
H30001034	H300010345	ENSG0000	XM_011515	23608	MKRN1	makorin rin	GO:000020	GO:000368	GO:000557	590	699	1.18	0.24
H30001932	H300019329	ENSG0000	NM_021636	59352	LGR6	leucine-ric	GO:000718	GO:000488	GO:000588	37	31	0.84	-0.26
H20001923	H200019238	ENSG0000	NR_045612	387316	VN1R10P	vomeronas	-	-	-	-	-	-	-
H20000850	H200008502	ENSG0000	XM_011538	84987	COX14	COX14 cyt	GO:003361	-	GO:000573	1752	1376	0.79	-0.35
H20000539	H200005399	ENSG0000	NM_033414	90441	ZNF622	zinc finger	GO:000863	GO:000551	GO:000573	930	799	0.86	-0.22
H20001968	H200019685	ENSG0000	NM_032193	84153	RNASEH2C	ribonucleas	GO:000640	GO:000452	GO:000563	1560	1201	0.77	-0.38
H20000918	H200009184	ENSG0000	-	-	RP3-336K2	-	-	-	-	25	28	1.13	0.18
H30001879	H300018791	ENSG0000	XM_005263	8022	LHX3	LIM homeo	GO:000189	GO:000107	GO:000563	25	31	1.21	0.28
opHsV0400	opHsV0400005	-	XM_011547	1565	CYP2D6	cytochrom	GO:000680	GO:000449	GO:000573	40	40	1.02	0.03
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_001127	23468	CBX5	chromobox	GO:000759	GO:000368	GO:000011	371	290	0.78	-0.36
H30001986	H300019865	ENSG0000	NM_001126	84708	LN1	ligand of nu	GO:004278	GO:000484	GO:000573	7	16	2.28	1.19
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_015698	27238	GPKOW	G-patch do	GO:000815	GO:000367	GO:000565	295	402	1.36	0.45
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	-	79523	OR5M2P	olfactory re	-	-	-	-	3	-	-
H30000700	H300007006	ENSG0000	NM_172367	286753	TUSC5	tumor supp	GO:000960	-	GO:001602	15	19	1.26	0.34
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	-	GS1-590J6	-	-	-	-	37	35	0.94	-0.10
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	484	ATP1B3P1	ATPase, Na	-	-	-	861	637	0.74	-0.43
H30000861	H300008616	ENSG0000	NM_001005	338751	OR52L1	olfactory re	GO:000716	GO:000493	GO:0005886 plasma membrane,GO:0016021 in	-	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	4764	NF1P3	neurofibron	-	-	-	21	28	1.35	0.43
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	54044	KRT18P2	keratin 18	-	-	-	353	259	0.73	-0.45
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_178175	340596	LHFPL1	lipoma HMC	-	-	GO:001602	18	20	1.08	0.11
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	-	-	RP11-451F	-	-	-	-	7	12	1.65	0.72
opHsV0400	opHsV0400008	ENSG0000	NM_001297	55552	ZNF823	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	71	97	1.38	0.46
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001201	401388	C7orf76	chromosom	-	-	-	-	-	-	-
H30000345	H300003454	ENSG0000	-	138412	SLC25A6P	solute carr	-	-	-	2286	1896	0.83	-0.27
H30002094	H300020940	ENSG0000	NM_001172	134549	SHROOM1	shroom fam	GO:000090	GO:005101	GO:000573	75	73	0.97	-0.04
H30000959	H300009599	ENSG0000	-	401687	OR5J1P	olfactory re	-	-	-	-	4	-	-
H30000407	H300004071	ENSG0000	NM_001005	219473	OR8K3	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886 plasma membrane,GO:0016021 in	-	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_005195	1052	CEBPD	CCAAT/en	GO:000636	GO:000097	GO:000563	23	40	1.76	0.81
H30000815	H300008159	ENSG0000	NM_001165	221687	RNF182	ring finger	GO:001656	GO:000484	GO:000573	43	27	0.63	-0.66
H30000345	H300003452	ENSG0000	-	163154	PRR22	proline rich	-	-	-	36	34	0.92	-0.12
H30000412	H300004123	-	NR_002140	89883	OR6W1P	olfactory re	-	-	-	7	10	1.30	0.37
H30000300	H300003003	-	-	-	-	-	-	-	-	4143	4326	1.04	0.06
H30000094	H300000944	ENSG0000	NR_028336	284123	FAM27E5	family with	-	-	-	50	38	0.77	-0.38
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001082	945	CD33	CD33 mole	GO:000715	GO:000487	GO:000588	361	450	1.25	0.32
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001297	10296	MAEA	macrophag	GO:000701	GO:000377	GO:000563	1288	875	0.68	-0.56
H30001979	H300019797	ENSG0000	XM_011544	28971	AAMDC	adipogenes	GO:004306	GO:000551	GO:000573	240	232	0.97	-0.05
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001195	91526	ANKRD44	ankyrin rep	-	GO:000551	-	19	23	1.22	0.28
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_011538	4659	PPP1R12A	protein pho	GO:000008	GO:000472	GO:000077	193	190	0.98	-0.03
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NG_011509	102724536	PRR33	proline rich	-	-	-	169	125	0.74	-0.44
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_011523	124751	KRBA2	KRAB-A d	GO:000635	GO:000367	GO:0005622 intracellular	-	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	728134	RPL23AP1	ribosomal p	-	-	-	3947	3389	0.86	-0.22
H30002219	H300022194	ENSG0000	NM_001320	89876	MAAT1	MYCBP-as	-	GO:000551	GO:0005739 mitochondrion	-	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_011516	83698	CALN1	calneuron	-	GO:000550	GO:000588	32	17	0.53	-0.92
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_011521	145748	LYSMD4	LysM doma	-	-	GO:001602	40	38	0.94	-0.09
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_152595	161779	PGBD4	piggyBac tr	-	-	-	16	16	0.96	-0.06
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	-	-	RP11-204K	-	-	-	-	11494	7704	0.67	-0.58
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_207422	392490	FLJ44635	TPT1-like	-	-	GO:007006	299	277	0.93	-0.11
H30000017	H300000170	ENSG0000	NR_023924	55449	DHRS4-AS	DHRS4 ant	-	-	-	167	173	1.04	0.05
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_001286	152687	ZNF595	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	46	64	1.39	0.48
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_006715	401409	RAB19	RAB19, me	GO:000726	GO:000552	GO:0005622 intracellul	-	5	-	-
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NR_033943	100129345	LOC100129	uncharacte	-	-	-	-	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_001204	4883	NPR3	natriuretic	GO:000150	GO:000401	GO:0005622 intracellular,GO:0005886 plasma	-	-	-	-
H30000912	H300009128	ENSG0000	XR_927404	222234	FAM185A	family with	-	-	GO:000573	156	102	0.65	-0.61
H30000852	H300008528	ENSG0000	NR_024347	283860	LINC00304	long interge	-	-	-	-	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400005	-	NM_001139	8575	PRKRA	protein act	GO:000646	GO:000372	GO:000565	375	379	1.01	0.01
H30000780	H300007806	ENSG0000	NM_153266	256472	TMEM151A	transmemb	-	-	GO:001602	35	27	0.78	-0.35
H30000035	H300000357	ENSG0000	NR_046378	100874107	MTUS2-AS	MTUS2 ant	-	-	-	-	-	-	-
H30000850	H300008509	ENSG0000	XM_006717	389812	LCN15	lipocalin 15	GO:000662	GO:000521	GO:000557	51	41	0.80	-0.32
H30000343	H300003437	ENSG0000	-	730232	EEF1A1P3								

H30001852	H300018526	ENSG0000	NM_001278	1361	CPB2	carboxypep	GO:000333	GO:000418	GO:0005615	extracellular space,GO:0005623				
H30002006	H300020069	ENSG0000	XM_006716	10319	LAMC3	laminin sub	GO:000090	GO:000519	GO:000557	35	34	0.98	-0.02	
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_003611	8481	OFD1	oral-facial	GO:000008	GO:000551	GO:000563	86	76	0.89	-0.17	
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_005256	201140	DHRS7C	dehydrogen	GO:001088	GO:000474	GO:0005576	extracellular region,GO:0014801				
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_011521	3480	IGF1R	insulin like	GO:000695	GO:000471	GO:000588	21	27	1.27	0.35	
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_011543	105369274	LOC105369	olfactory re	-	-	-					
opHsV0400	opHsV0400001	-	-	-	-	-	-	-	-	202	172	0.85	-0.23	
H30000753	H300007530	ENSG0000	XM_005267	10640	EXOC5	exocyst co	GO:000688	GO:001716	GO:0005737	cytoplasm	4			
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_005256	339168	TMEM95	transmemb	-	-	GO:001602	18	22	1.23	0.30	
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_006721	283989	TSEN54	tRNA splici	GO:000037	GO:000021	GO:000021	1206	901	0.75	-0.42	
H30000376	H300003763	ENSG0000	NM_018648	55505	NOP10	NOP10 ribo	GO:000152	GO:000551	GO:000563	4358	3002	0.69	-0.54	
H30001695	H300016959	ENSG0000	XM_011524	11325	DDX42	DEAD-box	GO:000810	GO:000400	GO:000563	168	241	1.43	0.52	
H30000151	H300001514	ENSG0000	XM_011544	283238	SLC22A24	solute carr	GO:004325	GO:000545	GO:0005887	integral c	4			
H30000623	H300006238	ENSG0000	NM_001001	391189	OR11L1	olfactory re	GO:000718	GO:000367	GO:0005886	plasma m	3			
opHsV0400	opHsV0400008	ENSG0000	NM_001170	401124	DTHD1	death doma	GO:000716	-	GO:0005634	nucleus				
H30000249	H300002499	ENSG0000	NM_021269	7562	ZNF708	zinc finger	GO:000635	GO:000097	GO:000563	1048	1501	1.43	0.52	
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_000682	151	ADRA2B	adrenocept	GO:000694	GO:000493	GO:000588	50	50	1.01	0.01	
H30001016	H300010169	ENSG0000	XM_006715	286006	LSMEM1	leucine-ric	-	GO:000551	GO:000573	25	28	1.15	0.20	
H30000661	H300006619	-	NR_024128	390756	OR3A4P	olfactory re	-	-	-	12	16	1.36	0.45	
H30000299	H300002992	ENSG0000	NM_152600	163033	ZNF579	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	33	33	0.99	-0.01	
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001004	286365	OR13D1	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma m	3			
H30000193	H300001930	ENSG0000	NM_153833	132243	H1FOO	H1 histone	GO:000633	GO:003149	GO:000078	69	51	0.75	-0.42	
H30000653	H300006538	ENSG0000	NM_001005	79501	OR4F5	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:0005886	plasma m	7			
H30000948	H300009483	ENSG0000	NM_005599	4808	NHLH2	nescent he	GO:000635	GO:000097	GO:0005634	nucleus,G	9			
H30001917	H300019179	ENSG0000	XM_011537	9692	KIAA0391	KIAA0391	GO:000803	GO:000452	GO:000575	183	154	0.84	-0.25	
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_201624	23032	USP33	ubiquitin sp	GO:000651	GO:000166	GO:000565	326	316	0.97	-0.05	
H30001956	H300019565	ENSG0000	NM_014840	9891	NUAK1	NUAK fami	GO:000646	GO:000203	GO:0005634	nucleus,G	5			
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001304	51177	PLEKHO1	pleckstrin P	GO:000752	GO:000551	GO:000563	32	50	1.55	0.64	
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001278	55830	GLT8D1	glycosyltra	GO:000027	GO:001675	GO:000579	469	589	1.26	0.33	
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_181607	337882	KRTAP19	keratin ass	-	-	GO:000588	26	23	0.89	-0.17	
H30000441	H300004414	ENSG0000	NM_003517	8338	HIST2H2A	histone clu	GO:000634	GO:000367	GO:000078	174	102	0.59	-0.77	
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	-	-	CTD-3035	-	-	-	-	13868	10112	0.73	-0.46	
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	-	AP002414	-	-	-	-	17	14	0.80	-0.33	
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001013	442247	RFPL4B	ret finger p	-	GO:000827	-	109	48	0.44	-1.18	
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XR_947829	50863	NTM	neurotrimir	GO:000715	GO:000551	GO:0005886	plasma m	3			
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NR_026946	283197	LINC00301	long interge	-	-	GO:0016021	integral c	3			
H30000368	H300003683	-	NR_024569	100130872	LOC100130	uncharacte	-	-	-	43	34	0.79	-0.33	
H30002241	H300022411	ENSG0000	XR_929816	55035	NOL8	nucleolar p	GO:000626	GO:000016	GO:000563	478	434	0.91	-0.14	
H30000212	H300002127	-	-	-	-	-	-	-	-	20	22	1.10	0.13	
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NR_051996	153163	MGC32805	uncharacte	-	-	-	10	11	1.06	0.09	
H30000645	H300006451	-	NM_001004	127074	OR2T4	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:000588	4	10	2.40	1.26	
H30000448	H300004482	ENSG0000	XM_011517	115294	PCMTD1	protein-L	GO:000647	GO:000471	GO:000573	18	24	1.32	0.40	
H30000874	H300008742	ENSG0000	XM_011516	137209	ZNF572	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus	5			
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NR_027379	439927	LINC01555	long interge	-	-	-	5				
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_004118	2307	FOXS1	forkhead bd	GO:000156	GO:000098	GO:000563	92	87	0.95	-0.07	
H30000713	H300007137	-	-	-	-	-	-	-	-	13	15	1.17	0.22	
H30000037	H300000374	-	NM_001172	80034	CSRNP3	cysteine-s	GO:000636	GO:000122	GO:000563	637	542	0.85	-0.23	
H30000928	H300009280	ENSG0000	NM_001290	100652748	TIMM23B	translocase	GO:000815	GO:000367	GO:000557	341	319	0.93	-0.10	
H30000923	H300009236	ENSG0000	XM_011535	100996634	LOC100996	transmemb	-	-	-	16	20	1.24	0.31	
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	-	57604	KIAA1456	KIAA1456	GO:000640	GO:000816	GO:0005737	cytoplasm				
opHsV0400	opHsV0400010	ENSG0000	XM_005266	6541	SLC7A1	solute carr	GO:000681	GO:000006	GO:000588	181	283	1.57	0.65	
H30001492	H300014929	ENSG0000	XM_011539	142910	LIPJ	lipase famil	GO:001604	GO:001678	-					
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XM_011529	105369209	LOC105369	putative ur	-	-	-		6			
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_000587	730	C7	complemen	GO:000695	-	GO:0005576	extracellu	9			
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001080	84629	TNRC18	trinucleoti	GO:000634	GO:000097	GO:000078	31	39	1.25	0.32	
H30000236	H300002361	ENSG0000	NM_001794	1002	CDH4	cadherin 4	GO:000715	GO:000550	GO:0005886	plasma m	4			
H30002274	H300022748	ENSG0000	NM_183393	8618	CADPS	Ca2+ depe	GO:000688	GO:000551	GO:0005829	cytosol,G	4			
H30001005	H300010059	ENSG0000	NM_000987	6154	RPL26	ribosomal p	GO:000018	GO:000372	GO:000582	17281	17493	1.01	0.02	
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_006066	10327	AKR1A1	aldo-keto r	GO:000597	GO:000403	GO:000561	713	815	1.14	0.19	
H30002257	H300022571	ENSG0000	NR_135118	80267	EDEM3	ER degrada	GO:000645	GO:000456	GO:000578	152	165	1.08	0.11	
H30002119	H300021198	ENSG0000	XM_011525	7343	UBTF	upstream b	GO:000018	GO:000116	GO:000165	110	130	1.19	0.25	
H30001419	H300014197	ENSG0000	NM_001243	100533181	FXYD6-FX	FXYD6-FX	-	-	-	729	567	0.78	-0.36	
H30002193	H300021930	ENSG0000	NM_133489	65012	SLC26A10	solute carr	GO:001570	GO:000525	GO:000588	20	24	1.19	0.25	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011518	64420	SUSD1	sushi doma	-	GO:000550	GO:001602	185	212	1.15	0.20	
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001318	22981	NINL	ninein like	GO:000008	GO:000550	GO:000581	16	20	1.24	0.31	
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_022843	64881	PCDH20	protocadhe	GO:000715	GO:000550	GO:0005886	plasma m	3			
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001244	730087	ZNF726	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	98	125	1.27	0.35	
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_005245	5087	PBX1	pre-B-cell	GO:000165	GO:000097	GO:0005634	nucleus,G	4			
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_144770	54033	RBM11	RNA bindin	GO:000038	GO:000016	GO:000563	65	38	0.59	-0.76	
H30001911	H300019115	ENSG0000	NM_001278	51533	PHF7	PHD finger	-	GO:000551	GO:000563	84	100	1.20	0.26	
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_011515	2115	ETV1	ETS varian	GO:000636	GO:000097	GO:000563	58	62	1.08	0.10	
H30000304	H300003049	ENSG0000	XM_011545	26149	ZNF658	zinc finger	GO:000635	GO:000097	GO:0005634	nucleus	5			
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_001202	374383	NCR3LG1	natural kille	GO:005077	GO:000519	GO:000588	133	98	0.74	-0.44	
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NG_033050	11037	STON1	stonin 1	GO:000689	-	GO:0005737	cytoplasm	5			
H30002273	H300022737	ENSG0000	NM_023073	65250	C5orf42	chromosom	GO:000173	-	GO:0016021	integral component of membrane				
H30002229	H300022294	ENSG0000	NM_003496	8295	TRRAP	transforma	GO:000628	GO:000371	GO:0000125	PCAF cor	10			
H30001151	H300011510	ENSG0000	NM_001256	285489	DOK7	docking pro	GO:006109	GO:000515	GO:0005886	plasma m	7			
H30002279	H300022791	ENSG0000	-	284232	ANKRD20A	ankyrin rep	-	-	-	87	89	1.01	0.02	
H30000375	H300003756	ENSG0000	NR_027487	146880	LOC146880	Rho GTPas	-	-	-	18	23	1.27	0.34	
H30001157	H300011571	ENSG0000	NM_152544	152992	TRMT44	tRNA meth	GO:000640	GO:001630	GO:000573	35	41	1.17	0.22	
H30002028	H300020282	ENSG0000	NR_048551	6508	SLC4A3	solute carr	GO:000681	GO:000545	GO:000588	5	12	2.50	1.32	
H30002094	H300020946	ENSG0000	NM_018321	55299	BRIX1	BRX1, biog	GO:000002	GO:000372	GO:000563	2734	2819	1.03	0.04	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_005249	84725	PLEKHA8	pleckstrin P	GO:000686	GO:001708						

opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NR_026543	114041	B3GALT5	B3GALT5	-	-	-	117	111	0.95	-0.08	
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_078474	80213	TM2D3	TM2 domain	-	-	GO:001602	617	354	0.57	-0.80	
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_011516	26	AOC1	amine oxidase	GO:000680	GO:000487	GO:000561	14	19	1.40	0.48	
H3000230	H30002305	ENSG0000	NM_001000	6170	RPL39	ribosomal protein	GO:000018	GO:000372	GO:000561	13911	10628	0.76	-0.39	
H30002156	H300021561	ENSG0000	XM_011524	10458	BAIAP2	BAI1 associated	GO:000700	GO:000551	GO:000172	132	114	0.86	-0.21	
opHsV0400	opHsV0400010	ENSG0000	NM_001005	403277	OR5K3	olfactory receptor	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane	5			
H30000407	H300004070	ENSG0000	NM_001005	390321	OR6C1	olfactory receptor	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in			
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_011537	120892	LRRK2	leucine-rich repeat	GO:000016	GO:000014	GO:0005615	extracellular space,GO:0005622	in			
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NR_028288	27004	TCL6	T-cell leukemia	-	-	-		8			
H30002248	H300022486	ENSG0000	NR_133936	79145	CHCHD7	coiled-coil	-	-	GO:000575	406	355	0.87	-0.19	
opHsV0400	opHsV0400008	ENSG0000	NM_024936	29063	ZCCHC4	zinc finger	GO:003225	GO:000367	-	163	174	1.07	0.09	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001040	221711	SYCP2L	synaptonemal	-	-	GO:000565	117	146	1.25	0.32	
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XM_011534	10814	CPLX2	complexin 2	GO:000690	GO:001707	GO:0005829	cytosol,GO:0030425	dendrite,GO			
H30002239	H300022391	ENSG0000	NM_001032	57211	ADGRG6	adhesion GPCR	GO:000716	GO:000493	GO:0005622	intracellular	6			
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001042	387119	CEP85L	centrosomal	-	-	GO:000573	32	41	1.30	0.38	
H30001873	H300018730	ENSG0000	NM_001282	1209	CLPTM1	clef lip and	GO:000727	GO:000551	GO:000588	134	137	1.02	0.02	
H30001907	H300019079	ENSG0000	NM_001137	9208	LRRFIP1	leucine rich	GO:000635	GO:000367	GO:000557	272	292	1.07	0.10	
H30001656	H300016565	ENSG0000	NM_005082	7706	TRIM25	tripartite motif	GO:000628	GO:000370	GO:000565	83	91	1.09	0.13	
H30001423	H300014233	ENSG0000	NM_001287	79960	JADE1	jade family	GO:000632	GO:000110	GO:000012	123	145	1.18	0.24	
H30001892	H300018924	ENSG0000	NR_109848	54896	PQLC2	PQ loop re	GO:001580	GO:001517	GO:000576	82	60	0.73	-0.45	
H30002124	H300021242	ENSG0000	NM_198946	158062	LCN6	lipocalin 6	GO:000733	-	GO:000557	8	12	1.54	0.62	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_005952	4501	MT1X	metallothionein	GO:001003	GO:000551	GO:000563	77	80	1.04	0.05	
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_011515	7378	UPP1	uridine phospho	GO:000613	GO:000485	GO:000582	9	17	1.78	0.83	
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_004261	9403		15 kDa sele	GO:0005108	GO:000843	GO:000578	2592	2736	1.06	0.08	
H30000118	H300001189	-	NR_103997	169436	STKLD1	serine/threonine	GO:000646	GO:000467	-					
H30000368	H300003686	ENSG0000	-	100689229	H3F3AP3	H3 histone	-	-	-	6475	5310	0.82	-0.29	
H30002138	H300021381	ENSG0000	XM_011545	56834	GPR137	G protein-coupled	-	-	GO:001602	139	112	0.80	-0.32	
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_001004	100506422	LOC10050	putative de	GO:004608	GO:001678	-	24	24	1.02	0.02	
opHsV0400	opHsV0400010	ENSG0000	NM_001002	444882	IGFL4	IGF like factor	-	-	GO:000561	7	10	1.53	0.61	
H30000288	H300002880	ENSG0000	NM_133474	170960	ZNF721	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	523	641	1.23	0.30	
H30002171	H300021712	ENSG0000	NM_001267	22888	UBOX5	U-box domain	GO:000020	GO:000551	GO:000563	37	45	1.21	0.28	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_025098	80168	MOGAT2	monoacylglycerol	GO:000607	GO:000384	GO:0005783	endoplasmic	11			
H30002239	H300022399	-	NM_058200	10407	SPAG11B	sperm associated	GO:000728	GO:000367	GO:0005576	extracellular region				
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_207046	2029	ENSA	endosulfine	GO:000008	GO:000486	GO:000565	3489	3961	1.14	0.18	
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_001291	5046	PCSK6	proprotein convertase	GO:000735	GO:000417	GO:000561	22	26	1.20	0.27	
H30002049	H300020493	ENSG0000	NM_001145	55553	SOX6	SRY-box 6	GO:000012	GO:000367	GO:000563	22	23	1.08	0.11	
H30001882	H300018823	ENSG0000	NM_030771	91057	CCDC34	coiled-coil	-	-	-	737	825	1.12	0.16	
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001118	2742	GLRA2	glycine receptor	GO:000721	GO:001659	GO:000588	83	88	1.06	0.09	
H30000340	H300003409	-	-	-	-	-	-	-	-		5			
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_017541	1427	CRYGS	crystallin gamma	GO:000200	GO:000521	-	28	40	1.43	0.51	
H30002164	H300021642	ENSG0000	XM_005250	57414	RHBDD2	rhomboidein domain	GO:000650	GO:000425	GO:000013	233	319	1.37	0.45	
H30002266	H300022666	ENSG0000	XM_006726	987	LRBA	LPS response	GO:000815	GO:000367	GO:000576	66	53	0.81	-0.30	
H30002117	H300021179	-	NM_145044	115560	ZNF501	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	22	37	1.66	0.74	
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NR_033341	100379224	LOC10037	uncharacterized	-	-	-	49	69	1.42	0.50	
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XR_938283	101927372	LOC10192	uncharacterized	-	-	-		4			
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_011537	84439	HHIPL1	HHIP like 1	GO:000597	GO:000367	GO:000557	8	9	1.14	0.18	
H30000048	H300000485	ENSG0000	-	648822	HMG2P18	high mobility group	-	-	-	11985	13838	1.15	0.21	
H30000315	H300003156	-	-	-	-	-	-	-	-		8			
H30000416	H300004161	ENSG0000	NM_175856	337876	CHSY3	chondroitin sulfate	GO:000597	GO:004687	GO:0000139	Golgi membrane,GO:0016021	inte			
CHsGV100	CHsGV100005	ENSG0000	XM_005251	7010	TEK	TEK receptor	GO:000016	GO:000467	GO:0001725	stress fiber,GO:0005576	extracell			
H20000254	H200002542	ENSG0000	XM_011534	6793	STK10	serine/threonine	GO:000646	GO:000467	GO:000573	36	34	0.94	-0.09	
H30001992	H300019924	ENSG0000	XM_011525	6774	STAT3	signal transducer	GO:000012	GO:000097	GO:000079	288	284	0.98	-0.02	
CHsGV100	CHsGV100022	ENSG0000	NM_003079	6605	SMARCE1	SWI/SNF repressor	GO:000633	GO:000097	GO:000022	1638	1664	1.02	0.02	
H20000636	H200006368	ENSG0000	NM_003059	6583	SLC22A4	solute carrier	GO:000664	GO:000016	GO:000573	156	80	0.51	-0.97	
CHsGV100	CHsGV100022	ENSG0000	NM_005538	3626	INHCB	inhibin beta	GO:001086	GO:000512	GO:000557	184	140	0.76	-0.39	
opHsV0400	opHsV0400013	ENSG0000	NM_004514	3607	FOXK2	forkhead box	GO:000635	GO:000028	GO:000563	106	170	1.61	0.69	
CHsGV100	CHsGV100038	-	NM_000200	3347	HTN3	histatin 3	GO:003121	GO:000551	GO:0005576	extracellular region				
AHsV1000	AHsV10003310	-	-	-	-	-	-	-	-	38	50	1.31	0.39	
H30002062	H300020624	ENSG0000	XM_005269	3098	HK1	hexokinase	GO:000167	GO:000434	GO:000573	808	623	0.77	-0.38	
H30000659	H300006598	ENSG0000	XM_011521	3067	HDC	histidine decarboxylase	GO:000169	GO:000439	GO:000582	27	22	0.81	-0.30	
CHsGV100	CHsGV100004	ENSG0000	NM_000831	2899	GRIK3	glutamate receptor	GO:000719	GO:000164	GO:000588	30	34	1.13	0.17	
H20000464	H200004646	ENSG0000	NM_015696	2882	GPX7	glutathione peroxidase	GO:000030	GO:000409	GO:0005576	extracellular	3			
AHsV1000	AHsV10001094	ENSG0000	XM_006718	4297	KMT2A	lysine methyltransferase	GO:000630	GO:000104	GO:000563	16	17	1.05	0.07	
H20001107	H200011078	ENSG0000	NM_001190	4092	SMAD7	SMAD family	GO:000012	GO:000370	GO:000563	19	25	1.36	0.44	
H20000680	H200006801	ENSG0000	XM_011517	4067	LYN	LYN proto-oncogene	GO:000178	GO:000471	GO:000563	1983	1581	0.80	-0.33	
H20000333	H200003337	ENSG0000	XR_944545	3855	KRT7	keratin 7, type I	GO:001603	GO:000519	GO:000563	100	88	0.88	-0.18	
H20000293	H200002935	-	XM_011514	3833	KIFC1	kinesin family	GO:000007	GO:000377	GO:000563	776	1068	1.38	0.46	
H20000694	H200006940	ENSG0000	NM_001747	822	CAPG	capping protein	GO:000646	GO:000377	GO:000563	272	225	0.83	-0.27	
DHsGV100	DHsGV1000240	-	-	-	-	-	-	-	-	73	48	0.66	-0.61	
H20000633	H200006336	-	NM_203314	622	BDH1	3-hydroxybutyrate	GO:000188	GO:000385	GO:000565	36	37	1.01	0.02	
AHsV1000	AHsV10001392	ENSG0000	NM_001164	587	BCAT2	branched chain aminotransferase	GO:000655	GO:000408	GO:000573	899	593	0.66	-0.60	
H20000808	H200008089	ENSG0000	NM_006370	10490	VTI1B	vesicle trafficking	GO:000688	GO:000014	GO:000573	73	93	1.28	0.35	
H30000448	H300004487	ENSG0000	XM_011517	364	AQP7	aquaporin 7	GO:000609	GO:001520	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005886	plasma membrane			
AHsV1000	AHsV10002635	ENSG0000	NM_005161	187	APLN	apelin receptor	GO:000718	GO:000487	GO:0005886	plasma membrane	3			
H20001040	H200010408	ENSG0000	NM_001126	159	ADSS	adenylosuccinate dehydrogenase	GO:000237	GO:000028	GO:000573	932	713	0.76	-0.39	
H30000385	H300003850	ENSG0000	XM_005253	6927	HNF1A	HNF1 homeobox	GO:000635	GO:000107	GO:000563	34	32	0.96	-0.06	
AHsV1000	AHsV10000395	ENSG0000	XM_011545	6749	SSRP1	structure specific RNA	GO:000626	GO:000367	GO:000563	1709	1578	0.92	-0.12	
H30000642	H300006421	ENSG0000	NM_001309	6727	SRP14	signal recognition	GO:000641	GO:000372	GO:000563	10645	7639	0.72	-0.48	
H20000603	H200006037	-	XM_011542	6566	SLC16A1	solute carrier	GO:000609	GO:000802	GO:000573	3485	2970	0.85	-0.23	
CHsGV100	CHsGV1000348	ENSG0000	NM_005629	6535	SLC6A8	solute carrier	GO:000659	GO:000367	GO:000557	229	148	0.64	-0.63	
AHsV1000	AHsV10003311	ENSG0000	NM_176786	3581	IL9R	interleukin 9 receptor	GO:000716	GO:000491	GO:000561	32	28	0.88	-0.18	
H20000045	H200000452	ENSG0000	NM_001308	3559	IL2RA	interleukin 2 receptor	GO:000016	GO:000491	GO:0005622	intracellular,GO:0005886	plasma membrane			
H20001719	H200017197	ENSG0000	NM_001206	3290	HSD11B1	hydroxysteroid oxidoreductase	GO:000670	GO:000384	GO:0005789	endoplasmic reticulum membrane				
CHsGV100	CHsGV1000070	ENSG0000												

H20000001	H200000010	-	NM_000595	4049	LTA	lymphotoxin	GO:000166	GO:000510	GO:000561	52	42	0.81	-0.30
H20001116	H200011164	ENSG0000	NM_001178	4015	LOX	lysyl oxidase	GO:000646	GO:000472	GO:000576	extracellular	4		
H30000312	H300003121	ENSG0000	NM_002253	3791	KDR	kinase insert	GO:000152	GO:000471	GO:000557	66	53	0.80	-0.33
CHsGV100	CHsGV100023	ENSG0000	NM_001172	3769	KCNJ13	potassium	GO:000681	GO:000524	GO:000587	integral c	6		
H30001676	H300016764	-	-	-	-	-	-	-	-	17	21	1.23	0.29
H30001104	H300011041	ENSG0000	NM_001003	753	LDLRAD4	low density	GO:001071	GO:000551	GO:0016021	integral component of membrane			
CHsGV100	CHsGV1000052	-	NM_004048	567	B2M	beta-2-mic	GO:000189	GO:000194	GO:000013	12274	8788	0.72	-0.48
AHsV1000	AHsV10001405	ENSG0000	NM_001183	537	ATP6AP1	ATPase H+	GO:000687	GO:000521	GO:000577	1080	1055	0.98	-0.04
H20000782	H200007822	ENSG0000	NM_001302	348	APOE	apolipoprot	GO:000030	GO:000154	GO:000557	3828	2897	0.76	-0.40
H20000649	H200006494	ENSG0000	NM_001640	327	APEH	acylaminoac	GO:000641	GO:000425	GO:000573	767	708	0.92	-0.12
CHsGV100	CHsGV1000294	ENSG0000	NM_001618	142	PARP1	poly(ADP-r	GO:000012	GO:000367	GO:000078	1793	1640	0.91	-0.13
H20001910	H200019102	ENSG0000	XM_011539	120	ADD3	adducin 3	GO:004249	GO:000377	GO:000079	639	701	1.10	0.13
CHsGV100	CHsGV1000352	ENSG0000	NM_005645	6884	TAF13	TATA-box	GO:000635	GO:000367	GO:000563	55	67	1.23	0.30
CHsGV100	CHsGV100012	ENSG0000	NM_003126	6708	SPTA1	spectrin alt	GO:000016	GO:000520	GO:000582	21	27	1.29	0.37
AHsV1000	AHsV10002215	ENSG0000	NM_003115	6675	UAP1	UDP-N-ac	GO:000604	GO:000397	GO:000565	3155	1641	0.52	-0.94
AHsV1000	AHsV10003547	ENSG0000	NM_006516	6513	SLC2A1	solute carr	GO:000597	GO:000535	GO:000013	1567	1259	0.80	-0.32
H20001140	H200011408	ENSG0000	XM_005267	6492	SIM1	single-mind	GO:000165	GO:000098	GO:0005634	nucleus			
H20001705	H200017054	ENSG0000	NM_002178	3489	IGFBP6	insulin like	GO:000155	GO:000510	GO:000557	5	10	2.18	1.12
H20000022	H200000229	ENSG0000	NM_000619	3458	IFNG	interferon,	GO:000006	GO:000512	GO:000576	extracellular region,GO:0005615			
H20000067	H200000672	ENSG0000	XM_005257	3212	HOXB2	homeobox	GO:000201	GO:000370	GO:000563	1182	978	0.83	-0.27
H20000020	H200000208	ENSG0000	NM_001098	3185	HNRNPF	heterogene	GO:000039	GO:000016	GO:000563	352	274	0.78	-0.36
AHsV1000	AHsV10000661	ENSG0000	XM_011516	2990	GUSB	glucuronida	GO:000597	GO:000456	GO:000561	1116	1295	1.16	0.21
H20001731	H200017316	ENSG0000	XR_927460	2969	GTF2I	general tra	GO:000635	GO:000367	GO:000563	262	249	0.95	-0.07
H20000262	H200002629	ENSG0000	NM_005282	2828	GPR4	G protein-c	GO:000718	GO:000493	GO:000588	7	13	1.77	0.83
H20000791	H200007917	ENSG0000	XR_933640	105371297	LOC10537	uncharacte	-	-	-	4709	3272	0.69	-0.53
H20001407	H200014073	ENSG0000	NM_005915	4175	MCM6	minichrom	GO:000008	GO:000369	GO:000078	4992	4065	0.81	-0.30
AHsV1000	AHsV10002404	ENSG0000	NM_001193	3987	LIMS1	LIM zinc fir	GO:000183	GO:000551	GO:000582	997	1075	1.08	0.11
H20001190	H200011900	ENSG0000	NM_006498	3957	LGALS2	lectin, galac	-	GO:000551	-		11		
H20000073	H200000738	ENSG0000	NM_001130	3735	KARS	lysyl-tRNA	GO:000188	GO:000004	GO:000557	3607	2463	0.68	-0.55
H30000826	H300008263	ENSG0000	NM_005546	3702	ITK	IL2 inducib	GO:000181	GO:000471	GO:0005829	cytosol,G	10		
H20000180	H200001807	ENSG0000	NM_015991	712	C1QA	complemen	GO:000695	GO:000551	GO:000576	extracellu	5		
AHsV1000	AHsV10000055	ENSG0000	NM_004334	683	BST1	bone marro	GO:000695	GO:000395	GO:0005886	plasma m	4		
H20001031	H200010315	ENSG0000	XM_011538	517	ATP5G2	ATP synth	GO:001599	GO:000521	GO:000574	5721	4202	0.73	-0.45
AHsV1000	AHsV10002767	ENSG0000	NM_001676	479	ATP12A	ATPase H+	GO:000688	GO:000539	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005889	h		
H20000036	H200000361	ENSG0000	NM_005139	306	ANXA3	annexin A3	GO:000690	GO:000550	GO:000573	110	589	5.35	2.42
H20000707	H200007072	ENSG0000	NM_001025	272	AMPD3	adenosine	GO:000614	GO:000387	GO:000582	287	225	0.78	-0.35
H20001966	H200019660	ENSG0000	NM_001316	100526760	ABHD14A	ABHD14A-	-	-	-	416	310	0.74	-0.43
H20001471	H200014719	ENSG0000	XM_011540	59	ACTA2	actin, alpha	GO:000693	GO:000552	GO:000561	40	27	0.69	-0.54
H30002269	H300022690	ENSG0000	XM_011525	6830	SUPT6H	SPT6 hom	GO:000633	GO:000367	GO:000563	199	158	0.80	-0.33
CHsGV100	CHsGV1000154	ENSG0000	XM_011522	6650	CANP15	calpain 15	GO:000635	GO:000370	GO:000562	10	15	1.54	0.62
CHsGV100	CHsGV1000122	ENSG0000	NM_003090	6627	SNRPA1	small nucle	GO:000039	GO:000551	GO:000565	3352	2691	0.80	-0.32
H20000057	H200000578	-	NM_003020	6447	SCG5	secretogra	GO:000688	GO:000485	GO:000576	extracellular region,GO:0030141			
H20000140	H200001408	ENSG0000	NM_003012	6422	SFRP1	secreted fr	GO:000164	GO:000419	GO:000576	extracellu	10		
H30002183	H300021833	ENSG0000	NM_174855	3420	IDH3B	isocitrate d	GO:000609	GO:000028	GO:000563	1647	1204	0.73	-0.45
AHsV1000	AHsV10001828	ENSG0000	XM_005251	3371	TNC	tenascin C	GO:000164	GO:004554	GO:000576	extracellular region,GO:0005604			
H20000878	H200008785	ENSG0000	XM_011522	3163	HMOX2	heme oxyg	GO:000166	GO:000439	GO:000578	620	512	0.83	-0.28
H20001623	H200016237	ENSG0000	XM_011524	3131	HLF	hepatic leu	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus			
H30001893	H300018933	ENSG0000	NM_146421	2944	GSTM1	glutathione	GO:000674	GO:000436	GO:000573	15	21	1.43	0.52
H30000994	H300009943	ENSG0000	XM_011516	2918	GRM8	glutamate r	GO:000719	GO:000164	GO:0005886	plasma m	5		
H20001048	H200010482	ENSG0000	NM_005273	2783	GNB2	guanine nu	GO:000611	GO:000392	GO:000561	1356	1020	0.75	-0.41
H20000947	H200009479	ENSG0000	NM_001167	2760	GM2A	GM2 gangli	GO:000666	GO:000531	GO:000573	385	359	0.93	-0.10
CHsGV100	CHsGV1000306	ENSG0000	NM_000898	4129	MAOB	monoamine	GO:000680	GO:000813	GO:0005739	mitochondrion,GO:0005740	mitoc		
CHsGV100	CHsGV1000008	ENSG0000	NM_002293	3915	LAMC1	laminin sub	GO:000646	GO:000520	GO:000576	extracellular region,GO:0005604			
CHsGV100	CHsGV1000298	ENSG0000	XM_011538	3892	KRT86	keratin 86,	-	GO:000519	GO:000561	21	22	1.03	0.04
AHsV1000	AHsV10000969	ENSG0000	XM_011523	3682	ITGA6	integrin sub	GO:000715	GO:004687	GO:000588	845	1125	1.33	0.41
H20000706	H200007064	ENSG0000	NM_002199	3660	IFIT2	interferon r	GO:000012	GO:000097	GO:000565	16	19	1.18	0.24
AHsV1000	AHsV10003331	ENSG0000	XM_011521	663	BNIP2	BCL2/ader	GO:000679	GO:000430	GO:000563	1481	1276	0.86	-0.22
H20000627	H200006276	ENSG0000	NM_000713	645	BLVRB	biliverdin re	GO:000677	GO:000407	GO:000565	3452	2784	0.81	-0.31
AHsV1000	AHsV10003162	ENSG0000	NM_004043	438	ASMT	acetylserot	GO:000641	GO:000817	GO:0005829	cytosol			
CHsGV100	CHsGV1000048	ENSG0000	XM_011545	408	ARRB1	arrestin, be	GO:000018	GO:000440	GO:000013	79	84	1.06	0.09
CHsGV100	CHsGV1000022	ENSG0000	XM_005250	231	AKR1B1	aldo-keto r	GO:000189	GO:000403	GO:000561	29	24	0.83	-0.26
AHsV1000	AHsV10002296	ENSG0000	NM_001243	214	ALCAM	activated le	GO:000225	GO:000510	GO:0001772	immunolo	3		
H20000664	H200006640	ENSG0000	NM_001286	34	ACADM	acyl-CoA d	GO:000663	GO:000006	GO:000563	3348	3092	0.92	-0.11
CHsGV100	CHsGV1000369	ENSG0000	XM_011522	18	ABAT	4-aminobut	GO:000166	GO:000386	GO:0005739	mitochondrion,GO:0005759	mitoc		
AHsV1000	AHsV10000982	ENSG0000	NM_001300	51334	PRR16	proline rich	GO:004572	GO:000551	-		11		
H30002165	H300021658	ENSG0000	NM_001101	51306	FAM13B	family with	GO:000223	GO:000509	GO:000582	85	165	1.93	0.95
H20001315	H200013155	ENSG0000	NM_001284	11033	ADAP1	ArfGAP wit	GO:000716	GO:000509	GO:000563	31	34	1.09	0.13
H20000563	H200005639	-	NM_001278	11006	LILRB4	leukocyte i	GO:000225	GO:000382	GO:000588	36	37	1.01	0.01
H20000178	H200001786	ENSG0000	NR_072979	10840	ALDH1L1	aldehyde d	GO:000673	GO:000382	GO:000573	63	51	0.82	-0.29
AHsV1000	AHsV10000676	ENSG0000	XR_926031	10799	PPP40	ribonucleas	GO:000803	GO:000452	GO:000563	573	536	0.93	-0.10
AHsV1000	AHsV10000458	ENSG0000	NM_001256	10611	PDLIM5	PDZ and LI	GO:005196	GO:000377	GO:000582	200	288	1.44	0.52
AHsV1000	AHsV10001349	ENSG0000	NM_006440	10587	TXNRD2	thioredoxin	GO:000030	GO:000479	GO:000573	251	281	1.12	0.16
AHsV1000	AHsV10002813	ENSG0000	NM_001242	10430	TMEM147	transmemb	GO:003164	GO:000551	GO:000578	1404	1185	0.84	-0.24
CHsGV100	CHsGV1000382	ENSG0000	XM_011542	10413	YAP1	Yes associ	GO:000090	GO:000097	GO:0005634	nucleus,GO:0005654	nucleoplasm		
H20000206	H200002064	ENSG0000	XM_011545	7284	TUFM	Tu translat	GO:000641	GO:000374	GO:000573	3069	2218	0.72	-0.47
CHsTV100	CHsTV1000004	ENSG0000	NG_012386	7248	TSC1	tuberous s	GO:000182	GO:000551	GO:0005634	nucleus,G	5		
H20000071	H200000716	ENSG0000	NM_005423	7032	TFE2	trefoil fact	GO:000758	GO:000551	GO:0005615	extracellu	5		
AHsV1000	AHsV10002358	ENSG0000	NM_007209	11224	RPL35	ribosomal p	GO:000018	GO:000372	GO:000573	23292	18361	0.79	-0.34
H30000315	H300003153	ENSG0000	NM_007191	11197	WIF1	WNT inhibi	GO:000716	GO:000551	GO:000557	17	21	1.24	0.31
H30002191	H300021913	ENSG0000	NM_001253	8644	AKR1C3	aldo-keto r	GO:000006	GO:000175	GO:000562	403	356	0.88	-0.18
H30001964	H300019641	ENSG0000	XR_245961	8630	HSD17B6	hydroxyste	GO:000670	GO:000382	GO:000562	7	9	1.42	0.51
H20000562	H200005620	ENSG0000	XM_011542	8438	RAD54L	RAD54-like	GO:000072	GO:000367	GO:000563	292	260	0.89	-0.17
H20000482	H200004823	ENSG0000											

H20000057	H200000576	ENSG0000	NM_002425	4319	MMP10	matrix met	GO:000650	GO:000422	GO:000576	extracellular region,GO:000578				
H20001236	H200012369	ENSG0000	NM_016552	51281	ANKMY1	ankyrin rep	-	GO:004687	-		24	28	1.16	0.22
CHsGV100	CHsGV1000063	ENSG0000	NM_001300	51260	PBDC1	polysaccha	GO:000815	GO:000367	GO:000557		496	505	1.02	0.02
H20000414	H200004149	ENSG0000	NM_006834	10981	RAB32	RAB32, me	GO:000726	GO:000392	GO:000573		45	68	1.51	0.59
H30001940	H300019406	ENSG0000	XM_006719	10956	OS9	osteosarco	GO:000645	GO:000194	GO:000083		379	411	1.08	0.12
H30001601	H300016013	ENSG0000	NM_001202	10771	ZMYND11	zinc finger	GO:000012	GO:000097	GO:000563		24	32	1.35	0.43
DHsGV100	DHsGV1000516	-	-	-	-	-	-	-	-					
H20001107	H200011070	ENSG0000	NM_006419	10563	CXCL13	C-X-C mo	GO:000246	GO:000800	GO:000576	extracellular region,GO:0005615				
H20001054	H200010543	ENSG0000	NM_006407	10550	ARL6IP5	ADP ribosy	GO:000863	GO:000367	GO:000578		316	389	1.23	0.30
AHsV1000	AHsV10001267	ENSG0000	XM_011521	10391	CORO2B	coronin 2B	GO:003003	GO:000377	GO:0005737	cytoplasm,GO:0015629	actin cyt			
CHsGV100	CHsGV1000180	ENSG0000	XM_011524	10351	ABCA8	ATP bindin	GO:000681	GO:000552	GO:0005743	mitochondrial inner membrane,GO				
H20000054	H200000542	ENSG0000	NM_005658	7185	TRAF1	TNF recept	GO:000646	GO:000516	GO:000573		10	17	1.71	0.77
CHsGV100	CHsGV1000268	ENSG0000	NM_001126	7157	TP53	tumor prot	GO:000006	GO:000097	GO:000079		73	68	0.94	-0.09
H20000087	H200000875	ENSG0000	NM_001008	6950	TCP1	t-complex	GO:000645	GO:000551	GO:000024		11778	8048	0.68	-0.55
H20000169	H200001695	ENSG0000	XM_011536	11177	BAZ1A	bromodoma	GO:000626	GO:000440	GO:000022		256	244	0.95	-0.07
AHsV1000	AHsV10000235	ENSG0000	NM_001029	11152	WDR45	WD repeat	GO:000004	GO:003226	GO:000582		352	336	0.95	-0.07
AHsV1000	AHsV10001120	ENSG0000	NR_047549	8604	SLC25A12	solute carr	GO:000597	GO:000373	GO:000573		228	137	0.60	-0.74
CHsGV100	CHsGV100024	ENSG0000	NM_003676	8560	DEGS1	delta(4)-de	GO:000663	GO:000905	GO:000573		1053	929	0.88	-0.18
CHsGV100	CHsGV1000363	ENSG0000	NM_003512	8334	HIST1H2A	histone clu	GO:000634	GO:000367	GO:000078		2337	1420	0.61	-0.72
CHsGV100	CHsGV1000394	ENSG0000	NM_080538	8292	COLQ	collagen-lik	GO:000150	GO:000551	GO:0005581	collagen t			3	
AHsV1000	AHsV10000093	ENSG0000	NM_012293	7837	PXDN	peroxidasin	GO:000196	GO:000460	GO:000557		42	39	0.93	-0.10
H20001751	H200017514	ENSG0000	NM_013398	7767	ZNF224	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563		9	19	2.17	1.12
H30001889	H300018892	ENSG0000	NM_001251	7433	VIPR1	vasoactive	GO:000693	GO:000499	GO:000588		11	13	1.22	0.28
AHsV1000	AHsV10002923	ENSG0000	XM_006717	7410	VAV2	vav guanine	GO:000152	GO:000508	GO:000582		5	8	1.83	0.88
H30002234	H300022343	ENSG0000	NM_079423	4637	MYL6	myosin ligh	GO:000693	GO:000377	GO:000582		6948	5399	0.78	-0.36
CHsGV100	CHsGV1000009	ENSG0000	XM_011509	4608	MYBPH	myosin bind	GO:000694	GO:000551	GO:0032982	myosin filament				
AHsV1000	AHsV10000504	-	NM_001289	4277	MICB	MHC class	GO:000191	GO:000382	GO:000588		400	382	0.96	-0.07
H20001621	H200016211	ENSG0000	XM_006720	51222	ZNF219	zinc finger	GO:000012	GO:000097	GO:000563		15	21	1.38	0.46
H20000277	H200002778	ENSG0000	NM_001173	51185	CRBN	cereblon	GO:001656	GO:000417	GO:000563		389	302	0.78	-0.36
CHsGV100	CHsGV1000042	ENSG0000	NR_126106	10935	PRDX3	peroxiredox	GO:000030	GO:000551	GO:000573		3992	3257	0.82	-0.29
CHsGV100	CHsGV1000106	ENSG0000	NM_022336	10913	EDAR	ectodyspla	GO:000194	GO:000487	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in			
AHsV1000	AHsV10003165	ENSG0000	NM_001165	10718	NRG3	neuregulin	GO:000155	GO:000510	GO:0005576	extracellular region,GO:0005615				
H20000446	H200004466	ENSG0000	NM_006571	10671	DCTN6	dynactin su	GO:000688	-	GO:000077		495	467	0.94	-0.08
AHsV1000	AHsV10002887	-	XR_428838	10522	DEAF1	DEAF1, tra	GO:000166	GO:000367	GO:000557		289	275	0.95	-0.07
H30000966	H300009660	ENSG0000	NM_006370	10490	VT11B	vesicle trar	GO:000688	GO:000014	GO:000573		824	915	1.11	0.15
AHsV1000	AHsV10001434	ENSG0000	XM_011518	10319	LAMC3	laminin sub	GO:000090	GO:000519	GO:000557		26	27	1.04	0.06
AHsV1000	AHsV10001992	ENSG0000	NM_001173	10290	SPEG	SPEG com	GO:000170	GO:000467	GO:0005634	nucleus		6		
H20000625	H200006250	ENSG0000	NM_021137	7126	TNFAIP1	TNF alpha	GO:000626	GO:000484	GO:000573		178	186	1.05	0.07
H20000316	H200003169	ENSG0000	NM_003269	7101	NR2E1	nuclear rec	GO:000012	GO:000107	GO:000565		109	92	0.85	-0.24
CHsGV100	CHsGV1000008	ENSG0000	NM_000354	6906	SERPINA7	serpin pept	GO:001095	GO:000486	GO:000557		7	13	1.96	0.97
H30001904	H300019042	ENSG0000	XR_428692	11130	ZWINT	ZW10 inter	GO:000007	GO:000551	GO:000077		1044	901	0.86	-0.21
H20001399	H200013997	ENSG0000	NM_007043	11103	KRR1	KRR1, sma	GO:000636	GO:000551	GO:000563		688	635	0.92	-0.12
H30001593	H300015933	ENSG0000	NM_145343	8542	APOL1	apolipoprot	GO:000686	GO:000525	GO:0005576	extracellu		7		
H20001048	H200010481	ENSG0000	XM_011519	8516	ITGA8	integrin sub	GO:000165	GO:004687	GO:0005783	endoplasmic reticulum,GO:00058				
CHsGV100	CHsGV1000223	ENSG0000	NM_005089	8233	ZRSR2	zinc finger	GO:000024	GO:000016	GO:000568		211	291	1.38	0.46
H20001194	H200011943	ENSG0000	NM_007165	8175	SF3A2	splicing fac	GO:000038	GO:000551	GO:000565		32	33	1.01	0.02
H20000033	H200000333	-	XM_011514	7726	TRIM26	tripartite m	GO:001922	GO:000367	GO:000557		40	51	1.29	0.37
AHsV1000	AHsV10000649	ENSG0000	NM_001283	7692	ZNF133	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus		16		
H20000614	H200006142	ENSG0000	XR_246103	7390	UROS	uroporphyr	GO:000677	GO:000485	GO:000573		272	225	0.83	-0.27
DHsGV100	DHsGV1000199	ENSG0000	NR_027701	283487	LINC00346	long interge	-	-	-		42	38	0.91	-0.14
H20000721	H200007215	ENSG0000	XM_011518	4593	MUSK	muscle, ske	GO:000193	GO:000471	GO:000588		95	89	0.94	-0.09
CHsGV100	CHsGV1000398	ENSG0000	-	-	MT-ND4	mitochondr	-	-	-		3100	2656	0.86	-0.22
H20000390	H200003906	ENSG0000	XM_005257	4215	MAP3K3	mitogen-ac	GO:000016	GO:000467	GO:000573		64	58	0.90	-0.15
H20001064	H200010644	ENSG0000	NM_001163	51157	ZNF580	zinc finger	GO:000193	GO:000367	GO:000563		121	104	0.86	-0.22
AHsV1000	AHsV10003532	ENSG0000	XR_245387	51131	PHF11	PHD finger	GO:000635	GO:000827	GO:000563		14	42	3.08	1.62
H20001556	H200015567	ENSG0000	NM_016131	10890	RAB10	RAB10, me	GO:000689	GO:000392	GO:000013		1236	1092	0.88	-0.18
CHsGV100	CHsGV1000033	ENSG0000	NM_212481	10865	ARID5A	AT-rich int	GO:000206	GO:000367	GO:000563		31	33	1.06	0.09
H20000966	H200009660	ENSG0000	XM_005249	10652	YKT6	YKT6 v-SN	GO:000688	GO:000014	GO:000013		397	283	0.71	-0.49
AHsV1000	AHsV10002160	ENSG0000	XM_005266	10631	POSTN	periostin, o	GO:000150	GO:000551	GO:0005578	proteinac		4		
H20000185	H200001854	ENSG0000	NM_013409	10468	FST	follicstatin	GO:000012	GO:000487	GO:000557		6	12	2.07	1.05
H20000416	H200004167	ENSG0000	NM_006111	10449	ACAA2	acetyl-CoA	GO:000663	GO:000398	GO:000573		448	514	1.15	0.20
H20000355	H200003553	ENSG0000	XM_006715	10268	RAMP3	receptor (G	GO:000192	GO:000487	GO:0005622	intracellul		3		
AHsV1000	AHsV10003399	ENSG0000	NM_005835	10246	SLC17A2	solute carr	GO:000679	GO:000543	GO:000588		6	11	1.65	0.72
H20000597	H200005973	ENSG0000	XM_005254	7082	TJP1	tight juncti	GO:000182	GO:000551	GO:000563		209	179	0.86	-0.22
H30000627	H300006274	ENSG0000	NM_004613	7052	TGM2	transglutam	GO:000720	GO:000381	GO:000573		47	48	1.02	0.03
AHsV1000	AHsV10001642	ENSG0000	NM_001057	6865	TACR2	tachykinin	GO:000693	GO:000499	GO:0005886	plasma m		3		
H30002123	H300021234	ENSG0000	NM_007030	11076	TPPP	tubulin poly	GO:000157	GO:000551	GO:000563		6	12	2.00	1.00
CHsGV100	CHsGV100036	-	XM_011524	11056	DDX52	DEAD-box	GO:000636	GO:000400	GO:000563		209	165	0.79	-0.34
H20000346	H200003460	ENSG0000	NM_003617	8490	RGS5	regulator o	GO:000827	GO:000509	GO:000573		578	462	0.80	-0.32
CHsGV100	CHsGV1000228	ENSG0000	XM_011516	8454	CUL1	cullin 1	GO:000008	GO:000551	GO:000565		790	710	0.90	-0.15
H30001356	H300013567	ENSG0000	NM_005086	8082	SSPN	sarcospan	GO:000693	-	GO:000588		271	197	0.73	-0.46
H20000792	H200007929	ENSG0000	XM_005272	8021	NUP214	nucleoporin	GO:000027	GO:000504	GO:000563		597	597	1.00	0.00
H20001158	H200011584	ENSG0000	NM_006963	7570	ZNF22	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563		974	744	0.76	-0.39
AHsV1000	AHsV10001270	ENSG0000	NM_001178	7543	ZFX	zinc finger	GO:000635	GO:000097	GO:000563		51	77	1.49	0.58
AHsV1000	AHsV10000859	ENSG0000	NR_028436	7332	UBE2L3	ubiquitin cd	GO:000020	GO:000371	GO:000015		16497	12798	0.78	-0.37
H30001287	H300012875	ENSG0000	XM_011521	7301	TYRO3	TYRO3 pro	GO:000177	GO:000161	GO:000563		40	39	0.97	-0.04
AHsV1000	AHsV10000262	ENSG0000	NM_000251	4436	MSH2	mutS homod	GO:000170	GO:000028	GO:000078		2055	1804	0.88	-0.19
H30001165	H300011659	-	NM_001008	4340	MOG	myelin oligo	GO:000715	GO:000161	GO:0005886	plasma m		5		
H30001466	H300014661	ENSG0000	NM_001025	4155	MBP	myelin basi	GO:000695	GO:000202	GO:0005634	nucleus,G		12		
AHsV1000	AHsV10002118	ENSG0000	NR_033701	83543	AIF1L	allograft inf	-	GO:000550	GO:000573		14	11	0.78	-0.3

H20001764	H200017640	ENSG0000	XM_011514	54210	TREM1	triggering r	GO:000223	GO:000487	GO:000557	11	12	1.06	0.08
H30001847	H300018478	ENSG0000	NR_073093	51660	MPC1	mitochondr	GO:000609	GO:000367	GO:000557	3828	2986	0.78	-0.36
H20000138	H200001385	ENSG0000	NM_016019	51631	LUC7L2	LUC7-like	GO:000637	GO:000372	GO:000568	1748	1616	0.92	-0.11
H30001878	H300018781	ENSG0000	XR_926941	55744	COA1	cytochrom	GO:000641	GO:000372	GO:000573	1474	1397	0.95	-0.08
CHsGV100	CHsGV100019	NM_018696	55520	ELAC1	elaC ribon		GO:003441	GO:004278	GO:000563	49	89	1.81	0.85
H30000533	H300005334	ENSG0000	NM_018584	55450	CAMK2N1	calcium/ca	GO:190403	GO:000842	GO:001406	7	19	2.59	1.37
H20000460	H200004600	ENSG0000	NM_001134	55214	P3H2	prolyl 3-hy	GO:000828	GO:000550	GO:0005604	basement membrane,GO:000578			
AHsV1000	AHsV10001301	ENSG0000	NM_001303	55197	RPRD1A	regulation d	GO:007094	GO:000551	GO:001659	507	616	1.21	0.28
H20001549	H200015492	ENSG0000	NM_017918	55013	CCDC109E	coiled-coil	GO:000685	GO:000521	GO:000573	364	227	0.62	-0.68
CHsGV100	CHsGV1000209	ENSG0000	NM_017891	54991	C1orf159	chromosom	-	-	GO:001602	90	88	0.98	-0.03
CHsGV100	CHsGV1000291	ENSG0000	XM_005256	23293	SMG6	SMG6 nons	GO:000018	GO:000452	GO:000033	33	34	1.04	0.05
AHsV1000	AHsV10000598	ENSG0000	XM_006717	23268	DNMBP	dynamini bir	GO:003502	GO:000508	GO:000579	7	14	1.99	0.99
AHsV1000	AHsV10002496	ENSG0000	XM_011514	23113	CUL9	cullin 9	GO:000022	GO:000551	GO:000573	18	40	2.25	1.17
CHsGV100	CHsGV1000018	ENSG0000	XM_005255	23090	ZNF423	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus			
AHsV1000	AHsV10002728	ENSG0000	NM_001100	22904	SBNO2	strawberry	GO:000228	-	GO:0005575	cellular_co	7		
H30001534	H300015341	ENSG0000	NM_001303	22880	MORC2	MORC fam	GO:000663	GO:000827	GO:000563	474	306	0.65	-0.63
AHsV1000	AHsV10000847	ENSG0000	NM_001170	81887	LAS1L	LAS1-like,	GO:000636	GO:004482	GO:000565	579	445	0.77	-0.38
CHsGV100	CHsGV1000391	ENSG0000	NM_001040	80817	CEP44	centrosom	-	GO:000551	GO:000092	120	142	1.19	0.25
AHsV1000	AHsV10000425	ENSG0000	NM_001145	80726	KIAA1683	KIAA1683	-	GO:000551	GO:0005634	nucleus,GO:0005739	mitochondri		
AHsV1000	AHsV10001391	ENSG0000	XM_011538	80070	ADAMTS2	ADAM met	GO:000650	GO:000422	GO:0005578	proteinaceous extracellular matri			
CHsGV100	CHsGV1000282	ENSG0000	XM_011523	80011	FAM192A	family with	-	GO:000551	GO:000563	530	579	1.09	0.13
H20001238	H200012387	-	NR_024010	79799	UGT2A3	UDP glucur	GO:000981	GO:001502	GO:0016021	integral component of membrane			
AHsV1000	AHsV10001124	ENSG0000	NM_024719	79774	GRTP1	growth hor	GO:004354	GO:000509	-	34	27	0.81	-0.31
CHsGV100	CHsGV1000372	ENSG0000	XM_005271	54733	SLC35F2	solute carr	GO:000681	GO:000367	GO:000557	151	129	0.86	-0.23
CHsGV100	CHsGV1000275	ENSG0000	XM_011521	54629	FAM63B	family with	GO:000815	GO:000367	GO:000557	61	81	1.32	0.40
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001314	54059	YBEY	ybeY metal	GO:000636	GO:000422	GO:000563	102	97	0.95	-0.08
H20001815	H200018155	ENSG0000	XM_011545	53838	C11orf24	chromosom	-	-	GO:000579	48	69	1.45	0.53
H30001957	H300019570	ENSG0000	NM_033020	51592	TRIM33	tripartite m	GO:000012	GO:000367	GO:000563	247	219	0.88	-0.18
AHsV1000	AHsV10002859	ENSG0000	NM_001143	51557	LGSN	lengsin, len	GO:000654	GO:000435	GO:0005886	plasma membrane			
AHsV1000	AHsV10002860	ENSG0000	NR_104240	55687	TRMU	tRNA 5-me	GO:000214	GO:000004	GO:000565	255	252	0.99	-0.02
CHsGV100	CHsGV1000158	ENSG0000	XM_006710	55356	SLC22A15	solute carr	GO:000681	GO:002289	GO:001602	29	41	1.41	0.50
CHsGV100	CHsGV1000113	-	-	-	-	-	-	-	-	5	23	4.69	2.23
H20000861	H200008618	ENSG0000	NM_001317	55178	RNMTL1	RNA methy	GO:000151	GO:000372	GO:000573	213	147	0.69	-0.54
H20001758	H200017581	ENSG0000	NM_001009	55152	DALRD3	DALR anti	GO:000642	GO:000481	-	132	130	0.98	-0.02
H20001695	H200016959	ENSG0000	NM_017863	54967	CT55	cancer/tes	-	GO:000551	-	192	128	0.66	-0.59
H20001290	H200012903	ENSG0000	NM_017826	54937	SOHLH2	spermatoge	GO:000636	GO:000104	GO:000563	85	80	0.94	-0.08
CHsGV100	CHsGV1000016	ENSG0000	NM_015201	23246	BOP1	block of pro	GO:000044	GO:000551	GO:000563	769	458	0.60	-0.75
H20000527	H200005272	ENSG0000	XM_011536	23224	SYNE2	spectrin re	GO:000699	GO:000377	GO:0005634	nucleus,GO	4		
H30001976	H300019768	ENSG0000	XM_011539	23063	WAPL	WAPL cohe	GO:000027	GO:000551	GO:000077	307	277	0.90	-0.15
AHsV1000	AHsV10001499	ENSG0000	NM_015021	23036	ZNF292	zinc finger	GO:000636	GO:000107	GO:0005634	nucleus	13		
H20001169	H200011698	ENSG0000	XM_011521	22856	CHSY1	chondroitin	GO:000206	GO:004687	GO:000013	122	148	1.21	0.27
H20000191	H200001910	ENSG0000	NM_014899	22836	RHOBTB3	Rho relate	GO:000726	GO:000551	GO:000579	1823	1883	1.03	0.05
CHsGV100	CHsGV1000158	ENSG0000	NM_030933	81626	SHCBP1L	SHC SH2-	GO:000728	-	GO:0072687	meiotic spindle			
H20000872	H200008727	ENSG0000	NR_028100	80344	DCAF11	DDB1 and	GO:001656	GO:000551	GO:000565	113	116	1.02	0.03
H20000421	H200004214	ENSG0000	NM_025204	80305	TRABD	TraB doma	-	-	-	77	84	1.09	0.13
AHsV1000	AHsV10001409	ENSG0000	NM_024919	79981	FRMD1	FERM dom	-	-	GO:0005856	cytoskeleton			
CHsGV100	CHsGV1000059	ENSG0000	NM_001270	79948	PLPPR3	phospholipi	GO:000664	GO:000819	GO:000588	4	15	3.45	1.79
H20001095	H200010953	ENSG0000	NM_024697	79750	ZNF385D	zinc finger	GO:007233	GO:000203	GO:0005634	nucleus	7		
CHsGV100	CHsGV1000245	ENSG0000	NM_024660	79713	IGFLR1	IGF like fan	-	GO:000551	GO:000588	72	66	0.91	-0.13
CHsGV100	CHsGV1000393	ENSG0000	NR_033677	54555	DDX49	DEAD-box	GO:001050	GO:000400	-	359	280	0.78	-0.36
AHsV1000	AHsV10001370	ENSG0000	XM_006717	54536	EXOC6	exocyst co	GO:000690	GO:000551	GO:000014	549	545	0.99	-0.01
AHsV1000	AHsV10003522	ENSG0000	NR_103782	53371	NUP54	nucleoporin	GO:000027	GO:000548	GO:000563	836	849	1.01	0.02
AHsV1000	AHsV10003056	ENSG0000	XM_011535	51805	COQ3	coenzyme	GO:000607	GO:000439	GO:000573	859	615	0.72	-0.48
AHsV1000	AHsV10001212	ENSG0000	NM_016426	51512	GTSE1	G2 and S-	GO:000697	GO:000367	GO:000588	148	162	1.10	0.13
H20001746	H200017469	ENSG0000	XM_011521	51458	RHCG	Rh family C	GO:000687	GO:000851	GO:000588	22	19	0.89	-0.17
H30000196	H300001968	ENSG0000	XM_011541	55631	LRRC40	leucine rich	-	-	GO:001602	441	409	0.93	-0.11
AHsV1000	AHsV10001043	ENSG0000	NM_018327	55304	SPTLC3	serine palm	GO:000666	GO:000475	GO:0005789	endoplasmic reticulum membrane			
CHsGV100	CHsGV1000372	ENSG0000	XR_429723	55282	LRRC36	leucine rich	-	-	-	5			
AHsV1000	AHsV10003367	ENSG0000	NM_018058	55118	CRTAC1	cartilage ad	GO:000741	GO:000550	GO:0005578	proteinaceous extracellular matri			
CHsGV100	CHsGV1000038	ENSG0000	NM_018025	55094	GPATCH1	G-patch do	GO:000039	GO:000367	GO:007101	52	60	1.16	0.22
H30001387	H300013879	ENSG0000	NM_017785	54908	SPDL1	spindle app	GO:000013	GO:000551	GO:000092	470	538	1.14	0.19
H30001502	H300015020	ENSG0000	NM_017750	54884	RETSAT	retinol satu	GO:004257	GO:001649	GO:000564	63	105	1.67	0.74
H20000604	H200006044	ENSG0000	NM_001313	23204	ARL6IP1	ADP ribosy	GO:000661	GO:000551	GO:000578	3713	3335	0.90	-0.15
H30001461	H300014611	ENSG0000	NM_001252	23178	PASK	PAS domai	GO:000646	GO:000467	GO:000563	39	43	1.08	0.11
H30001113	H300011138	ENSG0000	NM_001023	440270	GOLGA8B	golgin A8 fa	-	-	GO:000573	64	62	0.97	-0.04
H30001297	H300012970	ENSG0000	XR_429297	22985	ACIN1	apoptotic c	GO:000223	GO:000016	GO:000563	30	37	1.26	0.34
H20000697	H200006971	ENSG0000	XM_005267	22795	NID2	nidogen 2	GO:000715	GO:000550	GO:0005576	extracellu	3		
H20000167	H200001675	ENSG0000	XR_926047	11329	STK38	serine/thre	GO:000646	GO:000028	GO:000563	147	184	1.25	0.32
AHsV1000	AHsV10003484	ENSG0000	NM_148842	81554	WBSR16	Williams-B	GO:000815	GO:004482	GO:000557	255	263	1.03	0.05
CHsGV100	CHsGV1000216	ENSG0000	NM_025163	80235	PIGZ	phosphatid	GO:000650	GO:000002	GO:000578	150	129	0.86	-0.22
H30002223	H300022234	ENSG0000	NM_001190	80204	FBXO11	F-box prot	GO:000646	GO:000484	GO:000015	363	496	1.37	0.45
H30001282	H300012820	ENSG0000	XM_011522	79903	NAA60	N(alpha)-ac	GO:000633	GO:000459	GO:0000139	Golgi men	9		
AHsV1000	AHsV10001072	ENSG0000	XM_011522	79875	THSD4	thrombospo	GO:000650	GO:000422	GO:0001527	microfibril	4		
H20000443	H200004431	ENSG0000	NR_104593	79682	CENPU	centromere	GO:000027	GO:000551	GO:000077	1396	1730	1.24	0.31
AHsV1000	AHsV10003019	ENSG0000	NM_024610	79663	HSPBAP1	HSPB1 ass	-	GO:000551	GO:000573	36	32	0.90	-0.15
AHsV1000	AHsV10000691	ENSG0000	XM_006721	54496	PRMT7	protein arg	GO:000038	GO:000846	GO:000563	136	107	0.78	-0.35
H20000691	H200006918	ENSG0000	NM_001034	54463	FAM134B	family with	GO:001923	GO:000551	GO:0005794	Golgi apparatus,GO:0005801	cis-		
AHsV1000	AHsV10003108	ENSG0000	NM_016382	51744	CD244	CD244 mol	GO:000225	GO:000487	GO:000588	12	18	1.47	0.56
AHsV1000	AHsV10003435	-	NM_016264	51710	ZNF44	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	131	120	0.92	-0.12
CHsGV100	CHsGV1000272	ENSG0000	XR_428916	51400	PPME1	protein pho	GO:000648	GO:000486	-	313	278	0.89	-0.17
CHsGV100	CHsGV1000308	ENSG0000	NM_001293	51365	PLA1A	phospholipi	GO:000662	GO:000897	GO:0002080	acrosoma	9		
H20000134	H200001348	ENSG0000	NM_017567	55577	NAGK	N-acetylglu	GO:000604	GO:000551	GO:007006	177	194	1.09	0.13
CHsGV100	CHsGV1000392	ENSG0000	NM_001306	55256	ADI1	acireductor	GO:000009	GO:000551					

AHsV1000	AHsV10003369	ENSG0000	NM_015112	23139	MAST2	microtubule	GO:000646	GO:000028	GO:0005737 cytoplasm	9			
H20000042	H200000420	ENSG0000	NM_001306	22948	CCT5	chaperonin	GO:000645	GO:000551	GO:000219	7924	6355	0.80	-0.32
AHsV1000	AHsV10000527	ENSG0000	NM_012228	22921	MSRB2	methionine	GO:000635	GO:000370	GO:0005739 mitochondr	5			
H20000094	H200000941	ENSG0000	NM_054013	11282	MGAT4B	mannosyl (G	GO:000649	GO:000845	GO:000013	315	283	0.90	-0.15
CHsGV100	CHsGV1000295	ENSG0000	XM_006716	11253	MAN1B1	mannosidas	GO:000645	GO:000457	GO:000578	53	77	1.45	0.54
DHsGV100	DHsGV1000453	ENSG0000	-	-	RP11-196U	-	-	-	-	-	5		
DHsGV100	DHsGV1000152	-	NG_017092	-	-	-	-	-	-	13	18	1.45	0.54
AHsV1000	AHsV10001909	ENSG0000	NM_001048	752014	CEMP1	cementum	-	-	GO:000573	5	7	1.44	0.53
DHsGV100	DHsGV1000519	-	-	-	-	-	-	-	-	13	11	0.84	-0.25
H30000231	H300002315	ENSG0000	NM_001037	284274	SMIM21	small integr	-	-	GO:0016021 integral component of membrane				
H30000722	H300007229	ENSG0000	XM_011524	284086	NEK8	NIMA relat	GO:000646	GO:000467	GO:000573	47	47	1.00	0.01
CHsGV100	CHsGV1000216	ENSG0000	NM_001190	257144	GCSAM	germinal ce	GO:005085	GO:000377	GO:0005737 cytoplasm,GO:0005886 plasma m				
AHsV1000	AHsV10003541	ENSG0000	XM_011544	256364	EML3	echinoderm	-	-	GO:000573	56	72	1.30	0.38
CHsGV100	CHsGV1000219	ENSG0000	XM_011515	221785	ZSCAN25	zinc finger	GO:000635	GO:000370	GO:000563	17	25	1.46	0.55
CHsGV100	CHsGV1000216	ENSG0000	NM_173558	221472	FGD2	FYVE, Rho	GO:000701	GO:000508	GO:000172	10	13	1.27	0.34
CHsGV100	CHsGV1000265	ENSG0000	NM_177966	201626	PDE12	phosphodie	GO:000639	GO:000453	GO:000575	190	180	0.95	-0.08
CHsGV100	CHsGV1000151	ENSG0000	NM_198463	200844	C3orf67	chromosom	-	-	-				
CHsGV100	CHsGV1000120	ENSG0000	XM_011543	83648	FAM167A	family with	-	GO:000551	-	8	12	1.47	0.56
CHsGV100	CHsGV1000107	-	NM_001013	343521	TCTEX1D4	Tctex1 dor	-	GO:000551	GO:0001669 acrosoma	7			
DHsGV100	DHsGV1000140	-	XM_011527	50944	SHANK1	SH3 and m	GO:000646	GO:000551	GO:000562	40	26	0.65	-0.63
CHsGV100	CHsGV1000003	ENSG0000	NM_175066	317781	DDX51	DEAD-box	GO:000636	GO:000400	GO:000573	174	145	0.83	-0.26
AHsV1000	AHsV10001420	ENSG0000	XM_006717	286207	CFAP157	cilia and fla	-	-	-				
AHsV1000	AHsV10002589	ENSG0000	NM_001172	92595	ZNF764	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	43	73	1.71	0.78
AHsV1000	AHsV10001303	ENSG0000	NM_033281	92259	MRPS36	mitochondr	GO:000610	GO:000373	GO:000573	1687	1472	0.87	-0.20
AHsV1000	AHsV10000234	ENSG0000	NM_033085	89885	FATE1	fetal and ac	-	GO:000551	GO:0005783 endoplasr	6			
AHsV1000	AHsV10002768	ENSG0000	NM_001291	89778	SERPINB1	serpin pept	GO:001095	GO:000486	GO:0005615 extracellular space,GO:0005737 c				
H20002030	H200020305	ENSG0000	XM_011517	84875	PARP10	poly(ADP-r	GO:000647	GO:000395	GO:0005634 nucleus,G	11			
CHsGV100	CHsGV1000334	ENSG0000	NM_032726	84812	PLCD4	phospholipa	GO:000734	GO:000443	GO:000573	16	19	1.18	0.23
DHsGV100	DHsGV1000327	-	-	-	-	-	-	-	-	7	9	1.41	0.49
AHsV1000	AHsV10003426	ENSG0000	NM_032290	84250	SLF1	SMC5-SMC	GO:000628	GO:000551	GO:000078	270	306	1.13	0.18
H20000314	H200003142	ENSG0000	NM_001024	55763	EXOC1	exocyst co	GO:000688	GO:000551	GO:000014	372	392	1.06	0.08
DHsGV100	DHsGV1000562	ENSG0000	-	-	RP11-143A	-	-	-	-	16	19	1.18	0.24
DHsGV100	DHsGV1000490	-	-	-	-	-	-	-	-				
H30002183	H300021838	ENSG0000	NM_024852	192669	AGO3	argonaute	GO:000640	GO:000372	GO:000093	129	101	0.78	-0.36
DHsGV100	DHsGV1000450	ENSG0000	NR_046438	730198	MEIS1-AS1	MEIS1 anti	-	-	-	7	12	1.76	0.81
AHsV1000	AHsV10000066	ENSG0000	NR_033904	283876	LINC00921	long interge	-	-	-				
AHsV1000	AHsV10002229	ENSG0000	XM_011536	283638	CEP170B	centrosome	-	-	GO:000573	92	91	0.98	-0.03
CHsGV100	CHsGV1000347	ENSG0000	NM_001184	255743	NPNT	nephronect	GO:000165	GO:000517	GO:0005576 extracellular region,GO:0005578				
CHsGV100	CHsGV1000073	ENSG0000	NM_001077	255061	TAC4	tachykinin	GO:000695	GO:000510	GO:000561	42	37	0.88	-0.19
CHsGV100	CHsGV1000216	ENSG0000	NM_145062	221302	ZUFSP	zinc finger	-	GO:000551	-	114	131	1.15	0.20
AHsV1000	AHsV10000737	ENSG0000	NM_001001	221035	REEP3	receptor ad	GO:000699	-	GO:000578	308	343	1.11	0.16
H20000699	H200006996	ENSG0000	NM_175852	200081	TXLNA	taxilin alpha	GO:000688	GO:000512	GO:000557	149	199	1.34	0.42
CHsGV100	CHsGV100006	ENSG0000	NM_152657	199720	GGN	gametogen	GO:000630	GO:000551	GO:004847	188	120	0.64	-0.65
CHsGV100	CHsGV1000042	ENSG0000	XM_011524	83450	DRC3	dynein regu	-	-	GO:0005737 cytoplasm	7			
CHsGV100	CHsGV1000291	ENSG0000	NM_181807	341019	DCDC1	doublecorti	GO:003555	-	GO:0005622 intracellular				
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	NM_001013	340527	NHSL2	NHS like 2	-	-	-	13	13	1.03	0.04
AHsV1000	AHsV10002924	ENSG0000	-	285855	RPL7L1	ribosomal p	GO:000046	GO:000373	GO:000573	2721	2397	0.88	-0.18
AHsV1000	AHsV10000409	ENSG0000	NM_182592	285525	YIPF7	Yip1 domai	-	-	GO:0005789 endoplasr	3			
H20000691	H200006910	ENSG0000	NM_145234	91851	CHRD1	chordin-lik	GO:000150	-	GO:0005576 extracellular region				
H20001645	H200016452	ENSG0000	XM_005269	91523	PCED1B	PC-esteras	-	GO:000551	-		7		
H20001502	H200015025	ENSG0000	NM_033403	85443	DCLK3	doublecorti	GO:000646	GO:000467	GO:0005634 nucleus,G	8			
CHsGV100	CHsGV1000148	ENSG0000	NM_139126	85313	PPIL4	peptidylpro	GO:000041	GO:000016	GO:000565	413	433	1.05	0.07
H20000641	H200006415	ENSG0000	XM_011542	84722	PSRC1	proline/ser	GO:000157	GO:000551	GO:000092	585	365	0.62	-0.68
CHsGV100	CHsGV1000088	ENSG0000	NR_045128	246126	TXLNGY	taxilin gamr	-	GO:001990	-				
CHsGV100	CHsGV1000081	ENSG0000	XM_011520	84188	FAR1	fatty acyl	GO:000861	GO:005006	GO:000577	171	199	1.16	0.22
CHsGV100	CHsGV1000011	ENSG0000	NM_032181	84141	EVA1A	eva-1 hom	GO:000691	-	GO:0005765 lysosomal membrane,GO:0005789				
H30001012	H300010125	ENSG0000	XM_005256	55715	DOK4	docking prd	GO:000016	GO:000505	GO:000562	102	111	1.09	0.12
DHsGV100	DHsGV1000397	ENSG0000	-	-	CTC-458I2	-	-	-	-	27	25	0.93	-0.11
DHsGV100	DHsGV1000043	ENSG0000	NR_034097	100128081	JAZF1-AS1	JAZF1 anti	-	-	-		9		
H30002014	H300020147	ENSG0000	NR_033249	2653	GCSH	glycine clea	GO:000654	GO:000404	GO:000573	2792	1950	0.70	-0.52
DHsGV100	DHsGV1000377	ENSG0000	-	-	RP11-526M	-	-	-	-		9		
H30001960	H300019603	ENSG0000	NM_001109	283450	HECTD4	HECT dom	GO:000600	GO:000484	GO:001602	94	82	0.87	-0.19
CHsGV100	CHsGV1000255	ENSG0000	XM_006718	283219	KCTD21	potassium	GO:005126	-	-	262	219	0.84	-0.26
CHsGV100	CHsGV1000058	ENSG0000	NM_153686	254251	LCORL	ligand depe	GO:000635	GO:000367	GO:000563	10	25	2.40	1.27
AHsV1000	AHsV10002289	ENSG0000	XM_011534	253314	EIF4E1B	eukaryotic	GO:000641	GO:000374	GO:0005737 cytoplasm,GO:0005845 mRNA ca				
H30002141	H300021410	ENSG0000	NM_145015	116535	MRGPRF	MAS relate	GO:000718	GO:000493	GO:000588	20	27	1.35	0.43
AHsV1000	AHsV10003143	ENSG0000	NM_001012	219348	PLAC9	placenta sp	-	GO:000551	GO:0005576 extracellular region				
DHsGV100	DHsGV1000504	ENSG0000	XM_006720	196993	CT62	cancer/tes	-	-	-		3		
AHsV1000	AHsV10002487	ENSG0000	XM_011538	196374	KRT78	keratin 78,	-	GO:000519	GO:0005615 extracellular space,GO:0045095				
AHsV1000	AHsV10001545	-	NM_030959	81797	OR12D3	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:0005886 plasma m	6			
DHsGV100	DHsGV1000408	ENSG0000	NR_036497	339929	LPP-AS2	LPP antise	-	-	-	11	22	1.91	0.93
AHsV1000	AHsV10003086	ENSG0000	XM_006711	339512	CCDC190	coiled-coil	-	-	-				
AHsV1000	AHsV10003323	ENSG0000	NM_173824	285237	C3orf38	chromosom	GO:000691	-	-	205	214	1.05	0.07
CHsGV100	CHsGV1000265	ENSG0000	XM_011532	284948	SH2D6	SH2 domai	GO:000695	-	GO:0005622 intracellul	7			
H20001370	H200013708	ENSG0000	NM_033200	91289	LMF2	lipase matu	-	GO:000551	GO:000578	352	396	1.13	0.17
AHsV1000	AHsV10001585	ENSG0000	XM_011538	91012	CERS5	ceramide s	GO:000666	GO:000367	GO:000578	149	180	1.21	0.27
AHsV1000	AHsV10001116	ENSG0000	NM_001080	85015	USP45	ubiquitin sp	GO:000628	GO:000484	GO:000565	14	34	2.39	1.25
CHsGV100	CHsGV1000234	ENSG0000	NM_001297	84964	ALKBH6	alkB homol	GO:005511	GO:000551	GO:000563	191	192	1.01	0.01
AHsV1000	AHsV10000634	ENSG0000	XM_011523	84627	ZNF469	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	6	7	1.03	0.04
AHsV1000	AHsV10001546	ENSG0000	NM_001252	84532	ACSS1	acyl-CoA s	GO:000606	GO:000398	GO:0005759 mitochondrial matrix				
AHsV1000	AHsV10001305	ENSG0000	NM_001199	84072	HORMAD1	HORMA do	GO:000182	-	GO:0000795 synaptonemal complex,GO:00056				
AHsV1000	AHsV10003375	ENSG0000	NR_045612	387316	VN1R10P	vomeronas	-	-	-		3		
H30001849	H300018498	ENSG0000	NM_194460	55658	RNF126	ring finger	GO:000020	GO:000515	GO:000563	454	351	0.77	-0.37
DHsGV100	DHsGV1000347	-	-	-	-	-	-	-	-		5		
DHsGV100	DHsGV1000334	ENSG0000	XR_927465	43	ACHE	acetylcholin	GO:000150	GO:000154	GO:0005576 extracellu	6			
DHsTV100	DHsTV1000014	-	-	-	-	-	-	-	-		4		
DHsGV100	DHsGV1000144	-	-	-	-	-	-	-	-	7	13	2.01	1.01
AHsV1000	AHsV10000909	ENSG0000	NR_037660	282809	POC1B	POC1 cent	GO:000189	GO:000551	GO:000092	89	119	1.34	0.42
H30000859	H300008592	ENSG0000	NM_147199	259249	MRGPRX1	MAS relate	GO:000695	GO:000493	GO:0005887 integral c	3			

CHsGV100	CHsGV100032	ENSG0000	XM_011516	245972	ATP6V0D2	ATPase H+	GO:000687	GO:000551	GO:0005769	early endosome,GO:0010008	end			
AHsV1000	AHsV10001788	ENSG0000	NM_173560	222546	RFX6	regulatory	GO:000330	GO:000097	GO:0005634	nucleus				
CHsGV100	CHsGV1000003	ENSG0000	NM_182540	203522	INTS6L	integrator c				114	188	1.64	0.72	
CHsGV100	CHsGV1000197	ENSG0000	NM_001097	202915	TMEM184A	transmemb	GO:000681	GO:000521	GO:001602	26	26	1.00	-0.01	
AHsV1000	AHsV10000419	ENSG0000	XM_005254	171425	CLYBL	citrate lyas	GO:000815	GO:000028	GO:000573	61	74	1.21	0.28	
AHsV1000	AHsV10000360	ENSG0000	XM_011539	170394	PWWP2B	PWWP dom		GO:000551	GO:000565	60	60	1.01	0.01	
AHsV1000	AHsV10000817	ENSG0000	NR_049743	81605	URM1	ubiquitin re	GO:000209	GO:000551	GO:000582	1178	904	0.77	-0.38	
AHsV1000	AHsV10002774	ENSG0000	NM_001085	339210	C17orf67	chromosom		GO:000551	GO:0005576	extracellular region				
CHsGV100	CHsGV1000257	ENSG0000	XM_011520	338645	LUZP2	leucine zip			GO:0005576	extracellular region				
CHsGV100	CHsGV1000318	ENSG0000	XM_005277	284615	ANKRD34A	ankyrin rep				9	13	1.47	0.55	
H30000327	H300003270	ENSG0000	NM_001025	284402	SCGB2B2	secretoglot			GO:000557	211	167	0.79	-0.34	
H30001683	H300016833	ENSG0000	NR_073062	90550	MCU	mitochondr	GO:000685	GO:000526	GO:000573	102	156	1.53	0.61	
AHsV1000	AHsV10002520		NM_001098	90273	CEACAM2	carcinoemb			GO:0016021	integral component of membrane				
H30001458	H300014581	ENSG0000	XR_934579	84940	CORO6	coronin 6	GO:003003	GO:000551	GO:0015629	actin cyto	11			
CHsGV100	CHsGV1000407	ENSG0000	NM_032825	84911	ZNF382	zinc finger	GO:000012	GO:000370	GO:000563	16	18	1.17	0.22	
CHsGV100	CHsGV1000265	ENSG0000	NM_032433	84449	ZNF333	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	4	17	3.89	1.96	
AHsV1000	AHsV10002269	ENSG0000	NR_126431	84334	APOPT1	apoptogeni	GO:003439		GO:000573	301	430	1.43	0.52	
AHsV1000	AHsV10001656	ENSG0000	NM_031958	83896	KRTAP3-1	keratin ass		GO:000519	GO:0045095	keratin fil	5			
H20000496	H200004961	ENSG0000	XR_247214	83759	RBM4B	RNA bindin	GO:000639	GO:000016	GO:000573	180	172	0.96	-0.06	
CHsGV100	CHsGV1000406	ENSG0000	XR_927488	55610	VPS50	VPS50, EA	GO:001503		GO:001602	90	95	1.06	0.09	
H20000063	H200000633	ENSG0000	XM_006716	114	ADCY8	adenylate c	GO:000309	GO:000401	GO:0005622	intracellular,GO:0005886	plasma			
DHsGV100	DHsGV1000237		NG_031859	8314	BAP1	BRCA1 ass	GO:000155	GO:000368	GO:0005634	nucleus,GO	4			
DHsGV100	DHsGV1000025									45	37	0.82	-0.29	
DHsGV100	DHsGV1000054									45	36	0.82	-0.29	
DHsGV100	DHsGV1000122									4	7	1.55	0.63	
DHsGV100	DHsGV1000468									65	56	0.86	-0.21	
DHsGV100	DHsGV1000176	ENSG0000	NM_203425	388407	C17orf82	chromosom		GO:000551		59	50	0.85	-0.23	
H20000536	H200005364	ENSG0000	NM_004863	9517	SPTLC2	serine palm	GO:000666	GO:000475	GO:000573	42	85	2.05	1.04	
DHsGV100	DHsGV1000105									11	12	1.10	0.13	
DHsGV100	DHsGV1000054	ENSG0000		100130342	SCGB2B3F	secretoglot				55	49	0.88	-0.18	
DHsGV100	DHsGV1000296	ENSG0000	NM_001271	56936	CCDC177	coiled-coil				11	12	1.14	0.18	
DHsGV100	DHsGV1000053		NG_027826	3195	TLX1	T-cell leuk	GO:000636	GO:000097	GO:000563	56	52	0.92	-0.12	
AHsV1000	AHsV10000355										9			
DHsGV100	DHsGV1000043	ENSG0000		201176	ARHGAP2	Rho GTPas	GO:000689	GO:000509	GO:000562	38	30	0.78	-0.37	
DHsGV100	DHsGV1000353													
DHsGV100	DHsGV1000208									26	28	1.07	0.09	
DHsGV100	DHsGV1000019													
DHsGV100	DHsGV1000245									48	42	0.86	-0.21	
DHsGV100	DHsGV1000028									5	8	1.44	0.53	
DHsGV100	DHsGV1000172										5			
DHsGV100	DHsGV1000088										6			
DHsGV100	DHsGV1000185	ENSG0000	NR_026880	84815	MGC12916	uncharacte				7	13	1.96	0.97	
CHsGV100	CHsGV1000262	ENSG0000	NM_203424	389123	IQCF2	IQ motif co		GO:000551		6	9	1.48	0.57	
DHsGV100	DHsGV1000477	ENSG0000	NR_036498	388906	OGFRP1	opioid grow								
AHsV1000	AHsV10000565	ENSG0000	NM_001164	375248	ANKRD36	ankyrin rep					3			
AHsV1000	AHsV10000324	ENSG0000	XM_011524	374786	EFCAB5	EF-hand ca		GO:000550						
H30000989	H300009893	ENSG0000	NM_001080	4641	MYO1C	myosin IC	GO:000660	GO:000377	GO:000172	46	46	1.00	0.00	
DHsGV100	DHsGV1000306									33	32	0.97	-0.04	
DHsGV100	DHsGV1000253													
DHsGV100	DHsGV1000337	ENSG0000	NM_001308	271	AMPD2	adenosine	GO:000614	GO:000387	GO:000557	448	389	0.87	-0.20	
DHsGV100	DHsGV1000043	ENSG0000	NR_038352	167227	DCP2	decapping	GO:000018	GO:000372	GO:0000932	cytoplasm	9			
DHsGV100	DHsGV1000095									5	10	1.74	0.80	
DHsGV100	DHsGV1000015													
DHsGV100	DHsGV1000295									5	9	1.88	0.91	
DHsGV100	DHsGV1000303										3			
DHsGV100	DHsGV1000066										188	170	0.90	-0.15
DHsGV100	DHsGV1000105										7			
DHsGV100	DHsGV1000337	ENSG0000	NR_110295	100129203	LOC10012	uncharacte				38	37	0.99	-0.02	
DHsGV100	DHsGV1000208	ENSG0000	XM_011521	23348	DOCK9	dedicator d	GO:000726	GO:000508	GO:0005829	cytosol,GO	11			
DHsGV100	DHsGV1000455									24	20	0.84	-0.26	
DHsGV100	DHsGV1000050										6			
DHsGV100	DHsGV1000057									8	12	1.57	0.65	
DHsGV100	DHsGV1000064	ENSG0000		100652736	LINC01311	long interge				124	94	0.76	-0.40	
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	NM_001145	100132994	CXorf49B	chromosom				17	20	1.19	0.25	
DHsGV100	DHsGV1000306									17	22	1.32	0.41	
H30000398	H300003989	ENSG0000	NM_000992	6159	RPL29	ribosomal p	GO:000018	GO:000372	GO:000582	12350	11599	0.94	-0.09	
DHsGV100	DHsGV1000053									15	16	1.06	0.09	
DHsGV100	DHsGV1000106	ENSG0000			AC009487					6	10	1.81	0.86	
CHsGV100	CHsGV1000260	ENSG0000	NM_207397	388611	CD164L2	CD164 mol			GO:001602	20	18	0.93	-0.11	
AHsV1000	AHsV10000165	ENSG0000	NM_001258	388389	CCDC103	coiled-coil	GO:000194	GO:000551	GO:0005737	cytoplasm	6			
H20000874	H200008748		NM_181985	353514	LILRA5	leukocyte i	GO:004508		GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in			
CHsGV100	CHsGV1000333													
H20000139	H200001398	ENSG0000	NM_001167	23592	LEMD3	LEM domai	GO:000204	GO:000016	GO:000563	269	246	0.91	-0.13	
DHsGV100	DHsGV1000255													
DHsGV100	DHsGV1000013	ENSG0000			AC007364					33	29	0.87	-0.20	
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_006717	26985	AP3M1	adaptor rel	GO:000662	GO:000551	GO:000576	249	242	0.97	-0.05	
DHsGV100	DHsGV1000243									8	13	1.74	0.80	
DHsGV100	DHsGV1000216		NM_031310	83483	PLVAP	plasmalemr	GO:000016	GO:000551	GO:000590	141	147	1.04	0.06	
DHsGV100	DHsGV1000110		NG_042820	55130	ARMC4	armadillo re	GO:000334		GO:0005634	nucleus,GO:0005654	nucleoplasm			
DHsTV100	DHsTV1000006									6	10	1.59	0.67	
DHsGV100	DHsGV1000238									32	30	0.94	-0.08	
DHsGV100	DHsGV10000562									29	29	0.99	-0.01	
DHsGV100	DHsGV1000463	ENSG0000			RP3-512E2						8			
DHsGV100	DHsGV1000065	ENSG0000			RP11-340I					7	15	2.20	1.14	
AHsV1000	AHsV10002129	ENSG0000	NM_001137	100128927	ZBTB42	zinc finger	GO:000012	GO:000367	GO:0005634	nucleus,GO	15			
DHsGV100	DHsGV1000018		NM_001313	3485	IGFBP2	insulin like	GO:000155	GO:000510	GO:000557	22	21	0.97	-0.05	
DHsGV100	DHsGV1000029	ENSG0000		100312775	VN1R20P	vomeronas					7			
DHsGV100	DHsGV10000575										7			
DHsGV100	DHsGV1000171		NG_012187	153	ADRB1	adrenocept	GO:000165	GO:000493	GO:0005769	early endo	4			

DHsGV100	DHsGV1000351	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	5				
DHsGV100	DHsGV1000462	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	14	17	1.16	0.21	
AHsV1000	AHsV10000252	-	NG_029185	25902	MTHFD1L	methylene	GO:000184	GO:000432	GO:0005739	mitochond	7					
opHsV0400	opHsV0400008	ENSG0000	XM_011518	138307	LCN8	lipocalin 8	GO:000681	-	GO:0005576	extracellu	4					
DHsGV100	DHsGV1000305	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	4				
CHsGV100	CHsGV1000097	ENSG0000	NM_001029	387849	REP15	RAB15 effe	GO:000188	GO:000551	GO:0010008	endosome	9					
CHsGV100	CHsGV100039	ENSG0000	XM_005266	387496	RASL11A	RAS like fa	GO:000635	GO:000552	GO:0005730	nucleolus	10					
DHsGV100	DHsGV1000498	ENSG0000	XM_011523	348262	FAM195B	family with	GO:001071	GO:000551	GO:000563	86	124	1.44	0.53			
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	NM_001271	347541	MAGEB5	MAGE fami	GO:000815	GO:000367	GO:0005575	cellular component						
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001303	11187	PKP3	plakophilin	GO:000215	GO:004529	GO:000563	216	152	0.71	-0.50			
DHsGV100	DHsGV1000240	-	NR_046266	374403	TBC1D10C	TBC1 doma	GO:004214	GO:000509	GO:000562	5	12	2.73	1.45			
DHsGV100	DHsGV1000189	ENSG0000	XR_922152	105371446	LOC10537	uncharacte	-	-	-	-	4					
DHsGV100	DHsGV1000175	-	-	-	-	-	-	-	-	-	142	90	0.64	-0.65		
DHsGV100	DHsGV1000021	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-			
DHsGV100	DHsGV1000313	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	10				
AHsV1000	AHsV10001179	ENSG0000	NM_003615	9497	SLC4A7	solute carr	GO:000681	GO:000545	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021 in						
DHsGV100	DHsGV1000027	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-			
DHsGV100	DHsGV1000022	ENSG0000	-	-	RP11-144F	-	-	-	-	-	-	-	-			
DHsGV100	DHsGV1000575	-	NG_011688	2690	GHR	growth hor	GO:000018	GO:000489	GO:000557	11	13	1.14	0.19			
DHsGV100	DHsGV1000258	ENSG0000	NM_001195	100129520	TEX13C	TEX13 fam	-	-	-	6	9	1.44	0.53			
DHsGV100	DHsGV1000103	ENSG0000	-	100128827	FRG2FP	FSHD regic	-	-	-	21	23	1.09	0.13			
DHsGV100	DHsGV1000290	ENSG0000	NR_040082	100128714	LOC10012	uncharacte	-	-	-	9	13	1.45	0.53			
DHsGV100	DHsGV1000021	-	XR_429486	102723564	LOC10272	uncharacte	-	-	-	-	11					
DHsGV100	DHsGV1000126	-	-	-	-	-	-	-	-	-	4	9	2.27	1.18		
DHsGV100	DHsGV1000068	ENSG0000	XM_005277	51463	GPR89B	G protein-c	GO:000681	GO:000524	GO:0000139	Golgi men	9					
DHsGV100	DHsGV1000410	ENSG0000	-	-	RP11-615I	-	-	-	-	-	11	15	1.40	0.48		
DHsGV100	DHsGV1000235	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-			
DHsGV100	DHsGV1000496	ENSG0000	XM_011519	9414	TJP2	tight juncti	GO:000691	GO:000438	GO:0005654	nucleopla	9					
DHsGV100	DHsGV1000140	ENSG0000	NG_034149	101928243	DARS-AS1	DARS anti	-	-	-	-	10					
DHsGV100	DHsGV1000511	ENSG0000	NR_037631	100288911	LOC10028	uncharacte	-	-	-	-	-	-	-			
DHsGV100	DHsGV1000165	-	-	-	-	-	-	-	-	-	8	14	1.61	0.68		
AHsV1000	AHsV10002690	ENSG0000	XM_011538	386653	IL31	interleukin	GO:000237	GO:000512	GO:0005615	extracellular space						
AHsV1000	AHsV10003407	ENSG0000	NM_001318	375757	SWI5	SWI5 homo	GO:000072	GO:000551	GO:000563	983	944	0.96	-0.06			
H30000295	H300002957	ENSG0000	XM_011516	346653	FAM71F2	family with	-	-	GO:000563	27	28	1.07	0.10			
AHsV1000	AHsV10003421	ENSG0000	NM_001137	344787	ZNF860	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus						
H20000850	H200008503	ENSG0000	XM_011522	84231	TRAF7	TNF recept	GO:000012	GO:000484	GO:000015	139	207	1.48	0.57			
H30001522	H300015222	ENSG0000	XR_944528	29951	PDZRN4	PDZ domai	GO:001656	GO:000484	-	5	13	2.72	1.44			
H20001530	H200015305	ENSG0000	NM_006664	10850	CCL27	C-C motif	GO:000693	GO:000800	GO:0005576	extracellu	9					
H20001461	H200014619	ENSG0000	NM_000371	7276	TTR	transthyret	GO:000152	GO:000517	GO:0005576	extracellu	4					
H20001527	H200015272	-	NM_030753	7473	WNT3	wingless-ty	GO:000090	GO:000510	GO:000557	94	79	0.84	-0.26			
H20001690	H200016905	ENSG0000	NM_016519	258	AMBN	ameloblasti	GO:000715	GO:000808	GO:000557	15	18	1.19	0.25			
H30000290	H300002902	ENSG0000	NM_001142	23439	ATP1B4	ATPase Na	GO:000635	GO:001507	GO:0000785	chromatin	4					
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_001130	11086	ADAM29	ADAM met	GO:000650	GO:000422	GO:0005887	integral component of plasma me						
H20001272	H200012721	-	NR_135201	8749	ADAM18	ADAM met	GO:000650	GO:000422	GO:0016020	membrane	3					
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_003641	8519	IFITM1	interferon i	GO:000150	GO:000505	GO:000562	14149	8707	0.62	-0.70			
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_011542	4978	OPCML	opioid bindi	GO:000715	-	GO:0005886	plasma m	3					
H30001983	H300019834	ENSG0000	NM_001198	100526664	LY75-CD3	LY75-CD3	-	-	-	-	-	-	-			
H20001072	H200010723	ENSG0000	XM_006721	930	CD19	CD19 mole	GO:000696	GO:000505	GO:000562	15	16	1.03	0.04			
H20000995	H200009959	ENSG0000	NM_014447	27236	ARFIP1	ADP riboso	GO:000688	GO:001990	GO:000013	152	195	1.28	0.35			
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NR_102427	10519	CIB1	calcium an	GO:000152	GO:000550	GO:000563	1242	759	0.61	-0.71			
H30000298	H300002989	ENSG0000	NM_177986	147409	DSG4	desmoglein	GO:000194	GO:000550	GO:0005886	plasma m	4					
H30000830	H300008307	ENSG0000	XM_011536	122509	IFI27L1	interferon,	-	-	GO:001602	352	315	0.89	-0.16			
H20001325	H200013253	ENSG0000	NM_020335	57216	VANGL2	VANGL pla	GO:000173	GO:000551	GO:000172	26	35	1.33	0.42			
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011518	56262	LRR8A	leucine-ric	GO:000232	GO:000522	GO:000588	98	77	0.79	-0.34			
H30002208	H300022084	ENSG0000	NM_001185	358	AQP1	aquaporin 1	GO:000309	GO:000522	GO:0005634	nucleus,G	8					
H20000014	H200000146	ENSG0000	XM_011523	218	ALDH3A1	aldehyde d	GO:000166	GO:000402	GO:0005615	extracellu	5					
DHsGV100	DHsGV1000169	-	-	-	-	-	-	-	-	-	38	39	1.02	0.03		
DHsGV100	DHsGV1000001	-	-	-	-	-	-	-	-	-	64	51	0.79	-0.34		
DHsGV100	DHsGV1000460	-	-	-	-	-	-	-	-	-	5	9	1.85	0.89		
DHsGV100	DHsGV1000476	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-			
DHsGV100	DHsGV1000088	-	-	-	-	-	-	-	-	-	43	48	1.12	0.16		
H30001816	H300018163	ENSG0000	XM_005270	6468	FBXW4	F-box and	GO:000205	GO:000367	GO:000015	37	45	1.20	0.27			
H20001105	H200011050	ENSG0000	XM_005256	7014	TERF2	telomeric r	GO:000072	GO:000369	GO:000078	67	66	0.99	-0.01			
H30001831	H300018312	ENSG0000	NM_001243	5553	PRG2	proteoglyca	GO:000221	GO:000820	GO:000557	10	51	5.27	2.40			
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_011538	4753	NELL2	neural EGF	GO:004000	GO:000508	GO:0005615	extracellu	3					
H20000753	H200007538	ENSG0000	NM_006786	10911	UTS2	urotensin 2	GO:000166	GO:000510	GO:0005576	extracellu	7					
H20001309	H200013090	ENSG0000	NM_003061	6585	SLIT1	slit guidanc	GO:000741	GO:000550	GO:000557	20	19	0.94	-0.09			
H20001530	H200015304	ENSG0000	NM_006656	10825	NEU3	neuraminid	GO:000597	GO:000430	GO:000573	7	21	2.91	1.54			
H20000920	H200009202	ENSG0000	NM_006368	10488	CREB3	cAMP resp	GO:000155	GO:000097	GO:000013	126	122	0.97	-0.05			
H20000590	H200005901	ENSG0000	XM_011545	7783	ZP2	zona pelluc	GO:000682	GO:001502	GO:000557	57	55	0.97	-0.05			
H20000660	H200006606	ENSG0000	NR_024048	6901	TAZ	tafazzin	GO:000664	GO:004718	GO:000563	155	145	0.94	-0.10			
H30001237	H300012374	-	NM_153443	115653	KIR3DL3	killer cell in	-	-	GO:000588	160	90	0.57	-0.82			
H20002061	H200020619	ENSG0000	NM_205833	3547	IGSF1	immunoglob	GO:000635	GO:000487	GO:0005576	extracellu	9					
H20000219	H200002192	ENSG0000	NM_138633	9465	AKAP7	A-kinase a	GO:000150	GO:000016	GO:000562	23	35	1.52	0.61			
H20001610	H200016101	ENSG0000	NM_005422	7007	TECTA	tectorin alp	GO:000716	-	GO:000557	17	20	1.17	0.22			
H20000016	H200000167	ENSG0000	NM_002187	3593	IL12B	interleukin	GO:000191	GO:000489	GO:0005615	extracellu	11					
H30000375	H300003759	ENSG0000	NM_001184	114836	SLAMF6	SLAM fami	GO:003272	GO:000551	GO:0005886	plasma m	45					
H30001725	H300017257	ENSG0000	NM_033102	85414	SLC45A3	solute carr	GO:005508	-	GO:001602	9	16	1.71	0.78			
H30000556	H300005562	ENSG0000	XM_011521	54852	PAQR5	progestin a	GO:000727	GO:000370	GO:000588	35	37	1.07	0.09			
H20000400	H200004000	ENSG0000	NM_016462	51522	TMEM14C	transmemb	GO:000678	GO:000551	GO:001602	5506	3905	0.71	-0.50			
H30000693	H300006937	ENSG0000	-	389866	SERPBP1P1	SERPINE1	-	-	-	1821	1697	0.93	-0.10			
H30001978	H300019786	ENSG0000	XM_011517	48	ACO1	aconitase 1	GO:000609	GO:000372	GO:000573	104	109	1.05	0.07			
DHsGV100	DHsGV1000494	-	-	-	-	-	-	-	-	-	35	32	0.93	-0.10		
DHsGV100	DHsGV1000127	-	-	-	-	-	-	-	-	-	42	34	0.82	-0.29		
DHsGV100	DHsGV1000391	-	-	-	-	-										

opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_002171	3446	IFNA10	interferon,	GO:000225	GO:000512	GO:000557	4	9	2.41	1.27		
H20001743	H200017430	ENSG0000	NM_016204	2658	GDF2	growth diff	GO:000150	GO:000512	GO:000561	13	17	1.28	0.35		
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_000596	3484	IGFBP1	insulin like	GO:000716	GO:000510	GO:000557	24	31	1.30	0.37		
H20001182	H200011822	ENSG0000	NM_000479	268	AMH	anti-Muller	GO:000154	GO:000510	GO:000557	279	350	1.26	0.33		
H30001847	H300018477	ENSG0000	NM_001195	10076	PTPRU	protein tyr	GO:000647	GO:000472	GO:0005886	plasma m	6				
H20000526	H200005268	ENSG0000	NM_001314	9816	URB2	URB2 ribos	-	-	GO:000573	191	132	0.69	-0.54		
H20002013	H200020137	ENSG0000	XM_006716	6575	SLC20A2	solute carr	GO:000681	GO:000161	GO:000588	103	86	0.83	-0.26		
H30000551	H300005516	ENSG0000	NM_014228	6534	SLC6A7	solute carr	GO:000681	GO:000532	GO:0005886	plasma m	11				
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_004488	2814	GP5	glycoprotei	GO:000715	GO:000551	GO:0005886	plasma m	9				
H20000829	H200008296	-	XM_011544	2515	ADAM2	ADAM met	GO:000650	GO:000422	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005887	in				
H30002073	H300020734	ENSG0000	NM_001025	7307	U2AF1	U2 small nu	GO:000039	GO:000016	GO:000565	11452	9166	0.80	-0.32		
H20000626	H200006261	ENSG0000	NM_001633	259	AMBP	alpha-1-mi	GO:000689	GO:000486	GO:000557	19	22	1.15	0.20		
H30000800	H300008009	ENSG0000	XM_011544	341116	MS4A10	membrane	-	-	GO:001602	229	160	0.70	-0.51		
H20001808	H200018080	ENSG0000	XM_011540	83401	ELOVL3	ELOVL fatt	GO:000663	GO:000551	GO:000578	10	11	1.15	0.21		
H20000816	H200008162	ENSG0000	NM_001282	80332	ADAM33	ADAM met	GO:000650	GO:000422	GO:001602	98	89	0.91	-0.13		
H20001691	H200016912	ENSG0000	NM_015725	50700	RDH8	retinol deh	GO:000152	GO:000430	GO:0005737	cytoplasm	10				
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011520	29850	TRPM5	transient re	GO:003422	GO:000521	GO:000588	39	35	0.91	-0.14		
H30000067	H300000673	ENSG0000	-	643751	CDC42P6	cell divisio	-	-	-	1415	1436	1.01	0.02		
H30000221	H300002210	ENSG0000	NM_014805	9852	EPM2AIP1	EPM2A (laf	GO:003286	GO:000551	GO:000563	259	320	1.24	0.31		
DHsGV100	DHsGV100041	-	-	-	-	-	-	-	-	56	54	0.96	-0.06		
DHsGV100	DHsGV100053	-	-	-	-	-	-	-	-	5	8	1.79	0.84		
DHsGV100	DHsGV100027	-	-	-	-	-	-	-	-		6				
DHsGV100	DHsGV100056	-	-	-	-	-	-	-	-		4				
DHsGV100	DHsGV100042	-	-	-	-	-	-	-	-		3				
H20001919	H200019196	-	NM_030642	80831	APOL5	apolipoprot	GO:000662	GO:000803	GO:000557	20	22	1.10	0.13		
H20001284	H200012840	ENSG0000	XM_006716	51050	PI15	peptidase i	GO:000815	GO:003041	GO:007006	4	7	1.77	0.82		
H30000172	H300001724	ENSG0000	NM_001643	336	APOA2	apolipoprot	GO:000152	GO:000531	GO:000557	11	14	1.32	0.41		
H20000753	H200007530	ENSG0000	XM_011542	64066	MMP27	matrix met	GO:000650	GO:000422	GO:0031012	extracellu	3				
H20001288	H200012885	ENSG0000	NM_198274	150572	SMYD1	SET and M	GO:000633	GO:000367	GO:000563	23	31	1.35	0.44		
H30001933	H300019337	ENSG0000	NM_001142	85329	LGALS12	lectin, gal	GO:004559	GO:003039	GO:000563	65	65	1.01	0.01		
H30002025	H300020259	ENSG0000	NM_194322	9381	OTOF	otoflerin	GO:000760	GO:000367	GO:000578	17	20	1.17	0.23		
H20001611	H200016118	ENSG0000	NM_005092	8995	TNFSF18	tumor necr	GO:000225	GO:000510	GO:0005615	extracellular space,GO:0005886	g				
H30001696	H300016961	ENSG0000	XM_005251	6482	ST3GAL1	ST3 beta-g	GO:000157	GO:000383	GO:0000139	Golgi men	19				
H20001037	H200010373	ENSG0000	NM_001199	5798	PTPRN	protein tyr	GO:000030	GO:000472	GO:000576	13	16	1.22	0.29		
H20001797	H200017970	ENSG0000	XR_931610	1638	DCT	dopachrom	GO:000205	GO:000416	GO:000582	6	13	2.18	1.12		
H20001334	H200013340	ENSG0000	NM_001171	1181	CLCN2	chloride vo	GO:000681	GO:000524	GO:000588	18	17	0.97	-0.04		
H20000575	H200005752	ENSG0000	NM_001297	2784	GNB3	guanine nu	GO:000611	GO:000392	GO:000588	80	77	0.96	-0.06		
H30000506	H300005068	ENSG0000	XM_006715	261729	STEAP2	STEAP2 m	GO:000689	GO:000521	GO:0005769	early end	13				
H20001294	H200012946	ENSG0000	XM_011515	168391	GALNTL5	polypeptide	GO:000648	GO:001675	GO:001602	13	15	1.11	0.16		
H20000986	H200009860	ENSG0000	NR_046020	64699	TMPRSS3	transmemb	GO:000650	GO:000425	GO:0005783	endoplasm	7				
H30000471	H300004713	ENSG0000	NM_022077	63905	MANBAL	mannosidas	-	GO:000551	GO:001602	399	344	0.86	-0.21		
H20001735	H200017359	-	-	-	-	-	-	-	-	26	28	1.07	0.10		
H30001635	H300016352	ENSG0000	NM_001289	23765	IL17RA	interleukin	GO:000716	GO:000510	GO:000557	31	40	1.28	0.35		
H20000366	H200003666	ENSG0000	NM_001089	21	ABCA3	ATP bindin	GO:000681	GO:000521	GO:000561	20	40	1.98	0.99		
DHsGV100	DHsGV100032	-	-	-	-	-	-	-	-						
DHsGV100	DHsGV100011	-	-	-	-	-	-	-	-						
DHsGV100	DHsGV100040	ENSG0000	XM_006716	9747	TCAF1	TRPM8 cha	GO:000681	GO:000551	GO:000588	74	95	1.28	0.35		
DHsGV100	DHsGV100033	-	NG_017069	78987	CRELD1	cysteine ric	GO:000319	GO:000550	GO:001602	31	26	0.83	-0.26		
DHsGV100	DHsGV100005	-	-	-	-	-	-	-	-	54	49	0.91	-0.13		
AHsV10000	AHsV10000943	ENSG0000	NM_000550	7306	TYRP1	tyrosinase	GO:003031	GO:000550	GO:0010008	endosome membrane,GO:001602					
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_001313	7037	TFRC	transferrin	GO:000155	GO:000161	GO:000557	10773	8686	0.81	-0.31		
H30001892	H300018925	ENSG0000	XM_011509	10903	MTMR11	myotubular	-	-	GO:007006	9	12	1.42	0.51		
H30001965	H300019657	ENSG0000	XR_927552	9690	UBE3C	ubiquitin pr	GO:000020	GO:000484	GO:000050	105	84	0.80	-0.33		
H20001331	H200013313	ENSG0000	NM_138352	90378	SAMD1	sterile alph	-	-	GO:000557	48	47	0.98	-0.03		
H20001980	H200019809	ENSG0000	XR_934595	91608	RASL10B	RAS like fa	GO:000305	GO:000552	GO:0005622	intracellul	3				
H20000334	H200003344	ENSG0000	NM_001009	57471	ERMLN	ermin	GO:000176	GO:005101	GO:0005737	cytoplasm	7				
H20000537	H200005377	ENSG0000	XM_005249	79020	C7orf25	chromosom	-	GO:000551	-	109	110	1.01	0.01		
H20001621	H200016214	ENSG0000	XM_005257	5914	RARA	retinoic aci	GO:000012	GO:000090	GO:000079	262	198	0.76	-0.40		
H30001912	H300019125	ENSG0000	XR_934561	79990	PLEKHH3	pleckstrin h	GO:000716	-	GO:000561	26	27	1.01	0.02		
H20001476	H200014769	ENSG0000	NM_024059	79025	C20orf195	chromosom	-	GO:000551	GO:007006	29	25	0.85	-0.23		
H20001322	H200013225	ENSG0000	NM_005320	3007	HIST1H1D	histone clu	GO:000012	GO:003149	GO:000078	49	28	0.58	-0.79		
H20000084	H200000841	ENSG0000	XM_011523	4597	MVD	mevalonat	GO:000648	GO:000416	GO:000577	259	236	0.91	-0.13		
H30000760	H300007608	ENSG0000	NM_005362	4102	MAGEA3	MAGE fami	GO:001095	GO:000551	GO:000578	2000	1549	0.77	-0.37		
H20001333	H200013339	ENSG0000	XM_006721	79831	KDM8	lysine dem	GO:000008	GO:000368	GO:0005634	nucleus	9				
H20001939	H200019396	-	NM_145201	93100	NAPRT	nicotinate	GO:000676	GO:000451	GO:000563	148	126	0.85	-0.23		
H20000320	H200003208	ENSG0000	NM_001282	158763	ARHGAP36	Rho GTPas	GO:000726	GO:000509	GO:0005829	cytosol					
H20001993	H200019934	ENSG0000	NM_001122	79573	TTC13	tetratricop	-	-	-	95	119	1.25	0.32		
H30001288	H300012882	ENSG0000	XM_005251	64089	SNX16	sorting nex	GO:000662	GO:003509	GO:000576	12	13	1.08	0.12		
H30000865	H300008653	ENSG0000	NR_033670	54470	ARMCX6	armadillo re	-	-	GO:001602	198	171	0.87	-0.21		
H30001996	H300019967	ENSG0000	NM_016107	51663	ZFR	zinc finger	GO:000727	GO:000367	GO:000565	220	263	1.19	0.25		
H20001352	H200013521	ENSG0000	NM_014314	23586	DDX58	DEXD/H-b	GO:000223	GO:000369	GO:000573	14	23	1.67	0.74		
H30001972	H300019725	ENSG0000	NM_001098	23373	CRTC1	CREB regu	GO:000635	GO:000551	GO:000563	12	17	1.46	0.54		
H30000648	H300006486	ENSG0000	NM_003907	8893	EIF2B5	eukaryotic	GO:000154	GO:000374	GO:000563	802	598	0.75	-0.42		
H20000655	H200006554	ENSG0000	NM_006767	8216	LZTR1	leucine-zip	GO:000635	GO:000370	GO:000579	110	146	1.33	0.41		
H20001294	H200012945	ENSG0000	NM_033328	93661	CAPZA3	capping act	GO:000728	GO:000377	GO:000166	20	21	1.04	0.06		
H30001850	H300018508	ENSG0000	XR_944532	32	ACACB	acetyl-CoA	GO:000608	GO:000398	GO:000563	25	25	1.00	0.01		
H30000731	H300007318	ENSG0000	NM_001114	25791	NGEF	neuronal gu	GO:000726	GO:000508	GO:000582	90	83	0.92	-0.13		
H30002002	H300020020	ENSG0000	XM_011515	23072	HECW1	HECT, C2	GO:004278	GO:000484	GO:000582	157	127	0.81	-0.30		
H20000311	H200003117	ENSG0000	NR_122036	85026	ARRDC1-A	ARRDC1 al	-	-	-	186	176	0.95	-0.08		
H20000950	H200009507	ENSG0000	NM_022566	59274	MESDC1	mesoderm	-	-	-	112	93	0.83	-0.27		
H20001346	H200013466	ENSG0000	XM_006719	84915	FAM222A	family with	-	-	-						
H20000667	H200006673	ENSG0000	NM_002245	3775	KCNK1	potassium	GO:000681	GO:000524	GO:000588	103	70	0.68	-0.55		
H20000425	H200004253	ENSG0000	XM_011535	25821	MTO1	mitochondr	GO:000803	GO:001649	GO:000573	516	614	1.19	0.25		
H20001878	H200018784	ENSG0000	NM_080621	140700	SAMD10	sterile alph	-	-	-		4				
H20000526	H200005260	ENSG0000	XM_011516	23639	LRRC6	leucine ric	GO:000334	GO:000367	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005929	cilium				
H20002004	H200020046	ENSG0000	NM_058165	116255	MOGAT1	monoacylg	GO:000607	GO:000384	GO:000578	6	10	1.70			

H20001524	H200015240	ENSG0000	NR_049780	116412	ZNF837	zinc finger	GO:000635	GO:000097	GO:000563	351	234	0.67	-0.59
H20000824	H200008243	ENSG0000	XM_005249	221806	VWDE	von Willebr	-	-	GO:000557	233	204	0.87	-0.20
H20001332	H200013320	ENSG0000	NM_012135	26240	FAM50B	family with	-	GO:000551	GO:0005634 nucleus	7			
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_020932	57692	MAGEE1	MAGE fami	GO:000815	GO:000551	GO:0005634 nucleus,G	9			
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_020672	57402	S100A14	S100 calciu	GO:000691	GO:000550	GO:000565	53	43	0.81	-0.31
H20001266	H200012661	ENSG0000	NR_033716	51375	SNX7	sorting nex	GO:000689	GO:000551	GO:000576	35	37	1.06	0.08
H30002080	H300020805	ENSG0000	NM_001145	51005	AMDHD2	amidohydro	GO:000597	GO:000551	GO:000563	106	85	0.80	-0.32
H30001883	H300018837	-	XM_011520	23085	ERC1	ELKS/RAB	GO:000635	GO:000551	GO:000013	35	41	1.16	0.22
H20001553	H200015535	ENSG0000	XM_011537	11153	FICD	FIC domain	GO:001811	GO:000552	GO:001602	6	15	2.61	1.38
H30000901	H300009015	ENSG0000	NM_004179	7166	TPH1	tryptophan	GO:000762	GO:000451	GO:000582	8	14	1.85	0.89
H20000587	H200005873	ENSG0000	XM_011542	6886	TAL1	T-cell acut	GO:000012	GO:000097	GO:000011	1448	1000	0.69	-0.53
H30000552	H300005527	ENSG0000	NM_006687	10881	ACTL7A	actin like 7	-	GO:000520	GO:000167	14	20	1.40	0.48
H30002211	H300022116	ENSG0000	XM_006719	55605	KIF21A	kinesin fam	GO:000701	GO:000377	GO:000573	228	246	1.08	0.11
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NR_027297	9454	HOMER3	homer scaf	GO:000660	GO:000551	GO:000557	4	13	3.15	1.66
H20000674	H200006747	ENSG0000	NM_005527	3305	HSPA1L	heat shock	GO:000698	GO:000551	GO:000219	37	35	0.94	-0.09
H20001781	H200017817	ENSG0000	NM_198856	64800	EFCAB6	EF-hand ca	GO:000635	GO:000550	GO:0005634 nucleus	3			
H20001080	H200010808	ENSG0000	NM_032149	84103	C4orf17	chromosom	-	-	-		11		
H20001209	H200012093	ENSG0000	NM_016216	51163	DBR1	debranchin	GO:000037	GO:000841	GO:000563	156	127	0.81	-0.30
H30001095	H300010957	ENSG0000	XR_927350	114049	WBSR22	Williams Be	GO:000635	GO:000816	GO:000557	62	45	0.73	-0.46
H20000935	H200009354	ENSG0000	XM_006717	80195	TMEM254	transmemb	-	-	GO:001602	18	37	1.99	0.99
H20001243	H200012430	ENSG0000	NM_002148	3236	HOXD10	homeobox	GO:000635	GO:000368	GO:0005634 nucleus	3			
H20001030	H200010302	ENSG0000	NM_001297	84286	TMEM175	transmemb	GO:003575	GO:002284	GO:000576	73	81	1.12	0.16
H30000844	H300008445	ENSG0000	NR_073545	5867	RAB4A	RAB4A, me	GO:000726	GO:000167	GO:000576	10	13	1.28	0.36
H20001149	H200011496	ENSG0000	NM_030934	81627	TRMT1L	tRNA meth	GO:000294	GO:000004	GO:000563	88	132	1.49	0.58
H30000657	H300006572	ENSG0000	NM_004947	1795	DOCK3	dedicator o	GO:000726	GO:000508	GO:000573	6	11	1.87	0.90
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_001285	1050	CEBPA	CCAAT/en	GO:000005	GO:000097	GO:0005634 nucleus,G	10			
H20001144	H200011445	ENSG0000	NM_001319	90488	TMEM263	transmemb	-	-	GO:001602	269	284	1.06	0.08
H20001635	H200016353	ENSG0000	NM_138345	90113	VWA5B2	von Willebr	-	-	-	13	17	1.29	0.37
H20000318	H200003186	ENSG0000	NM_031445	83607	AMMECR1	AMMECR1	-	-	-	207	204	0.99	-0.02
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_020144	56903	PAPOLB	poly(A) pol	GO:000637	GO:000372	GO:000563	8	16	2.17	1.12
H20001656	H200016561	ENSG0000	XM_011517	55824	PAG1	phosphopr	GO:000225	GO:000507	GO:0005622 intracellul	14			
H20002042	H200020421	ENSG0000	NM_178238	29990	PILRB	paired imm	GO:000716	GO:000551	GO:000588	431	524	1.22	0.28
H30002170	H300021704	ENSG0000	NM_015703	27341	RRP7A	ribosomal F	GO:000002	GO:000016	GO:000573	280	199	0.71	-0.49
H20001209	H200012099	ENSG0000	NM_006420	10564	ADP ribosy	ADP ribosy	GO:000188	GO:000508	GO:000013	56	66	1.17	0.22
H20001234	H200012345	ENSG0000	NM_005492	10047	CST8	cystatin 8	GO:001095	GO:000486	GO:000557	20	23	1.18	0.23
H20001630	H200016306	ENSG0000	NM_006269	6101	RP1	retinitis pig	GO:000760	GO:000551	GO:000175	11	18	1.61	0.69
H20001046	H200010462	ENSG0000	NM_002871	5877	RABIF	RAB intera	GO:000726	GO:000508	GO:000562	86	100	1.16	0.21
H30001526	H300015268	ENSG0000	NM_004321	547	KIF1A	kinesin fam	GO:000808	GO:000377	GO:000573	74	70	0.95	-0.08
H20001457	H200014577	ENSG0000	XM_011515	223117	SEMA3D	semaphorin	GO:000175	GO:003021	GO:000561	8	10	1.28	0.36
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_001258	9497	SLC4A7	solute carr	GO:000681	GO:000545	GO:000588	32	42	1.29	0.37
H20001026	H200010262	ENSG0000	NM_017442	54106	TLR9	toll like rec	GO:000222	GO:000488	GO:0000139 Golgi men	5			
H20001445	H200014454	ENSG0000	NM_004646	4868	NPHS1	NPHS1 nep	GO:000715	GO:000551	GO:000562	6	6	0.98	-0.03
H20001295	H200012958	ENSG0000	XM_006718	55298	RNF121	ring finger	GO:001656	GO:000827	GO:000013	115	113	0.98	-0.02
H20000364	H200003642	ENSG0000	NM_014809	9856	KIAA0319	KIAA0319	GO:000176	GO:000551	GO:0005769 early endo	4			
H20000923	H200009231	ENSG0000	NM_025077	114034	TOE1	target of E	GO:009050	GO:000017	GO:000563	391	336	0.86	-0.22
H20000582	H200005828	ENSG0000	XM_011524	10693	CCT6B	chaperonin	GO:000645	GO:000552	GO:0005737 cytoplasm	18			
H20000720	H200007203	ENSG0000	NM_001139	117154	DACH2	dachshund	GO:000635	GO:000367	GO:0005634 nucleus	6	11	1.89	0.92
H20001806	H200018068	ENSG0000	NR_002781	128854	TSPY26P	testis spec	GO:000633	-	GO:000563				
H20000984	H200009843	ENSG0000	NM_022464	64374	SIL1	SIL1 nucle	GO:000645	GO:000551	GO:000561	266	334	1.25	0.33
H20001905	H200019056	ENSG0000	NM_032412	84418	CYSTM1	cysteine ric	GO:000815	GO:000367	GO:001602	946	683	0.72	-0.47
H20000653	H200006539	ENSG0000	XM_005269	310	ANXA7	annexin A7	GO:000687	GO:000517	GO:000563	2420	2571	1.06	0.09
H30000693	H300006938	ENSG0000	NM_001258	166655	TRIM60	tripartite m	-	GO:000827	GO:000562	11	18	1.67	0.74
H20001566	H200015663	ENSG0000	XM_011539	22984	PCDD11	programme	GO:000636	GO:000372	GO:000563	443	350	0.79	-0.34
H20001257	H200012574	ENSG0000	NM_001136	79805	VASH2	vasohibin 2	GO:000193	-	GO:0005576 extracellu	5			
H20001463	H200014633	ENSG0000	NM_032884	84970	C1orf94	chromosom	-	GO:000551	-	4	7	1.96	0.97
H20000305	H200003052	ENSG0000	NM_018710	55529	TMEM55A	transmemb	GO:004685	GO:003459	GO:000576	97	105	1.09	0.13
H20000253	H200002535	ENSG0000	NM_018034	55100	WDR70	WD repeat	-	GO:001989	-	369	417	1.13	0.18
H20000876	H200008761	ENSG0000	NM_018438	26270	FBXO6	F-box prot	GO:000007	GO:000194	GO:000573	190	172	0.90	-0.15
H20000115	H200001152	ENSG0000	XR_429310	26094	DCAF4	DDB1 and	GO:001656	-	GO:008000	124	108	0.87	-0.20
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	-	9623	TCL1B	T-cell leuk	-	-	-	29	31	1.09	0.12
H20001466	H200014666	ENSG0000	NM_004782	9342	SNAP29	synaptosom	GO:000688	GO:000548	GO:000013	1170	1177	1.01	0.01
H30000035	H300000352	ENSG0000	NM_006239	5470	PPEF2	protein pho	GO:000647	GO:000472	GO:000175	47	40	0.86	-0.22
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001315	5116	PCNT	pericentrin	GO:000008	GO:000551	GO:000024	38	39	1.02	0.03
H20000258	H200002584	ENSG0000	XM_011536	79627	OGFRL1	opioid grow	-	GO:000487	GO:001602	10	29	2.94	1.56
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_011537	57596	BEGAIN	brain enrich	-	GO:000551	GO:000573	16	22	1.43	0.52
H30000887	H300008874	-	NM_001004	390154	OR5T3	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:000588	17	25	1.50	0.58
H30002136	H300021367	ENSG0000	NM_138418	84331	FAM195A	family with	-	-	-	649	434	0.67	-0.58
H30000756	H300007569	ENSG0000	NM_138294	160065	PATE1	prostate ar	-	GO:000551	GO:0005576 extracellular region				
H30000962	H300009625	ENSG0000	NM_001001	390883	OR7G3	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:000588	5	7	1.25	0.33
H30000137	H300001374	ENSG0000	NM_001005	26533	OR10G3	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886 plasma membrane,GO:0016021 in				
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	-	170555	TPM3P2	tropomyosi	-	-	-	503	502	1.00	0.00
H30000316	H300003168	-	-	-	-	-	-	-	-	17	23	1.33	0.41
H30002109	H300021092	ENSG0000	XM_005256	64400	AKTIP	AKT intera	GO:000193	GO:000551	GO:000573	79	125	1.58	0.66
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_005249	23080	AVL9	AVL9 cell r	GO:001647	-	GO:001602	73	76	1.05	0.07
opHsV0400	opHsV0400006	-	NM_015897	51588	PIAS4	protein inh	GO:000012	GO:000367	GO:000563	385	328	0.85	-0.23
H30001979	H300019792	ENSG0000	NM_015704	27351	DESI1	desumoylat	GO:000650	GO:000823	GO:000563	272	211	0.78	-0.37
H30000459	H300004590	ENSG0000	NM_005008	4809	SNU13	SNU13 hor	GO:000039	GO:000372	GO:000563	5057	3167	0.63	-0.67
H30002002	H300020021	ENSG0000	NM_015466	25930	PTPN23	protein tyr	GO:001063	GO:000472	GO:000563	27	28	1.07	0.09
H30001931	H300019311	ENSG0000	NM_001271	64773	PCED1A	PC-esteras	-	GO:000551	-	12	15	1.24	0.31
H30000046	H300000463	ENSG0000	NM_152266	91442	FAAP24	Fanconi an	GO:000628	GO:000367	GO:000565	162	161	0.99	-0.01
H30000182	H300001826	ENSG0000	XM_005267	112849	L3HYPDH	L-3-hydrox	GO:000815	GO:001683	-	139	122	0.87	-0.19
H30001832	H300018321	-	NM_001297	10236	HNRNPR	heterogene	GO:000039	GO:000016	GO:000565	1796	1913	1.07	0.09
H30001929	H300019294	ENSG0000	XR_933193	113	ADCY7	adenylate c	GO:000309	GO:000401	GO:000562	32	27	0.83	-0.26
opHsV0400	opHsV0400008	ENSG0000	NR_002307	55545	MSX2P1	msh homeo	-</						

H20001392	H200013922	ENSG0000	XM_005263	84328	LZIC	leucine zip	GO:001021	GO:000801	-	812	738	0.91	-0.14
H20001619	H200016195	ENSG0000	NM_020737	57497	LRFN2	leucine ric	GO:000740	-	GO:0009986 cell surface,GO:0016021 integral				
H30000492	H300004923	ENSG0000	NM_001003	120586	OR8I2	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886 plasma membrane,GO:0016021 in				
H30002136	H300021369	ENSG0000	NM_001102	115196	ZNF554	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634 nucleus,G	11			
H30000348	H300003481	-	NM_001003	26496	OR10A3	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886 plasma membrane,GO:0016021 in				
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011509	3814	KISS1	KISS-1 me	GO:000701	GO:000551	GO:0005576 extracellu	8			
H30000127	H300001279	ENSG0000	XM_011522	146212	KCTD19	potassium	GO:005126	-	-				
H30000621	H300006213	ENSG0000	NM_139278	203190	LGI3	leucine-ric	GO:000688	GO:000382	GO:000557	165	125	0.76	-0.40
H30000542	H300005423	ENSG0000	NM_001143	644353	ZCCHC18	zinc finger	GO:003050	GO:000367	GO:0016607 nuclear sp	9			
H30002106	H300021064	ENSG0000	XM_011544	254225	RNF169	ring finger	GO:000697	GO:000827	GO:000563	160	189	1.18	0.24
H30001004	H300010044	ENSG0000	NM_007138	7643	ZNF90	zinc finger	GO:000635	GO:000097	GO:0005634 nucleus	8			
H30001392	H300013929	ENSG0000	NR_033193	79752	ZFAND1	zinc finger	-	GO:000827	-	540	715	1.32	0.40
H30001202	H300012026	ENSG0000	NM_021185	57828	CATSPER	cation char	GO:000727	-	GO:0005886 plasma m	4			
H30000842	H300008421	ENSG0000	XM_011517	79776	ZFH4	zinc finger	GO:000635	GO:000827	GO:0005634 nucleus	7			
H30002290	H300022907	ENSG0000	NM_001190	57560	IFT80	intraflagella	GO:000699	-	GO:000573	57	73	1.29	0.37
H30000888	H300008882	ENSG0000	NM_001256	100506581	C16orf95	chromosom	-	-	-	434	368	0.85	-0.24
H30000839	H300008392	ENSG0000	NM_025224	140685	ZBTB46	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	8	11	1.42	0.50
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_020064	56751	BARHL1	BarH like h	GO:000176	GO:000097	GO:000563	14	16	1.13	0.18
H30001052	H300010529	-	NM_001010	282890	ZNF311	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	17	23	1.37	0.46
H30001899	H300018990	ENSG0000	XM_005267	51077	FCF1	FCF1 rRNA	GO:000636	GO:004482	GO:000573	80	145	1.80	0.85
H30001810	H300018100	ENSG0000	NM_001291	6446	SGK1	serum/gluc	GO:000155	GO:000467	GO:000563	48	58	1.21	0.27
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_020425	57150	SMIM8	small integr	-	-	GO:001602	60	60	1.00	-0.01
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001159	6337	SCNN1A	sodium cha	GO:003422	GO:000377	GO:0005829 cytosol,G	4			
H20001790	H200017907	ENSG0000	NM_018561	25862	USP49	ubiquitin sp	GO:000039	GO:000419	GO:000563	134	143	1.06	0.09
H20002060	H200020602	ENSG0000	NM_001161	202151	RANBP3L	RAN bindin	GO:004690	-	GO:000562	18	24	1.32	0.40
H20001140	H200011403	-	NM_145252	124220	ZG16B	zymogen gr	GO:000189	GO:000367	GO:0005615 extracellu	7			
H20001410	H200014103	ENSG0000	XM_005272	9684	LRRC14	leucine ric	-	-	-	54	55	1.02	0.03
H20000245	H200002457	ENSG0000	NM_001007	148103	ZNF599	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	4	12	2.85	1.51
H30000791	H300007917	ENSG0000	NM_173484	128209	KLF17	Kruppel-lik	GO:000012	GO:000097	GO:0005634 nucleus	9			
H30000521	H300005215	-	-	-	-	-	-	-	-				
H30000521	H300005217	ENSG0000	XR_945606	143162	FRMPD2	FERM and	GO:007083	GO:000551	GO:000573	9	15	1.58	0.66
H30000817	H300008170	-	NM_003420	7584	ZNF35	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000562	97	87	0.90	-0.15
opHsV0400	opHsV0400008	-	NM_004522	3800	KIF5C	kinesin fam	GO:000699	GO:000377	GO:000573	69	56	0.82	-0.29
H30000415	H300004151	ENSG0000	-	442179	OR1F12	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:000588	21	24	1.13	0.18
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011536	374569	ASPG	asparaginas	GO:000652	GO:000384	-		7		
H30000884	H300008847	ENSG0000	NM_001010	389941	C1QL3	complemen	GO:005080	-	GO:0005576 extracellu	7			
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011545	343	AQP8	aquaporin 8	GO:000030	GO:001525	GO:000588	33	30	0.89	-0.16
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_014252	10166	SLC25A15	solute carr	GO:000005	GO:000006	GO:000574	135	122	0.91	-0.14
H30001955	H300019556	ENSG0000	XM_011538	54997	TESC	tescalcin	GO:000828	GO:000028	GO:000172	167	84	0.51	-0.98
H30000835	H300008356	ENSG0000	NM_001163	285051	C2orf61	chromosom	-	-	-		8		
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_018343	55781	RIOK2	RIO kinase	GO:000646	GO:000467	-	850	591	0.69	-0.52
H30000092	H300000928	ENSG0000	-	100271394	RPL36P18	ribosomal p	-	-	-	138	120	0.87	-0.21
H30000990	H300009907	ENSG0000	NM_001099	122706	PSMB11	proteasome	GO:000016	GO:000429	GO:000563	18	22	1.26	0.33
H30001906	H300019064	ENSG0000	NM_021810	60437	CDH26	cadherin 26	GO:000715	GO:000550	GO:000588	5	13	2.86	1.52
H30000249	H300002495	ENSG0000	NM_153448	80712	ESX1	ESX homed	GO:000012	GO:000097	GO:000563	64	57	0.88	-0.18
H30001920	H300019205	ENSG0000	NM_020728	57488	ESYT2	extended s	GO:000686	GO:000550	GO:000588	476	404	0.85	-0.24
H30000596	H300005961	ENSG0000	NM_031280	64960	MRPS15	mitochondr	GO:000641	GO:000373	GO:000573	3782	4294	1.14	0.18
H30001066	H300010663	ENSG0000	XM_011545	51296	SLC15A3	solute carr	GO:000681	GO:001529	GO:0005765 lysosomal	11			
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_004252	9368	SLC9A3R1	SLC9A3 re	GO:000309	GO:000510	GO:000172	406	268	0.66	-0.60
H20002115	H200021154	ENSG0000	NG_011602	646600	IGF2BP2-1	IGF2BP2 a	-	-	-	57	60	1.05	0.07
H20001445	H200014457	ENSG0000	NM_001164	115795	FANCD2OS	FANCD2 or	-	-	-		8		
H20001706	H200017069	ENSG0000	NM_001160	55721	IQCC	IQ motif co	-	-	-	73	95	1.31	0.39
H20000495	H200004959	ENSG0000	NM_018944	54069	MIS18A	MIS18 kine	GO:000633	GO:000367	GO:000077	848	764	0.90	-0.15
H20001247	H200012472	ENSG0000	XM_006717	22944	KIN	Kin17 DNA	GO:000626	GO:000367	GO:000563	413	349	0.85	-0.24
H30000905	H300009058	ENSG0000	NM_001004	347169	OR1B1	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:000588	27	32	1.17	0.23
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_130776	170626	XAGE3	X antigen f	-	GO:000551	-	36	28	0.80	-0.33
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	NR_037566	400892	BCRP2	breakpoint	-	-	-	8	16	2.08	1.06
opHsV0400	opHsV0400000	-	-	-	-	-	-	-	-	34	37	1.07	0.09
H30000473	H300004739	ENSG0000	XM_005256	83547	RILP	Rab interac	GO:000833	GO:000551	GO:000573	353	314	0.89	-0.17
H30000427	H300004274	-	-	-	-	-	-	-	-	20	24	1.19	0.25
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011537	57447	NDRG2	NDRG fami	GO:000181	GO:000367	GO:000565	112	96	0.86	-0.23
H30000694	H300006940	ENSG0000	XM_011540	644168	DRGX	dorsal root	GO:000176	GO:004356	GO:000563	26	26	0.98	-0.02
H30001867	H300018677	ENSG0000	NM_178270	115201	ATGA4	autophagy	GO:000004	GO:000419	GO:000573	186	228	1.22	0.29
H30001103	H300011037	ENSG0000	NM_012469	24148	PRPF6	pre-mRNA	GO:000024	GO:000371	GO:000563	211	197	0.93	-0.10
H30001854	H300018547	-	NM_019605	56256	SERTAD4	SERTA dor	-	-	GO:0005634 nucleus	5			
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_006716	2222	FDFT1	farnesyl-dir	GO:000669	GO:000431	GO:000578	5645	5068	0.90	-0.16
H30001456	H300014560	ENSG0000	XM_011517	54875	CNTLN	centlein	GO:000016	GO:000015	GO:0005737 cytoplasm,GO:0005814 centriole,				
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	-	728350	EIF2S2P4	eukaryotic	-	-	-	4355	3968	0.91	-0.13
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_006716	7978	MTERF1	mitochondr	GO:000635	GO:000369	GO:000573	273	207	0.76	-0.40
H30000628	H300006286	ENSG0000	NM_001304	170685	NUDT10	nudix hydr	GO:004364	GO:000551	GO:000582	8	11	1.34	0.42
H30001902	H300019026	ENSG0000	NM_001098	1314	COPA	coatome p	GO:000688	GO:000517	GO:000013	297	376	1.27	0.34
H30001986	H300019867	ENSG0000	NM_012433	23451	SF3B1	splicing fac	GO:000024	GO:000368	GO:000078	468	550	1.18	0.23
H30002177	H300021774	ENSG0000	NM_004654	8287	USP9Y	ubiquitin sp	GO:000651	GO:000484	GO:0005737 cytoplasm	4			
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_005252	10539	GLRX3	glutaredoxi	GO:000202	GO:000508	GO:000563	2549	2066	0.81	-0.30
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011516	643641	ZNF862	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005575 cellular_cd	3			
H20002114	H200021141	ENSG0000	NM_152539	152405	C3orf30	chromosom	-	-	-				
H20000254	H200002546	ENSG0000	NM_024575	79626	TNFAIP8L2	TNF alpha	GO:004508	GO:000551	GO:000573	8	20	2.46	1.30
H20002129	H200021296	ENSG0000	NM_138798	129531	MITD1	microtubule	GO:000028	GO:000551	GO:001989	747	758	1.01	0.02
H20000152	H200001521	ENSG0000	XM_011522	197258	FUK	fucokinase	GO:000648	GO:000552	GO:000582	87	102	1.16	0.22
H20001656	H200016565	ENSG0000	NM_001145	79980	DSN1	DSN1 hom	GO:000027	GO:000551	GO:000044	797	894	1.12	0.17
H30002021	H300020219	ENSG0000	NM_001001	64326	RFWD2	ring finger	GO:000697	GO:000551	GO:000013	545	855	1.57	0.65
H30001946	H300019463	ENSG0000	XM_011519	9649	RALGPS1	Ral GEF wi	GO:000726	GO:000508	GO:000557	5	9	1.61	0.68
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_005268	23325	KIAA1033	KIAA1033	GO:000703	-	GO:000565	119	144	1.20	0.27
H30000940	H300009402	ENSG0000	XM_011521	54832	VPS13C	vacuolar pr	-	-	GO:0019898 extrinsic c	13			
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_005250	84060	RBM48	RNA bindin	-	GO:000016	GO:000565	231	195	0.84	-0.25
opHsV0400	opHsV												

opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011525	162655	ZNF519	zinc finger	GO:000635	GO:000097	GO:000563	12	16	1.40	0.48
H30000530	H300005300	ENSG0000	NM_018293	55279	ZNF654	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	82	122	1.49	0.58
H30000013	H300000136	ENSG0000	-	646049	HMG2P2	high mobility	-	-	-	5832	8014	1.37	0.46
H30000463	H300004630	-	-	-	-	-	-	-	-	6	12	1.93	0.95
H30002139	H300021396	ENSG0000	NM_207307	90288	EFCAB12	EF-hand ca	-	GO:000550	-	22	22	1.00	0.00
H30000074	H300000747	ENSG0000	-	90352	MAGO3P	mago hom	-	-	-	527	487	0.92	-0.11
H30000508	H300005089	ENSG0000	XM_011534	220082	SPERT	spermatid	-	GO:000551	GO:001602	55	51	0.93	-0.11
H30002099	H300020999	ENSG0000	XM_005273	2350	FOLR2	folate rece	GO:000254	GO:000554	GO:000557	5	10	1.90	0.93
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_011518	360203	GLT6D1	glycosyltra	GO:000597	GO:001675	GO:001602	19	22	1.14	0.19
opHsV0400	opHsV0400006	-	-	-	-	-	-	-	-	4	-	-	-
H30002034	H300020342	ENSG0000	XM_006716	781	CACNA2D	calcium vol	GO:000681	GO:000524	GO:0005886 plasma membrane,GO:0005891 v	-	-	-	-
H30002051	H300020517	ENSG0000	NM_001142	55289	ACOXL	acyl-CoA d	GO:000815	GO:000006	GO:0005575 cellular_co	4	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_015189	23233	EXOC6B	exocyst co	GO:000690	-	GO:000145 exocyst	7	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001001	389840	MAP3K15	mitogen-ac	GO:000016	GO:000470	GO:0005622 intracellular	-	-	-	-
H30002140	H300021403	-	NM_001297	204801	NLRP11	NLR family	GO:005511	GO:000552	-	-	5	-	-
H30002117	H300021176	ENSG0000	NM_006526	7764	ZNF217	zinc finger	GO:000012	GO:000097	GO:000011	10	51	4.86	2.28
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NR_134257	598	BCL2L1	BCL2 like	GO:000091	GO:000551	GO:000573	248	262	1.05	0.08
H30002108	H300021085	ENSG0000	NM_182703	348094	ANKDD1A	ankyrin rep	GO:000716	-	-	29	28	0.95	-0.08
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_011520	4004	LMO1	LIM domain	GO:000012	GO:000551	GO:000563	15	17	1.16	0.22
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_184231	51517	NCKIPSD	NCK intera	GO:000660	GO:000551	GO:0005829 cytosol,G	10	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001017	51149	C5orf45	chromosom	GO:000815	GO:000367	GO:000557	118	106	0.90	-0.15
H30000308	H300003084	ENSG0000	NR_033339	92070	CTBP1-AS	CTBP1 ant	-	-	-	65	72	1.10	0.14
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NR_027241	388796	SNHG17	small nucle	-	-	-	411	356	0.87	-0.21
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001136	255809	C19orf38	chromosom	-	-	GO:001602	7	12	1.81	0.85
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_015409	57634	EP400	E1A binding	GO:000632	GO:000367	GO:000081	195	225	1.16	0.21
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_011521	123688	HYKK	hydroxylysi	GO:000655	GO:004799	GO:000575	44	30	0.67	-0.58
H30000709	H300007098	ENSG0000	NM_001038	1745	DLX1	distal-less	GO:000012	GO:000097	GO:000563	82	158	1.92	0.94
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011516	653857	ACTR3C	ARP3 activ	GO:000815	GO:000367	GO:000588	70	56	0.81	-0.31
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_145203	122011	CSNK1A1L	casein kina	GO:000690	GO:000467	GO:0005737 cytoplasm	-	-	-	-
H30001846	H300018464	ENSG0000	XM_005271	84455	EFCAB7	EF-hand ca	-	GO:000550	GO:007237	81	108	1.33	0.41
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011542	2313	FLI1	Flt-1 proto	GO:000635	GO:000097	GO:000563	7	10	1.38	0.46
H30002044	H300020444	ENSG0000	XR_931303	51348	KLRF1	killer cell le	GO:000716	GO:000488	GO:0005886 plasma m	10	-	-	-
H30002016	H300020169	ENSG0000	XM_011524	11322	TMC6	transmemb	GO:000681	GO:000551	GO:000573	248	177	0.71	-0.48
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_011516	26873	OPLAH	5-oxoprolin	GO:000675	GO:000552	GO:000582	52	47	0.91	-0.14
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_021245	58529	MYOZ1	myozenin 1	GO:003023	GO:000551	GO:0005634 nucleus,GO:0015629 actin cytosk	-	-	-	-
H30002126	H300021260	ENSG0000	NM_170724	5314	PKHD1	polycystic	GO:000182	GO:000487	GO:000077	238	224	0.94	-0.09
H30001457	H300014578	ENSG0000	NM_001142	123606	NIPA1	non imprint	GO:001569	GO:001509	GO:000576	94	89	0.95	-0.07
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_006717	196740	VSTM4	V-set and	-	-	GO:000557	32	35	1.09	0.12
H30002098	H300020986	ENSG0000	NM_001304	286464	CFAP47	cilia and fla	-	-	-	-	3	-	-
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001001	4731	NDUFV3	NADH:ubiq	GO:000612	GO:000813	GO:000565	1445	970	0.67	-0.57
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001122	861	RUNX1	runt related	GO:000150	GO:000097	GO:000560	52	63	1.22	0.28
opHsV0400	opHsV0400008	ENSG0000	NM_001164	399888	FAM180B	family with	-	-	GO:0016021 integral component of membrane	-	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011520	3046	HBE1	hemoglobin	GO:000012	GO:000534	GO:000582	9895	5242	0.53	-0.92
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_175911	284521	OR2L13	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886 plasma m	3	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_014440	27179	IL36A	interleukin	GO:000243	GO:000512	GO:0005576 extracellu	12	-	-	-
H30002227	H300022270	ENSG0000	NM_015565	26046	LTN1	listerin E3	GO:005186	GO:000551	-	348	374	1.08	0.10
H20001520	H200015207	ENSG0000	XM_005257	146923	RUNDC1	RUN domain	-	-	-	89	98	1.10	0.14
H20000813	H200008139	ENSG0000	NR_026856	401232	LINC01011	long interge	-	-	-	143	141	0.98	-0.03
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_020880	348327	ZNF530	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	180	135	0.75	-0.42
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_016104	51389	RWDD1	RWD domain	-	GO:000551	-	502	480	0.96	-0.06
H30002222	H300022221	ENSG0000	XM_011539	26091	HERC4	HECT and	GO:000728	GO:000484	GO:000582	302	351	1.16	0.21
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XM_006716	11160	ERLIN2	ER lipid raf	GO:000820	GO:000551	GO:000573	74	64	0.87	-0.20
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XR_429099	3695	ITGB7	integrin sub	GO:000336	GO:000161	GO:000588	29	37	1.31	0.39
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001128	286262	TPRN	taperin	GO:000760	GO:000367	GO:003242	258	269	1.04	0.06
H30001025	H300010253	ENSG0000	XM_005253	9024	BRSK2	BR serine/	GO:000008	GO:000028	GO:000573	19	24	1.27	0.35
H30002128	H300021289	ENSG0000	XM_005251	90362	FAM110B	family with	-	-	GO:0005737 cytoplasm	6	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_032243	84203	TXNDC2	thioredoxin	GO:000010	GO:000375	GO:000152	54	50	0.92	-0.12
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_198321	55568	GALNT10	polypeptide	GO:000649	GO:000465	GO:000013	35	44	1.27	0.34
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001159	51705	EMCN	endomucin	-	-	GO:0005576 extracellular region,GO:0005886	-	-	-	-
H30002066	H300020663	-	XM_011522	84465	MEGF11	multiple EG	GO:001084	-	GO:001602	138	133	0.96	-0.06
H30002062	H300020626	ENSG0000	NM_153450	219541	MED19	mediator c	GO:000635	GO:000110	GO:000563	246	204	0.83	-0.27
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	-	-	ALO23806	-	-	-	-	306	465	1.52	0.60
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_011509	284486	THEM5	thioesteras	GO:000663	GO:000551	GO:0005759 mitochondrial matrix	-	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001002	285016	FAM150B	family with	-	-	GO:0005576 extracellular region	-	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_181788	341567	H1FNT	H1 histone	GO:000727	GO:000367	GO:0000790 nuclear chromatin,GO:0005634 n	-	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400001	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
H20000499	H200004998	ENSG0000	XM_011524	4669	NAGLU	N-acetylglu	GO:000597	GO:000456	GO:000576	80	83	1.04	0.06
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_207395	388569	ZNF324B	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	24	30	1.26	0.33
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_012281	3751	KCND2	potassium	GO:000150	GO:000524	GO:0005886 plasma m	3	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400011	ENSG0000	NM_006371	10491	CRTP	cartilage as	GO:000728	GO:003240	GO:0005578 proteinac	13	-	-	-
H30002033	H300020330	ENSG0000	NR_104452	221322	TBC1D32	TBC1 dom	GO:000208	-	GO:000573	16	28	1.71	0.77
H30002030	H300020306	ENSG0000	NM_172129	817	CAMK2D	calcium/ca	GO:000008	GO:000467	GO:0005634 nucleus,G	6	-	-	-
H30001950	H300019506	ENSG0000	NM_015543	5861	RAB1A	RAB1A, me	GO:000004	GO:000392	GO:000013	2948	2979	1.01	0.02
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_011525	81033	KCNH6	potassium	GO:000726	GO:000524	GO:000588	87	77	0.89	-0.17
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_011524	114659	LRR37B	leucine rich	-	-	GO:000573	12	20	1.77	0.82
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NR_027300	388503	C3P1	complemen	GO:001095	GO:000486	GO:000561	5	10	2.08	1.05
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XM_005255	9726	ZNF646	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634 nucleus	-	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001114	65065	NBEAL1	neurobeach	-	GO:000554	GO:001250	48	65	1.36	0.44
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_144575	92291	CAPN13	calpain 13	GO:000650	GO:000419	GO:0005622 intracellular	-	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001282	92370	PXYLP1	2-phospho	GO:000602	GO:000399	GO:0000139 Golgi men	5	-	-	-
H30002056	H300020568	ENSG0000	NM_017446	54148	MRPL39	mitochondr	GO:000699	GO:000016	GO:000574	1595	1406	0.88	-0.18
H30001665	H300016652	-	NM_001178	728492	SERF1B	small EDRC	GO:000739	GO:000367	GO:000557	584	565	0.97	-0.05
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	-	AC068831	-	-	-	-	81	74	0.91	-0.13
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_011535	646799	ZAR1L	zygote arre	-	-	GO:0005737 cytoplasm	-	-	-	-
AHsV1000	AHsV10003386	ENSG0000	NM_000990	6157	RPL27A	ribosomal p	GO:000018	GO:000372	GO:000582				

H30001291	H300012914	ENSG0000	NM_001205	2710	GK	glycerol kin	GO:000607	GO:000437	GO:000563	175	260	1.48	0.57
CHsGV100	CHsGV1000085	ENSG0000	NM_001496	2676	GFRA3	GDNF fami	GO:000176	GO:000510	GO:000573	4	7	1.84	0.88
H20000680	H200006800	ENSG0000	XM_011509	2328	FMO3	flavin conta	GO:000680	GO:000449	GO:0005789	endoplasmic reticulum membrane			
H30001897	H300018971	ENSG0000	XM_011535	2309	FOXO3	forkhead bo	GO:000012	GO:000104	GO:000563	119	132	1.11	0.15
CHsGV100	CHsGV1000376	ENSG0000	NM_004455	2134	EXTL1	exostosin-	GO:000150	GO:000500	GO:0005789	endoplasmic reticulum membrane			
H20000787	H200007879	ENSG0000	XR_931766	2108	ETFA	electron tra	GO:002290	GO:000006	GO:000573	6130	5484	0.89	-0.16
H20000732	H200007324	ENSG0000	NM_001405	1943	EFNA2	ephrin-A2	GO:000726	GO:004687	GO:000557	10	13	1.32	0.40
AHsV1000	AHsV10001199	ENSG0000	NM_001202	1893	ECM1	extracellula	GO:000150	GO:000202	GO:000557	57	41	0.71	-0.49
CHsGV100	CHsGV1000384	ENSG0000	NM_058004	5297	PI4KA	phosphatid	GO:000664	GO:000443	GO:000573	150	177	1.18	0.23
H30001998	H300019989	ENSG0000	XR_929807	5125	PCSK5	proproteins	GO:000182	GO:000425	GO:000561	7	14	1.94	0.96
CHsGV100	CHsGV1000006	ENSG0000	XM_005268	5097	PCDH1	protocadhe	GO:000715	GO:000550	GO:0005886	plasma m	5		
AHsV1000	AHsV10000183	ENSG0000	XM_005269	4892	NRAP	nebulin rela	GO:000815	GO:000377	GO:0005916	fascia adherens,GO:0005927	mus		
AHsV1000	AHsV10003419	-	NM_004646	4868	NPHS1	NPHS1 nep	GO:000715	GO:000551	GO:000562	17	18	1.05	0.08
AHsV1000	AHsV10002046	ENSG0000	NR_134898	1716	DGUOK	deoxyguano	GO:000614	GO:000413	GO:000563	2254	2307	1.02	0.03
H30002182	H300021820	ENSG0000	NR_126093	1654	DDX3X	DEAD-box	GO:000635	GO:000367	GO:000563	1162	1140	0.98	-0.03
H20000644	H200006447	ENSG0000	XM_005254	1445	CSK	c-src tyros	GO:000181	GO:000471	GO:000573	241	152	0.63	-0.66
H20001357	H200013570	ENSG0000	NM_057093	1412	CRYBA2	crystallin b	GO:000208	GO:000367	GO:000557	46	40	0.87	-0.21
H20000712	H200007127	ENSG0000	NM_001311	1207	CLNS1A	chloride nu	GO:000038	GO:000551	GO:000563	6023	4004	0.66	-0.59
H30001958	H300019580	ENSG0000	NM_001829	1182	CLCN3	chloride vo	GO:000681	GO:000524	GO:000013	331	404	1.22	0.29
CHsGV100	CHsGV1000256	ENSG0000	NM_201567	993	CDC25A	cell divisio	GO:000007	GO:000472	GO:000565	116	108	0.93	-0.10
H20001731	H200017311	ENSG0000	NM_001127	966	CD59	CD59 mole	GO:000197	GO:000184	GO:000013	1307	899	0.69	-0.54
AHsV1000	AHsV10001978	ENSG0000	NM_133631	6091	ROBO1	roundabout	GO:000204	GO:000551	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005886	plasma m		
AHsV1000	AHsV10000008	ENSG0000	NR_073562	5876	RABGGTB	Rab gerany	GO:000646	GO:000466	GO:000596	3631	2728	0.75	-0.41
H30001063	H300010630	ENSG0000	NM_004161	5861	RAB1A	RAB1A, me	GO:000004	GO:000392	GO:000013	2477	2407	0.97	-0.04
H20002010	H200020107	ENSG0000	NR_038123	5684	PSMA3	proteasome	GO:000008	GO:000429	GO:000050	3713	3779	1.02	0.03
AHsV1000	AHsV10003292	ENSG0000	NM_000951	5639	PRRG2	proline rich	-	GO:000550	GO:000557	18	21	1.14	0.19
AHsV1000	AHsV10003301	ENSG0000	NM_000160	2642	GCGR	glucagon re	GO:000609	GO:000496	GO:0005768	endosome,GO:0005886	plasma m		
H20000788	H200007883	ENSG0000	XM_005252	2625	GATA3	GATA bind	GO:000012	GO:000097	GO:0000790	nuclear chromatin,GO:0005634	n		
CHsGV100	CHsGV1000226	ENSG0000	NM_004469	2277	FIGF	c-fos induc	GO:000152	GO:000516	GO:0005576	extracellular region,GO:0005615			
AHsV1000	AHsV10002674	ENSG0000	NM_002010	2254	FGF9	fibroblast g	GO:000012	GO:000510	GO:0005576	extracellular region,GO:0005604			
AHsV1000	AHsV10002972	ENSG0000	NM_005236	2072	ERCC4	excision re	GO:000071	GO:000001	GO:000010	64	64	1.01	0.01
AHsV1000	AHsV10001240	ENSG0000	NM_004442	2048	EPHB2	EPH recept	GO:000152	GO:000471	GO:0005576	extracellular region,GO:0005829			
H20000688	H200006889	ENSG0000	XM_011521	1854	DUT	deoxyuridin	GO:000613	GO:000028	GO:000563	4591	3653	0.80	-0.33
H20000049	H200000493	ENSG0000	NM_001944	1830	DSG3	desmoglein	GO:000691	GO:000550	GO:000582	8	15	1.80	0.85
CHsGV100	CHsGV100022	ENSG0000	NM_001281	5245	PHB	prohibitin	GO:000012	GO:000098	GO:000563	698	455	0.65	-0.62
CHsGV100	CHsGV100023	ENSG0000	NM_004562	5071	PARK2	parkin RBR	GO:000012	GO:000097	GO:0000151	ubiquitin l	6		
H20001868	H200018688	ENSG0000	NM_030979	5042	PABPC3	poly(A) bin	GO:001607	GO:000016	GO:000573	6958	6410	0.92	-0.12
CHsGV100	CHsGV1000285	-	NM_014516	4849	CNOT3	CCR4-NOT	GO:000028	GO:000551	GO:000093	59	54	0.92	-0.12
H30000182	H300001823	ENSG0000	NM_205858	4828	NMB	neuromedin	GO:000716	GO:000517	GO:000557	21	26	1.26	0.34
H30001801	H300018014	ENSG0000	NM_133504	1634	DCN	decorin	GO:000182	GO:000486	GO:0005576	extracellu	4		
CHsGV100	CHsGV1000112	ENSG0000	XR_429084	1606	DGKA	diacylglyce	GO:000720	GO:000414	GO:000582	22	28	1.29	0.37
H30002208	H300022087	ENSG0000	XM_011519	1390	CREM	cAMP resp	GO:000600	GO:000104	GO:000563	358	318	0.89	-0.17
H20000608	H200006085	ENSG0000	NM_001873	1363	CPE	carboxypep	GO:000321	GO:000418	GO:0005615	extracellular space,GO:0005634	r		
H30000427	H300004270	-	NM_001823	1152	CKB	creatine kir	GO:000659	GO:000411	GO:000561	3411	1416	0.42	-1.27
CHsGV100	CHsGV1000078	ENSG0000	NM_000390	1121	CHM	CHM, Rab	GO:000156	GO:000466	GO:000582	28	41	1.44	0.53
H30001939	H300019395	ENSG0000	XM_011516	948	CD36	CD36 mole	GO:000012	GO:000504	GO:0005615	extracellu	4		
CHsGV100	CHsGV1000073	ENSG0000	NM_014207	921	CD5	CD5 molec	GO:000689	GO:000487	GO:000588	23	24	1.05	0.06
H30002173	H300021737	ENSG0000	XM_006717	5998	RGS3	regulator o	GO:000018	GO:000509	GO:000565	5	18	3.73	1.90
CHsGV100	CHsGV1000336	ENSG0000	NM_033224	5814	PURB	purine-rich	GO:000012	GO:000097	GO:000563	53	79	1.50	0.59
AHsV1000	AHsV10001362	ENSG0000	NM_002841	5793	PTPRG	protein tyr	GO:000716	GO:000472	GO:0005887	integral component of plasma me			
AHsV1000	AHsV10003249	ENSG0000	NM_145185	5609	MAP2K7	mitogen-ac	GO:000222	GO:000028	GO:000563	4	21	5.51	2.46
H20000454	H200004547	ENSG0000	NM_001282	5593	PRKG2	protein kin	GO:000646	GO:000467	GO:0005829	cytosol,G	4		
H30000936	H300009368	ENSG0000	NM_001291	2590	GALNT2	polypeptide	GO:000237	GO:000465	GO:000013	336	267	0.80	-0.33
H30000767	H300007675	ENSG0000	NM_173536	2565	GABRG1	gamma-am	GO:000721	GO:000489	GO:003005	154	298	1.93	0.95
CHsGV100	CHsGV1000330	ENSG0000	NM_000140	2235	FECH	ferrochelat	GO:000609	GO:000432	GO:000573	338	227	0.67	-0.57
CHsGV100	CHsGV1000136	ENSG0000	NM_001999	2201	FBN2	fibrillin 2	GO:002261	GO:000520	GO:0001527	microfibril	3		
H20000349	H200003499	ENSG0000	NM_001429	2033	EP300	E1A binding	GO:000008	GO:000097	GO:000012	94	113	1.19	0.25
AHsV1000	AHsV10003517	ENSG0000	NM_004097	2016	EMX1	empty spira	GO:000170	GO:000551	GO:0005634	nucleus,GO:0005737	cytoplasm		
CHsGV100	CHsGV1000103	ENSG0000	XM_011515	1811	SLC26A3	solute carr	GO:000635	GO:000370	GO:0005886	plasma m	3		
AHsV1000	AHsV10000212	ENSG0000	NM_001207	1789	DNMT3B	DNA (cytos	GO:000012	GO:000368	GO:000563	354	269	0.76	-0.39
H30000727	H300007274	ENSG0000	NM_153818	5192	PEX10	peroxisoma	GO:000703	GO:000551	GO:000562	125	117	0.94	-0.09
AHsV1000	AHsV10001791	ENSG0000	NM_005015	5018	OXA1L	oxidase (cy	GO:000646	GO:000551	GO:000573	2932	2353	0.80	-0.32
H20001032	H200010325	ENSG0000	NM_001318	4986	OPRK1	opioid rece	GO:000695	GO:000498	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005887	in		
AHsV1000	AHsV10003441	ENSG0000	NM_001142	4802	NFYC	nuclear tra	GO:000635	GO:000097	GO:000563	233	236	1.01	0.02
AHsV1000	AHsV10001176	ENSG0000	XM_005257	4779	NFE2L1	nuclear fac	GO:000635	GO:000097	GO:000563	62	88	1.42	0.51
AHsV1000	AHsV10003000	ENSG0000	NR_134994	1579	CYP4A11	cytochrom	GO:000167	GO:000550	GO:000573	78	65	0.83	-0.27
CHsGV100	CHsGV1000396	ENSG0000	NM_001205	1527	TEX28	testis expr	GO:000815	GO:000367	GO:001602	12	14	1.14	0.19
H20000335	H200003357	ENSG0000	XM_011518	1318	SLC31A2	solute carr	GO:000682	GO:000537	GO:000577	105	94	0.90	-0.15
H20001192	H200011925	ENSG0000	NM_020351	1295	COL8A1	collagen ty	GO:000152	GO:000551	GO:0005576	extracellular region,GO:0005591			
H30001364	H300013644	ENSG0000	NM_001291	1087	CEACAM7	carcinoemb	-	-	GO:000588	28	29	1.04	0.06
H20000056	H200000560	ENSG0000	NM_001806	1054	CEBPG	CCAAT/er	GO:000188	GO:000107	GO:000563	391	892	2.28	1.19
H30001994	H300019949	ENSG0000	NM_004354	901	CCNG2	cyclin G2	GO:000007	-	GO:000573	113	138	1.22	0.29
H20001196	H200011960	ENSG0000	NM_005893	881	CCIN	calicin	GO:000727	GO:000484	GO:0005634	nucleus,GO:0031463	Cul3-RING		
H20000774	H200007745	ENSG0000	NM_002901	5954	RCN1	reticulocal	GO:000170	GO:000550	GO:000578	185	423	2.29	1.19
H20001411	H200014115	ENSG0000	NM_001278	5770	PTPN1	protein tyr	GO:000647	GO:000472	GO:000576	875	742	0.85	-0.24
H20001806	H200018060	ENSG0000	NM_000961	5740	PTGIS	prostagland	GO:000151	GO:000449	GO:000561	9	14	1.52	0.61
H30002121	H300021219	ENSG0000	NM_212535	5579	PRKCB	protein kin	GO:000027	GO:000368	GO:000563	3564	3217	0.90	-0.15
AHsV1000	AHsV10001725	ENSG0000	NM_000946	5557	PRIM1	primase, D	GO:000008	GO:000389	GO:000565	1571	1345	0.86	-0.22
H30001567	H300015679	ENSG0000	XM_011536	2530	FUT8	fucosyltran	GO:000170	GO:000842	GO:000013	44	42	0.96	-0.07
H30000731	H300007319	ENSG0000	NM_002030	2359	FPR3	formyl pept	GO:000692	GO:000498	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in		
H20000684	H200006841	ENSG0000	NM_004458	2182	ACSL4	acyl-CoA s	GO:000167	GO:000446	GO:000573	504	565	1.12	0.17
H30001491	H300014919	ENSG0000	NM_000128	2160</									

AHsV1000	AHsV10002412	ENSG0000	NM_007104	4736	RPL10A	ribosomal p	GO:000018	GO:000373	GO:000563	19432	14495	0.75	-0.42
AHsV1000	AHsV10003223	ENSG0000	NM_004546	4708	NDUFB2	NADH:ubiq	GO:000612	GO:000813	GO:000574	3927	4007	1.02	0.03
CHsGV100	CHsGV1000179	ENSG0000	NR_125440	1503	CTPS1	CTP synth	GO:000613	GO:000388	GO:000582	821	767	0.93	-0.10
H20000064	H200000649	ENSG0000	NM_005213	1475	CSTA	cystatin A	GO:001046	GO:000202	GO:000153	10	376	39.02	5.29
AHsV1000	AHsV10002505	ENSG0000	NM_000089	1278	COL1A2	collagen ty	GO:000150	GO:000520	GO:000576	extracellular region,GO:0005584			
H20000383	H200003837	ENSG0000	NM_001143	1241	LTB4R	leukotriene	GO:000692	GO:000016	GO:000588	119	130	1.09	0.13
H20000030	H200000301	ENSG0000	XM_011517	1029	CDKN2A	cyclin-depe	GO:000008	GO:000203	GO:000563	48	38	0.80	-0.33
CHsGV100	CHsGV1000218	ENSG0000	NM_001317	1010	CDH12	cadherin 12	GO:000715	GO:000550	GO:000588	4	7	1.68	0.75
H20001331	H200013312	ENSG0000	NM_198212	858	CAV2	caveolin 2	GO:000193	GO:000551	GO:000013	459	293	0.64	-0.65
CHsGV100	CHsGV1000391	ENSG0000	XM_011543	837	CASP4	caspace 4	GO:000650	GO:009715	GO:000573	44	266	6.06	2.60
H30001054	H300010546	ENSG0000	XM_006722	27231	NMRK2	nicotinamid	GO:000943	GO:000551	GO:000562	342	290	0.85	-0.24
AHsV1000	AHsV10001668	ENSG0000	NM_201653	27159	CHIA	chitinase, a	GO:000027	GO:000379	GO:000576	extracellular region,GO:0005615			
H20000150	H200001502	ENSG0000	NM_001282	10221	TRIB1	tribbles pse	GO:000646	GO:000467	GO:000563	37	29	0.78	-0.35
H30001988	H300019886	ENSG0000	NM_005795	10203	CALCRL	calcitonin r	GO:000152	GO:000160	GO:0005764	lysosome,GO:0005768	endosome		
AHsV1000	AHsV10002298	ENSG0000	NM_001177	10046	MAMLD1	mastermind	GO:000635	GO:000367	GO:000575	cellular_component,GO:0005634			
H20001729	H200017294	ENSG0000	XM_011537	10007	GNPDA1	glucosamin	GO:000597	GO:000434	GO:000573	614	361	0.59	-0.77
CHsGV100	CHsGV1000016	ENSG0000	XM_011520	9866	TRIM66	tripartite m		GO:000827	GO:000565	13	20	1.45	0.54
AHsV1000	AHsV10002915	ENSG0000	XM_005253	9847	C2CD5	C2 calcium	GO:001082	GO:000550	GO:000573	80	101	1.27	0.34
H20001412	H200014127	ENSG0000	XM_011542	9682	KDM4A	lysine deme	GO:000628	GO:000551	GO:000563	135	306	2.26	1.18
H20000767	H200007679	ENSG0000	NM_014646	9663	LPIN2	lipin 2	GO:000635	GO:000371	GO:000563	294	384	1.30	0.38
H20001070	H200010707	ENSG0000	XM_011523	6398	SECTM1	secreted an	GO:000695	GO:000487	GO:000561	14	14	1.02	0.02
H30000012	H300000127	ENSG0000	NM_001302	6373	CXCL11	C-X-C mo	GO:000269	GO:000551	GO:000557	22	42	1.92	0.94
H30001678	H300016780	ENSG0000	NM_002951	6185	RPN2	ribophorin 1	GO:000641	GO:000457	GO:000042	3133	3217	1.03	0.04
H30001750	H300017507	ENSG0000	XM_011522	23491	CES3	carboxyles	GO:000815	GO:005268	GO:0005615	extracellu	6		
AHsV1000	AHsV10000201	ENSG0000	NM_001171	23464	GCAT	glycine C-a	GO:000652	GO:000889	GO:000565	399	530	1.33	0.41
AHsV1000	AHsV10000965	ENSG0000	XM_005253	9479	MAPK8IP1	mitogen-ac	GO:000635	GO:000486	GO:0005634	nucleus,GO:0005737	cytoplasm,C		
CHsGV100	CHsGV1000316	ENSG0000	XM_006720	9455	HOMER2	homer scaf	GO:000721	GO:000377	GO:0005634	nucleus,GO:0005730	nucleolus,G		
H20001948	H200019480	ENSG0000	NM_001142	9255	AIMP1	aminoacyl t	GO:000152	GO:000004	GO:000561	1794	1752	0.98	-0.03
H30002105	H300021050	ENSG0000	XM_005270	9221	NOLC1	nucleolar a	GO:000636	GO:000551	GO:000565	1510	1067	0.71	-0.50
H20001465	H200014654	ENSG0000	NM_003979	9052	GPRC5A	G protein-c	GO:000716	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005887	in		
AHsV1000	AHsV10001214	ENSG0000	XM_011540	9033	PKD2L1	polycystin	GO:000158	GO:000522	GO:0005783	endoplasmic reticulum,GO:00058			
H20000105	H200001052	ENSG0000	NM_003875	8833	GMPS	guanine mo	GO:000614	GO:000392	GO:000573	2946	2468	0.84	-0.26
H20000109	H200001091	ENSG0000	NM_003851	8804	CREG1	cellular rep	GO:000635	GO:000371	GO:000561	1513	1632	1.08	0.11
H30002001	H300020019	ENSG0000	NM_000944	5530	PPP3CA	protein phd	GO:000008	GO:000472	GO:000565	61	75	1.23	0.30
AHsV1000	AHsV10000786	ENSG0000	NM_001282	5510	PPP1R7	protein phd	GO:000705	GO:000551	GO:000563	650	742	1.14	0.19
H20000629	H200006290	ENSG0000	NM_001161	5320	PLA2G2A	phospholipa	GO:000664	GO:000462	GO:000557	173	108	0.63	-0.68
H30000280	H300002806	ENSG0000	XM_011523	27132	CPNE7	copine 7	GO:000662	GO:000521	GO:000563	424	341	0.80	-0.32
H30000272	H300002721	ENSG0000	NM_014405	27092	CACNG4	calcium vol	GO:000681	GO:000524	GO:0005886	plasma m	5		
CHsGV100	CHsGV1000333	ENSG0000	NM_005773	10172	ZNF256	zinc finger	GO:000635	GO:000097	GO:000563	7	14	2.00	1.00
AHsV1000	AHsV10003536	ENSG0000	NM_001282	10152	ABI2	abl-interac	GO:000692	GO:000367	GO:000573	130	111	0.85	-0.23
H20000931	H200009313	ENSG0000	NM_001032	9986	RCE1	Ras conver	GO:000650	GO:000417	GO:000578	10	22	2.12	1.08
AHsV1000	AHsV10003580	ENSG0000	NM_152685	9963	SLC23A1	solute carr	GO:000613	GO:000551	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005886	plasma m		
H20000488	H200004883	ENSG0000	NM_006038	9825	SPATA2	spermatoge	GO:000727	GO:000367	GO:000563	41	61	1.49	0.57
H20000613	H200006137	ENSG0000	NM_014763	9801	MRPL19	mitochondr	GO:000699	GO:000373	GO:000563	1217	1067	0.88	-0.19
AHsV1000	AHsV10001661	ENSG0000	NM_001282	9645	MICAL2	microtubule	GO:000194	GO:000377	GO:000563	366	451	1.23	0.30
H20001632	H200016322	ENSG0000	NM_014246	9620	CELSR1	cadherin E	GO:000173	GO:000488	GO:0005654	nucleopla	8		
AHsV1000	AHsV10000346	ENSG0000	NM_006273	6354	CCL7	C-C motif	GO:000254	GO:000551	GO:000557	19	21	1.13	0.17
AHsV1000	AHsV10003459	ENSG0000	NM_001310	6311	ATXN2	ataxin 2	GO:000209	GO:000372	GO:000565	131	161	1.23	0.30
AHsV1000	AHsV10000405	ENSG0000	XM_006716	6129	RPL7	ribosomal p	GO:000018	GO:000367	GO:000563	32834	24148	0.74	-0.44
H20000152	H200001522	-	NM_012234	23429	RYBP	RING1 and	GO:000012	GO:000367	GO:000565	326	245	0.75	-0.41
AHsV1000	AHsV10000017	ENSG0000	XM_011514	23408	SIRT5	sirtuin 5	GO:000634	GO:000395	GO:000563	80	125	1.56	0.64
CHsGV100	CHsGV1000124	ENSG0000	NM_001199	9436	NCR2	natural cyt	GO:000696	GO:000488	GO:000588	86	76	0.88	-0.18
CHsGV100	CHsGV1000339	ENSG0000	NM_004262	9407	TMPPRSS1	transmemb	GO:000650	GO:000425	GO:000576	extracellular region,GO:0005887			
H20000783	H200007834	ENSG0000	XM_011540	9188	DDX21	DEAD-box	GO:000164	GO:000372	GO:000563	6561	4715	0.72	-0.48
AHsV1000	AHsV10003592	ENSG0000	XM_006718	9159	PCSK7	proprotein	GO:001648	GO:000425	GO:003017	60	68	1.12	0.17
H20000242	H200002421	ENSG0000	NM_024569	9019	MZL1	myelin prot	GO:000716	GO:000519	GO:000588	517	409	0.79	-0.34
AHsV1000	AHsV10001412	ENSG0000	XM_005274	8986	RPSKA4	ribosomal p	GO:000181	GO:000028	GO:000563	30	34	1.12	0.16
H20001504	H200015047	ENSG0000	NM_003831	8780	RIOK3	RIO kinase	GO:000646	GO:000467	-	699	615	0.88	-0.18
CHsGV100	CHsGV1000340	ENSG0000	NR_048579	8751	ADAM15	ADAM met	GO:000152	GO:000422	GO:000166	95	78	0.82	-0.29
H20000017	H200000173	ENSG0000	NM_000942	5479	PIIB	peptidylpro	GO:000041	GO:000375	GO:000563	899	541	0.60	-0.73
H20001031	H200010314	ENSG0000	NM_001122	5449	POU1F1	POU class	GO:000012	GO:000097	GO:000563	57	54	0.95	-0.07
H20000454	H200004544	ENSG0000	NM_198833	5271	SERPINB8	serpin pept	GO:001095	GO:000486	GO:0005615	extracellu	3		
AHsV1000	AHsV10002795	ENSG0000	NM_182984	27037	TRMT2A	tRNA meth	GO:000151	GO:000016	-	514	497	0.97	-0.05
H20001073	H200010737	ENSG0000	NM_014372	26994	RNF11	ring finger	GO:004278	GO:000367	GO:000015	243	239	0.98	-0.02
AHsV1000	AHsV10000181	ENSG0000	NM_005742	10130	PDIA6	protein disu	GO:000645	GO:000375	GO:000578	2271	1664	0.73	-0.45
H20000704	H200007046	ENSG0000	NM_005731	10109	ARPC2	actin relate	GO:000692	GO:000520	GO:000573	2519	2998	1.19	0.25
H30000672	H300006726	ENSG0000	NM_005109	9943	OXSRI	oxidative s	GO:000646	GO:000028	GO:000573	446	490	1.10	0.14
H20000109	H200001092	ENSG0000	XM_011519	9919	SEC16A	SEC16 hon	GO:000688	GO:000551	GO:000013	452	487	1.08	0.11
H20000657	H200006576	ENSG0000	NM_014746	9781	RNF144A	ring finger	GO:000020	GO:000827	GO:000015	288	254	0.88	-0.18
AHsV1000	AHsV10001092	ENSG0000	XR_934623	9755	TBKBP1	TBK1 bindi	GO:004508	GO:000551	-		6		
CHsGV100	CHsGV1000179	ENSG0000	NM_005100	9590	AKAP12	A-kinase a	GO:000660	GO:000551	GO:0005737	cytoplasm	9		
H30001888	H300018887	ENSG0000	NM_138609	9555	H2AFY	H2A histon	GO:000012	GO:000018	GO:000022	2238	2368	1.06	0.08
H30000620	H300006205	ENSG0000	NM_005980	6286	S100P	S100 calcul	GO:001003	GO:000028	GO:000563	36	426	11.82	3.56
CHsGV100	CHsGV1000233	ENSG0000	NR_033824	6258	RXRG	retinoid X r	GO:000636	GO:000097	GO:000565	7	12	1.80	0.85
CHsTV100	CHsTV1000018	ENSG0000	NM_005059	6019	RLN2	relaxin 2	GO:000756	GO:000517	GO:000576	extracellu	8		
AHsV1000	AHsV10003180	ENSG0000	XM_005245	23385	CCN1	cyclin A1	GO:000008	GO:000551	GO:0005654	nucleopla	4		
CHsGV100	CHsGV1000208	ENSG0000	XM_011536	23368	PPP1R13B	protein phd	GO:004578	GO:000551	GO:0005634	nucleus,G	4		
AHsV1000	AHsV10002109	ENSG0000	XM_011518	9373	PLAA	phospholipa	GO:000664	GO:000551	GO:007006	95	139	1.46	0.55
H30001355	H300013559	ENSG0000	XM_005256	9340	GLP2R	glucagon-li	GO:000716	GO:000493	GO:0005886	plasma m	8		
H30001970	H300019706	ENSG0000	NM_001039	9139	CBFA2T2	core-bindir	GO:000635	GO:000370	GO:000563	51	49	0.97	-0.05
H30000691	H300006911	ENSG0000	XM_011523	9123	SLC16A3	solute carr	GO:000609	GO:000551	GO:000588	49			

H30000859	H300008599	ENSG0000	NM_173170	26525	IL36RN	interleukin	GO:000196	GO:000512	GO:0005615	extracellu	4			
H20001310	H200013102	ENSG0000	NM_005715	10090	UST	uronyl-2-s	GO:000597	GO:000814	GO:000013		17	21	1.22	0.28
H20001489	H200014894	-	XM_006711	10067	SCAMP3	secretory c	GO:000689	GO:003162	GO:000013		605	423	0.70	-0.52
AHsV1000	AHsV10002117	ENSG0000	NM_182838	9906	SLC35E2	solute carr	-	-	GO:001602		35	32	0.92	-0.11
CHsGV100	CHsGV1000213	ENSG0000	NM_014838	9889	ZBED4	zinc finger	-	GO:000367	GO:000563		132	122	0.92	-0.12
H20001202	H200012027	ENSG0000	XM_011539	9733	SART3	squamous	GO:000024	GO:000016	GO:000563		337	322	0.96	-0.06
AHsV1000	AHsV10001007	ENSG0000	XM_006722	9703	KIAA0100	KIAA0100	-	-	GO:000557		175	269	1.54	0.63
H20000246	H200002463	ENSG0000	XM_005270	9531	BAG3	BCL2 asso	GO:000645	GO:000077	GO:000573		465	343	0.74	-0.44
H20000269	H200002692	ENSG0000	NM_001318	9514	GAL3ST1	galactose-	GO:000648	GO:000173	GO:000013		7	12	1.82	0.86
CHsGV100	CHsGV1000165	ENSG0000	NM_001032	6235	RPS29	ribosomal p	GO:000018	GO:000373	GO:000573		30069	23704	0.79	-0.34
H20001581	H200015818	ENSG0000	NM_001025	6208	RPS14	ribosomal p	GO:000002	GO:000372	GO:000573		39514	29392	0.74	-0.43
AHsV1000	AHsV10001142	ENSG0000	XM_011540	5979	RET	ret proto-c	GO:000016	GO:000471	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005769	early end			
CHsGV100	CHsGV1000120	ENSG0000	NM_033071	23345	SYNE1	spectrin re	GO:000699	GO:000377	GO:0005634	nucleus,GO:0005635	nuclear env			
AHsV1000	AHsV10001402	ENSG0000	NM_001009	23313	KIAA0930	KIAA0930	-	-	-		21	17	0.82	-0.29
H20000398	H200003989	ENSG0000	NM_001143	9318	COPS2	COP9 signa	GO:000012	GO:000371	GO:000565		1573	1472	0.94	-0.10
AHsV1000	AHsV10003024	ENSG0000	NM_005452	9277	WDR46	WD repeat	GO:000046	GO:004482	GO:000557		704	671	0.95	-0.07
CHsGV100	CHsGV1000126	ENSG0000	NM_001282	9104	RGN	regucalcin	GO:000182	GO:000434	GO:000563		36	24	0.67	-0.58
AHsV1000	AHsV10001738	ENSG0000	NM_001002	442862	PRY2	PTPN13-lil	-	-	-		7			
AHsV1000	AHsV10002138	ENSG0000	XR_946793	8880	FUBP1	far upstrea	GO:000636	GO:000120	GO:000563		870	934	1.07	0.10
H30002029	H300020294	ENSG0000	NM_022002	8856	NR1I2	nuclear rec	GO:000636	GO:000097	GO:000565		4	11	2.76	1.46
AHsV1000	AHsV10002867	ENSG0000	NM_003772	8690	JRKL	JRK-like	GO:000741	GO:000367	GO:000563		42	48	1.13	0.17
H20000381	H200003813	ENSG0000	NM_003755	8666	EIF3G	eukaryotic	GO:000173	GO:000016	GO:000563		2681	2506	0.93	-0.10
AHsV1000	AHsV10002736	ENSG0000	NM_001201	5356	PLRG1	pleiotropic	GO:000039	GO:000551	GO:000097		1749	1762	1.01	0.01
H20001662	H200016629	ENSG0000	NM_182811	5335	PLCG1	phospholip	GO:000018	GO:000443	GO:000172		56	68	1.22	0.29
H30001886	H300018868	ENSG0000	XM_011535	5167	ENPP1	ectonucleo	GO:000609	GO:000367	GO:000561		33	35	1.07	0.10
H20000246	H200002465	ENSG0000	NM_024571	79622	SNRNP25	small nucle	GO:000039	GO:000551	GO:000563		1916	1758	0.92	-0.12
AHsV1000	AHsV10002484	ENSG0000	NM_024051	79017	GGCT	gamma-glu	GO:000183	GO:000383	GO:000582		491	546	1.11	0.15
CHsGV100	CHsGV1000095	ENSG0000	NM_001305	78986	DUSP26	dual specifi	GO:000012	GO:000110	GO:000563		22	21	0.95	-0.08
AHsV1000	AHsV10003562	ENSG0000	NM_001286	64780	MICAL1	microtubule	GO:000193	GO:000377	GO:000573		6	12	1.82	0.86
AHsV1000	AHsV10002821	ENSG0000	XM_011515	64759	TNS3	tensin 3	GO:000828	GO:000551	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005925	focal adh			
H20001256	H200012567	-	XM_006720	64063	PRSS22	protease, s	GO:000650	GO:000425	GO:000557		48	45	0.93	-0.10
AHsV1000	AHsV10003327	ENSG0000	NM_001170	63932	CXorf56	chromosom	-	-	-		123	160	1.31	0.39
H20001754	H200017543	ENSG0000	XR_942460	51106	TFB1M	transcripti	GO:000635	GO:000017	GO:000575		503	389	0.77	-0.37
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_015990	51088	KLHL5	kelch like f	GO:000815	GO:000367	GO:000573		130	198	1.53	0.61
H20001061	H200010614	ENSG0000	XM_011542	50507	NOX4	NADPH oxi	GO:000090	GO:000016	GO:0001725	stress fiber,GO:0005730	nucleolu			
AHsV1000	AHsV10002205	ENSG0000	XM_006721	30850	CDR2L	cerebellar c	-	-	-		193	135	0.70	-0.52
AHsV1000	AHsV10000787	ENSG0000	XM_005269	29119	CTNNA3	catenin alp	GO:001633	GO:000551	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005856	cytoskele			
CHsGV100	CHsGV1000140	ENSG0000	NM_001014	29093	MRPL22	mitochondr	GO:000699	GO:000373	GO:0005739	mitochondr	4			
H20001524	H200015243	ENSG0000	XM_005253	57758	SCUBE2	signal pepti	-	GO:000550	GO:000557		32	28	0.89	-0.16
AHsV1000	AHsV10002803	ENSG0000	NM_020724	57484	RNF150	ring finger	-	GO:000827	GO:0016021	integral component of membrane				
CHsGV100	CHsGV1000124	ENSG0000	NR_037644	100528007	BORCS7-A	BORCS7-A	-	-	-		6			
H20001697	H200016974	ENSG0000	NM_020247	56997	ADCK3	aarF domai	GO:000674	GO:000551	GO:000573		260	186	0.71	-0.49
AHsV1000	AHsV10002167	ENSG0000	NM_001184	56955	MEPE	matrix extr	GO:000150	GO:000520	GO:0005578	proteinaceous extracellular matri				
H20001667	H200016674	ENSG0000	NM_018898	56135	PCDHAC1	protocadhe	GO:000715	GO:000550	GO:0005887	integral c	4			
AHsV1000	AHsV10001685	ENSG0000	NM_018913	56106	PCDHGA10	protocadhe	GO:000715	GO:000550	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in			
CHsGV100	CHsGV1000192	ENSG0000	NM_012385	26471	NUPR1	nuclear pro	GO:000252	GO:000367	GO:000563		7	24	3.38	1.76
CHsGV100	CHsGV1000314	ENSG0000	XM_005267	26277	TINF2	TERF1 (TR	GO:000072	GO:000367	GO:000078		71	78	1.09	0.12
H20000200	H200002004	ENSG0000	NM_001244	25978	CHMP2B	charged mu	GO:000092	GO:000551	GO:000081		176	158	0.90	-0.16
AHsV1000	AHsV10001650	ENSG0000	NM_015475	25940	FAM98A	family with	-	GO:000551	GO:007266		759	650	0.86	-0.22
CHsGV100	CHsGV1000256	ENSG0000	NM_001008	24144	TFIP11	tuftelin inte	GO:000039	GO:000367	GO:000078		145	113	0.78	-0.36
H20001816	H200018160	ENSG0000	NM_022044	23753	SDF2L1	stromal cel	GO:000003	GO:000416	GO:000578		6589	3603	0.55	-0.87
AHsV1000	AHsV10002931	ENSG0000	NR_125358	79368	FCRL2	Fc recepto	GO:000726	GO:000507	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in			
H30001959	H300019598	ENSG0000	XM_011538	65985	AACS	acetoacety	GO:000188	GO:000551	GO:000582		188	145	0.77	-0.38
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_006710	65220	NADK	NAD kinase	GO:000674	GO:000395	GO:000582		58	54	0.94	-0.09
H30002154	H300021542	ENSG0000	XM_011537	64582	GPR135	G protein-c	GO:000718	GO:000493	GO:000588		283	276	0.98	-0.04
CHsGV100	CHsGV1000096	ENSG0000	NM_022483	64417	C5orf28	chromosom	-	-	GO:001602		99	130	1.31	0.39
AHsV1000	AHsV10001622	ENSG0000	XM_011537	63894	VIPAS39	VPS33B in	GO:000635	GO:000551	GO:000573		58	87	1.50	0.59
AHsV1000	AHsV10001855	ENSG0000	NM_052840	60677	CELF6	CUGBP, El	GO:000038	GO:000016	GO:0005634	nucleus,GO:0005737	cytoplasm			
H20000849	H200008496	ENSG0000	NM_015938	51068	NMD3	NMD3 ribos	GO:000005	GO:003067	GO:000563		887	909	1.02	0.04
H20000548	H200005480	ENSG0000	NM_016072	51026	GOLT1B	golgi transp	GO:000716	GO:000487	GO:000013		200	242	1.21	0.28
H20001164	H200011645	ENSG0000	NM_014586	30811	HUNK	hormonally	GO:000646	GO:000467	GO:0005737	cytoplasm	6			
H20000244	H200002449	ENSG0000	NM_001300	29984	RHOD	ras homolo	GO:000660	GO:000392	GO:000576		269	232	0.86	-0.21
AHsV1000	AHsV10003120	ENSG0000	XM_006718	29068	ZBTB44	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563		29	39	1.37	0.45
CHsGV100	CHsGV1000269	ENSG0000	NM_014058	28983	TMPRSS1	transmemb	GO:000650	GO:000425	GO:000557		132	86	0.65	-0.63
AHsV1000	AHsV10003361	ENSG0000	XM_011534	57666	FBRSL1	fibrosin-like	-	GO:004482	-		25	32	1.30	0.37
H20000446	H200004460	ENSG0000	NM_020650	57333	RCN3	reticulocal	-	GO:000550	GO:000578		16	9	0.57	-0.82
AHsV1000	AHsV10003016	ENSG0000	NM_020533	57192	MCOLN1	mucopolip	GO:000681	GO:000526	GO:000573		32	43	1.35	0.43
H30000777	H300007774	ENSG0000	XM_011542	56935	SMCO4	single-pass	GO:000815	GO:000367	GO:000557		175	199	1.14	0.18
H20001456	H200014565	ENSG0000	NM_020143	56902	PNO1	partner of	-	GO:004482	GO:000563		830	629	0.76	-0.40
AHsV1000	AHsV10001483	ENSG0000	NM_001099	728343	NXF2B	nuclear RN	GO:000640	GO:000016	GO:0005634	nucleus,G	7			
CHsGV100	CHsGV1000208	ENSG0000	XM_011541	55924	FAM212B	family with	-	-	-					
H20001228	H200012285	ENSG0000	NM_012108	26228	STAP1	signal trans	GO:000716	GO:000178	GO:0005634	nucleus,G	10			
CHsGV100	CHsGV1000104	ENSG0000	XM_011518	26147	PHF19	PHD finger	GO:000635	GO:000551	GO:000565		2059	1514	0.74	-0.44
H20001014	H200010146	ENSG0000	NM_199070	25915	NDUFAF3	NADH:ubiq	GO:002290	GO:000551	GO:000563		1088	750	0.69	-0.54
AHsV1000	AHsV10000045	ENSG0000	NM_001161	25886	POC1A	POC1 cent	GO:003003	GO:000551	GO:000092		70	114	1.62	0.70
AHsV1000	AHsV10001380	ENSG0000	NM_012401	23654	PLXNB2	plexin B2	GO:000184	GO:000551	GO:0002116	semaphor	6			
AHsV1000	AHsV10000925	ENSG0000	NM_012282	23630	KCNE5	potassium	GO:000801	GO:000524	GO:000588		9	15	1.72	0.79
AHsV1000	AHsV10001674	ENSG0000	XR_243307	79153	GDPD3	glyceropho	GO:000662	GO:000888	GO:001602		23	26	1.14	0.19
H20002035	H200020357	ENSG0000	NM_001261	65061	CDK15	cyclin-dep	GO:000646	GO:000467	-		7			
CHsGV100	CHsGV1000082	ENSG0000	XR_931895	64927	TTC23	tetratricop	-	GO:000551	-		7			
H30002272	H300022724	ENSG0000	XM_005249	64327	LMBR1	limb develo								

H20001485	H200014850	ENSG0000	NM_013233	27347	STK39	serine/thre	GO:000193	GO:000467	GO:000563	54	58	1.08	0.11
AHsV1000	AHsV10001861	ENSG0000	XM_011518	57582	KCNT1	potassium	GO:007180	GO:000524	GO:0008076	voltage-g	4		
H20000151	H200001516	ENSG0000	NM_020651	57162	PELI1	pellino E3 u	GO:000181	GO:000551	GO:000563	166	176	1.06	0.08
AHsV1000	AHsV10002864	ENSG0000	XM_005245	57134	MAN1C1	mannosidas	GO:000648	GO:000457	GO:0000139	Golgi men	5		
H20000790	H200007900	ENSG0000	NM_020062	56731	SLC2A4RC	SLC2A4 re	GO:000635	GO:000367	GO:000563	363	350	0.96	-0.05
CHsGV100	CHsGV1000046	ENSG0000	NM_019896	56655	POLE4	polymerase	GO:004396	GO:000367	GO:000563	790	574	0.73	-0.46
CHsGV100	CHsGV1000108	ENSG0000	NM_018558	55879	GABRQ	gamma-am	GO:000683	GO:000488	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005887 in			
AHsV1000	AHsV10000795	ENSG0000	NM_018462	55845	BRK1	BRICK1, S	GO:000170	GO:000551	GO:000582	695	786	1.13	0.18
AHsV1000	AHsV10000639	ENSG0000	XR_945663	26098	EDRF1	erythroid d	GO:000635	GO:000551	GO:000563	35	48	1.39	0.47
AHsV1000	AHsV10001641	ENSG0000	NM_015470	26056	RAB11FIP3	RAB11 fam	GO:003577	GO:000551	GO:000013	122	125	1.02	0.03
H20001137	H200011371	ENSG0000	NM_015393	25849	PARM1	prostate ar	GO:005197	-	GO:0000139	Golgi membrane,GO:0005634 nuc			
H20001514	H200015145	ENSG0000	NM_012473	25828	TXN2	thioredoxin	GO:000010	GO:000551	GO:000573	871	670	0.77	-0.38
H30001629	H300016296	ENSG0000	NM_001167	23600	AMACR	alpha-meth	GO:000669	GO:000510	GO:000573	53	70	1.31	0.39
H20001586	H200015866	-	XM_011514	23564	DDAH2	dimethylarg	GO:000005	GO:000382	GO:000573	441	744	1.69	0.76
AHsV1000	AHsV10000293	ENSG0000	NR_033262	79057	PRRG3	proline rich	GO:000815	GO:000550	GO:0005576	extracellular region,GO:0016021 i			
H20001163	H200011633	ENSG0000	NM_001286	64854	USP46	ubiquitin sp	GO:000166	GO:000484	-	128	125	0.98	-0.03
H30001146	H300011465	ENSG0000	NM_198856	64800	EFCAB6	EF-hand ca	GO:000635	GO:000550	GO:0005634	nucleus	11		
AHsV1000	AHsV10002727	ENSG0000	XM_011525	64132	XYLT2	xylosyltrans	GO:000602	GO:000837	GO:000013	78	106	1.37	0.46
H20001801	H200018016	ENSG0000	NM_022146	64106	NPFFR1	neuropepti	GO:000721	GO:000493	GO:000588	8	10	1.18	0.24
CHsGV100	CHsGV1000356	ENSG0000	NM_021232	58510	PRODH2	proline deh	GO:001013	GO:000465	GO:000574	11	17	1.65	0.72
H20000392	H200003922	ENSG0000	XM_011545	58487	CREBZF	CREB/ATF	GO:000635	GO:000367	GO:000563	338	311	0.92	-0.12
H20001690	H200016900	-	NM_023917	50835	TAS2R9	taste 2 rec	GO:000718	GO:000852	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021 in			
H20000114	H200001143	ENSG0000	NM_032995	50649	ARHGEF4	Rho guanin	GO:000726	GO:000508	GO:000582	20	25	1.26	0.33
H20000345	H200003456	ENSG0000	XM_005249	29896	TRA2A	transforme	GO:000039	GO:000016	GO:000563	850	897	1.06	0.08
AHsV1000	AHsV10001451	ENSG0000	NM_152299	29781	NCAPH2	non-SMC c	GO:000027	GO:000551	GO:000565	151	152	1.01	0.01
H20000745	H200007455	ENSG0000	NM_001286	27314	RAB30	RAB30, me	GO:000703	GO:000392	GO:0005737	cytoplasm	5		
H20001176	H200011764	ENSG0000	NM_014463	27258	LSM3	LSM3 hom	GO:000028	GO:000372	GO:000093	3139	3448	1.10	0.14
AHsV1000	AHsV10000434	ENSG0000	NM_020750	57510	XPO5	exportin 5	GO:000661	GO:000004	GO:000563	476	432	0.91	-0.14
CHsGV100	CHsGV1000162	ENSG0000	XM_011535	57107	PDSS2	prenyl (dec	GO:000674	GO:000001	GO:000573	72	73	1.02	0.03
H20001901	H200019016	ENSG0000	NM_020368	57050	UTP3	UTP3, sma	GO:000046	GO:000551	GO:000563	1672	1158	0.69	-0.53
H20001662	H200016627	ENSG0000	XM_006720	56339	METTL3	methyltran	GO:000039	GO:000372	GO:000563	979	834	0.85	-0.23
AHsV1000	AHsV10000004	-	NM_001304	56244	BTNL2	butyrophilic	-	-	GO:001602	10	10	0.98	-0.02
H30002203	H300022039	ENSG0000	NM_018433	55818	KDM3A	lysine deme	GO:000166	GO:000097	GO:000563	674	638	0.95	-0.08
AHsV1000	AHsV10001525	ENSG0000	XM_011544	55790	CSGALNA3	chondroitin	GO:000195	GO:000837	GO:0000139	Golgi membrane,GO:0005622 intr			
H20000804	H200008041	ENSG0000	NM_015555	26036	ZNF451	zinc finger	GO:000635	GO:000110	GO:000563	436	445	1.02	0.03
H20000132	H200001324	ENSG0000	NM_015530	26003	GORASP2	golgi reasse	GO:000027	GO:000551	GO:000013	770	743	0.97	-0.05
CHsGV100	CHsGV1000363	-	NM_012476	25806	VAX2	ventral ant	GO:000012	GO:000116	GO:000563	67	67	1.00	0.00
AHsV1000	AHsV10002438	ENSG0000	NM_001139	25780	RASGRP3	RAS guany	GO:000016	GO:000487	GO:0005886	plasma m	5		
CHsGV100	CHsGV1000104	ENSG0000	NM_012429	23541	SEC14L2	SEC14 like	GO:000635	GO:000521	GO:000563	30	26	0.85	-0.23
AHsV1000	AHsV10001478	ENSG0000	NR_110835	23510	KCTD2	potassium	GO:005126	GO:003240	-	107	126	1.17	0.23
AHsV1000	AHsV10002994	ENSG0000	NM_001164	653857	ACTR3C	ARP3 activ	GO:000815	GO:000367	GO:000588	63	57	0.89	-0.17
CHsGV100	CHsGV1000177	ENSG0000	NM_001040	653319	KIAA0895L	KIAA0895-	-	-	-	44	48	1.08	0.11
H30002132	H300021329	ENSG0000	NM_024836	79894	ZNF672	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	204	169	0.83	-0.27
DHsGV100	DHsGV1000250	-	-	-	-	-	-	-	-	3			
AHsV1000	AHsV10002424	ENSG0000	XM_011516	169044	COL22A1	collagen ty	GO:003019	-	GO:0005576	extracellular region,GO:0005578 i			
AHsV1000	AHsV10000153	ENSG0000	NR_038352	167227	DCP2	decapping	GO:000018	GO:000372	GO:000093	171	218	1.28	0.35
CHsGV100	CHsGV1000314	ENSG0000	NM_152571	158055	C9orf163	chromosom	-	-	-				
CHsTV100	CHsTV1000010	ENSG0000	-	155400	NSUN5P1	NOP2/Sun	GO:003225	GO:000372	-	101	67	0.66	-0.60
H20000155	H200001556	-	NM_001113	149175	MANEAL	mannosidas	GO:000815	GO:001678	GO:000013	33	35	1.07	0.10
AHsV1000	AHsV10003148	ENSG0000	NM_152486	148398	SAMD11	sterile alph	GO:000012	GO:003209	GO:0005634	nucleus			
CHsGV100	CHsGV1000226	ENSG0000	XM_006718	143903	LAYN	layilin	-	GO:000554	GO:0001726	ruffle,GO:	11		
AHsV1000	AHsV10001498	ENSG0000	XM_011509	142683	ITLN2	intelectin 2	-	GO:003024	GO:0005576	extracellu	3		
CHsGV100	CHsGV100028	ENSG0000	XM_011542	79647	AKIRIN1	akirin 1	-	GO:000551	GO:000563	731	581	0.79	-0.33
CHsGV100	CHsGV1000303	ENSG0000	NM_001001	403239	OR2T27	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021 in			
AHsV1000	AHsV10000956	ENSG0000	XM_011538	401720	FIGNL2	fidgetin like	GO:001056	GO:000552	-				
DHsGV100	DHsGV1000288	-	-	-	-	-	-	-	-	9			
DHsGV100	DHsGV1000273	ENSG0000	-	-	AC011742	-	-	-	-	5	5	0.99	-0.01
H30000737	H300007372	ENSG0000	NM_194251	134391	GPR151	G protein-c	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021 in			
AHsV1000	AHsV10000446	ENSG0000	NM_001289	133482	SLCO6A1	solute carr	GO:004325	GO:001534	GO:0005887	integral component of plasma me			
CHsGV100	CHsGV1000320	ENSG0000	NM_001001	127077	OR2T11	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:000588	205	161	0.78	-0.35
AHsV1000	AHsV10002087	ENSG0000	XM_006711	126626	GABPB2	GA binding	GO:000635	GO:000551	GO:000563	14	36	2.55	1.35
CHsGV100	CHsGV1000267	ENSG0000	NM_001005	120793	OR56A4	olfactory re	GO:000726	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005887 in			
AHsV1000	AHsV10002666	ENSG0000	XR_945598	118924	FRA10AC1	fragile site,	-	GO:000551	GO:000563	309	475	1.54	0.62
AHsV1000	AHsV10000751	ENSG0000	XM_006721	114804	RNF157	ring finger	-	GO:000827	-	36	64	1.74	0.80
AHsV1000	AHsV10001207	ENSG0000	NM_052890	114770	PGLYRP2	peptidoglyc	GO:000151	GO:000827	GO:0005622	intracellul	4		
AHsV1000	AHsV10000947	ENSG0000	NM_001282	57823	SLAMF7	SLAM fami	GO:000225	-	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021 in			
AHsV1000	AHsV10000535	ENSG0000	-	653082	ZDHC11E	zinc finger,	GO:000815	GO:000827	GO:0016021	integral component of membrane			
DHsGV100	DHsGV1000216	ENSG0000	XM_011542	100996724	LOC100996	phosphodie	-	-	-	11	28	2.56	1.36
DHsGV100	DHsGV1000483	-	-	-	-	-	-	-	-				
AHsV1000	AHsV10002300	ENSG0000	XM_011522	645811	CCDC154	coiled-coil	-	-	GO:0005769	early endosome			
AHsV1000	AHsV10000951	ENSG0000	NM_001040	165679	SPTSSB	serine palm	GO:003014	GO:000475	GO:0016021	integral component of membrane			
AHsV1000	AHsV10001400	ENSG0000	NR_134519	164395	TTLL9	tubulin tyrc	GO:000646	GO:000552	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005874 microtubu			
AHsV1000	AHsV10001226	ENSG0000	NM_173516	154197	PNLDC1	PARN like,	-	GO:000367	GO:0005634	nucleus,GO:0016021 integral com			
CHsGV100	CHsGV1000132	ENSG0000	NM_001306	152789	JAKMIP1	janus kinas	GO:001503	GO:000372	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005874 microtubu			
AHsV1000	AHsV10002685	ENSG0000	NM_001301	147906	DACT3	dishevelled	GO:001071	GO:000508	GO:000573	51	53	1.04	0.06
AHsV1000	AHsV10001734	ENSG0000	XM_011524	147183	KRT25	keratin 25,	GO:000756	GO:000367	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005882 intermedi			
AHsV1000	AHsV10000331	ENSG0000	NM_144775	140775	SMCR8	Smith-Mag	-	-	GO:0005654	nucleopla	3		
AHsV1000	AHsV10000431	ENSG0000	NM_001204	140578	CHODL	chondrolec	GO:000751	GO:000554	GO:0005737	cytoplasm,GO:0016021 integral c			
H20000130	H200001302	ENSG0000	NR_047659	79582	SPAG16	sperm asso	GO:000728	GO:001990	GO:000563	21	41	1.99	1.00
DHsGV100	DHsGV1000507	ENSG0000	NM_001161	401387	LRRD1	leucine-ric	GO:000716	-	-				
AHsV1000	AHsV10001189	ENSG0000	NM_001242	54848	ARHGEF38	Rho guanin	GO:003502	GO:000508	GO:0005737	cytoplasm			
AHsV1000	AHsV10002868	ENSG0000	NM_001145	390980	ZNF805	zinc finger	GO:000635	GO:000097	GO:0005634	nucleus	13		
DHsGV100	DHsGV1000101	-	-	-	-	-	-	-	-	4			
AHsV1000	AHsV10002153	ENSG0000	NR_026699	132158	GLYCTK	glycerate k	GO:000646	GO:000551	GO:000573	26	39	1.48	0.57
CHsGV100	CHsGV1000334	ENSG0000	NM_144633	131096	KCNH8	potassium							

AHsV1000	AHsV10002564	ENSG0000	NM_033504	113452	TMEM54	transmemb	GO:000815	GO:000367	GO:000557	94	68	0.72	-0.48
CHsGV100	CHsGV100038	ENSG0000	XM_011509	112770	GLMP	glycosylate	GO:003052	GO:000370	GO:000563	76	62	0.82	-0.29
AHsV1000	AHsV10001844	ENSG0000	XM_011517	57704	GBA2	glucosidase	GO:000666	GO:000434	GO:000013	30	40	1.32	0.41
AHsV1000	AHsV10001989	ENSG0000	NR_103448	651302	ZNF192P1	zinc finger	-	-	-	32	60	1.85	0.89
H20000079	H200000794	ENSG0000	XM_005274	54663	WDR74	WD repeat	GO:000182	GO:000367	GO:000563	906	681	0.75	-0.41
AHsV1000	AHsV10001460	ENSG0000	NM_001080	645432	ARRDC5	arrestin do	-	-	-	-	-	-	-
H30001009	H300010091	ENSG0000	XM_011519	10944	C11orf58	chromosom	GO:000815	GO:000367	GO:000557	3916	3474	0.89	-0.17
CHsGV100	CHsGV1000238	ENSG0000	NM_001207	162968	ZNF497	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	13	20	1.57	0.65
H30000510	H300005105	ENSG0000	NR_028028	162073	ITPRIPL2	inositol 1,4	-	-	GO:001602	15	23	1.50	0.59
AHsV1000	AHsV10002258	ENSG0000	NM_144715	151651	EFHB	EF-hand do	-	GO:000550	-	-	9	-	-
AHsV1000	AHsV10002686	ENSG0000	NR_024526	151188	ARL6IP6	ADP ribosy	-	-	GO:001602	829	887	1.07	0.10
H30000130	H300001304	ENSG0000	NM_152460	146723	C17orf77	chromosom	-	-	GO:000576	extracellu	3	-	-
AHsV1000	AHsV10000460	ENSG0000	XM_011522	146206	RLTPR	RGD motif	GO:000716	GO:000554	GO:0001726	ruffle,GO:	8	-	-
AHsV1000	AHsV10001615	ENSG0000	NR_030774	139596	UPRT	uracil phos	GO:000620	GO:000484	GO:000563	342	330	0.96	-0.05
H30000441	H300004412	ENSG0000	NM_148178	138716	RPP25L	ribonucleas	-	GO:000551	GO:000563	505	379	0.75	-0.41
AHsV1000	AHsV10001060	ENSG0000	XM_005246	79180	EFHD2	EF-hand do	-	GO:000550	GO:004512	202	200	0.99	-0.02
AHsV1000	AHsV10000963	ENSG0000	NM_020459	400961	PAIP2B	poly(A) bin	GO:004594	GO:000090	GO:000573	15	15	0.98	-0.04
DHsGV100	DHsGV100047	ENSG0000	NM_001145	400713	ZNF880	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000562	intracellu	3	-	-
AHsV1000	AHsV10000870	ENSG0000	NM_001001	390075	OR52N5	olfactory re	GO:000716	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021 in	-	-	-
AHsV1000	AHsV10001229	ENSG0000	NR_102363	389690	MROH5	maestro he	-	-	-	-	4	-	-
CHsGV100	CHsGV100033	ENSG0000	NM_145260	130497	OSR1	odd-skippe	GO:000012	GO:000367	GO:000563	nucleus	4	-	-
CHsGV100	CHsGV100037	ENSG0000	NR_036556	129138	ANKRD54	ankyrin rep	GO:000691	GO:000551	GO:000563	52	45	0.87	-0.20
CHsGV100	CHsGV1000054	ENSG0000	NM_175575	124857	WFIKKN2	WAP, follist	GO:000150	GO:000486	GO:000557	225	172	0.77	-0.38
H30001747	H300017478	ENSG0000	XM_005255	124222	PAQR4	progesterin a	-	GO:000487	GO:001602	251	183	0.73	-0.46
AHsV1000	AHsV10001408	ENSG0000	NM_052960	116362	RBP7	retinol bind	GO:000681	GO:000521	GO:000573	cytoplasm	-	-	-
AHsV1000	AHsV10002852	ENSG0000	NM_052951	116092	DNTTIP1	deoxynucle	GO:000635	GO:000367	GO:000011	579	566	0.98	-0.03
CHsGV100	CHsGV1000392	ENSG0000	NR_037791	100529264	RAB4B-EC	RAB4B-EC	-	-	-	293	314	1.07	0.10
CHsGV100	CHsGV1000123	ENSG0000	NM_144579	94097	SFXN5	sideroflexin	GO:001574	GO:001513	GO:0005743	mitochond	7	-	-
H30001504	H300015048	ENSG0000	NM_020854	57614	KIAA1468	KIAA1468	-	-	-	39	44	1.12	0.16
DHsGV100	DHsGV1000484	ENSG0000	NM_001146	647309	GMNC	geminin co	GO:000627	GO:000368	GO:000563	nucleus	8	-	-
AHsV1000	AHsV10000032	ENSG0000	NM_001164	647024	C6orf132	chromosom	-	-	-	-	4	-	-
DHsGV100	DHsGV1000083	ENSG0000	XM_005277	100996721	LOC100996	protein FA	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000055	-	-	-	-	-	-	-	-	8	10	1.32	0.40
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_011520	160518	DENND5B	DENN dom	GO:004354	GO:000526	GO:001602	24	24	0.98	-0.03
CHsGV100	CHsGV1000169	ENSG0000	NM_001031	158787	RIBC1	RIB43A do	-	GO:000551	-	42	39	0.92	-0.11
AHsV1000	AHsV10000559	ENSG0000	NM_152513	150365	MEI1	meiotic do	GO:000712	-	GO:000562	cell	3	-	-
AHsV1000	AHsV10000168	ENSG0000	NM_144703	149986	LSM14B	LSM family	GO:000641	GO:004482	GO:003052	33	51	1.56	0.64
AHsV1000	AHsV10000920	ENSG0000	XM_011521	145748	LYSMD4	LysM doma	-	-	GO:001602	integral c	4	-	-
AHsV1000	AHsV10002365	ENSG0000	NM_144671	144717	FAM109A	family with	GO:000188	GO:000551	GO:000576	30	32	1.06	0.08
AHsV1000	AHsV10002327	ENSG0000	XM_011544	137970	UNC5D	unc-5 netr	GO:000691	-	GO:0005886	plasma m	3	-	-
AHsV1000	AHsV10002297	-	NM_178829	135927	C7orf34	chromosom	-	-	GO:000576	extracellu	3	-	-
AHsV1000	AHsV10003271	ENSG0000	NR_104019	79083	MLPH	melanophil	GO:000688	GO:000551	GO:003042	10	15	1.52	0.60
DHsGV100	DHsGV1000452	ENSG0000	NR_034095	400456	LINC01197	long interge	-	-	-	-	-	-	-
AHsV1000	AHsV10001857	ENSG0000	NM_001304	399818	METTL10	methyltran	GO:001802	GO:001627	GO:000573	46	62	1.34	0.42
AHsV1000	AHsV10001988	-	NM_001010	389396	GLYATL3	glycine-N	GO:000815	GO:004796	GO:0005739	mitochond	3	-	-
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	NM_001080	389207	GRXCR1	glutaredoxi	GO:000760	GO:000367	GO:0005902	microvillus,GO:0032420	stereocil	-	-
CHsGV100	CHsGV1000032	ENSG0000	NM_001004	128360	OR10T2	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021 in	-	-	-
H30000055	H300000552	ENSG0000	NM_152374	127703	C1orf216	chromosom	-	GO:000551	-	316	284	0.90	-0.16
H20000968	H200009683	ENSG0000	XM_011521	123169	LEO1	LEO1 hom	GO:000171	GO:000551	GO:000565	461	405	0.88	-0.19
AHsV1000	AHsV10001340	ENSG0000	XM_011537	121665	SPPL3	signal pept	GO:000650	GO:000551	GO:000579	103	103	1.00	0.01
AHsV1000	AHsV10002823	-	NM_145044	115560	ZNF501	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	5	18	3.46	1.79
AHsV1000	AHsV10002051	ENSG0000	NM_031908	114898	C1QTNF2	C1q and tu	GO:000018	GO:000510	GO:000558	24	25	1.05	0.07
AHsV1000	AHsV10002130	ENSG0000	NM_001290	93627	TBCK	TBC1 dom	GO:000646	GO:000467	-	105	111	1.06	0.08
AHsV1000	AHsV10001112	-	XM_011517	93100	NAPRT	nicotinate	GO:000676	GO:000451	GO:000563	167	134	0.80	-0.32
AHsV1000	AHsV10000888	ENSG0000	XM_011541	57540	DISP3	dispatched	GO:000722	GO:000367	GO:0005783	endoplasmic reticulum,GO:00160	-	-	-
H20001163	H200011634	-	NM_001317	11000	SLC27A3	solute carr	GO:000167	GO:000016	GO:001602	104	123	1.17	0.23
DHsGV100	DHsGV1000312	ENSG0000	NM_173600	283463	MUC19	mucin 19, d	GO:000649	-	GO:0005796	Golgi lumen,GO:0070062	extrace	-	-
DHsGV100	DHsGV1000123	-	-	-	-	-	-	-	-	4	8	1.96	0.97
DHsGV100	DHsGV1000433	-	-	-	-	-	-	-	-	-	8	-	-
DHsGV100	DHsGV1000040	ENSG0000	XR_943311	105378147	LOC105378	uncharacte	-	-	-	10	14	1.42	0.50
DHsGV100	DHsGV1000223	ENSG0000	-	653583	PHLDB3	pleckstrin P	-	GO:001989	-	-	7	-	-
DHsGV100	DHsGV1000384	-	-	-	-	-	-	-	-	364	293	0.80	-0.32
DHsGV100	DHsGV1000277	-	-	-	-	-	-	-	-	17	17	1.02	0.03
DHsGV100	DHsGV1000184	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000378	-	NG_032855	-	-	-	-	-	-	13	17	1.30	0.38
DHsGV100	DHsGV1000513	-	-	-	-	-	-	-	-	14	20	1.44	0.53
H30001075	H300010751	ENSG0000	NM_001198	728591	CCDC169	coiled-coil	-	-	-	100	82	0.82	-0.28
DHsGV100	DHsGV1000576	-	-	-	-	-	-	-	-	53	50	0.94	-0.08
H30002096	H300020962	ENSG0000	NM_000089	1278	COL1A2	collagen ty	GO:000150	GO:000520	GO:0005576	extracellular region,GO:0005584	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000156	-	-	-	-	-	-	-	-	19	19	0.99	-0.01
DHsGV100	DHsGV1000268	ENSG0000	-	1788	DNMT3A	DNA (cytos	GO:000012	GO:000367	GO:0000775	chromosome, centromeric region	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000323	ENSG0000	NG_034028	10520	ZNF211	zinc finger	GO:000635	GO:000097	GO:000563	nucleus	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000361	ENSG0000	XR_433219	101060429	LOC101060	polycystin	-	-	-	-	4	-	-
DHsGV100	DHsGV1000294	-	NG_007949	5376	PMP22	peripheral r	GO:000726	GO:000551	GO:000588	23	25	1.07	0.10
DHsGV100	DHsGV100003	ENSG0000	NM_001282	199990	FAAP20	Fanconi an	GO:000628	GO:000551	GO:000565	16	16	1.00	0.01
DHsGV100	DHsGV1000164	-	-	-	-	-	-	-	-	-	3	-	-
DHsGV100	DHsGV1000567	-	-	-	-	-	-	-	-	14	20	1.39	0.48
DHsGV100	DHsGV1000388	ENSG0000	-	-	KB-1639H	-	-	-	-	-	5	-	-
AHsV1000	AHsV10000407	ENSG0000	XM_011540	643418	LIPN	lipase famil	GO:001604	GO:001678	GO:0005576	extracellular region	-	-	-
CHsGV100	CHsGV1000240	ENSG0000	NM_001013	442444	FAM47C	family with	-	-	-	26	24	0.90	-0.16
DHsGV100	DHsGV1000080	-	NM_001135	441864	TARM1	T cell-inter	-	-	GO:001602	integral component of membrane	-	-	-
H30001942	H300019428	ENSG0000	XM_011538	55681	SCYL2	SCY1 like p	GO:000209	GO:000467	GO:000579	142	231	1.62	0.70
DHsGV100	DHsGV1000484	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000095	ENSG0000	NG_008005	189	AGXT	alanine-gly	GO:000721	GO:000476	GO:000575	117	92	0.79	-0.35
DHsGV100	DHsGV1000013	-	-	-	-	-	-	-	-	4	8	1.89	0.92
DHsGV100	DHsGV1000475	ENSG0000	-	10239	AP3S2	adaptor-re	GO:000688	GO:000856	GO:000579	4	11	2.49	1.32
DHsGV100	DHsGV1000258	-	NM_001190	63967	CLSPN	claspin	GO:000007	GO:000367	GO:000565	173	159	0.91	-0.13
DHsGV100	DHsGV1000037	ENSG0000	NM_021817	60484	HAPLN2	hyaluronan	GO:000150	GO:000554	GO:000557	9	12	1.37	0.46
DHsGV100	DHsGV1000412	ENSG0000	-	84911	ZNF382	zinc finger	GO:000012	GO:000370	GO:000563	12	14	1.21	0.27

H20001748	H200017484	ENSG0000	NM_016154	53916	RAB4B	RAB4B, me	GO:000726	GO:000367	GO:000588	89	127	1.42	0.51	
H20001391	H200013917	ENSG0000	XM_006717	5774	PTPN3	protein tyr	GO:000647	GO:000178	GO:000573	cytoplasm,GO:000585	6	6		
H30000361	H300003612	ENSG0000	XM_011516	653361	NCF1	neutrophil	GO:000187	GO:000551	GO:000582	104	80	0.77	-0.38	
H20000671	H200006717	ENSG0000	NM_018000	55686	MREG	melanoreg	GO:003031	-	GO:001632	40	20	0.51	-0.97	
H20001984	H200019845	ENSG0000	NM_001277	9456	HOMER1	homer scaf	GO:000300	GO:000551	GO:003001	414	454	1.10	0.13	
H20000159	H200001595	ENSG0000	NM_001184	3033	HADH	hydroxyacy	GO:000663	GO:000385	GO:000565	435	419	0.96	-0.05	
H30001998	H300019980	ENSG0000	NM_001290	1495	CTNNA1	catenin alp	GO:000154	GO:000519	GO:000166	252	236	0.94	-0.10	
H20000338	H200003385	ENSG0000	XM_011536	10038	PARP2	poly(ADP-r	GO:000627	GO:000367	GO:000563	525	488	0.93	-0.11	
H20001464	H200014649	ENSG0000	NM_001282	8940	TOP3B	topoisomer	GO:000626	GO:000367	GO:000079	318	353	1.11	0.15	
H20000421	H200004213	ENSG0000	NM_002516	4858	NOVA2	neuro-onc	-	GO:000372	GO:000563	63	59	0.94	-0.09	
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_005955	4520	MTF1	metal-regu	GO:000635	GO:000097	GO:000563	44	62	1.40	0.49	
H20001572	H200015722	ENSG0000	XM_006721	9423	MTN1	netrin 1	GO:000176	GO:000551	GO:000557	15	18	1.25	0.32	
H20001430	H200014301	ENSG0000	XM_011524	5539	PPY	pancreatic	GO:000223	GO:000166	GO:000557	19	21	1.11	0.15	
H20000349	H200003494	ENSG0000	NM_133642	9215	LARGE	like-glycos	GO:000604	GO:000837	GO:000579	Golgi appa	7			
H30002149	H300021498	ENSG0000	XM_011518	2902	GRIN1	glutamate i	GO:000016	GO:000497	GO:000578	endoplasm	12			
H20000028	H200000280	ENSG0000	NM_003125	6699	SPRR1B	small prolin	GO:000854	GO:000519	GO:000153	cornified	5			
H20001282	H200012828	ENSG0000	NM_001278	631	BFSP1	beaded fila	GO:000815	GO:000520	GO:000573	cytoplasm	16			
H30000215	H300002159	ENSG0000	XR_921733	11311	VPS45	vacuolar pr	GO:000688	GO:000367	GO:000013	387	393	1.02	0.02	
H20000699	H200006992	ENSG0000	NM_001318	55556	ENOSF1	enolase sur	GO:000906	GO:000028	GO:000557	3462	2056	0.59	-0.75	
H30002074	H300020748	ENSG0000	XM_005252	56904	SH3GLB2	-	-	GO:000551	GO:000563	52	45	0.86	-0.22	
H30001896	H300018968	ENSG0000	NM_001244	383	ARG1	arginase 1	GO:000005	GO:000405	GO:000565	extracellu	6			
H20000401	H200004010	ENSG0000	XM_006721	11232	POLG2	polymerase	GO:000170	GO:000367	GO:000026	447	346	0.77	-0.37	
H30000206	H300002066	ENSG0000	NM_183374	340665	CYP26C1	cytochrom	GO:000676	GO:000197	GO:000578	14	18	1.25	0.32	
H20001017	H200010174	ENSG0000	NM_006849	64714	PDIA2	protein dis	GO:000645	GO:000375	GO:000578	14	20	1.41	0.49	
H20001783	H200017836	ENSG0000	NM_020660	57369	GJD2	gap junctio	GO:000150	GO:000524	GO:000588	12	19	1.63	0.70	
H20001740	H200017406	ENSG0000	NM_016369	51208	CLDN18	claudin 18	GO:001633	GO:000519	GO:000588	18	20	1.10	0.13	
H20001512	H200015127	ENSG0000	NM_005400	5581	PRKCE	protein kin	GO:000228	GO:000378	GO:000563	nucleus,G	3			
H20000087	H200000877	ENSG0000	NM_001282	5358	PLS3	plastin 3	GO:004249	GO:000377	GO:000573	cytoplasm,GO:003242	20	stereocili		
H30002146	H300021463	ENSG0000	NM_024717	79772	MCTP1	multiple C2	GO:001972	GO:000550	GO:000578	endoplasmic reticulum,GO:00160				
H30001881	H300018819	ENSG0000	NM_001318	5602	MAPK10	mitogen-ac	GO:000018	GO:000470	GO:000565	nucleopla	4			
H30002018	H300020182	ENSG0000	XM_011524	2886	GRB7	growth fact	GO:000717	GO:000372	GO:000582	16	20	1.29	0.37	
H20001612	H200016121	ENSG0000	XM_005256	9340	GLP2R	glucagon-li	GO:000716	GO:000493	GO:000588	plasma m	3			
H20001195	H200011956	ENSG0000	XM_005255	1014	CDH16	cadherin 16	GO:000715	GO:000550	GO:001602	integral component of membrane				
H20000327	H200003273	ENSG0000	XM_006715	7942	TFEB	transcripti	GO:000189	GO:000370	GO:000563	nucleus,G	11			
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_005663	7469	NELFA	negative el	GO:000636	GO:000551	GO:000565	214	147	0.69	-0.54	
H20001951	H200019515	ENSG0000	XM_011516	3663	IRF5	interferon r	GO:000635	GO:000097	GO:000563	13	16	1.25	0.32	
H20000584	H200005841	ENSG0000	NR_073510	3175	ONECUT1	one cut ho	GO:000188	GO:000107	GO:000563	83	73	0.87	-0.20	
H30002145	H300021458	ENSG0000	NM_001311	2147	F2	coagulation	GO:000193	GO:000425	GO:000557	61	51	0.84	-0.25	
H30001228	H300012288	ENSG0000	NM_133263	133522	PPARGC1B	PPARG co	GO:000150	GO:000016	GO:000563	201	132	0.66	-0.61	
H20000474	H200004744	ENSG0000	NM_001206	10675	CSPG5	chondroitin	GO:000223	GO:000551	GO:000557	42	28	0.66	-0.60	
H20000495	H200004957	ENSG0000	NM_018663	5827	PXMP2	peroxisoma	GO:000815	GO:000551	GO:000573	389	336	0.86	-0.21	
H20000157	H200001579	ENSG0000	NM_020783	8860	SYT4	synaptotag	GO:000688	GO:000178	GO:000588	7	10	1.44	0.53	
H20001231	H200012311	ENSG0000	NM_000171	2741	GLRA1	glycine rec	GO:000150	GO:000551	GO:000578	5	18	3.92	1.97	
H20000468	H200004684	ENSG0000	NM_001271	54209	TREM2	triggering r	GO:000258	GO:000153	GO:000557	8	9	1.14	0.19	
H30000545	H300005455	ENSG0000	XM_005257	27346	TMEM97	transmemb	GO:000155	GO:000551	GO:000576	604	480	0.79	-0.33	
H20001138	H200011381	ENSG0000	XM_005274	8986	RPS6KA4	ribosomal p	GO:000181	GO:000028	GO:000563	46	45	0.98	-0.04	
H20000495	H200004952	ENSG0000	NM_004553	4726	NDUFS6	NADH:ubiq	GO:000612	GO:000813	GO:000574	3905	3421	0.88	-0.19	
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001289	3418	IDH2	isocitrate d	GO:000597	GO:000028	GO:000573	833	976	1.17	0.23	
H20000082	H200000824	ENSG0000	NM_001310	4240	MFGE8	milk fat glo	GO:000152	GO:000178	GO:000557	88	67	0.77	-0.38	
H30000690	H300006908	ENSG0000	NM_003757	8668	EIF3I	eukaryotic	GO:000173	GO:000374	GO:000582	4418	2947	0.67	-0.58	
H20000381	H200003810	ENSG0000	NM_139245	151742	PPM1L	protein pho	GO:000016	GO:000472	GO:000578	6	10	1.66	0.73	
H30000930	H300009304	ENSG0000	NM_133497	169522	KCNV2	potassium	GO:000726	GO:000525	GO:000588	6	16	2.61	1.38	
H20000809	H200008093	ENSG0000	XM_005252	5264	PHYH	phytanoyl-	GO:000156	GO:000551	GO:000573	62	88	1.41	0.49	
H30000944	H300009440	ENSG0000	NM_001039	245973	ATP6V1C2	ATPase H+	GO:000687	GO:000551	GO:000576	5585	3792	0.68	-0.56	
H20001757	H200017573	ENSG0000	NM_001130	64167	ERAP2	endoplasmic	GO:000225	GO:000417	GO:000578	18	34	1.85	0.89	
H20000605	H200006057	ENSG0000	NM_001079	3908	LAMA2	laminin sub	GO:000715	GO:000510	GO:000576	extracellu	3			
H30001525	H300015251	ENSG0000	XM_005251	26190	FBXW2	F-box and	GO:000646	GO:000484	GO:000573	263	230	0.88	-0.19	
H20000159	H200001598	ENSG0000	NM_001006	55914	ERBIN	erbB2 inter	GO:000660	GO:000510	GO:000560	632	707	1.12	0.16	
H30001990	H300019900	ENSG0000	NR_111983	841	CASP8	caspase 8	GO:000152	GO:000419	GO:000565	42	94	2.24	1.16	
H20001109	H200011097	ENSG0000	NM_005649	6940	ZNF354A	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	16	23	1.50	0.58	
H30000109	H300001094	ENSG0000	NM_005986	6656	SOX1	SRY-box 1	GO:000176	GO:000097	GO:000563	17	23	1.31	0.39	
H20002051	H200020519	ENSG0000	XM_011536	2287	FKBP3	FK506 bind	GO:000041	GO:000375	GO:000563	2001	1932	0.97	-0.05	
H20000108	H200001088	ENSG0000	NM_001358	1665	DEAH-box	-	GO:000639	GO:000372	GO:000563	2963	2504	0.85	-0.24	
H30000549	H300005494	ENSG0000	NM_003601	8467	SMARCA5	SWI/SNF r	GO:000628	GO:000367	GO:000079	601	647	1.08	0.11	
H20000800	H200008001	ENSG0000	NM_000937	5430	POLR2A	polymerase	GO:000039	GO:000105	GO:000097	812	619	0.76	-0.39	
H20001393	H200013932	ENSG0000	XM_011524	10237	SLC35B1	solute carr	GO:000681	GO:000545	GO:000578	1093	942	0.86	-0.21	
H20000580	H200005808	ENSG0000	NM_000774	1572	CYP2F1	cytochrom	GO:000680	GO:000449	GO:000578	44	48	1.10	0.13	
H20000507	H200005076	ENSG0000	XM_011521	1143	CHRNB4	cholinergic	GO:000150	GO:000488	GO:000588	10	16	1.55	0.63	
H20001815	H200018154	ENSG0000	NM_030773	81027	TUBB1	tubulin bet	GO:000645	GO:000392	GO:000573	20	13	0.62	-0.69	
H20000077	H200000778	ENSG0000	XM_005252	54662	TBC1D13	TBC1 dom	GO:004354	GO:000509	-	105	117	1.12	0.16	
H20000691	H200006914	ENSG0000	XM_011545	6809	STX3	syntaxin 3	GO:000688	GO:000014	GO:000577	1063	1260	1.18	0.24	
H20001119	H200011196	ENSG0000	XM_011534	55819	RNF130	ring finger	GO:000691	GO:000484	GO:000563	605	1161	1.92	0.94	
H30000319	H300003191	ENSG0000	NM_004374	1345	COX6C	cytochrom	GO:000609	GO:000412	GO:000573	6432	6333	0.98	-0.02	
H20001456	H200014560	ENSG0000	NM_001204	4718	NDUFC2	NADH:ubiq	GO:000612	GO:000813	GO:000573	104	141	1.36	0.44	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_014547	29766	TMOD3	tropomodul	GO:000693	GO:000377	GO:000586	148	167	1.13	0.17	
H20000842	H200008422	ENSG0000	XM_006718	254122	SNX2	sorting nex	GO:000689	GO:000551	GO:000576	6380	5125	0.80	-0.32	
H20001664	H200016645	ENSG0000	NM_172201	9992	KCNE2	potassium	GO:000756	GO:000524	GO:000576	11	16	1.49	0.58	
H20001231	H200012314	ENSG0000	NM_001127	3753	KCNE1	potassium	GO:000648	GO:000524	GO:000576	24	23	0.96	-0.06	
H20000176	H200001766	ENSG0000	NM_020190	56944	OLFML3	olfactomed	GO:000727	-	GO:190356	34	33	0.96	-0.07	
H20000175	H200001752	ENSG0000	NM_005009	4833	NME4	NME/NM23	GO:000616	GO:000455	GO:000573	602	443	0.74	-0.44	
H20000062	H200000623	ENSG0000	NM_014878	9933	PUM3	pumilio RN	GO:000641	GO:000367						

H20000272	H200002725	ENSG0000	NM_001301	79630	C1orf54	chromosom	-	-	GO:0005576	extracellu	16			
H20000422	H200004221	ENSG0000	XM_011538	25766	PRPF40B	pre-mRNA	GO:000039	GO:000372	GO:000568		38	37	0.96	-0.05
H20001084	H200010842	ENSG0000	XM_011519	26610	ELP4	elongator a	GO:000632	GO:000099	GO:000012		490	472	0.96	-0.06
H20000490	H200004901	ENSG0000	XM_011543	66036	MTMR9	myotubular	GO:005079	GO:000551	GO:000573		82	101	1.23	0.30
H20000457	H200004571	ENSG0000	XM_011545	84148	KAT8	lysine acet	GO:000632	GO:000440	GO:000012		347	390	1.12	0.17
H20001802	H200018027	ENSG0000	NM_001004	126370	OR1I1	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:000588		24	24	1.00	0.00
H20000080	H200000801	ENSG0000	NM_019095	54675	CRLS1	cardiolipin	GO:000664	GO:000880	GO:000573		1003	833	0.83	-0.27
H20000485	H200004856	ENSG0000	NM_001146	83666	PARP9	poly(ADP-r	GO:000630	GO:000395	GO:000563		24	34	1.45	0.53
H20001141	H200011417	ENSG0000	NM_022830	64852	TUT1	terminal ur	GO:000637	GO:000372	GO:000563		51	56	1.10	0.14
H20002056	H200020568	ENSG0000	NM_144663	143501	C11orf40	chromosom	-	-	-		10	11	1.04	0.06
H20000264	H200002648	ENSG0000	NM_017886	54986	ULK4	unc-51 like	GO:000022	GO:000467	-		56	49	0.87	-0.21
H20000173	H200001736	ENSG0000	NM_001303	3396	ICT1	immature c	GO:000699	GO:000404	GO:000573		1097	1080	0.99	-0.02
H20001701	H200017018	ENSG0000	NM_016183	51154	MRT04	MRT4 hom	GO:004225	GO:000551	GO:000563		3304	2222	0.67	-0.57
H20001282	H200012826	ENSG0000	NM_012464	7092	TLL1	tolloid like	GO:000150	GO:000422	GO:0005576	extracellu	4			
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_198184	344901	OSTN	osteocrin	GO:000150	GO:000517	GO:0005615	extracellu	3			
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_178172	338328	GPIHBP1	glycosylphd	GO:000686	GO:000803	GO:000562		59	49	0.83	-0.28
H30000796	H300007969	ENSG0000	NM_152585	159163	RBM1Y1F	RNA bindin	GO:000639	GO:000016	GO:0005575	cellular_cd	3			
H30002091	H300020913	ENSG0000	NR_047515	150159	SLC9B1	solute carr	GO:003422	GO:001529	GO:000588		11	15	1.32	0.40
H30001953	H300019537	ENSG0000	XM_006719	114882	OSBPL8	oxysterol b	GO:001089	GO:000178	GO:000578		99	103	1.04	0.05
H20000506	H200005067	ENSG0000	NM_145167	93183	PIGM	phosphatid	GO:000650	GO:001675	GO:000578		250	239	0.96	-0.07
H20001350	H200013503	ENSG0000	NM_005513	2960	GTF2E1	general tra	GO:000635	GO:000551	GO:000563		106	114	1.08	0.11
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_006802	10946	SF3A3	splicing fac	GO:000037	GO:000372	GO:000565		4073	2812	0.69	-0.53
H20000748	H200007488	ENSG0000	NM_198265	23626	SPO11	SPO11 me	GO:000073	GO:000367	GO:0000781	chromosome, telomeric region,GO				
H20001700	H200017009	ENSG0000	NM_001135	55124	PIWL2	piwi-like R	GO:000096	GO:000372	GO:000573		12	19	1.54	0.62
H20000964	H200009646	ENSG0000	XM_011523	6477	SIAH1	siah E3 ubi	GO:000651	GO:000484	GO:000563		264	244	0.92	-0.11
H20001334	H200013349	ENSG0000	XM_011542	8458	TF2F	transcripti	GO:000635	GO:000367	GO:000568		148	194	1.31	0.39
H20001482	H200014820	ENSG0000	NM_005224	1820	ARID3A	AT-rich int	GO:000636	GO:000097	GO:000565		370	297	0.80	-0.31
H20001344	H200013444	ENSG0000	XM_006721	26151	NAT9	N-acetyltra	GO:000647	GO:000551	GO:004323		173	139	0.80	-0.32
H20000129	H200001296	ENSG0000	NM_001144	10900	RUNDC3A	RUN domai	GO:000726	GO:000551	GO:0005829	cytosol,GO:0005886	plasma mem			
H20001367	H200013676	ENSG0000	XM_011523	55815	TSNAXIP1	translin-as	GO:000727	GO:000367	GO:0005575	cellular_cd	3			
H20001381	H200013811	ENSG0000	NM_003069	6594	SMARCA1	SWI/SNF r	GO:000073	GO:000367	GO:000563		24	24	1.03	0.04
H20001195	H200011950	ENSG0000	XM_011522	7760	ZNF213	zinc finger	GO:000635	GO:000370	GO:000563		9	22	2.51	1.33
H20001278	H200012783	ENSG0000	NM_001169	139212	PIH1D3	PIH1 doma	GO:003031	GO:000551	GO:0005737	cytoplasm				
H30000230	H300002301	ENSG0000	XM_005244	57801	HES4	hes family	GO:000635	GO:000367	GO:000563		159	89	0.56	-0.84
H20001561	H200015612	ENSG0000	XM_006720	55775	TDP1	tyrosyl-DN	GO:000001	GO:000369	GO:000563		493	418	0.85	-0.24
H20000130	H200001307	ENSG0000	NR_015433	93622	LOC93622	Morf4 famil	GO:000828	GO:000551	-		740	741	1.00	0.00
H20000328	H200003289	ENSG0000	XM_005268	121274	ZNF641	zinc finger	GO:000635	GO:000098	GO:000563		20	46	2.26	1.18
H20000718	H200007184	ENSG0000	XM_011518	51450	PRRX2	paired relat	GO:000205	GO:000370	GO:000563		13	17	1.32	0.40
H20001028	H200010289	ENSG0000	NM_018132	55166	CENPQ	centromere	GO:000027	-	GO:000077		435	375	0.86	-0.21
H20001543	H200015432	ENSG0000	NM_017659	54814	QPCTL	glutaminyl-	GO:001718	GO:000827	GO:000013		23	29	1.27	0.34
H30000842	H300008428	ENSG0000	NM_207352	285440	CYP4V2	cytochrom	GO:000152	GO:000449	GO:000578		14	25	1.78	0.83
H30000732	H300007328	ENSG0000	XM_005271	283149	BCL9L	B-cell CLL	GO:000635	GO:000371	GO:000563		37	46	1.26	0.33
H30000957	H300009577	ENSG0000	NM_130388	142689	ASB12	ankyrin rep	GO:001656	-	GO:000562		26	27	1.02	0.03
H30000478	H300004784	-	-	-	-	-	-	-	-		10	16	1.56	0.64
H30001380	H300013807	ENSG0000	NM_001077	90161	HS6ST2	heparan su	GO:000597	GO:001709	GO:0000139	Golgi men	10			
H20000962	H200009623	ENSG0000	XM_005257	84951	TNS4	tensin 4	GO:000691	GO:000377	GO:000573		68	58	0.85	-0.23
H20000536	H200005368	ENSG0000	NM_015425	25885	POLR1A	polymerase	GO:000636	GO:000105	GO:000563		128	104	0.81	-0.30
H20002029	H200020294	ENSG0000	NM_001307	89777	SERPINB1	serpin pept	GO:000224	GO:000486	GO:000561		9	17	1.87	0.90
H20000314	H200003149	ENSG0000	NM_033426	85457	CIPC	LOCK-int	GO:000635	GO:000551	GO:000563		171	150	0.88	-0.19
H20000264	H200002645	ENSG0000	XM_011518	7633	ZNF79	zinc finger	GO:000635	GO:000097	GO:000563		27	28	1.03	0.04
H20000809	H200008099	ENSG0000	NM_001202	100529215	ZNF559-Z1	ZNF559-Z1	GO:000012	GO:000367	GO:000563		5	18	3.32	1.73
H20001695	H200016951	ENSG0000	NM_017759	54891	INO80D	INO80 com	GO:000628	-	GO:000563		4	12	2.81	1.49
H20000588	H200005889	ENSG0000	NM_172348	3565	IL4	interleukin	GO:000177	GO:000512	GO:000561		7	11	1.67	0.74
H20000701	H200007017	ENSG0000	NM_020192	57002	YAE1D1	Yae1 doma	-	-	-		271	209	0.77	-0.38
H20001287	H200012879	ENSG0000	NM_015073	23094	SIPA1L3	signal-indu	GO:000165	GO:000509	GO:0001725	stress fib	8			
H20000867	H200008679	ENSG0000	NM_033409	113278	SLC52A3	solute carr	GO:000676	GO:003221	GO:000588		6	8	1.52	0.60
H20001487	H200014873	ENSG0000	NM_001283	55195	C14orf105	chromosom	-	-	-			5		
H20001227	H200012270	ENSG0000	XM_011523	55421	NCBP3	nuclear cap	GO:000637	GO:000016	GO:000563		139	143	1.03	0.04
H20000370	H200003700	ENSG0000	NM_033070	27440	CECR5	cat eye syr	GO:004647	-	GO:000573		325	191	0.59	-0.76
H20000829	H200008294	ENSG0000	NM_016047	51639	SF3B6	splicing fac	GO:000039	GO:000016	GO:000565		3690	3774	1.02	0.03
H20000561	H200005613	ENSG0000	XM_006719	29843	SENP1	SUMO1/se	GO:000650	GO:000417	GO:000563		172	227	1.32	0.40
H20000654	H200006548	ENSG0000	XM_011540	7580	ZNF32	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563		235	239	1.02	0.03
H20001319	H200013197	ENSG0000	XM_011544	219539	YPEL4	yippee like	-	-	GO:0005730	nucleolus				
H20000532	H200005320	ENSG0000	NM_024310	79156	PLEKHF1	pleckstrin P	GO:000691	GO:000551	GO:000563		109	167	1.54	0.62
H20000641	H200006411	ENSG0000	XM_011523	1352	COX10	COX10 her	GO:000026	GO:000412	GO:000573		100	96	0.96	-0.05
H20001449	H200014494	ENSG0000	NM_033125	85413	SLC22A16	solute carr	GO:000727	GO:000527	GO:0005886	plasma m	12			
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001001	255022	CALHM1	calcium ho	GO:000681	GO:000522	GO:000578		8	15	1.74	0.80
H30001172	H300011723	ENSG0000	NM_153699	221357	GSTA5	glutathione	GO:000674	GO:000436	GO:000573		6	14	2.34	1.23
H30002028	H300020283	ENSG0000	NM_001301	131965	METTL6	methyltran	GO:003225	GO:000816	-		348	303	0.87	-0.20
H30001008	H300010084	-	NM_178820	126433	FBXO27	F-box prot	-	GO:000194	GO:001900		55	60	1.09	0.12
H20001029	H200010298	ENSG0000	NM_032485	84515	MCM8	minichromd	GO:000008	GO:000367	GO:000563		470	521	1.11	0.15
H20001071	H200010710	ENSG0000	XM_005267	84085	FBXO30	F-box prot	GO:001656	GO:000827	-		466	507	1.09	0.12
H20000528	H200005289	ENSG0000	XM_011522	54715	RBFOX1	RNA bindin	GO:000038	GO:000016	GO:000563		18	25	1.36	0.44
H30001944	H300019440	ENSG0000	NM_006547	10643	IGF2BP3	insulin like	GO:000641	GO:000016	GO:000563		177	216	1.22	0.29
H20000963	H200009630	ENSG0000	NM_001271	84450	ZNF512	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563		360	270	0.75	-0.42
H20001281	H200012814	ENSG0000	NM_001042	84281	C2orf88	chromosom	-	GO:000551	GO:000565		798	434	0.54	-0.88
H20000360	H200003601	ENSG0000	XM_011537	90668	LRRC16B	leucine ric	-	-	GO:000573		80	66	0.83	-0.26
H20000385	H200003850	ENSG0000	NM_016640	10884	MRRS30	mitochondr	GO:000691	GO:000373	GO:000574		1751	1198	0.68	-0.55
H20000579	H200005791	ENSG0000	NM_138571	135114	HINT3	histidine tr	GO:000815	GO:000016	GO:000563		148	226	1.53	0.62
H20001619	H200016193	ENSG0000	NM_199202	51298	THEG	theg sperm	GO:000727	GO:000551	GO:0005634	nucleus	4			

H20000693	H200006930	ENSG0000	XM_011539	23172	FAM175B	family with	GO:000027	GO:000801	GO:000573	202	229	1.14	0.18
H30000353	H300003530	ENSG0000	XM_011517	392255	GDF6	growth diff	GO:000691	GO:000512	GO:000561	10	16	1.58	0.66
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_198697	386683	KRTAP12	keratin ass	-	-	GO:004509	492	385	0.78	-0.35
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_006722	201475	RAB12	RAB12, me	GO:000691	GO:000552	GO:000013	8	14	1.81	0.86
H30001377	H300013776	ENSG0000	XM_011516	169166	SNX31	sorting nex	GO:000688	GO:000551	GO:000576	35	35	1.00	0.00
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_011536	122622	ADSSL1	adenylosuc	GO:000237	GO:000028	GO:000573	90	127	1.41	0.49
H20001257	H200012572	-	XM_005252	116969	ART5	ADP-ribos	GO:000647	GO:000395	GO:000557	15	11	0.74	-0.43
H20000543	H200005435	ENSG0000	NM_030916	81607	NECTIN4	nectin cell	GO:000715	GO:000161	GO:000588	158	140	0.88	-0.18
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_025107	80177	MYCT1	myc target	-	-	GO:000563	11	16	1.42	0.51
H30000845	H300008454	ENSG0000	NM_001282	9232	PTTG1	pituitary tu	GO:000027	GO:000370	GO:000563	3153	3139	1.00	-0.01
H20000347	H200003471	ENSG0000	NM_012479	7532	YWHAG	tyrosine 3-	GO:000008	GO:000508	GO:000573	1617	1400	0.87	-0.21
H30000157	H300001575	-	NR_026965	121952	METTL21E	methyltran	GO:003225	GO:000816	-	-	4	-	-
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NR_037874	11244	ZHX1	zinc finger	GO:000012	GO:000367	GO:000563	258	262	1.02	0.02
H30001019	H300010199	ENSG0000	NM_020390	56648	EIF5A2	eukaryotic	GO:000645	GO:000374	GO:000564	164	159	0.97	-0.05
H30000439	H300004397	ENSG0000	-	-	RP11-791C	-	-	-	-	2378	2545	1.07	0.10
H30001647	H300016473	ENSG0000	NR_111980	653121	ZBTB8A	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000557	11	17	1.48	0.57
H30000838	H300008386	ENSG0000	NM_007113	7062	TCHH	trichohyalin	GO:000815	GO:000550	GO:000585	54	53	0.98	-0.03
H30002056	H300020569	ENSG0000	NM_025265	80746	TSEN2	tRNA splic	GO:000037	GO:000021	GO:000021	348	295	0.85	-0.24
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_138459	116150	NUS1	NUS1 dehy	GO:000152	GO:000367	GO:000578	733	666	0.91	-0.14
H20000306	H200003069	ENSG0000	XM_011545	3995	FADS3	fatty acid d	GO:000663	GO:000367	GO:000578	672	529	0.79	-0.34
H20001957	H200019571	ENSG0000	NR_037801	90589	ZNF625	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634 nucleus	-	7	-	-
H20000535	H200005352	ENSG0000	XM_011518	27433	TOR2A	torsin famil	GO:005108	GO:000517	GO:000557	138	120	0.87	-0.20
H20000254	H200002547	-	NM_133344	5884	RAD17	RAD17 che	GO:000007	GO:000368	GO:000078	420	385	0.92	-0.13
H20001066	H200010660	ENSG0000	NM_001278	51715	RAB23	RAB23, me	GO:000004	GO:000392	GO:000573	127	122	0.96	-0.06
H30000537	H300005374	ENSG0000	XM_011542	219854	TMEM218	transmemb	-	GO:000551	GO:001602	312	233	0.75	-0.42
H30002044	H300020440	ENSG0000	NM_080866	114571	SLC22A9	solute carr	GO:000991	GO:000545	GO:000588	15	19	1.27	0.34
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_005265	153830	RNF145	ring finger	GO:000020	GO:000827	GO:001602	153	306	2.00	1.00
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_033122	85438	CABS1	calcium bin	GO:000728	GO:000550	GO:0005743 mitochondrial inner membrane,GO	-	-	-	-
H30002017	H300020175	ENSG0000	XM_011524	22994	CEP131	centrosoma	GO:000008	GO:000367	GO:000166	68	73	1.08	0.11
H30000124	H300001243	ENSG0000	XM_011545	1039	CDR2	cerebellar c	-	GO:000367	GO:000573	145	104	0.72	-0.48
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_002648	5292	PIM1	Pim-1 prot	GO:000646	GO:000467	GO:000563	1490	1630	1.09	0.13
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_004180	10010	TANK	TRAF famil	GO:000222	GO:000551	GO:000573	228	266	1.17	0.22
H20001763	H200017634	ENSG0000	NM_018958	23742	NPAP1	nuclear por	GO:000727	GO:000367	GO:000563	16	20	1.20	0.27
H20001467	H200014679	ENSG0000	NM_007374	4990	SIX6	SIX homeo	GO:000636	GO:000120	GO:0005634 nucleus	-	3	-	-
H20000822	H200008229	ENSG0000	NR_027107	90768	LOC90768	uncharacte	-	-	-	-	-	-	-
H20002069	H200020690	ENSG0000	NM_173699	286514	MAGEB18	MAGE fami	-	GO:000551	GO:0005737 cytoplasm	-	3	-	-
H20000414	H200004146	ENSG0000	XM_011545	57571	CARNS1	carosine s	GO:000654	GO:000552	GO:0005575 cellular cc	-	5	-	-
H30002096	H300020966	ENSG0000	XR_928762	157869	SBSPON	somatomed	GO:000689	GO:000504	GO:000557	111	81	0.73	-0.45
H30000810	H300008105	ENSG0000	XM_011515	219557	C7orf62	chromosom	-	-	-	8	11	1.39	0.47
H30001019	H300010195	ENSG0000	NM_001258	90557	CCDC74A	coiled-coil	-	-	-	119	86	0.72	-0.47
H30002082	H300020828	ENSG0000	XM_011509	10380	BPNT1	3'(2'), 5'-bi	GO:000613	GO:000028	GO:000573	203	159	0.78	-0.35
H30002069	H300020694	ENSG0000	NM_004106	2207	FCER1G	Fc fragmen	GO:000179	GO:000551	GO:000588	25	27	1.11	0.15
H30000722	H300007228	ENSG0000	XM_011541	55113	XKR8	XK related	GO:004365	-	GO:000588	9	14	1.67	0.74
H30001021	H300010219	ENSG0000	XM_011538	283349	RASSF3	Ras associ	GO:000716	GO:000551	GO:0005737 cytoplasm,GO:0005874 microtubu	-	-	-	-
H30000985	H300009857	ENSG0000	NM_001178	285313	IGSF10	immunoglob	GO:000150	-	GO:000557	12	17	1.38	0.47
H20000276	H200002761	ENSG0000	NM_020808	57568	SIPA1L2	signal-indu	GO:004354	GO:000509	-	-	-	-	-
H20001257	H200012575	ENSG0000	XM_006715	100316904	SAP25	Sin3A asso	GO:000635	-	GO:000563	83	92	1.10	0.13
H20000681	H200006814	ENSG0000	XM_005249	79034	C7orf26	chromosom	-	-	-	445	378	0.85	-0.23
H20000955	H200009556	ENSG0000	NM_033068	93650	AAPT	acid phosph	GO:001631	GO:000399	GO:0016021 integral c	-	5	-	-
H20001205	H200012051	ENSG0000	NM_015088	23112	TNRC6B	trinucleotid	GO:000641	GO:000016	GO:000093	24	43	1.83	0.87
H30002042	H300020429	ENSG0000	NM_015423	60496	AASDHPP	aminoadipa	GO:000676	GO:000028	GO:000582	1099	906	0.82	-0.28
H30000006	H300000067	ENSG0000	NR_026712	728658	RPL13AP5	ribosomal p	-	-	-	37797	24876	0.66	-0.60
H30000165	H300001655	-	NR_028475	115286	SLC25A26	solute carr	GO:000641	GO:000009	GO:000573	285	225	0.79	-0.34
H30000329	H300003298	ENSG0000	NM_205767	125988	C19orf70	chromosom	GO:004240	-	GO:000574	1169	751	0.64	-0.64
H30000694	H300006943	ENSG0000	XM_005267	122953	JDP2	Jun dimeriz	GO:000012	GO:000097	GO:000563	75	295	3.91	1.97
H30002212	H300022125	ENSG0000	NM_022916	65082	VPS33A	VPS33A, C	GO:000690	GO:000551	GO:000576	239	178	0.74	-0.43
opHsV0400	opHsV0400008	ENSG0000	NM_025190	57730	ANKRD36B	ankyrin rep	-	GO:000551	-	110	85	0.77	-0.37
H30000349	H300003490	ENSG0000	NM_001965	1961	EGR4	early growt	GO:000635	GO:000367	GO:0005634 nucleus	-	-	-	-
H20002127	H200021274	-	NM_153444	120065	OR5P2	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886 plasma membrane,GO:0016021 in	-	-	-	-
H20001704	H200017046	ENSG0000	NM_018086	55137	FIGN	fidgetin	GO:000706	GO:000552	GO:0005737 cytoplasm	-	4	-	-
H20000320	H200003206	ENSG0000	NM_024591	79643	CHMP6	charged mu	GO:000092	GO:000551	GO:000081	33	34	1.03	0.05
H20002067	H200020678	ENSG0000	XR_949858	254187	TRGA10IP	testis spec	-	GO:000551	-	-	8	-	-
H20000414	H200004148	ENSG0000	NM_032479	64979	MRPL36	mitochondr	GO:000641	GO:000373	GO:000574	1350	790	0.59	-0.77
H30000559	H300005599	ENSG0000	XM_011534	153222	CREBRF	CREB3 reg	GO:000012	GO:000370	GO:000565	17	33	1.97	0.98
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NR_126060	256987	SERINC5	serine inco	GO:000665	GO:001519	GO:000579	12	21	1.81	0.86
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NR_027962	127253	TYW3	tRNA-yW s	GO:000640	GO:000816	-	251	274	1.09	0.13
H30000772	H300007726	ENSG0000	-	401827	MSLNL	mesothelin	GO:000716	-	GO:000998	20	24	1.24	0.31
H30000568	H300005682	ENSG0000	NM_152406	134265	AFAP1L1	actin filame	-	GO:000551	GO:0002102 podosome	-	3	-	-
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	441432	AQP7P3	aquaporin	GO:000683	GO:001520	GO:0016021 integral c	-	4	-	-
H30000497	H300004974	ENSG0000	NM_032504	285175	UNC80	unc-80 hor	GO:003422	-	GO:0005886 plasma m	-	6	-	-
H30000188	H300001883	ENSG0000	NM_001286	374618	TEX9	testis expr	-	-	-	-	3	-	-
H20000761	H200007612	ENSG0000	XM_011537	153768	PRELID2	PRELI dom	GO:001591	GO:199005	GO:000575	182	179	0.98	-0.02
H20001615	H200016158	ENSG0000	XM_011534	169270	ZNF596	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	9	21	2.42	1.27
H20001273	H200012738	ENSG0000	XR_947855	54766	BTG4	BTG family	GO:000705	-	GO:0005575 cellular component	-	-	-	-
H20000146	H200001462	ENSG0000	NM_001009	91298	C12orf29	chromosom	GO:000224	-	-	542	346	0.64	-0.65
H20000261	H200002612	ENSG0000	XM_011522	55692	LUC7L	LUC7-like	GO:000637	GO:000372	GO:000568	641	544	0.85	-0.24
H30000328	H300003287	ENSG0000	NM_001001	392391	OR5C1	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886 plasma m	-	11	-	-
H30000955	H300009556	ENSG0000	NM_178471	139760	GPRI19	G protein-c	GO:000718	GO:000493	GO:000588	14	16	1.17	0.23
H30002025	H300020256	ENSG0000	NR_122106	51057	WDPCP	WD repeat	GO:000182	-	GO:000585	24	38	1.61	0.69
H30002023	H300020230	ENSG0000	NM_001301	51686	OAZ3	ornithine d	GO:000652	GO:000551	GO:0005634 nucleus,G	-	8	-	-
H30000914	H300009140	ENSG0000	XM_011538	8499	PPFIA2	PTPRF inte	GO:000716	GO:000551	GO:0005737 cytoplasm,GO:0005829 cytosol,G	-	-	-	-
H30001990	H300019905	ENSG0000	NM_001258	51138	COPS4	COP9 signa	GO:000033	GO:000551	GO:000563	1320	1056	0.80	-0.32
H30000285	H300002856	ENSG0000	NM_001942	1828	DSG1	desmoglein	GO:000691	GO:000550	GO:0005829 cytosol,G	-	10	-	-
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000</											

H30000783	H300007836	ENSG0000	NM_152778	256471	MFSDB	major facilitator	GO:000704	-	GO:000565	188	182	0.96	-0.05
opHsV0400	opHsV0400000	-	-	-	-	-	-	-	-	4	18	4.01	2.00
H30000494	H300004947	ENSG0000	NM_001270	126119	JOSD2	Josephin domain	GO:001657	GO:000484	GO:000582	106	96	0.91	-0.14
H30000697	H300006976	ENSG0000	NM_152464	147007	TMEM199	transmembrane	-	GO:000551	GO:001602	445	337	0.76	-0.40
H30000162	H300001624	ENSG0000	NM_130900	154064	RAET1L	retinoic acid inducible	GO:001988	GO:000382	GO:0005886 plasma membrane	6			
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_002356	4082	MARCKS	myristoylated	GO:000322	GO:000178	GO:000152	47	52	1.11	0.14
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_152546	153443	SRFBP1	serum response factor	GO:000635	GO:004482	GO:000563	398	319	0.80	-0.32
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_182500	130813	C2orf50	chromosome 2 open reading frame 50	-	GO:000551	-	4	11	2.83	1.50
H20000856	H200008569	ENSG0000	NM_139323	7529	YWHAB	tyrosine 3-phosphoinositide dependent kinase-1	GO:000016	GO:000371	GO:000563	2038	1740	0.85	-0.23
H20000537	H200005376	ENSG0000	XM_005271	64789	EXO5	exonuclease 5	GO:003629	GO:000367	GO:000563	32	24	0.77	-0.38
H20000873	H200008731	ENSG0000	XM_011516	65999	LRR61	leucine rich repeat	-	-	-	99	65	0.66	-0.61
H20001470	H200014703	ENSG0000	NM_001316	84878	ZBTB45	zinc finger BTB domain containing 45	GO:000635	GO:000367	GO:000563	105	106	1.01	0.01
H20001804	H200018049	ENSG0000	NM_206923	404281	YY2	YY2 transcription factor	GO:000635	GO:000367	GO:000563	37	45	1.23	0.30
H30001747	H300017479	ENSG0000	NM_001287	168374	ZNF92	zinc finger protein 92	GO:000635	GO:000097	GO:000563	200	239	1.19	0.25
H30000128	H300001285	ENSG0000	NM_182539	202500	TCTE1	T-cell complex 1	-	-	-	7	13	1.85	0.89
H30000902	H300009026	ENSG0000	NM_152369	126969	SLC44A3	solute carrier family 44 subfamily A member 3	GO:000664	GO:000551	GO:0005886 plasma membrane	6			
H30000364	H300003647	-	NR_003061	79166	LILRP2	leukocyte lipocalin 2	-	-	-	4	12	2.91	1.54
H30000191	H300001915	ENSG0000	NM_001199	79172	CENPO	centromere protein O	GO:000027	GO:000551	GO:000077	89	74	0.84	-0.26
H30001949	H300019495	ENSG0000	NM_001271	58472	SQRDL	sulfide quinone reductase like	GO:000009	GO:004803	GO:0005743 mitochondrion	6			
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001731	694	BTG1	B-cell transmembrane protein 1	GO:000635	GO:000371	GO:000563	548	579	1.06	0.08
H30001933	H300019331	ENSG0000	XM_005266	23111	SPG20	spastic paraparesis 20	GO:000983	GO:000551	GO:000573	448	436	0.97	-0.04
H20000841	H200008414	ENSG0000	NM_017924	55017	C14orf119	chromosome 14 open reading frame 119	-	-	GO:0005739 mitochondrion	10			
H20001522	H200015225	ENSG0000	NM_018143	55175	KLHL11	kelch like family 11	-	-	-	10	22	2.10	1.07
H20000694	H200006944	ENSG0000	NM_013301	29903	CCDC106	coiled-coil domain containing 106	-	GO:000551	GO:000565	196	175	0.89	-0.17
H20001199	H200011990	ENSG0000	NM_001293	26579	MYEOV	myeloma overexpression variant	-	-	-	78	54	0.69	-0.54
H20001612	H200016127	ENSG0000	NM_006651	10815	CPLX1	complexin 1	GO:000688	GO:000532	GO:000582	19	16	0.82	-0.28
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_006717	23268	DNMBP	dynamamin binding protein	GO:003502	GO:000508	GO:000579	19	36	1.93	0.95
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NR_046423	27349	MCAT	malonyl-CoA transcarboxylase	GO:000663	GO:000431	GO:000573	257	152	0.59	-0.76
H30001983	H300019839	ENSG0000	NM_001282	51430	SUCO	SUN domain containing	GO:000150	-	GO:000579	71	150	2.13	1.09
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XM_011540	9886	RHOBTB1	Rho related BTB domain containing 1	GO:000726	GO:000552	GO:000582	52	69	1.35	0.43
H30000939	H300009391	ENSG0000	XM_011535	154215	NKAIN2	Na ⁺ /K ⁺ transport ATPase interacting protein 2	GO:000202	-	GO:0005886 plasma membrane,GO:0016021 integral component of membrane				
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_005257	284098	PIGW	phosphatidylinositol 3-kinase gamma	GO:000650	GO:001674	GO:000578	520	510	0.98	-0.03
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001013	389151	PRR23B	proline rich repeat 23B	-	-	-	4			
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001014	388581	FAM132A	family with sequence similarity 132 member A	GO:003577	GO:000517	GO:000557	54	48	0.88	-0.19
opHsV0400	opHsV0400001	-	NR_103558	641384	TMEM75	transmembrane protein 75	-	-	GO:001602	8	11	1.38	0.46
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001297	202243	CCDC125	coiled-coil domain containing 125	-	-	GO:000573	54	71	1.32	0.40
H30002116	H300021163	ENSG0000	XM_006718	116085	SLC22A12	solute carrier family 22 subfamily A member 12	GO:001574	GO:000545	GO:000588	109	105	0.97	-0.05
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_206895	389084	C2orf82	chromosome 2 open reading frame 82	-	-	GO:001602	28	27	0.94	-0.08
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NR_030722	90736	FAM104B	family with sequence similarity 104 member B	-	-	-	25	33	1.33	0.41
H30002289	H300022894	ENSG0000	NM_002125	3127	HLA-DRB5	major histocompatibility complex class II DRB5	GO:000238	GO:004260	GO:000013	10	11	1.11	0.14
H30000777	H300007776	ENSG0000	NM_001005	79310	OR5H2	olfactory receptor family class H member 2	GO:000718	GO:000493	GO:0005886 plasma membrane,GO:0016021 integral component of membrane				
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	-	388536	ZNF790	zinc finger protein 790	GO:000635	GO:000367	GO:000563	203	187	0.92	-0.11
H30000563	H300005639	ENSG0000	NM_001005	128372	OR6N1	olfactory receptor family class N member 1	GO:000718	GO:000493	GO:000588	31	27	0.88	-0.18
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XR_247190	219927	MRPL21	mitochondrial ribosomal protein L21	GO:000699	GO:000373	GO:000574	3367	2366	0.70	-0.51
H30000302	H300003022	ENSG0000	NM_182577	284451	ODF3L2	outer dense body protein 3 like 2	-	-	GO:000588	20	19	0.96	-0.06
H30000501	H300005016	ENSG0000	NM_001005	219469	OR8H1	olfactory receptor family class H member 8	GO:000718	GO:000493	GO:0005886 plasma membrane,GO:0016021 integral component of membrane				
H30001016	H300010160	ENSG0000	XM_011539	119467	CLRN3	clarin 3	-	-	GO:0016021 integral component of membrane				
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_033512	85453	TSPYL5	TSPY-like protein 5	GO:000633	GO:000551	GO:000563	5	11	2.35	1.23
H30000136	H300001365	ENSG0000	XM_005255	146310	RNF151	ring finger protein 151	GO:000728	GO:000484	GO:000563	62	54	0.87	-0.21
H30000761	H300007615	ENSG0000	XM_011515	3569	IL6	interleukin 6	GO:000178	GO:000512	GO:000557	4	10	2.27	1.19
H30000158	H300001581	ENSG0000	NM_001004	120775	OR2D3	olfactory receptor family class D member 3	GO:000718	GO:000493	GO:000588	234	214	0.92	-0.13
opHsV0400	opHsV0400001	-	-	-	-	-	-	-	-	3			
H30002019	H300020197	ENSG0000	NM_198845	946	SIGLEC6	sialic acid binding lectin 6	GO:000715	GO:000551	GO:000557	25	25	1.02	0.02
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001290	7066	THPO	thrombopoietin	GO:000193	GO:000512	GO:0005615 extracellular space	6			
H30001868	H300018689	ENSG0000	NM_005073	6564	SLC15A1	solute carrier family 15 subfamily A member 1	GO:000681	GO:000542	GO:000588	18	20	1.09	0.12
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001142	4802	NFYC	nuclear transcription factor Y family class C member 1	GO:000635	GO:000097	GO:000563	179	144	0.80	-0.32
H30002014	H300020145	ENSG0000	XM_006721	55718	POLR3E	polymerase III epsilon	GO:000638	GO:000105	GO:000565	269	271	1.01	0.01
H30000946	H300009462	-	NM_001318	26716	OR2H1	olfactory receptor family class H member 2	GO:000718	GO:000493	GO:000588	146	141	0.96	-0.06
H30000652	H300006520	ENSG0000	XR_943509	64430	PCNX4	pecanex homeobox domain containing 4	-	GO:000551	GO:001602	46	49	1.07	0.10
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	-	442325	EEF1DP4	eukaryotic translation initiation factor 1 domain containing 4	-	-	-	55	45	0.83	-0.27
H30000770	H300007707	ENSG0000	-	147226	UPF3AP1	UPF3A pseudogene 1	-	-	-	98	150	1.53	0.61
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_052898	114786	XKR4	XK related protein 4	-	-	GO:001602	6	15	2.51	1.33
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_152613	164684	WBP2NL	WBP2 N-terminal domain	GO:000734	GO:000509	GO:0033011 perinuclear theca				
opHsV0400	opHsV0400002	-	-	-	-	-	-	-	-	121	93	0.76	-0.39
H30000120	H300001208	ENSG0000	XR_933899	101927910	LOC10192	uncharacterized protein	-	-	-		10		
H30000886	H300008863	ENSG0000	NM_030905	26707	OR2J2	olfactory receptor family class J member 2	GO:000718	GO:000493	GO:0005886 plasma membrane	5			
H30000088	H300000887	ENSG0000	-	-	AC018463	-	-	-	-	491	289	0.59	-0.77
opHsV0400	opHsV0400010	ENSG0000	XM_011538	254783	OR6C74	olfactory receptor family class C member 74	GO:000718	GO:000493	GO:0005886 plasma membrane	8			
H30000926	H300009261	ENSG0000	XR_132661	100506634	LOC10050	hepatocellular carcinoma 10050	-	-	-	605	603	1.00	-0.01
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_199001	375791	CYSRT1	cysteine rich transcription factor 1	-	-	GO:007006	14	18	1.29	0.37
H30000888	H300008880	ENSG0000	XM_011542	219874	OR6T1	olfactory receptor family class T member 1	GO:000718	GO:000493	GO:0005886 plasma membrane	8			
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001142	4802	NFYC	nuclear transcription factor Y family class C member 1	GO:000635	GO:000097	GO:000563	707	589	0.83	-0.26
H30000450	H300004500	ENSG0000	NM_001005	128371	OR6K6	olfactory receptor family class K member 6	GO:000718	GO:000488	GO:0005886 plasma membrane	6			
H30000622	H300006228	ENSG0000	NM_001011	389015	SLC9A4	solute carrier family 9 subfamily A member 4	GO:000169	GO:001538	GO:0005886 plasma membrane	4			
H30000425	H300004254	ENSG0000	NM_001130	100170841	C17orf96	chromosome 17 open reading frame 96	GO:004866	-	-		5		
H30002152	H300021527	ENSG0000	NM_001282	285343	TCAIM	T-cell activation induced molecule 1	-	-	GO:000573	447	469	1.05	0.07
H30000493	H300004939	ENSG0000	NM_178828	286234	SPATA31E	SPATA31 isoform E	GO:000728	-	GO:0016021 integral component of membrane				
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011509	149297	FAM78B	family with sequence similarity 78 member B	-	-	-		9		
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001142	9780	PIEZO1	piezo type 1 mechanosensitive ion channel	GO:000681	GO:000526	GO:000578	1010	751	0.74	-0.43
H30001889	H300018895	ENSG0000	NM_020830	57590	WDFY1	WD repeat domain containing 1	GO:000815	GO:000551	GO:000563	19	34	1.75	0.80
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_011516	4850	CNOT4	CCR4-NOT complex subunit 4	GO:000028	GO:000016	GO:000563	28	39	1.37	0.46
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_011541	5733	PTGER3	prostaglandin endoperoxide synthase 3	GO:000166	GO:000487	GO:000563	198	96	0.48	-1.05
H30001978	H300019780	ENSG0000	NM_014023	22884	WDR37	WD repeat domain containing 37	-	-	-	24	35	1.45	0.54
opHsV0400													

opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	100270983	RPL31P13	ribosomal p	-	-	-	-	7			
H30000845	H300008459	ENSG0000	NM_198552	375061	FAM89A	family with	-	-	-	601	776	1.29	0.37	
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	-	-	SC22CB-1	-	-	-	-	13977	12607	0.90	-0.15	
H30000925	H300009259	-	-	-	-	-	-	-	-	9264	6218	0.67	-0.58	
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_207440	400165	ATP11AUN	ATP11A up	-	-	-	-	-	-	-	
H30000214	H300002147	ENSG0000	-	-	RP11-489C	-	-	-	-	-	7			
H30000839	H300008394	ENSG0000	NM_001001	388566	ZNF470	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000565	186	162	0.87	-0.20	
H30000969	H300009697	ENSG0000	-	100127950	HECW1-IT	HECW1 int	-	-	-	-	4			
H30000578	H300005782	ENSG0000	NM_001005	387748	OR56B1	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma m	5			
H30000806	H300008069	ENSG0000	NM_147197	259239	WFDC11	WAP four	-	-	GO:000557	14	20	1.38	0.47	
H30000962	H300009624	ENSG0000	NM_175918	285464	CRIPAK	cysteine ric	GO:000646	GO:000551	GO:000563	26	42	1.59	0.67	
H30000684	H300006846	ENSG0000	XM_011518	375759	C9orf50	chromosom	-	-	-	26	30	1.15	0.21	
H30000754	H300007543	ENSG0000	-	645206	LINC00693	long interge	-	-	-	18	22	1.27	0.34	
H30000135	H300001353	ENSG0000	-	-	RP11-16K	-	-	-	-	-	6			
H30000453	H300004539	ENSG0000	NM_152481	148109	FAM187B	family with	-	-	GO:001602	29	27	0.94	-0.09	
H30001921	H300019214	ENSG0000	NM_001042	26090	ABHD12	abhydrolase	GO:000666	GO:004737	GO:000588	100	115	1.14	0.19	
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_001128	5063	PAK3	p21 protei	GO:000016	GO:000467	GO:0005737	cytoplasm	5			
H30001976	H300019769	ENSG0000	NR_028075	8578	SCARF1	scavenger	GO:000670	GO:000488	GO:000588	9	16	1.74	0.80	
H30001844	H300018441	ENSG0000	NM_001301	9774	BCLAF1	BCL2 asso	GO:000635	GO:000367	GO:000563	817	799	0.98	-0.03	
H30001856	H300018569	ENSG0000	NM_033518	92745	SLC38A5	solute carr	GO:000681	GO:001518	GO:000588	552	296	0.54	-0.90	
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	389787	TPT1P9	tumor prot	-	-	-	10000	10474	1.05	0.07	
H30000866	H300008668	ENSG0000	NM_175065	317772	HIST2H2AF	histone clu	GO:000634	GO:000367	GO:000078	23	22	0.99	-0.02	
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_173566	253143	PRR14L	proline rich	-	-	-	-	11			
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_011520	341277	OVCH2	ovochymas	GO:000650	GO:000425	GO:000557	12	21	1.74	0.80	
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	-	158345	RPL4P5	ribosomal p	-	-	-	14327	12408	0.87	-0.21	
H30000411	H300004110	ENSG0000	NM_001007	116729	PPP1R27	protein pho	GO:001092	GO:000486	-	135	99	0.73	-0.46	
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NR_002720	7221	TRPC2	transient re	-	-	-	6	14	2.34	1.23	
H30000039	H300000391	-	-	-	-	-	-	-	-	87	77	0.88	-0.18	
H30001591	H300015919	-	NM_001302	115948	CCDC151	coiled-coil	GO:000334	GO:000551	GO:0005814	centriole,	GO:0005929	cilium,	GO:0005929	cilium,
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NG_009237	440423	SUZ12P1	SUZ12 poly	-	-	-	57	57	1.00	0.00	
H30000434	H300004348	ENSG0000	NR_027688	219445	OR7E5P	olfactory re	-	-	-	-	7			
opHsV0400	opHsV0400005	-	XM_011519	100505502	LOC10050	putative UF	-	-	-	2972	2705	0.91	-0.14	
opHsV0400	opHsV0400004	-	XM_006711	440689	HIST2H2BF	histone clu	GO:000632	GO:000367	GO:000078	791	474	0.60	-0.74	
H30000611	H300006116	ENSG0000	-	390082	OR52E5	olfactory re	GO:000716	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,	GO:0016021	in		
H30000472	H300004722	ENSG0000	XM_011519	160298	C11orf42	chromosom	-	-	-	-	7			
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_145178	220202	ATO7	atonal bHL	GO:000340	GO:000367	GO:000563	29	28	0.97	-0.04	
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_203400	388394	RPRML	reprimo-lik	-	-	GO:001602	7	12	1.68	0.75	
H30000309	H300003096	-	-	-	-	-	-	-	-	284	202	0.71	-0.49	
H30000497	H300004976	ENSG0000	NR_027246	246705	LINC00314	long interge	-	-	-	152	125	0.82	-0.28	
H30000883	H300008835	ENSG0000	XM_011523	283847	CCDC79	coiled-coil	GO:000712	GO:000367	GO:0000781	chromosome, telomeric region,	GO:0000781	chromosome, telomeric region,		
H30000998	H300009988	ENSG0000	NM_203422	221091	LRRN4CL	LRRN4 C-t	-	-	GO:0016021	integral component of membrane				
opHsV0400	opHsV0400012	ENSG0000	NM_003255	7077	TIMP2	TIMP meta	GO:000741	GO:000202	GO:000557	6	13	2.14	1.10	
H30000151	H300001515	ENSG0000	XM_011518	138255	C9orf135	chromosom	-	-	GO:0016021	integral c	3			
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NR_120405	400867	LOC40086	uncharacte	-	-	-	4	7	1.63	0.71	
H30002052	H300020527	ENSG0000	XM_006711	1378	CR1	complemen	GO:000243	GO:000161	GO:000588	149	133	0.89	-0.17	
H30002254	H300022548	ENSG0000	NR_103512	51329	ARL6IP4	ADP ribosy	GO:000639	GO:000551	GO:000563	1656	1774	1.07	0.10	
H30000928	H300009286	ENSG0000	XM_011522	161882	ZFPM1	zinc finger	GO:000012	GO:000097	GO:000563	6	15	2.35	1.23	
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_052995	7401	CLRN1	clarin 1	GO:000701	-	GO:0005874	microtubu	8			
H30001392	H300013928	ENSG0000	NM_207398	388646	GBP7	guanylate b	GO:000815	GO:000392	GO:0016020	membrane	4			
H30001894	H300018945	ENSG0000	NM_001441	2166	FAAH	fatty acid a	GO:000906	GO:000551	GO:000578	29	31	1.09	0.13	
H30001982	H300019824	ENSG0000	XM_006710	64766	S100PBP	S100P bind	-	GO:004830	GO:000563	284	366	1.29	0.37	
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XR_934514	5889	RAD51C	RAD51 par	GO:000072	GO:000015	GO:000079	484	354	0.73	-0.45	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011521	57082	CASC5	cancer sus	GO:000027	GO:000551	GO:000077	16	27	1.67	0.74	
H30002226	H300022267	ENSG0000	NR_046223	115557	ARHGEF25	Rho guanin	GO:003502	GO:000508	GO:000582	98	79	0.80	-0.32	
H30001267	H300012676	ENSG0000	XM_006716	169792	GLIS3	GLIS family	GO:000012	GO:000367	GO:0005634	nucleus,	6			
H30002201	H300022016	ENSG0000	NM_001281	23613	ZMYND8	zinc finger	GO:000012	GO:000097	GO:000563	1545	1003	0.65	-0.62	
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XM_011527	63934	ZNF667	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus				
H30002029	H300020297	ENSG0000	NM_001167	79674	VEPH1	ventricular	-	-	GO:000588	6	17	2.81	1.49	
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_005269	56901	NDUFA4L2	NADH dehy	-	-	-	-	3			
opHsV0400	opHsV0400000	-	-	-	-	-	-	-	-	16	21	1.27	0.35	
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NR_135092	22955	SCMH1	sex comb d	GO:000633	GO:000367	GO:000563	97	94	0.97	-0.05	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_020129	56891	LGALS14	lectin, galac	GO:000691	GO:000551	GO:0005634	nucleus	3			
H30000312	H300003122	ENSG0000	XM_011509	343035	RD3	retinal dege	GO:000760	GO:000551	-	143	75	0.52	-0.93	
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_011509	127665	ZNF648	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus				
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	-	-	SUGT1P	-	-	-	-	32	33	1.04	0.05	
H30000542	H300005424	ENSG0000	XM_011540	80217	CFAP43	cilia and fla	-	-	GO:0042995	cell projection				
H30000669	H300006695	ENSG0000	NM_016562	51284	TLR7	toll like rec	GO:000177	GO:000372	GO:0000139	Golgi men	7			
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	-	253933	OR7E39P	olfactory re	-	-	-	34	29	0.86	-0.22	
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NR_027248	100101938	ANKRD26F	ankyrin rep	-	-	-	-	3			
H30001383	H300013831	ENSG0000	NM_198229	6002	RGS12	regulator of	GO:000635	GO:000196	GO:0000794	condense	5			
opHsV0400	opHsV0400004	-	NR_026556	124149	ANKRD26F	ankyrin rep	-	GO:000551	-	-	-			
H30002218	H300022184	ENSG0000	NR_047658	55683	KANSL3	KAT8 regul	GO:000632	GO:004399	GO:000012	62	55	0.89	-0.17	
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001204	2908	NR3C1	nuclear rec	GO:000611	GO:000097	GO:000563	280	319	1.14	0.19	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011515	2692	GHRHR	growth hor	GO:000716	GO:000493	GO:000563	20	22	1.10	0.14	
H30000397	H300003974	ENSG0000	XM_011523	92154	MTSS1L	metastasis	GO:000700	GO:000377	-	50	44	0.89	-0.16	
H30001616	H300016162	ENSG0000	NR_104583	91860	CALML4	calmodulin	-	GO:000550	-	68	62	0.91	-0.14	
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_198141	2595	GANC	glucosidase	GO:000002	GO:000455	-	6	13	2.04	1.03	
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_001291	581	BAX	BCL2-assoc	GO:000154	GO:000551	GO:000563	243	324	1.34	0.42	
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XM_006721	4763	NF1	neurofibron	GO:000016	GO:000509	GO:000563	228	246	1.08	0.11	
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_006719	144404	TMEM120B	transmemb	GO:000815	GO:000367	GO:000557	50	50	1.00	0.00	
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001282	9823	ARMCX2	armadillo re	-	-	GO:001602	7	14	1.91	0.93	
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_172210	1435	CSF1	colony stim	GO:000150	GO:000512	GO:0005615	extracellu	4			
H30001250	H300012504	ENSG0000	NR_073384	3927	LASP1	LIM and SH	GO:000681	GO:000507	GO:000592	64	62	0.98	-0.03	
H30000018	H300000185	ENSG0000	-	359766	MRPS21P2	mitochondr	-	-	-	326	210	0.64	-0.63	
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001004	441478	NRARP	NOTCH-re	GO:000012	-	-	-	3			
opHsV0400	opHsV0400010	ENSG0000	NM_001005	403282	OR6C65	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma m	6			
opHsV0400	opHsV0400010	-	-	-	-	-	-	-	-	-	4			
opHsV0400	opHsV0400005	-	-	-	-	-	-	-	-	-	4			
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001001	53345	TM6SF2	transmemb	GO:000662	GO:000367	GO:000578	264	199	0.76		

H30001564	H300015647	ENSG0000	NG_023310	79145	CHCHD7	coiled-coil-	-	-	GO:000575	10	13	1.28	0.36
H30001050	H300010504	-	NM_019105	7148	TNXB	tenascin X	GO:000663	GO:000517	GO:000557	252	174	0.69	-0.53
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_052909	153478	PLEKHG4E	pleckstrin H	GO:003502	GO:000508	-	-	6	-	-
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_014010	23245	ASTN2	astrotactin	GO:200000	-	GO:000576	11	16	1.47	0.55
H30001974	H300019743	ENSG0000	XM_011536	7957	EPM2A	epilepsy, pr	GO:000597	GO:000472	GO:000563	19	32	1.70	0.76
H30001905	H300019054	ENSG0000	NM_017696	254394	MCM9	minichrom	GO:000072	GO:000367	GO:000563	182	150	0.83	-0.28
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_177417	147700	KLC3	kinesin ligh	GO:000808	GO:000377	GO:000573	8	6	0.74	-0.43
H30000644	H300006447	-	XR_933617	101927536	LOC10192	uncharacte	-	-	-	-	3	-	-
H30002203	H300022036	ENSG0000	NR_123735	51029	DES12	desumoylat	GO:000650	GO:000823	GO:000573	674	745	1.10	0.14
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_031845	4133	MAP2	microtubule	GO:000022	GO:000216	GO:0005730 nucleolus,GO:0005737 cytoplasm	-	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_002375	4134	MAP4	microtubule	GO:000705	GO:000519	GO:0005737 cytoplasm	8	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_006716	50626	CYHR1	cysteine/h	-	GO:000551	GO:000563	223	166	0.75	-0.42
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_005251	23048	FNBP1	formin bind	GO:000689	GO:000508	GO:000576	43	144	3.37	1.75
opHsV0400	opHsV0400008	-	NM_001257	11200	CHEK2	checkpoint	GO:000007	GO:000467	GO:000078	720	482	0.67	-0.58
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_005256	388333	SPDYE4	speedy/RIN	GO:004585	GO:001990	-	27	27	0.99	-0.01
H30000883	H300008831	ENSG0000	NM_001001	390142	OR5D13	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886 plasma membrane,GO:0016021 in	-	-	-	-
H30000538	H300005383	ENSG0000	-	100874467	HMGN2P2	high mobil	-	-	-	90	122	1.36	0.44
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	-	-	AL773572	-	-	-	-	79	38	0.48	-1.07
H30001127	H300011274	ENSG0000	XM_005269	4791	NFKB2	nuclear fac	GO:000012	GO:000097	GO:000563	406	295	0.73	-0.46
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XR_242898	636	BICD1	bicaudal D	GO:000639	GO:000520	GO:0005794 Golgi appa	8	-	-	-
H30002166	H300021664	ENSG0000	NM_001200	8372	HYAL3	hyaluronog	GO:000597	GO:000161	GO:000557	109	97	0.89	-0.17
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001080	389257	LRRC14B	leucine ric	-	-	-	-	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001011	84460	ZMAT1	zinc finger	GO:007233	GO:000203	GO:0005634 nucleus	-	-	-	-
H30002240	H300022400	ENSG0000	XM_011515	79778	MICALL2	MICAL like	GO:003004	GO:000551	GO:000172	358	260	0.73	-0.46
H30000988	H300009884	ENSG0000	NM_017860	54964	C1orf56	chromosom	-	-	GO:0005576 extracellu	5	-	-	-
H30001569	H300015693	ENSG0000	NM_052840	60677	CELF6	CUGBP, El	GO:000038	GO:000016	GO:0005634 nucleus,GO:0005737 cytoplasm	-	-	-	-
H30002065	H300020655	ENSG0000	XM_006719	84274	COQ5	coenzyme	GO:000674	GO:000875	GO:000573	391	449	1.15	0.20
H30001882	H300018824	ENSG0000	XM_011543	79864	C11orf63	chromosom	GO:000742	-	-	-	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001171	4168	MCF2	MCF.2 cell	GO:000726	GO:000508	GO:0005829 cytosol,G	3	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400003	-	NM_181690	10000	AKT3	v-akt murir	GO:000000	GO:000467	GO:0005622 intracellul	3	-	-	-
H30002245	H300022457	ENSG0000	NM_016820	4968	OGG1	8-oxoguan	GO:000252	GO:000368	GO:000563	95	105	1.11	0.15
H30002164	H300021646	ENSG0000	NM_001178	7543	ZFX	zinc finger	GO:000635	GO:000097	GO:000563	107	114	1.07	0.10
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_178339	339883	C3orf35	chromosom	-	-	GO:001602	66	56	0.85	-0.23
H30002028	H300020289	-	NM_001024	10168	ZNF197	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	109	111	1.02	0.02
opHsV0400	opHsV0400001	-	XM_011521	342184	FMN1	formin 1	GO:001046	GO:000377	GO:0005634 nucleus,GO:0005737 cytoplasm,C	-	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_182566	284013	VMO1	vitelline me	GO:000815	GO:000367	GO:007006	40	39	0.97	-0.04
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NG_033893	100420950	MRPL37P1	mitochondr	-	-	-	148	124	0.84	-0.26
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	-	-	RP3-423B	-	-	-	-	17713	18255	1.03	0.04
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_001004	286319	TUSC1	tumor supp	-	-	-	-	3	-	-
H30001056	H300010564	ENSG0000	NM_001145	285600	KIAA0825	KIAA0825	-	-	-	-	-	-	-
AHsV1000	AHsV10001801	ENSG0000	XR_245720	7011	TEP1	telomerase	GO:000072	GO:000203	GO:000078	5	33	6.35	2.67
AHsV1000	AHsV10002534	ENSG0000	NM_003162	6801	STRN	striatin	GO:000762	GO:000551	GO:000015	103	123	1.20	0.27
H30001952	H300019523	ENSG0000	NM_003151	6775	STAT4	signal trans	GO:000635	GO:000097	GO:0005654 nucleoplasm,GO:0005737 cytopla	-	-	-	-
H20000645	H200006452	ENSG0000	XM_011520	6609	SMPD1	sphingomye	GO:000666	GO:000476	GO:000561	43	72	1.66	0.73
H20000251	H200002511	ENSG0000	NM_001308	6584	SLC22A5	solute carr	GO:000681	GO:000551	GO:000588	60	41	0.68	-0.55
CHsGV100	CHsGV100029	ENSG0000	NM_001565	3627	CXCL10	C-X-C mo	GO:000693	GO:000510	GO:0005576 extracellular region,GO:0005615 v	-	-	-	-
H20000601	H200006010	ENSG0000	NM_001267	3608	ILF2	interleukin	GO:000635	GO:000367	GO:000563	4204	2947	0.70	-0.51
H20001599	H200015995	ENSG0000	NM_000524	3350	HTR1A	5-hydroxyt	GO:000166	GO:000499	GO:000588	7	10	1.50	0.59
H30001600	H300016001	ENSG0000	XM_011542	3312	HSPA8	heat shock	GO:000039	GO:000166	GO:000015	29109	23316	0.80	-0.32
AHsV1000	AHsV10002132	ENSG0000	NM_000189	3099	HK2	hexokinase	GO:000167	GO:000434	GO:000574	216	211	0.98	-0.03
H20001034	H200010340	ENSG0000	XM_011509	3068	HDGF	hepatoma-	GO:000012	GO:000016	GO:000561	3474	2128	0.61	-0.71
CHsGV100	CHsGV100006	ENSG0000	XM_011542	2900	GRIK4	glutamate i	GO:000681	GO:000523	GO:000588	10	12	1.18	0.24
AHsV1000	AHsV10000269	ENSG0000	XM_011524	2886	GRB7	growth fact	GO:000717	GO:000372	GO:000582	8	10	1.32	0.40
H20001193	H200011932	ENSG0000	NM_001313	4299	AFF1	AF4/FMR2	GO:004589	GO:000370	GO:000802	320	379	1.18	0.24
H30001900	H300019007	ENSG0000	XM_005266	4093	SMAD9	SMAD fami	GO:000165	GO:000367	GO:0005622 intracellular,GO:0005634 nucleus	-	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_002351	4068	SH2D1A	SH2 domai	GO:000225	GO:000507	GO:000573	50	41	0.81	-0.31
H30002184	H300021841	ENSG0000	NM_002274	3860	KRT13	keratin 13,	GO:000701	GO:000519	GO:000563	11	11	0.98	-0.03
H20000843	H200008434	ENSG0000	NM_002265	3837	KPNB1	karyopherin	GO:000005	GO:000551	GO:000563	6885	6493	0.94	-0.08
H20000447	H200004478	ENSG0000	NM_173087	825	CAPN3	calpain 3	GO:000189	GO:000382	GO:0005622 intracellular,GO:0005634 nucleus	-	-	-	-
AHsV1000	AHsV10003454	ENSG0000	XM_006720	801	CALM1	calmodulin	GO:000016	GO:000550	GO:000092	180	210	1.17	0.22
H30000966	H300009667	ENSG0000	NM_000710	623	BDKRB1	bradykinin	GO:000193	GO:000494	GO:0005783 endoplasm	5	-	-	-
H20000698	H200006989	ENSG0000	XM_006718	595	CNCD1	cyclin D1	GO:000008	GO:000371	GO:000030	173	174	1.01	0.01
AHsV1000	AHsV10002804	ENSG0000	NM_004040	388	RHOB	ras homolo	GO:000091	GO:000392	GO:0005634 nucleus,G	12	-	-	-
H20001131	H200011316	ENSG0000	NM_020980	366	AQP9	aquaporin 9	GO:000681	GO:000527	GO:0005886 plasma m	8	-	-	-
H30000265	H300002655	ENSG0000	NM_000030	189	AGXT	alanine-gly	GO:000721	GO:000476	GO:000575	37	38	1.02	0.03
AHsV1000	AHsV10002433	ENSG0000	NM_001127	162	AP1B1	adaptor rel	GO:000688	GO:000521	GO:000013	1369	1353	0.99	-0.02
H30000848	H300008480	ENSG0000	XM_011525	6928	HNF1B	HNF1 home	GO:000012	GO:000115	GO:0005634 nucleus,G	3	-	-	-
H20000212	H200002126	ENSG0000	NM_001048	6750	SST	somatostat	GO:000697	GO:000517	GO:0005576 extracellular region,GO:0005615 v	-	-	-	-
CHsGV100	CHsGV100021	ENSG0000	NM_001204	6728	SRP19	signal reco	GO:000641	GO:000831	GO:000563	815	608	0.75	-0.42
H20000607	H200006070	ENSG0000	NM_006517	6567	SLC16A2	solute carr	GO:000681	GO:000521	GO:0005887 integral c	4	-	-	-
AHsV1000	AHsV10003378	ENSG0000	XM_011542	6536	SLC6A9	solute carr	GO:000333	GO:000532	GO:000588	8	36	4.68	2.23
H20001458	H200014586	ENSG0000	XM_011509	3586	IL10	interleukin	GO:000223	GO:000512	GO:0005615 extracellular space,GO:0005737 c	-	-	-	-
H20000614	H200006143	ENSG0000	NM_000878	3560	IL2RB	interleukin	GO:000016	GO:000491	GO:0005622 intracellul	13	-	-	-
AHsV1000	AHsV10001540	ENSG0000	XM_005251	3293	HSD17B3	hydroxyste	GO:000670	GO:004704	GO:0005783 endoplasmic reticulum,GO:00057	-	-	-	-
H30001534	H300015344	ENSG0000	NM_000860	3248	HPGD	hydroxypro	GO:000669	GO:000382	GO:000565	28	123	4.37	2.13
H30001234	H300012345	ENSG0000	NM_000519	3045	HBD	hemoglobin	GO:000759	GO:000534	GO:000582	14	18	1.27	0.35
CHsTV100	CHsTV1000020	ENSG0000	NM_138720	3017	HIST1H2B	histone clu	GO:000632	GO:000367	GO:000078	492	379	0.77	-0.38
H20001607	H200016073	ENSG0000	NM_001507	2862	MLNR	motilin rec	GO:000718	GO:000493	GO:000588	12	10	0.90	-0.15
H20001606	H200016068	ENSG0000	XM_011516	2845	GPR22	G protein-c	GO:000718	GO:000493	GO:0005887 integral component of plasma me	-	-	-	-
H30001209	H300012090	ENSG0000	XM_011534	4245	MGAT1	mannosyl (GO:000170	GO:000382	GO:000013	56	64	1.13	0.17
CHsGV100	CHsGV1000270	-	NM_009588	4050	LTB	lymphotoxin	GO:000695	GO:000510	GO:000557	8	23	2.83	1.50
H20000557	H200005574	ENSG0000	XR_931824	4016	LOXL1	lysyl oxidas	GO:001827	GO:000550	GO:0001669 acrosomal vesicle,GO:0005576 es	-	-	-	-
CHsGV100	CHsGV1000020	ENSG0000	XM_005249	3792	KEL	Kell blood g	GO:000650	GO:000422	GO:000588	97	78	0.81	-0.31
H20000264	H												

H20000585	H200005856	ENSG0000	XM_005267	328	APEX1	APEX nucl	GO:000027	GO:000367	GO:000078	2964	2548	0.86	-0.22
CHsGV100	CHsGV1000036	ENSG0000	XR_941496	143	PARP4	poly(ADP-ri	GO:000628	GO:000367	GO:000563	83	79	0.95	-0.07
CHsGV100	CHsGV1000118	ENSG0000	XM_006716	123	PLIN2	perilipin 2	GO:001407	-	GO:000557	760	871	1.15	0.20
H20000144	H200001446	ENSG0000	XM_006715	6885	MAP3K7	mitogen-ac	GO:000018	GO:000028	GO:000563	1093	1125	1.03	0.04
H20000370	H200003704	ENSG0000	XM_005274	6712	SPTBN2	spectrin be	GO:000016	GO:000377	GO:000013	48	36	0.75	-0.42
H20001244	H200012448	ENSG0000	NM_003116	6676	SPAG4	sperm asso	GO:000699	GO:000519	GO:000563	40	34	0.85	-0.23
CHsGV100	CHsGV1000145	ENSG0000	NM_000340	6514	SLC2A2	solute carr	GO:000597	GO:000515	GO:0005768	endosome,GO:0005829	cytosol,G		
H20000444	H200004449	ENSG0000	NM_001248	6498	SKIL	SKI-like pr	GO:000012	GO:000097	GO:000166	46	46	1.00	0.00
H20001219	H200012191	ENSG0000	NM_001553	3490	IGFBP7	insulin like	GO:000155	GO:000551	GO:0005576	extracellu	4		
H20000847	H200008474	-	XM_006715	3459	IFNGR1	interferon g	GO:000716	GO:000490	GO:000588	489	598	1.22	0.29
CHsGV100	CHsGV1000209	ENSG0000	NM_004502	3217	HOXB7	homeobox	GO:000635	GO:000370	GO:000563	263	367	1.40	0.48
AHsV1000	AHsV10002163	ENSG0000	NM_001199	100529097	RPL36A-H	RPL36A-H	-	-	-	1438	1145	0.80	-0.33
AHsV1000	AHsV10001279	ENSG0000	NM_001184	2992	GYG1	glycogenin	GO:000597	GO:000551	GO:000582	1053	927	0.88	-0.18
H20000600	H200006009	ENSG0000	NM_002097	2971	GTF3A	general tra	GO:000635	GO:000367	GO:000563	4058	3808	0.94	-0.09
H20001606	H200016063	ENSG0000	NM_001024	2829	XCR1	chemokine	GO:000693	GO:000495	GO:000582	20	19	0.90	-0.14
H30000618	H300006188	ENSG0000	NM_006142	2810	SFN	stratifin	GO:000007	GO:000551	GO:000561	22	12	0.55	-0.87
H20000114	H200001147	ENSG0000	XM_011524	4185	ADAM11	ADAM met	GO:000650	GO:000422	GO:000588	18	21	1.15	0.20
H30001300	H300013007	-	XR_946186	101926887	LOC10192	uncharacte	-	-	-				
CHsGV100	CHsGV1000093	ENSG0000	NM_002306	3958	LGALS3	lectin, galac	GO:000150	GO:000551	GO:000177	30	34	1.15	0.20
CHsGV100	CHsGV1000071	ENSG0000	NM_002232	3738	KCNA3	potassium	GO:000681	GO:000524	GO:0005886	plasma membrane,GO:0008076	va		
CHsGV100	CHsGV1000084	ENSG0000	NR_052000	3704	ITPA	inosine triph	GO:000619	GO:000016	GO:000573	810	475	0.59	-0.77
AHsV1000	AHsV10003043	ENSG0000	NM_001733	715	C1R	complemen	GO:000650	GO:000425	GO:0005576	extracellu	7		
H20001208	H200012083	ENSG0000	NM_004335	684	BST2	bone marro	GO:000273	GO:000487	GO:000573	2502	3160	1.26	0.34
H20000011	H200000115	ENSG0000	NM_001002	518	ATP5G3	ATP synth	GO:000756	GO:000521	GO:000574	29600	16435	0.56	-0.85
CHsGV100	CHsGV100009	ENSG0000	XM_011509	480	ATP1A4	ATPase Na	GO:000681	GO:000539	GO:000588	47	47	1.00	0.00
AHsV1000	AHsV10001671	ENSG0000	NM_001153	307	ANXA4	annexin A4	GO:000635	GO:000485	GO:000563	162	209	1.29	0.37
CHsGV100	CHsGV1000093	ENSG0000	NM_020978	280	AMY2B	amylase, al	GO:000597	GO:000455	GO:0070062	extracellu	9		
AHsV1000	AHsV10002157	ENSG0000	NR_126393	97	ACYP1	acylphosph	GO:000679	GO:000399	GO:007006	640	723	1.13	0.18
H30000623	H300006234	ENSG0000	XM_006715	60	ACTB	actin, beta	GO:000189	GO:000097	GO:000079	14876	14620	0.98	-0.03
AHsV1000	AHsV10002408	ENSG0000	XM_011540	6832	SUPV3L1	Suv3 like F	GO:000095	GO:000367	GO:000563	271	221	0.82	-0.29
H30000738	H300007383	ENSG0000	NR_034039	6652	SORD	sorbitol del	GO:000597	GO:000393	GO:000561	438	358	0.82	-0.29
AHsV1000	AHsV10000199	ENSG0000	NR_029472	6631	SNRPC	small nucle	GO:000038	GO:000372	GO:000024	13766	8881	0.65	-0.63
DHsTV100	DHsTV1000004	ENSG0000	-	-	CTD-3220	-	-	-	-	20	20	1.03	0.04
H20001139	H200011392	ENSG0000	NM_003014	6424	SFRP4	secreted fr	GO:000209	GO:000493	GO:0005615	extracellu	5		
H20000804	H200008047	ENSG0000	NM_001166	3423	IDS	iduronate 2	GO:000597	GO:000442	GO:004320	67	63	0.93	-0.10
H20000615	H200006153	ENSG0000	NR_047690	3373	HYAL1	hyaluronog	GO:000030	GO:000161	GO:000561	13	10	0.76	-0.40
AHsV1000	AHsV10003345	ENSG0000	NM_018942	3166	HMX1	H6 family h	GO:000012	GO:000097	GO:000563	70	61	0.87	-0.21
AHsV1000	AHsV10001210	ENSG0000	XM_006711	3140	MR1	major histo	GO:000236	GO:000382	GO:000557	146	178	1.22	0.29
CHsTV100	CHsTV1000016	ENSG0000	NM_147148	2948	GSTM4	glutathione	GO:000674	GO:000436	GO:000573	37	46	1.22	0.29
CHsGV100	CHsGV1000180	ENSG0000	NM_002089	2920	CXCL2	C-X-C mo	GO:000223	GO:000551	GO:000557	108	275	2.54	1.35
CHsGV100	CHsGV1000257	-	NM_001098	2786	GNG4	guanine nu	GO:000611	GO:000487	GO:0005834	heterotrin	10		
DHsGV100	DHsGV1000497	-	-	-	-	-	-	-	-				
CHsGV100	CHsGV1000294	ENSG0000	NM_002373	4130	MAP1A	microtubule	GO:000022	GO:000377	GO:000175	9	15	1.60	0.68
CHsGV100	CHsGV1000207	ENSG0000	NM_005562	3918	LAMC2	laminin sub	GO:000715	GO:000820	GO:0005576	extracellular region,GO:0005607			
H30000205	H300002052	ENSG0000	XM_006720	3895	KTN1	kinectin 1	GO:000701	GO:000551	GO:000578	603	658	1.09	0.13
H20000805	H200008058	ENSG0000	XR_950796	3684	ITGAM	integrin sub	GO:000222	GO:000194	GO:0005615	extracellu	6		
AHsV1000	AHsV10000993	ENSG0000	NM_001197	3661	IRF3	interferon r	GO:000012	GO:000097	GO:000563	190	198	1.05	0.06
CHsGV100	CHsGV1000367	ENSG0000	XM_011544	665	BNIP3L	BCL2/ader	GO:001603	GO:000551	GO:000563	240	262	1.09	0.12
CHsGV100	CHsGV1000404	ENSG0000	XM_011521	646	BNC1	basonuclin	GO:000635	GO:000367	GO:000563	18	24	1.30	0.38
H20000762	H200007620	ENSG0000	NM_004317	439	ASNA1	arsA arsen	GO:000681	GO:000521	GO:000563	528	445	0.84	-0.24
H30002016	H300020168	ENSG0000	XM_006721	409	ARRB2	arrestin, be	GO:000203	GO:000166	GO:000563	748	676	0.90	-0.15
H20001731	H200017310	ENSG0000	NM_004304	238	ALK	anaplastic	GO:000018	GO:000470	GO:0005622	intracellular,GO:0005887	integral		
AHsV1000	AHsV10001123	ENSG0000	NM_000033	215	ABCD1	ATP bindin	GO:000663	GO:000521	GO:000573	7	9	1.34	0.42
H20002038	H200020380	ENSG0000	NM_001302	35	ACADS	acyl-CoA c	GO:000663	GO:000006	GO:000563	454	466	1.03	0.04
AHsV1000	AHsV10001649	ENSG0000	XM_011518	19	ABCA1	ATP bindin	GO:000279	GO:000510	GO:0005794	Golgi apparatus,GO:0005886	plas		
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NR_028052	51335	NGRN	neugrin, ne	GO:003018	GO:004482	GO:000557	887	980	1.11	0.14
H20000182	H200001823	ENSG0000	NM_016608	51309	ARMCX1	armadillo re	-	GO:000551	GO:0016021	integral c	7		
CHsGV100	CHsGV1000060	ENSG0000	NM_001011	11034	DSTN	destrin (ac	GO:000815	GO:000377	GO:001562	2179	2570	1.18	0.24
H20000561	H200005619	ENSG0000	NM_006848	11007	CCDC85B	coiled-coil	GO:000635	GO:000551	GO:000563	515	403	0.78	-0.35
CHsGV100	CHsGV1000078	ENSG0000	NM_001145	10842	PPP1R17	protein pho	GO:000741	GO:000486	GO:0005575	cellular cd	5		
H20001250	H200012503	ENSG0000	NM_001282	10800	CYSLTR1	cysteiny l	GO:000301	GO:000163	GO:0005829	cytosol,G	9		
CHsGV100	CHsGV1000085	ENSG0000	NM_006460	10614	HEXIM1	hexamethy	GO:000012	GO:000486	GO:000563	262	324	1.23	0.30
H20001208	H200012086	ENSG0000	NR_037654	10588	MTHFS	5,10-meth	GO:000653	GO:000552	GO:000573	756	675	0.89	-0.16
AHsV1000	AHsV10001031	ENSG0000	NR_073030	100287932	TIMM23	translocase	GO:000662	GO:000551	GO:000573	2767	2054	0.74	-0.43
H20001788	H200017889	ENSG0000	NM_012445	10417	SPON2	spondin 2	GO:000244	GO:000153	GO:0005578	proteinac	6		
H20001763	H200017631	ENSG0000	NM_001301	7286	TUFT1	tuftelin 1	GO:003028	GO:000551	GO:000557	22	22	1.02	0.03
AHsV1000	AHsV10000166	ENSG0000	XM_005255	7249	TSC2	tuberous s	GO:000166	GO:000509	GO:000563	9	19	2.08	1.05
H30000478	H300004783	ENSG0000	NM_003226	7033	TFF3	trefoil fact	GO:000695	GO:000367	GO:000557	40	32	0.80	-0.32
H20001378	H200013784	ENSG0000	XM_006719	11226	GALNT6	polypeptide	GO:000649	GO:000465	GO:000013	27	34	1.23	0.30
H20000243	H200002431	ENSG0000	XM_011536	11198	SPT16H	SPT16 hom	GO:000626	GO:000551	GO:000563	710	606	0.85	-0.23
CHsGV100	CHsGV1000278	ENSG0000	NM_147223	8648	NCOA1	nuclear rec	GO:000043	GO:000101	GO:000079	95	172	1.82	0.86
H20000279	H200002797	ENSG0000	XM_005257	8631	SKAP1	src kinase	GO:000225	GO:000507	GO:000563	28	28	1.02	0.03
H20000654	H200006542	ENSG0000	NM_003580	8439	NSMAF	neutral sph	GO:000667	GO:000505	GO:000573	542	649	1.20	0.26
CHsGV100	CHsGV1000344	ENSG0000	XM_011538	8411	EEA1	early endos	GO:000689	GO:000551	GO:000573	23	37	1.58	0.66
H20001057	H200010575	ENSG0000	NM_001168	7941	PLA2G7	phospholipa	GO:001604	GO:000384	GO:000557	6	12	2.00	1.00
H30001779	H300017796	ENSG0000	NM_004637	7879	RAB7A	RAB7A, me	GO:000662	GO:000392	GO:000042	701	516	0.74	-0.44
AHsV1000	AHsV10002449	ENSG0000	XM_011540	7511	XPNPEP1	X-prolyl am	GO:000650	GO:000417	GO:000573	338	394	1.17	0.22
CHsGV100	CHsGV1000120	-	NM_005430	7471	WNT1	wingless-ty	GO:000057	GO:000510	GO:000557	8	13	1.54	0.63
CHsGV100	CHsGV1000219	ENSG0000	XM_011518	4686	NCBP1	nuclear cap	GO:000018	GO:000033	GO:000563	598	548	0.92	-0.13
CHsGV100	CHsGV1000357	-	NM_004535	4661	MYT1	myelin tran	GO:000167	GO:000115	GO:000563	6	12	1.88	0.91
H20001405	H200014059	ENSG0000	NR_133013	4320	MMP11	matrix met	GO:000650	GO:000422	GO:000557	31	30	0.96	-0.05
H30000925	H300009255	ENSG0000	NM_016558	51282	SCAND1	SCAN dom	GO:000635	GO:000370	GO:000563	326	248	0.76	-0.39
H30001412	H300014128	ENSG0000											

CHsTV100	CHsTV1000019	ENSG0000	NM_006094	10395	DLC1	DLC1 Rho	GO:000184	GO:000509	GO:0005634 nucleus,G	13			
H20000415	H200004154	ENSG0000	NM_006339	10362	HMG20B	high mobil	GO:000632	GO:000367	GO:000565	203	202	0.99	-0.01
CHsGV100	CHsGV100014	ENSG0000	XM_011518	7186	TRAF2	TNF recept	GO:000272	GO:000484	GO:000015	135	111	0.82	-0.29
AHsV1000	AHsV10001065	ENSG0000	XM_011542	7161	TP73	tumor prot	GO:000012	GO:000097	GO:000078	13	16	1.26	0.34
H30001821	H300018212	ENSG0000	NM_001261	6954	TCP11	t-complex	GO:000727	-	GO:0016021 integral component of membrane				
AHsV1000	AHsV10001313	ENSG0000	XM_011544	11178	LZTS1	leucine zip	GO:000635	GO:000367	GO:0005737 cytoplasm,GO:0014069 postsyna				
H30002202	H300022021	ENSG0000	XM_011539	11155	LDB3	LIM domain	GO:004521	GO:000508	GO:0005856 cytoskeleton,GO:0030018 Z disc.				
H20000276	H200002769	ENSG0000	NM_001159	8605	PLA2G4C	phospholipa	GO:000664	GO:000554	GO:0005635 nuclear e	3			
AHsV1000	AHsV10001191	ENSG0000	NM_003679	8564	KMO	kynurenine	GO:000656	GO:000450	GO:000574	41	33	0.80	-0.31
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_003520	8341	HIST1H2B1	histone clu	GO:000632	GO:000367	GO:000078	827	604	0.73	-0.45
AHsV1000	AHsV10003154	ENSG0000	NM_003496	8295	TRRAP	transforma	GO:000628	GO:000371	GO:000012	18	27	1.47	0.56
CHsGV100	CHsGV100024	ENSG0000	NM_015120	7840	ALMS1	ALMS1, ce	GO:000008	GO:000367	GO:000092	11	17	1.52	0.60
AHsV1000	AHsV10002928	ENSG0000	NM_013362	7768	ZNF225	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634 nucleus		16		
AHsV1000	AHsV10002553	ENSG0000	NM_001308	7434	VIPR2	vasoactive	GO:000716	GO:000493	GO:000588	141	110	0.78	-0.36
CHsGV100	CHsGV1000084	ENSG0000	NM_001199	7412	VCAM1	vascular ce	GO:000166	GO:000517	GO:000210	5	12	2.63	1.39
CHsGV100	CHsGV1000025	ENSG0000	NM_053027	4638	MYLK	myosin ligh	GO:000223	GO:000377	GO:0001725 stress fiber,GO:0005737 cytoplas				
DHsGV100	DHsGV100049	-	-	-	-	-	-	-	-				
EHsV1000	EHsV10000003	ENSG0000	NR_038911	284889	MIF-AS1	MIF antiser	-	-	-	5871	4296	0.73	-0.45
AHsV1000	AHsV10000883	ENSG0000	XM_011538	51228	GLTP	glycolipid tr	GO:000666	GO:000551	GO:000582	144	130	0.90	-0.16
H20000873	H200008739	ENSG0000	NM_016304	51187	RSL24D1	ribosomal L	GO:000002	GO:000373	GO:000563	37	40	1.10	0.13
H20000449	H200004495	ENSG0000	NM_006794	10936	GPR75	G protein-c	GO:000716	GO:000493	GO:0005887 integral c		10		
AHsV1000	AHsV10001839	ENSG0000	XM_005267	10914	PAPOLA	poly(A) pol	GO:000039	GO:000028	GO:000563	1093	1073	0.98	-0.03
H30001127	H300011276	ENSG0000	NM_199420	10721	POLQ	polymerase	GO:000072	GO:000368	GO:000565	30	43	1.41	0.50
AHsV1000	AHsV10003106	ENSG0000	NM_001206	10675	CSPG5	chondroitin	GO:000223	GO:000551	GO:000557	28	18	0.65	-0.62
AHsV1000	AHsV10001332	ENSG0000	XR_242691	10529	NEBL	nebullette	GO:007169	GO:000551	GO:0001725 stress fiber,GO:0030018 Z disc,G				
H20002033	H200020334	ENSG0000	NM_001159	10492	SYNCRIP	synaptotag	GO:000039	GO:000016	GO:000563	1337	972	0.73	-0.46
AHsV1000	AHsV10001810	ENSG0000	NM_001291	10320	IKZF1	IKAROS fa	GO:000012	GO:000097	GO:000563	246	273	1.11	0.15
H30000419	H300004193	ENSG0000	NM_005877	10291	SF3A1	splicing fac	GO:000038	GO:000372	GO:000565	555	397	0.72	-0.48
H20001513	H200015131	ENSG0000	NM_001270	7128	TNFAIP3	TNF alpha	GO:000192	GO:000202	GO:000563	22	119	5.38	2.43
AHsV1000	AHsV10000288	ENSG0000	NM_004615	7102	TSPAN7	tetraspanin	GO:000716	-	GO:0005887 integral component of plasma me				
H20001901	H200019015	ENSG0000	XM_011525	6909	TBX2	T-box 2	GO:000012	GO:000097	GO:0005634 nucleus,G	6			
AHsV1000	AHsV10002833	ENSG0000	XM_006714	11131	CAPN11	calpain 11	GO:000650	GO:000419	GO:000166	74	70	0.94	-0.09
CHsGV100	CHsGV1000170	ENSG0000	NM_001300	11107	PRDM5	PR domain	GO:000012	GO:000097	GO:0005634 nucleus				
H20000084	H200000848	ENSG0000	XM_005271	8543	LMO4	LIM domain	GO:000184	GO:000115	GO:000566	357	568	1.59	0.67
CHsGV100	CHsGV1000348	ENSG0000	NM_001145	8517	IKBKG	inhibitor of	GO:000018	GO:000487	GO:000015	107	133	1.24	0.31
H20000797	H200007972	ENSG0000	NM_004651	8237	USP11	ubiquitin sp	GO:000651	GO:000419	GO:000563	175	142	0.81	-0.30
CHsGV100	CHsGV100023	ENSG0000	NM_006532	8178	ELL	elongation	GO:000170	GO:000551	GO:000563	32	40	1.28	0.36
H20000555	H200005557	ENSG0000	NM_006978	7737	RNF113A	ring finger	-	GO:000551	-	448	409	0.91	-0.13
AHsV1000	AHsV10002756	ENSG0000	NM_003435	7693	ZNF134	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	9	22	2.56	1.36
H20001594	H200015940	ENSG0000	NM_001276	7391	USF1	upstream t	GO:000043	GO:000369	GO:0005634 nucleus,G		8		
H20000029	H200000292	ENSG0000	XM_011545	7369	UMOD	uromodulin	GO:000696	GO:000550	GO:0000922 spindle pole,GO:0005615 extrace				
H20001404	H200014047	ENSG0000	NM_000255	4594	MUT	methylmal	GO:000663	GO:000449	GO:000573	529	446	0.84	-0.24
CHsGV100	CHsGV1000262	ENSG0000	-	-	MT-ND4L	mitochondr	-	-	-	7439	6210	0.83	-0.26
H20000415	H200004157	ENSG0000	XM_005266	4216	MAP3K4	mitogen-ac	GO:000016	GO:000470	GO:000573	486	398	0.82	-0.29
CHsGV100	CHsGV1000201	ENSG0000	XM_011518	51162	EGFL7	EGF like dd	GO:000152	GO:000511	GO:000557	237	116	0.49	-1.02
CHsGV100	CHsGV1000144	ENSG0000	NM_183353	51132	RLIM	ring finger	GO:000012	GO:000371	GO:000563	208	176	0.85	-0.23
H20001481	H200014817	ENSG0000	NM_013261	10891	PPARGC1A	PPARG co	GO:000030	GO:000016	GO:0005634 nucleus,G	3			
H20000047	H200000472	-	NR_040662	10866	HCP5	HLA compl	GO:000695	-	-	6			
H20000409	H200004091	ENSG0000	NM_001166	10653	SPINT2	serine pept	GO:000184	GO:000486	GO:000557	27	27	1.03	0.04
H30000817	H300008172	ENSG0000	NR_033759	10632	ATP5L	ATP synth	GO:002290	GO:001507	GO:000027	696	677	0.97	-0.04
H20001245	H200012450	ENSG0000	NM_006351	10469	TIMM44	translocase	GO:000662	GO:000551	GO:000573	779	881	1.13	0.18
H30002046	H300020465	ENSG0000	NM_006113	10451	VAV3	vav guanine	GO:000152	GO:000507	GO:0005829 cytosol,GO:0005886 plasma mem				
H20000356	H200003568	ENSG0000	NM_005857	10269	ZMPSTE24	zinc metall	GO:000650	GO:000422	GO:000563	1535	1252	0.82	-0.29
H20000272	H200002727	ENSG0000	NM_005836	10247	RIDA	reactive int	GO:000182	GO:001689	GO:000563	371	271	0.73	-0.45
H20001135	H200011350	ENSG0000	NM_003258	7083	TK1	thymidine k	GO:000188	GO:000479	GO:000582	2675	1893	0.71	-0.50
H20000051	H200000519	ENSG0000	NM_003245	7053	TGM3	transglutan	GO:000646	GO:000381	GO:000573	28	32	1.15	0.20
AHsV1000	AHsV10001936	ENSG0000	NR_135166	6866	TAC3	tachykinin	GO:000721	GO:000510	GO:000557	32	15	0.46	-1.11
CHsGV100	CHsGV1000195	ENSG0000	NM_007031	11077	HSF2BP	heat shock	GO:000636	-	GO:0005829 cytosol		4		
H20002131	H200021311	ENSG0000	XM_005254	11057	ABHD2	abhydrolas	GO:000815	GO:000367	GO:001602	106	88	0.84	-0.26
AHsV1000	AHsV10003098	ENSG0000	NM_001270	8491	MAP4K3	mitogen-ac	GO:000018	GO:000467	GO:000573	36	77	2.13	1.09
H20000264	H200002641	ENSG0000	XM_011516	8460	TPST1	tyrosylprot	GO:000647	GO:000847	GO:000013	14	12	0.88	-0.18
H30001147	H300011475	ENSG0000	NM_005087	8087	FXR1	FMR1 auto	GO:000691	GO:000215	GO:000573	736	807	1.10	0.13
H30001681	H300016811	ENSG0000	XM_005263	8022	LHX3	LIM homeo	GO:000189	GO:000107	GO:000563	82	60	0.73	-0.45
CHsGV100	CHsGV1000300	ENSG0000	NM_006965	7572	ZNF24	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	647	721	1.11	0.16
AHsV1000	AHsV10003021	ENSG0000	NM_003411	7544	ZFY	zinc finger	GO:000635	GO:000097	GO:0005634 nucleus				
H20000665	H200006659	ENSG0000	XM_005251	7336	UBE2V2	ubiquitin cc	GO:000020	GO:000551	GO:000563	2510	2257	0.90	-0.15
DHsGV100	DHsGV1000187	-	-	-	-	-	-	-	-	14	18	1.27	0.35
AHsV1000	AHsV10000231	ENSG0000	NR_037846	100532732	MSH5-SAF	MSH5-SAF	-	-	-	206	277	1.34	0.42
H20001608	H200016089	ENSG0000	NM_005372	4342	MOS	v-mos Mol	GO:000016	GO:000467	GO:0005829 cytosol				
CHsGV100	CHsGV100038	ENSG0000	NM_002386	4157	MC1R	melanocort	GO:000718	GO:000497	GO:000562	9	11	1.25	0.32
H30001943	H300019435	ENSG0000	XM_011535	83548	COG3	component	GO:000648	GO:000551	GO:000013	185	256	1.38	0.47
AHsV1000	AHsV10002636	ENSG0000	NM_207374	81341	OR10W1	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886 plasma membrane,GO:0016021 in				
AHsV1000	AHsV10000401	ENSG0000	XM_011543	80975	TMPRSS5	transmemb	GO:000650	GO:000425	GO:0005886 plasma m	7			
AHsV1000	AHsV10003333	ENSG0000	XR_930912	80162	ATHL1	ATH1, acid	GO:000597	GO:001678	GO:000561	55	69	1.26	0.33
AHsV1000	AHsV10001580	ENSG0000	NM_001163	80133	MROH9	maestro he	-	-	-				
AHsV1000	AHsV10000808	ENSG0000	NM_001318	79850	FAM57A	family with	-	-	GO:000588	57	53	0.93	-0.11
AHsV1000	AHsV10002876	ENSG0000	XM_006721	79831	KDM8	lysine deme	GO:000008	GO:000368	GO:000563	11	17	1.47	0.56
H20000153	H200001533	ENSG0000	NM_001002	54812	AFTPH	aftiphilin	GO:001503	GO:003027	GO:000563	228	227	1.00	0.00
AHsV1000	AHsV10000928	ENSG0000	XM_005273	54793	KCTD9	potassium	GO:005126	GO:000551	-	324	304	0.94	-0.09
CHsGV100	CHsGV1000075	ENSG0000	NR_135075	54432	YIPF1	Yip1 domai	GO:000223	GO:000551	GO:001602	207	211	1.02	0.03
AHsV1000	AHsV10002826	ENSG0000	XM_011517	54212	SNTG1	syntrophin	GO:000223	GO:000377	GO:000563	8	12	1.45	0.54
AHsV1000	AHsV10001407	ENSG0000	NM_016107	51663	ZFR	zinc finger	GO:000727	GO:000367	GO:000565	233	272	1.17	0.22
CHsGV100	CHsGV1000395	ENSG0000	NM_016023	51633	OTUD6B	OTU domai	GO:000650	GO:000823	-	551	475	0.86	-0.21
H20001143	H200011430	ENSG0000	XM_006720	55745	AP5M1	adaptor rel	GO						

H20001125	H200011259	ENSG0000	NM_017896	54994	GID8	GID comple	-	-	GO:000565	238	211	0.89	-0.18
CHsGV100	CHsGV1000396	ENSG0000	NM_015245	23294	ANKS1A	ankyrin rep	GO:000692	GO:000551	GO:000565	10	16	1.56	0.64
AHsV1000	AHsV10000550	ENSG0000	XM_011521	23269	MGA	MGA, MAX	GO:000635	GO:000367	GO:000565	25	34	1.34	0.42
AHsV1000	AHsV10001150	ENSG0000	XM_011509	23114	NFASC	neurofascin	GO:000217	GO:000551	GO:000562	intracellular,GO:0005886	plasma		
CHsGV100	CHsGV1000209	ENSG0000	XM_005266	23091	ZC3H13	zinc finger	-	GO:000551	GO:000565	48	52	1.08	0.12
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001265	22906	TRAK1	trafficking p	GO:000635	GO:000551	GO:000563	273	270	0.99	-0.01
H30000426	H300004264	ENSG0000	XM_011516	22882	ZHX2	zinc fingers	GO:000012	GO:000367	GO:000563	nucleus,GO:0005654	nucleoplasm		
H30001233	H300012330	-	XM_011542	81888	HY1	hydroxypyru	GO:000815	GO:000367	GO:000575	cellular_co	7		
H30001910	H300019109	-	XM_011542	80818	ZNF436	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000565	33	51	1.57	0.65
AHsV1000	AHsV10000574	ENSG0000	NM_025250	80727	TTYH3	tweety fam	GO:000682	GO:000522	GO:000588	14	23	1.61	0.69
CHsGV100	CHsGV100036	ENSG0000	NM_025004	80071	CCDC15	coiled-coil	-	-	GO:000581	86	158	1.84	0.88
H30001070	H300010700	ENSG0000	NM_001308	80012	PHC3	polyhomeo	GO:000727	GO:000367	GO:000563	25	41	1.69	0.76
AHsV1000	AHsV10003257	ENSG0000	NM_024746	79802	HHIP2	HHIP like 2	GO:000597	GO:000551	GO:000576	extracellular region			
CHsGV100	CHsGV1000378	ENSG0000	XM_011525	79777	ACBD4	acyl-CoA b	-	GO:000006	-	4	11	2.72	1.44
H30000623	H300006231	ENSG0000	NM_017516	54734	RAB39A	RAB39A, n	GO:000691	GO:000551	GO:000576	lysosome,GO:0005794	Golgi appa		
CHsGV100	CHsGV1000376	ENSG0000	NM_000463	54658	UGT1A1	UDP glucur	GO:000188	GO:000197	GO:000578	endoplasmic reticulum,GO:00057			
AHsV1000	AHsV10002227	ENSG0000	NM_001272	54084	TSPEAR	thrombospi	GO:000760	GO:000367	GO:000576	extracellu	4		
AHsV1000	AHsV10001967	ENSG0000	XM_011520	53841	CDHR5	cadherin re	GO:000715	GO:000550	GO:000588	28	33	1.18	0.24
AHsV1000	AHsV10000188	ENSG0000	XM_006716	51593	SRRT	serrate, RN	GO:000635	GO:000016	GO:000565	108	141	1.30	0.38
H20000120	H200001205	ENSG0000	NM_001031	51559	NTSDC3	5'-nucleoti	GO:001631	GO:000825	GO:000573	243	182	0.75	-0.42
H30001414	H300014144	ENSG0000	NM_018023	55689	YEATS2	YEATS dom	GO:000012	GO:000551	GO:000567	33	38	1.15	0.20
AHsV1000	AHsV10003217	ENSG0000	XM_011518	55357	TBC1D2	TBC1 doma	GO:004354	GO:000509	GO:001602	27	31	1.13	0.18
AHsV1000	AHsV10003465	ENSG0000	NM_001308	55337	C19orf66	chromosom	GO:003434	GO:000372	GO:000563	86	106	1.24	0.31
H20000814	H200008142	ENSG0000	NM_001033	55179	FAIM	Fas apopto	GO:000691	GO:000551	GO:000573	48	63	1.30	0.38
AHsV1000	AHsV10002570	ENSG0000	NM_001288	55153	SDAD1	SDA1 doma	GO:000005	GO:000367	GO:000563	837	837	1.00	0.00
H30000222	H300002228	ENSG0000	NR_033334	54968	TMEM70	transmemb	GO:003361	GO:000367	GO:000565	1824	1394	0.76	-0.39
H30001872	H300018729	-	NM_017827	54938	SARS2	seryl-tRNA	GO:000641	GO:000482	GO:000573	213	185	0.87	-0.21
AHsV1000	AHsV10001253	ENSG0000	XM_005245	23248	RPRD2	regulation c	-	-	GO:0016591	DNA-dire	8		
H30001096	H300010964	ENSG0000	NM_024923	23225	NUP210	nucleoporin	GO:000027	GO:004698	GO:000563	674	528	0.78	-0.35
AHsV1000	AHsV10002333	ENSG0000	XR_929739	23064	SETX	senataxin	GO:000016	GO:000114	GO:000022	8	17	2.10	1.07
AHsV1000	AHsV10002353	ENSG0000	NM_178140	23037	PDZD2	PDZ domai	GO:000715	-	GO:000576	extracellu	3		
H20001123	H200011236	ENSG0000	XM_006719	22862	FNDC3A	fibronectin	GO:000728	GO:004482	GO:000013	166	253	1.52	0.60
AHsV1000	AHsV10003089	ENSG0000	NM_001278	22837	COBLL1	cordon-ble	GO:003004	GO:000378	GO:0070062	extracellular exosome			
H20001245	H200012455	ENSG0000	NM_052841	81629	TSSK3	testis spec	GO:000646	GO:000028	GO:000573	20	25	1.26	0.34
H30000030	H300000303	ENSG0000	NM_001316	80346	REEP4	receptor ad	GO:000699	GO:000801	GO:000578	356	336	0.94	-0.09
H30001563	H300015632	ENSG0000	NM_025207	80308	FLAD1	flavin aden	GO:000674	GO:000391	GO:000573	43	51	1.18	0.24
H30001081	H300010819	ENSG0000	NM_001278	79982	DNAJB14	DnaJ heat	-	-	GO:000578	93	115	1.23	0.30
CHsGV100	CHsGV1000168	ENSG0000	XM_005270	79949	PLEKHS1	pleckstrin p	-	GO:000551	-				
CHsGV100	CHsGV1000376	ENSG0000	XM_011520	79751	SLC25A22	solute carr	GO:000641	GO:000373	GO:000565	30	30	0.99	-0.01
H20000568	H200005681	ENSG0000	NM_001256	79714	CCDC51	coiled-coil	-	-	GO:000565	206	175	0.85	-0.24
H30001876	H300018764	ENSG0000	NM_019071	54556	ING3	inhibitor of	GO:000632	GO:000440	GO:000081	284	325	1.15	0.20
H30002102	H300021026	ENSG0000	XM_011539	54537	FAM35A	family with	-	-	-	666	558	0.84	-0.26
CHsGV100	CHsGV100004	ENSG0000	XM_011514	53405	CLIC5	chloride int	GO:000202	GO:000436	GO:000563	nucleus,GO:0005794	Golgi appa		
CHsGV100	CHsGV100039	ENSG0000	NM_001193	51807	TUBA8	tubulin alph	GO:000645	GO:000392	GO:000573	29	27	0.92	-0.13
AHsV1000	AHsV10001430	ENSG0000	XM_011514	51513	ETV7	ETS varian	GO:000012	GO:000097	GO:000563	60	58	0.95	-0.07
AHsV1000	AHsV10003285	ENSG0000	NR_036541	653519	GPR89A	G protein-c	GO:000681	GO:000487	GO:001602	589	555	0.94	-0.09
CHsGV100	CHsGV1000188	ENSG0000	XM_011536	55632	G2E3	G2/M-phas	GO:000020	GO:000551	GO:000573	266	296	1.11	0.15
H20001535	H200015350	ENSG0000	XM_005256	55308	DDX19A	DEAD-box	GO:000640	GO:000367	GO:000563	448	340	0.76	-0.40
H30001754	H300017541	ENSG0000	XM_011541	55283	MDOLN3	mycolipin 3	GO:000762	-	GO:000573	cytoplasm,GO:0005886	plasma m		
AHsV1000	AHsV10000767	ENSG0000	XM_011541	55119	PRPF38B	pre-mRNA	GO:000639	GO:004482	GO:007101	573	639	1.11	0.16
CHsGV100	CHsGV1000002	ENSG0000	NM_001303	55095	SAMD4B	sterile alph	GO:000635	GO:004482	GO:000563	19	23	1.25	0.33
H20000202	H200002027	ENSG0000	NM_017798	54915	YTHDF1	YTH N(6)-r	GO:004594	GO:004302	GO:000573	665	667	1.00	0.01
CHsGV100	CHsGV1000058	ENSG0000	NM_198881	54885	TBC1D8B	TBC1 doma	GO:004354	GO:000509	-				
H30000048	H300000484	ENSG0000	XM_005245	23208	SYT11	synaptotag	GO:004692	GO:000550	GO:000588	integral ce	11		
AHsV1000	AHsV10000697	ENSG0000	XM_011509	23179	RGL1	ral guanine	GO:000726	GO:000832	GO:000575	cellular_co	4		
H20000862	H200008628	ENSG0000	NR_023353	23016	EXOSC7	exosome c	GO:000028	GO:000017	GO:000017	2040	1608	0.79	-0.34
AHsV1000	AHsV10003103	ENSG0000	NM_001297	22987	SV2C	synaptic ve	GO:000683	GO:002285	GO:000588	plasma m	6		
H30001168	H300011683	ENSG0000	XM_011515	22797	TFEC	transcripti	GO:000635	GO:000367	GO:000565	nucleoplasm,GO:0005737	cytopla		
AHsV1000	AHsV10003234	ENSG0000	NM_007272	11330	CTRC	chymotryps	GO:000650	GO:000425	GO:000576	extracellular region			
CHsGV100	CHsGV1000003	ENSG0000	NM_001271	81555	YIPF5	Yip1 domai	GO:001503	-	GO:000578	751	766	1.02	0.03
H30002185	H300021857	ENSG0000	NM_025165	80237	ELL3	elongation	GO:000635	GO:003532	GO:000563	24	22	0.92	-0.11
CHsGV100	CHsGV1000158	ENSG0000	NM_001017	80207	OPA3	optic atrop	GO:000760	-	GO:000573	53	45	0.85	-0.24
AHsV1000	AHsV10001933	ENSG0000	XM_011542	79906	MORN1	MORN repe	-	-	-	33	35	1.08	0.11
CHsGV100	CHsGV1000106	-	NM_001304	79879	CCDC134	coiled-coil	-	-	GO:000557	5	14	2.93	1.55
AHsV1000	AHsV10001500	ENSG0000	NM_153746	79683	ZDHHC14	zinc finger	GO:001834	GO:000827	GO:000578	163	186	1.14	0.19
H20001990	H200019905	ENSG0000	XR_931903	79664	ICE2	interactor c	GO:004279	GO:000551	GO:000802	480	416	0.87	-0.21
H30002049	H300020498	ENSG0000	NR_045818	54499	TMCO1	transmemb	-	-	GO:000013	4557	3543	0.78	-0.36
CHsGV100	CHsGV1000376	ENSG0000	NM_001282	54464	XRN1	5'-3' exori	GO:000028	GO:000367	GO:000093	17	36	2.08	1.06
CHsGV100	CHsGV1000052	ENSG0000	NM_001198	51752	ERAP1	endoplasmic	GO:000152	GO:000417	GO:000557	33	82	2.45	1.29
AHsV1000	AHsV10002285	ENSG0000	NM_016275	51714	SELT	selenoprote	GO:000151	GO:000843	-	114	168	1.48	0.56
AHsV1000	AHsV10001888	ENSG0000	NM_016153	100506164	HSFX1	heat shock	GO:000635	GO:000370	GO:000563	28	32	1.13	0.18
AHsV1000	AHsV10002669	ENSG0000	XM_005250	51366	UBR5	ubiquitin pr	GO:000020	GO:000372	GO:000563	176	181	1.03	0.04
H30002171	H300021714	ENSG0000	XM_005266	55578	SUPT20H	SPT20 hom	GO:000632	GO:000371	GO:000012	301	359	1.19	0.25
H20001343	H200013439	ENSG0000	NM_018270	55257	MRGBP	MRG/MOR	GO:000632	GO:000551	GO:000563	287	193	0.67	-0.57
H20000538	H200005387	ENSG0000	NM_018227	55236	UBA6	ubiquitin lik	GO:000651	GO:000483	GO:000573	430	447	1.04	0.06
H20001732	H200017326	ENSG0000	XM_005250	55069	TMEM248	transmemb	-	GO:000551	GO:001602	479	566	1.18	0.24
AHsV1000	AHsV10003515	ENSG0000	NM_001100	55049	C19orf60	chromosom	-	GO:000551	-	375	445	1.19	0.25
AHsV1000	AHsV10002754	ENSG0000	NM_017721	54862	CC2D1A	coiled-coil	GO:000012	GO:000097	GO:000563	11	24	2.15	1.11
H30000098	H300000981	ENSG0000	NM_017682	54831	BEST2	bestrophin	GO:000760	GO:000367	GO:000588	integral ce	5		
AHsV1000	AHsV10002548	ENSG0000	XM_006720	23162	MAPK8IP3	mitogen-ac	GO:000170	GO:000507	GO:000013	229	278	1.21	0.28
H20001109	H200011098	ENSG0000	XM_011523	23140	ZZEF1	zinc finger	-	GO:000550	-	90	129	1.43	0.52
AHsV1000	AHsV10001880	ENSG0000	XM_011518	22949	PTGR1	prostagland	GO:000669	GO:000827	GO:000573	cytoplasm,GO:0070062	extracellu		
H20000807	H200008075	ENSG0000	NM_001303	22924	MAPRE3	microtubule	GO:000706	GO:00					

opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	NM_001123	284293	HMSD	histocompa	GO:001095	GO:000486	GO:0005615	extracellular space,GO:0005737 d					
AHsV1000	AHsV10001414	-	XM_011524	284099	C17orf78	chromosom	-	-	GO:0016021	integral component of membrane					
CHsGV100	CHsGV1000096	-	NM_182701	257202	GPX6	glutathione	GO:000697	GO:000460	GO:000557	315	263	0.83	-0.26		
AHsV1000	AHsV10002207	ENSG0000	XM_011535	256380	SCML4	sex comb d	GO:000635	GO:000367	GO:000563	4	5	1.17	0.23		
CHsGV100	CHsGV1000354	ENSG0000	XM_011515	221786	FAM200A	family with	-	GO:000367	GO:001602	69	61	0.88	-0.18		
CHsGV100	CHsGV1000034	ENSG0000	NM_001286	221477	C6orf89	chromosom	GO:004206	GO:000551	GO:000013	100	110	1.10	0.13		
AHsV1000	AHsV10001299	ENSG0000	NM_001008	201725	C4orf46	chromosom	-	GO:000551	GO:000573	519	641	1.24	0.30		
CHsGV100	CHsGV1000245	ENSG0000	NM_001195	200895	DHFRL1	dihydrofola	GO:000654	GO:000372	GO:000573	5	11	2.45	1.30		
CHsGV100	CHsGV1000384	ENSG0000	XM_011523	83657	DYNLRB2	dynein light	GO:000681	GO:000377	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005868	cytoplasm				
CHsGV100	CHsGV1000146	ENSG0000	NM_001164	343578	ARHGAP40	Rho GTPase	GO:000726	GO:000509	GO:0005829	cytosol					
AHsV1000	AHsV10001808	ENSG0000	NM_001145	342931	RFPL4A	ret finger p	-	GO:000827	-						
AHsV1000	AHsV10003272	ENSG0000	XM_011537	319089	TTC6	tetratricop	-	-	-						
CHsGV100	CHsGV1000086	ENSG0000	NM_001001	286223	C9orf47	chromosom	-	-	GO:0005576	extracellular region					
AHsV1000	AHsV10000838	ENSG0000	NM_052865	92667	MGME1	mitochondr	GO:000000	GO:000829	GO:000573	565	682	1.21	0.27		
H20001098	H200010983	ENSG0000	NM_001017	92270	ATP6AP1L	ATPase H+	GO:001599	GO:004693	GO:001602	24	58	2.43	1.28		
AHsV1000	AHsV10001377	-	-	-	-	-	-	-	-			3			
CHsGV100	CHsGV1000151	ENSG0000	NM_033131	89780	WNT3A	wingless-ty	GO:000164	GO:000371	GO:000557	13	14	1.02	0.03		
AHsV1000	AHsV10001127	ENSG0000	XM_011519	84885	ZDHC12	zinc finger	GO:001834	GO:000827	GO:000578	52	59	1.13	0.17		
CHsGV100	CHsGV1000044	ENSG0000	NM_032728	84814	PLPP7	phospholipi	GO:001083	-	GO:0005635	nuclear envelope,GO:0005789 en					
AHsV1000	AHsV10001998	ENSG0000	NM_032329	84289	ING5	inhibitor of	GO:000626	GO:000368	GO:000563	128	164	1.28	0.36		
AHsV1000	AHsV10001462	ENSG0000	XM_011542	84251	SGIP1	SH3-domai	GO:000689	GO:000551	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005886	plasma m				
H20000584	H200005843	ENSG0000	NM_018265	55765	C1orf106	chromosom	-	-	-						
DHsGV100	DHsGV1000007	ENSG0000	NR_133571	100128386	LOC10012	uncharacte	-	-	-						
DHsGV100	DHsGV1000030	ENSG0000	NM_032860	84946	LTV1	LTV1 ribos	-	GO:000551	GO:000565	8	16	1.88	0.91		
DHsGV100	DHsGV100054	-	-	-	-	-	-	-	-						
DHsGV100	DHsGV1000185	-	NG_011876	5101	PCDH9	protocadhe	GO:000715	GO:000550	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021 in					
AHsV1000	AHsV10003314	ENSG0000	XM_011545	283897	C16orf54	chromosom	-	-	GO:0016021	integral component of membrane					
H30000102	H300001022	ENSG0000	XR_931797	283659	PRTG	protogenin	GO:000727	-	GO:0005615	extracellu	5				
DHsGV100	DHsGV1000174	ENSG0000	NR_037675	255783	INAFM1	InaF motif	-	-	GO:001602	120	101	0.85	-0.24		
H30000259	H300002597	ENSG0000	NM_152389	255101	CFAP65	cilia and fla	-	GO:000551	GO:001602	14	17	1.26	0.34		
CHsGV100	CHsGV1000302	ENSG0000	NM_001085	221303	FAM162B	family with	-	-	GO:0016021	integral component of membrane					
H30002250	H300022502	ENSG0000	XM_011539	221037	JMJD1C	jumonji dor	GO:000338	GO:000551	GO:000562	163	216	1.32	0.40		
H30001430	H300014304	ENSG0000	NM_001320	200150	PLD5	phospholipi	GO:000815	GO:000382	GO:0016021	integral component of membrane					
CHsGV100	CHsGV1000108	ENSG0000	NM_145297	199777	ZNF626	zinc finger	GO:000635	GO:000097	GO:000563	53	42	0.80	-0.33		
H20000859	H200008594	ENSG0000	XM_006716	83451	ABHD11	abhydrolase	GO:000815	GO:000367	GO:000557	105	84	0.80	-0.32		
AHsV1000	AHsV10002460	ENSG0000	XM_011520	341346	SMCO2	single-pass	-	-	GO:0016021	integral co	10				
H30000347	H300003476	ENSG0000	NM_001012	340543	TCEAL5	transcriptio	GO:000635	GO:000551	GO:000563	19	21	1.12	0.17		
AHsV1000	AHsV10002533	ENSG0000	XM_006715	285966	TCAF2	TRPM8 cha	GO:000224	GO:004432	GO:0005886	plasma m	11				
DHsGV100	DHsGV1000301	ENSG0000	NM_001145	285550	FAM200B	family with	-	GO:000367	-			8			
AHsV1000	AHsV10002544	ENSG0000	NM_052859	91869	RFT1	RFT1 homod	GO:000648	GO:000531	GO:000578	21	26	1.24	0.30		
H30001398	H300013982	ENSG0000	-	91526	ANKRD44	ankyrin rep	-	GO:000551	-						
AHsV1000	AHsV10000810	ENSG0000	XM_011523	85445	CNTNAP4	contactin a	GO:000715	-	GO:0016021	integral co	4				
AHsV1000	AHsV10002068	ENSG0000	XM_006718	85363	TRIM5	tripartite m	GO:000221	GO:000484	GO:000093	41	52	1.26	0.33		
AHsV1000	AHsV10000631	ENSG0000	XM_011515	84725	PLEKHA8	pleckstrin f	GO:000686	GO:001708	GO:0005802	trans-Gol	3				
AHsV1000	AHsV10002779	ENSG0000	XM_006718	84665	MYPN	myopalladin	GO:004521	GO:000377	GO:0005634	nucleus,GO:0030018	Z disc,GO:0				
AHsV1000	AHsV10001576	ENSG0000	NM_032229	84189	SLITRK6	SLIT and N	GO:000196	-	GO:0005887	integral component of plasma me					
AHsV1000	AHsV10002392	ENSG0000	NM_139076	84142	FAM175A	family with	GO:000072	GO:000551	GO:000563	298	546	1.83	0.88		
H30001023	H300010239	ENSG0000	XM_005269	55717	WDR11	WD repeat	-	GO:000551	GO:000563	212	260	1.23	0.30		
DHsGV100	DHsGV1000013	ENSG0000	-	-	RP11-231I	-	-	-	-			48	39	0.80	-0.32
DHsTV100	DHsTV1000004	-	-	-	-	-	-	-	-					5	
DHsGV100	DHsGV1000044	-	-	-	-	-	-	-	-			23	24	1.03	0.04
DHsGV100	DHsGV1000143	ENSG0000	-	-	RP11-293M	-	-	-	-						
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_011538	283455	KSR2	kinase supp	GO:000646	GO:000467	GO:0005737	cytoplasm,GO:0016020	membran				
H20000388	H200003883	ENSG0000	XM_006718	283232	TMEM80	transmemb	-	-	GO:001602	82	75	0.91	-0.13		
CHsGV100	CHsGV1000207	ENSG0000	NR_073079	254263	CNIH2	cornichon f	GO:000688	GO:000551	GO:000013	1144	1115	0.97	-0.04		
AHsV1000	AHsV10001997	ENSG0000	NM_001256	253559	CADM2	cell adhesio	GO:000715	GO:000487	GO:0005886	plasma m	8				
CHsGV100	CHsGV1000185	ENSG0000	XM_011544	219970	GLYATL2	glycine-N-	GO:000815	GO:004796	GO:0005739	mitochondrion,GO:0005783	endor				
AHsV1000	AHsV10003131	ENSG0000	NM_001004	219453	OR8K5	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021 in					
AHsV1000	AHsV10001974	ENSG0000	NM_174916	197131	UBR1	ubiquitin pr	GO:001656	GO:000827	GO:000015	65	50	0.78	-0.37		
CHsGV100	CHsGV1000081	ENSG0000	XM_005268	196403	DTX3	deltex 3, E3	GO:000721	GO:000551	GO:000573	18	18	0.95	-0.07		
H20000131	H200001310	ENSG0000	XM_006721	81831	NETO2	neuropilin a	GO:200031	GO:003525	GO:001406	107	154	1.44	0.52		
CHsGV100	CHsGV1000298	ENSG0000	NM_001042	339965	CCDC158	coiled-coil	-	-	-			3			
DHsGV100	DHsGV1000405	-	-	-	-	-	-	-	-			121	90	0.74	-0.43
AHsV1000	AHsV10002585	ENSG0000	NM_178822	285313	IGSF10	immunoglob	GO:000150	-	GO:0005576	extracellular region					
AHsV1000	AHsV10001186	ENSG0000	NM_001080	284992	CCDC150	coiled-coil	-	GO:000551	-			6	15	2.42	1.28
AHsV1000	AHsV10003164	ENSG0000	NM_001009	91298	C12orf29	chromosom	GO:000224	-	-			170	153	0.90	-0.15
H30001676	H300016760	ENSG0000	NM_139159	91039	DPP9	dipeptidyl p	GO:000650	GO:000417	GO:000563	35	33	0.96	-0.06		
CHsGV100	CHsGV1000124	ENSG0000	XM_005271	85016	C11orf70	chromosom	-	-	-					7	
AHsV1000	AHsV10002668	ENSG0000	NM_032882	84968	PNMA6A	paraneopla	-	-	-					9	
AHsV1000	AHsV10001410	ENSG0000	XM_011519	84628	NTNG2	netrin G2	GO:000740	GO:000367	GO:0030424	axon,GO:0				7	
H20001938	H200019381	ENSG0000	NM_001040	84539	MCHR2	melanin co	GO:000720	GO:000163	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005887 in					
CHsGV100	CHsGV100008	ENSG0000	XM_011525	84074	QRICH2	glutamine r	-	-	-					4	
CHsGV100	CHsGV1000068	ENSG0000	NM_032040	83987	CCDC8	coiled-coil	GO:000022	-	GO:000573	53	62	1.19	0.25		
H20001588	H200015886	ENSG0000	NM_017879	55659	ZNF416	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	9	14	1.59	0.67		
DHsGV100	DHsGV1000394	-	-	-	-	-	-	-	-			60	49	0.81	-0.31
DHsGV100	DHsGV1000180	ENSG0000	NG_029873	6868	ADAM17	ADAM met	GO:000166	GO:000422	GO:000573	18	24	1.31	0.39		
DHsGV100	DHsGV1000530	-	-	-	-	-	-	-	-			67	55	0.81	-0.30
DHsGV100	DHsGV1000231	-	-	-	-	-	-	-	-			4475	4075	0.91	-0.14
CHsGV100	CHsGV100014	ENSG0000	NM_001042	282966	C10orf53	chromosom	-	-	-						
CHsGV100	CHsGV100028	ENSG0000	NM_148894	259282	BOD1L1	biorientatio	GO:000628	GO:000367	GO:000565	7	16	2.14	1.10		
AHsV1000	AHsV10002835	ENSG0000	NR_045129	246126	TXLNGY	taxilin gamr	-	GO:001990	-						
CHsGV100	CHsGV1000202	ENSG0000	NM_001029	222553	SLC35F1	solute carr	GO:000681	-	GO:0016021	integral component of membrane					
CHsGV100	CHsGV1000188	ENSG0000	NM_001017	203547	VMA21	VMA21 vac	GO:004346	-	GO:000576	368	405	1.10	0.14		
CHsGV100	CHsGV1000344	ENSG0000	XM_011516	203062	TSNARE1	t-SNARE d	GO:000688	GO:000014	GO:001250	9	13	1.47	0.56		
CHsGV100	CHsGV1000005	ENSG0000	NM_138288	171546	SPTSSA	serine palm	GO:003014	GO:000475	GO:001602	109	117	1.07	0.10		
CHsGV100	CHsGV100007	ENSG0000	NM_130759	170575	GIMAP1	GTPase, IM	GO:003018	GO:000552	GO:0000139	Golgi men	6				
CHsGV10															

AHsV1000	AHsV10000033	ENSG0000	XM_011509	284618	RUSC1-AS	RUSC1 ant	-	GO:000551	-	21	22	1.08	0.11
H30000823	H300008232	ENSG0000	NM_173636	284403	WDR62	WD repeat	GO:000705	GO:000551	GO:000092	7	18	2.46	1.30
H30001263	H300012630	ENSG0000	XM_011535	90634	N4BP2L1	NEDD4 bin	-	-	-	-	-	-	-
AHsV1000	AHsV10000139	ENSG0000	NM_033495	90293	KLHL13	kelch like f	GO:000091	GO:000484	GO:0030496	midbody,GO:0031463	Cul3-RING	-	-
AHsV1000	AHsV10002403	ENSG0000	XM_011528	84941	HSH2D	hematopoie	GO:000290	GO:000507	GO:0005634	nucleus,G	7	-	-
CHsGV100	CHsGV1000345	-	NM_032827	84913	ATO8	atonal bHL	GO:000170	GO:000370	GO:0005634	nucleus,GO:0005737	cytoplasm,C	-	-
AHsV1000	AHsV10000688	ENSG0000	NM_001271	84450	ZNF512	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	205	196	0.95	-0.07
CHsGV100	CHsGV1000345	ENSG0000	XM_011520	84364	ARFGAP2	ADP ribosy	GO:000688	GO:000509	GO:000013	251	280	1.12	0.16
AHsV1000	AHsV10002661	ENSG0000	NM_031959	83897	KRTAP3-2	keratin ass	-	GO:000519	GO:0045095	keratin filament	-	-	-
AHsV1000	AHsV10001659	ENSG0000	NM_001300	83786	FRMD8	FERM dom	-	GO:000551	GO:000585	1218	822	0.67	-0.57
H20001157	H200011576	ENSG0000	NR_003089	55611	OTUB1	OTU deubi	GO:000225	GO:000484	GO:000563	487	455	0.94	-0.10
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_006718	417	ART1	ADP-ribosy	GO:000647	GO:000395	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005887	in	-	-
DHsGV100	DHsGV1000386	ENSG0000	NM_020376	57104	PNPLA2	patatin like	GO:000664	GO:000480	GO:000578	73	69	0.94	-0.08
DHsGV100	DHsGV1000510	-	-	-	-	-	-	-	-	32	28	0.86	-0.21
DHsGV100	DHsGV1000069	ENSG0000	XR_922327	105371634	LOC10537	uncharacte	-	-	-	23	28	1.21	0.27
DHsGV100	DHsGV1000116	-	-	-	-	-	-	-	-	5	10	1.95	0.96
DHsGV100	DHsGV1000292	ENSG0000	NR_037176	100507463	PSMB8-AS	PSMB8 ant	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000316	-	-	-	-	-	-	-	-	129	115	0.90	-0.16
DHsGV100	DHsGV1000061	-	NG_033907	23395	LARS2	leucyl-tRN	GO:000641	GO:000216	GO:0005739	mitochon	4	-	-
DHsGV100	DHsGV1000347	ENSG0000	-	389084	C2orf82	chromosom	-	-	GO:0016021	integral component of membrane	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000576	-	XR_958563	105376132	LOC10537	uncharacte	-	-	-	15	18	1.24	0.31
DHsGV100	DHsGV1000449	ENSG0000	XR_933796	105371363	LOC10537	uncharacte	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000217	ENSG0000	NR_125368	100129434	LOC10012	uncharacte	-	-	-	18	23	1.29	0.37
DHsGV100	DHsGV1000171	-	-	-	-	-	-	-	-	-	4	-	-
DHsGV100	DHsGV1000419	-	-	-	-	-	-	-	-	14	15	1.07	0.09
DHsGV100	DHsGV1000120	-	XR_952028	100134423	LOC10013	uncharacte	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000396	-	-	-	-	-	-	-	-	56	50	0.90	-0.15
H20001397	H200013977	ENSG0000	NM_014247	9693	RAPGEF2	Rap guanin	GO:000016	GO:000487	GO:000573	60	69	1.15	0.20
DHsGV100	DHsGV1000316	-	-	-	-	-	-	-	-	128	99	0.78	-0.36
DHsGV100	DHsGV1000259	ENSG0000	-	-	RP11-1010	-	-	-	-	87	74	0.85	-0.24
DHsGV100	DHsGV1000402	-	-	-	-	-	-	-	-	23	27	1.18	0.23
DHsGV100	DHsGV1000324	ENSG0000	NM_017761	55629	PNRC2	proline rich	GO:000018	GO:000551	GO:000093	2393	2457	1.03	0.04
DHsGV100	DHsGV1000218	ENSG0000	NR_125386	100507530	MCPH1-AS	MCPH1 ant	-	-	-	-	4	-	-
AHsV1000	AHsV10000482	ENSG0000	NM_001145	389124	IQCF5	IQ motif co	-	-	-	-	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400008	ENSG0000	NR_028411	388910	LINC00207	long interge	-	-	-	-	5	-	-
CHsGV100	CHsGV100002	ENSG0000	NM_198557	375287	RBM43	RNA bindin	-	GO:000016	-	37	37	1.00	0.00
AHsV1000	AHsV10000132	ENSG0000	XM_011525	374860	ANKRD30E	ankyrin rep	GO:000815	GO:000367	GO:0005575	cellular cc	5	-	-
H20001927	H200019274	ENSG0000	NM_032608	84700	MYO18B	myosin XV	GO:000815	GO:000377	GO:0005634	nucleus,G	26	-	-
DHsGV100	DHsGV1000495	ENSG0000	NR_130643	140883	ZNF280B	zinc finger	GO:000012	GO:000122	GO:0005634	nucleus	6	-	-
DHsGV100	DHsGV100031	ENSG0000	NR_040074	100287225	LOC10028	uncharacte	-	-	-	-	6	-	-
DHsGV100	DHsGV1000315	-	-	-	-	-	-	-	-	-	4	-	-
DHsGV100	DHsGV1000044	-	-	-	-	-	-	-	-	70	60	0.86	-0.21
DHsGV100	DHsGV1000267	-	-	-	-	-	-	-	-	15	17	1.13	0.18
DHsGV100	DHsGV1000533	ENSG0000	XM_005250	50617	ATP6V0A4	ATPase H+	GO:000150	GO:000551	GO:000022	42	34	0.80	-0.32
CHsGV100	CHsGV1000106	ENSG0000	NM_003807	8740	TNFSF14	tumor necr	GO:000691	GO:000510	GO:0005615	extracellu	5	-	-
DHsGV100	DHsGV1000333	-	XM_011511	83607	AMMECR1	AMMECR1	-	-	-	12	11	0.87	-0.20
DHsGV100	DHsGV1000546	-	XM_011527	105372474	LOC10537	uncharacte	-	-	-	-	-	-	-
H30000331	H300003319	ENSG0000	XM_011534	219333	USP12	ubiquitin sp	GO:000651	GO:000419	GO:000557	24	37	1.57	0.65
DHsGV100	DHsGV1000566	-	-	-	-	-	-	-	-	55	54	0.98	-0.03
AHsV1000	AHsV10001095	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000197	ENSG0000	NM_152657	199720	GGN	gametogen	GO:000630	GO:000551	GO:004847	62	58	0.94	-0.10
DHsGV100	DHsGV1000313	ENSG0000	NG_030347	89797	NAV2	neuron nav	GO:000302	GO:000438	GO:0005614	interstitial matrix,GO:0005654	nu	-	-
DHsGV100	DHsGV1000525	-	-	-	-	-	-	-	-	-	5	-	-
DHsGV100	DHsGV1000140	-	-	-	-	-	-	-	-	-	4	-	-
DHsGV100	DHsGV1000366	-	-	-	-	-	-	-	-	77	76	0.98	-0.02
AHsV1000	AHsV10002384	ENSG0000	NM_001290	100131827	ZNF717	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus	7	-	-
DHsGV100	DHsGV1000165	ENSG0000	NG_028154	2171	FABP5	fatty acid b	GO:000600	GO:000521	GO:000565	166	134	0.81	-0.30
DHsGV100	DHsGV1000178	ENSG0000	NR_027084	284124	FLJ36000	uncharacte	-	-	-	11	18	1.70	0.77
DHsGV100	DHsGV1000256	ENSG0000	NG_029392	7296	TXNRD1	thioredoxin	GO:000030	GO:000479	GO:000563	12	13	1.07	0.10
DHsGV100	DHsGV1000075	ENSG0000	NM_001194	388630	TRAB2B	TraB doma	GO:000650	GO:000422	GO:000588	42	39	0.93	-0.11
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	XM_011524	388419	BTBD17	BTB doma	GO:000961	-	GO:000557	72	64	0.89	-0.18
DHsGV100	DHsGV1000325	ENSG0000	NM_001145	360030	NANOGNB	NANOG ne	-	GO:000367	GO:0005634	nucleus	4	-	-
AHsV1000	AHsV10003347	ENSG0000	XM_011538	353116	RNLPL1	Rab interad	GO:000338	-	GO:000565	100	101	1.01	0.02
H20000730	H200007301	ENSG0000	XM_005252	9576	SPAG6	sperm asso	GO:000728	-	GO:000563	49	101	2.06	1.04
DHsGV100	DHsGV1000170	ENSG0000	XM_011540	9148	NEURL1	neuralized	GO:000641	GO:000484	GO:0005886	plasma m	5	-	-
DHsGV100	DHsGV1000134	-	-	-	-	-	-	-	-	123	82	0.67	-0.58
DHsGV100	DHsGV1000320	-	-	-	-	-	-	-	-	71	57	0.80	-0.32
DHsGV100	DHsGV1000030	ENSG0000	NM_001243	55719	SLF2	SMC5-SMC	GO:000628	GO:000551	GO:0000785	chromatin,GO:0005615	extracellu	-	-
DHsGV100	DHsGV1000548	-	-	-	-	-	-	-	-	-	8	-	-
DHsGV100	DHsGV1000487	-	-	-	-	-	-	-	-	-	8	-	-
DHsGV100	DHsGV1000046	-	NG_028153	9486	CHST10	carbohydra	GO:000715	GO:000814	GO:000013	13	17	1.25	0.32
DHsGV100	DHsGV1000408	-	-	-	-	-	-	-	-	-	4	-	-
DHsGV100	DHsGV1000503	-	-	-	-	-	-	-	-	22	21	0.98	-0.02
DHsGV100	DHsGV1000210	ENSG0000	XM_011512	27230	SERP1	stress-ass	GO:000150	GO:000551	GO:000578	110	113	1.02	0.03
DHsGV100	DHsGV1000565	ENSG0000	NR_038876	100129027	LOC10012	uncharacte	-	-	-	13	16	1.25	0.33
DHsGV100	DHsGV1000024	-	-	-	-	-	-	-	-	-	4	-	-
DHsGV100	DHsGV1000492	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000285	ENSG0000	-	-	CTD-2562	-	-	-	-	14	16	1.10	0.13
H30001470	H300014703	ENSG0000	NM_001996	2192	FBLN1	fibulin 1	GO:000193	GO:000196	GO:0005576	extracellu	12	-	-
DHsGV100	DHsGV1000575	ENSG0000	-	85028	SNHG12	small nucle	-	-	-	-	6	-	-
DHsGV100	DHsGV1000366	-	-	-	-	-	-	-	-	-	4	-	-
DHsGV100	DHsGV1000501	ENSG0000	NG_007149	604	BCL6	B-cell CLL	GO:000006	GO:000097	GO:0005634	nucleus,GO:0005657	replication f	-	-
DHsGV100	DHsGV1000411	-	XR_936022	105372436	LOC10537	uncharacte	-	-	-	-	5	-	-
DHsGV100	DHsGV1000568	ENSG0000	XM_011539	100996701	LOC10099	uncharacte	-	-	-	85	69	0.81	-0.30
DHsGV100	DHsGV1000094	ENSG0000	XR_924397	100130701	LOC10013	uncharacte	-	-	-	-	3	-	-
DHsGV100	DHsGV1000374	ENSG0000	NM_001136	387890	TMEM233	transmemb	GO:000960	-	GO:0016021	integral c	5	-	-
AHsV1000	AHsV10002546	ENSG0000	NR_027889	387521	TMEM189	transmemb	GO:001656	GO:003162	GO:000573	212	198	0.94	-0.09
CHsGV100	CHsGV1000061	ENSG0000	NM_182704	348303	SELV	selenoprot	-	GO:000551	-	18	22	1.20	0.26
AHsV1000	AHsV10003064	ENSG0000	NM_178839	347730	LRRTM1	leucine rich	GO:000209	GO:000367	GO:0005783	endoplasr	5	-	-

H20000717	H200007170	ENSG0000	NM_004533	4606	MYBPC2	myosin bind	GO:000715	GO:000377	GO:000582	50	47	0.96	-0.06
DHsGV100	DHsGV1000045	ENSG0000	NM_138386	92345	NAF1	nuclear ass	GO:000152	GO:000372	GO:0005634	nucleus,G	7		
DHsGV100	DHsGV1000152	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000118	ENSG0000	NM_001065	7132	TNFRSF1A	tumor necr	GO:000669	GO:000503	GO:000013	13	21	1.55	0.63
H20000334	H200003348	ENSG0000	XM_011534	10284	SAP18	Sin3A asso	GO:000038	GO:000371	GO:000011	2897	2634	0.91	-0.14
DHsGV100	DHsGV1000281	-	-	-	-	-	-	-	-	17	25	1.42	0.51
DHsGV100	DHsGV1000075	ENSG0000	NG_013224	-	RP5-1000k	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000185	-	NG_016772	8623	ASMTL	acetylserot	GO:000815	GO:000367	GO:000573	10	12	1.12	0.17
DHsGV100	DHsGV1000430	-	-	-	-	-	-	-	-	22	25	1.16	0.21
DHsGV100	DHsGV1000066	-	-	-	-	-	-	-	-	61	60	0.98	-0.03
DHsGV100	DHsGV1000008	ENSG0000	XR_931177	101929918	LOC101929	uncharacte	-	-	-	45	44	0.99	-0.02
DHsGV100	DHsGV1000380	ENSG0000	-	-	RP11-540	-	-	-	-	-	-	9	-
DHsGV100	DHsGV1000362	ENSG0000	-	-	RP11-1480	-	-	-	-	-	-	4	-
DHsGV100	DHsGV1000265	-	-	-	-	-	-	-	-	27	29	1.08	0.11
DHsGV100	DHsGV1000433	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000328	ENSG0000	XR_930455	105376327	LOC105376	uncharacte	-	-	-	191	163	0.85	-0.23
DHsGV100	DHsGV1000095	ENSG0000	NR_103852	100132529	TAT-AS1	TAT antise	-	-	-	-	6	-	-
DHsGV100	DHsGV1000244	-	-	-	-	-	-	-	-	238	191	0.80	-0.32
DHsGV100	DHsGV1000297	-	-	-	-	-	-	-	-	24	26	1.04	0.06
DHsGV100	DHsGV1000202	ENSG0000	NR_036537	100131320	RAB6C-AS	RAB6C ant	-	-	-	51	46	0.90	-0.15
DHsGV100	DHsGV1000244	-	XM_005257	100130520	LOC100130	CD300c mc	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000486	-	NR_034036	100130452	LOC100130	uncharacte	-	-	-	5	12	2.46	1.30
AHsV10002	AHsV10002611	ENSG0000	NM_198689	386675	KRTAP10-	keratin ass	-	GO:000551	GO:0045095	keratin fil	4	-	-
AHsV10002	AHsV10002386	ENSG0000	NM_001305	375790	AGRN	agrin	GO:000152	GO:000216	GO:000557	433	399	0.92	-0.12
DHsGV100	DHsGV1000550	ENSG0000	-	346702	PRSS51	protease, s	-	-	-	22	25	1.11	0.15
AHsV10002	AHsV10002038	ENSG0000	NM_001042	345222	MSANTD1	Myb/SANT	GO:001046	-	GO:001660	33	22	0.67	-0.57
H20000396	H200003962	ENSG0000	XM_005258	84282	RNF135	ring finger	GO:001656	GO:000484	GO:0005737	cytoplasm	8	-	-
H20001235	H200012353	ENSG0000	NM_001024	51127	TRIM17	tripartite m	GO:000691	GO:000484	GO:000557	111	84	0.76	-0.40
H20001360	H200013604	ENSG0000	XM_011517	111172	INSL6	insulin like	GO:000728	GO:000517	GO:000557	27	24	0.91	-0.14
H20001313	H200013135	-	-	-	-	-	-	-	-	54	69	1.29	0.36
H20001284	H200012842	ENSG0000	NM_004771	9313	MMP20	matrix met	GO:000650	GO:000422	GO:000557	9	11	1.22	0.28
H30001160	H300011604	ENSG0000	NM_182680	265	AMELX	amelogenin	GO:000164	GO:000551	GO:000557	6	11	1.81	0.85
H30001853	H300018532	ENSG0000	XM_005251	23446	SLC44A1	solute carr	GO:000664	GO:001522	GO:000565	6	11	1.71	0.77
H20000841	H200008417	ENSG0000	NM_001278	11116	FGFR1OP	FGFR1 onc	GO:000008	GO:000471	GO:000563	414	353	0.85	-0.23
H30000715	H300007154	ENSG0000	NM_003830	8778	SIGLEC5	sialic acid b	GO:000715	GO:000551	GO:001602	46	42	0.91	-0.14
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011525	8526	DGKE	diacylglyce	GO:000720	GO:000414	GO:000573	14	18	1.22	0.28
H20001268	H200012683	ENSG0000	XM_011545	5024	P2RX3	purinergic r	GO:000166	GO:000161	GO:0005639	integral c	4	-	-
H20000046	H200000462	ENSG0000	NM_080600	4099	MAG	myelin assd	GO:000715	GO:000510	GO:000573	5	5	1.08	0.12
H20001038	H200010387	ENSG0000	NM_021950	931	MS4A1	membrane	GO:000695	GO:000515	GO:0005615	extracellular space,GO:0005887 i	-	-	-
H20001162	H200011622	ENSG0000	NM_014461	27255	CNTN6	contactin 6	GO:000715	-	GO:0005886	plasma m	7	-	-
H30000335	H300003353	ENSG0000	NM_001282	10672	GNA13	guanine nu	GO:000156	GO:000392	GO:000563	544	559	1.03	0.04
H30002057	H300020578	ENSG0000	NM_144707	150696	PROM2	prominin 2	GO:000193	GO:001548	GO:000588	11	13	1.23	0.30
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_006721	123920	CMTM3	CKLF like	GO:000693	GO:000512	GO:000561	190	162	0.85	-0.23
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_020689	57419	SLC24A3	solute carr	GO:000681	GO:000526	GO:0005886	plasma m	6	-	-
H20000534	H200005343	ENSG0000	NM_019849	56301	SLC7A10	solute carr	GO:000333	GO:001517	GO:000588	26	28	1.08	0.12
H20001934	H200019344	ENSG0000	NM_003491	8260	NAA10	N(alpha)-ad	GO:000632	GO:000459	GO:000562	533	386	0.72	-0.47
H30000643	H300006430	ENSG0000	XM_011542	8659	ALDH4A1	aldehyde d	GO:000653	GO:000384	GO:000575	179	133	0.74	-0.44
H20000737	H200007370	ENSG0000	NM_001128	7368	UGT8	UDP glycos	GO:000217	GO:000385	GO:000588	39	47	1.22	0.29
DHsGV100	DHsGV10000315	ENSG0000	XM_005272	9684	LRRC14	leucine ric	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000022	ENSG0000	-	-	RP11-977E	-	-	-	-	21	19	0.91	-0.14
DHsGV100	DHsGV10000519	ENSG0000	NM_001162	100287718	ANKRD66	ankyrin rep	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000046	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
H30000840	H300008401	ENSG0000	XM_011537	7187	TRAF3	TNF recept	GO:000181	GO:000484	GO:000573	112	77	0.69	-0.54
H30002093	H300020939	ENSG0000	NM_198253	7015	TERG	telomerase	GO:000072	GO:000004	GO:000033	22	25	1.17	0.22
H30000939	H300009395	ENSG0000	NM_021016	5671	PGS3	pregnancy	GO:000695	-	GO:000557	6	9	1.52	0.60
H20001597	H200015979	ENSG0000	NM_024409	4880	NPPC	natriuretic	GO:000150	GO:000510	GO:0005576	extracellular region,GO:0005615	-	-	-
H20000136	H200001365	ENSG0000	NM_007281	11341	SCRG1	stimulator	GO:000739	GO:000551	GO:000561	22	24	1.11	0.16
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_003062	6586	SLIT3	slit guidanc	GO:000741	GO:000550	GO:000557	1075	1210	1.13	0.17
H30000488	H300004886	ENSG0000	NM_001007	10870	HCST	hematopoie	GO:000646	GO:000510	GO:000588	57	44	0.77	-0.37
H30001628	H300016284	ENSG0000	NM_001271	10505	SEMA4F	ssemaphor	GO:000175	GO:003021	GO:000561	129	105	0.82	-0.29
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001110	7784	ZP3	zona pelluc	GO:000180	GO:000487	GO:000166	12	18	1.55	0.63
H20001375	H200013754	ENSG0000	NM_003259	7087	ICAM5	intercellula	GO:000690	GO:000517	GO:000588	467	295	0.63	-0.66
H30002215	H300022150	-	NM_001242	3812	KIR3DL2	killer cell in	GO:000696	-	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005887 in	-	-	-
H20000817	H200008177	ENSG0000	NM_001167	3556	IL1RAP	interleukin	GO:000646	GO:000487	GO:000557	36	60	1.65	0.73
H20001871	H200018714	ENSG0000	NR_111917	7455	ZAN	zonadhesin	GO:000733	-	GO:000588	25	27	1.06	0.08
H30002066	H300020668	ENSG0000	NM_032513	7780	SLC30A2	solute carr	GO:001004	GO:000538	GO:000573	4	8	2.00	1.00
H30000485	H300004856	ENSG0000	XM_011539	4153	MBL2	mannose b	GO:000186	GO:000510	GO:0005576	extracellu	5	-	-
H30002130	H300021308	ENSG0000	XM_011509	115019	SLC26A9	solute carr	GO:000681	GO:000525	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005887 in	-	-	-
H20001266	H200012662	ENSG0000	NM_033505	85465	EPT1	ethanolami	GO:000664	GO:000430	GO:000578	348	348	1.00	0.00
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_011524	54868	TMEM104	transmemb	GO:000815	GO:000367	GO:000557	41	42	1.04	0.06
H30001772	H300017727	ENSG0000	NM_016382	51744	CD244	CD244 mol	GO:000225	GO:000487	GO:000588	7	13	1.80	0.85
H30000638	H300006381	ENSG0000	-	-	RP11-512C	-	-	-	-	-	-	6	-
H20000274	H200002748	ENSG0000	NM_001037	23597	ACOT9	acyl-CoA t	GO:000663	GO:000398	GO:000573	873	634	0.73	-0.46
DHsGV100	DHsGV1000175	-	-	-	-	-	-	-	-	344	265	0.77	-0.38
DHsGV100	DHsGV1000378	ENSG0000	XM_005263	150483	TEKT4	tektin 4	GO:003003	GO:000551	GO:000563	5	12	2.54	1.35
DHsGV100	DHsGV1000544	-	-	-	-	-	-	-	-	53	51	0.95	-0.07
DHsGV100	DHsGV1000275	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	4	-
DHsGV100	DHsGV1000147	-	XM_005250	340359	KLHL38	kelch like f	GO:001656	GO:000484	GO:003146	524	435	0.83	-0.27
H20000439	H200004390	ENSG0000	NM_001278	11144	DMC1	DNA meiot	GO:000073	GO:000015	GO:000078	53	51	0.96	-0.06
H20000870	H200008704	ENSG0000	NM_001166	116519	APOA5	apolipoprot	GO:000664	GO:000554	GO:000557	40	31	0.77	-0.38
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_021268	3451	IFNA17	interferon,	GO:000225	GO:000512	GO:000557	9	13	1.40	0.49
H20001606	H200016060	ENSG0000	NM_001288	2661	GDF9	growth diff	GO:000155	GO:000512	GO:0005615	extracellu	9	-	-
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_000575	3552	IL1A	interleukin	GO:000166	GO:000512	GO:000557	93	74	0.79	-0.34
H20000050	H200000500	ENSG0000	NM_001639	325	APCS	amyloid P d	GO:000267	GO:000184	GO:000557	138	127	0.92	-0.11
H30000397	H300003979	ENSG0000	NM_005714	10089	KCNK7	potassium	GO:000681	GO:000524	GO:0005886	plasma m	10	-	-
H20000338	H200003384	ENSG0000	XM_011542	9860	LRIG2	leucine-ric	GO:000760	-	GO:000573	64	66	1.03	0.04
H30001855	H300018553	ENSG0000	XM_011520	6579	SLCO1A2	solute carr	GO:000820	GO:000851	GO:000588	13	19	1.49	0.58
H20001475	H200014753	ENSG0000	NM_004173	6545	SLC7A4	solute carr	GO:000652	GO:001517	GO:001602	47	40	0.87	-0.21
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_005251	2844	GPR21	G protein-d	GO:000196	GO:00015					

H20000569	H200005691	ENSG0000	NM_000148	2523	FUT1	fucosyltran	GO:000597	GO:000810	GO:000579	45	64	1.42	0.50
H30000578	H300005787	ENSG0000	NM_001252	25929	GEMIN5	gem nuclea	GO:000038	GO:000551	GO:000563	652	420	0.64	-0.64
H20000850	H200008505	ENSG0000	NM_004306	312	ANXA13	annexin A1	GO:003015	GO:000178	GO:0005615	8			
H30000430	H300004307	ENSG0000	NR_026734	344805	TMPRSS7	transmemb	GO:000650	GO:000425	GO:0005886	5			
H20001474	H200014743	ENSG0000	NM_031440	83597	RTP3	receptor (c	GO:000158	GO:000551	GO:000573	6	9	1.62	0.70
H30002239	H300022396	ENSG0000	NR_028092	80350	LPAL2	lipoprotein	GO:000815	GO:000367	GO:0005575	5			
H30001365	H300013659	ENSG0000	NM_001039	25858	TEX40	testis expr	GO:000714	-	GO:000573	170	113	0.67	-0.59
H30002068	H300020686	ENSG0000	XM_011515	29881	NPC1L1	NPC1-like	GO:000669	GO:000551	GO:000588	16	33	2.05	1.04
H30002282	H300022820	-	-	-	-	-	-	-	-	3			
H30000808	H300008084	ENSG0000	XR_132661	100506634	LOC10050	hepatocellu	-	-	-	1662	1226	0.74	-0.44
DHsGV100	DHsGV1000109	-	-	-	-	-	-	-	-	12	17	1.46	0.54
DHsGV100	DHsGV1000336	-	NR_103538	729583	LINC01556	long interge	-	-	-	4	17	4.20	2.07
CHsGV100	CHsGV1000272	ENSG0000	NM_001244	7295	TXN	thioredoxin	GO:000010	GO:000551	GO:000563	9867	10493	1.06	0.09
DHsGV100	DHsGV1000058	-	-	-	-	-	-	-	-	52	46	0.89	-0.16
DHsGV100	DHsGV1000086	ENSG0000	NM_001242	643988	C1orf233	chromosom	-	-	GO:0016021	4			
H20001576	H200015760	ENSG0000	NM_030644	80833	APOL3	apolipoprot	GO:000686	GO:000487	GO:000557	325	270	0.83	-0.26
H20001509	H200015095	ENSG0000	NM_016583	51297	BPIFA1	BPI fold co	GO:001973	GO:000367	GO:0005576	3			
H20000614	H200006144	ENSG0000	XM_005245	462	SERPINC1	serpin pept	GO:000758	GO:000202	GO:000557	9	15	1.77	0.82
H20001200	H200012003	ENSG0000	NM_032447	84467	FBN3	fibrillin 3	GO:000965	GO:000520	GO:000557	12	19	1.61	0.69
H30001506	H300015060	ENSG0000	NM_001258	157574	FBXO16	F-box prot	-	-	-	36	36	0.99	-0.01
H20001760	H200017605	ENSG0000	NM_033132	85416	ZIC5	Zic family r	GO:000739	GO:000367	GO:000563	21	25	1.19	0.25
H20000762	H200007624	ENSG0000	NM_001320	9389	SLC22A14	solute carr	GO:001569	GO:001510	GO:000588	27	27	1.00	0.00
H30002006	H300020065	ENSG0000	XM_011540	9033	PKD2L1	polycystin	GO:000158	GO:000522	GO:000578	83	81	0.98	-0.04
H20001995	H200019954	ENSG0000	NM_006927	6483	ST3GAL2	ST3 beta-g	GO:000157	GO:000383	GO:000013	71	55	0.79	-0.35
H20000049	H200000495	ENSG0000	NM_000322	5961	PRPH2	peripherin 2	GO:000715	-	GO:000175	9	13	1.51	0.59
H30001659	H300016597	ENSG0000	XR_947801	1798	DPAGT1	dolichyl-ph	GO:000604	GO:000397	GO:000578	513	347	0.68	-0.57
H20001513	H200015139	ENSG0000	NR_046428	1185	CLCN6	chloride vo	GO:000682	GO:000524	GO:000576	86	98	1.14	0.18
H20000839	H200008390	ENSG0000	XM_006718	2785	GNG3	guanine nu	GO:000018	GO:000392	GO:000582	5647	3986	0.71	-0.50
H30000360	H300003603	ENSG0000	NM_153274	266675	BEST4	bestrophin	GO:000815	GO:000367	GO:0005887	7			
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_138295	168507	PKD1L1	polycystin	GO:000312	GO:000526	GO:000592	12	18	1.45	0.53
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_022901	64922	LRRC19	leucine ric	GO:000646	GO:000486	GO:0005737	6			
H20000206	H200002062	ENSG0000	NM_022131	64084	CLSTN2	calsyntenin	GO:000715	GO:000550	GO:0000139	7			
H30001146	H300011469	ENSG0000	NM_171830	27094	KCNMB3	potassium	GO:000150	GO:001526	GO:000588	7	10	1.46	0.55
H30000505	H300005051	ENSG0000	XM_011536	23768	FLT2	fibronectin	GO:000300	GO:000486	GO:000557	41	34	0.84	-0.25
H20000843	H200008439	ENSG0000	NM_172232	23461	ABCA5	ATP bindin	GO:000686	GO:000552	GO:0000139	6			
AHsV10000	AHsV10000511	ENSG0000	NM_001289	7770	ZNF227	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	62	72	1.17	0.23
DHsGV100	DHsGV1000216	-	-	-	-	-	-	-	-	35	40	1.13	0.17
DHsGV100	DHsGV1000335	-	-	-	-	-	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000004	-	NG_042194	2900	GRIK4	glutamate i	GO:000681	GO:000523	GO:0005886	6			
DHsGV100	DHsGV1000193	-	-	-	-	-	-	-	-	10	20	2.00	1.00
DHsGV100	DHsGV1000158	-	-	-	-	-	-	-	-		4		
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001257	79868	ALG13	ALG13, UD	GO:000648	GO:000457	GO:000578	825	576	0.70	-0.52
H30001843	H300018430	ENSG0000	NM_018397	55349	CHDH	choline def	GO:001928	GO:000551	GO:000574	139	125	0.90	-0.15
H30001959	H300019593	ENSG0000	NM_017775	54902	TTC19	tetratricop	GO:000091	GO:000551	GO:000573	239	350	1.47	0.55
H20001967	H200019678	ENSG0000	NM_052848	90324	CCDC97	coiled-coil	-	-	GO:000568	122	178	1.46	0.55
H20001136	H200011360	ENSG0000	XM_005256	84690	SPATA22	spermatoge	GO:000071	GO:000551	GO:000569	4	6	1.72	0.78
H20001129	H200011294	ENSG0000	NR_104471	84317	CCDC115	coiled-coil	-	-	GO:000576	435	479	1.10	0.14
H20000102	H200001020	ENSG0000	XM_011515	55146	ZDHC4	zinc finger	GO:000815	GO:000827	GO:000579	674	556	0.82	-0.28
H20000630	H200006305	ENSG0000	NM_006099	10401	PIAS3	protein inh	GO:000635	GO:000551	GO:000565	147	154	1.05	0.07
H20000198	H200001989	ENSG0000	NM_015511	25980	AAR2	AAR2 splic	GO:000024	-	-	571	403	0.71	-0.50
H20000768	H200007685	ENSG0000	NM_173205	27178	IL37	interleukin	GO:000243	GO:000512	GO:000557	11	17	1.51	0.59
H20001476	H200014764	-	NM_020745	57505	AARS2	alanyl-tRN	GO:000640	GO:000004	GO:000573	340	311	0.91	-0.13
H30000697	H300006979	ENSG0000	NM_001204	100532736	MINOS1-N	MINOS1-N	-	-	-	79	64	0.80	-0.31
H20000437	H200004378	ENSG0000	NM_005364	4107	MAGEA8	MAGE fami	GO:000815	GO:000367	GO:000557	437	270	0.62	-0.70
H20001154	H200011545	ENSG0000	NR_110620	130540	ALS2CR12	amyotroph	GO:004308	GO:000367	GO:0001520	6			
H20000478	H200004781	ENSG0000	XM_006717	58493	INIP	INTS3 and	GO:000628	GO:000551	GO:000563	609	566	0.93	-0.11
H20001798	H200017989	ENSG0000	NM_033085	89885	FATE1	fetal and ac	-	GO:000551	GO:0005783	6			
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_011517	79581	SLC52A2	solute carr	GO:003221	GO:000161	GO:000588	1062	821	0.77	-0.37
H30000690	H300006903	ENSG0000	NM_022158	64122	FN3K	fructosamin	GO:001631	GO:003038	GO:0005575	5			
H30000564	H300005648	ENSG0000	XM_011523	54496	PRMT7	protein arg	GO:000038	GO:000846	GO:000563	376	238	0.63	-0.66
H20001603	H200016036	ENSG0000	XM_011516	51666	ASB4	ankyrin rep	GO:003555	GO:003162	GO:003146	7	10	1.51	0.60
opHsV0400	opHsV0400002	-	NM_053006	23617	TSSK2	testis spec	GO:000646	GO:000028	GO:000166	30	34	1.12	0.17
H30001838	H300018388	ENSG0000	XM_011515	23386	NudCD3	NudC doma	-	GO:000551	-	68	69	1.01	0.01
H20001313	H200013132	ENSG0000	XM_011522	8938	BAIAP3	BAI1 assoc	GO:000718	GO:000802	GO:000562	35	29	0.85	-0.24
H20000475	H200004758	ENSG0000	NM_000502	8288	EPX	eosinophil	GO:000221	GO:000460	GO:0070062	7			
H20001550	H200015501	ENSG0000	NM_000437	5051	PAFAH2	platelet-ac	GO:000662	GO:000384	GO:000573	63	84	1.33	0.41
H30001623	H300016235	ENSG0000	NM_001083	2820	GPD2	glycerol-3-	GO:000607	GO:000436	GO:000574	76	113	1.49	0.57
H30001450	H300014506	ENSG0000	NM_014415	27107	ZBTB11	zinc finger	GO:000635	GO:000097	GO:000565	64	63	0.97	-0.04
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_139058	170302	ARX	aristales r	GO:000012	GO:000098	GO:0005634				
H20001956	H200019564	ENSG0000	NM_033062	85291	KRTAP4-2	keratin ass	-	GO:000551	GO:0045095				
H20000115	H200001150	ENSG0000	NM_183376	891947	ARRDC4	arrestin do	GO:005144	-	GO:000576	61	86	1.41	0.50
H20001570	H200015701	ENSG0000	XM_005269	79035	NABP2	nucleic aci	GO:000072	GO:000369	GO:000078	103	79	0.77	-0.38
H20000891	H200008915	ENSG0000	NM_020950	57710	KIAA1614	KIAA1614	-	-	-		3		
H20001492	H200014928	ENSG0000	NM_001286	22832	CEP162	centrosom	GO:000699	GO:000551	GO:000565	108	152	1.40	0.49
H20002082	H200020829	ENSG0000	XM_011518	375775	PNPLA7	patatin like	GO:000662	GO:000462	GO:000576	24	23	0.98	-0.03
H20000554	H200005548	ENSG0000	NM_198086	84962	AJUBA	ajuba LIM p	GO:000008	GO:000368	GO:000093	36	58	1.63	0.70
H20001876	H200018760	ENSG0000	NM_032140	84080	ENKD1	enkurin dor	-	GO:000551	GO:000588	223	169	0.76	-0.39
H20000285	H200002851	ENSG0000	XM_005269	64333	ARHGAP9	Rho GTPas	GO:000726	GO:000509	GO:000582	47	90	1.91	0.93
H30000969	H300009696	ENSG0000	-	3448	IFNA14	interferon,	GO:000225	GO:000512	GO:000557	19	25	1.29	0.37
H30000494	H300004944	ENSG0000	NM_005259	2660	MSTN	myostatin	GO:000223	GO:000510	GO:000561	16	19	1.19	0.25
H20000515	H200005156	ENSG0000	NM_001042	133690	CAPSL	calcyphosir	-	GO:000550	GO:000573	16	15	0.93	-0.10
H20001950	H200019508	ENSG0000	XM_005249	84310	C7orf50	chromosom	-	GO:000551	-	332	379	1.14	0.19
H20001372	H200013724	-	-	-	-	-	-	-	-				
H20000294	H200002942	ENSG0000	XM_011521	57722	IGDCC4	immunoglot	-	-	GO:0005886	14			
H20000434	H200004341	ENSG0000	NM_001304	57408	LRTM1	leucine-ric	GO:000646	GO:000486	GO:000573	5	16	3.11	1.64
H20001740	H200017407	ENSG0000	NM_015985	51378	ANGPT4	angiopoietin	GO:000152	GO:003029	GO:000557	6	10	1.80	0.84
H20001588	H200015885	ENSG0000	NM_015893	51052	PRLH	prolactin re</							

H30000737	H300007375	ENSG0000	NM_001159	7167	TPI1	triosephosph	GO:000597	GO:000480	GO:000561	4736	3244	0.69	-0.55
H20001600	H200016007	ENSG0000	NM_005421	6887	TAL2	T-cell acut	GO:000635	GO:000097	GO:000563	41	41	1.01	0.02
H20000192	H200001929	ENSG0000	XM_011538	51474	LIMA1	LIM domain	GO:003083	GO:000378	GO:000172	308	252	0.82	-0.29
H30001322	H300013228	ENSG0000	XM_011541	57576	KIF17	kinesin fam	GO:000699	GO:000552	GO:0005829	cytosol,G	10		
H30000437	H300004373	ENSG0000	NM_032361	84321	THOC3	THO comp	GO:000639	GO:000372	GO:000034	2201	1485	0.68	-0.57
H20000648	H200006487	ENSG0000	NM_005969	4676	NAP1L4	nucleosom	GO:000633	GO:000551	GO:000563	554	445	0.80	-0.32
H20000737	H200007372	ENSG0000	NM_020713	57473	ZNF512B	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	105	92	0.87	-0.20
H20001471	H200014716	ENSG0000	NM_000253	4547	MTTP	microsomal	GO:000662	GO:000531	GO:0005783	endoplasr	7		
H20000217	H200002173	ENSG0000	NM_015268	23317	DNAJC13	DnaJ heat	GO:000164	GO:000551	GO:000573	105	113	1.08	0.11
H20001051	H200010514	ENSG0000	XM_011520	63982	ANO3	anoctamin	GO:000686	GO:000522	GO:0005886	plasma m	4		
H20001436	H200014367	ENSG0000	NM_032867	84953	MICALCL	MICAL C-t	GO:000727	GO:005101	GO:0005737	cytoplasm	8		
H20000883	H200008831	ENSG0000	NM_021192	3237	HOXD11	homeobox	GO:000165	GO:004356	GO:0005654	nucleopla	8		
H20001365	H200013657	ENSG0000	NM_024037	79000	AUNIP	aurora kina	GO:000705	GO:000551	GO:000092	467	519	1.11	0.15
H20000827	H200008270	ENSG0000	XM_006715	5395	PMS2	PMS1 hom	GO:000628	GO:000367	GO:000563	99	91	0.91	-0.13
H20000178	H200001789	ENSG0000	NM_018189	55211	DPPA4	developme	GO:000635	GO:000551	GO:000565	397	280	0.71	-0.50
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_001947	1849	DUSP7	dual specifi	GO:000016	GO:000472	GO:000565	22	25	1.14	0.19
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_001821	1122	CHML	choroidere	GO:000688	GO:000509	GO:000565	304	407	1.34	0.42
H20001906	H200019067	ENSG0000	XM_005269	4143	MAT1A	methionine	GO:000009	GO:000447	GO:000582	15	14	0.95	-0.08
H20001394	H200013948	ENSG0000	NM_001812	1060	CENPC	centromere	GO:000027	GO:000367	GO:000077	271	229	0.84	-0.25
H20001502	H200015020	ENSG0000	NM_001080	284992	CCDC150	coiled-coil	-	GO:000551	-	55	52	0.94	-0.09
H20000450	H200004505	ENSG0000	NM_020157	56914	OTOR	otoraplin	GO:000150	-	GO:0005576	extracellu	8		
H30002021	H300020218	ENSG0000	NM_001198	55827	DCAF6	DDB1 and	GO:001656	GO:003037	GO:000563	324	302	0.93	-0.10
H30001902	H300019025	ENSG0000	NM_001293	29991	OBP2A	odorant bin	GO:000681	GO:000554	GO:000557	597	481	0.81	-0.31
H20001589	H200015892	ENSG0000	NM_014012	28954	REM1	RAS (RAD	GO:000726	GO:000551	GO:000562	9	13	1.38	0.47
H20001087	H200010878	ENSG0000	XM_011520	10566	AKAP3	A-kinase a	GO:000692	GO:000551	GO:000166	12	17	1.42	0.50
H20001575	H200015756	ENSG0000	XR_933919	10189	ALYREF	Aly/REF ex	GO:000001	GO:000016	GO:000034	2126	1439	0.68	-0.56
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001024	6284	SI00A13	S100 calciu	GO:000828	GO:000550	GO:000561	670	642	0.96	-0.06
H20000132	H200001329	ENSG0000	XM_006715	5898	RALA	v-ral simiar	GO:000091	GO:000392	GO:000588	1107	1169	1.06	0.08
H20000804	H200008045	ENSG0000	XM_011525	996	CDC27	cell divisio	GO:000027	GO:000551	GO:000563	345	351	1.02	0.03
H30001666	H300016664	ENSG0000	XM_011518	256691	MAMDC2	MAM doma	-	-	GO:000557	18	19	1.02	0.03
H30000529	H300005294	ENSG0000	NM_001317	51121	RPL26L1	ribosomal p	GO:000018	GO:000373	GO:000582	2124	1550	0.73	-0.45
H20001013	H200010133	ENSG0000	NM_001017	285590	SH3PXD2E	SH3 and P	GO:000150	GO:000551	GO:0002102	podosome,GO:0005737	cytoplasm		
H20000559	H200005590	ENSG0000	NM_001160	84258	SYT3	synaptotag	GO:001715	GO:000178	GO:000576	164	124	0.76	-0.40
H20000565	H200005658	ENSG0000	NM_000370	7274	TPPA	tocopherol	GO:000189	GO:000521	GO:0005770	late endosome,GO:0005829	cyto		
H20001680	H200016800	-	NM_014070	29113	C6orf15	chromosom	GO:000815	GO:000196	GO:0005575	cellular_component,GO:0005614			
H20001673	H200016735	ENSG0000	NM_001048	4595	MUTYH	mutY DNA	GO:000628	GO:000551	GO:000563	361	364	1.01	0.01
H20000513	H200005134	ENSG0000	NM_012192	26515	TIMM10B	translocase	GO:000662	GO:004687	GO:000574	133	136	1.02	0.03
H20000505	H200005058	ENSG0000	NM_002621	5199	CFP	complemen	GO:000649	-	GO:000557	39	45	1.15	0.21
H20002002	H200020028	ENSG0000	NM_178468	128876	FAM83C	family with	-	GO:001990	-		6		
H20001157	H200011578	ENSG0000	NR_109830	51247	PAIP2	poly(A) bin	GO:000728	GO:000372	GO:000573	3556	2887	0.81	-0.30
H20000919	H200009191	ENSG0000	NM_019120	56128	PCDH8	protocadhe	GO:000715	GO:000550	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in		
H20001338	H200013380	ENSG0000	NM_001158	314	AOC2	amine oxid	GO:000658	GO:000550	GO:000573	25	28	1.10	0.14
H20000373	H200003738	ENSG0000	XM_011534	222484	LNx2	ligand of nu	GO:005126	GO:000551	-	78	86	1.11	0.15
H20001932	H200019326	ENSG0000	XM_011520	84280	BTBD10	BTB domai	GO:004232	-	GO:000563	216	298	1.38	0.46
H20000092	H200000926	ENSG0000	NM_020699	57459	GATAD2B	GATA zinc	GO:000012	GO:000097	GO:000079	21	26	1.22	0.29
H20000281	H200002815	ENSG0000	NM_018066	54707	GPN2	GPN-loop	GO:000815	GO:000367	GO:000557	746	645	0.86	-0.21
H30000861	H300008611	ENSG0000	NM_001193	55654	TMEM127	transmemb	GO:000703	GO:000367	GO:000573	145	172	1.19	0.25
H30000189	H300001893	ENSG0000	XM_006720	55142	HAUS2	HAUS augr	GO:000008	GO:000367	GO:000565	251	286	1.14	0.19
H20001602	H200016020	ENSG0000	NM_014364	26330	GAPDH5	glyceraldeh	GO:000597	GO:000436	GO:000563	14	14	1.02	0.03
H30000204	H300002046	ENSG0000	NM_015627	26119	LDLRAP1	low density	GO:000681	GO:000154	GO:000576	28	38	1.37	0.46
H20001547	H200015477	ENSG0000	NM_005459	9626	GUCA1C	guanylate c	GO:000716	GO:000550	GO:009738	21	24	1.15	0.20
H30000844	H300008446	ENSG0000	XM_005268	9362	CPNE6	copine 6	GO:000662	GO:000178	GO:000576	772	706	0.91	-0.13
H20001512	H200015126	ENSG0000	NM_152226	5475	PPEF1	protein phd	GO:000647	GO:000472	GO:000582	19	27	1.37	0.46
H20000857	H200008570	ENSG0000	NM_000440	5145	PDE6A	phosphodie	GO:000760	GO:004687	GO:000582	7	14	1.83	0.87
H20000844	H200008441	ENSG0000	XM_011545	83706	FERMT3	fermitin fan	GO:000715	GO:000517	GO:000210	445	312	0.70	-0.51
H30002142	H300021429	ENSG0000	NM_001178	57628	DPP10	dipeptidyl p	GO:000650	GO:000823	GO:000588	10	14	1.33	0.41
H30000885	H300008857	ENSG0000	NM_001004	284433	OR10H5	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:000588	12	16	1.29	0.37
H30001332	H300013328	ENSG0000	NR_033122	79849	PDZD3	PDZ domai	GO:000681	GO:000551	GO:0005829	cytosol,GO:0005903	brush borde		
H30000698	H300006987	ENSG0000	NM_001004	347468	OR13H1	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma m	6		
H30000661	H300006616	ENSG0000	NM_001005	390882	OR7G2	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in		
H30000089	H300000890	ENSG0000	NM_001005	343169	OR6F1	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma m	4		
H30002131	H300021318	ENSG0000	NR_033179	129303	TMEM150A	transmemb	GO:000905	GO:000551	GO:000576	115	85	0.74	-0.43
H30000507	H300005070	ENSG0000	NM_001109	146378	C16orf92	chromosom	-	-	GO:0016021	integral c	5		
H30001336	H300013368	ENSG0000	NR_046177	10982	MAPRE2	microtubule	GO:000706	GO:000551	GO:000573	383	455	1.19	0.25
H30000098	H300000989	ENSG0000	XM_006715	1021	CDK6	cyclin-depe	GO:000008	GO:000469	GO:000030	882	614	0.70	-0.52
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_000660	7040	TGFB1	transformin	GO:000006	GO:000194	GO:000557	140	110	0.78	-0.35
H30000869	H300008696	ENSG0000	XR_943407	23351	KHNYN	KH and NY	GO:000815	GO:000367	GO:000557	45	48	1.08	0.12
H30002006	H300020068	ENSG0000	NR_110988	9681	DEPDC5	DEP domai	GO:003200	GO:000509	GO:0005764	lysosome,	13		
H30001967	H300019678	ENSG0000	XM_005277	113235	SLC46A1	solute carr	GO:000676	GO:000554	GO:000573	9	17	1.81	0.86
H30001795	H300017953	ENSG0000	NM_198236	9826	ARRHGF11	Rho guanin	GO:000091	GO:000166	GO:000562	31	34	1.11	0.15
H30000319	H300003194	ENSG0000	NR_075071	341883	LRRc9	leucine rich	-	-	-				
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XM_011536	22890	ZBTB1	zinc finger	GO:000012	GO:000367	GO:000563	56	88	1.57	0.65
H30001786	H300017862	ENSG0000	NM_001202	100529261	CHURC1-F	CHURC1-F	-	-	-	61	57	0.92	-0.12
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_020856	57616	TSHZ3	teashirt zin	GO:000208	GO:000367	GO:0005634	nucleus,GO:0005654	nucleoplas		
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_031947	83884	SLC25A2	solute carr	GO:000005	GO:000373	GO:0005743	mitochondrial inner membrane,GO			
H30001997	H300019970	ENSG0000	NM_002439	4437	MSH3	mutS homc	GO:000628	GO:000040	GO:000565	166	173	1.04	0.06
H30000245	H300002453	-	NM_030946	442191	OR14J1	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in		
H20000225	H200002256	ENSG0000	XM_011544	283209	PGM2L1	phosphoglu	GO:000600	GO:001686	GO:000582	48	42	0.87	-0.20
H30000934	H300009347	ENSG0000	NM_018687	55908	ANGPTL8	angiopoietin	GO:001095	GO:000517	GO:000557	14	19	1.36	0.44
H20000190	H200001908	ENSG0000	NM_001271	55220	KLHDC8A	kelch doma	GO:004278	GO:000484	GO:0031463	Cul3-RING ubiquitin ligase compl			
H20001653	H200016530	ENSG0000	NM_001010	126755	LRRc38	leucine rich	GO:000681	-	GO:000588	72	59	0.81	-0.30
H20001721	H200017211	ENSG0000	XM_011539	142891	SAMD8	sterile alph	GO:000668	GO:000367					

H30000579	H300005796	ENSG0000	XM_011522	124359	CDYL2	chromodom	GO:000815	GO:000382	GO:000563	4	10	2.66	1.41
H30001044	H300010444	ENSG0000	NM_006184	4924	NUCB1	nucleobind	GO:007271	GO:000196	GO:000561	184	188	1.02	0.03
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_011517	79815	NIPAL2	NIPA like d	GO:001569	GO:001509	GO:001602	integral c	3		
H30001245	H300012454	ENSG0000	NM_001282	54620	FBXL19	F-box and	GO:004316	GO:000367	GO:001900	70	69	0.99	-0.01
H30001859	H300018593	ENSG0000	NM_199511	151887	CCDC80	coiled-coil	GO:001081	GO:000196	GO:000560	33	37	1.11	0.14
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_003785	8712	PAGE1	PAGE fami	GO:000696	GO:000551	-	6198	3716	0.60	-0.74
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_016095	51659	GIN52	GIN5 comp	GO:000027	GO:000551	GO:000081	1407	1196	0.85	-0.23
H30000070	H300000708	ENSG0000	NM_001293	103344718	HOTS	H19 opposi	-	-	-	1051	470	0.45	-1.16
H30000842	H300008420	ENSG0000	-	100144596	LINC00029	long interge	-	-	-	8	12	1.53	0.62
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_021058	8970	HIST1H2B	histone clu	GO:000222	GO:000367	GO:000078	2242	1215	0.54	-0.88
H30000587	H300005873	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	-	690	BTF3P11	basic trans	-	-	-	-	-	-	-
H30001885	H300018856	ENSG0000	NM_032744	84830	ADTRP	androgen d	-	-	GO:000588	152	160	1.05	0.07
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001172	8909	ENDOU	endonuclea	GO:000650	GO:000372	GO:000557	4	11	2.70	1.43
H20001979	H200019790	ENSG0000	XM_011517	90390	MED30	mediator c	GO:000635	GO:000110	GO:000015	330	311	0.94	-0.09
H20002043	H200020432	ENSG0000	NM_138809	134147	CMBL	carboxyme	GO:000680	GO:001678	GO:000582	1767	1936	1.10	0.13
H20000498	H200004985	ENSG0000	XR_932919	7627	ZNF75A	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	70	83	1.18	0.24
H20001677	H200016776	ENSG0000	XM_005250	54784	ALKBH4	alkB homol	GO:000635	GO:000377	GO:000563	177	121	0.69	-0.54
H20001628	H200016281	ENSG0000	NR_024604	9629	CLCA3P	chloride ch	GO:000681	GO:000521	GO:000561	extracellular space,GO:0005886	7		
H30000539	H300005394	ENSG0000	-	284764	FTLP3	ferritin, lig	-	-	-	26679	20772	0.78	-0.36
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_004454	2119	ETV5	ETS varian	GO:000636	GO:000097	GO:000563	221	190	0.86	-0.22
opHsV0400	opHsV0400010	ENSG0000	NM_006827	10972	TMED10	transmemb	GO:000182	GO:000551	GO:000013	1112	1008	0.91	-0.14
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NR_104316	25924	MYRIP	myosin VII	GO:000688	GO:000377	GO:000014	exocyst,G	7		
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XM_011517	115294	PCMTD1	protein-L	GO:000647	GO:000471	GO:000573	56	69	1.23	0.30
H30000414	H300004144	-	-	-	-	-	-	-	-	15	18	1.16	0.22
H30000902	H300009028	ENSG0000	XM_006719	121599	SPIC	Spi-C trans	GO:000182	GO:000098	GO:000563	nucleus	5		
H30000260	H300002604	ENSG0000	XM_011539	144535	CFAP54	cilia and fla	GO:000728	-	GO:000585	cytoskeleton,GO:0005930	axoner		
H30001201	H300012018	ENSG0000	XM_011523	27324	TOX3	TOX high n	GO:000635	GO:000368	GO:000563	21	21	1.03	0.04
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_002019	2321	FLT1	fms related	GO:000018	GO:000471	GO:000561	extracellu	7		
H30000482	H300004826	ENSG0000	NM_001320	6128	RPL6	ribosomal p	GO:000002	GO:000367	GO:000563	46023	25802	0.56	-0.83
H30001955	H300019554	ENSG0000	NM_001134	51194	IPO11	importin 11	GO:000661	GO:000551	GO:000563	401	360	0.90	-0.15
H30001986	H300019869	ENSG0000	NM_004564	5188	GATB	glutamyl-tF	GO:000641	GO:000552	GO:000573	118	96	0.81	-0.30
H30001215	H300012158	ENSG0000	NM_015024	23039	XPO7	exportin 7	GO:000661	GO:000504	GO:000563	134	132	0.98	-0.02
H30000816	H300008167	ENSG0000	NM_006156	4738	NEDD8	neural prec	GO:000635	GO:000551	GO:000563	2695	1785	0.66	-0.59
H30000818	H300008186	ENSG0000	NM_005985	6615	SNAI1	snail family	GO:000012	GO:000097	GO:000563	33	35	1.03	0.05
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001195	9367	RAB9A	RAB9A, me	GO:000726	GO:000392	GO:000013	498	427	0.86	-0.22
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_002902	5955	RCN2	reticulocal	-	GO:000550	GO:000573	706	480	0.68	-0.55
H30001894	H300018942	ENSG0000	XM_011542	81569	ACTL8	actin like 8	GO:003085	GO:000551	GO:000573	cytoplasm	5		
H30001693	H300016934	ENSG0000	XM_011520	84680	ACCS	1-aminocy	GO:000905	GO:000551	-	8	22	2.65	1.41
H30000255	H300002555	ENSG0000	XM_011525	57649	PHF12	PHD finger	GO:000012	GO:000097	GO:000563	nucleus,G	15		
H20000517	H200005178	ENSG0000	NR_040733	79078	C1orf50	chromosom	-	GO:000551	-	169	224	1.32	0.40
H20000377	H200003778	ENSG0000	NM_022485	64419	MTMR14	myotubular	GO:000664	GO:000443	GO:000172	197	180	0.91	-0.13
H20000248	H200002481	ENSG0000	NM_001171	252995	FNDC5	fibronectin	GO:000815	GO:000367	GO:000576	extracellu	6		
H20001516	H200015165	-	NM_019596	56245	C21orf62	chromosom	GO:000815	GO:000367	GO:000557	7	14	2.09	1.06
H20000327	H200003277	ENSG0000	NM_017694	54842	MFSD6	major facili	GO:005508	-	GO:001602	8	25	3.31	1.72
H30000378	H300003781	ENSG0000	NM_015659	26156	RSL1D1	ribosomal L	GO:000164	GO:004482	GO:000573	4044	3094	0.76	-0.39
H30000664	H300006644	ENSG0000	NM_130775	170627	XAGE5	X antigen f	-	-	-	-	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001291	400891	LRRC74B	leucine ric	-	-	-	-	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_000584	3576	CXCL8	C-X-C mo	GO:000152	GO:000515	GO:000557	7	64	9.16	3.19
H30000576	H300005760	ENSG0000	NM_001267	374875	HSD11B1L	hydroxyste	GO:005511	GO:001649	GO:000557	13	27	2.17	1.12
H30000916	H300009165	ENSG0000	NM_001300	54815	GATAD2A	GATA zinc	GO:000012	GO:000097	GO:000563	34	35	1.01	0.02
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_011518	26012	NSMF	NMDA rece	GO:003530	GO:004830	GO:000563	53	63	1.18	0.24
H30000399	H300003993	ENSG0000	NM_001303	221044	UCMA	upper zone	GO:004566	-	GO:000557	41	37	0.89	-0.16
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_001193	4281	MID1	midline 1	GO:000022	GO:000551	GO:000581	23	23	0.99	-0.01
H30002070	H300020703	ENSG0000	NM_007232	11255	HRH3	histamine r	GO:000718	GO:000496	GO:000588	60	55	0.92	-0.12
H30001677	H300016777	ENSG0000	XM_011545	79728	PALB2	partner and	GO:000072	GO:000367	GO:000565	380	314	0.83	-0.27
H30001167	H300011673	ENSG0000	NM_002547	4983	OPHN1	oligophreni	GO:000693	GO:000377	GO:000582	cytosol,G	8		
H30001685	H300016857	ENSG0000	NM_001042	54960	GEMIN8	gem nuclea	GO:000038	GO:000551	GO:000563	13	23	1.70	0.77
H30001988	H300019885	ENSG0000	NM_022353	64172	OSGEPL1	O-sialoglyc	GO:000294	GO:000422	GO:000573	83	98	1.18	0.24
H30002210	H300022101	ENSG0000	XM_006716	64921	CASD1	CAS1 dom	-	-	GO:001602	30	40	1.33	0.42
H30000143	H300001434	ENSG0000	-	387684	ARL4AP1	ADP-ribosy	-	-	-	28	19	0.67	-0.58
H30000780	H300007801	ENSG0000	NM_001286	5620	PRM2	protamine 2	GO:000632	GO:000367	GO:000078	nucleosom	5		
H30001317	H300013176	ENSG0000	NM_001105	7701	ZNF142	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000575	cellular cd	7		
H30002290	H300022900	ENSG0000	NM_001276	56987	BBX	bobby sox	GO:000635	GO:000367	GO:000565	312	272	0.87	-0.20
H30000150	H300001507	ENSG0000	NM_145301	201158	TVP23C	trans-golgi	GO:000930	-	GO:003017	integral c	13		
H30000317	H300003173	ENSG0000	NM_005924	4223	MEOX2	mesenchym	GO:000152	GO:000097	GO:000563	5	7	1.51	0.59
H20002056	H200020562	ENSG0000	NM_001099	116064	LRRC58	leucine ric	-	-	-	140	140	1.00	0.00
H20000805	H200008057	ENSG0000	NM_001136	388695	LYSMD1	LysM doma	-	GO:000551	-	-	14		
H20000403	H200004036	ENSG0000	NM_017546	55571	CNOT11	CCR4-NOT	GO:000028	GO:000367	GO:000563	398	360	0.90	-0.15
H20001295	H200012955	ENSG0000	NM_152505	150082	LCA5L	Leber cong	-	GO:000551	-	-	5		
H20000995	H200009953	ENSG0000	NM_031215	81928	CABLES2	Cdk5 and A	GO:000704	-	-	64	66	1.04	0.05
H30002022	H300020222	ENSG0000	NM_001303	81875	ISG20L2	interferon s	GO:004225	GO:000452	GO:000565	588	508	0.86	-0.21
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_003165	6812	STXBP1	syntaxin bi	GO:000257	GO:000014	GO:000565	55	42	0.76	-0.39
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001457	2317	FLNB	filamin B	GO:000333	GO:000377	GO:000172	38	65	1.73	0.79
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_004179	7166	TPH1	tryptophan	GO:000762	GO:000451	GO:000582	cytosol,GO:0043005	neuron proje		
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_021026	5988	RFPL1	ret finger p	-	GO:000827	-	-	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400003	-	XR_945556	105370081	LOC105370	uncharacte	-	-	-	-	8		
H30000660	H300006604	ENSG0000	NM_001079	26648	ORTE24	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:000588	plasma m	4		
H30000287	H300002872	ENSG0000	NM_001195	130574	LYPD6	LY6/PLAU	-	-	GO:000576	extracellu	6		
opHsV0400	opHsV0400002	-	-	-	-	-	-	-	-	42	36	0.85	-0.24
H30000273	H300002738	ENSG0000	-	-	RP4-803A	-	-	-	-	4837	3531	0.73	-0.45
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_178354	353137	LCE1F	late cornifi	GO:001814	GO:000519	GO:000153	162	133	0.82	-0.28
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_011545	79842	ZBTB3	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	nucleus	5		
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_011521	145946	SPATA8	spermatoge	-	GO:000551	-	-	6		
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_033187	85290	KRTAP4-3	keratin ass	GO:000756	-	GO:004509	31	26	0.85	-0.24
H30000122	H300001224	ENSG0000	XM_011517</										

H30000583	H300005836	ENSG0000	NM_001004	127062	OR2M3	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021 in				
H30000470	H300004706	ENSG0000	NM_205849	171483	FAM9B	family with	GO:000728	GO:000551	GO:0005634	nucleus,GO:0005654 nucleoplasm				
H30000999	H300009993	ENSG0000	NM_001005	441308	OR4F21	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:000588	29	26	0.87	-0.20	
H30000589	H300005890	ENSG0000	-	390441	OR11H7	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:000588	18	18	0.98	-0.03	
H30000954	H300009544	ENSG0000	NM_001004	219479	OR5R1	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:000588	46	43	0.92	-0.12	
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_144721	152815	THAP6	THAP dom	-	GO:000367	GO:001563	104	127	1.22	0.28	
H30000825	H300008256	ENSG0000	-	100129174	POLR2K2	polymerase	-	-	-		6			
H30000091	H300000918	ENSG0000	NM_001244	92597	MOB1B	MOB kinas	GO:003195	GO:000551	GO:000563	6	13	2.02	1.01	
H30002014	H300020140	ENSG0000	XM_005254	55784	MCTP2	multiple C2	GO:000727	GO:000550	GO:0005654	nucleoplasm,GO:0005737 cytopla				
H30000986	H300009864	ENSG0000	XM_011539	92558	CCDC64	coiled-coil	GO:003117	GO:001713	GO:000573	7	14	1.94	0.96	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_024494	7482	WNT2B	wingless-ty	GO:000206	GO:000510	GO:000557	5	9	1.84	0.88	
H30001911	H300019114	ENSG0000	NM_001319	83658	DYNLB1	dynein light	GO:000681	GO:000377	GO:000573	1702	1687	0.99	-0.01	
H30001908	H300019085	ENSG0000	XM_005254	171425	CLYBL	citrate lyas	GO:000815	GO:000028	GO:000573	82	74	0.90	-0.15	
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_021916	7621	ZNF70	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus		5		
opHsV0400	opHsV0400004	-	NM_001310	100131107	LOC10013	putative UF	-	-	-		12	19	1.52	0.61
H30000675	H300006752	ENSG0000	NM_001039	642987	TMEM232	transmemb	-	-	GO:0016021	integral c		6		
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_017669	54821	ERCC6L	excision re	GO:000027	GO:000367	GO:000077	76	80	1.05	0.08	
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_011519	89958	SAPCD2	suppressor	-	-	GO:000563	650	361	0.56	-0.85	
H30000881	H300008818	ENSG0000	NM_001004	219437	OR5L1	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:000588	7	19	2.60	1.38	
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	-	28773	IGLV9-49	immunoglob	-	-	-		6			
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	NM_001171	285588	EFCAB9	EF-hand ca	-	GO:000550	-					
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	XM_011523	254272	TBC1D28	TBC1 doma	-	-	-		9	13	1.49	0.58
opHsV0400	opHsV0400007	-	-	-	-	-	-	-	-		309	178	0.58	-0.79
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	XM_011521	390598	SKOR1	SKI family	GO:000012	GO:000371	GO:0005634	nucleus,G		3		
H30001924	H300019248	ENSG0000	NM_133644	84705	GTPBP3	GTP bindin	GO:000803	GO:000392	GO:000563	85	57	0.66	-0.59	
opHsV0400	opHsV0400008	ENSG0000	NR_134527	389541	LAMTOR4	late endosc	GO:000636	GO:000508	GO:000576	1042	704	0.68	-0.57	
H30000745	H300007451	ENSG0000	NM_203371	387758	FIBIN	fin bud initi	-	-	GO:000557	25	24	0.95	-0.07	
H30000829	H300008298	-	-	-	-	-	-	-	-		1337	1150	0.86	-0.22
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_203406	153364	MBLAC2	metallo-be	GO:000815	GO:000367	GO:007006	84	84	1.01	0.01	
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NR_026857	440465	BAIAP2-A	BAIAP2 an	-	-	-		20	29	1.43	0.52
H30000241	H300002413	ENSG0000	NR_027021	642976	GRIK1-AS	GRIK1 anti	-	-	-		6			
H30000866	H300008669	ENSG0000	NM_152479	148014	TTC9B	tetratricop	GO:000041	GO:000367	GO:000557	54	49	0.90	-0.15	
H30000799	H300007998	ENSG0000	NM_138331	122665	RNASE8	ribonucleas	GO:009050	GO:000367	GO:000557	121	95	0.78	-0.35	
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	-	284232	ANKRD20A	ankyrin rep	-	-	-		67	63	0.94	-0.09
H30001997	H300019977	ENSG0000	NM_024751	79807	GSTCD	glutathione	GO:000815	GO:000367	GO:000573	145	148	1.02	0.03	
H30001933	H300019330	ENSG0000	XM_011535	57511	COG6	component	GO:000688	-	GO:000013	112	111	0.99	-0.01	
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_005256	1984	EIF5A	eukaryotic	GO:000640	GO:000372	GO:000563	1848	1118	0.60	-0.73	
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_030592	8785	MATN4	matrilin 4	GO:003019	GO:000551	GO:0005576	extracellu		4		
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_002192	3624	INHBA	inhibin beta	GO:000008	GO:000512	GO:000557	19	18	0.94	-0.09	
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	-	-	AC108039	-	-	-	-		1318	1248	0.95	-0.08
opHsV0400	opHsV0400008	ENSG0000	NM_001256	6188	RPS3	ribosomal p	GO:000018	GO:000367	GO:000563	25019	15702	0.63	-0.67	
H30001860	H300018608	ENSG0000	NM_015695	27154	BRPF3	bromodoma	GO:000257	GO:000551	GO:000557	115	87	0.75	-0.41	
H30001405	H300014053	ENSG0000	XM_005250	105375355	LOC10537	uroplakin-3	-	-	-		719	667	0.93	-0.11
opHsV0400	opHsV0400002	-	NR_003263	728609	SDHAP3	succinate d	-	-	-		1014	849	0.84	-0.26
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_183062	339501	PRSS38	protease, s	GO:000650	GO:000425	GO:0005576	extracellu		7		
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	-	-	AC004870	-	-	-	-		26	21	0.78	-0.36
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NG_009904	3499	IGHEP2	immunoglob	-	-	-		26	27	1.04	0.06
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_003309	7259	TSPYL1	TSPY-like	GO:000633	GO:001989	GO:000563	69	55	0.80	-0.33	
opHsV0400	opHsV0400003	-	XM_011539	338599	UDP1	dual specifi	GO:003533	GO:000472	GO:000573	8	9	1.16	0.21	
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001110	390443	RNASE9	ribonucleas	GO:006047	GO:000367	GO:0005576	extracellular region				
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001164	647024	C6orf132	chromosom	-	-	-		75	71	0.93	-0.10
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001004	256892	OR51F1	olfactory re	GO:000716	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005887 in				
H30000097	H300000977	ENSG0000	-	283110	OR52Z1	olfactory re	GO:000716	GO:000493	GO:0005886	plasma m		3		
H30000822	H300008226	ENSG0000	NM_182560	283598	C14orf177	chromosom	-	-	-					
H30000139	H300001395	ENSG0000	NM_152577	158506	ZNF645	zinc finger	GO:001656	GO:000827	GO:0005737	cytoplasm				
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NR_023389	100128782	LINC00476	long interge	-	-	-		10			
H30000490	H300004905	ENSG0000	NM_001003	340024	SLC6A19	solute carr	GO:000681	GO:000532	GO:000588	36	28	0.79	-0.35	
H30000653	H300006533	ENSG0000	NR_024407	100009676	ZBTB11-A	ZBTB11 ar	-	-	-		19	24	1.22	0.29
H30000736	H300007363	ENSG0000	NM_001130	100127889	C10orf131	chromosom	-	-	-					
H30000953	H300009539	ENSG0000	-	442775	RAC1P2	ras-related	-	-	-		2031	1496	0.74	-0.44
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001300	338699	ANKRD42	ankyrin rep	-	-	-		9			
H30001926	H300019263	ENSG0000	NM_001306	7776	ZNF236	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	39	39	1.01	0.02	
H30001924	H300019245	ENSG0000	NM_002856	5819	NECTIN2	nectin cell	GO:000167	GO:000161	GO:000588	100	92	0.93	-0.11	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011535	9617	MTRF1	mitochondr	GO:000644	GO:000374	GO:000573	131	164	1.25	0.32	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011518	6418	SET	SET nuclea	GO:000027	GO:000367	GO:000563	4670	4825	1.03	0.05	
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_198505	344905	ATP13A5	ATPase 13	GO:000687	GO:000552	GO:000588	5	11	2.21	1.14	
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_198467	222194	RSBN1L	round sperr	-	-	GO:000563	252	267	1.06	0.08	
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XR_928329	375686	SPATC1	spermatoge	-	-	GO:000573	48	43	0.90	-0.15	
H30001443	H300014435	ENSG0000	NM_001040	653140	FAM228A	family with	-	-	-		4			
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_178557	339983	NAT8L	N-acetyltra	GO:000815	GO:001718	GO:000573	52	35	0.67	-0.57	
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001008	22859	ADGRL1	adhesion G	GO:000715	GO:000493	GO:000562	5	10	1.98	0.99	
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_015920	51065	RPS27L	ribosomal p	GO:000002	GO:000373	GO:000563	773	645	0.83	-0.26	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_017414	11274	USP18	ubiquitin sp	GO:000651	GO:000484	GO:000563	15	17	1.13	0.17	
H30000384	H300003843	ENSG0000	-	100271392	RPL31P63	ribosomal p	-	-	-		12599	11671	0.93	-0.11
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NR_024356	345630	FBLL1	fibrillar-in	GO:000049	GO:000372	GO:001503	25	24	0.96	-0.07	
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	-	392371	KRT18P13	keratin 18	-	-	-		406	302	0.74	-0.43
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001145	729967	MORN2	MORN repe	-	GO:000551	-		220	208	0.95	-0.08
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001171	399474	TMEM200E	transmemb	-	-	GO:001602	10	12	1.24	0.31	
H30000801	H300008010	ENSG0000	-	81116	OR7E105P	olfactory re	-	-	-		19	21	1.08	0.12
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_175922	285800	PRR18	proline rich	-	-	-		38	35	0.92	-0.12
H30000635	H300006353	-	NM_006261	5626	PROP1	PROP paire	GO:000012	GO:000098	GO:000563	718	637	0.89	-0.17	
H30000596	H300005963	ENSG0000	NR_037924	100533496	TVP23C-C	TVP23C-C	-	-	-		27	47	1.74	0.80
H30000233	H300002336	ENSG0000	NM_001244	388533	KRTDAP	keratinocyt	GO:003015	-	GO:000557	662	521	0.79	-0.35	
H30002143	H300021437	ENSG0000	XM_006721	3728	JUP	junction pla	GO:000215	GO:000371	GO:000563	152	130	0.85	-0.23	
H30000096	H300000962	ENSG0000	NM_207374	81341	OR10W1	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma m		6		
H30000941	H300009417	ENSG0000	NM_001318	387357	THEMIS	thymocyte	GO:000225	GO:000551	GO:0005634	nucleus,GO:00				

H30000114	H300001141	ENSG0000	NM_175885	220382	FAM181B	family with	-	-	-	-	5			
H30002054	H300020542	ENSG0000	NM_012093	26289	AK5	adenylate k	GO:000616	GO:000401	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005815	microtubu			
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_016836	5937	RBMS1	RNA bindin	GO:000626	GO:000016	GO:0005634	nucleus	7			
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_001128	4867	NPHP1	nephronopl	GO:000699	GO:000519	GO:0005829	cytosol,GO:0005856	cytoskeleton			
H30001359	H300013594	ENSG0000	XM_011519	79813	EHMT1	euchromati	GO:000012	GO:000203	GO:000563	48	42	0.89	-0.17	
H30002162	H300021624	-	XM_011522	23042	PDXDC1	pyridoxal-d	GO:001975	GO:001683	GO:000579	299	284	0.95	-0.07	
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001303	149840	C20orf196	chromosom	-	-	-	90	103	1.15	0.20	
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NR_134461	201514	ZNF584	zinc finger	GO:000635	GO:000097	GO:000563	102	98	0.96	-0.06	
H30002108	H300021086	ENSG0000	XM_011545	92292	GLYATL1	glycine-N-	GO:000815	GO:004794	GO:000573	16	14	0.86	-0.22	
H30002106	H300021063	ENSG0000	NR_037923	100533483	DYX1C1-C	DYX1C1-C	-	-	-					
H30002064	H300020641	ENSG0000	NR_109858	6512	SLC1A7	solute carr	GO:000681	GO:000531	GO:0005886	plasma m	6			
H30002077	H300020772	ENSG0000	NM_052890	114770	PGLYRP2	peptidoglyc	GO:000151	GO:000827	GO:000562	26	23	0.87	-0.19	
H30000883	H300008830	ENSG0000	NM_001005	390439	OR11G2	olfactory re	GO:000716	GO:000493	GO:000588	7	11	1.57	0.65	
H30000882	H300008826	ENSG0000	NM_001271	90592	ZNF700	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	66	64	0.97	-0.05	
opHsV0400	opHsV0400008	-	NR_040092	100506990	LOC10050	uncharacte	-	-	-	245	226	0.92	-0.12	
H30002288	H300022884	ENSG0000	NM_016125	51136	RNFT1	ring finger	-	GO:000827	GO:001602	352	465	1.32	0.40	
H30002222	H300022227	ENSG0000	NR_051958	10139	ARFRP1	ADP ribosy	GO:000716	GO:000392	GO:000579	508	499	0.98	-0.03	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_172070	130507	UBR3	ubiquitin pr	GO:000170	GO:000484	GO:000015	419	384	0.92	-0.13	
H30001906	H300019069	ENSG0000	NR_126510	550	AUP1	ancient ubi	GO:003043	GO:000551	GO:000083	1959	1409	0.72	-0.48	
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_147168	84688	C9orf24	chromosom	GO:000728	GO:000551	GO:0002177	manchette,GO:0005634	nucleus,			
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_001168	27328	PCDH11X	protocadhe	GO:000715	GO:000550	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005887	in			
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_001286	2180	ACSL1	acyl-CoA s	GO:000167	GO:000446	GO:000573	122	388	3.17	1.66	
H30001761	H300017617	ENSG0000	XM_011540	84159	ARID5B	AT-rich int	GO:000012	GO:000097	GO:0005634	nucleus,G	5			
H30001386	H300013869	ENSG0000	XR_933923	1453	CSNK1D	casein kina	GO:000008	GO:000194	GO:000013	59	46	0.77	-0.38	
H30002162	H300021620	ENSG0000	NM_005098	9242	MSC	musculin	GO:000012	GO:000098	GO:0005634	nucleus,GO:0005654	nucleoplasm			
H30002160	H300021609	ENSG0000	XM_011538	283417	DPY19L2	dpy-19 like	GO:000727	GO:000003	GO:0005634	nucleus,G	8			
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NR_102333	1084	CEACAM3	carcinoemb	-	-	GO:0016021	integral c	8			
H30002132	H300021321	ENSG0000	NM_153453	245806	VGLL2	vestigial lik	GO:000635	GO:000371	GO:000563	33	29	0.87	-0.20	
H30001210	H300012102	ENSG0000	XM_011520	51266	CLEC1B	C-type lec	GO:000695	GO:000488	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005887	in			
H30002098	H300020989	ENSG0000	NM_080873	140456	ASB11	ankyrin rep	GO:001656	-	GO:000562	8	14	1.82	0.86	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_198155	8209	C21orf33	chromosom	-	-	GO:000573	408	277	0.68	-0.56	
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_173050	80274	SCUBE1	signal pept	GO:000695	GO:000550	GO:0005615	extracellular space,GO:0009897	e			
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NR_027345	100287569	LINC00173	long interge	-	-	-	16	12	0.74	-0.44	
H30000000	H300000002	-	NM_054106	81050	OR5AC2	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in			
H30000913	H300009130	ENSG0000	NM_012353	26188	OR1C1	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma m	7			
H30002027	H300020278	ENSG0000	NM_001308	51281	ANKMY1	ankyrin rep	-	GO:004687	-	35	31	0.88	-0.18	
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_001014	3075	CFH	complemen	GO:000695	GO:000551	GO:000557	322	521	1.62	0.69	
H20001119	H200011192	ENSG0000	XM_011517	25853	DCAF12	DDB1 and	GO:001656	-	GO:000573	502	435	0.87	-0.21	
H20000855	H200008558	ENSG0000	-	652963	BTF3P12	basic trans	-	-	-	1967	2383	1.21	0.28	
H30000492	H300004922	ENSG0000	XM_011523	3250	HPR	haptoglobin	GO:000223	GO:000425	GO:000557	15	18	1.18	0.24	
opHsV0400	opHsV0400008	-	XM_003959	101060181	LOC10106	zinc finger	-	-	-					
H30002041	H300020412	ENSG0000	NM_138384	92170	MTG1	mitochondr	GO:004225	GO:000392	GO:000574	148	129	0.87	-0.20	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011544	6867	TACC1	transformir	GO:000022	GO:000551	GO:000563	89	133	1.49	0.58	
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_011538	51380	CSAD	cysteine su	GO:000009	GO:000478	-	87	112	1.29	0.36	
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XM_005254	54993	ZSCAN2	zinc finger	GO:000635	GO:000097	GO:000563	36	29	0.81	-0.30	
H30001391	H300013918	ENSG0000	NM_178824	151790	WDR49	WD repeat	-	-	-					
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_174936	255738	PCSK9	proprotein	GO:000182	GO:000425	GO:000561	216	211	0.98	-0.03	
H30002117	H300021170	ENSG0000	XM_011545	11273	ATXN2L	ataxin 2 lik	GO:001060	GO:000551	GO:000573	79	86	1.09	0.12	
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_152556	154743	C7orf60	chromosom	GO:003116	GO:001643	-	36	44	1.24	0.31	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_016089	51385	ZNF589	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	22	31	1.41	0.49	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_014914	116987	AGAP1	ArfGAP wit	GO:000726	GO:000509	GO:000573	16	21	1.31	0.39	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011521	27020	NPTN	neuroplasti	GO:000193	GO:000471	GO:000582	97	95	0.98	-0.03	
opHsV0400	opHsV0400004	-	NM_001242	100287898	TTC34	tetratricop	-	-	-	13	17	1.39	0.48	
H30000067	H300000675	ENSG0000	NM_001099	147660	ZNF578	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	135	147	1.09	0.13	
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_198451	139628	FOXR2	forkhead bo	GO:000635	GO:000098	GO:0005634	nucleus				
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NR_028496	202459	OSTCP1	oligosaccha	-	-	-	462	405	0.88	-0.19	
H30000428	H300004280	ENSG0000	XM_011545	81327	OR4A16	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:0005886	plasma m	5			
H20001951	H200019514	ENSG0000	XM_011540	84293	FAM213A	family with	GO:004567	GO:001620	GO:000573	23	21	0.92	-0.12	
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_011529	100506334	LINC00649	long interge	-	-	-		4			
H30000290	H300002903	ENSG0000	NM_012374	26689	OR4D1	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in			
opHsV0400	opHsV0400010	ENSG0000	XM_005256	10642	IGF2BP1	insulin like	GO:001046	GO:000016	GO:000563	425	399	0.94	-0.09	
H30002033	H300020331	ENSG0000	NM_032784	84870	RSP03	R-spondin	GO:000197	GO:000510	GO:0005576	extracellu	4			
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_052864	92610	TIFA	TRAF inter	GO:000724	GO:000551	GO:000562	76	73	0.96	-0.06	
H30001951	H300019511	ENSG0000	NM_187841	57159	TRIM54	tripartite m	GO:000701	GO:000487	GO:0005874	microtubule,GO:0005875	microtu			
H30002141	H300021419	-	NM_032747	84833	USMG5	up-regulate	-	-	GO:000573	5940	5168	0.87	-0.20	
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001166	132884	EVC2	EvC ciliary	GO:000722	-	GO:0005634	nucleus,GO:0005737	cytoplasm,C			
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011544	347853	TBX10	T-box 10	GO:000635	GO:000367	GO:000563	22	22	1.02	0.02	
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_173544	199786	FAM129C	family with	-	-	-	53	43	0.81	-0.30	
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_000333	6314	ATXN7	ataxin 7	GO:000022	GO:000368	GO:000563	12	21	1.74	0.80	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_032574	84661	DPY30	dpy-30, his	GO:000632	GO:000551	GO:000078	3093	2452	0.79	-0.34	
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_005273	137492	VPS37A	VPS37A, E	GO:000691	GO:000551	GO:000081	193	225	1.16	0.22	
H30002057	H300020572	ENSG0000	NM_016474	51244	CCDC174	coiled-coil	-	-	GO:000565	125	176	1.41	0.49	
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	-	729687	HMG2P25	high mobil	-	-	-	7413	10209	1.38	0.46	
H30002232	H300022323	ENSG0000	NM_020813	57573	ZNF471	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	50	55	1.10	0.14	
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001004	401994	OR14I1	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:000588	8	16	1.85	0.89	
AHsV1000	AHsV10002442	ENSG0000	NM_001099	6160	RPL31	ribosomal p	GO:000018	GO:000372	GO:000582	43588	37046	0.85	-0.23	
AHsV1000	AHsV10000812	ENSG0000	NM_004585	5920	RARRES3	retinoic aci	GO:000664	GO:000462	GO:001602	12	24	1.96	0.97	
CHsGV100	CHsGV1000388	-	NM_001300	5901	RAN	RAN, memb	GO:000005	GO:000368	GO:000078	29031	15969	0.55	-0.86	
AHsV1000	AHsV10002221	ENSG0000	XM_011525	5718	PSMD12	proteasome	GO:000008	-	GO:000050	3981	2889	0.73	-0.46	
H20000091	H200000913	ENSG0000	NM_002802	5700	PSMC1	proteasome	GO:000008	GO:000551	GO:000050	3340	3258	0.98	-0.04	
H20000565	H200005659	ENSG0000	NM_000169	2717	GLA	galactosida	GO:000666	GO:000382	GO:000557	1177	1089	0.93	-0.11	
H300														

CHsGV100	CHsGV100026	ENSG0000	NM_001201	5126	PCSK2	proprotein	GO:000650	GO:000425	GO:0005615	extracellu	3		
H20001786	H200017866	ENSG0000	NM_002588	5098	PCDHGC3	protocadhe	GO:000715	GO:000550	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016020 m			
CHsGV100	CHsGV100036	ENSG0000	NM_002524	4893	NRAS	neuroblast	GO:000016	GO:000552	GO:000013	672	762	1.14	0.18
H30000151	H300001513	ENSG0000	XM_011534	4869	NPM1	nucleophos	GO:000628	GO:000371	GO:000563	65451	26793	0.41	-1.29
H20000203	H200002033	ENSG0000	XM_011544	1717	DHCR7	7-dehydroc	GO:000156	GO:004759	GO:000564	1278	903	0.71	-0.50
H30001115	H300011159	ENSG0000	NM_001290	1657	DMXL1	Dmx like 1	-	-	-	117	187	1.59	0.67
H20000056	H200000566	-	NM_001302	1447	CSN2	casein beta	GO:000681	GO:000485	GO:0005576	extracellular region,GO:0005615			
CHsGV100	CHsGV100035	ENSG0000	NM_001886	1413	CRYBA4	crystallin b	GO:000760	GO:000367	GO:000557	25	11	0.46	-1.12
H20001146	H200011462	ENSG0000	NM_001282	1209	CLPTM1	cleft lip and	GO:000727	GO:000551	GO:000588	414	382	0.92	-0.12
CHsGV100	CHsGV100007	ENSG0000	NM_001256	1183	CLCN4	chloride vo	GO:000681	GO:000524	GO:0010008	endosome	7		
H30001910	H300019102	ENSG0000	NM_001287	994	CDC25B	cell divisor	GO:000008	GO:000472	GO:000092	53	57	1.08	0.11
AHsV1000	AHsV10000822	ENSG0000	XR_934193	100996842	LOC10099	uncharacte	-	-	-	126	138	1.09	0.13
CHsGV100	CHsGV100000	ENSG0000	NM_001290	6092	ROBO2	roundabout	GO:000165	GO:000551	GO:000998	15	26	1.78	0.83
H20000012	H200000128	ENSG0000	XM_011525	5878	RAB5C	RAB5C, me	GO:000703	GO:000392	GO:000576	808	546	0.68	-0.57
AHsV1000	AHsV10002930	ENSG0000	NM_001242	5862	RAB2A	RAB2A, me	GO:000027	GO:000392	GO:000013	920	818	0.89	-0.17
AHsV1000	AHsV10002656	ENSG0000	NR_104110	5687	PSMA6	proteasome	GO:000008	GO:000372	GO:000050	3478	2701	0.78	-0.36
H20000270	H200002702	ENSG0000	XM_005267	5641	LGMN	legumain	GO:000222	GO:000419	GO:000576	201	127	0.63	-0.66
H20000700	H200007002	ENSG0000	NM_005258	2644	GCHFR	GTP cyclot	GO:000680	GO:000485	GO:000563	193	170	0.88	-0.19
CHsGV100	CHsGV100013	ENSG0000	XM_011543	2626	GATA4	GATA bind	GO:000170	GO:000097	GO:0005634	nucleus,G	8		
H30000830	H300008308	ENSG0000	NM_000801	2280	FKBP1A	FK506 bind	GO:000041	GO:000375	GO:000573	1227	862	0.70	-0.51
H20000125	H200001250	ENSG0000	NM_001139	2258	FGF13	fibroblast g	GO:000016	GO:000551	GO:000557	361	198	0.55	-0.86
H30001542	H300015423	ENSG0000	-	2073	ERCC5	excision re	GO:000628	GO:000040	GO:000563	283	316	1.12	0.16
H20001405	H200014050	ENSG0000	NM_004444	2050	EPHB4	EPH recept	GO:000152	GO:000471	GO:000557	156	95	0.61	-0.71
AHsV1000	AHsV10001567	ENSG0000	NM_004421	1855	DVL1	dishevelled	GO:000150	GO:000367	GO:000582	2358	1965	0.83	-0.26
H20000610	H200006107	ENSG0000	NM_001318	1831	TSC22D3	TSC22 don	GO:000012	GO:000370	GO:0005634	nucleus,G	59		
H20000654	H200006544	ENSG0000	NM_005888	5250	SLC25A3	solute carr	GO:000609	GO:000373	GO:000563	11133	7648	0.69	-0.54
AHsV1000	AHsV10002606	ENSG0000	NM_003987	5076	PAX2	paired box	GO:000165	GO:000098	GO:0005634	nucleus,GO:0005730	nucleolus,G		
CHsGV100	CHsGV100013	ENSG0000	NM_001289	5045	FURIN	furin, paire	GO:000646	GO:000202	GO:000013	9	14	1.53	0.62
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001190	4850	CNOT4	CCR4-NO	GO:000028	GO:000016	GO:000563	58	68	1.17	0.22
H20000661	H200006613	ENSG0000	XM_011535	4829	NMBR	neuromedir	GO:000718	GO:000494	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005886	plasma m		
H20000633	H200006337	ENSG0000	NM_001012	1635	DCTD	dCMP dear	GO:000620	GO:000413	GO:000582	742	718	0.97	-0.05
AHsV1000	AHsV10003262	ENSG0000	NM_004080	1607	DGKB	diacylglyce	GO:000720	GO:000414	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005886	plasma m		
H20001196	H200011968	ENSG0000	NM_001882	1393	CRHBP	corticotrop	GO:000196	GO:000551	GO:0005615	extracellu	7		
H30000495	H300004950	ENSG0000	NM_001305	1364	CLDN4	claudin 4	GO:000716	GO:000488	GO:0005886	plasma m	9		
H30001861	H300018616	ENSG0000	NR_023313	1153	IRBP	cold induci	GO:000940	GO:000016	GO:000563	1072	864	0.81	-0.31
AHsV1000	AHsV10003220	ENSG0000	NM_001025	1123	CHN1	chimerin 1	GO:000726	GO:000507	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005829	cytosol		
AHsV1000	AHsV10003319	ENSG0000	NM_001082	949	SCARB1	scavenger	GO:000193	GO:000153	GO:000576	1803	986	0.55	-0.87
AHsV1000	AHsV10001706	ENSG0000	XM_011545	923	CD6	CD6 molec	GO:000177	GO:000153	GO:000177	21	19	0.88	-0.18
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001282	6000	RGS7	regulator o	GO:000718	GO:000487	GO:0005634	nucleus,GO:0005737	cytoplasm,C		
H20000963	H200009638	-	NM_001315	5816	PVALB	parvalbumin	GO:005148	GO:000550	GO:000563	4	10	2.48	1.31
AHsV1000	AHsV10000263	ENSG0000	NM_001161	5794	PTPRH	protein tyr	GO:000647	GO:000500	GO:000573	89	132	1.47	0.56
H20000048	H200000488	ENSG0000	NM_000948	5617	PRL	prolactin	GO:000716	GO:000514	GO:0005576	extracellu	8		
H30001862	H300018627	ENSG0000	NM_138957	5594	MAPK1	mitogen-ac	GO:000016	GO:000178	GO:000563	2430	2471	1.02	0.02
CHsGV100	CHsGV100013	ENSG0000	NM_004482	2591	GALNT3	polypeptide	GO:000597	GO:000465	GO:000013	7	8	1.13	0.18
AHsV1000	AHsV10000554	ENSG0000	NM_198903	2566	GABRG2	gamma-am	GO:000681	GO:000489	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005886	plasma m		
H20000091	H200000919	ENSG0000	NM_004111	2237	FEN1	flap structu	GO:000027	GO:000028	GO:000078	3278	2219	0.68	-0.56
H20000014	H200000145	ENSG0000	XM_006717	2203	FBP1	fructose-b	GO:000597	GO:000551	GO:000573	7	10	1.30	0.38
CHsGV100	CHsGV100018	ENSG0000	NM_001430	2034	EPAS1	endothelial	GO:000152	GO:000098	GO:0005654	nucleopla	24		
H30002003	H300020031	ENSG0000	XM_006718	2017	CTTN	catractin	GO:000688	GO:000551	GO:000172	187	152	0.82	-0.29
H20000065	H200000650	ENSG0000	NM_000794	1812	DRD1	dopamine r	GO:000165	GO:000158	GO:000563	38	36	0.95	-0.08
H30000744	H300007440	ENSG0000	XM_011539	1793	DOCK1	dedicator o	GO:000691	GO:000508	GO:0005634	nucleus,G	5		
CHsGV100	CHsGV100027	ENSG0000	NM_000286	5193	PEX12	peroxisoma	GO:000651	GO:000484	GO:000577	97	72	0.75	-0.42
H20000827	H200008277	ENSG0000	NM_000436	5019	OXCT1	3-oxoacid	GO:000742	GO:000826	GO:000573	400	359	0.90	-0.16
AHsV1000	AHsV10001363	ENSG0000	NM_001318	4987	OPRL1	opiate rece	GO:000193	GO:000162	GO:0005829	cytosol,G	6		
H20000064	H200000643	ENSG0000	NM_002506	4803	NGF	nerve grow	GO:000018	GO:000505	GO:000557	72	39	0.54	-0.88
AHsV1000	AHsV10001004	ENSG0000	NM_001313	4780	NFE2L2	nuclear fac	GO:000636	GO:000097	GO:000078	1554	1793	1.15	0.21
H20000016	H200000168	ENSG0000	NR_135003	1580	CYP4B1	cytochrom	GO:000680	GO:000550	GO:000578	38	41	1.07	0.09
H20000706	H200007065	ENSG0000	NM_148923	1528	CYB5A	cytochrom	GO:000676	GO:000403	GO:000573	389	351	0.90	-0.15
H20001007	H200010074	ENSG0000	XM_011519	1326	MAP3K8	mitogen-ac	GO:000018	GO:000028	GO:000573	17	29	1.73	0.79
CHsGV100	CHsGV100032	ENSG0000	NM_001852	1298	COL9A2	collagen ty	GO:000150	GO:003002	GO:000557	14	21	1.47	0.56
CHsGV100	CHsGV100015	-	NM_001817	1089	CEACAM4	carcinoem	GO:000690	-	GO:0005887	integral component of plasma me			
AHsV1000	AHsV10001942	ENSG0000	NM_001807	1056	CEL	carboxyl es	GO:000662	GO:000382	GO:0005576	extracellu	12		
H30001936	H300019367	ENSG0000	XM_005248	902	CCNH	cyclin H	GO:000008	GO:000551	GO:000563	2022	2249	1.11	0.15
AHsV1000	AHsV10000729	ENSG0000	XR_929870	883	CCBL1	cysteine cd	GO:000655	GO:000551	GO:000565	188	152	0.81	-0.31
AHsV1000	AHsV10000477	ENSG0000	NM_002902	5955	RCN2	reticulocal	-	GO:000550	GO:0005730	nucleolus	7		
AHsV1000	AHsV10002024	ENSG0000	NM_001308	5771	PTPN2	protein tyr	GO:000828	GO:000472	GO:000563	673	685	1.02	0.03
H20001028	H200010281	ENSG0000	XM_011518	5742	PTGS1	prostagland	GO:000151	GO:000460	GO:000175	255	169	0.66	-0.59
H20001406	H200014060	ENSG0000	NM_212539	5580	PRKCD	protein kin	GO:000222	GO:000467	GO:000563	163	171	1.05	0.07
CHsGV100	CHsGV100003	ENSG0000	XM_011514	5558	PRIM2	primase, D	GO:000008	GO:000367	GO:000565	390	381	0.98	-0.04
H20000005	H200000052	ENSG0000	NM_001122	2532	ACKR1	atypical ch	GO:000695	GO:000487	GO:0005769	early end	6		
H20001032	H200010320	ENSG0000	XM_011535	2444	FRK	fyn-related	GO:000012	GO:000471	GO:0005622	intracellul	6		
H20000588	H200005882	ENSG0000	NM_000137	2184	FAH	fumarylase	GO:000652	GO:000433	GO:000582	640	524	0.82	-0.29
CHsGV100	CHsGV100022	ENSG0000	NM_000129	2162	F13A1	coagulation	GO:000257	GO:000381	GO:000557	5	11	2.06	1.04
H20000212	H200002121	ENSG0000	NM_001419	1994	ELAVL1	ELAV like	GO:000727	GO:000016	GO:000563	2278	2006	0.88	-0.18
CHsGV100	CHsGV100032	ENSG0000	NM_001412	1964	EIF1AX	eukaryotic	GO:000641	GO:000374	GO:000582	967	715	0.74	-0.44
AHsV1000	AHsV10003579	ENSG0000	XM_011539	1763	DNA2	DNA replic	GO:000007	GO:000367	GO:000078	223	238	1.07	0.09
H20000598	H200005981	ENSG0000	NM_001289	1738	DLD	dihydrolipo	GO:000609	GO:000414	GO:000565	6184	5669	0.92	-0.13
CHsGV100	CHsGV100009	ENSG0000	XM_011517	5150	PDE7A	phosphodie	GO:000619	GO:000411	GO:000582	115	190	1.66	0.73
AHsV1000	AHsV10000580	ENSG0000	XM_011521	4948	OCA2	OCA2 mela	GO:000672	GO:000521	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005765	lysosoma		
CHsGV100	CHsGV100019	ENSG0000	XM_005252	4920	ROR2	receptor ty	GO:000150	GO:000471	GO:000588	39	36	0.93	-0.11
AHsV1000	AHsV10001242	ENSG0000	XM_011520	4745	NELL1	neural EGF	GO:000739	GO:000550	GO:0005576	extracellular region,GO:0005635			
H30000835	H300008359	ENSG0000	NM_001257	4709	NDUFB3	NADH:ubiq	GO:000612	GO:000813	GO:000574	142	90</		

H20001008	H200010081	ENSG0000	XM_011543	838	CASP5	caspase 5	GO:000650	GO:000823	GO:0072557	IPAF inflammasome complex,GO:				
H30001022	H300010229	ENSG0000	NM_006588	27233	SULT1C4	sulfotransf	GO:000680	GO:000814	GO:0005575	cellular_component,GO:0005829				
CHsGV100	CHsGV1000265	ENSG0000	XM_011524	27175	TUBG2	tubulin gam	GO:000008	GO:000392	GO:000024	46	50	1.09	0.13	
CHsGV100	CHsGV1000212	ENSG0000	NM_005814	10223	GPA33	glycoprotei	GO:001633	GO:000487	GO:000588	119	112	0.94	-0.09	
H30001024	H300010247	ENSG0000	XM_005255	10204	NUTF2	nuclear tra	GO:000006	GO:000521	GO:000564	3395	2290	0.67	-0.57	
H20001752	H200017528	ENSG0000	XM_006714	10048	RANBP9	RAN bindin	GO:000646	GO:000551	GO:000563	963	1062	1.10	0.14	
AHsV1000	AHsV10003599	ENSG0000	NM_004180	10010	TANK	TRAF famil	GO:000222	GO:000551	GO:000573	396	434	1.09	0.13	
H20001750	H200017509	ENSG0000	NM_014819	9867	PJA2	praja ring fi	GO:000761	GO:000484	GO:000013	698	814	1.17	0.22	
H20000830	H200008308	ENSG0000	NM_001301	9848	MFAP3L	microfibrilla	-	GO:000551	GO:0005634	nucleus,GO:0005737	cytoplasm,C			
H20001304	H200013044	ENSG0000	NM_001195	9685	CLINT1	clathrin int	GO:000689	GO:000551	GO:000565	1183	1075	0.91	-0.14	
AHsV1000	AHsV10002075	-	XM_011522	9665	KIAA0430	KIAA0430	GO:000630	GO:000016	GO:000577	6	36	6.28	2.65	
H20000819	H200008194	ENSG0000	NM_001128	6399	TRAPPC2	trafficking p	GO:000150	GO:000551	GO:000013	170	185	1.08	0.12	
CHsGV100	CHsGV1000111	ENSG0000	NM_002994	6374	CXCL5	C-X-C mo	GO:000269	GO:000800	GO:000557	12	13	1.09	0.12	
CHsGV100	CHsGV1000198	ENSG0000	NM_001007	6191	RPS4X	ribosomal p	GO:000018	GO:000373	GO:000582	12225	9418	0.77	-0.38	
AHsV1000	AHsV10000172	ENSG0000	NM_175709	23492	CBX7	chromobox	GO:000012	GO:000368	GO:000079	29	33	1.13	0.17	
AHsV1000	AHsV10000797	ENSG0000	NM_001303	23466	CBX6	chromobox	GO:000012	GO:000372	GO:000079	492	316	0.64	-0.64	
AHsV1000	AHsV10002805	ENSG0000	NM_001204	9481	SLC25A27	solute carr	GO:000609	GO:000373	GO:0005739	mitochondrion,GO:0005743	mitoc			
AHsV1000	AHsV10003357	ENSG0000	NM_001306	9459	ARHGEF6	Rac/Cdc42	GO:000691	GO:000508	GO:000562	415	1134	2.73	1.45	
H30001838	H300018387	ENSG0000	XM_011525	9256	BZRAP1	benzodiazep	GO:000726	GO:000551	GO:000573	111	101	0.91	-0.13	
AHsV1000	AHsV10001126	-	NM_001033	9223	MAG1	membrane	GO:000646	GO:000551	GO:000565	42	30	0.71	-0.49	
AHsV1000	AHsV10002716	ENSG0000	NM_001198	9053	MAP7	microtubule	GO:000022	GO:000510	GO:000573	4	8	1.71	0.77	
H20001803	H200018030	ENSG0000	NM_003965	9034	CCRL2	chemokine	GO:000693	GO:000495	GO:000588	34	62	1.80	0.85	
H20001171	H200011714	ENSG0000	NM_001270	8835	SOCS2	suppressor	GO:000155	GO:000486	GO:000573	989	1181	1.19	0.26	
CHsGV100	CHsGV1000086	ENSG0000	NM_015905	8805	TRIM24	tripartite m	GO:000636	GO:000203	GO:000563	307	260	0.85	-0.24	
CHsGV100	CHsGV1000291	ENSG0000	XM_006721	5531	PPP4C	protein pho	GO:000072	GO:000470	GO:000563	1145	1131	0.99	-0.02	
H20001051	H200010513	ENSG0000	NM_002715	5515	PPP2CA	protein pho	GO:000018	GO:000472	GO:000015	2752	2432	0.88	-0.18	
H20001512	H200015124	ENSG0000	NM_001311	5321	PLA2G4A	phospholipa	GO:000154	GO:000462	GO:000563	42	48	1.13	0.17	
AHsV1000	AHsV10000933	ENSG0000	NM_001267	27134	TJP3	tight juncti	GO:200004	GO:000551	GO:0005634	nucleus,G	6			
CHsGV100	CHsGV1000081	ENSG0000	NR_073098	27095	TRAPPC3	trafficking p	GO:000688	GO:000551	GO:000013	1512	1423	0.94	-0.09	
H20000424	H200004247	ENSG0000	XM_005273	10174	SORBS3	sorbin and	GO:000012	GO:000520	GO:000563	28	27	0.97	-0.04	
H20001431	H200014314	ENSG0000	NM_005760	10153	CEBPZ	CCAAT/er	GO:000636	GO:000097	GO:000563	2631	2030	0.77	-0.37	
AHsV1000	AHsV10001837	ENSG0000	NR_003249	9987	HNRNPDL	heterogene	GO:000635	GO:000016	GO:000563	1117	906	0.81	-0.30	
AHsV1000	AHsV10000256	ENSG0000	NM_005118	9966	TNFSF15	tumor necr	GO:000691	GO:000510	GO:0005615	extracellu	4			
AHsV1000	AHsV10002605	ENSG0000	NM_198236	9826	ARHGEF11	Rho guanin	GO:000091	GO:000166	GO:0005622	intracellular,GO:0005737	cytoplas			
opHsV0400	opHsV0400009	ENSG0000	NM_014765	9804	TOMM20	translocase	GO:000042	GO:000551	GO:000573	4863	3767	0.77	-0.37	
H20000812	H200008128	ENSG0000	NM_014633	9646	CTR9	CTR9 hom	GO:000012	GO:000099	GO:001659	797	588	0.74	-0.44	
AHsV1000	AHsV10001193	ENSG0000	XM_005257	9625	AATK	apoptosis-a	GO:000742	GO:000467	GO:000578	72	58	0.81	-0.30	
H20001673	H200016737	ENSG0000	NM_005623	6355	CCL8	C-C motif	GO:000152	GO:000467	GO:000561	41	34	0.85	-0.24	
H30000113	H300001131	ENSG0000	NM_175041	6318	SERPINB4	serpin pept	GO:001046	GO:000202	GO:000561	25	33	1.34	0.42	
AHsV1000	AHsV10001459	ENSG0000	NM_001303	6134	RPL10	ribosomal p	GO:000002	GO:000373	GO:000578	17510	17023	0.97	-0.04	
H30001456	H300014565	ENSG0000	XM_011509	23432	GPR161	G protein-c	GO:000718	GO:000493	GO:001602	55	45	0.82	-0.29	
CHsGV100	CHsGV1000278	ENSG0000	XM_005253	23409	SIRT4	sirtuin 4	GO:000082	GO:000395	GO:000573	53	30	0.56	-0.83	
AHsV1000	AHsV10001231	-	NM_001145	9437	NCR1	natural cyt	GO:000696	GO:000505	GO:0005886	plasma m	12			
CHsGV100	CHsGV1000376	ENSG0000	XM_011520	9409	PEX16	peroxisoma	GO:000662	GO:000551	GO:000577	168	128	0.76	-0.40	
H20001299	H200012999	ENSG0000	XM_011538	9194	SLC16A7	solute carr	GO:003587	GO:000547	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005886	plasma m			
H20000175	H200001750	ENSG0000	NM_001278	9166	EBAG9	estrogen re	GO:000155	GO:001650	GO:000013	506	380	0.75	-0.41	
H30001837	H300018374	ENSG0000	XR_934591	9020	MAP3K14	mitogen-ac	GO:000016	GO:000467	GO:000573	15	26	1.71	0.77	
H20001165	H200011652	ENSG0000	NM_001242	100631383	FAM47E-S	FAM47E-S	-	-	-	10	22	2.21	1.14	
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_030592	8785	MATN4	matrilin 4	GO:003019	GO:000551	GO:000557	23	14	0.61	-0.72	
AHsV1000	AHsV10001875	ENSG0000	XM_005273	8756	ADAM7	ADAM met	GO:000650	GO:000422	GO:0005886	plasma m	6			
H20001169	H200011690	ENSG0000	NM_000943	5480	PPIC	peptidylpro	GO:000041	GO:000375	GO:000573	181	246	1.36	0.45	
AHsV1000	AHsV10001639	ENSG0000	XM_006718	5450	POU2AF1	POU class	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus	3			
CHsGV100	CHsGV1000064	ENSG0000	XM_011514	5272	SERPINB9	serpin pept	GO:000244	GO:000202	GO:000561	588	268	0.46	-1.13	
AHsV1000	AHsV10000515	ENSG0000	NM_001258	27039	PKD2L2	polycystin	GO:000815	GO:000526	GO:0016021	integral component of membrane				
AHsV1000	AHsV10002639	ENSG0000	NM_001308	26998	FETUB	fetuin B	GO:000733	GO:000367	GO:0005576	extracellu	3			
H20000858	H200008581	ENSG0000	XM_011522	10131	TRAP1	TNF recept	GO:000695	GO:000516	GO:000565	6287	3823	0.61	-0.72	
H30000227	H300002272	ENSG0000	NM_016276	10110	SGK2	serum/gluc	GO:000155	GO:000467	GO:000557	18	21	1.13	0.18	
H20000399	H200003997	ENSG0000	NM_005110	9945	GFPT2	glutamine-	GO:000600	GO:000436	GO:000582	113	85	0.76	-0.40	
CHsGV100	CHsGV1000067	-	XM_005266	9920	KBTD11	kelch repea	GO:001656	GO:000484	GO:0031463	Cul3-RING ubiquitin ligase compl				
opHsV0400	opHsV0400008	ENSG0000	NM_001282	9782	MATR3	matrin 3	GO:001060	GO:000016	GO:000563	959	1202	1.25	0.32	
H20001053	H200010533	ENSG0000	NM_014727	9757	KMT2B	lysine meth	GO:000154	GO:000367	GO:000563	185	155	0.84	-0.26	
CHsGV100	CHsGV10000315	ENSG0000	NM_004907	9592	IER2	immediate	GO:003018	GO:000367	GO:000563	17	17	0.97	-0.04	
H20001162	H200011624	ENSG0000	NM_004894	9556	C14orf2	chromosom	GO:000815	GO:000367	GO:000557	1864	1417	0.76	-0.39	
CHsGV100	CHsGV1000236	-	NM_022553	6293	VPS52	VPS52, GA	GO:001066	GO:000551	GO:000579	205	177	0.86	-0.21	
AHsV1000	AHsV10003597	ENSG0000	NM_001035	6262	RYR2	ryanodine r	GO:000166	GO:000521	GO:0005790	smooth e	4			
H30000220	H300002207	ENSG0000	NM_002933	6035	RNASE1	ribonucleas	GO:009050	GO:000367	GO:007006	39	22	0.56	-0.83	
AHsV1000	AHsV10001932	ENSG0000	XM_005271	23387	SIK3	SIK family	GO:000646	GO:000028	GO:000573	29	32	1.13	0.18	
H30001846	H300018469	ENSG0000	NM_001282	23369	PUM2	pumilio RN	GO:003406	GO:000372	GO:000573	362	377	1.04	0.06	
AHsV1000	AHsV10002203	-	NR_037861	100532746	PPT2-EGF	PPT2-EGF	-	-	-	306	215	0.70	-0.51	
CHsGV100	CHsGV1000344	ENSG0000	NM_005454	9350	CER1	cerberus 1	GO:000165	GO:000512	GO:0005576	extracellular region,GO:0005615				
CHsGV100	CHsGV1000319	ENSG0000	NR_033363	9140	ATG12	autophagy	GO:000004	GO:000551	GO:000582	563	582	1.03	0.05	
H20000620	H200006202	ENSG0000	XM_011540	9124	PDLIM1	PDZ and LI	GO:000166	GO:000371	GO:000566	875	632	0.72	-0.47	
AHsV1000	AHsV10000705	ENSG0000	NM_001282	8940	TOP3B	topoisomer	GO:000626	GO:000367	GO:000079	133	178	1.34	0.42	
H30002231	H300022319	ENSG0000	NR_037188	8904	CPNE1	copine 1	GO:000635	GO:000178	GO:000563	316	318	1.01	0.01	
H20001408	H200014080	ENSG0000	XM_011540	8729	GBF1	golgi brefel	GO:000226	GO:000508	GO:000013	161	141	0.87	-0.20	
H30001963	H300019638	ENSG0000	XM_011525	8714	ABCC3	ATP bindin	GO:000681	GO:000552	GO:0005886	plasma m	6			
CHsGV100	CHsGV1000356	-	NM_001291	5429	POLH	polymerase	GO:000073	GO:000368	GO:000565	51	87	1.70	0.76	
AHsV1000	AHsV10000843	ENSG0000	XM_011524	5409	PNMT	phenyletha	GO:003225	GO:000460	GO:000582	182	132	0.73	-0.46	
H30000602	H300006020	ENSG0000	NM_005022	5216	PFN1	profilin 1	GO:000184	GO:000077	GO:000563	2369	1985	0.84	-0.26	</

H30000626	H300006266	ENSG0000	NM_001128	6236	RRAD	Ras-related	GO:000726	GO:000392	GO:000562	10	19	1.96	0.97
AHsV1000	AHsV10001712	ENSG0000	NM_001308	6209	RPS15	ribosomal p	GO:000005	GO:000367	GO:000563	28433	22597	0.79	-0.33
AHsV1000	AHsV10002613	ENSG0000	NM_001204	5981	RFC1	replication	GO:000027	GO:000367	GO:000563	287	376	1.31	0.39
DHsTV100	DHsTV1000005	-	-	-	-	-	-	-	-	-	3	-	-
AHsV1000	AHsV10001604	ENSG0000	NM_015265	23314	SATB2	SATB hom	GO:000012	GO:000368	GO:000011	57	59	1.05	0.07
AHsV1000	AHsV10001113	ENSG0000	NM_001284	9320	TRIP12	thyroid hor	GO:000628	GO:000484	GO:000563	876	857	0.98	-0.03
AHsV1000	AHsV10001048	-	NM_005453	9278	ZBTB22	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	163	160	0.98	-0.02
H20000672	H200006724	ENSG0000	XM_011535	9107	MTMR6	myotubular	GO:000647	GO:000472	GO:000563	456	380	0.83	-0.26
AHsV1000	AHsV10001587	ENSG0000	NM_001002	353515	XKRY2	XK related	-	-	GO:0016021	integral c	9	-	-
AHsV1000	AHsV10002741	ENSG0000	XR_941424	8881	CDC16	cell divisio	GO:000027	GO:000551	GO:000565	1015	1154	1.14	0.18
AHsV1000	AHsV10002095	-	NM_003890	8857	FCGBP	Fc fragmen	-	GO:000551	GO:0070062	extracellular	exosome	-	-
H20000633	H200006333	ENSG0000	NM_033158	8692	HYAL2	hyaluronog	GO:000030	GO:000110	GO:000013	147	129	0.88	-0.19
H20000530	H200005305	ENSG0000	NM_003756	8667	EIF3H	eukaryotic	GO:000173	GO:000374	GO:000582	6049	5406	0.89	-0.16
AHsV1000	AHsV10001617	ENSG0000	NM_001282	5358	PLS3	plastin 3	GO:004249	GO:000377	GO:0005737	cytoplasm,	GO:0032420	stereocili	-
H20000616	H200006161	ENSG0000	XM_011523	5336	PLCG2	phospholipa	GO:000209	GO:000443	GO:000582	103	184	1.79	0.84
H20000820	H200008208	ENSG0000	XM_006716	5168	ENPP2	ectonucleo	GO:000679	GO:000367	GO:000561	7	13	1.86	0.89
CHsGV100	CHsGV1000310	ENSG0000	NM_001286	79624	ARMT1	acidic resid	GO:000647	GO:000551	-	668	676	1.01	0.02
AHsV1000	AHsV10001503	ENSG0000	XM_005256	79018	GID4	GID comple	-	-	-	27	37	1.38	0.46
H20000861	H200008615	ENSG0000	NM_024026	78988	MRPL57	mitochondr	GO:003254	GO:000373	GO:000576	1158	905	0.78	-0.36
CHsGV100	CHsGV1000074	ENSG0000	NM_022766	64781	CERK	ceramide k	GO:000666	GO:000028	GO:000573	32	56	1.76	0.81
CHsGV100	CHsGV1000285	ENSG0000	XM_006716	64760	FAM160B2	family with	-	-	-	16	21	1.30	0.38
CHsGV100	CHsGV1000053	ENSG0000	NR_132962	192217	OXCT2P1	3-oxoacid	-	-	-	-	6	-	-
CHsGV100	CHsGV1000215	ENSG0000	NM_001031	63933	MCUR1	mitochondr	GO:000685	GO:000551	GO:003130	526	636	1.21	0.27
H30001894	H300018943	ENSG0000	XM_006711	51107	APH1A	aph-1 hom	GO:000165	GO:000417	GO:000578	301	293	0.97	-0.04
H20000217	H200002170	ENSG0000	NM_015993	51090	PLLP	plasmolipin	GO:000681	GO:000551	GO:001602	46	39	0.85	-0.24
H20001350	H200013504	ENSG0000	NM_015720	50512	PODXL2	podocalyxin	GO:005090	GO:000551	GO:000588	52	37	0.70	-0.51
H20000221	H200002212	ENSG0000	NM_014604	30851	TAX1BP3	Tax1 bindin	GO:000726	GO:000551	GO:000563	234	270	1.15	0.20
H30001679	H300016799	ENSG0000	NM_001004	29121	CLEC2D	C-type lec	GO:000716	GO:000488	GO:0005783	endoplasr	29	-	-
AHsV1000	AHsV10002212	ENSG0000	NM_014181	29094	LGALS1	lectin, galac	-	GO:000551	GO:0005622	intracellular	-	-	-
H20000369	H200003690	ENSG0000	NM_001301	57761	TRIB3	tribbles pse	GO:000012	GO:000371	GO:000563	1064	3334	3.13	1.65
AHsV1000	AHsV10002979	ENSG0000	NM_020726	57486	NLN	neurolysin	GO:000611	GO:000422	GO:000575	109	140	1.29	0.37
H20000483	H200004832	ENSG0000	NM_001291	57415	C3orf14	chromosom	-	-	-	-	-	-	-
H30000278	H300002783	ENSG0000	NM_001012	56998	CTNBP1	catenin bet	GO:000165	GO:000551	GO:000563	24	43	1.81	0.85
AHsV1000	AHsV10002702	ENSG0000	XR_931871	56965	PARP6	poly(ADP-r	GO:000815	GO:000395	-	30	40	1.34	0.42
H20001415	H200014153	ENSG0000	NM_018904	56136	PCDHA13	protocadhe	GO:000715	GO:000550	GO:0005886	plasma membra	GO:0016021	in	-
DHsGV100	DHsGV1000554	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
H30001396	H300013966	ENSG0000	NM_138689	26472	PPP1R14B	protein pho	GO:004232	GO:000486	GO:000573	1898	1337	0.70	-0.51
H30000452	H300004526	ENSG0000	XM_011535	26278	SACS	sacsin mole	GO:000645	GO:003054	GO:000563	201	207	1.03	0.05
AHsV1000	AHsV10000410	ENSG0000	XM_005256	25979	DHRS7B	dehydroger	GO:000815	GO:000367	GO:000578	222	214	0.96	-0.05
H20000322	H200003222	ENSG0000	NM_001271	25941	TPGS2	tubulin poly	-	-	GO:000573	860	635	0.74	-0.44
H30000793	H300007937	ENSG0000	XM_005273	24145	PANX1	pannexin 1	GO:000293	GO:000202	GO:000578	169	138	0.81	-0.30
H30000626	H300006263	ENSG0000	NM_001284	23760	PITPNB	phosphatid	GO:000170	GO:000828	GO:000013	1467	980	0.67	-0.58
H20001447	H200014477	ENSG0000	XM_011538	79369	B3GNT4	UDP-GlcNA	GO:000597	GO:000837	GO:000013	26	24	0.91	-0.14
CHsGV100	CHsGV1000235	ENSG0000	NM_001203	100532726	NDUFC2-K	NDUFC2-K	GO:000612	GO:000813	GO:0005743	mitochon	4	-	-
AHsV1000	AHsV10000450	ENSG0000	XM_011538	65244	SPATS2	spermatoge	-	GO:004482	GO:000573	195	225	1.16	0.21
CHsGV100	CHsGV1000014	ENSG0000	NM_022575	64601	VPS16	VPS16, CC	GO:000688	GO:000377	GO:000576	138	165	1.19	0.25
H20001949	H200019499	ENSG0000	XM_011516	64418	TMEM168	transmemb	-	-	GO:001602	209	206	0.99	-0.02
AHsV1000	AHsV10002882	ENSG0000	NM_022077	63905	MANBAL	mangnositad	-	GO:000551	GO:001602	268	217	0.81	-0.30
AHsV1000	AHsV10002143	ENSG0000	NR_033342	60680	CELF5	CUGBP, EI	GO:000639	GO:000016	GO:0005634	nucleus,	3	-	-
AHsV1000	AHsV10003178	ENSG0000	NM_015950	51069	MRPL2	mitochondr	GO:000218	GO:000373	GO:000574	283	262	0.93	-0.11
CHsGV100	CHsGV1000101	ENSG0000	XM_006711	51027	BOLA1	bolA family	-	GO:000551	GO:0005576	extracellu	10	-	-
CHsGV100	CHsGV1000161	ENSG0000	NM_001256	30813	VSX1	visual syste	GO:000635	GO:000370	GO:000557	39	35	0.89	-0.17
H20000823	H200008238	ENSG0000	NM_001256	29986	SLC39A2	solute carr	GO:000682	GO:000538	GO:0005886	plasma m	7	-	-
AHsV1000	AHsV10001948	ENSG0000	NM_014159	29072	SETD2	SET domai	GO:000152	GO:000551	GO:000565	34	38	1.09	0.13
H20000630	H200006308	ENSG0000	NM_014059	28984	RGCC	regulator o	GO:000110	GO:000551	GO:000563	194	95	0.49	-1.03
CHsGV100	CHsGV1000185	ENSG0000	XM_005269	57678	GPAM	glycerol-3-	GO:000663	GO:000436	GO:000574	20	33	1.70	0.76
AHsV1000	AHsV10000809	ENSG0000	NM_001288	57335	ZNF286A	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	56	45	0.81	-0.31
AHsV1000	AHsV10003255	ENSG0000	XM_006720	57194	ATP10A	ATPase ph	GO:000815	GO:000028	GO:0005783	endoplasmic	reticulum,	GO:00057	-
H30002002	H300020029	ENSG0000	NM_001255	56937	PMEPA1	prostate tr	GO:000717	GO:000551	GO:000013	12	14	1.09	0.13
AHsV1000	AHsV10003507	ENSG0000	XM_005252	56904	SH3GLB2	SH3-domai	-	GO:000551	GO:000563	78	69	0.88	-0.19
H30000408	H300004081	ENSG0000	NM_019107	56005	MYDGF	myeloid-de	GO:000152	GO:000551	GO:000561	1657	1398	0.84	-0.24
AHsV1000	AHsV10002959	ENSG0000	XM_006710	55929	DMAP1	DNA methy	GO:000012	GO:000110	GO:000563	277	268	0.96	-0.05
H20000365	H200003650	ENSG0000	XM_011544	26229	B3GAT3	beta-1,3-g	GO:000597	GO:000551	GO:000013	269	214	0.80	-0.33
CHsGV100	CHsGV1000195	ENSG0000	NM_015653	26150	RIBC2	RIB43A do	-	GO:000551	GO:0005634	nucleus	5	-	-
CHsGV100	CHsGV1000328	ENSG0000	NM_001114	25917	THUMP3	THUMP do	GO:003225	GO:000372	GO:000573	1219	986	0.81	-0.31
AHsV1000	AHsV10002367	ENSG0000	NM_015429	25890	ABI3BP	ABI family	GO:001081	GO:000551	GO:0005614	interstitial	matrix,	GO:0005615	ex
CHsGV100	CHsGV1000051	ENSG0000	NM_014331	23657	SLC7A11	solute carr	GO:000681	GO:000551	GO:000579	194	543	2.80	1.48
AHsV1000	AHsV10000962	ENSG0000	NM_012316	23633	KPNA6	karyopherin	GO:000660	GO:000551	GO:000564	230	273	1.19	0.25
H20000171	H200001712	ENSG0000	XM_011525	79154	DHRS11	dehydroger	GO:000511	GO:001649	GO:000557	406	232	0.57	-0.81
opHsV0400	opHsV0400010	ENSG0000	NM_152388	65062	TMEM237	transmemb	GO:003011	-	GO:001602	10	10	1.05	0.07
H30001134	H300011343	ENSG0000	NM_022908	64943	NT5DC2	5'-nucleoti	GO:001631	GO:000825	-	303	218	0.72	-0.47
AHsV1000	AHsV10000500	ENSG0000	XM_005266	64328	XPO4	exportin 4	GO:000661	GO:000504	GO:000564	107	83	0.77	-0.37
H20000341	H200003411	ENSG0000	XM_011521	64220	STRA6	stimulated	GO:000152	GO:000487	GO:0005886	plasma m	4	-	-
CHsGV100	CHsGV1000401	ENSG0000	NM_001305	60482	SLC5A7	solute carr	GO:000681	GO:000530	GO:0005769	early endosome,	GO:0005886	plas	-
AHsV1000	AHsV10003453	ENSG0000	NM_021620	59336	PRDM13	PR domain	GO:000012	GO:000367	GO:0005634	nucleus	5	-	-
AHsV1000	AHsV10002737	ENSG0000	NM_016045	51012	PRELID3B	PRELI dom	GO:001591	GO:199005	GO:000575	1651	1463	0.89	-0.17
H20000963	H200009631	ENSG0000	NM_015987	50865	HEBP1	heme bindin	GO:000762	GO:002003	GO:000557	82	72	0.88	-0.19
H20000343	H200003431	ENSG0000	NM_213651	29957	SLC25A24	solute carr	GO:000641	GO:000373	GO:000573	614	475	0.77	-0.37
AHsV1000	AHsV10000130	ENSG0000	NM_013339	29929	ALG6	ALG6, alph	GO:000648	GO:004228	GO:000578	228	219	0.96	-0.06
AHsV1000	AHsV10002086	ENSG0000	NR_027303	28951	TRIB2	tribbles pse	GO:000646	GO:000016	GO:000563	127	153	1.21	0.27
CHsGV100	CHsGV1000376	ENSG0000	NR_134027	27348	TOR1B	torsin famil	GO:000698	GO:000551	GO:000563	122	182	1.50	0.58
AHsV1000	AHsV10001386	ENSG0000	NM_020823	57583	TMEM181	transmemb	GO:000940	GO:001564	GO:001602	76	115	1.51	0.59
AHsV1000	AHsV10003508	ENSG0000	NM_001318	57167	SALL4	spalt-like t	GO						

AHsV1000	AHsV10000254	ENSG0000	NM_001308	151835	CPNE9	copine fam	GO:190386	-	GO:0005615 extracellular space,GO:0070062 e				
CHsGV100	CHsGV1000223	ENSG0000	NM_001142	151195	CCNYL1	cyclin Y lik	GO:000007	GO:001990	-	60	87	1.45	0.54
AHsV1000	AHsV10001898	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
CHsGV100	CHsGV1000177	ENSG0000	NM_144673	146225	CMTM2	CKLF like	GO:000693	GO:000512	GO:0005615 extracellu	4			
CHsGV100	CHsGV1000363	ENSG0000	NR_104114	139716	GAB3	GRB2 asso	GO:003022	-	-	17	22	1.27	0.34
AHsV1000	AHsV10002287	ENSG0000	NM_001004	138882	OR1N2	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:0005886 plasma m	8			
H20000381	H200003816	ENSG0000	NM_024333	79187	FSD1	fibronectin	GO:000706	-	GO:0005634 nucleus,G	6			
AHsV1000	AHsV10002047	ENSG0000	NM_001024	400966	RGPD1	RANBP2-li	GO:000004	-	GO:000562	10	29	2.92	1.54
AHsV1000	AHsV10003196	ENSG0000	NM_001144	400720	ZNF772	zinc finger	GO:000635	GO:000097	GO:0005634 nucleus	5			
CHsGV100	CHsGV1000255	ENSG0000	NM_001005	390079	OR52E8	olfactory re	GO:000716	GO:000493	GO:0005886 plasma membrane,GO:0016021 in				
AHsV1000	AHsV10003376	ENSG0000	NM_203434	389792	IER5L	immediate	-	-	-	7	17	2.26	1.18
AHsV1000	AHsV10002922	ENSG0000	NM_001008	130502	TTC32	tetratricop	-	GO:000551	-	926	956	1.03	0.05
AHsV1000	AHsV10000509	ENSG0000	NR_024188	129285	PPP1R21	protein phc	-	GO:001990	GO:001602	104	169	1.63	0.71
AHsV1000	AHsV10001355	ENSG0000	XR_933972	124935	SLC43A2	solute carr	GO:000681	GO:001517	GO:000588	7	15	2.06	1.05
CHsGV100	CHsGV100024	ENSG0000	XM_005255	124401	ANKS3	ankyrin rep	-	-	-	48	42	0.86	-0.21
H20001263	H200012639	ENSG0000	NM_052962	116379	IL22RA2	interleukin	GO:001922	GO:004201	GO:0005615 extracellular space,GO:0005829 d				
H20001485	H200014854	ENSG0000	XM_011514	116113	FOXP4	forkhead b	GO:000635	GO:000098	GO:000563	100	80	0.79	-0.34
H30000867	H300008679	ENSG0000	NM_001308	112399	EGLN3	egl-9 famil	GO:000166	GO:000550	GO:000563	64	42	0.65	-0.63
CHsGV100	CHsGV100016	ENSG0000	XM_005257	94103	ORMDL3	ORMDL sp	GO:000667	GO:000551	GO:000578	19	42	2.24	1.16
AHsV1000	AHsV10001925	ENSG0000	NM_020859	57619	SHROOM3	shroom fam	GO:000090	GO:005101	GO:0005737 cytoplasm,GO:0005856 cytoskele				
DHsGV100	DHsGV1000308	ENSG0000	XM_006720	647310	TEX22	testis expr	-	-	GO:0001669 acrosoma	4			
DHsGV100	DHsGV1000355	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000285	ENSG0000	-	-	RP11-71E	-	-	-	-	-	11		
AHsV1000	AHsV10003240	ENSG0000	NM_001170	728927	ZNF736	zinc finger	GO:000635	GO:000097	GO:000563	64	143	2.22	1.15
AHsV1000	AHsV10000239	ENSG0000	XM_006719	160622	GRASP	GRP1 (gen	GO:000716	GO:003016	GO:003005	4	12	3.17	1.66
CHsGV100	CHsGV1000186	ENSG0000	NM_173523	158809	MAGEB6	MAGE fam	GO:000815	GO:000367	GO:000557	10	15	1.49	0.58
AHsV1000	AHsV10002381	ENSG0000	NM_145912	150372	NFAM1	NFAT activ	GO:000181	GO:000488	GO:0005622 intracellular,GO:0005886 plasma				
CHsGV100	CHsGV1000068	-	NM_001080	150084	IGSF5	immunoglob	GO:001633	GO:003016	GO:0005886 plasma membrane,GO:0005911 c				
CHsGV100	CHsGV100016	ENSG0000	XM_011521	145773	FAM81A	family with	-	-	-	-	-	-	-
AHsV1000	AHsV10003382	ENSG0000	XM_005267	145282	MIPOL1	mirror-imag	-	GO:000551	GO:000563	137	159	1.16	0.21
AHsV1000	AHsV10003321	ENSG0000	XM_011544	137994	LETM2	leucine zip	-	-	GO:0005743 mitochond	4			
CHsGV100	CHsGV1000044	ENSG0000	NR_104253	135932	TMEM139	transmemb	-	GO:000551	GO:0016021 integral component of membrane				
CHsGV100	CHsGV1000205	ENSG0000	NM_024104	79086	SMIM7	small integr	-	-	GO:001602	889	882	0.99	-0.01
CHsGV100	CHsGV1000370	ENSG0000	-	440352	SNX29P2	sorting nex	-	-	-	4			
DHsGV100	DHsGV1000434	ENSG0000	NR_120627	101927590	LINC01166	long interge	-	-	-	13	12	0.99	-0.02
AHsV1000	AHsV10000436	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
AHsV1000	AHsV10000713	ENSG0000	NM_207407	389208	TMPRSS11	transmemb	GO:000650	GO:000425	GO:0005576 extracellular region,GO:0005887 i				
H30000461	H300004616	ENSG0000	XM_011509	128387	TATDN3	TatD DNas	GO:009030	GO:000451	GO:000563	483	627	1.30	0.38
AHsV1000	AHsV10001070	ENSG0000	NM_152375	127707	KLHDC7A	kelch doma	GO:001656	GO:000484	GO:0016021 integral c	7			
CHsGV100	CHsGV1000094	ENSG0000	XM_011521	4649	MYO9A	myosin IXA	GO:000726	GO:000377	GO:0005829 cytosol,G	3			
CHsGV100	CHsGV100025	ENSG0000	NM_001303	121793	TEX29	testis expr	-	-	GO:0016021 integral c	7			
H20000519	H200005196	ENSG0000	NM_052947	115701	ALPK2	alpha kinas	GO:000646	GO:000467	GO:0005654 nucleopla	4			
H20000800	H200008007	ENSG0000	NM_181435	114899	C1QTNF3	C1q and tu	GO:001062	GO:000367	GO:000558	25	53	2.07	1.05
H20000183	H200001831	ENSG0000	XM_006715	93643	TJAP1	tight juncti	GO:000703	GO:000551	GO:000576	64	61	0.95	-0.07
AHsV1000	AHsV10002812	ENSG0000	NM_001136	93166	PRDM6	PR domain	GO:000635	GO:000367	GO:0005634 nucleus				
CHsGV100	CHsGV1000001	ENSG0000	XM_005256	57546	PDP2	pyruvate d	GO:000609	GO:000472	GO:000575	33	43	1.29	0.37
H30001953	H300019533	ENSG0000	XM_011538	81539	SLC38A1	solute carr	GO:000150	GO:000528	GO:000588	1663	1883	1.13	0.18
DHsGV100	DHsGV1000215	-	NG_029383	4582	MUC1	mucin 1, ce	GO:000649	GO:000097	GO:000079	69	63	0.92	-0.13
DHsGV100	DHsGV1000068	ENSG0000	-	-	AC005609.	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000078	-	-	-	-	-	-	-	-	8	9	1.12	0.16
DHsGV100	DHsGV1000297	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000376	ENSG0000	NR_132117	100289274	DNAJC3-A	DNAJC3 ar	-	-	-	41	44	1.08	0.11
DHsGV100	DHsGV1000271	ENSG0000	-	600	BAK1P1	BCL2-anta	-	-	-	111	136	1.23	0.30
DHsGV100	DHsGV1000333	-	-	-	-	-	-	-	-	8	12	1.64	0.71
DHsGV100	DHsGV1000483	-	-	-	-	-	-	-	-	110	141	1.28	0.36
DHsGV100	DHsGV1000567	ENSG0000	XR_923806	105373849	LOC105373	uncharacte	-	-	-	10	17	1.78	0.83
DHsGV100	DHsGV1000560	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
H30002091	H300020911	ENSG0000	XM_011542	728621	CCDC30	coiled-coil	-	-	GO:007006	13	17	1.32	0.40
DHsGV100	DHsGV1000334	ENSG0000	XR_922607	102723886	LOC102723	uncharacte	-	-	-	-	-	-	-
H20000615	H200006151	ENSG0000	NM_001846	1284	COL4A2	collagen ty	GO:000152	GO:000520	GO:000557	8	14	1.73	0.79
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XR_928319	284	ANGPT1	angiopoietin	GO:000016	GO:000551	GO:0005576 extracellular region,GO:0005615 e				
DHsGV100	DHsGV1000050	-	-	-	-	-	-	-	-	-	5		
DHsGV100	DHsGV1000185	-	-	-	-	-	-	-	-	103	90	0.88	-0.19
DHsGV100	DHsGV1000577	-	-	-	-	-	-	-	-	-	4		
DHsGV100	DHsGV1000472	-	XM_011511	6344	SCTR	secretin re	GO:000716	GO:001505	GO:000588	24	26	1.07	0.10
DHsGV100	DHsGV1000305	-	-	-	-	-	-	-	-	-	4		
DHsGV100	DHsGV1000287	ENSG0000	-	390595	UBAP1L	ubiquitin as	-	-	-	-	8		
DHsGV100	DHsGV1000237	-	NG_011731	6927	HNF1A	HNF1 home	GO:000635	GO:000107	GO:000563	18	20	1.09	0.13
H20000561	H200005612	ENSG0000	NM_001185	6047	RNF4	ring finger	GO:000072	GO:000367	GO:000563	282	275	0.97	-0.04
DHsGV100	DHsGV1000150	-	-	-	-	-	-	-	-	-	3		
DHsGV100	DHsGV1000264	-	-	-	-	-	-	-	-	4	12	2.65	1.41
AHsV1000	AHsV10000236	ENSG0000	NM_001145	441869	ANKRD65	ankyrin rep	-	-	-	27	25	0.90	-0.15
H20001162	H200011621	ENSG0000	NM_001288	55153	SDAD1	SDA1 doma	GO:000005	GO:000367	GO:000563	148	144	0.97	-0.05
DHsGV100	DHsGV1000223	-	NG_028153	9486	CHST10	carbohydr	GO:000715	GO:000814	GO:000013	7	20	2.77	1.47
DHsGV100	DHsGV1000079	ENSG0000	XM_005265	25917	THUMPDP3	THUMP do	GO:003225	GO:000372	GO:0005730 nucleolus,GO:0005737 cytoplasm				
DHsGV100	DHsGV1000160	-	-	-	-	-	-	-	-	-	6		
DHsGV100	DHsGV1000171	ENSG0000	NG_033153	56947	MFF	mitochondr	GO:000026	GO:000551	GO:000574	34	35	1.05	0.07
DHsGV100	DHsGV1000161	-	-	-	-	-	-	-	-	-	5		
DHsGV100	DHsGV1000153	ENSG0000	NR_073589	6511	SLC1A6	solute carr	GO:000681	GO:000531	GO:0005794 Golgi apparatus,GO:0005886 plas				
DHsGV100	DHsGV1000147	-	XM_011519	105376432	LOC105376	protein arte	-	-	-	8	13	1.65	0.72
DHsGV100	DHsGV1000010	ENSG0000	NM_001002	147040	KCTD11	potassium	GO:000704	-	GO:000573	10	15	1.52	0.60
DHsGV100	DHsGV1000063	ENSG0000	XM_011527	147837	ZNF563	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	11	13	1.14	0.19
CHsGV100	CHsGV1000285	ENSG0000	NM_001079	729201	SPACA5B	sperm acro	GO:000815	GO:000379	GO:0005576 extracellular region				
DHsGV100	DHsGV1000063	ENSG0000	NR_038842	728431	LINC01137	long interge	-	-	-	16	16	0.97	-0.04
H30000625	H300006252	-	NM_033032	728279	KRTAP2-2	keratin ass	-	-	-	-	-	-	-
H20000072	H200000722	ENSG0000	NM_000733	916	CD3E	CD3e mole	GO:000266	GO:000488	GO:0001772 immunological synapse,GO:00056				
DHsGV100	DHsGV1000185	ENSG0000	-	1031	CDKN2C	cyclin-depe	GO:000007	GO:000486	GO:0005634 nucleus,GO:0005737 cytoplasm,C				
DHsGV100	DHsGV1000505	-	-	-	-	-	-	-	-	104	85	0.82	-0.29
DHsGV100	DHsGV1000338	ENSG0000	-	-	RP5-857K2	-	-	-	-	-	10		

DHsGV100	DHsGV1000465	-	-	-	-	-	-	-	-	4	15	3.66	1.87
DHsGV100	DHsGV1000150	-	-	-	-	-	-	-	-	-	5		
DHsGV100	DHsGV1000552	-	-	-	-	-	-	-	-	-	7		
H30001815	H300018150	ENSG0000	NM_032334	84294	UTP23	UTP23, sm	GO:000636	GO:000551	GO:000573	508	377	0.74	-0.43
DHsGV100	DHsGV1000575	-	-	-	-	-	-	-	-	11	12	1.11	0.15
DHsGV100	DHsGV1000006	ENSG0000	NM_001190	643037	C11orf97	chromosome	-	-	-	10	10	1.05	0.07
DHsTV100	DHsTV1000017	ENSG0000	NM_001104	642587	MIR205HG	MIR205 ho	-	-	-	100	82	0.82	-0.28
DHsGV100	DHsGV1000112	ENSG0000	NR_033772	389857	CENPVP1	centromere	-	-	-	-	4		
AHsV10000	AHsV10000621	-	XR_932746	105376730	LOC10537	uncharacte	-	-	-	-	-		
H30000823	H300008230	ENSG0000	-	441931	VN1R17P	vomeronas	GO:000718	GO:001650	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021 in			
DHsGV100	DHsGV1000396	ENSG0000	NM_001080	643905	PRR21	proline rich	-	-	-	-	4		
DHsGV100	DHsGV1000525	-	-	-	-	-	-	-	-	5	13	2.49	1.32
DHsGV100	DHsGV1000244	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-		
DHsGV100	DHsGV1000217	-	-	-	-	-	-	-	-	-	5		
DHsGV100	DHsGV1000275	ENSG0000	XR_933241	197322	ACSF3	acyl-CoA s	GO:000663	GO:000552	GO:000573	69	59	0.86	-0.22
DHsTV100	DHsTV1000008	ENSG0000	NM_021242	58526	MID1IP1	MID1 intera	GO:000662	GO:000551	GO:0005634	nucleus,GO	5		
DHsGV100	DHsGV1000356	-	-	-	-	-	-	-	-	-	3		
DHsGV100	DHsGV1000088	ENSG0000	NM_001317	11080	DNAJB4	DnaJ heat	GO:000645	GO:000551	GO:000565	17	16	0.94	-0.09
DHsGV100	DHsGV1000575	ENSG0000	-	-	RP11-81F	-	-	-	-	6	13	2.06	1.04
H30000461	H300004618	-	NM_001042	653499	LGALS7B	lectin, gala	GO:000691	GO:003024	GO:000561	24	19	0.78	-0.36
AHsV10000	AHsV10003384	ENSG0000	NM_001145	728116	ZBTB8B	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus			
DHsGV100	DHsGV1000137	ENSG0000	XR_109991	727944	LOC72794	uncharacte	-	-	-	-	4		
H20002085	H200020850	ENSG0000	NM_001308	285315	C3orf33	chromosome	GO:005109	-	GO:000561	103	119	1.15	0.21
DHsGV100	DHsGV1000147	ENSG0000	NM_012254	10998	SLC27A5	solute carr	GO:000003	GO:000446	GO:000578	66	65	0.99	-0.02
DHsGV100	DHsGV1000097	-	-	-	-	-	-	-	-	-	7		
DHsGV100	DHsGV1000197	ENSG0000	NG_012844	10916	MAGED2	melanoma	-	GO:000551	GO:001602	53	42	0.81	-0.31
DHsGV100	DHsGV1000515	-	-	-	-	-	-	-	-	-	5		
DHsGV100	DHsGV1000487	ENSG0000	XM_005250	23008	KLHDC10	kelch doma	-	GO:000551	GO:000563	536	526	0.98	-0.03
DHsGV100	DHsGV1000322	ENSG0000	-	-	RP11-549E	-	-	-	-	11	11	1.06	0.08
DHsGV100	DHsGV1000058	ENSG0000	-	-	RP11-574F	-	-	-	-	14	18	1.29	0.37
AHsV10000	AHsV10002675	ENSG0000	XM_011520	79841	AGBL2	ATP/GTP	GO:000650	GO:000418	GO:0005814	centriole,	5		
DHsGV100	DHsGV1000465	ENSG0000	-	-	RP11-432N	-	-	-	-	-	6		
AHsV10000	AHsV10002845	ENSG0000	NM_001301	574537	UGT2A2	UDP glucur	-	-	-	-	-		
AHsV10000	AHsV10000015	ENSG0000	NM_001145	440854	CAPN14	calpain 14	GO:000650	GO:000419	GO:0005654	nucleoplasm,GO:0005737 cytopla			
H30000229	H300002298	ENSG0000	NR_037715	440400	RNASEK	ribonucleas	GO:000930	GO:000452	GO:000557	1069	759	0.71	-0.49
H20001553	H200015537	ENSG0000	XM_006719	5965	RECQL	RecQ like	GO:000073	GO:000367	GO:000563	540	580	1.07	0.10
DHsGV100	DHsGV1000315	-	-	-	-	-	-	-	-	350	310	0.89	-0.18
DHsGV100	DHsGV1000088	-	-	-	-	-	-	-	-	-	4		
DHsGV100	DHsGV1000544	-	-	-	-	-	-	-	-	944	1030	1.09	0.13
DHsGV100	DHsGV1000057	-	-	-	-	-	-	-	-	45	39	0.86	-0.22
DHsGV100	DHsGV1000135	-	-	-	-	-	-	-	-	58	50	0.87	-0.20
DHsGV100	DHsGV1000267	ENSG0000	XM_011530	55007	FAM118A	family with	-	GO:000551	GO:001602	32	29	0.91	-0.14
DHsGV100	DHsGV1000432	ENSG0000	-	-	RP5-1050U	-	-	-	-	-	4		
DHsGV100	DHsGV1000563	-	NG_023212	9509	ADAMTS2	ADAM met	GO:000728	GO:000422	GO:0005576	extracellular region,GO:0005578			
DHsGV100	DHsGV1000001	-	-	-	-	-	-	-	-	512	326	0.64	-0.65
AHsV10000	AHsV10000620	ENSG0000	NR_033916	728724	LINC00977	long interge	-	-	-	28	26	0.94	-0.09
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	NM_001164	727857	BHLHA9	basic helix	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus,GO:0005737 cytoplasm			
AHsV10000	AHsV10000097	ENSG0000	XM_011517	4882	NPR2	natriuretic	GO:000150	GO:000401	GO:0005886	plasma m	3		
H20000357	H200003574	-	NM_004638	7916	PRRC2A	proline rich	-	GO:000551	GO:000563	101	102	1.01	0.01
DHsGV100	DHsGV1000145	-	-	-	-	-	-	-	-	4	14	3.57	1.83
DHsGV100	DHsGV1000220	ENSG0000	NM_004558	4902	NRTN	neurturin	GO:000016	GO:000510	GO:000557	5	9	1.93	0.95
DHsGV100	DHsGV1000305	ENSG0000	XM_011539	100287932	TIMM23	translocase	GO:000662	GO:000551	GO:000573	2259	1487	0.66	-0.60
DHsGV100	DHsGV1000133	-	-	-	-	-	-	-	-	-	3		
DHsGV100	DHsGV1000142	ENSG0000	XM_005266	7637	ZNF84	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	8	23	2.72	1.44
DHsGV100	DHsGV1000065	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-		
DHsGV100	DHsGV1000240	-	-	-	-	-	-	-	-	13	14	1.05	0.07
AHsV10000	AHsV10001493	ENSG0000	NM_001134	100188893	TOMM6	translocase	GO:000042	-	GO:000573	2175	1497	0.69	-0.54
CHsGV100	CHsGV1000248	ENSG0000	XR_948898	245908	DEFB105A	defensin be	GO:004274	-	GO:0005576	extracellu	13		
H20000958	H200009585	ENSG0000	NM_001007	492311	IGIP	IgA-inducir	-	-	GO:000557	67	97	1.44	0.53
H30000816	H300008164	ENSG0000	XR_931292	440087	SMCO3	single-pass	-	GO:000551	GO:0016021	integral component of membrane			
CHsGV100	CHsGV1000252	ENSG0000	NM_018661	55894	DEFB103B	defensin be	GO:000696	-	GO:0005576	extracellular region,GO:0005796			
H20001437	H200014376	ENSG0000	NM_007084	11166	SOX21	SRY-box 2	GO:000194	GO:000098	GO:000557	34	31	0.91	-0.13
H30002013	H300020133	ENSG0000	XM_011517	10499	NCOA2	nuclear rec	GO:000012	GO:000097	GO:000563	6	13	2.17	1.12
H20000469	H200004695	ENSG0000	NM_001291	5966	REL	v-rel avian	GO:000012	GO:000098	GO:000563	85	100	1.18	0.24
H20000056	H200000561	ENSG0000	NM_000307	5456	POU3F4	POU class	GO:000635	GO:000097	GO:000563	10	14	1.44	0.52
H20001605	H200016053	ENSG0000	NM_005193	1046	CDX4	caudal type	GO:000012	GO:000097	GO:000563	12	17	1.47	0.55
H20001061	H200010611	ENSG0000	XM_011545	9600	PITPNM1	phosphatid	GO:000662	GO:000551	GO:000573	114	117	1.03	0.04
H30001003	H300010030	-	NM_001128	123036	TC2N	tandem C2	GO:001046	GO:000367	GO:000557	19	12	0.64	-0.65
H20000285	H200002852	ENSG0000	NM_014822	9871	SEC24D	SEC24 hon	GO:000170	GO:000367	GO:000013	182	285	1.56	0.64
H20001919	H200019191	ENSG0000	NM_024518	79465	ULBP3	UL16 bindin	GO:001603	GO:000382	GO:000588	42	43	1.03	0.04
H30000023	H300000232	ENSG0000	XM_011538	374454	KRT77	keratin 77,	GO:000815	GO:000367	GO:000585	35	34	0.98	-0.04
H20000724	H200007243	ENSG0000	NM_001286	10228	STX6	syntaxin 6	GO:000688	GO:000548	GO:000576	65	73	1.11	0.16
H20000259	H200002597	ENSG0000	NM_001178	7739	ZNF185	zinc finger	-	GO:000827	GO:0005737	cytoplasm	3		
H30001945	H300019457	ENSG0000	XM_006717	10006	ABI1	abl interact	GO:000175	GO:000551	GO:000562	384	380	0.99	-0.02
H30000478	H300004787	ENSG0000	NM_138733	5232	PGK2	phosphogly	GO:000609	GO:000461	GO:0005634	nucleus,GO	7		
H20000644	H200006448	ENSG0000	NM_001258	3035	HARS	histidyl-tri	GO:000641	GO:000482	GO:000573	206	241	1.17	0.22
H20000129	H200001299	ENSG0000	XM_005255	23659	PLA2G15	phospholipa	GO:000665	GO:000462	GO:000561	186	145	0.78	-0.36
H30000899	H300008997	ENSG0000	NR_033704	8674	VAMP4	vesicle ass	GO:000022	GO:000014	GO:000013	123	166	1.36	0.44
H30001656	H300016563	-	NM_001079	6905	TBCE	tubulin fold	GO:000022	GO:005108	GO:000573	475	467	0.98	-0.02
H30001868	H300018681	ENSG0000	NM_001256	778	CACNA1F	calcium vol	GO:000687	GO:000524	GO:000588	6	7	1.25	0.32
H20000341	H200003417	ENSG0000	NM_006479	10635	RAD51AP1	RAD51 ass	GO:000072	GO:000369	GO:000563	698	649	0.93	-0.10
H30000859	H300008596	ENSG0000	NM_001161	5794	PTPRH	protein tyr	GO:000647	GO:000500	GO:000573	49	57	1.16	0.21
H20000025	H200000254	ENSG0000	XM_005245	4688	NCF2	neutrophil	GO:000247	GO:000551	GO:0001669	acrosoma	3		
H30000189	H300001897	ENSG0000	XM_006715	55168	MRPS18A	mitochondr	GO:000641	GO:000373	GO:000574	586	516	0.88	-0.18
H20000638	H200006386	ENSG0000	NM_000860	3248	HPGD	hydroxypro	GO:000669	GO:000382	GO:000565	9	47	4.97	2.31
H20001358	H200013580	ENSG0000	NM_000183	3032	HADHB	hydroxyacy	GO:000663	GO:000385	GO:000573	1675	1600	0.96	-0.07
H30001976	H300019763	ENSG0000	XM_005252	10659	CELF2	CUGBP, El	GO:000639	GO:000016	GO:000563	141	127	0.90	-0.14
H20001675	H200016756	ENSG0000	NM_005485	10039	PARP3	poly(ADP-r	GO:000072	GO:000382	GO:000563	19	28	1.47	0.55
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_011537	9112	MTA1	metastasis	GO:000630	GO:000104	GO:000563	141	129	0.92	-0.12

H20000560	H200005607	ENSG0000	NM_002528	4913	NTHL1	nth-like DN	GO:000223	GO:000070	GO:000563	271	177	0.65	-0.62		
H20000431	H200004312	ENSG0000	NM_002469	4618	MYF6	myogenic f	GO:000175	GO:000097	GO:000563	9	16	1.72	0.78		
H20001357	H200013572	ENSG0000	NM_021146	10218	ANGPTL7	angiopoietin	GO:000697	-	GO:000557	27	23	0.88	-0.18		
H20000049	H200000494	ENSG0000	XM_011521	6017	RLBP1	retinaldehy	GO:000152	GO:000521	GO:000557	47	42	0.91	-0.14		
H30001313	H300013130	ENSG0000	NM_004901	9583	ENTPD4	ectonucleo	GO:000625	GO:004513	GO:000042	58	55	0.95	-0.08		
H30001916	H300019168	ENSG0000	XM_011521	4644	MYO5A	myosin VA	GO:000681	GO:000014	GO:0001726	ruffle,GO:	9				
H20000733	H200007336	ENSG0000	NM_003571	8419	BFSP2	beaded fila	GO:000760	GO:000520	GO:0005737	cytoplasm	6				
H20001591	H200015910	ENSG0000	XM_011538	3850	KRT3	keratin 3, t	GO:003085	GO:000519	GO:000588	208	161	0.77	-0.37		
H20000061	H200000616	ENSG0000	NM_001271	6944	VPS2	vacuolar pr	GO:000012	GO:000367	GO:000563	352	284	0.81	-0.31		
H30001979	H300019796	ENSG0000	NM_003115	6675	UAP1	UDP-N-ac	GO:000604	GO:000397	GO:000565	2507	1503	0.60	-0.74		
H20001192	H200011924	ENSG0000	NM_017699	54847	SID1	SID1 trans	GO:003322	GO:005103	GO:0016021	integral component of membrane					
H20000744	H200007442	ENSG0000	NM_001701	570	BAAT	bile acid-C	GO:000188	GO:000510	GO:000577	30	29	0.96	-0.05		
H20000313	H200003131	ENSG0000	XM_011517	54704	PDP1	pyruvate de	GO:000609	GO:000472	GO:000575	12	18	1.48	0.56		
H20000285	H200002853	ENSG0000	NM_004565	5195	PEX14	peroxisoma	GO:000646	GO:000371	GO:000562	74	62	0.85	-0.24		
H30001178	H300011783	ENSG0000	NM_002810	5710	PSMD4	proteasome	GO:000008	GO:000551	GO:000050	7555	6395	0.85	-0.24		
H30000420	H300004200	ENSG0000	NM_030772	81025	GJA9	gap junctio	GO:000715	-	GO:000592	8	15	1.83	0.87		
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_024949	80014	WWC2	WW and C2	GO:000012	GO:001990	GO:0005829	cytosol					
H30000403	H300004035	ENSG0000	NM_002740	5584	PRKCI	protein kin	GO:000646	GO:000467	GO:000013	300	258	0.86	-0.22		
H20001763	H200017630	ENSG0000	NM_001242	5360	PLTP	phospholipi	GO:000662	GO:000828	GO:000557	108	113	1.05	0.06		
H20000411	H200004110	-	NM_005481	10025	MED16	mediator c	GO:000635	GO:000371	GO:000563	71	61	0.86	-0.22		
H30002157	H300021573	ENSG0000	XM_011516	225689	MAPK15	mitogen-ac	GO:000012	GO:000470	GO:000557	25	28	1.13	0.17		
H20000830	H200008305	ENSG0000	XM_011514	2914	GRM4	glutamate r	GO:000018	GO:000164	GO:0005622	intracellul	7				
H20000637	H200006374	ENSG0000	NM_001166	2771	GNAI2	guanine nu	GO:000018	GO:000166	GO:000565	272	305	1.12	0.17		
H20001070	H200010701	ENSG0000	NM_000075	1019	CDK4	cyclin-dep	GO:000008	GO:000469	GO:000030	939	658	0.70	-0.51		
H20000998	H200009985	ENSG0000	XM_011519	8028	MLLT10	myeloid/lyr	GO:000635	GO:000367	GO:000565	175	188	1.08	0.10		
H20001370	H200013705	ENSG0000	XM_011544	7486	WRN	Werner syn	GO:000072	GO:000028	GO:000565	382	342	0.89	-0.16		
H20000013	H200000130	ENSG0000	NM_002202	3670	ISL1	ISL LIM ho	GO:000012	GO:000097	GO:000563	12	18	1.47	0.56		
H30001963	H300019631	ENSG0000	NM_004499	3182	HNRNPAB	heterogene	GO:000012	GO:000016	GO:000563	2915	1950	0.67	-0.58		
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XM_011519	2488	FSHB	follicle stim	GO:000670	GO:000517	GO:000557	17	21	1.25	0.32		
H30000458	H300004581	ENSG0000	NM_080743	135295	SRSF12	serine/argi	GO:000024	GO:000016	GO:000565	9	18	2.03	1.02		
H20001583	H200015830	ENSG0000	XM_005265	3187	HNRNP1	heterogene	GO:000039	GO:000016	GO:000563	2563	2227	0.87	-0.20		
H20000214	H200002141	ENSG0000	NM_014236	8443	GNPAT	glyceronep	GO:000664	GO:000510	GO:000573	1501	1415	0.94	-0.09		
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_003458	8927	BSN	bassoon pr	GO:000726	GO:004687	GO:0005634	nucleus,G	6				
H20000420	H200004204	ENSG0000	NM_001166	2743	GLRB	glycine rec	GO:000196	GO:000551	GO:0005886	plasma m	4				
H20000511	H200005111	ENSG0000	XM_011540	81603	TRIM8	tripartite m	GO:001050	GO:000827	GO:000565	58	51	0.88	-0.18		
H20000551	H200005518	ENSG0000	XM_005271	56649	TMPRSS4	transmemb	GO:000650	GO:000425	GO:001602	725	681	0.94	-0.09		
H30001464	H300014641	-	NM_001013	6203	RPS9	ribosomal p	GO:000018	GO:000373	GO:000563	17689	12062	0.68	-0.55		
H30000877	H300008770	ENSG0000	XR_243808	4729	NDUFV2	NADH:ubiq	GO:000612	GO:000813	GO:000573	6243	3896	0.62	-0.68		
H20000604	H200006046	ENSG0000	NM_174869	3421	IDH3G	isocitrate d	GO:000597	GO:000028	GO:000565	380	365	0.96	-0.06		
H20001123	H200011230	ENSG0000	XM_005254	5346	PLIN1	perilipin 1	GO:000662	GO:000828	GO:000578	136	123	0.90	-0.14		
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001414	1967	EIF2B1	eukaryotic	GO:000641	GO:000374	GO:000573	1133	761	0.67	-0.57		
opHsV0400	opHsV0400004	-	NR_026578	647859	LOC64785	occludin ps	-	-	-	16	18	1.07	0.10		
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011535	386618	KCTD4	potassium	GO:005126	-	-	9	14	1.50	0.59		
H30002022	H300020225	ENSG0000	NM_001198	5298	PI4KB	phosphatid	GO:000664	GO:000443	GO:000013	144	143	1.00	-0.01		
H30000646	H300006468	ENSG0000	NR_103731	5163	PDK1	pyruvate de	GO:000600	GO:000467	GO:000573	57	91	1.58	0.66		
H20000088	H200000883	-	NM_015541	26018	LRIG1	leucine-ric	GO:000760	-	GO:0016021	integral c	6				
H30002128	H300021287	ENSG0000	NM_002292	3913	LAMB2	laminin sub	GO:000715	GO:000517	GO:000557	43	45	1.06	0.08		
H20000085	H200000850	ENSG0000	XM_011525	60681	FKBP10	FK506 bind	GO:000041	GO:000375	GO:0005788	endoplasm	9				
H30001856	H300018566	ENSG0000	NM_016570	51290	ERGIC2	ERGIC and	GO:001619	GO:000551	GO:000563	464	484	1.04	0.06		
H30000603	H300006037	ENSG0000	NM_000388	846	CASR	calcium ser	GO:000150	GO:000443	GO:000588	9	16	1.78	0.83		
H20001615	H200016159	-	NM_001318	6941	TCF19	transcripti	GO:000635	GO:000370	GO:000563	226	350	1.55	0.63		
H20001414	H200014144	ENSG0000	NM_005634	6658	SOX3	SRY-box 3	GO:000012	GO:000097	GO:0005654	nucleopla	10				
H20000145	H200001454	ENSG0000	NM_004117	2289	FKBP5	FK506 bind	GO:000041	GO:000375	GO:000565	1489	1541	1.03	0.05		
H20001693	H200016932	ENSG0000	NM_001017	1791	DNTT	DNA nucle	GO:000625	GO:000367	GO:000563	122	97	0.79	-0.33		
H20002050	H200020507	ENSG0000	XM_011537	8841	HDAC3	histone dea	GO:000012	GO:000368	GO:000011	424	384	0.90	-0.15		
H30001810	H300018103	ENSG0000	NM_001303	5431	POLR2B	polymerase	GO:000039	GO:000105	GO:000078	2507	2131	0.85	-0.23		
H20001530	H200015307	ENSG0000	NM_001301	10941	UGT2A1	UDP glucur	GO:000760	GO:001502	GO:001602	8	12	1.53	0.62		
H20000043	H200000431	ENSG0000	NM_000780	1581	CYP7A1	cytochrom	GO:000669	GO:000550	GO:000578	6	15	2.68	1.42		
H20001103	H200011037	ENSG0000	NM_001311	1144	CHRND	cholinergic	GO:000300	GO:000488	GO:000588	34	31	0.92	-0.12		
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	-	-	MT-CYB	mitochondr	-	-	-	28337	14265	0.50	-0.99		
H20001259	H200012597	ENSG0000	XM_005254	23102	TBC1D2B	TBC1 dom	GO:004354	GO:000509	-	57	73	1.29	0.36		
H20000705	H200007056	ENSG0000	XM_011545	6810	STX4	syntaxin 4	GO:000688	GO:000014	GO:000032	517	441	0.85	-0.23		
H30000811	H300008115	ENSG0000	NR_003129	286140	RNF5P1	ring finger	-	-	-	1505	1211	0.80	-0.31		
H30000568	H300005688	ENSG0000	NR_029466	1347	COX7A2	cytochrom	GO:190260	GO:000412	GO:000574	9153	8610	0.94	-0.09		
H20001616	H200016167	ENSG0000	NM_021833	7350	UCP1	uncoupling	GO:000635	GO:000373	GO:0005739	mitochond	5				
H20001751	H200017517	ENSG0000	NR_026593	51075	TMX2	thioredoxin	GO:000815	GO:000367	GO:000557	2352	1579	0.67	-0.57		
H20000674	H200006742	ENSG0000	NR_109988	1501	CTNND2	catenin del	GO:000176	GO:000551	GO:0005634	nucleus,G	6				
H20000402	H200004025	ENSG0000	NM_005472	10008	KCNE3	potassium	GO:000630	GO:000524	GO:000573	50	85	1.72	0.78		
H30000932	H300009320	ENSG0000	NM_002236	3754	KCNF1	potassium	GO:000681	GO:000525	GO:000588	79	65	0.83	-0.27		
H30001909	H300019097	ENSG0000	NM_001318	4987	OPRL1	opiate rece	GO:000193	GO:000162	GO:0005829	cytosol,G	8				
H30001958	H300019588	ENSG0000	NM_001282	8715	NOL4	nucleolar p	-	GO:000372	GO:0005634	nucleus,GO:0005730	nucleolus				
H20001379	H200013791	ENSG0000	XM_006722	9703	KIAA0100	KIAA0100	-	-	GO:000557	481	602	1.25	0.32		
H20001049	H200010497	ENSG0000	NM_001320	92856	IMP4	IMP4 homo	GO:000636	GO:000551	GO:000573	517	382	0.74	-0.43		
H20001000	H200010007	ENSG0000	XM_005246	79180	EFHD2	EF-hand de	-	GO:000550	GO:004512	71	69	0.98	-0.03		
H30002163	H300021638	ENSG0000	XM_011516	9732	DOCK4	dedicator o	GO:000726	GO:000508	GO:0005829	cytosol,G	7				
H30001848	H300018482	ENSG0000	NM_194441	11119	BTN3A1	butyrophilin	GO:000225	GO:000551	GO:0005886	plasma m	16				
H20001003	H200010032	ENSG0000	XM_011539	11101	ATE1	arginyltrans	GO:001659	GO:000405	GO:000563	95	96	1.02	0.02		
H20000159	H200001597	ENSG0000	XM_011538	89894	TMEM116	transmemb	GO:000815	GO:000367	GO:000557	19	26	1.38	0.47		
H20001339	H200013393	ENSG0000	NM_019072	54557	SGTB	small glutar	-	GO:000551	-	117	118	1.01	0.01		
H20000446	H200004461	ENSG0000	NM_014171	9419	CRIP1	CXXC repe	GO:003112	GO:000551	GO:000563	700	581	0.83	-0.27		
H20000421	H200004215	ENSG0000	NM_025205	80306	MED28	mediator c	GO:000635	GO:000377	GO:001602	1002	781	0.78	-0.36		
H20000264	H200002647	ENSG0000	XM_011538	23603	CORO1C	coronin 1C	GO:000175	GO:000551	GO:00						

H20000894	H200008946	ENSG0000	NM_001300	80032	ZNF556	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	8	14	1.72	0.78
H20001251	H200012517	ENSG0000	XM_011544	116071	BATF2	basic leucir	GO:000635	GO:000097	GO:000563	14	22	1.62	0.70
H20002062	H200020626	ENSG0000	XM_011524	146664	MGAT5B	mannosyl (4	GO:000648	GO:000551	GO:000013	17	20	1.20	0.26
H20001262	H200012620	ENSG0000	NM_015078	23101	MCF2L2	MCF.2 cell	GO:003502	GO:000508	-	-	3	-	-
H20000706	H200007063	ENSG0000	NM_014733	9765	ZFYVE16	zinc finger	GO:000662	GO:000551	GO:000573	100	134	1.34	0.42
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001005	345557	PLCXD3	phosphatid	GO:000716	GO:000487	-	7	14	1.90	0.92
H20002126	H200021261	ENSG0000	XM_011520	338339	CLEC4D	C-type lec	GO:000222	GO:003024	GO:000588	18	19	1.06	0.08
H30000485	H300004859	ENSG0000	XM_011537	160335	TMTC2	transmemb	GO:005507	GO:000551	GO:000578	4	11	2.89	1.53
H30000334	H300003345	ENSG0000	NR_130712	150468	CKAP2L	cytoskeletc	-	-	GO:000092	129	185	1.44	0.52
H20000545	H200005450	ENSG0000	NM_058229	114907	FBXO32	F-box prot	GO:001489	GO:000551	GO:000565	7	12	1.86	0.89
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_178857	94137	RP1L1	retinitis pig	GO:000760	-	GO:0001750	photorece	8	-	-
H20000635	H200006357	ENSG0000	XM_011544	2961	GTF2E2	general tra	GO:000635	GO:000367	GO:000563	569	518	0.91	-0.14
H20000623	H200006233	ENSG0000	XM_011544	10992	SF3B2	splicing fac	GO:000039	GO:000551	GO:000565	1924	1468	0.76	-0.39
H20000193	H200001933	ENSG0000	NM_001190	60488	MRPS35	mitochondr	GO:000699	GO:000373	GO:000573	1578	1328	0.84	-0.25
H20001411	H200014112	ENSG0000	NM_015043	23061	TBC1D9B	TBC1 doma	GO:004354	GO:000509	GO:001602	224	244	1.09	0.13
H20000387	H200003870	ENSG0000	NM_020923	57683	ZDBF2	zinc finger	-	GO:000367	-	76	65	0.85	-0.23
H20001537	H200015376	ENSG0000	NM_015836	10352	WARS2	tryptophan	GO:000157	GO:000483	GO:000575	237	198	0.84	-0.26
H20001605	H200016052	ENSG0000	NM_138690	116444	GRIN3B	glutamate i	GO:003523	GO:000497	GO:0017146	NMDA selecti	glutamate recep	-	-
H20001481	H200014810	ENSG0000	XM_011525	8456	FOXN1	forkhead bc	GO:000194	GO:000098	GO:000563	65	54	0.83	-0.26
H20000703	H200007032	ENSG0000	XM_005257	22794	CASC3	cancer sus	GO:000018	GO:000551	GO:000582	524	439	0.84	-0.25
H20000179	H200001791	ENSG0000	XM_011522	23568	ARL2BP	ADP ribosy	GO:000611	GO:000371	GO:000563	749	618	0.82	-0.28
H20000282	H200002822	ENSG0000	NM_001168	140462	ASB9	ankyrin rep	GO:001656	GO:000551	GO:000573	6	4	0.66	-0.59
H20001999	H200019990	ENSG0000	NM_033259	94032	CAMK2N2	calcium/ca	GO:190403	GO:000842	GO:000563	36	34	0.95	-0.08
H20000080	H200000808	ENSG0000	NR_130896	54665	RSBN1	round sperr	-	-	GO:000563	142	141	0.99	-0.01
H20001800	H200018003	ENSG0000	NM_021191	58158	NEUROD4	neuronal di	GO:000176	GO:000367	GO:000563	17	17	1.04	0.06
H20000496	H200004967	ENSG0000	XM_006715	55809	TRERF1	transcripti	GO:000635	GO:000110	GO:000563	13	19	1.45	0.54
H20000249	H200002493	-	NM_001282	79042	TSEN34	tRNA splici	GO:000037	GO:000021	GO:000021	354	274	0.77	-0.37
H20000100	H200001006	ENSG0000	NM_144683	147015	DHRS13	dehydroger	GO:005511	GO:001649	GO:000557	201	163	0.81	-0.30
H20001027	H200010275	ENSG0000	NM_031303	83473	KATNAL2	katanin p60	GO:000815	GO:000552	GO:000573	26	30	1.14	0.19
H20000094	H200000946	ENSG0000	XM_006710	6301	SARS	seryl-tRNA	GO:000188	GO:000372	GO:000573	1541	1688	1.10	0.13
H20000374	H200003743	ENSG0000	XM_005255	57146	TMEM159	transmemb	-	GO:000551	GO:001602	69	61	0.89	-0.17
H30000703	H300007039	ENSG0000	NM_173664	285598	ARL10	ADP ribosy	GO:000726	GO:000552	GO:000562	19	22	1.14	0.19
H30000406	H300004069	ENSG0000	XM_011520	283284	IGSF22	immunoglot	-	-	-	6	13	2.29	1.20
H20002069	H200020691	ENSG0000	XM_011519	143098	MPP7	membrane	GO:000996	GO:000551	GO:000591	30	29	0.96	-0.05
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_178470	139170	DCAF12L1	DDB1 and	GO:000815	GO:000367	GO:0005575	cellular_cc	8	-	-
H20001542	H200015425	-	NM_001098	90273	CEACAM2	carcinoemb	-	-	GO:001602	8	11	1.38	0.47
H20001472	H200014720	ENSG0000	XM_006716	84955	NUDCD1	NudC doma	GO:000237	GO:000551	GO:000563	1454	923	0.63	-0.66
H20000041	H200000411	ENSG0000	NR_103819	6634	SNRPD3	small nucle	GO:000024	GO:000372	GO:000024	3092	2892	0.94	-0.10
H20000951	H200009515	ENSG0000	NM_001277	91662	NLRP12	NLR family	GO:000691	GO:000551	GO:000563	59	51	0.87	-0.21
H20000090	H200000900	ENSG0000	NM_001142	80823	BHLHB9	basic helix-	GO:000761	GO:004280	GO:000563	16	27	1.68	0.74
H20001599	H200015993	ENSG0000	XM_011509	26476	OR10J1	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma m	3	-	-
H20000098	H200000988	ENSG0000	NM_001048	643155	SMIM15	small integr	-	-	GO:001602	2070	1919	0.93	-0.11
H20000062	H200000625	ENSG0000	NM_005735	10120	ACTR1B	ARP1 actin	GO:001988	GO:000551	GO:000573	103	144	1.40	0.48
H20000452	H200004525	ENSG0000	NM_005732	10111	RAD50	RAD50 dou	GO:000001	GO:000001	GO:000078	124	127	1.03	0.04
H20001607	H200016079	-	NM_005321	3008	HIST1H1E	histone clu	GO:000012	GO:000551	GO:0000786	nucleosor	3	-	-
H20000144	H200001444	ENSG0000	NM_014297	23474	ETHE1	ethylmalon	GO:000009	GO:000550	GO:000565	158	135	0.85	-0.23
H20001787	H200017872	ENSG0000	-	-	RPS10L	-	-	-	-	9298	5266	0.57	-0.82
H20000644	H200006440	ENSG0000	NM_001244	9786	KIAA0586	KIAA0586	GO:000722	-	GO:000573	180	152	0.84	-0.24
H20000326	H200003261	ENSG0000	NR_048569	64431	ACTR6	ARP6 actin	GO:000633	GO:000551	GO:000563	769	656	0.85	-0.23
H20000075	H200000751	ENSG0000	XR_930871	4925	NUCB2	nucleobindi	-	GO:000367	GO:000561	531	1038	1.96	0.97
H30001460	H300014600	ENSG0000	NM_016207	51692	CPSF3	cleavage ar	GO:000039	GO:000372	GO:000565	1861	1372	0.74	-0.44
H20000709	H200007095	ENSG0000	NM_013286	29890	RBM15B	RNA bindin	GO:000038	GO:000016	GO:000565	311	265	0.85	-0.23
H20002123	H200021239	ENSG0000	NM_145657	219409	GSX1	GS homeol	GO:000636	GO:000097	GO:0005634	nucleus	4	-	-
H20002029	H200020293	ENSG0000	XM_011519	160287	LDHAL6A	lactate deh	GO:000597	GO:000445	GO:0005737	cytoplasm	4	-	-
H20000261	H200002616	ENSG0000	NM_104264	25961	NUDT13	nudix hydro	GO:000815	GO:001678	GO:000573	80	119	1.48	0.57
H20000542	H200005424	ENSG0000	NM_001270	79090	TRAPPC6A	trafficking t	GO:000688	GO:000551	GO:000013	168	190	1.13	0.18
H20000772	H200007724	ENSG0000	NM_015896	51364	ZMYND10	zinc finger	GO:003615	GO:000551	GO:0005737	cytoplasm	8	-	-
H30000611	H300006113	ENSG0000	NM_181719	255104	TMCO4	transmemb	-	-	GO:001602	26	28	1.09	0.12
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001303	222068	TMED4	transmemb	GO:000716	GO:000487	GO:000578	238	236	0.99	-0.01
H30002089	H300020890	ENSG0000	NR_104198	132014	IL17RE	interleukin	GO:000695	GO:000551	GO:000557	40	39	0.98	-0.03
H30000351	H300003515	ENSG0000	NM_001122	126638	RPTN	repetin	-	GO:000550	GO:0001533	cornified	3	-	-
H20001201	H200012017	ENSG0000	NM_032505	84541	KBTBD8	kelch repe	GO:001656	GO:000484	GO:000579	144	202	1.41	0.49
H20000856	H200008563	ENSG0000	NR_103511	84100	ARL6	ADP ribosy	GO:000661	GO:000551	GO:000573	28	29	1.04	0.05
H30001235	H300012358	ENSG0000	XM_011545	55690	PACS1	phosphofur	GO:000004	GO:000551	GO:000582	29	34	1.18	0.24
H30000186	H300001868	ENSG0000	XM_005256	10750	GRAP	GRB2-rela	GO:000726	GO:000507	GO:000573	67	52	0.78	-0.36
H20000769	H200007698	-	-	-	-	-	-	-	-	5	-	-	-
H20000922	H200009225	ENSG0000	XM_005252	79048	SECISBP2	SECIS bind	GO:000151	GO:000373	GO:000565	172	236	1.37	0.45
H20001045	H200010452	ENSG0000	XR_934444	284018	C17orf58	chromosom	-	-	-	459	311	0.68	-0.56
H20001304	H200013047	ENSG0000	NM_002622	5201	PFDN1	prefoldin su	GO:000635	GO:000370	GO:001627	801	732	0.91	-0.13
H20000323	H200003231	ENSG0000	NR_134866	29074	MRPL18	mitochondr	GO:000641	GO:000373	GO:000561	2811	2044	0.73	-0.46
H20001112	H200011123	ENSG0000	NM_001164	587	BCAT2	branched c	GO:000655	GO:000408	GO:000573	203	114	0.56	-0.83
H20001090	H200010900	ENSG0000	NM_001098	79744	ZNF419	zinc finger	GO:000635	GO:000097	GO:000563	16	15	0.93	-0.10
H20001027	H200010273	ENSG0000	NM_001085	410	ARSA	arylsulfatas	GO:000666	GO:000406	GO:000576	13	21	1.61	0.69
H20000860	H200008601	ENSG0000	XM_011536	283638	CEP170B	centrosom	-	-	GO:000573	119	94	0.78	-0.35
H20000297	H200002973	ENSG0000	XM_006719	57609	DIP2B	disco inter	GO:000815	GO:000367	GO:000563	272	270	0.99	-0.01
H20000488	H200004887	ENSG0000	NM_001083	7771	ZNF112	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus	8	-	-
H30000018	H300000183	ENSG0000	NM_001304	23774	BRD1	bromodoma	GO:003590	GO:000827	GO:000563	45	76	1.69	0.76
H20001497	H200014977	-	-	-	-	-	-	-	-	61	64	1.06	0.08
H20001434	H200014346	ENSG0000	XR_429680	91949	COG7	component	GO:000648	GO:000551	GO:000013	87	81	0.92	-0.11
H20001360	H200013601	ENSG0000	XM_011520	79841	AGBL2	ATP/GTP	GO:000650	GO:000418	GO:0005814	centriole,GO:0005829	cytosol,GO	-	-
H20001187	H200011873	ENSG0000	XM_006717	6621	SNAPC4	small nucle	GO:000635	GO:000367	GO:000563	192	143	0.74	-0.43
H30000868	H300008686	ENSG0000	NR_103709	392509	ARL13A	ADP ribosy	GO:000726	GO:000552	GO:0005622	intracellular	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400010	-	NM_001005	387264	KRTAP5-1	keratin ass	-	-	GO				

H20000276	H200002764	ENSG0000	NR_024546	9352	TXNL1	thioredoxin	GO:000010	GO:001503	GO:000050	2019	1808	0.90	-0.16
H30001021	H300010213	ENSG0000	XM_011522	8312	AXIN1	axin 1	GO:000020	GO:000203	GO:000563	750	646	0.86	-0.21
H30000643	H300006431	ENSG0000	XM_011539	474354	LRRC18	leucine rich	-	-	GO:0005737	cytoplasm			
H30000404	H300004042	ENSG0000	XM_011515	155368	WBSCR27	Williams Be	GO:003225	GO:000551	-	362	276	0.76	-0.39
H30000150	H300001508	ENSG0000	NM_001099	200916	RPL22L1	ribosomal p	GO:000218	GO:000373	GO:002262	670	635	0.95	-0.08
H30000535	H300005353	ENSG0000	NM_001297	113510	HELQ	helicase, P	GO:000072	GO:000367	GO:000565	104	155	1.50	0.58
H30002125	H300021252	ENSG0000	NM_058167	118424	UBE2J2	ubiquitin co	GO:000020	GO:000552	GO:000015	564	393	0.70	-0.52
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_153615	266747	RGL4	ral guanine	GO:000726	GO:000508	GO:0016023	cytoplasm	11		
H30002057	H300020570	ENSG0000	XM_011524	146857	SLFN13	schlafen fa	-	GO:000552	GO:0005622	intracellular			
H30002054	H300020541	ENSG0000	XM_011536	5529	PPP2R5E	protein pho	GO:000716	GO:000551	GO:000015	270	268	0.99	-0.01
H20000934	H200009349	ENSG0000	NM_024867	79925	SPEF2	sperm flag	GO:000252	-	GO:0002177	manchette,GO:0005794	Golgi app		
H20000578	H200005786	ENSG0000	NM_001113	57533	TBC1D14	TBC1 dom	GO:001050	GO:000509	GO:000577	268	180	0.67	-0.57
H20000741	H200007412	ENSG0000	XM_006711	51043	ZBTB7B	zinc finger	GO:000636	GO:000097	GO:000563	6	12	2.07	1.05
H20001190	H200011906	ENSG0000	NR_036549	100129961	CCNT2-AS	CCNT2 ant	-	-	-		4		
H20000102	H200001026	ENSG0000	NM_001080	7915	ALDH5A1	aldehyde d	GO:000600	GO:000402	GO:000573	13	16	1.27	0.34
H30000933	H300009330	ENSG0000	NR_134934	221143	EEF1AKMT	eukaryotic	GO:001802	GO:000367	GO:000573	307	249	0.81	-0.30
H30000203	H300002032	ENSG0000	XM_011545	84304	NUDT22	nudix hydr	GO:000815	GO:000551	GO:000565	344	267	0.77	-0.37
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011537	81545	FBXO38	F-box prot	-	-	GO:000563	201	213	1.06	0.08
H30000132	H300001320	ENSG0000	NM_001008	493856	CISD2	CDGSH iro	GO:000042	GO:000551	GO:000574	767	572	0.75	-0.42
H30000913	H300009139	ENSG0000	NM_152470	494470	RNF165	ring finger	GO:000020	GO:000827	GO:000563	14	15	1.11	0.14
H30000982	H300009823	ENSG0000	XR_933248	221184	CPNE2	copine 2	GO:007127	GO:000551	GO:000563	96	89	0.92	-0.12
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001264	1041	CDSN	corneodesr	GO:000715	GO:004280	GO:000153	58	50	0.86	-0.21
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_139349	274	BIN1	bridging int	GO:000689	GO:000551	GO:000563	25	30	1.18	0.24
H20000232	H200002322	ENSG0000	NM_173546	200942	KLHDC8B	kelch doma	-	-	GO:000573	221	177	0.80	-0.32
H20001510	H200015103	ENSG0000	NM_001002	147040	KCTD11	potassium	GO:000704	-	GO:000573	44	42	0.96	-0.05
H20000324	H200003241	ENSG0000	NM_003492	8269	TMEM187	transmemb	GO:000815	GO:000367	GO:001602	41	42	1.04	0.06
H20000946	H200009468	ENSG0000	NM_001040	80230	RUFY1	RUN and F	GO:000689	GO:000551	GO:000563	1272	1003	0.79	-0.34
H20000090	H200000903	ENSG0000	NM_001172	348938	NIPAL4	NIPA like d	GO:001569	GO:001509	GO:0005654	nucleopla	5		
H30002096	H300020969	ENSG0000	XM_011517	734	OSGIN2	oxidative s	GO:005132	GO:000367	GO:000557	169	185	1.09	0.13
H30000842	H300008424	ENSG0000	XM_011515	221833	SP8	Sp8 trans	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus	6		
H30000897	H300008976	ENSG0000	NM_144705	150483	TEKT4	tektin 4	GO:003003	GO:000551	GO:000563	89	80	0.90	-0.15
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001276	645745	MT1HL1	metallothio	-	GO:004687	-	121	110	0.90	-0.14
H30002069	H300020696	ENSG0000	XM_011544	57805	CCAR2	cell cycle a	GO:000635	GO:000099	GO:000079	67	61	0.91	-0.14
H30000429	H300004298	ENSG0000	NM_173543	199221	DZIP1L	DAZ intera	GO:004238	GO:000551	GO:0005814	centriole,	7		
H30000710	H300007101	ENSG0000	NM_001001	414919	C8orf82	chromosom	-	-	-	31	29	0.91	-0.13
H30001586	H300015869	ENSG0000	NM_207292	4154	MBNL1	muscleblin	GO:000038	GO:000106	GO:000563	284	273	0.96	-0.06
H20001975	H200019756	ENSG0000	NR_110211	118427	OLFM3	olfactomed	GO:004246	GO:000551	GO:0005615	extracellular space,GO:0005794	0		
H20001785	H200017853	ENSG0000	NR_023386	114819	CROCCP3	ciliary root	-	-	-	13	25	1.94	0.96
H20001540	H200015400	ENSG0000	NM_153380	7592	ZNF41	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	112	124	1.10	0.14
H20000688	H200006883	ENSG0000	NR_045147	23421	ITGB3BP	integrin sub	GO:000027	GO:000487	GO:000077	1101	1188	1.08	0.11
H20000395	H200003951	ENSG0000	XM_011536	145501	ISM2	isthmin 2	-	-	GO:000557	4	8	2.19	1.13
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XR_947869	89944	GLB1L2	galactosida	GO:000597	GO:000456	GO:000557	35	31	0.89	-0.17
H30000109	H300001096	ENSG0000	NM_177400	84504	NKX6-2	NK6 homeo	GO:000012	GO:000097	GO:0005634	nucleus	5		
H30000185	H300001854	-	NM_173658	285349	ZNF660	zinc finger	GO:000635	GO:000097	GO:000563	5	9	1.91	0.93
H30000208	H300002085	ENSG0000	NR_111001	1818	DRD5P2	dopamine r	-	-	-	33	30	0.91	-0.14
H30000399	H300003995	-	XM_011537	90050	FAM181A	family with	-	-	-	102	91	0.89	-0.17
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_003677	8562	DENR	density-reg	GO:000173	GO:000367	GO:000557	2252	1817	0.81	-0.31
H30000143	H300001435	ENSG0000	XM_011537	160428	ALDH1L2	aldehyde d	GO:000673	GO:000816	GO:000573	5	35	7.04	2.82
H30000134	H300001343	ENSG0000	NM_006062	10322	SMYD5	SMYD fami	GO:000815	GO:000367	GO:000557	55	56	1.01	0.01
H20001133	H200011330	ENSG0000	NM_032246	84206	MEX3B	mex-3 RNA	GO:000646	GO:000550	GO:000093	99	230	2.31	1.21
H20002127	H200021275	-	NM_153445	120066	OR5P3	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in		
H30000707	H300007070	ENSG0000	NM_198993	342667	STAC2	SH3 and cy	GO:003555	GO:000551	GO:0005622	intracellul	5		
H20001081	H200010816	ENSG0000	NM_020721	57481	KIAA1210	KIAA1210	-	-	-	21	26	1.23	0.30
H20000292	H200002928	ENSG0000	NM_016535	51545	ZNF581	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	184	137	0.74	-0.43
H30000183	H300001833	ENSG0000	XM_011515	100130988	C7orf72	chromosom	GO:000815	GO:000367	GO:000557	23	24	1.04	0.05
H30000634	H300006348	ENSG0000	-	391722	MYL12BP2	myosin, ligh	-	-	-	1456	1303	0.89	-0.16
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001256	431707	LHX8	LIM homeo	GO:000635	GO:000551	GO:0001674	female germ cell nucleus			
H30001813	H300018135	ENSG0000	XM_011522	90864	SPSB3	splA/ryano	GO:001656	GO:000551	GO:000562	291	289	0.99	-0.01
H30002065	H300020651	ENSG0000	NM_006052	10311	DSCR3	DSCR3 arr	GO:000815	GO:000367	GO:000563	228	199	0.87	-0.20
H30000665	H300006658	ENSG0000	NM_001013	391059	FRS1	ferric chela	GO:000511	GO:000029	GO:001602	80	51	0.64	-0.65
H30000011	H300000111	ENSG0000	NM_153713	128077	LIX1L	limb and C	GO:000815	GO:000367	GO:000557	126	106	0.85	-0.24
H30001611	H300016113	ENSG0000	NM_024638	79691	QTRT2	queuine tR	GO:000640	GO:000827	GO:000573	75	59	0.79	-0.35
H20001252	H200012520	ENSG0000	XM_006718	84458	LCOR	ligand depe	GO:000012	GO:000367	GO:000563	106	123	1.16	0.22
H20000781	H200007819	ENSG0000	NR_134968	9657	IQCB1	IQ motif co	GO:000699	GO:000551	GO:000175	309	410	1.33	0.41
H20001241	H200012413	ENSG0000	NM_001282	79800	CARF	calcium res	GO:000636	GO:000097	GO:0005634	nucleus,G	16		
H20000489	H200004893	ENSG0000	XM_011540	84332	DYDC2	DPY30 dom	GO:000634	GO:004280	GO:000078	6	10	1.65	0.72
H20000377	H200003779	ENSG0000	NR_027753	57467	HHATL	hedgehog a	GO:006026	-	GO:0005783	endoplasmic reticulum,GO:00057			
H30000108	H300001088	-	XM_011518	6836	SURF4	surfeit 4	GO:000703	GO:000551	GO:000013	1198	1189	0.99	-0.01
H30002036	H300020367	ENSG0000	NR_028476	27316	RBMX	RNA bindin	GO:000038	GO:000016	GO:000561	7552	5835	0.77	-0.37
H30000526	H300005263	ENSG0000	NM_138800	129868	TRIM43	tripartite m	-	GO:000551	GO:000562	6	13	2.05	1.04
H30000545	H300005454	ENSG0000	XM_005244	126626	GABPB2	GA binding	GO:000635	GO:000551	GO:000563	47	56	1.19	0.25
H30000221	H300002218	ENSG0000	XM_011537	121227	LRIG3	leucine-ric	GO:003247	-	GO:0005615	extracellular space,GO:0005886	g		
H30000300	H300003006	ENSG0000	NM_001256	84803	GPAT3	glycerol-3-	GO:000664	GO:000384	GO:000578	124	403	3.25	1.70
H30000476	H300004769	ENSG0000	NM_014681	9704	DHX34	DEAH-box	GO:000095	GO:000400	GO:000573	22	22	1.01	0.01
H30001936	H300019360	ENSG0000	NM_001039	285148	IAH1	isoamyl ace	GO:001604	GO:001678	GO:0070062	extracellu	5		
H20000111	H200001112	ENSG0000	NM_016070	51649	MRPS23	mitochondr	GO:000699	GO:000373	GO:000573	1781	1153	0.65	-0.63
H20000490	H200004905	ENSG0000	XM_011524	105376798	LOC105376	uncharacte	-	-	-		4		
H20001757	H200017578	ENSG0000	XM_006718	64837	KLC2	kinesin ligh	GO:000701	GO:000377	GO:000582	172	134	0.78	-0.36
H20000429	H200004291	ENSG0000	XM_006721	57659	ZBTB4	zinc finger	GO:000012	GO:000097	GO:000563	12	21	1.79	0.84
H20001515	H200015155	ENSG0000	NM_012431	9723	SEMA3E	semaphorin	GO:000156	GO:000551	GO:0005576	extracellu	6		
H30001606	H300016060	ENSG0000	NM_001256	2982	GUCY1A3	guanylate d	GO:000618	GO:000401	GO:0005886	plasma m	3		
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_002958	6259	RYK	receptor-li	GO:000646	GO:000471	GO:000563	92	109	1.19	0.25
H30000468	H300004686	ENSG0000	NM_198475	284069	FAM171A2	family with	-	-	GO:0				

H20000293	H200002937	ENSG0000	NM_015911	51058	ZNF691	zinc finger	GO:000635	GO:000097	GO:000563	47	49	1.04	0.06
H20001574	H200015746	ENSG0000	NM_153350	146330	FBXL16	F-box and	-	-	GO:000573	19	22	1.15	0.21
H20000744	H200007445	ENSG0000	XM_011536	56252	YLPM1	YLP motif	GO:000012	GO:000107	GO:000563	325	300	0.92	-0.11
H20000234	H200002344	ENSG0000	NM_052862	92241	RCSD1	RCSD dom	GO:000300	GO:005101	GO:000588	266	279	1.05	0.07
H30000544	H300005446	ENSG0000	XM_005250	142685	ASB15	ankyrin rep	GO:001656	-	GO:0005622 intracellular	-	-	-	-
H30002032	H300020329	ENSG0000	NM_001010	134728	IRAK1BP1	interleukin	GO:000635	GO:000551	GO:000562	76	57	0.75	-0.42
opHsV0400	opHsV0400007	-	NM_001007	3321	IGSF3	immunoglob	GO:003280	GO:000367	GO:000998	76	64	0.84	-0.25
opHsV0400	opHsV0400006	-	NM_013358	29943	PADI1	peptidyl arg	GO:001810	GO:000466	GO:000573	244	178	0.73	-0.46
H30000393	H300003939	ENSG0000	XM_005269	10660	LBX1	ladybird ho	GO:000194	GO:000370	GO:000563	19	21	1.13	0.18
H30000943	H300009433	ENSG0000	XM_006720	23005	MAPKBP1	mitogen-ac	GO:000725	GO:000551	GO:000562	6	12	2.23	1.16
H30001126	H300011264	ENSG0000	XM_005251	85444	LRRCC1	leucine ric	GO:000706	-	GO:000565	260	356	1.37	0.45
H30000055	H300000553	ENSG0000	-	347687	GN5P2	guanine nu	-	-	-	2194	1769	0.81	-0.31
H20001073	H200010736	ENSG0000	NM_024685	79738	BBS10	Bardet-Bie	GO:000189	GO:000110	GO:000592	116	117	1.01	0.02
H20001646	H200016465	ENSG0000	NR_002730	23629	BRD7P3	bromodoma	-	-	-	51	42	0.82	-0.29
H20000191	H200001915	ENSG0000	NM_020733	57493	HEG1	heart devel	GO:000157	GO:000550	GO:000557	209	173	0.83	-0.27
H20000300	H200003007	ENSG0000	NM_001267	10777	ARPP21	cAMP regul	GO:000815	GO:000367	GO:0005575 cellular_component,GO:0005737	-	-	-	-
H20001375	H200013755	ENSG0000	NM_005046	5650	KLK7	kallikrein re	GO:000280	GO:000425	GO:0005576 extracellular_region,GO:0005615	-	-	-	-
H30001982	H300019828	ENSG0000	XM_011540	64115	C10orf54	chromosom	GO:000272	-	GO:000588	48	207	4.30	2.10
H30001863	H300018637	ENSG0000	NM_001002	8563	THOC5	THO comp	GO:000639	GO:000372	GO:000034	375	368	0.98	-0.03
H30001860	H300018605	ENSG0000	XM_011518	55357	TBC1D2	TBC1 dom	GO:004354	GO:000509	GO:001602	33	34	1.05	0.06
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001281	8243	SMC1A	structural r	GO:000007	GO:000368	GO:000077	106	121	1.14	0.19
H30002167	H300021679	ENSG0000	NM_080705	7442	TRPV1	transient re	GO:000166	GO:000488	GO:0005829 cytosol,GO:0005886 plasma mem	-	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_005268	90135	BTBD6	BTB domai	-	-	GO:0000932 cytoplasm	5	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	-	400765	MIR137HG	MIR137 ho	-	-	-	83	71	0.85	-0.24
H30000103	H300001030	ENSG0000	XR_243275	283871	PGP	phosphogly	GO:000611	GO:000028	-	1216	1160	0.95	-0.07
opHsV0400	opHsV0400002	-	NR_027256	340206	TREML3P	triggering r	-	-	-	5	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_011521	283677	REC114	REC114 me	GO:000631	-	-	-	9	-	-
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_011520	728858	C12orf71	chromosom	-	-	-	-	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_006040	9951	HS3ST4	heparan su	GO:003020	GO:000846	GO:0000139 Golgi membrane,GO:0016021 inte	-	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_199047	387332	TBPL2	TATA-box	GO:000635	GO:000367	GO:0005634 nucleus,GO:0005737 cytoplasm	-	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XM_011509	388698	FLG2	filaggrin far	GO:006143	GO:000519	GO:0005634 nucleus,G	3	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_021216	58491	ZNF71	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	7	12	1.75	0.81
H30000724	H300007248	ENSG0000	NR_027042	259283	MDS2	myelodyspl	-	-	-	98	101	1.03	0.04
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XM_011517	646486	FABP12	fatty acid b	GO:000681	GO:000521	GO:0005829 cytosol	-	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_006715	222223	KIAA1324L	KIAA1324-	-	-	GO:001602	53	66	1.23	0.30
H30000139	H300001392	ENSG0000	NM_001001	219447	OR5A5	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886 plasma membrane,GO:0016021 in	-	-	-	-
H30000254	H300002546	ENSG0000	NM_001004	390155	OR5T1	olfactory re	GO:000726	GO:000493	GO:0005886 plasma membrane,GO:0005887 in	-	-	-	-
H30000256	H300002561	ENSG0000	-	391576	OR7E129P	olfactory re	-	-	-	100	77	0.77	-0.38
H30000866	H300008663	ENSG0000	-	-	EIF2S3L	Putative eu	-	-	-	1151	1363	1.18	0.24
H30000262	H300002629	ENSG0000	-	390421	GAPDHP2	glyceraldeh	-	-	-	1318	803	0.61	-0.71
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NR_024564	100130264	LOC100130	uncharacte	-	-	-	-	-	-	-
H30000995	H300009952	ENSG0000	NM_001007	285311	C3orf56	chromosom	-	-	-	-	9	-	-
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_001301	163071	ZNF114	zinc finger	GO:000635	GO:000097	GO:0005634 nucleus,GO:0070062 extracellular	-	-	-	-
H30001875	H300018753	ENSG0000	NM_001136	30000	TNPO2	transportin	GO:000005	GO:000551	GO:000563	20	26	1.29	0.37
H30001844	H300018444	ENSG0000	NM_015394	7556	ZNF10	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	50	57	1.12	0.17
H30002010	H300020108	ENSG0000	NR_104587	55608	ANKRD10	ankyrin rep	GO:006082	GO:000551	-	168	115	0.68	-0.55
H30002236	H300022362	ENSG0000	NM_018136	259266	ASPM	abnormal s	GO:000176	GO:000551	GO:000563	130	131	1.01	0.01
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001080	1608	DGKG	diacylglyce	GO:000716	GO:000414	GO:0005737 cytoplasm,GO:0005886 plasma m	-	-	-	-
H30000877	H300008779	ENSG0000	NM_001004	390059	OR51M1	olfactory re	GO:000716	GO:000493	GO:000588	26	24	0.91	-0.13
H30000399	H300003991	-	-	-	-	-	-	-	-	403	527	1.31	0.39
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	-	64756	ATPAF1	ATP syntha	GO:003361	GO:000551	GO:000573	158	126	0.79	-0.33
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	1157	CKBP1	creatine kin	-	-	-	394	333	0.84	-0.24
opHsV0400	opHsV0400001	-	NR_024591	25812	POM121L1	POM121 tr	-	-	-	-	8	-	-
H30001789	H300017899	ENSG0000	NM_001164	4703	NEB	nebulin	GO:000751	GO:000377	GO:000582	4	32	8.38	3.07
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	-	388255	IGHV3OR1	immunoglob	-	-	-	15	17	1.16	0.21
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_011517	65265	C8orf33	chromosom	-	GO:000551	-	293	191	0.65	-0.62
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NR_110132	102606463	LINC01152	long interge	-	-	-	-	6	-	-
opHsV0400	opHsV0400008	ENSG0000	NM_001039	219293	ATAD3C	ATPase far	-	GO:000552	-	139	99	0.71	-0.48
H30000971	H300009714	-	NG_042871	5073	PARN	poly(A)-spe	GO:000018	GO:000016	GO:0005634 nucleus,G	4	-	-	-
H30000322	H300003222	ENSG0000	XR_929143	100287171	WASH1	WAS protei	GO:000688	GO:000377	GO:000014	4	11	2.42	1.27
H30001911	H300019111	ENSG0000	NM_001204	91612	CHURC1	churchill dc	GO:000635	GO:000827	-	1277	1272	1.00	-0.01
H30001020	H300010203	-	-	-	-	-	-	-	-	87	57	0.65	-0.61
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_019044	54520	CCDC93	coiled-coil	GO:000689	GO:000551	GO:000576	181	183	1.01	0.01
H30000895	H300008950	ENSG0000	NR_002223	348825	TPRXL	tetra-pepti	-	-	-	-	-	-	-
H30000311	H300003117	ENSG0000	NR_038359	284365	MGC45922	uncharacte	-	-	-	9	14	1.61	0.69
H30000540	H300005407	ENSG0000	NR_022014	283651	HMG2P46	high mobil	-	-	-	460	449	0.98	-0.03
H30000109	H300001098	ENSG0000	XM_011514	222659	PXT1	peroxisoma	GO:000728	GO:000367	GO:0005634 nucleus,GO:0005777 peroxisome	-	-	-	-
H30000811	H300008119	ENSG0000	NR_027251	100129726	LINC01126	long interge	-	-	-	4	10	2.59	1.38
H30000900	H300009003	ENSG0000	NM_199342	374969	SVBP	small vasol	GO:000930	-	GO:000557	634	689	1.09	0.12
H30001967	H300019675	ENSG0000	XM_011522	7727	ZNF174	zinc finger	GO:000012	GO:000098	GO:000563	87	75	0.87	-0.21
H30001983	H300019837	ENSG0000	XM_011545	7481	WNT11	wingless-ty	GO:000164	GO:000509	GO:000557	22	24	1.13	0.17
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001005	5317	PKP1	plakophilin	GO:000691	GO:000487	GO:000563	8	13	1.68	0.75
H30002117	H300021177	ENSG0000	XM_006719	10198	MPHOSPH	M-phase p	-	-	GO:000013	240	320	1.33	0.42
H30001958	H300019587	ENSG0000	XM_005255	23247	KIAA0556	KIAA0556	-	-	GO:000561	40	38	0.94	-0.09
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	1396	CRIP1	cysteine-ri	GO:000695	GO:000368	GO:000573	8	15	1.91	0.94
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NR_029429	441897	PGCP1	progastric	-	-	-	5	13	2.56	1.36
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001004	344018	FIGLA	folliculogen	GO:000636	GO:000097	GO:0005634 nucleus,GO:0005667 transcriptio	-	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400008	ENSG0000	NR_003675	441046	GUSBP5	glucuronida	-	-	-	67	70	1.04	0.05
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001101	645191	LINGO3	leucine ric	GO:000740	-	GO:0016021 integral component of membrane	-	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001316	6165	RPL35A	ribosomal p	GO:000018	GO:000004	GO:000573	19764	15691	0.79	-0.33
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NR_135157	348378	FAM159A	family with	-	-	GO:001602	16	24	1.52	0.60
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_005244	11022	TDRKH	tudor and H	GO:000714	GO:000372	GO:000573	106	67	0.63	-0.67
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	-	728632	HMG2P3	high mobil	-	-	-	10633	10870	1.02	0.03
H30000320	H300003207	ENSG0000	NR_026756	284233	CYP4F35P	cytochrom	-	-	-	92	83	0.90	-0.16
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_011522	645811	CCDC154	coiled-coil	-	-	GO:0005769 early end	3	-	-	-
H30002101	H300021017	ENSG0000	XM_006717	92714	ARRDC1	arrestin do	-	-	GO:000588	110	103	0.94	-0.09
opHsV0400	opHsV0400004												

opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_173804	255043	TMEM86B	transmemb	GO:004648	GO:000551	GO:000573	108	80	0.74	-0.44
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XR_945593	118672	PSTK	phosphoser	GO:000151	GO:000004	GO:000573	251	201	0.80	-0.32
H30000058	H300000589	ENSG0000	NM_001304	132625	ZFP42	ZFP42 zinc	GO:000170	GO:000370	GO:0005634 nucleus,GO:0005737 cytoplasm,C				
H30000913	H300009137	ENSG0000	NM_175921	285636	C5orf51	chromosom	-	-	-	700	522	0.75	-0.42
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XR_242097	56975	FAM20C	family with	GO:000646	GO:000467	GO:000561	26	24	0.94	-0.09
H30000320	H300003206	ENSG0000	NM_207506	401474	SAMD12	sterile alph	-	-	-				
H30001865	H300018659	ENSG0000	NR_026562	55969	C20orf24	chromosom	GO:000815	GO:000367	GO:000557	2511	1718	0.68	-0.55
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_011519	54518	APBB1IP	amyloid bet	GO:000229	GO:000551	GO:000582	106	95	0.89	-0.17
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XR_931896	6557	SLC12A1	solute carr	GO:000182	GO:000851	GO:000588	4	9	2.18	1.12
H30001844	H300018442	ENSG0000	XM_011521	10002	NR2E3	nuclear rec	GO:000012	GO:000370	GO:000563	20	23	1.18	0.23
H30001890	H300018901	ENSG0000	NM_000578	6556	SLC11A1	solute carr	GO:000006	GO:000538	GO:000576	53	61	1.16	0.22
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_005322	3009	HIST1H1B	histone clu	GO:000012	GO:003149	GO:000078	19	20	1.08	0.11
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NR_026893	5463	POU6F1	POU class	GO:000635	GO:000097	GO:000563	9	19	2.15	1.10
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NR_028082	378832	COL18A1	COL18A1 a	-	-	-	12	19	1.62	0.70
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_011537	646658	SYNDIG1L	synapse dif	GO:000960	-	GO:000579	45	41	0.89	-0.16
opHsV0400	opHsV0400000	-	-	-	-	-	-	-	-	153	130	0.85	-0.24
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_005255	283870	BRICD5	BRICHOS c	-	GO:000551	GO:001602	25	49	1.95	0.97
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_011538	25834	MGAT4C	MGAT4 fan	GO:000649	GO:000845	GO:0000139 Golgi membrane,GO:0016021 inte				
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_011544	23362	PSD3	pleckstrin a	GO:003201	GO:000508	GO:0014069 postsynap	6			
opHsV0400	opHsV0400005	-	XM_011531	644717	SAGE2P	sarcoma ar	-	-	-	16	41	2.56	1.36
H30000054	H300000548	ENSG0000	NR_033183	142678	MIB2	mindbomb	GO:000721	GO:000377	GO:000015	6	15	2.66	1.41
H30000476	H300004767	ENSG0000	-	100533111	ZNF670-Z	ZNF670-Z	-	-	-	214	227	1.06	0.09
H30000869	H300008692	ENSG0000	NM_003532	8353	HIST1H3E	histone clu	GO:000018	GO:000367	GO:000022	58	49	0.85	-0.23
H30000819	H300008195	ENSG0000	-	-	AC090286	-	-	-	-				
H30000730	H300007307	ENSG0000	XM_011520	390081	OR52E4	olfactory re	GO:000716	GO:000493	GO:000588	16	17	1.07	0.10
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NR_037927	6748	SSR4	signal sequ	GO:000641	-	GO:000578	3278	3050	0.93	-0.10
H30000295	H300002959	ENSG0000	XM_011522	1003	CDH5	cadherin 5	GO:000195	GO:000510	GO:0005886 plasma m	5			
H30000894	H300008948	ENSG0000	NR_027245	221241	LINC00305	long interge	-	-	GO:0005576 extracellu	4			
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001039	388551	CEACAM1	carcinoemb	GO:000760	GO:004280	GO:000561	21	24	1.15	0.20
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_003534	8355	HIST1H3G	histone clu	GO:000018	GO:000367	GO:000022	2636	1944	0.74	-0.44
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_175747	167826	OLIG3	oligodendro	GO:000012	GO:000110	GO:0005634 nucleus				
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NR_034161	124871	FLJ40194	uncharacte	-	-	-				
opHsV0400	opHsV0400011	ENSG0000	NM_004588	6327	SCN2B	sodium volt	GO:000726	GO:001708	GO:000151	28	29	1.02	0.03
opHsV0400	opHsV0400010	ENSG0000	NR_034152	149950	LOC14995	uncharacte	-	GO:000551	-	5			
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NR_033377	400932	LINC00898	long interge	-	-	-				
opHsV0400	opHsV0400012	ENSG0000	NM_001205	777	CACNA1E	calcium vol	GO:000166	GO:000524	GO:0005886 plasma membrane,GO:0005891 v				
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_011521	302	ANXA2	annexin A2	GO:000152	GO:000202	GO:000172	4610	2975	0.65	-0.63
opHsV0400	opHsV0400001	-	NR_003581	158381	ATPB5P	ATPase ph	-	-	-		3		
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001042	339965	CCDC158	coiled-coil	-	-	-				
H30000664	H300006646	ENSG0000	NM_001320	284695	ZNF326	zinc finger	GO:000635	GO:000099	GO:000565	444	584	1.32	0.40
H30001986	H300019860	ENSG0000	XM_005271	5825	ABCD3	ATP bindin	GO:000663	GO:000532	GO:000574	178	225	1.27	0.34
H30002216	H300022166	ENSG0000	XM_011509	5132	PDC	phosducin	GO:000718	GO:000485	GO:0001750 photoreceptor outer segment,GC				
H30001880	H300018808	ENSG0000	XM_005257	57003	CCDC47	coiled-coil	GO:000164	GO:000550	GO:000578	1620	1780	1.10	0.14
H30000893	H300008935	ENSG0000	NR_104371	145781	GCOM1	GRINL1A c	-	-	-	225	266	1.19	0.25
H30001617	H300016179	ENSG0000	NM_001317	6440	SFTPC	surfactant	GO:000758	GO:000551	GO:000557	6	5	0.84	-0.25
H30001879	H300018794	ENSG0000	XM_005269	3257	HPS1	HPS1, biog	GO:000704	GO:000551	GO:000573	200	213	1.06	0.09
H30001974	H300019748	ENSG0000	NM_001083	10326	SIRPB1	signal regul	GO:000716	GO:000551	GO:0005886 plasma membrane,GO:0005887 in				
H30002112	H300021128	ENSG0000	NM_000764	1549	CYP2A7	cytochrom	GO:001937	GO:000550	GO:000578	24	28	1.14	0.19
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001145	3652	IPP	intracisterr	GO:001656	GO:000377	GO:000573	165	137	0.83	-0.27
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001135	8224	SYN3	synapsin III	GO:000726	GO:000382	GO:0008021 synaptic v	8			
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_001278	10634	GAS2L1	growth arre	GO:000157	GO:000801	GO:000172	256	140	0.55	-0.87
H30002111	H300021117	ENSG0000	XM_005257	54903	MKS1	Meckel syn	GO:000184	GO:000551	GO:000573	117	115	0.98	-0.02
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XR_926930	27072	VPS41	VPS41, HC	GO:000662	GO:000367	GO:000576	162	136	0.84	-0.25
H30000767	H300007679	ENSG0000	-	-	AC108676	-	-	-	-		5		
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_001009	414157	C10orf62	chromosom	-	GO:000551	-				
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_001007	388125	C2CD4B	C2 calcium	-	GO:000550	GO:000573	36	27	0.75	-0.42
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	-	28819	IGLV1-62	immunoglob	-	-	-	9	14	1.47	0.56
H30001549	H300015495	ENSG0000	NM_001142	112479	ERI2	ERI1 exorib	GO:000625	GO:000367	-	309	340	1.10	0.14
H30002152	H300021522	ENSG0000	NR_102355	57733	GBA3	glucosidase	GO:000597	GO:000456	GO:000582	11	14	1.25	0.32
H30000678	H300006789	ENSG0000	NR_036440	642559	POU5F1P3	POU class	-	-	-	25	29	1.18	0.24
H30000500	H300005005	ENSG0000	NM_001260	7711	ZNF155	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634 nucleus	4			
H30000041	H300000415	ENSG0000	XM_011545	342357	ZKSCAN2	zinc finger	GO:000635	GO:000098	GO:0005575 cellular_co	11			
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001184	57669	EPB41L5	erythrocyte	GO:000170	GO:000809	GO:000563	67	61	0.92	-0.12
H30001999	H300019995	ENSG0000	NM_021982	10802	SEC24A	SEC24 hon	GO:000247	GO:000367	GO:000013	76	69	0.91	-0.14
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_005250	7036	TFR2	transferrin	GO:000682	GO:000194	GO:000588	65	61	0.93	-0.10
H30002171	H300021710	ENSG0000	NM_080840	5786	PTPRA	protein tyr	GO:000016	GO:000472	GO:000562	209	195	0.93	-0.11
H30002186	H300021860	ENSG0000	XM_011524	9098	USP6	ubiquitin sp	GO:000646	GO:000367	GO:0005737 cytoplasm	9			
H30000657	H300006574	ENSG0000	NM_007172	10762	NUP50	nucleoporin	GO:000027	GO:000551	GO:000564	19	24	1.24	0.31
H30002071	H300020710	ENSG0000	NR_135000	83959	SLC4A11	solute carr	GO:000681	GO:000527	GO:001602	111	73	0.66	-0.60
H30001124	H300011240	ENSG0000	XM_011519	85301	COL27A1	collagen ty	GO:000343	GO:000520	GO:000557	36	32	0.91	-0.13
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001080	342125	TMC3	transmemb	GO:000681	-	GO:0016021 integral component of membrane				
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_011516	83943	IMMP2L	inner mitoc	GO:000154	GO:000425	GO:001602	420	334	0.80	-0.33
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NR_125981	26039	SS18L1	synovial sa	GO:000635	GO:000551	GO:000077	35	29	0.82	-0.28
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XR_926935	3382	ICA1	islet cell au	GO:000683	GO:000367	GO:000013	190	238	1.25	0.33
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	-	339521	FAM58BP	family with	GO:004573	GO:001653	GO:000030	43	34	0.79	-0.33
H30000862	H300008628	ENSG0000	NM_001159	147949	ZNF583	zinc finger	GO:000635	GO:000097	GO:000563	13	23	1.73	0.79
opHsV0400	opHsV0400010	ENSG0000	NM_001005	403284	OR6C68	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886 plasma membrane,GO:0016021 in				
H30000878	H300008789	ENSG0000	NM_001005	81318	OR4A5	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:0005886 plasma m	7			
H30000742	H300007425	ENSG0000	XM_011541	343066	AADA4L4	arylaceta	GO:000815	GO:005268	GO:0016021 integral co	6			
H30002169	H300021698	ENSG0000	XM_011537	57697	FANCM	Fanconi an	GO:000071	GO:000367	GO:000565	29	46	1.55	0.63
H30001386	H300013865	ENSG0000	NM_001130	5673	PSG5	pregnancy	GO:000756	GO:000551	GO:0005576 extracellular region				
H30001402	H300014021	ENSG0000	NM_178865	347735	SERINC2	serine inco	GO:000665	GO:001519	GO:001602	83	73	0.88	-0.19
H30000947	H300009474	ENSG0000	NM_199162	113622	ADPRHL1	ADP-ribos	GO:005172	GO:000028	-	18	16	0.92	-0.12
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_011519	9536	PTGES	prostagland	GO:000151	GO:004329	GO:0005641 nuclear ex	5			
opHsV0400	opHsV0400003	-	NM_006510	5987	TRIM27	tripartite m	GO:000012	GO:0003					

H30002210	H300022102	ENSG0000	XM_006715	273	AMPH	amphiphys	GO:000689	GO:000508	GO:0005802 trans-Gol	5			
H30002207	H300022070	ENSG0000	NM_002375	4134	MAP4	microtubule	GO:000705	GO:000519	GO:000573	112	90	0.80	-0.32
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_011524	100141515	C17orf99	chromosom	-	-	GO:000557	62	44	0.71	-0.49
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NR_103464	51182	HSPA14	heat shock	GO:005108	GO:000551	GO:000582	1410	951	0.67	-0.57
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NR_027464	150209	AIFM3	apoptosis i	GO:004545	GO:001649	GO:000563	64	58	0.90	-0.15
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	-	RP6-218J	-	-	-	-	659	716	1.09	0.12
H30001443	H300014437	ENSG0000	XM_011519	57713	SFMBT2	Scm-like w	GO:000635	GO:000551	GO:000563	5	16	2.89	1.53
H30000942	H300009421	ENSG0000	NM_201550	376132	LRRC10	leucine ric	GO:005501	GO:000377	GO:0005634 nucleus,GO:0005739 mitochondri				
H30000400	H300004000	ENSG0000	NR_027906	653483	MLLT4-AS	MLLT4 ant	GO:000815	GO:000367	GO:000557	19	24	1.27	0.35
H30000534	H300005340	ENSG0000	NM_001004	138799	OR13C5	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886 plasma m	3			
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_001003	445328	ARHGEF35	Rho guanin	-	-	-	5			
H30002183	H300021837	ENSG0000	NM_001200	24142	NAT6	N-acetyltra	GO:000815	GO:000808	GO:000573	37	41	1.10	0.14
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_053004	54584	GNB1L	guanine nu	GO:000718	GO:000367	GO:000573	169	106	0.63	-0.68
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_005250	4176	MCM7	minichrom	GO:000008	GO:000367	GO:000078	2516	1752	0.70	-0.52
H30001371	H300013713	ENSG0000	XM_011518	158401	C9orf84	chromosom	-	-	-	6			
H30002261	H300022614	ENSG0000	NR_103461	7170	TPM3	tropomyosi	GO:000692	GO:000367	GO:000172	10268	8731	0.85	-0.23
H30001388	H300013884	ENSG0000	NM_021819	79748	LMAN1L	lectin, man	-	GO:003024	GO:0016021 integral component of membrane				
H30001954	H300019545	ENSG0000	XM_011520	56341	PRMT8	protein arg	GO:000635	GO:000551	GO:0005634 nucleus,G	9			
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_011542	27087	B3GAT1	beta-1,3-g	GO:000597	GO:000849	GO:000013	32	23	0.72	-0.47
H30001868	H300018682	ENSG0000	NM_017677	55613	MTMR8	myotubular	GO:001050	GO:000443	GO:000563	20	24	1.16	0.22
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	NM_015154	23184	MESDC2	mesoderm	GO:000645	GO:000367	GO:000557	602	450	0.75	-0.42
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_016821	4968	OGG1	8-oxoguan	GO:000252	GO:000368	GO:000563	143	141	0.99	-0.01
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_020825	57585	CRAMP1	cramped ch	-	GO:000367	GO:0005634 nucleus	10			
H30001961	H300019617	ENSG0000	NM_015621	26112	CCDC69	coiled-coil	-	-	-	12	26	2.09	1.06
H30002083	H300020837	ENSG0000	NM_015025	23040	MYT1L	myelin tran	GO:000635	GO:000367	GO:0005634 nucleus	7			
H30002115	H300021150	ENSG0000	XM_011524	146722	CD300LF	CD300 mol	GO:000237	-	GO:000588	22	19	0.88	-0.19
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001282	6000	RGS7	regulator o	GO:000718	GO:000487	GO:0005634 nucleus,G	8			
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_005253	716	C1S	complemen	GO:000650	GO:000425	GO:0005576 extracellu	11			
H30000258	H300002589	ENSG0000	-	100127905	SMIM11P1	small integr	-	-	GO:001602	291	269	0.92	-0.11
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NR_125802	23434	LINC01565	long interge	-	-	-	32	44	1.39	0.47
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_017723	54863	TORAA	torsin famil	-	GO:000552	GO:001602	252	350	1.39	0.48
H20000667	H200006677	ENSG0000	NM_001318	7016	TESK1	testis-spec	GO:000728	GO:000467	GO:000582	99	97	0.99	-0.02
AHsV1000	AHsV10003393	ENSG0000	XR_927528	6804	STX1A	syntaxin 1A	GO:000195	GO:000014	GO:000557	52	56	1.07	0.10
H20000773	H200007733	ENSG0000	XM_005257	6776	STAT5A	signal trans	GO:000025	GO:000097	GO:000565	2539	1597	0.63	-0.67
H30001002	H300010025	ENSG0000	NM_004595	6611	SMS	spermine s	GO:000655	GO:001676	GO:000582	2074	1824	0.88	-0.19
H20001961	H200019615	ENSG0000	NM_003063	6588	SLN	sarcolipin	GO:000681	GO:000485	GO:0016021 integral component of membrane				
H20000415	H200004152	ENSG0000	NM_001128	3628	INPP1	inositol pol	GO:000679	GO:000028	GO:000573	134	85	0.64	-0.65
H20001641	H200016412	ENSG0000	NM_012218	3609	ILF3	interleukin	GO:000635	GO:000367	GO:000563	195	232	1.19	0.25
H20001241	H200012417	ENSG0000	NM_000863	3351	HTR1B	5-hydroxyt	GO:000203	GO:000499	GO:000573	10	12	1.18	0.24
H20000624	H200006248	ENSG0000	NM_001540	3315	HSPB1	heat shock	GO:000189	GO:000508	GO:000050	608	379	0.62	-0.68
H20000740	H200007404	ENSG0000	NM_002115	3101	HK3	hexokinase	GO:000167	GO:000438	GO:000573	18	16	0.92	-0.12
AHsV1000	AHsV10000316	ENSG0000	NM_001289	3070	HELLS	helicase, ly	GO:000634	GO:000438	GO:000077	194	190	0.98	-0.03
H30001778	H300017782	ENSG0000	NM_002088	2901	GRIK5	glutamate i	GO:000662	GO:000523	GO:000578	23	21	0.90	-0.15
H30001997	H300019975	ENSG0000	XM_011515	2887	GRB10	growth fact	GO:000828	GO:000507	GO:000573	374	605	1.62	0.69
AHsV1000	AHsV10002571	ENSG0000	NM_001040	4301	MLLT4	myeloid/lyr	GO:000715	GO:000551	GO:000565	420	398	0.95	-0.08
H30000619	H300006196	ENSG0000	NM_001031	4094	MAF	v-maf aviar	GO:000012	GO:000122	GO:0000785 chromatin,GO:0005634 nucleus,G				
CHsGV100	CHsGV1000012	ENSG0000	NM_014220	4071	TM4SF1	transmembr	GO:000815	GO:000367	GO:0005887 integral component of plasma me				
AHsV1000	AHsV10002905	ENSG0000	XM_005257	3866	KRT15	keratin 15,	GO:000854	GO:000520	GO:000563	12	25	2.05	1.04
AHsV1000	AHsV10002824	ENSG0000	XM_011524	3838	KPNA2	karyopherin	GO:000001	GO:000551	GO:000564	6927	4664	0.67	-0.57
H20000594	H200005945	ENSG0000	NM_001003	826	CAPNS1	calpain sma	GO:000650	GO:000419	GO:000582	1743	1840	1.06	0.08
AHsV1000	AHsV10000839	ENSG0000	NM_001305	805	CALM2	calmodulin	GO:000016	GO:000550	GO:000092	20362	14233	0.70	-0.52
H20001626	H200016269	ENSG0000	NM_000623	624	BDKRB2	bradykinin	GO:000243	GO:000202	GO:0005768 endosome,GO:0005829 cytosol,G				
H20000665	H200006652	ENSG0000	NM_000633	596	BCL2	B-cell CLL	GO:000020	GO:000202	GO:000563	7	41	5.84	2.55
AHsV1000	AHsV10002787	ENSG0000	NM_001254	390	RND3	Rho family	GO:000715	GO:000392	GO:0000139 Golgi membrane,GO:0005925 foc				
H30001821	H300018213	-	XM_011522	368	ABCC6	ATP bindin	GO:000681	GO:000521	GO:000563	20	23	1.16	0.21
AHsV1000	AHsV10000991	ENSG0000	NM_000475	190	NROB1	nuclear rec	GO:000012	GO:000367	GO:0005634 nucleus,GO:0005654 nucleoplasm				
H20001211	H200012110	ENSG0000	XM_011515	165	AEBP1	AE binding	GO:000012	GO:000097	GO:000561	5	9	1.72	0.78
H30001418	H300014181	ENSG0000	NM_003200	6929	TCF3	transcripti	GO:000012	GO:000097	GO:000078	56	45	0.80	-0.32
H20001610	H200016100	ENSG0000	NM_001049	6751	SSTR1	somatostat	GO:000716	GO:000499	GO:0005737 cytoplasm,GO:0005886 plasma m				
AHsV1000	AHsV10000090	ENSG0000	XM_011537	6729	SRP54	signal reco	GO:000641	GO:000392	GO:000563	1269	1435	1.13	0.18
H20001104	H200011043	ENSG0000	NM_005074	6568	SLC17A1	solute carr	GO:000681	GO:000543	GO:0005886 plasma membrane,GO:0005887 in				
H20000695	H200006952	ENSG0000	XM_005253	6539	SLC6A12	solute carr	GO:000681	GO:000532	GO:000588	41	35	0.87	-0.20
H30000057	H300000574	ENSG0000	NR_026691	3587	IL10RA	interleukin	GO:0001922	GO:000487	GO:000588	31	42	1.37	0.45
AHsV1000	AHsV10000715	ENSG0000	NM_000206	3561	IL2RG	interleukin	GO:000016	GO:000491	GO:000562	44	33	0.76	-0.39
H20001403	H200014031	ENSG0000	NM_002153	3294	HSD17B2	hydroxyste	GO:000170	GO:000430	GO:0005789 endoplasmic reticulum membrane				
H20000021	H200000217	ENSG0000	NM_182983	3249	HPN	hepsin	GO:000650	GO:000425	GO:000578	5	15	2.87	1.52
AHsV1000	AHsV10003339	ENSG0000	XM_011520	3046	HBE1	hemoglobin	GO:000012	GO:000534	GO:000582	15109	6865	0.45	-1.14
AHsV1000	AHsV10000571	ENSG0000	NM_002107	3020	H3F3A	H3 histone	GO:000018	GO:000097	GO:000022	24928	14268	0.57	-0.80
H20001607	H200016074	ENSG0000	NM_005303	2864	FFAR1	free fatty a	GO:000611	GO:000493	GO:000588	14	14	1.02	0.04
H20000379	H200003795	ENSG0000	NM_005296	2846	LPAR4	lysophosph	GO:000718	GO:000493	GO:000588	11	15	1.30	0.38
H20001082	H200010823	ENSG0000	NM_002407	4246	SCGB2A1	secretoglob	GO:003052	GO:004698	GO:0005615 extracellular space				
H30001956	H300019561	ENSG0000	NM_000627	4052	LTBP1	latent trans	GO:000328	GO:000502	GO:000152	205	133	0.65	-0.62
H20000847	H200008477	ENSG0000	NM_000237	4023	LPL	lipoprotein	GO:000152	GO:000446	GO:000557	81	45	0.55	-0.86
H30001950	H300019505	ENSG0000	NM_000221	3795	KHK	ketoheoxik	GO:000597	GO:000445	GO:000563	14	23	1.64	0.72
H20000497	H200004972	ENSG0000	XM_011524	3773	KCNJ16	potassium	GO:000681	GO:000524	GO:0005886 plasma m	3			
AHsV1000	AHsV10002398	ENSG0000	XM_005257	782	CACNB1	calcium vol	GO:000661	GO:000524	GO:000588	5	14	2.69	1.43
H30002073	H300020737	ENSG0000	NM_001271	755	C21orf2	chromosom	GO:000701	GO:000367	GO:000573	162	123	0.76	-0.39
H30002001	H300020017	ENSG0000	XM_011545	56834	GPRI37	G protein-c	-	-	GO:001602	145	132	0.91	-0.13
H20000630	H200006304	ENSG0000	NM_001697	539	ATP5O	ATP synth	GO:000675	GO:000521	GO:000563	13118	8941	0.68	-0.55
H20000388	H200003880	ENSG0000	NM_001030	353	APRT	adenine ph	GO:000614	GO:000205	GO:000565	4218	3634	0.86	-0.22
H20000949	H200009490	ENSG0000	NM_001256	329	BIRC2	baculoviral	GO:000020	GO:000371	GO:000174	1366	1237	0.91	-0.14
H20000014	H200000142	ENSG0000	NM_000678	146	ADRA1D	adrenocept	GO:000198	GO:000493	GO:000582	58	50	0.86	-0.21
AHsV1000	AHsV10002713	ENSG0000	NM_001286	125	ADH1B	alcohol def	GO:						

AHsV1000	AHsV10003588	-	NM_005534	3460	IFNGR2	interferon g	GO:000716	GO:000490	GO:000578	371	460	1.24	0.31		
H20000021	H200000215	ENSG0000	NM_004503	3223	HOXC6	homeobox	GO:000635	GO:000370	GO:000565	218	190	0.87	-0.19		
CHsGV100	CHsGV1000372	ENSG0000	XM_005269	3189	HNRNP3	heterogene	GO:000039	GO:000016	GO:000563	6510	6931	1.06	0.09		
AHsV1000	AHsV10001890	ENSG0000	NM_001256	2995	GYPC	glycophorin	-	GO:000551	GO:000588	1959	1848	0.94	-0.08		
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_006720	2972	BRF1	BRF1, RNA	GO:000635	GO:000827	GO:000012	158	178	1.13	0.18		
H20000476	H200004764	ENSG0000	NM_005284	2830	GPR6	G protein-c	GO:000337	GO:000493	GO:0005829	cytosol,G	5				
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_000407	2812	GP1BB	glycoprotei	GO:000715	GO:000488	GO:000588	3216	1991	0.62	-0.69		
H20000130	H200001305	ENSG0000	NM_012328	4189	DNAJB9	DnaJ heat	GO:003043	GO:000551	GO:000573	103	186	1.80	0.85		
H20001069	H200010696	ENSG0000	NM_005357	3991	LIPE	lipase E, hc	GO:000646	GO:000480	GO:000581	38	37	0.97	-0.04		
AHsV1000	AHsV10002600	ENSG0000	NM_005567	3959	LGALS3BP	lectin, galac	GO:000689	GO:000504	GO:000557	5	10	1.90	0.93		
CHsGV100	CHsGV1000154	ENSG0000	NM_002234	3741	KCNA5	potassium	GO:000166	GO:000510	GO:000578	4	8	2.04	1.03		
CHsGV100	CHsGV1000292	ENSG0000	NM_001142	3705	ITPK1	inositol-tet	GO:000716	GO:000028	GO:000582	47	45	0.96	-0.07		
AHsV1000	AHsV10001182	-	NM_001282	717	C2	complemen	GO:000650	GO:000425	GO:0005576	extracellu	8				
H20000657	H200006572	ENSG0000	NM_001281	686	BTD	biotinidase	GO:000676	GO:001681	GO:000557	167	160	0.96	-0.06		
H20000715	H200007155	ENSG0000	NR_033743	521	ATP5I	ATP synth	GO:002290	GO:001507	GO:000027	5775	4392	0.76	-0.40		
H30000457	H300004577	ENSG0000	NM_001679	483	ATP1B3	ATPase Na	GO:000681	GO:000167	GO:000588	3297	2498	0.76	-0.40		
AHsV1000	AHsV10002100	ENSG0000	NM_001154	308	ANXA5	annexin A5	GO:000223	GO:000485	GO:000562	1720	1523	0.89	-0.18		
H20001933	H200019338	ENSG0000	NM_001097	283	ANG	angiogenin,	GO:000152	GO:000367	GO:0005576	extracellu	12				
H20000412	H200004121	ENSG0000	NM_138448	98	ACYP2	acylphosph	GO:000679	GO:000399	GO:000573	107	160	1.50	0.59		
H20000647	H200006478	ENSG0000	NM_001199	72	ACTG2	actin, gamr	GO:000693	GO:000552	GO:0005615	extracellu	3				
AHsV1000	AHsV10001258	ENSG0000	XM_011520	6833	ABCC8	ATP bindin	GO:000611	GO:000526	GO:000588	53	52	0.98	-0.03		
H20001917	H200019173	ENSG0000	NM_005633	6654	SOS1	SOS Ras/F	GO:000016	GO:000367	GO:000582	105	107	1.02	0.03		
AHsV1000	AHsV10003002	ENSG0000	NM_001291	6632	SNRPD1	small nucle	GO:000024	GO:000372	GO:000024	1314	1242	0.94	-0.08		
AHsV1000	AHsV10002255	ENSG0000	NM_003022	6451	SH3BGR1	SH3 domai	GO:000996	GO:000507	GO:000561	417	446	1.07	0.10		
CHsGV100	CHsGV1000188	ENSG0000	NM_003015	6425	SFRP5	secreted fr	GO:000691	GO:000493	GO:000561	134	131	0.98	-0.03		
H20001035	H200010350	ENSG0000	NR_110313	3425	IDUA	iduronidase	GO:000090	GO:000394	GO:003013	11	24	2.21	1.14		
H20000808	H200008082	ENSG0000	NR_073446	3376	IARS	isoleucyl-t	GO:000164	GO:000216	GO:000565	3873	4372	1.13	0.17		
H20001410	H200014104	ENSG0000	NM_153675	3170	FOXA2	forkhead b	GO:000043	GO:000097	GO:000563	40	64	1.59	0.67		
AHsV1000	AHsV10002705	ENSG0000	NM_021958	3142	HLX	H2.0-like h	GO:000188	GO:000551	GO:0005634	nucleus					
AHsV1000	AHsV10001787	-	NM_000852	2950	GSTP1	glutathione	GO:000030	GO:000436	GO:000561	9073	6065	0.67	-0.58		
H20001037	H200010379	ENSG0000	NM_002090	2921	CXCL3	C-X-C mo	GO:000695	GO:000800	GO:000557	60	174	2.91	1.54		
AHsV1000	AHsV10002179	ENSG0000	NM_052847	2788	GNF7	guanine nu	GO:000166	GO:000487	GO:0005834	heterotrimeric G-protein comple					
H20001376	H200013766	ENSG0000	XM_011536	2764	GMP7	glia matura	GO:000646	GO:000377	GO:000562	1062	915	0.86	-0.21		
H30001284	H300012841	ENSG0000	XM_006711	4139	MARK1	microtubule	GO:000176	GO:000028	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005856	cytoskele				
H20001625	H200016257	ENSG0000	NM_203401	3925	STMN1	stathmin 1	GO:000028	GO:000487	GO:000562	3078	2198	0.71	-0.49		
CHsGV100	CHsGV1000338	ENSG0000	NM_000425	3897	L1CAM	L1 cell adh	GO:000693	GO:000517	GO:000588	113	101	0.90	-0.16		
AHsV1000	AHsV10000811	ENSG0000	NM_000211	3689	ITGB2	integrin sub	GO:000222	GO:000194	GO:0005886	plasma m	24				
H20000203	H200002032	ENSG0000	NM_001206	3664	IRF6	interferon r	GO:000635	GO:000097	GO:0005634	nucleus,G	4				
H30002182	H300021823	ENSG0000	XM_011514	667	DST	dystonin	GO:000022	GO:000377	GO:000560	68	115	1.68	0.74		
H30002252	H300022529	ENSG0000	XM_011544	649	BMP1	bone morpl	GO:000150	GO:000422	GO:000557	33	34	1.02	0.03		
H20000617	H200006172	ENSG0000	NM_001178	440	ASNS	asparagine	GO:000188	GO:000406	GO:000582	4308	9426	2.19	1.13		
CHsGV100	CHsGV1000208	ENSG0000	NM_198709	411	ARSB	arylsulfatas	GO:000597	GO:000394	GO:000573	22	29	1.34	0.43		
AHsV1000	AHsV10003480	ENSG0000	XM_011523	239	ALOX12	arachidona	GO:000692	GO:000405	GO:0005737	cytoplasm	5				
H20000628	H200006288	ENSG0000	NM_000689	216	ALDH1A1	aldehyde d	GO:000606	GO:000175	GO:000573	56	69	1.22	0.29		
CHsGV100	CHsGV1000193	ENSG0000	NM_001609	36	ACADSB	acyl-CoA d	GO:000663	GO:000006	GO:000573	62	46	0.74	-0.44		
H20001066	H200010665	ENSG0000	XM_006716	20	ABCA2	ATP bindin	GO:000635	GO:000016	GO:000576	38	34	0.88	-0.19		
H20000349	H200003495	ENSG0000	XM_005250	51337	THEM6	thioesteras	-	-	GO:000557	167	173	1.04	0.05		
AHsV1000	AHsV10001646	ENSG0000	NM_138636	51311	TLR8	toll like rec	GO:000177	GO:000367	GO:0000139	Golgi membrane,GO:0005789	end				
H30001864	H300018645	ENSG0000	NM_006871	11035	RIPK3	receptor in	GO:000191	GO:000371	GO:0005739	mitochondrion,GO:0005829	cytos				
H20001887	H200018876	ENSG0000	XM_011509	11009	IL24	interleukin	GO:000691	GO:000512	GO:0005615	extracellular space					
CHsGV100	CHsGV1000048	ENSG0000	XR_931743	10845	CLPX	caseinolytic	GO:000645	GO:000417	GO:000565	557	512	0.92	-0.12		
AHsV1000	AHsV10002275	ENSG0000	XM_011524	10801	42622	septin 9	GO:000704	GO:000392	GO:000172	2001	1584	0.79	-0.34		
AHsV1000	AHsV10003439	ENSG0000	NM_006462	10616	RBCK1	RANBP2-t	GO:000020	GO:000369	GO:000582	29	53	1.84	0.88		
AHsV1000	AHsV10001876	ENSG0000	NM_006442	10589	DRAP1	DR1 assoc	GO:000012	GO:000367	GO:000563	361	517	1.43	0.52		
H20000197	H200001978	ENSG0000	NM_001198	10432	RBM14	RNA bindin	GO:000626	GO:000016	GO:000565	277	182	0.66	-0.60		
H30000821	H300008212	ENSG0000	NM_006108	10418	SPON1	spondin 1	GO:000649	GO:000551	GO:000557	18	19	1.07	0.09		
CHsGV100	CHsGV1000239	ENSG0000	NM_001289	7287	TULP1	tubby like p	GO:000189	GO:000551	GO:0001750	photoreceptor outer segment,GO					
AHsV1000	AHsV10002027	ENSG0000	XM_005253	7251	TSG101	tumor susc	GO:000155	GO:000367	GO:000081	536	694	1.30	0.37		
H30001890	H300018900	ENSG0000	NM_001318	7035	TFPI	tissue fact	GO:000759	GO:000486	GO:000557	1034	629	0.61	-0.72		
CHsGV100	CHsGV1000109	ENSG0000	NM_007213	11230	PRAF2	PRA1 dom	GO:001503	-	GO:001000	895	809	0.90	-0.15		
AHsV1000	AHsV10001181	ENSG0000	NM_007193	11199	ANXA10	annexin A1	-	GO:000550	GO:0005739	mitochondrion					
H30001934	H300019349	ENSG0000	XM_011537	8650	NUMB	numb hom	GO:000721	GO:000551	GO:000563	63	65	1.04	0.06		
AHsV1000	AHsV10003115	ENSG0000	XM_011525	8632	DNAH17	dynein axo	GO:000153	GO:000377	GO:0005858	axonemal dynein complex,GO:000					
H20001113	H200011135	ENSG0000	NM_003581	8440	NCK2	NCK adapt	GO:000177	GO:000507	GO:000573	133	158	1.19	0.25		
H20000125	H200001253	ENSG0000	XM_011542	8412	BCAR3	breast can	GO:000208	GO:000508	GO:000562	88	68	0.77	-0.38		
H20000449	H200004494	ENSG0000	XM_011544	7976	FZD3	frizzled cla	GO:000173	GO:000493	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005886	plasma m				
AHsV1000	AHsV10001200	ENSG0000	NM_001308	7881	KCNAB1	potassium	GO:000681	GO:000403	GO:000582	4	9	2.22	1.15		
CHsGV100	CHsGV100006	ENSG0000	NM_003399	7512	XPNPEP2	X-prolyl am	GO:000650	GO:000417	GO:0005886	plasma m	8				
H20001039	H200010393	ENSG0000	NR_024047	7472	WNT2	wingless-ty	GO:000193	GO:000510	GO:000557	348	294	0.84	-0.25		
AHsV1000	AHsV10000880	ENSG0000	XR_921801	4688	NCF2	neutrophil	GO:000247	GO:000551	GO:0001669	acrosomal vesicle,GO:0005730	nu				
H30001952	H300019525	ENSG0000	NM_005966	4664	NAB1	NGFI-A bir	GO:000195	GO:000813	GO:000563	59	57	0.97	-0.04		
CHsGV100	CHsGV1000096	ENSG0000	NM_002426	4321	MMP12	matrix met	GO:000650	GO:000417	GO:0005576	extracellular region,GO:0005578					
H20000775	H200007757	-	XM_005255	51283	BFAR	bifunctiona	GO:000020	GO:000551	GO:000578	252	218	0.87	-0.21		
AHsV1000	AHsV10000684	ENSG0000	NM_016504	51264	MRPL27	mitochondr	GO:000641	GO:000373	GO:000574	1709	1270	0.74	-0.43		
H30001919	H300019194	ENSG0000	NM_006836	10985	GCN1	GCN1, eIF2	GO:000641	GO:000813	GO:000573	514	458	0.89	-0.17		
CHsGV100	CHsGV1000013	ENSG0000	NM_001034	10961	ERP29	endoplasm	GO:000018	GO:000375	GO:000578	1248	1900	1.52	0.61		
CHsGV100	CHsGV1000083	ENSG0000	NM_001144	10780	ZNF234	zinc finger	GO:000012	GO:000104	GO:0005634	nucleus					
CHsGV100	CHsGV1000214	ENSG0000	XM_005256	10749	KIF1C	kinesin fam	GO:000689	GO:000377	GO:000578	4	13	3.09	1.63		
H20000200	H200002002	ENSG0000	NM_006423	10567	RABAC1	Rab accept	-	GO:000551	GO:000579	162	144	0.89	-0.17		
H20001045	H200010450	ENSG0000	NM_001098	10553	HTATIP2	HIV-1 Tat	GO:000152	GO:000371	GO:000563	377	511	1.35	0.44		
H20000619	H200006197	ENSG0000	XM_011516	10397	NDRG1	N-myc dow	GO:000828	GO:000551	GO:0005634	nucleus,G	6				

AHsV1000	AHsV10002410	ENSG0000	NM_001200	8372	HYAL3	hyaluronog	GO:000597	GO:000161	GO:000557	81	72	0.89	-0.17
H20000151	H200001515	ENSG0000	XM_005274	8301	PICALM	phosphatid	GO:000646	GO:000551	GO:000563	742	1065	1.44	0.52
H30001101	H300011018	ENSG0000	NM_006302	7841	MOGS	mannosyl-c	GO:000645	GO:000457	GO:000578	80	82	1.03	0.05
DHsGV100	DHsGV1000114	ENSG0000	XM_011516	2843	GPR20	G protein-c	GO:000718	GO:000493	GO:000588	1750	1381	0.79	-0.34
AHsV1000	AHsV10000430	ENSG0000	XM_011518	7436	VLDLR	very low de	GO:000012	GO:000194	GO:0005634	nucleus,G	7		
H20000608	H200006081	ENSG0000	XM_005270	7414	VCL	vinculin	GO:000200	GO:000216	GO:000557	2994	2449	0.82	-0.29
CHsGV100	CHsGV1000302	ENSG0000	XM_011538	4640	MYO1A	myosin IA	GO:000760	GO:000377	GO:000573	532	471	0.89	-0.18
DHsGV100	DHsGV1000512	ENSG0000	NG_033796	-	RP5-1052M	-	-	-	-		5		
H20000638	H200006389	ENSG0000	NM_002416	4283	CXCL9	C-X-C mo	GO:000269	GO:000512	GO:0005576	extracellu	3		
AHsV1000	AHsV10003298	ENSG0000	NM_016436	51230	PHF20	PHD finger	GO:000632	GO:000367	GO:000012	68	108	1.59	0.67
H20000366	H200003668	ENSG0000	NM_016323	51191	HERC5	HECT and	GO:000007	GO:000484	GO:000582	55	61	1.12	0.17
H20000577	H200005772	-	NR_073012	10942	PRSS21	protease, s	GO:000650	GO:000425	GO:000573	503	405	0.81	-0.31
H20000222	H200002225	ENSG0000	XR_944306	10915	TCEERG1	transcripti	GO:000012	GO:000110	GO:000563	607	609	1.00	0.01
AHsV1000	AHsV10001352	ENSG0000	NM_006598	10723	SLC12A7	solute carr	GO:000681	GO:001537	GO:0005886	plasma membra	GO:0005887	in	
H30001962	H300019622	ENSG0000	XM_011521	10681	GNB5	guanine nu	GO:000716	GO:000392	GO:000175	9	9	0.96	-0.07
AHsV1000	AHsV10000387	ENSG0000	XM_006717	10531	PITRM1	pitrilysin m	GO:000650	GO:000422	GO:000573	112	157	1.41	0.49
H20001404	H200014046	ENSG0000	NM_001271	10494	STK25	serine/thre	GO:000646	GO:000467	GO:000013	329	252	0.76	-0.39
H20000508	H200005086	ENSG0000	NM_001190	10321	CRISP3	cysteine ric	GO:000695	GO:000367	GO:0005576	extracellu	7		
CHsGV100	CHsGV1000023	ENSG0000	NM_005879	10293	TRAF1	TRAF inter	GO:000691	GO:000505	GO:000573	138	176	1.27	0.35
CHsGV100	CHsGV1000173	ENSG0000	NM_007115	7130	TNFAIP6	TNF alpha	GO:000695	GO:000554	-		4		
H20000708	H200007085	ENSG0000	XM_006719	7103	TSPAN8	tetraspanin	GO:000716	GO:000517	GO:0005887	integral c	3		
CHsGV100	CHsGV1000060	ENSG0000	XM_005255	6911	TBX6	T-box 6	GO:000012	GO:000108	GO:000563	10	16	1.51	0.59
CHsTV100	CHsTV1000004	ENSG0000	NM_023085	11132	CAPN10	calpain 10	GO:000650	GO:000014	GO:000562	136	113	0.83	-0.26
DHsGV100	DHsGV1000375	ENSG0000	XM_006711	51043	ZBTB7B	zinc finger	GO:000636	GO:000097	GO:000563	32	31	0.95	-0.07
H20001746	H200017465	ENSG0000	NM_003662	8544	PIR	pirin	GO:000635	GO:000371	GO:000563	184	221	1.20	0.26
H30001969	H300019691	ENSG0000	XM_011519	8518	IKBKAP	inhibitor of	GO:000632	GO:000099	GO:000012	832	749	0.90	-0.15
H30001820	H300018204	ENSG0000	NM_001039	8239	USP9X	ubiquitin sp	GO:000012	GO:000419	GO:000573	83	93	1.12	0.16
H20000593	H200005937	ENSG0000	NM_006012	8192	CLPP	caseinolyti	GO:005126	GO:000425	GO:000573	1217	855	0.70	-0.51
CHsGV100	CHsGV1000308	ENSG0000	NM_001318	7738	ZNF184	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	65	85	1.30	0.38
AHsV1000	AHsV10000602	ENSG0000	NM_001289	7694	ZNF135	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus			
H30001875	H300018755	ENSG0000	NM_207291	7392	USF2	upstream t	GO:000043	GO:000370	GO:000563	359	303	0.84	-0.25
H30000409	H300004091	ENSG0000	NM_012474	7371	UCK2	uridine-cyt	GO:000620	GO:000484	GO:000557	1428	1246	0.87	-0.20
AHsV1000	AHsV10002680	ENSG0000	NM_001048	4595	MUTYH	mutY DNA	GO:000628	GO:000551	GO:000563	69	85	1.25	0.32
H30002114	H300021146	ENSG0000	NM_012335	4542	MYO1F	myosin IF	GO:000716	GO:000377	GO:001646	10	30	2.92	1.55
AHsV1000	AHsV10002064	ENSG0000	XM_011535	4217	MAP3K5	mitogen-ad	GO:000016	GO:000028	GO:000582	102	97	0.95	-0.07
CHsGV100	CHsGV1000062	ENSG0000	NM_016230	51167	CYB5R4	cytochrom	GO:000303	GO:000395	GO:000578	496	541	1.09	0.12
CHsGV100	CHsGV1000013	ENSG0000	XM_005273	51133	KCTD3	potassium	GO:005126	-	-	335	347	1.03	0.05
H20000844	H200008444	ENSG0000	NM_173844	10892	MALT1	MALT1 par	GO:000192	GO:000202	GO:000563	7	12	1.70	0.76
CHsGV100	CHsGV1000334	ENSG0000	XM_011520	10867	TSPAN9	tetraspanin	GO:000716	GO:000367	GO:000588	11	15	1.35	0.43
H20000405	H200004053	ENSG0000	XM_011509	10654	PMVK	phosphome	GO:000669	GO:000463	GO:000577	179	154	0.86	-0.22
CHsGV100	CHsGV1000264	ENSG0000	NM_006477	10633	RAS like fa	GO:000726	GO:000392	GO:000573	24	23	0.94	-0.09	
AHsV1000	AHsV10000942	ENSG0000	NM_001265	10471	PFND6	prefoldin su	GO:000645	GO:005108	GO:000573	1303	1443	1.11	0.15
CHsGV100	CHsGV1000088	ENSG0000	NM_006116	10454	TAB1	TGF-beta	GO:000018	GO:000472	GO:000565	17	25	1.46	0.55
H20000347	H200003476	ENSG0000	NM_005858	10270	AKAP8	A-kinase a	GO:000706	GO:000369	GO:000193	484	344	0.71	-0.49
H20000275	H200002759	ENSG0000	NM_005837	10248	POP7	POP7 hom	GO:000803	GO:000452	GO:000563	1481	806	0.54	-0.88
H20001718	H200017188	ENSG0000	NM_001271	7084	TK2	thymidine k	GO:000613	GO:000413	GO:000574	31	43	1.39	0.48
CHsGV100	CHsGV1000292	ENSG0000	XM_011521	7057	THBS1	thrombospi	GO:000018	GO:000178	GO:0005576	extracellu	4		
AHsV1000	AHsV10000065	ENSG0000	XM_011544	6867	TACC1	transformin	GO:000022	GO:000551	GO:000563	84	144	1.71	0.78
H20000448	H200004482	ENSG0000	NM_007032	11078	TRIOBP	TRIO and F	GO:000706	GO:001704	GO:000563	52	69	1.33	0.41
AHsV1000	AHsV10000583	ENSG0000	XM_011516	11059	WWP1	WW domain	GO:000716	GO:000484	GO:000015	114	135	1.19	0.25
CHsGV100	CHsGV1000050	ENSG0000	NM_003620	8493	PPM1D	protein pho	GO:000008	GO:000472	GO:000563	185	193	1.05	0.07
CHsGV100	CHsGV1000342	ENSG0000	NM_003597	8462	KLF11	Kruppel-lik	GO:000008	GO:000098	GO:000563	79	110	1.39	0.48
H20000078	H200000786	ENSG0000	NR_073008	8099	CDK2AP1	cyclin-depe	GO:000193	GO:000551	GO:000563	2982	2427	0.81	-0.30
CHsGV100	CHsGV1000376	ENSG0000	XM_005252	8027	STAM	signal trans	GO:000688	GO:000507	GO:000582	294	248	0.84	-0.24
AHsV1000	AHsV10000327	ENSG0000	XM_011542	7579	ZSCAN20	zinc finger	GO:000635	GO:000097	GO:000563	8	27	3.39	1.76
H30000716	H300007169	ENSG0000	NM_003412	7545	ZIC1	Zic family r	GO:000636	GO:000097	GO:000563	6	10	1.62	0.69
H20000845	H200008458	ENSG0000	XM_005268	7337	UBE3A	ubiquitin pr	GO:000154	GO:000371	GO:000050	568	518	0.91	-0.13
CHsGV100	CHsGV1000321	ENSG0000	NM_001281	7314	UBB	ubiquitin B	GO:000008	GO:000551	GO:000561	34410	21576	0.63	-0.67
H30001951	H300019518	ENSG0000	NM_138634	4477	MSMB	microsemin	GO:000815	GO:000367	GO:0005615	extracellular space,GO:0005634	r		
H20000660	H200006603	ENSG0000	NM_001318	4345	CD200	CD200 mol	GO:000715	GO:000487	GO:0005886	plasma membra	GO:0005887	in	
H20001608	H200016087	ENSG0000	NM_000529	4158	MC2R	melanocort	GO:000189	GO:000497	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005886	plasma m		
H20002058	H200020580	ENSG0000	NM_054021	83550	GPR101	G protein-c	GO:000726	GO:000493	GO:0005887	integral component of plasma me			
CHsGV100	CHsGV1000329	ENSG0000	NM_001005	81442	OR6N2	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:0005886	plasma m	5		
H20001820	H200018203	ENSG0000	XM_011521	81029	WNT5B	wingless-ty	GO:000206	GO:000510	GO:000557	96	136	1.42	0.51
AHsV1000	AHsV10001780	ENSG0000	NR_104345	80164	PRR36	proline rich	-	-	-				
CHsGV100	CHsGV1000314	ENSG0000	NM_025065	80135	RPF1	ribosome p	GO:000002	GO:000372	GO:000573	1406	1367	0.97	-0.04
H20000722	H200007221	ENSG0000	NM_024795	79853	TM4SF20	transmemb	-	-	GO:0005886	plasma m	3		
AHsV1000	AHsV10001806	ENSG0000	NM_001076	79832	QSER1	glutamine a	-	-	-	216	236	1.09	0.12
AHsV1000	AHsV10001638	ENSG0000	NM_017659	54814	QPCTL	glutaminyli	GO:001718	GO:000827	GO:000013	16	22	1.41	0.50
H20001126	H200011268	ENSG0000	XM_011517	54796	BNC2	basonuclin	GO:000341	GO:000367	GO:0005634	nucleus,GO:0005737	cytoplasm,C		
AHsV1000	AHsV10001962	ENSG0000	XM_005268	54434	SSH1	slingshot p	GO:000090	GO:000367	GO:0005654	nucleopla	8		
AHsV1000	AHsV10002646	ENSG0000	NM_018968	54221	SNTG2	syntrophin	GO:000741	GO:000377	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005856	cytoskele		
AHsV1000	AHsV10001466	ENSG0000	NM_001040	51665	ASB1	ankyrin rep	GO:001656	GO:000367	GO:000562	175	234	1.34	0.42
AHsV1000	AHsV10001080	ENSG0000	NM_016024	51634	RBMX2	RNA bindin	GO:000039	GO:000016	GO:000568	673	729	1.08	0.11
H30001933	H300019336	ENSG0000	NM_001168	55748	CNDP2	CNDP dipe	GO:000009	GO:000418	GO:000565	175	154	0.88	-0.19
AHsV1000	AHsV10000679	ENSG0000	NM_018708	55527	FEM1A	fem-1 hom	GO:001656	GO:000484	GO:000573	191	211	1.11	0.15
CHsGV100	CHsGV1000266	ENSG0000	NM_144736	55471	NDUFAF7	NADH:ubiq	GO:002290	GO:000816	GO:000561	315	349	1.11	0.15
AHsV1000	AHsV10002688	ENSG0000	NM_018196	55217	TMLHE	trimethyllys	GO:000908	GO:000550	GO:000573	146	182	1.25	0.32
CHsGV100	CHsGV1000376	ENSG0000	XR_931514	55200	PLEKHG6	pleckstrin p	GO:003502	GO:000508	GO:000092	13	16	1.22	0.28
H20000245	H200002451	ENSG0000	NM_017931	55020	TTC38	tetratricop	-	-	GO:007006	85	107	1.27	0.34
AHsV1000	AHsV10000379	ENSG0000	NM_001317	54996	42431	mitochondr	GO:004212	GO:000894	GO:000573	12	15	1.21	0.28
CHsGV100	CHsGV1000198	ENSG0000	XM_011522	23295	MGRN1	mahogunin	GO:000020	GO:000484	GO:000563	16	22		

AHsV1000	AHsV10003330	ENSG0000	XM_011517	80728	ARHGAP39	Rho GTPase	GO:000726	-	GO:0005634 nucleus,GO	11				
CHsGV100	CHsGV1000048	ENSG0000	NM_025040	80110	ZNF614	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000557	26	37	1.43	0.52	
AHsV1000	AHsV10000398	ENSG0000	XR_930516	80013	FAM188A	family with	GO:000691	GO:000551	GO:000565	335	527	1.57	0.65	
H30001365	H300013654	ENSG0000	NM_024751	79807	GSTCD	glutathione	GO:000815	GO:000367	GO:000573	63	82	1.29	0.37	
AHsV1000	AHsV10001506	ENSG0000	NR_073043	79781	IQCA1	IQ motif co	-	GO:000552	-	-	-	-	-	-
AHsV1000	AHsV10000510	ENSG0000	XR_941609	54737	MPHOSPH	M-phase p	GO:000635	GO:000551	GO:000078	63	78	1.24	0.31	
H30001191	H300011914	ENSG0000	XM_005252	54662	TBC1D13	TBC1 dom	GO:004354	GO:000509	-	7	16	2.23	1.16	
AHsV1000	AHsV10003511	ENSG0000	NR_040087	54093	SETD4	SET domai	GO:001802	GO:001627	GO:000573	159	143	0.90	-0.15	
H30002005	H300020056	ENSG0000	XM_011519	53904	MYO3A	myosin IIIA	GO:000760	GO:000014	GO:0001917 photoreceptor inner segment,GO	-	-	-	-	-
H20001150	H200011500	-	NM_001014	51596	CUTA	cutA divale	GO:000810	GO:000551	GO:001602	3131	2439	0.78	-0.36	
H30000657	H300006578	ENSG0000	NM_016577	51560	RAB6B	RAB6B, me	GO:000689	GO:000392	GO:000013	26	21	0.78	-0.35	
H30001835	H300018358	ENSG0000	NM_018032	55692	LUC7L	LUC7-like	GO:000637	GO:000372	GO:000568	30	29	0.97	-0.05	
H20000346	H200003467	ENSG0000	XM_011520	55359	STYK1	serine/thre	GO:000716	GO:000471	GO:0005886 plasma m	6	-	-	-	-
CHsGV100	CHsGV100015	ENSG0000	NM_001006	55339	WDR33	WD repeat	GO:000630	GO:004482	GO:000558	396	301	0.76	-0.40	
H20000140	H200001405	ENSG0000	NM_018149	55181	SMG8	SMG8 nons	GO:000018	GO:000551	GO:000557	671	529	0.79	-0.34	
H30000803	H300008039	ENSG0000	XM_005251	55156	ARMC1	armadillo re	GO:003000	GO:000551	GO:000573	1927	1574	0.82	-0.29	
AHsV1000	AHsV10003413	ENSG0000	XM_011542	54970	TTC12	tetratricop	-	GO:000551	GO:000581	15	28	1.84	0.88	
AHsV1000	AHsV10002492	ENSG0000	XM_011521	54939	COMMD4	COMM dom	GO:000635	GO:000551	GO:000563	1829	1416	0.77	-0.37	
H30001116	H300011162	ENSG0000	XM_011537	23250	ATP11A	ATPase ph	GO:000815	GO:000028	GO:000576	20	42	2.11	1.08	
AHsV1000	AHsV10002893	ENSG0000	NM_015184	23228	PLCL2	phospholipa	GO:000232	GO:000443	GO:0005737 cytoplasm	-	-	-	-	-
CHsGV100	CHsGV100028	ENSG0000	NM_001271	23065	EMC1	ER membra	GO:003497	-	GO:001602	221	213	0.96	-0.06	
AHsV1000	AHsV10002651	-	XM_005255	23042	PDXDC1	pyridoxal-d	GO:001975	GO:001683	GO:000579	254	303	1.19	0.25	
H30001302	H300013020	ENSG0000	NM_014927	22866	CNKSR2	connector	GO:000996	GO:004280	GO:0005794 Golgi apparatus,GO:0005886 plas	-	-	-	-	-
H30000398	H300003980	ENSG0000	XM_005265	22838	RNF44	ring finger	-	GO:000827	-	49	50	1.02	0.03	
CHsGV100	CHsGV1000262	ENSG0000	NM_022818	81631	MAP1LC3E	microtubule	GO:000004	GO:000551	GO:000042	1010	1074	1.06	0.09	
H20000968	H200009684	ENSG0000	XM_006722	80347	COASY	Coenzyme	GO:000676	GO:000414	GO:000565	370	469	1.27	0.34	
H20001184	H200011847	ENSG0000	NM_025208	80310	PDGFD	platelet der	GO:000727	GO:000516	GO:000013	27	29	1.10	0.13	
AHsV1000	AHsV10001556	ENSG0000	NM_001307	79983	POF1B	premature	-	GO:000377	GO:0005923 bicellular tight junction	-	-	-	-	-
CHsGV100	CHsGV100033	ENSG0000	NM_024893	79953	SYNDIG1	synapse dif	GO:000688	GO:000551	GO:000588	6	12	2.22	1.15	
AHsV1000	AHsV10001840	ENSG0000	NR_024581	79754	ASB13	ankyrin rep	GO:001656	GO:000551	GO:000562	89	86	0.97	-0.05	
AHsV1000	AHsV10003594	ENSG0000	NM_024663	79716	NPEPL1	aminopepti	GO:000650	GO:000417	GO:000563	23	27	1.19	0.25	
AHsV1000	AHsV10003111	ENSG0000	NM_001286	54558	SPATA6	spermatoge	GO:000727	GO:003202	GO:0005576 extracellular region,GO:0097224	-	-	-	-	-
H20001174	H200011743	ENSG0000	NM_019058	54541	DDIT4	DNA dama	GO:000166	GO:007188	GO:000562	1288	4204	3.26	1.71	
H20000833	H200008337	ENSG0000	NM_001281	53615	MBD3	methyl-Cp	GO:000012	GO:000097	GO:000079	232	218	0.94	-0.09	
H20001584	H200015841	ENSG0000	NM_017423	51809	GALNT7	polypeptide	GO:000597	GO:000465	GO:000013	671	654	0.97	-0.04	
CHsGV100	CHsGV100007	ENSG0000	XM_011545	51524	TMEM138	transmemb	GO:004238	-	GO:000577	379	251	0.66	-0.60	
H20001427	H200014271	ENSG0000	NM_016021	51465	UBE2J1	ubiquitin co	GO:000728	GO:000552	GO:000573	304	310	1.02	0.03	
AHsV1000	AHsV10003514	ENSG0000	NM_001129	55634	KRBOX4	KRAB box	GO:000635	GO:000367	GO:000562	62	91	1.46	0.55	
AHsV1000	AHsV10000826	ENSG0000	NM_018339	55312	RFK	riboflavin k	GO:000676	GO:000552	GO:000573	207	168	0.81	-0.30	
AHsV1000	AHsV10001206	ENSG0000	NM_018301	55285	RBM41	RNA bindin	GO:000039	GO:000016	GO:000568	139	168	1.21	0.27	
H20001750	H200017505	ENSG0000	NM_018062	55120	FANCL	Fanconi an	GO:000223	GO:000484	GO:000563	910	905	0.99	-0.01	
AHsV1000	AHsV10000143	ENSG0000	NM_018029	55096	EBLN2	endogenou	-	-	-	64	83	1.30	0.37	
H20000372	H200003727	ENSG0000	XM_011536	54916	TMEM260	transmemb	-	-	GO:001602	12	27	2.13	1.09	
H30002221	H300022218	-	XM_011518	54886	PLPPR1	phospholipi	GO:000664	GO:004257	GO:0005887 integral c	4	-	-	-	-
H30002123	H300021237	ENSG0000	XR_934429	23210	JMJD6	jumonji dor	GO:000182	GO:000372	GO:000563	646	632	0.98	-0.03	
H20000663	H200006633	ENSG0000	NM_015150	23180	RFTN1	raftlin, lipid	GO:000176	GO:000372	GO:0005737 cytoplasm	19	-	-	-	-
AHsV1000	AHsV10000142	ENSG0000	NR_049763	23019	CNOT1	CCR4-NOT	GO:000012	GO:000453	GO:000093	63	87	1.39	0.47	
H20001521	H200015214	ENSG0000	XM_011544	22992	KDM2A	lysine deme	GO:000170	GO:000827	GO:000079	86	121	1.42	0.50	
AHsV1000	AHsV10002053	ENSG0000	XM_011515	22798	LAMB4	laminin sub	GO:000715	-	GO:0005604 basement membrane	-	-	-	-	-
H30001968	H300019680	ENSG0000	NM_181864	11332	ACOT7	acyl-CoA t	GO:000906	GO:000006	GO:000565	395	289	0.73	-0.45	
CHsGV100	CHsGV100037	ENSG0000	XM_006720	81556	VWA9	von Willebr	-	-	-	474	441	0.93	-0.10	
AHsV1000	AHsV10002773	ENSG0000	NR_104470	80255	SLC35F5	solute carr	GO:000681	-	GO:001602	146	135	0.93	-0.11	
H20000939	H200009390	ENSG0000	XM_005254	80208	SPG11	spastic par	GO:000808	GO:000551	GO:000573	366	540	1.47	0.56	
AHsV1000	AHsV10000537	ENSG0000	NM_001159	79908	BTNL8	butyrophilin	GO:000225	GO:000551	GO:0016021 integral component of membrane	-	-	-	-	-
AHsV1000	AHsV10002450	ENSG0000	NM_001146	79883	PODNL1	podocan-lik	GO:000646	GO:000486	GO:0005578 proteinaceous extracellular matri	-	-	-	-	-
H30001689	H300016891	ENSG0000	NM_024636	79689	STEAP4	STEAP4 m	GO:001567	GO:000882	GO:0000139 Golgi membrane,GO:0005768 end	-	-	-	-	-
AHsV1000	AHsV10001743	ENSG0000	XM_011525	79665	DHX40	DEAH-box	GO:000639	GO:000400	GO:000573	529	350	0.66	-0.60	
H20001070	H200010700	ENSG0000	NM_019027	54502	RBM47	RNA bindin	GO:000224	GO:000016	GO:000563	54	26	0.49	-1.04	
CHsGV100	CHsGV1000013	ENSG0000	NM_019003	54466	SPIN2A	spindlin fam	GO:000704	GO:000367	GO:0005575 cellular_co	10	-	-	-	-
H20000158	H200001589	ENSG0000	XM_011517	51754	TMEM8B	transmemb	GO:000716	GO:000551	GO:000563	99	84	0.85	-0.23	
CHsGV100	CHsGV100002	ENSG0000	NM_001130	51719	CAB39	calcium bin	GO:000705	GO:000467	GO:000582	558	653	1.17	0.23	
H20001144	H200011443	ENSG0000	NM_001317	51406	NOL7	nucleolar p	-	GO:004482	GO:000563	2962	3339	1.13	0.17	
H20001749	H200017491	ENSG0000	NM_001243	51368	TEX264	testis expr	-	GO:000551	GO:007006	135	119	0.89	-0.17	
AHsV1000	AHsV10000247	ENSG0000	XR_929827	55582	KIF27	kinesin fam	GO:000335	GO:000377	GO:0005737 cytoplasm	5	-	-	-	-
AHsV1000	AHsV10001607	ENSG0000	NM_018271	55258	THNSL2	threonine s	GO:000815	GO:000367	GO:0005575 cellular_component,GO:0005615	-	-	-	-	-
H20001473	H200014739	ENSG0000	XM_011536	55237	VRTN	vertebrae d	GO:000631	GO:000480	-	-	-	-	-	-
AHsV1000	AHsV10001929	ENSG0000	NM_017998	55071	C9orf40	chromosom	-	-	-	145	161	1.11	0.15	
CHsGV100	CHsGV100002	ENSG0000	XM_011536	55051	NRDE2	NRDE-2, n	GO:000815	GO:000367	GO:000557	37	37	1.00	0.00	
AHsV1000	AHsV10000448	ENSG0000	NM_015590	54865	GPATCH4	G-patch do	-	GO:000551	-	745	530	0.71	-0.49	
CHsGV100	CHsGV1000108	ENSG0000	NM_001135	54834	GDAP2	ganglioside	GO:003252	GO:000551	GO:000576	76	99	1.30	0.38	
CHsGV100	CHsGV1000214	ENSG0000	XM_005256	23164	MPRI1	myosin pho	-	GO:000377	GO:000573	81	66	0.82	-0.29	
CHsGV100	CHsGV100013	ENSG0000	XM_011534	23141	ANKLE2	ankyrin rep	GO:000027	GO:000551	GO:000578	108	197	1.82	0.87	
CHsGV100	CHsGV100008	ENSG0000	XM_005266	22953	P2RX2	purinergic r	GO:000166	GO:000161	GO:0005639 integral component of nuclear inn	-	-	-	-	-
CHsGV100	CHsGV100030	ENSG0000	NM_001007	22925	PLA2R1	phospholipa	GO:000181	GO:000487	GO:0005576 extracellular region,GO:0005886	-	-	-	-	-
H20000151	H200001514	ENSG0000	NM_001145	11309	SLCO2B1	solute carr	GO:001572	GO:000851	GO:000588	32	36	1.13	0.17	
H30000832	H300008322	ENSG0000	NM_001282	11259	FILIP1L	filamin A in	GO:000815	GO:000367	GO:000563	10	35	3.46	1.79	
DHsGV100	DHsGV1000346	-	-	-	-	-	-	-	-	-	5	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000003	-	-	-	-	-	-	-	-	-	89	81	0.91	-0.14
CHsGV100	CHsGV1000116	-	-	-	-	-	-	-	-	-	3	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000202	ENSG0000	-	-	RP1-302D	-	-	-	-	-	9	15	1.63	0.71
DHsGV100	DHsGV1000395	ENSG0000	NM_001195	284297	SSC5D	scavenger	GO:000689	GO:000196	GO:000561	183	162	0.88	-0.18	
CHsGV100	CHsGV1000185	ENSG0000	XM_011524	284110	GSDMA	gasdermin	GO:000691	-	GO:0048471 perinuclea	7	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV100021	ENSG0000	NR_034107	257396	LOC25739	uncharacte	-	-	-	22	22	1.00	0.	

CHsGV100	CHsGV100037	ENSG0000	NM_001040	343637	RSPO4	R-spondin	GO:001605	GO:000820	GO:000557	14	18	1.26	0.33
AHsV1000	AHsV10000382	ENSG0000	NM_001080	342933	ZSCAN5B	zinc finger	GO:000635	GO:000098	GO:0005634	nucleus			
H30000529	H300005298	ENSG0000	NM_175067	319100	TAAR6	trace amine	GO:000718	GO:000159	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021 in			
DHsGV100	DHsGV100021	ENSG0000	XR_929774	286238	LOC28623	uncharacte	-	-	-	8	16	1.92	0.94
AHsV1000	AHsV10003265	ENSG0000	NM_145039	92806	CENPBD1	CENPB DN	-	GO:000367	GO:000563	169	156	0.92	-0.12
CHsGV100	CHsGV1000265	ENSG0000	NM_152279	92285	ZNF585B	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus			
AHsV1000	AHsV10000026	ENSG0000	XM_011538	89894	TMEM116	transmemb	GO:000815	GO:000367	GO:000557	73	82	1.12	0.17
AHsV1000	AHsV10003282	ENSG0000	NM_001171	89790	SIGLEC10	sialic acid b	GO:000715	GO:003024	GO:000557	8	19	2.39	1.26
H20001099	H200010994	ENSG0000	NM_032804	84890	ADO	2-aminoeth	GO:005511	GO:004687	GO:000573	543	516	0.95	-0.07
AHsV1000	AHsV10000892	ENSG0000	NM_001184	84824	FCRLA	Fc recepto	GO:003015	-	GO:0005737	cytoplasm	6		
AHsV1000	AHsV10002748	ENSG0000	NM_032330	84290	CAPNS2	calpain sma	GO:000650	GO:000419	GO:0005737	cytoplasm	17		
H30001848	H300018487	ENSG0000	XM_011524	84254	CAMKK1	calcium/ca	GO:000646	GO:000468	GO:000563	127	110	0.86	-0.22
CHsGV100	CHsGV1000150	-	NM_177925	55766	H2AFJ	H2A histon	GO:000634	GO:000367	GO:000078	42	39	0.93	-0.11
DHsGV100	DHsGV100002	ENSG0000	-	29110	TBK1	TANK-bind	GO:000222	GO:000367	GO:000573	40	36	0.90	-0.15
CHsGV100	CHsGV100012	ENSG0000	XM_011535	100128327	TRAPPC3L	trafficking	GO:001619	-	GO:0005783	endoplasmic reticulum,GO:00057			
DHsGV100	DHsGV1000196	ENSG0000	-	728558	ENTPD1-A	ENTPD1 ar	-	-	-	33	35	1.07	0.10
DHsGV100	DHsGV1000086	ENSG0000	NR_047009	100874155	LINC00392	long interge	-	-	-				
CHsGV100	CHsGV1000406	ENSG0000	NM_001301	283948	NHLRC4	NHL repeat	-	-	-	69	70	1.01	0.01
DHsGV100	DHsGV1000196	ENSG0000	NM_001304	283685	GOLGA6L2	golgin A6 fa	-	GO:000551	GO:0005794	Golgi appa	5		
AHsV1000	AHsV10002198	ENSG0000	NR_104042	255919	CNEPIR1	CTD nuclea	GO:000027	GO:000551	GO:000563	145	187	1.29	0.37
AHsV1000	AHsV10000755	ENSG0000	NR_033151	255189	PLA2G4F	phospholipa	GO:000151	GO:000462	GO:0005765	lysosomal membrane,GO:0005829			
AHsV1000	AHsV10003493	ENSG0000	NR_104452	221322	TBC1D32	TBC1 doma	GO:000208	-	GO:000573	10	18	1.81	0.86
CHsGV100	CHsGV1000168	ENSG0000	XM_011519	221061	FAM171A1	family with	-	-	GO:001602	39	56	1.43	0.52
H30001700	H300017001	ENSG0000	NM_206996	200162	SPAG17	sperm asso	GO:000334	-	GO:0005654	nucleoplasm,GO:0005737 cytopla			
H30000370	H300003706	ENSG0000	NM_173544	199786	FAM129C	family with	-	-	-				
H30000788	H300007882	ENSG0000	NM_031296	83452	RAB33B	RAB33B, n	GO:000004	GO:000392	GO:000013	63	82	1.29	0.37
DHsGV100	DHsGV1000111	ENSG0000	-	-	RP11-185N	-	-	-	-	84	75	0.89	-0.17
AHsV1000	AHsV10001648	ENSG0000	NM_001010	340554	ZC3H12B	zinc finger	GO:009030	GO:000451	-				
AHsV1000	AHsV10002714	ENSG0000	XM_011516	285973	ATG9B	autophagy	GO:000004	-	GO:0000407	pre-autophagosomal structure,G			
DHsGV100	DHsGV1000348	ENSG0000	XM_006714	285556	LOC28555	uncharacte	-	-	-	33	32	0.98	-0.03
AHsV1000	AHsV10001318	ENSG0000	NM_138376	91875	TTC5	tetratricop	GO:000628	GO:000367	GO:000565	104	79	0.76	-0.40
CHsGV100	CHsGV1000168	ENSG0000	XM_005250	91584	PLXNA4	plexin A4	GO:000741	GO:001715	GO:0002116	semaphorin receptor complex,GC			
CHsGV100	CHsGV1000066	ENSG0000	-	85452	CFAP74	cilia and fla	GO:003508	-	GO:0005856	cytoskeleton,GO:0005930 axoner			
CHsGV100	CHsGV1000318	ENSG0000	NM_033089	85364	ZCCHC3	zinc finger	-	GO:000827	-	108	101	0.94	-0.09
AHsV1000	AHsV10000896	ENSG0000	NM_013318	84726	PRRC2B	proline rich	-	GO:000551	-	272	371	1.36	0.45
AHsV1000	AHsV10000722	ENSG0000	XM_011525	84669	USP32	ubiquitin sp	GO:000651	GO:000484	GO:000573	110	132	1.21	0.27
CHsGV100	CHsGV1000204	ENSG0000	NR_110310	84191	FAM96A	family with	GO:000705	GO:000367	GO:000557	2038	1750	0.86	-0.22
CHsGV100	CHsGV1000038	ENSG0000	XM_011542	84144	SYDE2	synapse de	GO:000726	GO:000509	GO:000573	13	19	1.51	0.60
CHsGV100	CHsGV1000129	ENSG0000	XM_011539	55719	SLF2	SMC5-SMC	GO:000628	GO:000551	GO:0000785	chromatin	24		
DHsGV100	DHsGV1000436	ENSG0000	NM_001289	101927322	LOC10192	uncharacte	-	-	-	12	11	0.91	-0.14
DHsGV100	DHsGV1000491	ENSG0000	-	-	AP000619.	-	-	-	-				
AHsV1000	AHsV10002601	ENSG0000	NM_001287	730112	FAM166B	family with	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000242	-	-	-	-	-	-	-	-	65	63	0.98	-0.03
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_011538	283461	C12orf40	chromosom	-	GO:000551	-		5		
CHsGV100	CHsGV1000285	ENSG0000	XM_011544	283237	TTC9C	tetratricop	GO:000041	GO:000375	GO:000578	230	226	0.98	-0.03
AHsV1000	AHsV10003451	ENSG0000	NR_049760	254268	AKNAD1	AKNA dom	-	-	GO:0005737	cytoplasm			
AHsV1000	AHsV10003440	ENSG0000	NM_174931	253635	GPATCH1	G-patch dc	-	GO:000367	-	129	138	1.07	0.10
H20000540	H200005407	ENSG0000	XM_011544	220001	WVCE	von Willebr	GO:000828	GO:000550	GO:000557	24	27	1.10	0.13
AHsV1000	AHsV10002746	ENSG0000	NM_001005	219487	OR5M11	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021 in			
AHsV1000	AHsV10003268	ENSG0000	XM_011521	197135	PATL2	protein ass	GO:000029	GO:000372	GO:0000932	cytoplasm	7		
DHsGV100	DHsGV1000357	ENSG0000	NM_001101	196415	C12orf77	chromosom	-	-	-	12	19	1.60	0.68
H30000285	H300002858	ENSG0000	NM_001293	81848	SPRY4	sprouty RT	GO:000727	GO:000551	GO:000573	190	172	0.90	-0.14
AHsV1000	AHsV10002421	ENSG0000	NM_001163	340069	FAM170A	family with	GO:000636	GO:000367	GO:0005634	nucleus	5		
CHsGV100	CHsGV1000077	ENSG0000	NM_001001	339665	SLC35E4	solute carr	-	-	GO:001602	5	10	2.17	1.12
AHsV1000	AHsV10001233	ENSG0000	NM_001308	285315	C3orf33	chromosom	GO:005109	-	GO:000561	33	51	1.52	0.60
AHsV1000	AHsV10000772	ENSG0000	NM_001002	285016	FAM150B	family with	-	-	GO:0005576	extracellular region			
H20000182	H200001829	ENSG0000	NM_138774	91300	R3HDM4	R3H domai	-	GO:000367	GO:000563	159	161	1.01	0.02
CHsGV100	CHsGV1000056	ENSG0000	NM_173463	91050	CCDC149	coiled-coil	-	-	-				
AHsV1000	AHsV10002980	ENSG0000	NR_134877	85019	TMEM241	transmemb	-	-	GO:001602	67	40	0.60	-0.73
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_005269	84975	MFSD5	major facili	GO:001568	GO:000551	GO:000588	193	151	0.78	-0.36
AHsV1000	AHsV10003105	ENSG0000	XM_011515	84629	TNRC18	trinucleoti	GO:000634	GO:000097	GO:0000785	chromatin	17		
AHsV1000	AHsV10000464	ENSG0000	NR_104121	84548	TMEM185A	transmemb	-	GO:000551	GO:001602	15	25	1.64	0.71
CHsGV100	CHsGV1000288	ENSG0000	NM_032139	84079	ANKRD27	ankyrin rep	GO:001503	GO:000014	GO:000573	165	212	1.28	0.36
H20001041	H200010412	ENSG0000	XM_011517	83988	NCALD	neurocalci	GO:000307	GO:000377	GO:000562	100	91	0.91	-0.13
AHsV1000	AHsV10000775	ENSG0000	NM_017913	55664	CDC37L1	cell divisio	GO:000645	GO:000551	GO:000573	90	112	1.25	0.32
DHsGV100	DHsGV1000154	ENSG0000	NM_001287	54212	SNTG1	syntrophin	GO:000223	GO:000377	GO:0005634	nucleus,GO:0005737 cytoplasm,C			
DHsGV100	DHsGV1000271	ENSG0000	-	-	AC079790.	-	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000550	ENSG0000	NR_036575	729966	LOC72996	uncharacte	-	-	-		9		
DHsGV100	DHsGV1000334	-	-	-	-	-	-	-	-	14	20	1.43	0.51
CHsGV100	CHsGV1000173	ENSG0000	XM_011539	282969	FUOM	fucose mut	GO:000600	GO:001685	GO:000582	284	219	0.77	-0.38
AHsV1000	AHsV10002910	ENSG0000	NM_176881	259285	TAS2R39	taste 2 rec	GO:000158	GO:003303	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021 in			
CHsGV100	CHsGV1000348	ENSG0000	NM_001286	246175	CNOT6L	CCR4-NO	GO:000028	GO:000453	GO:000563	46	52	1.12	0.17
H30000967	H300009677	ENSG0000	NM_153839	222611	ADGRF2	adhesion G	GO:000716	GO:000493	GO:0016021	integral component of membrane			
CHsGV100	CHsGV1000051	ENSG0000	XM_011521	204219	CERS3	ceramide s	GO:000666	GO:000367	GO:0005789	endoplasmic reticulum membrane			
AHsV1000	AHsV10001907	-	NR_120608	203068	TUBB	tubulin bet	GO:000008	GO:000392	GO:000557	7764	6396	0.82	-0.28
H20000226	H200002264	ENSG0000	NM_001308	171586	ABHD3	abhydrolase	GO:000664	GO:000462	GO:000557	372	425	1.14	0.19
CHsGV100	CHsGV1000378	ENSG0000	XM_011544	170589	GPHA2	glycoprotei	GO:190395	GO:000517	GO:000557	30	27	0.92	-0.12
H30001421	H300014216	ENSG0000	NM_001134	81608	FIP1L1	factor inter	GO:000039	GO:000551	GO:000565	353	305	0.87	-0.21
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	XM_011524	339231	ARL16	ADP ribosy	GO:000726	GO:000551	GO:000562	245	234	0.95	-0.07
DHsGV100	DHsGV1000298	ENSG0000	XM_006718	338667	LOC33866	V-set and	-	-	-	12	15	1.18	0.24
DHsGV100	DHsGV1000236	ENSG0000	NR_036490	284648	LOC28464	uncharacte	-	-	-		6		
CHsGV100	CHsGV1000398	ENSG0000	NM_133466	284406	ZFP82	ZFP82 zinc	GO:000635	GO:000367	GO:000563	4	14	3.52	1.81
AHsV1000	AHsV10001530	ENSG0000	XM_011537	90668	LRRIC16B	leucine rich	-	-	GO:000573	29	25	0.86	-0.22
CHsGV100	CHsGV1000324	ENSG0000	XM_011525	90313	TP53I13	tumor prot	-	-	GO:000573	181	160	0.89	-0.18
CHsGV100	CHsGV1000019	ENSG0000	XR_243214	84942	WDRT3	WD repeat	-	-	GO:000092	167	114	0.68	-0.55
AHsV1000	AHsV10001749	ENSG0000	NM_001204	84914	ZNF587	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	72	88	1.23	0.30
AHsV1000	AHsV10001691	ENSG0000	XM_011540	84457	PHYHIPL	phytanoyl-	-	GO:000551	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005739			

AHsV1000	AHsV10001346	ENSG0000	NM_031913	83850	ESYT3	extended s	GO:000686	GO:000551	GO:0005887	integral component of plasma me				
H30001866	H300018666	ENSG0000	NM_017671	55612	FERMT1	fermitin fan	GO:000715	-	GO:0005829	cytosol,GO:0005925	focal adhesi			
H30002060	H300020609	ENSG0000	NM_001130	419	ART3	ADP-ribosy	GO:000647	GO:000395	GO:0005887	integral c	4			
H20001049	H200010490	-	XM_011524	11072	DUSP14	dual specifi	GO:000018	GO:000472	-	421	633	1.51	0.59	
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001205	23305	ACSL6	acyl-CoA s	GO:000167	GO:000446	GO:0005741	mitochondrial outer membrane,G				
DHsGV100	DHsGV1000236	ENSG0000	NG_033892	10664	CTCF	CCCTC-bir	GO:000012	GO:000097	GO:000077	7	11	1.52	0.61	
DHsGV100	DHsGV1000357	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000231	-	-	-	-	-	-	-	-	4	8	2.12	1.09	
DHsGV100	DHsGV1000573	ENSG0000	NM_001001	492	ATP2B3	ATPase pla	GO:000681	GO:000538	GO:000579	24	25	1.05	0.06	
H20000711	H200007115	ENSG0000	NM_001300	9499	MYOT	myotilin	GO:000693	GO:000377	GO:0015629	actin cyto	5			
DHsGV100	DHsGV1000482	ENSG0000	NM_001004	53834	FGFRL1	fibroblast g	GO:000150	GO:000500	GO:000579	53	42	0.80	-0.32	
DHsGV100	DHsGV1000428	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000102	-	-	-	-	-	-	-	-	6	10	1.70	0.76	
DHsGV100	DHsGV1000475	-	XM_011536	105377866	LOC10537	uncharacte	-	-	-	23	33	1.43	0.52	
DHsGV100	DHsGV1000298	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000453	-	NG_008881	57502	NLGN4X	neuroligin 4	GO:000336	GO:000487	GO:0005615	extracellular space,GO:0005886	g			
DHsGV100	DHsGV1000143	-	-	-	-	-	-	-	-	423	370	0.87	-0.20	
DHsGV100	DHsGV100029	ENSG0000	-	9592	IER2	immediate	GO:003018	GO:000367	GO:000563	19	21	1.15	0.20	
DHsGV100	DHsGV1000310	ENSG0000	NM_004192	8623	ASMTL	acetylserot	GO:000815	GO:000367	GO:000573	46	40	0.87	-0.19	
DHsGV100	DHsGV1000535	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsTV100	DHsTV1000016	-	NG_008122	10491	CRTAP	cartilage as	GO:000728	GO:003240	GO:0005578	proteinac	6			
DHsGV100	DHsGV1000487	-	-	-	-	-	-	-	-	13	15	1.19	0.25	
DHsGV100	DHsGV1000153	-	NG_008647	2643	GCH1	GTP cyclol	GO:000672	GO:000393	GO:000563	5	8	1.59	0.67	
H20001754	H200017549	ENSG0000	NR_028383	26521	TIMM8B	translocase	GO:000662	GO:000827	GO:000561	3623	2651	0.73	-0.45	
CHsGV100	CHsGV100019	ENSG0000	NM_001198	100526772	TMEM110	TMEM110	-	-	-	-	15			
AHsV1000	AHsV10000424	ENSG0000	NR_033996	388942	LOC38894	uncharacte	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000463	ENSG0000	NR_040001	375295	LINC01116	long interge	-	-	-	57	52	0.90	-0.15	
CHsGV100	CHsGV100028	ENSG0000	NM_198532	374872	C19orf35	chromosom	GO:000646	GO:000467	-	25	24	0.97	-0.05	
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001040	4301	MLLT4	myeloid/lyr	GO:000715	GO:000551	GO:000565	379	324	0.85	-0.23	
DHsGV100	DHsGV1000435	ENSG0000	-	2583	B4GALNT1	beta-1,4-N	GO:000157	GO:000394	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016020	m			
DHsTV100	DHsTV1000013	-	-	-	-	-	-	-	-	66	77	1.16	0.22	
DHsGV100	DHsGV1000538	-	-	-	-	-	-	-	-	-	7			
DHsGV100	DHsGV1000322	-	-	-	-	-	-	-	-	13	18	1.33	0.41	
DHsGV100	DHsGV1000471	ENSG0000	-	-	RP11-744k	-	-	-	-	-	6			
DHsGV100	DHsGV1000507	-	-	-	-	-	-	-	-	45	33	0.73	-0.45	
DHsGV100	DHsGV1000335	-	-	-	-	-	-	-	-	4	9	2.13	1.09	
DHsGV100	DHsGV1000175	ENSG0000	NM_002518	4862	NPAS2	neuronal P	GO:000635	GO:000104	GO:0005634	nucleus,GO:0005654	nucleoplasm			
CHsGV100	CHsGV1000168	ENSG0000	NM_016153	100506164	HSFX1	heat shock	GO:000635	GO:000370	GO:0005634	nucleus,G	6			
DHsGV100	DHsGV1000370	-	-	-	-	-	-	-	-	14	10	0.76	-0.40	
DHsGV100	DHsGV1000286	-	-	-	-	-	-	-	-	25	21	0.84	-0.25	
DHsGV100	DHsGV1000455	ENSG0000	-	-	AF131216.5	-	-	-	-	14	19	1.35	0.43	
DHsGV100	DHsGV1000332	-	-	-	-	-	-	-	-	4	12	3.03	1.60	
H20000116	H200001167	ENSG0000	NM_015318	23370	ARHGEF18	Rho/Rac g	GO:000717	GO:000508	GO:000573	89	92	1.03	0.05	
DHsGV100	DHsGV1000065	-	-	-	-	-	-	-	-	13	22	1.72	0.78	
DHsGV100	DHsGV100023	ENSG0000	XR_945934	101929287	LOC10192	uncharacte	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV100041	ENSG0000	-	-	RP5-998N2	-	-	-	-	-	5			
DHsGV100	DHsGV1000248	-	-	-	-	-	-	-	-	10	16	1.66	0.73	
DHsTV100	DHsTV1000016	ENSG0000	NR_133944	105377590	LOC10537	uncharacte	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000515	-	-	-	-	-	-	-	-	-	6			
DHsGV100	DHsGV1000058	ENSG0000	XM_006719	55605	KIF21A	kinesin fam	GO:000701	GO:000377	GO:000573	39	39	0.99	-0.01	
AHsV1000	AHsV10000490	ENSG0000	NM_001012	388649	C1orf146	chromosom	-	-	-	-	-	-	-	-
AHsV1000	AHsV10002844	ENSG0000	NR_109784	388512	CLEC17A	C-type lec	-	GO:000553	GO:0009986	cell surface,GO:0016021	integral			
AHsV1000	AHsV10001662	ENSG0000	NM_001143	373156	GSTK1	glutathione	GO:000674	GO:000436	GO:000562	2128	1622	0.76	-0.39	
AHsV1000	AHsV10002466	ENSG0000	NM_178349	353132	LCE1B	late cornifi	GO:001814	GO:000519	GO:0001533	cornified envelope,GO:0005737	c			
H30000890	H300008903	ENSG0000	NM_001308	152015	ROPN1B	rhopilin as	GO:000091	GO:000551	GO:0005737	cytoplasm,GO:0031514	motile cil			
DHsGV100	DHsGV1000438	ENSG0000	NR_024187	440423	SUZ12P1	SUZ12 poly	-	-	-	487	582	1.20	0.26	
DHsGV100	DHsGV100013	ENSG0000	NR_024376	100128385	FAM225B	family with	-	-	-	63	61	0.97	-0.05	
DHsGV100	DHsGV1000095	-	-	-	-	-	-	-	-	9	16	1.81	0.86	
DHsGV100	DHsGV1000382	ENSG0000	-	-	CTD-2203l	-	-	-	-	90	64	0.71	-0.50	
DHsGV100	DHsGV1000353	ENSG0000	XR_933923	1453	CSNK1D	casein kina	GO:000008	GO:000194	GO:000013	41	41	1.00	-0.01	
DHsGV100	DHsGV1000257	ENSG0000	XM_005263	50649	ARHGEF4	Rho guanin	GO:000726	GO:000508	GO:0005829	cytosol,GO:0032587	ruffle memb			
DHsGV100	DHsGV1000008	ENSG0000	NM_016395	51495	HACD3	3-hydroxya	GO:000724	GO:000509	GO:000573	1133	811	0.72	-0.48	
DHsGV100	DHsGV1000525	-	-	-	-	-	-	-	-	14	16	1.18	0.24	
DHsGV100	DHsGV1000049	ENSG0000	NR_034094	100129827	MRV11-AS	MRV11 anti	-	-	-	32	35	1.12	0.16	
DHsGV100	DHsGV1000394	ENSG0000	XM_011535	23493	HEY2	hes related	GO:000012	GO:000098	GO:000563	4	9	2.37	1.24	
DHsGV100	DHsGV1000363	-	XM_011518	2021	ENDOG	endonuclea	GO:000170	GO:000367	GO:0005634	nucleus,G	3			
H30000236	H300002369	ENSG0000	NM_007104	4736	RPL10A	ribosomal p	GO:000018	GO:000373	GO:000563	16020	10151	0.63	-0.66	
DHsGV100	DHsGV1000545	-	-	-	-	-	-	-	-	17	14	0.79	-0.34	
H20000059	H200000597	ENSG0000	NM_020546	108	ADCY2	adenylate c	GO:000309	GO:000028	GO:000562	18	18	1.01	0.01	
DHsGV100	DHsGV1000494	-	-	-	-	-	-	-	-	-	7			
DHsGV100	DHsGV1000420	ENSG0000	NR_033652	100132891	MSC-AS1	MSC antise	-	-	-	-	5			
DHsGV100	DHsGV1000465	-	-	-	-	-	-	-	-	61	54	0.89	-0.17	
DHsGV100	DHsGV1000281	-	XR_939276	105377465	LOC10537	uncharacte	-	-	-	-	3			
DHsGV100	DHsGV1000264	-	-	-	-	-	-	-	-	43	43	1.01	0.02	
DHsGV100	DHsGV1000078	ENSG0000	-	-	RP3-508I1	-	-	-	-	9	12	1.25	0.32	
DHsGV100	DHsGV1000026	ENSG0000	NM_001195	100130705	LOC10013	uncharacte	-	-	-	91	77	0.85	-0.23	
CHsGV100	CHsGV1000215	ENSG0000	XM_011535	387914	SHISA2	shisa family	GO:000727	-	GO:0005789	endoplasmic reticulum membrane				
CHsGV100	CHsGV1000234	ENSG0000	NM_001177	387638	C10orf113	chromosom	-	-	-	-	-	-	-	-
CHsGV100	CHsGV1000185	ENSG0000	NM_182625	348654	GEN1	GEN1, Holl	GO:000072	GO:000367	GO:000565	69	91	1.33	0.41	
H30000010	H300000100	ENSG0000	NM_178012	347733	TUBB2B	tubulin beta	GO:000176	GO:000392	GO:000563	41	43	1.06	0.09	
H30001721	H300017217	ENSG0000	NM_005963	4619	MYH1	myosin, hea	GO:000815	GO:000377	GO:000585	5	13	2.43	1.28	
DHsGV100	DHsGV1000078	ENSG0000	NM_001304	81932	HDHD3	haloacid de	GO:000815	GO:000551	GO:000573	16	22	1.34	0.42	
DHsGV100	DHsGV1000128	-	-	-	-	-	-	-	-	4	10	2.57	1.36	
DHsGV100	DHsGV1000485	-	-	-	-	-	-	-	-	21	24	1.13	0.17	
H20001408	H200014084	ENSG0000	XM_005250	10234	LRRC17	leucine rich	GO:000164	-	GO:0005615	extracellular space				
DHsGV100	DHsGV1000083	ENSG0000	NM_001128	55275	VPS53	VPS53, GA	GO:001503	GO:000551	GO:000093	9	14	1.49	0.58	
DHsGV100	DHsGV1000152	-	-	-	-	-	-	-	-	7	12	1.63	0.70	
DHsGV100	DHsGV1000415	ENSG0000	NR_109872	102606466	LOC10260	uncharacte	-	-	-	-	5			
DHsGV100	DHsGV1000077	-	XR_936305	105372267	LOC10537	nuclear fac	-	-	-	-	6			

DHsGV100	DHsGV1000496	ENSG0000	XM_011536	7430	EZR	e_zrin	GO:000012	GO:000377	GO:000172	10	14	1.42	0.51
DHsGV100	DHsGV1000195	ENSG0000	NM_018663	5827	PXMP2	peroxisoma	GO:000815	GO:000551	GO:000573	5	10	1.92	0.94
DHsGV100	DHsGV1000104	ENSG0000	-	55743	CHFR	checkpoint	GO:000020	GO:000016	GO:000563	163	137	0.84	-0.24
DHsGV100	DHsGV1000034	ENSG0000	NM_001134	100128731	OST4	oligosaccha	-	-	GO:000578	3272	2636	0.81	-0.31
DHsGV100	DHsGV1000262	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000565	-	XR_945473	100293704	LOC100293	serine/argi	-	-	-	-	6	-	-
DHsGV100	DHsGV1000166	-	-	-	-	-	-	-	-	-	6	-	-
H20000244	H200002448	ENSG0000	NM_000187	3081	HGD	homogentis	GO:000655	GO:000441	GO:000582	9	15	1.64	0.72
DHsGV100	DHsGV1000095	ENSG0000	NR_074074	28987	NOB1	NIN1/RPN	GO:000046	GO:000452	GO:000563	10	15	1.44	0.52
DHsGV100	DHsGV1000506	ENSG0000	NM_001204	339122	RAB43	RAB43, me	GO:000703	GO:000392	GO:0005768	endosome	6	-	-
DHsGV100	DHsGV1000469	ENSG0000	-	9415	FADS2	fatty acid c	GO:000663	GO:000476	GO:000578	51	43	0.83	-0.27
DHsGV100	DHsGV1000272	ENSG0000	NR_028339	100130522	PAR6G-A	PAR6G al	-	-	-	-	5	-	-
DHsGV100	DHsGV1000520	ENSG0000	NG_007988	9150	CTDP1	CTD (carb	GO:000636	GO:000551	GO:000092	43	39	0.92	-0.12
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_198694	386680	KRTAP10	keratin ass	-	GO:000551	GO:004509	232	177	0.76	-0.39
AHsV1000	AHsV10002349	ENSG0000	NM_199001	375791	CYSRT1	cysteine ric	-	-	GO:007006	18	15	0.87	-0.21
AHsV1000	AHsV10001350	ENSG0000	XM_006717	347088	ADGRD2	adhesion G	GO:000716	GO:000493	GO:0016021	integral c	6	-	-
AHsV1000	AHsV10003094	ENSG0000	XM_011534	345462	ZNF879	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus	8	-	-
H20001962	H200019621	ENSG0000	NM_032765	84851	TRIM52	tripartite m	GO:005109	GO:000827	GO:000562	85	88	1.04	0.06
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_021616	53840	TRIM34	tripartite m	GO:001922	GO:000367	GO:000573	8	22	2.70	1.43
H20000418	H200004183	ENSG0000	NM_007226	11249	NXPH2	neurexophi	GO:000721	GO:000367	GO:0005576	extracellu	3	-	-
H20001600	H200016008	ENSG0000	NM_001303	7441	VPREB1	pre-B lymph	GO:000237	-	GO:000561	77	61	0.79	-0.35
H30002060	H300020607	ENSG0000	NM_014243	9508	ADAMTS3	ADAM met	GO:001057	GO:000417	GO:000557	41	40	0.97	-0.05
H20000031	H200000318	ENSG0000	NM_001143	266	AMELY	amelogenin	GO:003121	GO:003034	GO:0005578	proteinaceous extracellular matri	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_014293	23467	NPTXR	neuronal pe	-	GO:004687	GO:0016021	integral c	5	-	-
H20000685	H200006852	ENSG0000	XM_005272	11126	CD160	CD160 mol	GO:000696	GO:000487	GO:0005886	plasma m	3	-	-
H20001516	H200015162	ENSG0000	NM_148902	8784	TNFRSF18	tumor necr	GO:000268	GO:000503	GO:000557	145	114	0.79	-0.35
H20001197	H200011975	ENSG0000	XM_011535	8600	TNFSF11	tumor necr	GO:000150	GO:000512	GO:000557	128	114	0.89	-0.17
H20000645	H200006450	ENSG0000	NM_175080	5026	P2RX5	purinergic r	GO:000681	GO:000161	GO:000563	60	57	0.95	-0.07
H20000419	H200004199	ENSG0000	NM_002372	4124	MAN2A1	mannosidas	GO:000170	GO:000457	GO:000013	275	300	1.09	0.13
H30000486	H300004862	ENSG0000	NM_001244	944	TNFSF8	tumor necr	GO:000691	GO:000510	GO:0005615	extracellular space,GO:0005887 i	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XM_005249	29116	MYLIP	myosin reg	GO:000692	GO:000484	GO:000562	136	158	1.17	0.22
H20000741	H200007417	-	NR_028045	10748	KLRA1P	killer cell le	-	-	-	11	27	2.35	1.23
H30000664	H300006645	ENSG0000	NM_144717	53833	IL20RB	interleukin	GO:000180	GO:000489	GO:000588	12	123	10.06	3.33
H30000125	H300001257	ENSG0000	NM_145256	126364	LRR25	leucine ric	-	GO:000551	GO:0016021	integral c	6	-	-
H20000813	H200008138	ENSG0000	NM_001301	57458	TMCC3	transmemb	-	-	GO:0016021	integral component of membrane	-	-	-
H20001069	H200010699	ENSG0000	NM_020041	56606	SLC2A9	solute carr	GO:001575	GO:000535	GO:000588	49	41	0.83	-0.26
H30001926	H300019261	ENSG0000	NM_014448	27237	ARHGEF16	Rho guanin	GO:000726	GO:000508	GO:000582	8	14	1.82	0.86
H20000593	H200005932	ENSG0000	NM_001202	501	ALDH7A1	aldehyde d	GO:000608	GO:000402	GO:0005634	nucleus,GO:0005737 cytoplasm,C	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000502	-	-	-	-	-	-	-	-	17	22	1.29	0.37
DHsGV100	DHsGV1000309	ENSG0000	XM_011542	50937	CDON	cell adhesi	GO:000170	GO:000551	GO:000588	46	52	1.13	0.18
DHsGV100	DHsGV1000260	-	NG_028088	26086	GPSM1	G-protein s	GO:000739	GO:000509	GO:0000139	Golgi membrane,GO:0005789 end	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000318	-	-	-	-	-	-	-	-	31	24	0.78	-0.36
DHsGV100	DHsGV1000474	-	NG_016478	83696	TRAPPC9	trafficking p	GO:000688	-	GO:0000139	Golgi men	3	-	-
H20001046	H200010465	ENSG0000	NM_145803	7189	TRAF6	TNF recept	GO:000012	GO:000484	GO:000563	117	116	1.00	-0.01
H30001128	H300011287	ENSG0000	XM_011537	10728	PTGES3	prostagland	GO:000072	GO:000372	GO:000078	2290	1322	0.58	-0.79
H20000436	H200004367	ENSG0000	NM_001316	5741	PTH	parathyroid	GO:000012	GO:000370	GO:0005576	extracellu	5	-	-
H20001186	H200011862	ENSG0000	NM_000915	5020	OXT	oxytocin/n	GO:000197	GO:000518	GO:000557	44	38	0.86	-0.22
H20001604	H200016049	ENSG0000	NM_020637	27006	FGF22	fibroblast g	GO:000016	GO:000510	GO:000557	17	21	1.22	0.28
H20000208	H200002086	ENSG0000	NM_006944	6694	SPP2	secreted p	GO:000150	GO:000486	GO:0070062	extracellu	4	-	-
H30000413	H300004135	ENSG0000	NM_006678	10871	CD300C	CD300c m	GO:000237	GO:000488	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005887 in	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_011521	10509	SEMA4B	semaphorin	GO:000175	GO:003021	GO:000561	12	19	1.60	0.68
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_011542	7804	LRP8	LDL recept	GO:000012	GO:000488	GO:000557	205	198	0.96	-0.05
H20001192	H200011920	ENSG0000	NM_003268	7100	TLR5	toll like rec	GO:000222	GO:000488	GO:0005886	plasma m	12	-	-
H20000591	H200005914	ENSG0000	NM_213658	3821	KLRC1	killer cell le	GO:000716	GO:000488	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005887 in	-	-	-
H20001233	H200012331	ENSG0000	NM_005535	3594	IL12RB1	interleukin	GO:000191	GO:000489	GO:000989	17	15	0.93	-0.11
H20000862	H200008622	ENSG0000	XM_005274	7439	BEST1	bestrophin	GO:000682	GO:000525	GO:0005829	cytosol,G	3	-	-
H20000120	H200001203	-	XM_011525	8396	PIP4K2B	phosphatid	GO:000664	GO:000505	GO:000565	44	34	0.79	-0.34
H20000428	H200004287	ENSG0000	NM_020872	5067	CNTN3	contactin 3	GO:000715	-	GO:0005886	plasma m	6	-	-
H20001252	H200012526	ENSG0000	NM_178450	115123	42432	membrane	GO:000689	GO:000827	GO:000576	276	254	0.92	-0.12
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001171	89790	SIGLEC10	sialic acid b	GO:000715	GO:003024	GO:000557	5	25	4.98	2.32
H20000138	H200001382	ENSG0000	NM_017789	54910	SEMA4C	semaphorin	GO:000175	GO:000551	GO:000561	151	127	0.84	-0.26
H30000133	H300001338	ENSG0000	NM_016930	53407	STX18	syntaxin 18	GO:000688	GO:000548	GO:000013	69	60	0.86	-0.21
H30000223	H300002230	ENSG0000	-	345829	BTF3P10	basic trans	-	-	-	9159	9025	0.99	-0.02
H30002024	H300020240	ENSG0000	NM_001100	58	ACTA1	actin, alpha	GO:000693	GO:000520	GO:000172	12	20	1.59	0.67
DHsGV100	DHsGV1000162	ENSG0000	XM_011542	100506504	LOC10050	uncharacte	-	-	-	-	4	-	-
DHsGV100	DHsGV1000025	-	-	-	-	-	-	-	-	81	71	0.87	-0.19
DHsGV100	DHsGV1000455	-	-	-	-	-	-	-	-	6	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000218	-	-	-	-	-	-	-	-	8	13	1.60	0.67
DHsGV100	DHsGV1000109	ENSG0000	-	65982	ZSCAN18	zinc finger	GO:000635	GO:000098	GO:0005634	nucleus	7	-	-
H30000480	H300004807	ENSG0000	NM_021076	4744	NEFH	neurofilame	GO:000022	GO:000519	GO:000563	55	46	0.84	-0.25
H30000422	H300004227	ENSG0000	NM_001311	117579	RLN3	relaxin 3	-	GO:000166	GO:000557	49	37	0.76	-0.39
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_002177	3467	IFNW1	interferon,	GO:000225	GO:000512	GO:000561	16	17	1.07	0.09
H30002284	H300022848	ENSG0000	XM_011524	2688	GH1	growth hor	GO:000209	GO:000513	GO:000557	23	24	1.05	0.07
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_000882	3592	IL12A	interleukin	GO:000191	GO:000512	GO:000557	34	34	0.99	-0.02
H20000435	H200004357	ENSG0000	NM_001672	434	ASIP	agouti sign	GO:000609	GO:000510	GO:0005615	extracellu	4	-	-
H30000333	H300003331	ENSG0000	NM_001308	10100	TSPAN2	tetraspanin	GO:000695	GO:000551	GO:0005887	integral c	4	-	-
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_005254	9899	SV2B	synaptic ve	GO:000683	GO:000551	GO:0001669	acrosoma	8	-	-
H20001205	H200012053	ENSG0000	NM_153187	6580	SLC22A1	solute carr	GO:000683	GO:000527	GO:000588	5	13	2.55	1.35
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001252	6546	SLC8A1	solute carr	GO:000189	GO:000543	GO:0005739	mitochondrion,GO:0005829 cytos	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001508	2863	GPR39	G protein-c	GO:000202	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005887 in	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_002034	2527	FUT5	fucosyltran	GO:000597	GO:000841	GO:000579	13	18	1.42	0.51
H20000020	H200000206	ENSG0000	NM_002505	4800	NFYA	nuclear tra	GO:000635	GO:000104	GO:000563	154	176	1.14	0.19
H20000232	H200002321	ENSG0000	NM_021071	420	ART4	ADP-ribos	GO:000647	GO:000395	GO:000588	11	15	1.41	0.49
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_198504	344838	PAQR9	progesterin a	GO:004340	GO:000370	GO:000588	6	8	1.41	0.50
H20000366	H200003667	ENSG0000	NM_031457	83661	MS4A8	membrane	-	-	GO:0016021	integral c	8	-	-
H30000565	H300005654	-	XM_006716	105375355	LOC10537	uroplakin-3	-						

H30000380	H300003806	-	XR_427049	102724542	LOC102724542	uncharacte	-	-	-	33	34	1.05	0.07
DHsGV100	DHsGV1000024	-	XM_005249	4340	MOG	myelin oligo	GO:000715	GO:000161	GO:0005886	plasma m	5		
DHsGV100	DHsGV1000553	-	-	-	-	-	-	-	-	125	101	0.80	-0.32
DHsGV100	DHsGV1000006	ENSG0000	XM_011527	54854	FAM83E	family with	-	GO:001990	-	251	170	0.67	-0.57
DHsGV100	DHsGV1000282	-	-	-	-	-	-	-	-		10		
DHsGV100	DHsGV1000354	ENSG0000	NG_012037	118	ADD1	adducin 1	GO:000090	GO:000377	GO:0005634	nucleus,G	8		
H20001761	H200017616	ENSG0000	NM_030787	81494	CFHR5	complemen	GO:000695	-	GO:0005576	extracellular region			
H20001688	H200016887	ENSG0000	NM_016087	51384	WNT16	wingless-ty	GO:000340	GO:000510	GO:000557	29	32	1.10	0.14
H20000075	H200000750	ENSG0000	NM_001025	1446	CSN1S1	casein alph	GO:005508	GO:000521	GO:0005576	extracellu	8		
H30000761	H300007616	ENSG0000	XM_011539	118856	MMP21	matrix met	GO:000224	GO:000422	GO:0005576	extracellu	4		
H30000968	H300009683	ENSG0000	NM_139282	158800	RHOXF1	Rhox home	GO:000635	GO:000367	GO:000563	5	15	3.11	1.64
H20001378	H200013787	ENSG0000	NM_001037	85441	HELZ2	helicase wi	GO:000635	GO:000367	GO:000565	27	31	1.17	0.23
H30000782	H300007827	ENSG0000	NM_004256	9390	SLC22A13	solute carr	GO:001569	GO:001510	GO:000588	15	25	1.63	0.70
H20000221	H200002210	ENSG0000	NM_032970	9117	SEC22C	SEC22 hom	GO:000688	GO:000014	GO:000578	666	564	0.85	-0.24
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_011541	6487	ST3GAL3	ST3 beta-g	GO:000157	GO:000383	GO:000013	31	35	1.15	0.20
H20001759	H200017592	ENSG0000	NM_000327	6094	ROM1	retinal oute	GO:000715	-	GO:000588	39	39	0.99	-0.01
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_001935	1803	DPP4	dipeptidyl p	GO:000166	GO:000161	GO:0005765	lysosomal membrane,GO:0005886			
H20000679	H200006797	ENSG0000	XM_011522	1186	CLCN7	chloride vo	GO:000681	GO:000524	GO:000576	128	95	0.74	-0.44
H30000819	H300008191	ENSG0000	NM_005274	2787	GN5	guanine nu	GO:000611	GO:000392	GO:000583	7471	6137	0.82	-0.28
H30000379	H300003794	ENSG0000	XM_011538	283375	SLC39A5	solute carr	GO:000165	GO:000367	GO:001602	47	45	0.95	-0.08
H30002155	H300021554	-	NM_020790	200958	MUC20	mu	GO:000018	-	GO:000557	39	33	0.87	-0.20
H20001823	H200018237	ENSG0000	XM_006718	79056	PRRG4	proline rich	GO:000815	GO:000367	GO:0005576	extracellu	11		
H20001158	H200011588	ENSG0000	XM_011516	64101	LRRC4	leucine rich	GO:000646	GO:000486	GO:000573	47	44	0.93	-0.11
H30002011	H300020115	ENSG0000	XM_011536	27133	KCNH5	potassium	GO:000016	GO:000015	GO:000562	45	36	0.81	-0.31
H20001763	H200017635	ENSG0000	XM_006716	25769	SLC24A2	solute carr	GO:000681	GO:000526	GO:0005886	plasma m	10		
H20001703	H200017032	-	XR_932838	368	ABCC6	ATP bindin	GO:000681	GO:000521	GO:0005634	nucleus,GO:0005789	endoplasmic		
DHsGV100	DHsGV1000027	-	-	-	-	-	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000294	-	-	-	-	-	-	-	-	4	8	1.81	0.85
DHsGV100	DHsGV1000433	-	-	-	-	-	-	-	-		4		
DHsGV100	DHsGV1000186	-	-	-	-	-	-	-	-	18	19	1.02	0.04
DHsGV100	DHsGV1000006	ENSG0000	NR_026641	57508	INTS2	integrator d	GO:001618	GO:000551	GO:0005622	intracellular,GO:0016020	membra		
DHsTV100	DHsTV1000017	-	-	-	-	-	-	-	-	8	21	2.79	1.48
H30001995	H300019957	ENSG0000	NM_001306	2121	EVC	EvC ciliary	GO:000150	-	GO:000573	27	28	1.02	0.03
H30001843	H300018431	ENSG0000	NM_001199	27032	ATP2C1	ATPase se	GO:000681	GO:000487	GO:000013	301	328	1.09	0.12
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_031991	5725	PTBP1	polypyrimid	GO:000038	GO:000016	GO:000565	4957	3841	0.77	-0.37
H20000430	H200004305	ENSG0000	NM_020917	57677	ZFP14	ZFP14 zinc	GO:000635	GO:000367	GO:000563	10	20	1.89	0.92
H20001292	H200012923	ENSG0000	XM_005257	90506	LRRC46	leucine rich	GO:003164	-	-	12	16	1.34	0.43
H20001167	H200011671	ENSG0000	XM_011518	64855	FAM129B	family with	GO:004306	-	GO:000563	187	133	0.71	-0.49
H20001384	H200013846	ENSG0000	NR_037917	3364	HUS1	HUS1 che	GO:000007	GO:000551	GO:000563	20	32	1.57	0.65
H20000891	H200008910	ENSG0000	NM_001290	57343	ZNF304	zinc finger	GO:000635	GO:000097	GO:000563	46	53	1.15	0.20
H20001722	H200017220	ENSG0000	NM_032609	84701	COX4I2	cytochrom	GO:000609	GO:000412	GO:000575	21	18	0.89	-0.17
H20001775	H200017759	ENSG0000	NM_032309	84269	CHCHD5	coiled-coil	GO:000906	-	GO:000575	316	294	0.93	-0.10
H20001369	H200013690	ENSG0000	NM_005325	3024	HIST1H1A	histone clu	GO:000633	GO:000551	GO:000078	11	14	1.30	0.38
H20000405	H200004054	ENSG0000	XM_011509	4807	NHLH1	nescient he	GO:000636	GO:000097	GO:000563	30	26	0.87	-0.20
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001011	4110	MAGEA11	MAGE fami	-	GO:000551	GO:0005634	nucleus,G	9		
H20002009	H200020097	ENSG0000	NM_152388	65062	TMEM237	transmemb	GO:003011	-	GO:001602	334	231	0.69	-0.53
H20000744	H200007443	-	NM_001278	6835	SURF2	surfeit 2	GO:000815	GO:000367	GO:000557	648	529	0.82	-0.29
H20000230	H200002307	ENSG0000	NM_001130	92002	FAM58A	family with	GO:003214	GO:000551	GO:000030	400	374	0.94	-0.10
H20000408	H200004088	ENSG0000	NR_046408	79672	FN3KRP	fructosami	GO:001631	GO:001630	GO:000582	359	310	0.86	-0.21
H30000662	H300006623	ENSG0000	NM_022166	64131	XYLT1	xylosyltran	GO:000602	GO:000837	GO:000013	11	12	1.14	0.18
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_011519	54518	APBB1IP	amyloid bet	GO:000229	GO:000551	GO:0005829	cytosol,G	6		
H30001483	H300014836	ENSG0000	XM_011536	51676	ASB2	ankyrin rep	GO:000020	GO:000551	GO:003146	100	110	1.10	0.13
H20000505	H200005056	ENSG0000	NM_001297	23640	HSPBP1	HSPA (hea	GO:000645	GO:000485	-	463	370	0.80	-0.32
H20000087	H200000870	-	XM_011538	23389	MED13L	mediator c	GO:000635	GO:000110	GO:001659	72	110	1.52	0.60
H20001125	H200011250	ENSG0000	NM_001161	9047	SH2D2A	SH2 domai	GO:000152	GO:000507	GO:000573	124	82	0.66	-0.60
H20000698	H200006986	ENSG0000	XM_011519	8453	CUL2	cullin 2	GO:000008	GO:000551	GO:000565	825	636	0.77	-0.37
H30001006	H300010064	ENSG0000	NM_000217	3736	KCNA1	potassium	GO:000196	GO:000524	GO:000578	27	23	0.84	-0.24
H20000110	H200001103	ENSG0000	NM_015946	53918	PELO	pelota hom	GO:000704	GO:000451	GO:000563	414	274	0.66	-0.59
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_011536	2009	EML1	echinoderm	GO:000022	GO:000550	GO:000582	13	17	1.29	0.36
opHsV0400	opHsV0400000	-	NM_002983	6348	CCL3	C-C motif	GO:000016	GO:000467	GO:000557	1209	985	0.81	-0.30
H20001236	H200012362	ENSG0000	NM_001317	153657	TTC23L	tetratricop	GO:003497	GO:000551	GO:0005737	cytoplasm	3		
H20000364	H200003646	ENSG0000	XM_011521	585	BBS4	Bardet-Bie	GO:000022	GO:000110	GO:000024	224	207	0.92	-0.11
H20001823	H200018235	ENSG0000	NM_024058	79024	SMIM2	small integr	-	GO:000551	GO:0016021	integral c	3		
H20000551	H200005510	ENSG0000	NM_032360	84320	ACBD6	acyl-CoA b	-	GO:000006	GO:000573	574	422	0.73	-0.45
H20000294	H200002949	ENSG0000	XM_011535	112609	MRAP2	melanocort	GO:000611	GO:000551	GO:000578	293	272	0.93	-0.11
H20000842	H200008424	ENSG0000	NM_080833	140893	RBBP8NL	RBBP8 N-	-	-	GO:000561	57	51	0.90	-0.16
H20001030	H200010309	ENSG0000	XR_943485	55320	MIS18BP1	MIS18 bind	GO:000633	GO:000367	GO:000077	160	198	1.24	0.31
H20000868	H200008681	ENSG0000	NM_001039	79183	TTPAL	tocopherol	GO:000681	GO:000521	GO:000562	73	79	1.09	0.12
H20001268	H200012689	ENSG0000	NM_014212	3227	HOXC11	homeobox	GO:000165	GO:000097	GO:0005654	nucleopla	7		
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_002173	3449	IFNA16	interferon	GO:000225	GO:000512	GO:000557	7	16	2.15	1.11
H20000523	H200005230	ENSG0000	XM_011519	54906	FAM208B	family with	-	GO:000551	GO:000563	5592	4544	0.81	-0.30
H20000686	H200006863	ENSG0000	NM_001287	133686	NADK2	NAD kinase	GO:000674	GO:000395	GO:000573	309	411	1.33	0.41
H20000139	H200001390	ENSG0000	NM_001204	57786	RBAK	RB associa	GO:000635	GO:000367	GO:000563	48	57	1.20	0.26
H20000543	H200005438	ENSG0000	NM_001242	54438	GFOD1	glucose-fru	GO:005511	GO:000551	GO:000557	95	216	2.26	1.18
H30002065	H300020659	ENSG0000	NM_001317	57728	WDR19	WD repeat	GO:000699	-	GO:000565	59	71	1.20	0.27
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_011542	57453	DSCAML1	Down synd	GO:000170	GO:004280	GO:000561	13	16	1.24	0.31
H20000481	H200004813	ENSG0000	NM_016173	51409	HEMK1	HemK met	GO:000630	GO:000367	GO:000573	12	22	1.75	0.80
H20001576	H200015763	ENSG0000	XM_006717	51063	CALHM2	calcium ho	GO:003422	GO:000526	GO:000588	15	17	1.15	0.20
H30001268	H300012689	ENSG0000	NM_001184	23133	PHF8	PHD finger	GO:000008	GO:000368	GO:000563	55	65	1.19	0.25
H30000850	H300008505	ENSG0000	NM_001199	11185	INMT	indolethyl	GO:000188	GO:000479	GO:000582	15	18	1.21	0.28
H20001131	H200011319	ENSG0000	NM_003323	7288	TULP2	tubby like p	GO:000760	GO:003240	GO:000557	10	15	1.60	0.68
H30001370	H300013706	ENSG0000	NM_000353	6898	TAT	tyrosine an	GO:000610	GO:000483	GO:000557	35	32	0.89	-0.16
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_032487	84517	ACTRT3	actin-relat	-	-	GO:000167	60	50	0.83	-0.27
H20001355	H200013553	ENSG0000	XM_011514	63971	KIF13A	kinesin fam	GO:000091	GO:000377	GO:000581	83	95	1.15	0.20
H30001990	H300019907	ENSG0000	NM_020840	57600	FNIP2	folliculin int	GO:000012	GO:000551	GO:000565	3			

H20001935	H200019356	ENSG0000	NM_031907	83844	USP26	ubiquitin sp	GO:000651	GO:000551	GO:0005634	nucleus					
H20000944	H200009447	ENSG0000	XM_005253	81846	SBF2	SET bindin	GO:004255	GO:000551	GO:000577		25	23	0.91	-0.14	
H20000732	H200007326	ENSG0000	NM_000523	3239	HOXD13	homeobox	GO:000150	GO:000097	GO:000563		20	25	1.26	0.33	
H20000751	H200007519	ENSG0000	XM_011522	64718	UNKL	unkempt fa	GO:001656	GO:000551	GO:000563		94	124	1.32	0.40	
H20000716	H200007160	ENSG0000	XM_006715	84668	FAM126A	family with	GO:000716	GO:000487	GO:000573		160	136	0.85	-0.24	
H20000995	H200009956	ENSG0000	NM_031217	81930	KIF18A	kinesin fam	GO:000027	GO:000377	GO:000077		293	323	1.10	0.14	
H30000578	H300005780	ENSG0000	NM_001950	1874	E2F4	E2F transc	GO:000008	GO:000097	GO:000079		362	275	0.76	-0.39	
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_000092	1286	COL4A4	collagen ty	GO:000741	GO:000520	GO:000557		46	42	0.92	-0.12	
H20001083	H200010839	ENSG0000	NM_018436	55821	ALLC	allantoicase	GO:000025	GO:000403	-		9	14	1.46	0.55	
H20001302	H200013021	ENSG0000	NM_152679	201780	SLC10A4	solute carr	GO:000681	GO:000850	GO:000588		224	163	0.73	-0.46	
H20002052	H200020528	ENSG0000	NM_001164	285362	SUMF1	sulfatase n	GO:000666	GO:001649	GO:000578		34	50	1.45	0.54	
H20000346	H200003468	ENSG0000	NM_020170	56926	NCLN	nicalin	GO:000996	GO:000551	GO:000578		48	46	0.97	-0.05	
H30000838	H300008388	ENSG0000	XM_011545	55863	TMEM126E	transmemb	GO:000815	GO:000367	GO:000557		2025	1861	0.92	-0.12	
H20001165	H200011659	ENSG0000	XM_011518	30815	ST6GALNA	ST6 (alpha	GO:000157	GO:000166	GO:000013		45	42	0.93	-0.10	
H30000195	H300001954	ENSG0000	NR_074074	28987	NOB1	NIN1/RPN	GO:000046	GO:000452	GO:000563		2992	2218	0.74	-0.43	
H30000606	H300006069	ENSG0000	NM_183323	10605	PAIP1	poly(A) bin	GO:000028	GO:000372	GO:000573		326	328	1.01	0.01	
H20001895	H200018958	ENSG0000	NM_176877	10207	PATJ	PATJ, crur	GO:003432	GO:000551	GO:000588		6	14	2.27	1.18	
H20001541	H200015412	ENSG0000	NM_183352	6396	SEC13	SEC13 hom	GO:000027	GO:000551	GO:000013		1968	1664	0.85	-0.24	
H20000019	H200000192	ENSG0000	NM_022650	5921	RASA1	RAS p21 p	GO:000016	GO:000194	GO:000172		90	129	1.43	0.52	
H20001237	H200012376	ENSG0000	NM_004066	1068	CETN1	centrin 1	GO:000706	GO:000550	GO:0000922	spindle po		7			
H20000492	H200004921	ENSG0000	NM_152900	260425	MAGI3	membrane	GO:000691	GO:000438	GO:000563		75	87	1.16	0.21	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_018994	54455	FBXO42	F-box prot	-	GO:000551	-		230	311	1.35	0.44	
H20000341	H200003414	ENSG0000	NM_017577	54762	GRAMD1C	GRAM dom	-	GO:000551	GO:0016021	integral component of membrane					
H20001767	H200017678	-	-	-	-	-	-	-	-			3			
H20000445	H200004455	ENSG0000	XM_011543	84811	BUD13	BUD13 hor	GO:000039	GO:000551	GO:000563		145	133	0.92	-0.12	
H20001345	H200013458	ENSG0000	NM_001184	84547	PGBD1	piggyBac tr	GO:000635	GO:000370	GO:000563		94	113	1.20	0.27	
H20000285	H200002850	ENSG0000	NR_037628	140831	ZSWIM3	zinc finger	-	GO:000827	-		81	93	1.15	0.20	
H20001052	H200010527	ENSG0000	NM_030768	80895	ILKAP	ILK associa	GO:000647	GO:000472	GO:000573		305	225	0.74	-0.44	
H20000508	H200005082	ENSG0000	NM_005982	6495	SIX1	SIX homeo	GO:000012	GO:000097	GO:000563		28	24	0.86	-0.21	
H20000557	H200005578	ENSG0000	NM_033197	92747	BPIFB1	BPI fold co	GO:000222	GO:000367	GO:0005576	extracellu		4			
H20000097	H200000974	ENSG0000	XM_006719	80298	MTERF2	mitochondr	GO:000635	GO:000367	GO:000575		391	265	0.68	-0.56	
H20001777	H200017774	ENSG0000	NM_018934	56122	PCDHB14	protocadhe	GO:000715	GO:000550	GO:0005886	plasma m		10			
H20000032	H200000321	ENSG0000	NM_000482	337	APOA4	apolipoprot	GO:000152	GO:000531	GO:000557		18	21	1.18	0.24	
H20001266	H200012668	ENSG0000	NM_147128	223082	ZNRF2	zinc and rir	GO:001656	GO:000827	GO:000573		14	19	1.32	0.40	
H20002044	H200020440	ENSG0000	XM_011519	196294	IMMP1L	inner mitoc	GO:000646	GO:000367	GO:000573		606	488	0.80	-0.31	
H20001140	H200011405	-	NM_023015	65123	INTS3	integrator c	GO:000628	GO:000551	GO:000563		124	111	0.89	-0.16	
H20001295	H200012954	ENSG0000	NM_033067	63948	DMRTB1	DMRT like	GO:000635	GO:000098	GO:0005634	nucleus		3			
H30001093	H300010930	-	NM_001174	55655	NLRP2	NLR family	GO:000695	GO:000551	GO:000078		150	128	0.86	-0.22	
H20000143	H200001436	ENSG0000	NM_018105	55145	THAP1	THAP dom	GO:000193	GO:000551	GO:000563		143	144	1.01	0.01	
H20000533	H200005330	ENSG0000	XM_005266	26512	INTS6	integrator c	GO:000716	GO:000488	GO:000565		214	265	1.24	0.31	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_015649	26145	IRF2BP1	interferon r	GO:000635	GO:000551	GO:000565		35	34	1.00	0.00	
H20001729	H200017299	ENSG0000	XM_011519	9712	USP6NL	USP6 N-te	GO:000703	GO:000509	GO:000579		232	235	1.01	0.02	
H20002130	H200021308	ENSG0000	NM_004249	9364	RAB28	RAB28, me	GO:000726	GO:000392	GO:000573		238	242	1.02	0.03	
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_147180	5535	PPP3R2	protein pho	-	GO:000550	-		10	16	1.64	0.72	
H20000789	H200007894	ENSG0000	XM_011544	5157	PDGFRL	platelet der	GO:000718	GO:000499	GO:000557		42	39	0.92	-0.13	
H30001417	H300014173	ENSG0000	NM_031935	83872	HMCN1	hemiceitin	GO:000760	GO:000550	GO:000560		12	15	1.28	0.36	
H20001500	H200015001	ENSG0000	NM_020956	57716	PRX	periaxin	GO:000836	GO:000367	GO:000563		97	109	1.12	0.16	
H30000684	H300006845	ENSG0000	NM_001164	170370	FAM170B	family with	GO:008015	GO:000551	GO:000166		4	7	1.56	0.64	
H30000503	H300005033	ENSG0000	NM_001005	219954	OR9I1	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma m		10			
H30000342	H300003420	ENSG0000	XM_011543	203076	C8orf74	chromosom	-	GO:000551	-		382	340	0.89	-0.17	
H30000171	H300001719	ENSG0000	NM_031273	56156	TEX13B	testis expr	-	-	-		37	31	0.83	-0.27	
H30000159	H300001594	ENSG0000	-	6174	RPL7P1	ribosomal p	-	-	-		26671	25341	0.95	-0.07	
H30000134	H300001344	ENSG0000	NM_198573	375704	ENHO	energy hom	-	-	GO:000557		5	11	2.09	1.06	
opHsV0400	opHsV0400000	-	NR_033899	440518	GOLGA2P5	golgin A2 p	-	-	-						
H30000725	H300007251	ENSG0000	NM_144659	140290	TCP10L	t-complex	GO:000012	GO:000110	GO:000563		9	9	1.03	0.05	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_000940	5446	PON3	paraoxonas	GO:000960	GO:000406	GO:0005615	extracellular space,GO:0043231 i					
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001783	973	CD79A	CD79a mol	GO:000225	GO:000488	GO:000577		328	272	0.83	-0.27	
H30001865	H300018650	ENSG0000	XM_011536	1690	COCH	cochlin	GO:000760	GO:000551	GO:000557		1315	1030	0.78	-0.35	
H30001915	H300019154	ENSG0000	NM_152221	1454	CSNK1E	casein kina	GO:000008	GO:000467	GO:000563		410	319	0.78	-0.36	
H30001498	H300014986	ENSG0000	-	10615	SPAG5	sperm asso	GO:000007	GO:000551	GO:000077		80	65	0.81	-0.30	
H30001931	H300019319	ENSG0000	NM_015506	25974	MMACHC	methylmalc	GO:000676	GO:000551	GO:000573		62	51	0.82	-0.29	
H30000459	H300004594	ENSG0000	-	-	RP11-665C	-	-	-	-		15440	12990	0.84	-0.25	
H30001329	H300013292	ENSG0000	XM_011522	11105	PRDM7	PR domain	GO:000635	GO:000367	GO:000563		32	50	1.56	0.64	
H30000708	H300007080	ENSG0000	NM_080748	140823	ROMO1	reactive ox	GO:000130	GO:000367	GO:000573		2832	2268	0.80	-0.32	
H30000538	H300005388	ENSG0000	NR_126054	101928697	LOC101928	uncharacte	-	-	-		118	109	0.93	-0.11	
H30001097	H300010970	ENSG0000	NM_022093	63923	TNN	tenascin N	GO:000716	GO:000367	GO:0005575	cellular cc		5			
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_006467	10622	POLR3G	polymerase	GO:000635	GO:000105	GO:000079		188	123	0.66	-0.61	
H30000579	H300005790	-	NM_030876	81696	OR5V1	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma m		4			
H20001563	H200015633	ENSG0000	XM_011539	220963	SLC16A9	solute carr	GO:001571	GO:000551	GO:000588		299	487	1.63	0.70	
H20000433	H200004339	ENSG0000	XM_006717	80318	GKAP1	G kinase ar	GO:000716	GO:000551	GO:000579		49	64	1.32	0.40	
H20000828	H200008288	ENSG0000	NR_135186	148811	PM20D1	peptidase N	GO:000650	GO:000367	GO:007006		18	20	1.10	0.13	
H20001369	H200013696	ENSG0000	NM_002379	4146	MATN1	matrilin 1, c	GO:000342	GO:000520	GO:0005576	extracellu		4			
H20000269	H200002699	ENSG0000	XM_011517	55093	WDYHV1	WDYHV mc	GO:000646	GO:000551	GO:000563		272	243	0.89	-0.17	
H30000714	H300007149	ENSG0000	-	100132992	HMGN1P3C	high mobil	-	-	-		4974	4838	0.97	-0.04	
H30001697	H300016973	ENSG0000	NR_003366	729171	ANKRD20A	ankyrin rep	-	-	-						
H30000677	H300006776	-	NR_027711	26343	OR5E1P	olfactory re	-	-	-						
H30000596	H300005969	ENSG0000	NM_130902	170712	COX7B2	cytochrom	GO:190260	GO:000412	GO:0005739	mitochondrion,GO:0005746 mitoc					
H30001131	H300011316	ENSG0000	NM_022573	64591	TSPY2	testis spec	GO:000633	-	GO:0005634	nucleus,GO		9			
H30002134	H300021348	-	XR_926082	1797	DXO	decapping	GO:000640	GO:000016	GO:000563		105	95	0.90	-0.15	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NR_036522	100128252	ZNF667-A	ZNF667 an	-	-	-						
H30002106	H300021067	ENSG0000	NR_045417	56672	AKIP1	A-kinase ir	GO:003444	GO:000551	GO:000565		697	800	1.15	0.20	

H30000557	H300005570	-	-	-	-	-	-	-	-	15208	10123	0.67	-0.59
H30000371	H300003712	ENSG0000	NM_024496	64207	IRF2BPL	interferon r	GO:000012	GO:000367	GO:000561	89	92	1.04	0.05
H30000920	H300009209	ENSG0000	-	387934	FABP5P1	fatty acid b	-	-	-	341	226	0.66	-0.59
H30000194	H300001943	ENSG0000	NM_014034	25842	ASF1A	anti-silenc	GO:000164	GO:000368	GO:000079	375	451	1.20	0.26
H30001884	H300018845	ENSG0000	XM_011538	23329	TBC1D30	TBC1 dom	GO:004354	GO:000509	GO:0005886	plasma m	7		
H20000296	H200002961	ENSG0000	XM_011516	114788	CSMD3	CUB and S	-	-	GO:000588	12	12	1.00	0.00
H20000781	H200007813	ENSG0000	NM_030953	81789	TIGD6	tigger trans	-	GO:000367	GO:000563	66	50	0.77	-0.38
H20000315	H200003157	ENSG0000	XM_011544	220002	CYB561A3	cytochrom	GO:005511	GO:000551	GO:000576	1032	587	0.57	-0.81
H20001646	H200016469	-	-	-	-	-	-	-	-	7			
H20001880	H200018803	ENSG0000	XM_011523	125206	SLC5A10	solute carr	GO:000681	GO:000521	GO:0005886	plasma m	5		
H30000435	H300004353	ENSG0000	NR_027054	554202	MIR31HG	MIR31 host	-	-	-	9			
H30000897	H300008970	ENSG0000	-	-	RP11-169k	-	-	-	-	14117	9565	0.68	-0.56
H30000463	H300004639	ENSG0000	NM_001001	402317	OR2A42	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in		
H30001290	H300012901	ENSG0000	-	285596	FAM153A	family with	-	-	-	6			
H30000983	H300009835	ENSG0000	NM_138701	136647	MPLKIP	M-phase sp	GO:000706	GO:000551	GO:000563	2230	1585	0.71	-0.49
H30000656	H300006563	ENSG0000	NM_033057	81697	OR2B2	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in		
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_011540	8879	SGPL1	sphingosine	GO:000155	GO:000551	GO:000578	63	123	1.96	0.97
H30000481	H300004818	ENSG0000	NM_005365	4108	MAGEA9	MAGE fam	GO:000815	GO:000367	GO:000557	682	370	0.54	-0.88
H30001965	H300019652	ENSG0000	XM_011522	23322	RPGRIP1L	RPGRIP1-1	GO:000170	GO:000551	GO:000573	34	33	0.97	-0.04
H30000914	H300009147	ENSG0000	XM_011535	730249	IRG1	immunores	GO:000276	GO:004761	GO:0005739	mitochond	5		
H30002088	H300020880	ENSG0000	NR_024241	692099	FAM86DP	family with	-	-	-	209	141	0.67	-0.57
H30000392	H300003922	ENSG0000	XM_011522	10573	MRPL28	mitochondr	GO:000641	GO:000373	GO:000573	451	351	0.78	-0.36
H30000801	H300008018	ENSG0000	XM_011539	5662	PSD	pleckstrin a	GO:000716	GO:000487	GO:000172	56	60	1.06	0.09
H30001724	H300017240	ENSG0000	NM_021804	59272	ACE2	angiotensin	GO:000181	GO:000161	GO:0005576	extracellular region,GO:0005615			
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_001344	1603	DAD1	defender ag	GO:000182	GO:000457	GO:000578	2706	1578	0.58	-0.78
H30002063	H300020635	ENSG0000	NR_037945	100534593	STX16-NP	STX16-NP	-	-	-	106	177	1.68	0.75
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001111	130399	ACVR1C	activin A re	GO:000202	GO:000470	GO:0005886	plasma m	7		
H30001742	H300017422	ENSG0000	NM_002458	727897	MUC5B	mucin 5B, c	GO:000649	GO:000551	GO:000561	65	55	0.85	-0.24
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_005216	1650	DDOST	dolichyl-dip	GO:000641	GO:000457	GO:000578	2359	2684	1.14	0.19
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_024771	79829	NAA40	N(alpha)-ad	GO:000662	GO:000808	-	132	108	0.82	-0.30
H30000219	H300002196	-	-	-	-	-	-	-	-	5497	4263	0.78	-0.37
H20002010	H200020100	ENSG0000	NM_001167	149465	CFAP57	cilia and fla	-	-	-	21	24	1.15	0.20
H20000486	H200004866	ENSG0000	NR_103724	25898	RCHY1	ring finger a	GO:000628	GO:000203	GO:000015	1341	1183	0.88	-0.18
H20001423	H200014238	ENSG0000	NM_001243	53347	UBASH3A	ubiquitin as	GO:000181	GO:000551	GO:000563	13	26	1.93	0.95
H20001201	H200012010	ENSG0000	NM_032391	84366	PRAC1	prostate ca	-	-	GO:000563	13	17	1.36	0.45
H20001774	H200017741	ENSG0000	XM_011542	120224	TMEM45B	transmemb	-	-	GO:001602	13	18	1.32	0.40
H30000490	H300004902	ENSG0000	XM_011518	138881	OR1L8	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:0005886	plasma m	4		
H30000254	H300002542	ENSG0000	XM_006716	9	NAT1	N-acetyltra	GO:000680	GO:000406	GO:000582	81	116	1.43	0.51
H30000647	H300006471	ENSG0000	NM_005947	4490	MT1B	metallothio	GO:001003	GO:000827	GO:000563	123	110	0.89	-0.17
H30002121	H300021214	ENSG0000	NM_002977	6335	SCN9A	sodium volt	GO:000681	GO:000524	GO:000151	15	30	1.95	0.96
H30000852	H300008524	ENSG0000	XM_005268	144501	KRT80	keratin 80,	-	GO:000519	GO:0005737	cytoplasm	3		
H30000795	H300007955	ENSG0000	NM_001174	124923	SGK494	uncharacte	GO:000646	GO:000467	-	108	93	0.87	-0.20
H30000309	H300003091	ENSG0000	-	122888	PTBP1P	polypyrimid	-	-	-	420	385	0.92	-0.12
H30000498	H300004989	ENSG0000	NM_001012	402381	SOHLH1	spermatoge	GO:000154	GO:000097	GO:000563	8	12	1.56	0.64
H30001639	H300016394	ENSG0000	XR_930917	8495	PPFIBP2	PPFIA bind	-	GO:000367	GO:000561	5	10	1.86	0.90
H30001866	H300018662	ENSG0000	NM_015666	26164	MTG2	mitochondr	GO:000815	GO:000028	GO:000574	135	97	0.72	-0.47
H30000995	H300009959	ENSG0000	NR_028494	57226	LYRM2	LYR motif	-	GO:000551	GO:000573	801	794	0.99	-0.01
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XR_243280	3835	KIF22	kinesin fam	GO:000628	GO:000367	GO:000077	864	773	0.89	-0.16
H30001921	H300019213	ENSG0000	XM_011517	80243	PREX2	phosphatid	GO:000718	GO:000509	GO:0005622	intracellular,GO:0005886	plasma		
H30000835	H300008350	ENSG0000	NR_027862	8520	HAT1	histone ace	GO:000632	GO:000440	GO:000078	2994	2526	0.84	-0.25
H30000104	H300001046	ENSG0000	NM_024592	79644	SRD5A3	steroid 5 al	GO:000648	GO:000386	GO:000578	524	654	1.25	0.32
H30001904	H300019044	ENSG0000	XR_931288	3709	ITPR2	inositol 1,4	GO:000166	GO:000522	GO:0005789	endoplasm	4		
H30001997	H300019974	ENSG0000	XR_942606	84947	SERAC1	serine activ	GO:000650	GO:001678	GO:0005578	proteinac	14		
H30000733	H300007336	ENSG0000	NM_001692	525	ATP6V1B1	ATPase H+	GO:000150	GO:000552	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005829	cytosol,G		
H30001005	H300010050	ENSG0000	NM_007208	11222	MRPL3	mitochondr	GO:000641	GO:000372	GO:000574	4975	3589	0.72	-0.47
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_006722	6198	RPS6KB1	ribosomal p	GO:000008	GO:000467	GO:000563	233	273	1.17	0.23
H30001186	H300011863	ENSG0000	NM_014399	27075	TSPAN13	tetraspanin	GO:000716	GO:000524	GO:000588	421	210	0.50	-1.00
H20001973	H200019733	ENSG0000	NM_001142	92691	TMEM169	transmemb	-	-	GO:001602	64	59	0.92	-0.12
H20001581	H200015811	ENSG0000	NM_032563	84648	LCE3D	late cornifi	GO:001814	GO:000519	GO:000153	24	18	0.77	-0.37
H20000375	H200003753	ENSG0000	XM_006715	340348	TSPAN33	tetraspanin	GO:000716	GO:001989	GO:000588	30	25	0.84	-0.25
H20000715	H200007159	ENSG0000	XM_011515	84262	PSMG3	proteasome	-	-	GO:000050	783	501	0.64	-0.64
H20001920	H200019202	ENSG0000	XM_005274	83707	TRPT1	tRNA phos	GO:000638	GO:000021	-	329	372	1.13	0.18
H30002022	H300020223	ENSG0000	XM_011509	26092	TOR1AIP1	torsin 1A ir	GO:003278	GO:000167	GO:000563	320	362	1.13	0.18
H30001946	H300019464	ENSG0000	XR_929783	29988	SLC2A8	solute carr	GO:000166	GO:000535	GO:000576	61	39	0.64	-0.63
H30001943	H300019434	ENSG0000	NM_015116	23143	LRCH1	leucine-ric	-	GO:000551	-	201	155	0.77	-0.38
H30001917	H300019173	ENSG0000	XM_011517	51105	PHF20L1	PHD finger	-	GO:000551	-	212	289	1.36	0.44
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_152243	11135	CDC42EP1	CDC42 effe	GO:000726	GO:000509	GO:000573	29	53	1.86	0.89
H30000642	H300006426	ENSG0000	NM_001004	390064	OR51I2	olfactory re	GO:000716	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in		
opHsV0400	opHsV0400003	-	-	-	-	-	-	-	-	9	17	2.01	1.01
H30000121	H300001215	-	-	-	-	-	-	-	-	1168	934	0.80	-0.32
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_006716	138428	PTRH1	peptidyl-tR	GO:000815	GO:000404	GO:000573	186	159	0.85	-0.23
H30002221	H300022212	ENSG0000	NM_001185	7626	ZNF75D	zinc finger	GO:000635	GO:000370	GO:000563	52	87	1.68	0.75
H30001200	H300012002	ENSG0000	NM_006959	7565	ZNF17	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	11	8	0.70	-0.52
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	-	-	AC007551	-	-	-	-	252	163	0.65	-0.63
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_011524	201176	ARHGAP2	Rho GTPas	GO:000689	GO:000509	GO:000562	28	30	1.04	0.06
opHsV0400	opHsV0400004	-	-	-	-	-	-	-	-				
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001004	391104	VHLL	von Hippel	GO:000012	GO:000551	GO:000563	11	15	1.42	0.50
opHsV0400	opHsV0400003	-	-	-	-	-	-	-	-				
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	-	100129259	BRD7P5	bromodoma	-	-	-	160	153	0.95	-0.07
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001013	440093	H3F3C	H3 histone	GO:003030	GO:000551	GO:000078	6905	4999	0.72	-0.47
H30000923	H300009239	ENSG0000	NR_103717	404216	LINC01561	long interge	-	-	-	12	16	1.26	0.33
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_006722	125228	FAM210A	family with	-	-	GO:000573	312	207	0.66	-0.59
H30000937	H300009376	ENSG0000	NM_001012	401612	SLC25A53	solute carr	GO:000641	GO:000373	GO:000574	7	12	1.74	0.80
H30000410	H300004106	ENSG0000	NM_001004	122748	OR11H6	olfactory re	GO:000716	GO:000493	GO:0005886	plasma m	3		
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001038	344758	GPRI49	G protein-c	GO:000154	GO:000493	GO:0005887	integral component of plasma me			
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_020404	57124	CD248	CD248 mol	GO:000815</						

opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_011516	6733	SRPK2	SRSF prote	GO:000024	GO:000028	GO:000563	467	369	0.79	-0.34
H30002192	H300021920	ENSG0000	XM_005268	51535	PPHLN1	periphilin 1	GO:000635	GO:000551	GO:000565	1875	1671	0.89	-0.17
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XM_011537	10426	TUBGCP3	tubulin gam	GO:000008	GO:000519	GO:000092	84	104	1.25	0.32
H30001908	H300019087	ENSG0000	XM_011525	78995	C17orf53	chromosom	-	-	-	54	52	0.96	-0.05
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	-	391819	KRT18P42	keratin 18	-	-	-	413	312	0.76	-0.40
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_011517	100129654	TCF24	transcriptid	GO:000635	GO:000367	GO:000563	53	48	0.92	-0.13
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001303	337973	KRTAP19	keratin ass	-	-	GO:000588	139	107	0.77	-0.37
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_001410	1954	MEGF8	multiple EG	GO:000314	GO:000550	GO:000563	19	28	1.42	0.51
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_005254	123264	SLC51B	solute carr	GO:001572	GO:000521	GO:0005886 plasma membrane,GO:0016021 in				
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	NM_001300	374973	TEX38	testis expr	GO:009877	-	GO:0016021 integral c	5			
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XR_944515	246329	STAC3	SH3 and cy	GO:000300	GO:000551	GO:000562	45	95	2.14	1.10
H30000150	H300001505	-	NR_046285	100130744	LOC100130	uncharacte	-	-	-	21	37	1.78	0.83
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NR_133910	284340	CXCL17	C-X-C mo	GO:000152	-	GO:0005576 extracellu	5			
H30000363	H300003637	ENSG0000	NM_001002	431705	ASTL	astacin-like	GO:000650	GO:000422	GO:000573	25	25	1.00	0.00
H30000749	H300007490	ENSG0000	NM_198137	378807	CATSPER4	cation char	GO:000727	GO:000522	GO:0001669 acrosomal vesicle,GO:0005886 pl				
opHsV0400	opHsV0400003	-	-	-	-	-	-	-	-	5			
H30001917	H300019171	ENSG0000	XM_011524	9526	MPDU1	mannose-F	GO:000645	GO:000551	GO:000573	482	390	0.81	-0.31
H30000373	H300003735	ENSG0000	XR_110528	729173	LOC72917	uncharacte	-	-	-	4			
H30000546	H300005463	ENSG0000	NM_001004	401665	OR51T1	olfactory re	GO:000716	GO:000493	GO:000588	4	11	2.96	1.57
H30000176	H300001769	ENSG0000	NR_002183	145165	ST13P4	suppressor	-	-	GO:000573	632	535	0.85	-0.24
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NG_027813	4297	KMT2A	lysine meth	GO:000630	GO:000104	GO:0005634 nucleus,GO:0005654 nucleoplasm				
H30000560	H300005603	ENSG0000	-	283014	EIF2S2P3	eukaryotic	-	-	-	1350	1686	1.25	0.32
H30000407	H300004078	ENSG0000	NM_001005	143496	OR52B4	olfactory re	GO:000716	GO:000493	GO:0005886 plasma membrane,GO:0016021 in				
H30000919	H300009198	ENSG0000	-	6288	SAA1	serum amy	GO:000018	GO:000166	GO:0005576 extracellu	8			
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001136	254439	C11orf86	chromosom	-	-	-	155	121	0.78	-0.35
H30001645	H300016459	ENSG0000	NR_024211	91445	RNF185	ring finger	GO:000691	GO:000551	GO:000574	64	70	1.10	0.14
H30001933	H300019332	ENSG0000	XM_011535	55425	GPALPP1	GPALPP n	-	-	-	315	334	1.06	0.08
H30002079	H300020797	ENSG0000	XM_011523	1742	DLG4	discs large	GO:000016	GO:000438	GO:000573	5	10	1.98	0.99
H30001970	H300019701	ENSG0000	NM_001256	78997	GDAP1L1	ganglioside	GO:000674	GO:000436	GO:000573	36	35	0.97	-0.04
H30001903	H300019039	ENSG0000	NM_001190	6718	AKR1D1	aldo-keto r	GO:000669	GO:000549	GO:0005829 cytosol,GO:0070062 extracellular				
opHsV0400	opHsV0400008	ENSG0000	NM_001017	400673	VMAC	vimentin-ty	-	-	GO:000573	46	46	0.99	-0.01
H30000767	H300007674	ENSG0000	NM_001143	339804	C2orf74	chromosom	-	-	GO:0016021 integral c	7			
H30000914	H300009148	ENSG0000	NM_001670	421	ARVCF	armadillo re	GO:000715	GO:000551	GO:000562	52	36	0.69	-0.53
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_011538	387885	CFAP73	cilia and fla	-	-	-	21	24	1.17	0.22
H30002004	H300020047	ENSG0000	XR_928359	862	RUNX1T1	runt related	GO:000609	GO:000367	GO:0005654 nucleopla	4			
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_177437	338398	TAS2R60	taste 2 rec	GO:000158	GO:000493	GO:0005886 plasma m	6			
H30000051	H300000511	-	-	-	-	-	-	-	-	5	8	1.52	0.60
H30001698	H300016987	ENSG0000	NR_033825	84861	KLHL22	kelch like f	GO:000007	GO:000484	GO:000573	254	305	1.20	0.26
H30001929	H300019293	ENSG0000	XM_011523	3996	LLGL1	lethal giant	GO:000646	GO:000509	GO:000013	34	26	0.77	-0.38
H30000472	H300004726	ENSG0000	-	-	CTD-2012	-	-	-	-	395	373	0.94	-0.08
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001008	283726	SAXO2	stabilizer o	-	-	-	7			
H30000886	H300008866	ENSG0000	XM_011520	338755	OR2AG2	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:000588	35	29	0.84	-0.26
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_031297	727800	RNF208	ring finger	GO:005186	GO:000484	GO:000565	115	100	0.88	-0.19
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NR_027902	284573	LINC00303	long interge	-	-	-	3			
H30000559	H300005596	ENSG0000	NM_001005	81392	OR2AE1	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886 plasma m	8			
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_011521	643677	CCDC168	coiled-coil	-	-	-	8	16	1.94	0.96
H30000211	H300002119	ENSG0000	NM_001005	119765	OR4B1	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:0005886 plasma membrane,GO:0016021 in				
H30000390	H300003908	ENSG0000	XM_011542	219833	C11orf45	chromosom	-	-	GO:0005576 extracellular region				
H30000148	H300001486	ENSG0000	NM_001318	348180	CTU2	cytosolic th	GO:000209	GO:000004	GO:000573	208	144	0.69	-0.53
H30000368	H300003681	ENSG0000	XM_006719	160762	CCDC63	coiled-coil	-	-	-	7			
H30000740	H300007409	ENSG0000	-	1343	COX6B1P3	cytochrome	-	-	-	31	25	0.83	-0.27
H30002222	H300022224	ENSG0000	XM_011545	4926	NUMA1	nuclear mit	GO:000008	GO:000519	GO:000013	187	186	0.99	-0.01
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_178026	2686	GGT7	gamma-glu	GO:000650	GO:000384	GO:001602	105	86	0.82	-0.29
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001128	10452	TOMM40	translocase	GO:000042	GO:000832	GO:000565	1045	664	0.64	-0.65
H30001995	H300019956	ENSG0000	NM_001172	5357	PLS1	plastin 1	GO:000195	GO:000520	GO:000590	125	118	0.94	-0.09
H30001898	H300018988	ENSG0000	NM_002035	2531	KDSR	3-ketodihy	GO:000666	GO:004756	GO:000561	218	157	0.72	-0.47
opHsV0400	opHsV0400006	-	NM_214711	401137	PRR27	proline rich	-	-	GO:0070062 extracellular exosome				
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_011516	349136	WDR86	WD repeat	-	-	-	3			
opHsV0400	opHsV0400005	-	NR_028502	84981	MIR22HG	MIR22 host	-	-	-	2470	1166	0.47	-1.08
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_021963	4674	NAP1L2	nucleosom	GO:000633	GO:000368	GO:0005634 nucleus				
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_198849	283514	SIAH3	siah E3 ubi	GO:000691	GO:004687	GO:000563	34	32	0.96	-0.06
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	644214	PHBP11	prohibitin p	-	-	-	114	65	0.57	-0.82
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	286527	TMSB15B	thymosin b	GO:000701	GO:000378	GO:000573	6	12	1.80	0.85
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_011537	80757	TMEM121	transmemb	GO:000815	GO:000367	GO:000557	14	15	1.08	0.12
H30000866	H300008661	ENSG0000	NM_001007	222698	NKAPL	NFKB activ	-	-	-				
opHsV0400	opHsV0400003	-	-	-	-	-	-	-	-	6			
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001080	389072	PLEKHM3	pleckstrin p	GO:003555	GO:004687	GO:000562	6	19	3.18	1.67
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001079	645104	CLRN2	clarin 2	-	-	GO:0016021 integral c	6			
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_011524	644070	GSG1L2	GSG1-like	-	-	GO:0016021 integral component of membrane				
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_176883	259287	TAS2R41	taste 2 rec	GO:000158	GO:003303	GO:0005886 plasma m	4			
H30000915	H300009154	ENSG0000	NM_139286	246184	CDC26	cell divisio	GO:000027	GO:000551	GO:000565	571	695	1.22	0.28
H30000129	H300001292	ENSG0000	-	-	RP11-592N	-	-	-	-	26322	22210	0.84	-0.25
H30000047	H300000471	ENSG0000	-	203510	HMGB3P30	high mobil	-	-	-	275	270	0.98	-0.02
H30000676	H300006769	ENSG0000	-	646993	HMGB3P24	high mobil	-	-	-	3			
H30000389	H300003898	ENSG0000	NM_145719	220359	TIGD3	tigger trans	-	GO:000367	GO:000563	10	13	1.28	0.36
H30000608	H300006088	ENSG0000	NM_001004	219959	OR1S1	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:0005886 plasma membrane,GO:0016021 in				
H30000436	H300004361	ENSG0000	XM_011540	79290	OR13A1	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:000588	181	180	1.00	-0.01
H30000789	H300007894	ENSG0000	-	401663	OR51H1	olfactory re	GO:000716	GO:000493	GO:000588	23	16	0.72	-0.48
H30001006	H300010068	ENSG0000	XM_011536	390431	OR4K2	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:0005886 plasma m	5			
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_194294	169355	IDO2	indoleamine	GO:000237	GO:000483	GO:0005737 cytoplasm,GO:0005829 cytosol				
H30000856	H300008566	ENSG0000	NM_176870	4499	MT1M	metallothio	GO:001003	GO:000827	GO:000563	6	8	1.28	0.36
H30002054	H300020545	ENSG0000	NM_001308	147463	ANKRD29	ankyrin rep	-	-	-	46	46	0.99	-0.02
H30002052	H300020525	ENSG0000	NM_024919	79981	FRMD1	FERM dom	-	-	GO:000585	66	57	0.87	-0.20
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001161	2840	GPR17	G protein-c	GO:000718	GO:000495	GO:0005886 plasma m	6			
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_178130	347736	NME9	NME/NM23	GO:000616	GO:000455	GO:0005737 cytoplasm	4			
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_011538	22864	R3HDM2	R3H domai	-	GO:000551	GO:000563	74	124	1.66	0.73
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_130807	126308	MOB3A	MOB kinas	-	GO:004687	GO:000562	39	41	1.05	0.07
H30002246	H300022467	ENSG0000	NM_										

H30002106	H300021066	ENSG0000	XM_006721	55839	CENPN	centromere	GO:000027	-	GO:000077	2286	2111	0.92	-0.11
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_015547	26027	ACOT11	acyl-CoA t	GO:000663	GO:000828	GO:0005737	cytoplasm	4		
H30002077	H300020773	ENSG0000	XM_011515	222235	FBXL13	F-box and	-	-	-		4		
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_212555	399967	PATE2	prostate ar	-	-	GO:000561	16	19	1.20	0.26
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XM_011512	401040	LOC401040	uncharacte	-	-	-		4		
H30000381	H300003816	ENSG0000	-	22900	CARD8	caspase re	GO:000691	GO:000551	GO:000563	32	31	0.95	-0.08
H30000747	H300007470	ENSG0000	NM_001004	390264	OR10G4	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma m	4		
H30002230	H300022307	ENSG0000	NM_014262	10536	P3H3	prolyl 3-hy	GO:000828	GO:000550	GO:000578	4	8	1.97	0.98
H30000798	H300007987	ENSG0000	NM_001010	134829	CLVS2	clavesin 2	GO:000689	GO:000521	GO:000576	49	44	0.89	-0.16
H30002025	H300020254	ENSG0000	NM_207521	57142	RTN4	reticulon 4	GO:000691	GO:000551	GO:000562	1612	2680	1.66	0.73
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_152601	163051	ZNF709	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	44	43	0.97	-0.04
opHsV0400	opHsV0400006	-	NM_033059	653240	KRTAP4-1	keratin ang	-	GO:000551	GO:0045095	keratin fil	10		
H30002048	H300020485	ENSG0000	NM_001297	26272	FBXO4	F-box prot	GO:000020	GO:000484	GO:000015	220	234	1.06	0.09
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_011534	220108	FAM124A	family with	-	GO:000551	-				
H30002017	H300020174	ENSG0000	XM_011524	114804	RNF157	ring finger	-	GO:000827	-	98	91	0.93	-0.11
H30000941	H300009418	ENSG0000	XM_006722	79415	C17orf62	chromosom	-	GO:000551	GO:001602	125	108	0.87	-0.21
H30002152	H300021525	ENSG0000	NM_001100	129852	C2orf73	chromosom	-	-	-		3		
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NR_047529	284367	SIGLEC17F	sialic acid b	-	-	-		6		
H30002134	H300021344	ENSG0000	NM_001308	2993	G3PA	glycophorin	GO:004671	GO:000161	GO:000588	2207	2011	0.91	-0.13
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_000194	3251	HPRT1	hypoxanthi	GO:000197	GO:000016	GO:000573	2316	1878	0.81	-0.30
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	-	642959	ALOX15P2	arachidona	-	-	-		3		
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_001286	54058	C21orf58	chromosom	-	-	-	64	54	0.85	-0.23
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001733	715	C1R	complemen	GO:000650	GO:000425	GO:000557	8	14	1.73	0.79
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	-	120364	HNRNPA1F	heterogene	-	-	-	10710	6768	0.63	-0.66
H30000839	H300008393	-	XM_011542	120114	FAT3	FAT atypic	GO:000715	GO:000550	GO:0005886	plasma m	5		
opHsV0400	opHsV0400004	-	-	-	-	-	-	-	-	134	106	0.79	-0.34
H30002028	H300020286	ENSG0000	NM_033027	64651	CSRN1P	cysteine-s	GO:000636	GO:000122	GO:000563	39	43	1.10	0.14
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_005273	8756	ADAM7	ADAM met	GO:000650	GO:000422	GO:000588	5	13	2.64	1.40
H20001409	H200014095	ENSG0000	NM_001135	10233	LRRC23	leucine ric	GO:000815	GO:000367	GO:000557	28	39	1.39	0.47
H20001296	H200012966	ENSG0000	XM_005269	118987	PDZD8	PDZ domai	GO:000701	GO:004687	GO:000562	214	178	0.83	-0.26
opHsV0400	opHsV0400008	ENSG0000	XM_011516	9988	DMTF1	cyclin D bir	GO:000635	GO:000367	GO:000563	76	73	0.95	-0.07
opHsV0400	opHsV0400010	ENSG0000	NM_016652	51340	CRNKL1	crooked ne	GO:000024	GO:000372	GO:000097	544	416	0.77	-0.39
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_006951	6877	TAF5	TATA-box	GO:000635	GO:000370	GO:000563	94	79	0.84	-0.25
H30002037	H300020376	ENSG0000	NM_134266	115111	SLC26A7	solute carr	GO:000169	GO:000525	GO:0005737	cytoplasm			
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_021640	60314	C12orf10	chromosom	GO:003564	GO:000367	GO:000563	594	552	0.93	-0.11
H30002149	H300021492	-	XR_931784	254531	LPCAT4	lysophosph	GO:000664	GO:004716	GO:000578	182	170	0.93	-0.10
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_011520	9776	ATG13	autophagy	GO:000004	GO:000551	GO:000040	148	116	0.79	-0.35
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XM_011545	197370	NSMCE1	NSE1 hom	GO:000072	GO:000484	GO:000078	1080	1106	1.02	0.04
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	NR_033698	2339	FNTA	farnesyltra	GO:000691	GO:000466	GO:000573	869	958	1.10	0.14
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XR_242100	7559	ZNF12	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	48	59	1.22	0.29
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_015693	27152	INTU	inturned pl	GO:000739	-	GO:000573	13	12	0.91	-0.14
H30002066	H300020669	ENSG0000	NM_001261	9577	BRE	brain and r	GO:000072	GO:000026	GO:000015	272	334	1.23	0.30
H30002062	H300020629	ENSG0000	XR_928365	93594	TBC1D31	TBC1 dom	-	-	GO:000581	224	246	1.09	0.13
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_177534	6817	SULT1A1	sulfotransf	GO:000658	GO:000406	GO:000582	510	492	0.96	-0.05
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	NM_001288	2547	XRCC6	X-ray repa	GO:000072	GO:000367	GO:000078	5300	3862	0.73	-0.46
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_006715	389558	FAM180A	family with	-	-	GO:0005576	extracellular region			
H30000329	H300003294	ENSG0000	XM_011520	387755	INSC	inscuteable	GO:000013	-	GO:000593	9	10	1.20	0.26
H30000338	H300003382	ENSG0000	NM_001005	119774	OR52K2	olfactory re	GO:000716	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane			
H20001806	H200018061	ENSG0000	NM_012367	26212	OR2B6	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:000588	54	49	0.91	-0.14
opHsV0400	opHsV0400006	-	NM_213656	390792	KRT39	keratin 39,	-	GO:000519	GO:0005882	intermediate filament			
opHsV0400	opHsV0400012	ENSG0000	NM_001307	5275	SERPINB1	serpin pept	GO:000941	GO:000202	GO:0005615	extracellular space			
opHsV0400	opHsV0400011	ENSG0000	NM_001042	10735	STAG2	stromal ant	GO:000027	GO:000122	GO:000077	1003	1013	1.01	0.01
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_001270	9589	WTAP	Wilms tum	GO:000038	GO:000551	GO:000563	1008	1302	1.29	0.37
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_017923	55016	42430	membrane	GO:000020	GO:000484	GO:0005764	lysosome	3		
H30002066	H300020660	ENSG0000	NM_001256	1838	DTNB	dystrobrevi	-	GO:000551	GO:0005737	cytoplasm	6		
H30001900	H300019004	ENSG0000	XM_005257	3212	HOXB2	homeobox	GO:000201	GO:000370	GO:000563	765	647	0.85	-0.24
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XM_011517	10655	DMRT2	doublesex	GO:000635	GO:000097	GO:0005575	cellular_component			
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_005809	7001	PRDX2	peroxiredox	GO:000030	GO:000837	GO:000573	3243	2194	0.68	-0.56
H30000191	H300001912	ENSG0000	XM_006721	124045	SPATA33	spermatoge	-	-	GO:000563	70	64	0.92	-0.13
H30001126	H300011266	ENSG0000	NM_152542	152926	PPM1K	protein ph	GO:000647	GO:000472	GO:000573	68	52	0.76	-0.39
H30002083	H300020839	ENSG0000	NM_001142	142679	DUSP19	dual specif	GO:000018	GO:000472	GO:000573	56	63	1.12	0.16
H30002060	H300020604	ENSG0000	XM_011517	4325	MMP16	matrix met	GO:000195	GO:000422	GO:0005578	proteinac	10		
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_004441	2047	EPHB1	EPH recept	GO:000152	GO:000500	GO:0005576	extracellular region			
H30000067	H300000679	-	-	-	-	-	-	-	-				
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001004	441911	OR10J3	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:0005886	plasma m	11		
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001278	729767	CEACAM18	carcinoemb	-	-	-		3		
AHsV1000	AHsV10001894	ENSG0000	NM_001007	6161	RPL32	ribosomal p	GO:000018	GO:000373	GO:000582	226	302	1.33	0.41
AHsV1000	AHsV10003362	ENSG0000	XM_011521	5923	RASGRF1	Ras proteir	GO:000016	GO:000508	GO:0005829	cytosol			
AHsV1000	AHsV10003252	ENSG0000	NM_006267	5903	RANBP2	RAN bindin	GO:000027	GO:000372	GO:000563	2266	2439	1.08	0.11
CHsGV100	CHsGV1000043	ENSG0000	XM_006720	5721	PSME2	proteasome	GO:000008	GO:006113	GO:000050	1970	2144	1.09	0.12
H20000541	H200005414	ENSG0000	NM_002803	5701	PSMC2	proteasome	GO:000008	GO:000551	GO:000050	13210	8331	0.63	-0.67
H20001222	H200012221	ENSG0000	NM_001164	2719	GPC3	glypican 3	GO:000152	GO:000551	GO:0005578	proteinaceous extracellular matri			
AHsV1000	AHsV10000912	ENSG0000	NM_178026	2686	GGT7	gamma-glu	GO:000650	GO:000384	GO:001602	149	149	1.00	0.00
H20000236	H200002365	ENSG0000	XM_006711	2330	FMO5	flavin conta	GO:000815	GO:000449	GO:0005737	cytoplasm			
AHsV1000	AHsV10001693	ENSG0000	XM_005256	2314	FLII	flightless I	GO:000635	GO:000377	GO:000565	331	376	1.14	0.18
H30002037	H300020374	ENSG0000	XM_011517	2138	EYA1	EYA trans	GO:000013	GO:000372	GO:000563	10	10	0.93	-0.11
H20001905	H200019051	ENSG0000	NM_004453	2110	ETFDH	electron tra	GO:000697	GO:000417	GO:000575	424	397	0.94	-0.09
H20000371	H200003718	ENSG0000	NM_001406	1949	EFNB3	ephrin-B3	GO:000726	GO:000161	GO:0005886	plasma m	4		
CHsGV100	CHsGV100025	ENSG0000	NM_001400	1901	S1PR1	sphingosine	GO:000152	GO:000166	GO:0005768	endosome	16		
AHsV1000	AHsV10000210	ENSG0000	NR_033187	5303	PIN4	peptidylpro	GO:000041	GO:000367	GO:000563	82	79	0.96	-0.06
H20000799	H200007995	ENSG0000	NM_001170	5127	CDK16	cyclin-dep	GO:000646	GO:000467	GO:000573	131	115	0.87	-0.20
H30000240	H300002408	ENSG0000	NM_002589	5099	PCDH7	protocadhe	GO:000715	GO:000550	GO:0005886	plasma membrane			
AHsV1000	AHsV10002891	ENSG0000	XM_011516	4897	NRCAM	neuronal ce	GO:000152	GO:000551	GO:0005576	extracellu	20		
H20000615	H200006158	ENSG0000	NM_006172	4878	NPPA	natriuretic	GO:000166	GO:000510	GO:0005576	extracellular region			
H20000615	H200006150	ENSG0000	NM_014762	1718	DHCR24	24-dehydry	GO:000669	GO:000024	GO:000013				

CHsGV100	CHsGV100006	ENSG0000	NM_001127	1184	CLCN5	chloride vo	GO:000681	GO:000524	GO:000013	19	33	1.69	0.76	
H30002095	H300020955	ENSG0000	NM_001318	995	CDC25C	cell divisor	GO:000007	GO:000472	GO:000563	183	283	1.55	0.63	
H20000693	H200006938	ENSG0000	NM_001781	969	CD69	CD69 mole	GO:000716	GO:000488	GO:000588	1131	1923	1.70	0.77	
AHsV1000	AHsV10000948	ENSG0000	NM_005406	6093	ROCK1	Rho associ	GO:000338	GO:000467	GO:000013	309	404	1.31	0.39	
H20000816	H200008166	ENSG0000	NM_018890	5879	RAC1	ras-related	GO:000193	GO:000392	GO:000013	6597	4103	0.62	-0.68	
AHsV1000	AHsV10002658	-	XM_011514	5863	RGL2	ral guanine	GO:000726	GO:000508	GO:000557	183	228	1.25	0.32	
H30000204	H300002045	ENSG0000	NM_002792	5688	PSMA7	proteasome	GO:000008	GO:000429	GO:000050	6077	4897	0.81	-0.31	
H30002240	H300022409	ENSG0000	NR_130149	5645	PRSS2	protease, s	GO:000650	GO:000425	GO:000557	27	77	2.84	1.51	
H20001065	H200010656	ENSG0000	NM_001487	2647	BLOC1S1	biogenesis	GO:000689	GO:000551	GO:000561	524	458	0.87	-0.19	
H20000501	H200005018	ENSG0000	NM_005257	2627	GATA6	GATA bind	GO:000012	GO:000097	GO:000563	8	8	1.06	0.08	
H30002141	H300021413	ENSG0000	XM_005273	2286	FKBP2	FK506 bind	GO:000041	GO:000375	GO:000578	491	473	0.96	-0.05	
CHsGV100	CHsGV1000167	-	XM_011521	2259	FGF14	fibroblast g	GO:000223	GO:000510	GO:000557	39	33	0.84	-0.25	
AHsV1000	AHsV10001018	ENSG0000	NM_000124	2074	ERC6	excision re	GO:000030	GO:000367	GO:000563	8	19	2.37	1.24	
H20001037	H200010372	ENSG0000	NM_001136	2052	EPHX1	epoxide hy	GO:000680	GO:000430	GO:000578	106	150	1.42	0.50	
H30002065	H300020652	ENSG0000	NM_130438	1859	DYRK1A	dual specifi	GO:000027	GO:000467	GO:000563	6	32	5.01	2.33	
CHsGV100	CHsGV1000323	ENSG0000	NM_001319	1832	DSP	desmoplaki	GO:000293	GO:000508	GO:0001533	cornified	5			
H30001323	H300013232	ENSG0000	NM_001282	5251	PHEX	phosphate	GO:000150	GO:000417	GO:000578	8	13	1.63	0.70	
AHsV1000	AHsV10002168	-	XM_011517	5079	PAX5	paired box	GO:000012	GO:000097	GO:0005634	nucleus				
AHsV1000	AHsV10002902	ENSG0000	XM_011523	5048	PAFAH1B1	platelet act	GO:000008	GO:000551	GO:000023	204	215	1.06	0.08	
AHsV1000	AHsV10003039	ENSG0000	XM_011518	4851	NOTCH1	notch 1	GO:000012	GO:000104	GO:000013	79	111	1.42	0.50	
H20001213	H200012135	ENSG0000	NM_198175	4830	NME1	NME/NM23	GO:000276	GO:000028	GO:000563	7269	4567	0.63	-0.67	
AHsV1000	AHsV10002988	ENSG0000	XR_931610	1638	DCT	dopachrom	GO:000205	GO:000416	GO:0005829	cytosol,GO:0016021	integral com			
H30000388	H300003885	ENSG0000	XM_005268	1610	DAO	D-amino-a	GO:000656	GO:000388	GO:0005741	mitochond	7			
H30001877	H300018773	ENSG0000	XM_011515	1395	CRHR2	corticotrop	GO:000701	GO:000517	GO:0005791	rough end	6			
H20001730	H200017305	ENSG0000	NM_001185	1366	CLDN7	claudin 7	GO:000223	GO:000519	GO:000592	55	58	1.06	0.09	
H20000162	H200001626	ENSG0000	NM_013324	1154	CISH	cytokine in	GO:000155	GO:000367	GO:000557	173	173	1.00	0.00	
H20001598	H200015980	ENSG0000	XM_011544	1128	CHRM1	cholinergic	GO:000305	GO:000443	GO:0005886	plasma membra	GO:0005887	in		
H20001905	H200019059	ENSG0000	NM_001204	950	SCARB2	scavenger	GO:000662	GO:000161	GO:000576	128	164	1.28	0.35	
CHsGV100	CHsGV1000055	ENSG0000	XM_011523	924	CD7	CD7 molec	GO:000225	GO:000487	GO:000588	158	119	0.75	-0.41	
H30002041	H300020416	ENSG0000	NM_001005	6001	RGS10	regulator o	GO:000721	GO:000196	GO:000563	1569	1203	0.77	-0.38	
H20000799	H200007997	ENSG0000	NM_001135	5817	PVR	poliovirus r	GO:000286	GO:000161	GO:000561	16	24	1.50	0.58	
AHsV1000	AHsV10000150	-	NM_001291	5796	PTPRK	protein tyr	GO:000647	GO:000472	GO:000175	58	62	1.07	0.10	
H20000597	H200005977	ENSG0000	NM_001080	5621	PRNP	prion prote	GO:000193	GO:000550	GO:000563	928	853	0.92	-0.12	
H30001976	H300019761	ENSG0000	XR_243293	5595	MAPK3	mitogen-ad	GO:000016	GO:000178	GO:000563	129	135	1.05	0.07	
CHsGV100	CHsGV1000009	ENSG0000	NM_001258	2592	GALT	galactose-	GO:000597	GO:000551	GO:000579	70	60	0.86	-0.21	
CHsGV100	CHsGV100037	ENSG0000	XM_011521	2567	GABRG3	gamma-am	GO:000721	GO:000489	GO:000588	58	48	0.83	-0.27	
H30000791	H300007916	ENSG0000	NM_001448	2239	GPC4	glypican 4	GO:000152	GO:004339	GO:000557	21	24	1.14	0.20	
H30000428	H300004283	ENSG0000	NM_002001	2205	FCER1A	Fc fragmen	GO:000181	GO:001976	GO:0005622	intracellul	5			
AHsV1000	AHsV10001995	ENSG0000	NM_004437	2035	EPB41	erythrocyte	GO:000801	GO:000377	GO:000563	192	240	1.25	0.32	
H20001492	H200014926	ENSG0000	NM_004098	2018	EMX2	empty spira	GO:000635	GO:000551	GO:0005634	nucleus	3			
AHsV1000	AHsV10002650	-	NM_016574	1813	DRD2	dopamine r	GO:000165	GO:000159	GO:0001669	acrosomal vesicle,GO:0005622	in			
CHsGV100	CHsGV100003	ENSG0000	NM_004946	1794	DOCK2	dedicator o	GO:000176	GO:000509	GO:000582	22	60	2.70	1.43	
CHsGV100	CHsGV100025	ENSG0000	NM_002618	5194	PEX13	peroxisoma	GO:000156	GO:000551	GO:0005777	peroxisome,GO:0005778	peroxisc			
H30000554	H300005540	ENSG0000	NM_000916	5021	OXTR	oxytocin re	GO:000196	GO:000499	GO:0005829	cytosol,G	4			
H20000059	H200000598	ENSG0000	XM_011535	4988	OPRM1	opioid rece	GO:000243	GO:000196	GO:0005783	endoplasmic reticulum,GO:00057				
AHsV1000	AHsV10003198	ENSG0000	NM_198270	4810	NHS	NHS actin	GO:000208	-	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005923	bicellular			
AHsV1000	AHsV10000547	ENSG0000	XM_005251	4781	NFIB	nuclear fac	GO:000012	GO:000097	GO:000563	6	15	2.53	1.34	
H30000256	H300002567	ENSG0000	NM_000781	1583	CYP11A1	cytochrom	GO:000670	GO:000550	GO:000573	21	24	1.15	0.21	
H30001880	H300018802	ENSG0000	XM_011524	1534	CYB5E1	cytochrom	GO:000290	GO:000029	GO:001602	33	25	0.75	-0.41	
H30001927	H300019271	ENSG0000	XM_011522	1327	COX4I1	cytochrom	GO:000609	GO:000412	GO:000563	13860	11022	0.80	-0.33	
H20000506	H200005066	ENSG0000	NM_001853	1299	COL9A3	collagen ty	GO:000741	GO:003002	GO:000557	202	159	0.78	-0.35	
H20000372	H200003721	ENSG0000	XM_011534	1102	RCBTB2	RCC1 and	GO:004354	GO:000508	-	48	59	1.23	0.30	
H30002178	H300021781	ENSG0000	NM_001042	1058	CENPA	centromere	GO:000013	GO:000367	GO:000077	2791	2494	0.89	-0.16	
H30000056	H300000562	ENSG0000	NM_001762	908	CCT6A	chaperonin	GO:000645	GO:000551	GO:000573	5989	3996	0.67	-0.58	
H30000048	H300000486	ENSG0000	NM_000730	886	CKAR	cholecysto	GO:000165	GO:000495	GO:000576	16	18	1.10	0.14	
H20000809	H200008095	ENSG0000	NM_002905	5959	RDH5	retinol dehy	GO:000152	GO:000474	GO:000578	10	14	1.45	0.54	
opHsV0400	opHsV0400012	ENSG0000	XM_011518	5774	PTPN3	protein tyr	GO:000647	GO:000178	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005856	cytoskele			
H20001473	H200014737	ENSG0000	NM_000963	5743	PTGS2	prostagland	GO:000151	GO:000460	GO:0005634	nucleus,GO:0005737	cytoplasm,C			
AHsV1000	AHsV10001416	ENSG0000	NM_005400	5581	PRKCE	protein kin	GO:000228	GO:000378	GO:0005634	nucleus,G	4			
AHsV1000	AHsV10002619	ENSG0000	NM_206907	5562	PRKAA1	protein kin	GO:000018	GO:000368	GO:000562	337	326	0.97	-0.05	
H20000532	H200005324	ENSG0000	NM_001243	2533	FYB	FYN bindin	GO:000646	GO:000510	GO:000563	67	250	3.75	1.91	
H20001985	H200019855	ENSG0000	NM_004958	2475	MTOR	mechanisti	GO:000193	GO:000103	GO:000013	369	351	0.95	-0.07	
CHsGV100	CHsGV100024	ENSG0000	XM_011544	2185	PTK2B	protein tyr	GO:000016	GO:000468	GO:000563	22	23	1.03	0.05	
H20001916	H200019163	ENSG0000	NM_001441	2166	FAAH	fatty acid a	GO:000906	GO:000551	GO:0005789	endoplas	8			
AHsV1000	AHsV10002847	ENSG0000	NM_001144	1996	ELAVL4	ELAV like r	GO:000639	GO:000016	-					
CHsGV100	CHsGV1000143	ENSG0000	NM_001415	1968	EIF2S3	eukaryotic	GO:000173	GO:000374	GO:000563	3243	3862	1.19	0.25	
H20001584	H200015840	ENSG0000	NM_001370	1768	DNAH6	dynein axo	GO:000153	GO:000377	GO:0005858	axonemal dynein complex,GO:000				
AHsV1000	AHsV10001928	ENSG0000	NM_001204	1739	DLG1	discs large	GO:000012	GO:000438	GO:000177	175	247	1.41	0.50	
H20000654	H200006546	ENSG0000	XM_011521	5151	PDE8A	phosphodie	GO:000619	GO:000411	GO:000582	307	277	0.90	-0.15	
CHsGV100	CHsGV1000197	ENSG0000	NM_001318	4952	OCRL	oculocereb	GO:000170	GO:000443	GO:000175	40	49	1.23	0.30	
CHsGV100	CHsGV1000026	ENSG0000	XM_011509	4921	DDR2	discoidin d	GO:000150	GO:000471	GO:000588	60	43	0.72	-0.48	
H30001872	H300018720	ENSG0000	NM_006158	4747	NEFL	neurofilame	GO:000016	GO:000520	GO:000573	13	13	1.01	0.01	
AHsV1000	AHsV10003596	-	NM_004547	4710	NDUFB4	NADH:ubiq	GO:000612	GO:000813	GO:000565	77	55	0.72	-0.47	
H30001448	H300014480	ENSG0000	NM_001907	1506	CTRL	chymotryps	GO:000650	GO:000425	GO:000561	38	33	0.88	-0.19	
H30000605	H300006053	ENSG0000	NM_001326	1479	CSTF3	cleavage st	GO:000039	GO:000372	GO:000563	1059	849	0.80	-0.32	
H20001218	H200012184	ENSG0000	XM_011521	1282	COL4A1	collagen ty	GO:000156	GO:000520	GO:000557	21	30	1.45	0.53	
AHsV1000	AHsV10001593	ENSG0000	NM_001142	1259	CNGA1	cyclic nucl	GO:000681	GO:000522	GO:0005886	plasma m	5			
H20000093	H200000936	ENSG0000	NM_078626	1031	CDKN2C	cyclin-depe	GO:000007	GO:000486	GO:000563	625	620	0.99	-0.01	
AHsV1000	AHsV10001629	ENSG0000	XM_005255	1014	CDH16	cadherin 16	GO:000715	GO:000550	GO:0016021	integral component of membrane				
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_001122	861	RUNX1	runt relate	GO:000150	GO:000097	GO:000560	574	570	0.99	-0.01	
H30002102	H300021023	ENSG0000	XM_011540	840	CASP7	caspase 7	GO:000650	GO:000419	GO:000563	22	25	1.12	0.17	
AHsV1000	AHsV10001879</													

CHsGV100	CHsGV100016	ENSG0000	NM_001128	9686	VGLL4	vestigial lik	GO:000635	GO:000551	GO:000563	57	73	1.29	0.36
CHsGV100	CHsGV1000015	ENSG0000	NM_014648	9666	DZIP3	DAZ intera	GO:000020	GO:000372	GO:000573	11	36	3.14	1.65
H20000852	H200008523	ENSG0000	NM_005065	6400	SEL1L	SEL1L ERA	GO:000645	GO:000551	GO:000083	26	29	1.08	0.12
H20000075	H200000756	ENSG0000	NM_002995	6375	XCL1	X-C motif	GO:000191	GO:000800	GO:000557	40	37	0.92	-0.12
H30000487	H300004875	ENSG0000	NM_001009	6193	RPS5	ribosomal p	GO:000002	GO:000372	GO:000582	23905	14459	0.60	-0.73
H20001344	H200013446	ENSG0000	XM_011535	23493	HEY2	hes related	GO:000012	GO:000098	GO:0005634 nucleus,GO:0005654 nucleoplasm				
H20000657	H200006575	ENSG0000	NM_001290	23469	PHF3	PHD finger	GO:000635	GO:000367	GO:000557	341	351	1.03	0.04
CHsGV100	CHsGV1000115	ENSG0000	NM_004854	9486	CHST10	carbohydr	GO:000715	GO:000814	GO:000013	29	47	1.63	0.70
AHsV1000	AHsV10000189	ENSG0000	NM_170692	9462	RASAL2	RAS protei	GO:000016	GO:000509	GO:0005737 cytoplasm,GO:0005829 cytosol,G				
H20000343	H200003434	ENSG0000	XM_011543	9258	MFHAS1	malignant f	GO:000726	GO:000551	GO:000562	32	53	1.68	0.74
AHsV1000	AHsV10000245	ENSG0000	XM_011534	9228	DLGAP2	discs large	GO:000727	GO:000551	GO:0005883 neurofilament,GO:0014069 posts				
AHsV1000	AHsV10000338	ENSG0000	NR_037570	9054	NFS1	NFS1 cyste	GO:000009	GO:000551	GO:000563	394	332	0.84	-0.24
AHsV1000	AHsV10000740	-	NM_003967	9038	TAAR5	trace amin	GO:000716	GO:000493	GO:0005887 integral component of plasma me				
H20000653	H200006537	ENSG0000	XM_011517	8836	GGH	gamma-glu	GO:000650	GO:000823	GO:000561	1618	1283	0.79	-0.33
AHsV1000	AHsV10000080	ENSG0000	NR_133648	8813	DPM1	dolichyl-ph	GO:000648	GO:000416	GO:000563	1569	1403	0.89	-0.16
H30001901	H300019013	ENSG0000	XM_011544	5533	PPP3CC	protein phd	GO:000647	GO:000472	GO:000573	200	158	0.79	-0.34
H30000099	H300000999	ENSG0000	NM_001009	5516	PPP2CB	protein phd	GO:000647	GO:000472	GO:000015	1545	1206	0.78	-0.36
CHsGV100	CHsGV1000114	ENSG0000	NM_001317	5325	PLAGL1	PLAG1 like	GO:000636	GO:000097	GO:000563	344	506	1.47	0.56
H20000937	H200009376	ENSG0000	XM_011536	27141	CIDEB	cell death-	GO:000691	GO:000551	GO:000581	37	34	0.91	-0.14
AHsV1000	AHsV10003153	ENSG0000	NM_014412	27101	CACYBP	calcyclin bi	-	GO:000551	GO:000564	5	17	3.41	1.77
CHsGV100	CHsGV100017	ENSG0000	NM_005776	10175	CNIH1	cornichon 1	GO:000688	-	GO:000013	1740	1897	1.09	0.13
H20001541	H200015413	ENSG0000	NM_005762	10155	TRIM28	tripartite m	GO:000012	GO:000110	GO:000563	703	490	0.70	-0.52
H20000077	H200000779	ENSG0000	NR_052003	9989	PPP4R1	protein phd	GO:000646	GO:000472	GO:003028	584	562	0.96	-0.06
AHsV1000	AHsV10001192	ENSG0000	XM_011525	9969	MED13	mediator c	GO:000636	GO:000110	GO:000563	36	51	1.39	0.48
AHsV1000	AHsV10001547	ENSG0000	XM_011542	9829	DNAJC6	DnaJ heat	GO:000689	GO:000472	GO:000582	30	33	1.08	0.11
CHsGV100	CHsGV1000036	ENSG0000	XM_011515	9805	SCRN1	secernin 1	GO:000650	GO:000367	GO:000563	13	14	1.09	0.13
AHsV1000	AHsV10002842	ENSG0000	NM_014634	9647	PPM1F	protein phd	GO:000646	GO:000472	GO:000582	338	324	0.96	-0.06
AHsV1000	AHsV10003492	ENSG0000	NR_131761	9627	SNCAIP	synuclein a	GO:000821	GO:000551	GO:0005737 cytoplasm,GO:0005829 cytosol,G				
H20000199	H200001995	ENSG0000	NM_005408	6357	CCL13	C-C motif	GO:000254	GO:000510	GO:000561	98	88	0.90	-0.15
AHsV1000	AHsV10003380	ENSG0000	NM_001202	6323	SCN1A	sodium volt	GO:000223	GO:000524	GO:0001518 voltage-g	7			
H30000707	H300007073	ENSG0000	NM_001199	6135	RPL11	ribosomal p	GO:000002	GO:000372	GO:000573	36954	25341	0.69	-0.54
AHsV1000	AHsV10003595	-	NM_012249	23433	RHOQ	ras homolo	GO:000726	GO:000392	GO:000582	27	31	1.15	0.20
H30001398	H300013989	ENSG0000	XM_011519	23410	SIRT3	sirtuin 3	GO:000647	GO:000395	GO:000573	132	129	0.98	-0.03
AHsV1000	AHsV10001717	ENSG0000	NM_004830	9439	MED23	mediator c	GO:000635	GO:000371	GO:000565	108	100	0.92	-0.11
CHsGV100	CHsGV1000243	ENSG0000	NM_004814	9410	SNRNP40	small nucle	GO:000037	GO:000551	GO:000565	1092	904	0.83	-0.27
H30001782	H300017825	ENSG0000	XM_005252	9200	HACD1	3-hydroxya	GO:000663	GO:001682	GO:000578	35	62	1.78	0.83
AHsV1000	AHsV10003046	ENSG0000	NR_134948	9167	COX7A2L	cytochrom	GO:000636	GO:000412	GO:000574	4014	3480	0.87	-0.21
EHsV1000	EHsV10000006	ENSG0000	NM_003955	9021	SOCS3	suppressor	GO:000166	GO:000486	GO:000573	53	48	0.90	-0.14
CHsGV100	CHsGV1000263	-	-	-	-	-	-	-	-	14	21	1.45	0.53
CHsGV100	CHsGV1000246	ENSG0000	XR_932957	8786	RGS11	regulator o	GO:000718	GO:000487	GO:000573	15	18	1.17	0.22
AHsV1000	AHsV10000816	ENSG0000	NM_003818	8760	CDS2	CDP-diacy	GO:000664	GO:000460	GO:000574	115	133	1.16	0.21
H20001339	H200013397	ENSG0000	NM_005038	5481	PPID	peptidylpro	GO:000012	GO:000375	GO:000563	1214	1123	0.92	-0.11
CHsGV100	CHsGV1000206	ENSG0000	NM_005604	5454	POU3F2	POU class	GO:000636	GO:000097	GO:0005634 nucleus,G		3		
H20000653	H200006531	ENSG0000	NM_005025	5274	SERPINI1	serpin pept	GO:000741	GO:000486	GO:000561	135	58	0.43	-1.22
AHsV1000	AHsV10000044	-	NM_001278	27043	PELP1	proline, glu	GO:000635	GO:000368	GO:000563	416	270	0.65	-0.62
AHsV1000	AHsV10002673	ENSG0000	NM_001291	26999	CYFIP2	cytoplasmic	GO:000691	GO:000551	GO:0005634 nucleus,G		5		
H20001735	H200017355	ENSG0000	XM_005252	10133	OPTN	optineurin	GO:000004	GO:000551	GO:000013	12	15	1.25	0.32
H20000585	H200005853	ENSG0000	NM_005733	10112	KIF20A	kinesin fam	GO:000027	GO:000377	GO:000565	621	497	0.80	-0.32
AHsV1000	AHsV10002563	ENSG0000	NM_145858	9946	CRYZL1	crystallin z	GO:000511	GO:000396	GO:000582	690	694	1.01	0.01
H20000099	H200000995	ENSG0000	XM_011539	9921	RNF10	ring finger	GO:000635	GO:000484	GO:000563	695	590	0.85	-0.24
CHsGV100	CHsGV1000408	ENSG0000	XM_011542	9783	RIMS3	regulating s	GO:000683	GO:004432	GO:0030054 cell junction,GO:0048786 presyna				
CHsGV100	CHsGV1000138	ENSG0000	NM_014728	9758	FRMPD4	FERM and	GO:005183	GO:000551	GO:0005856 cytoskeleton,GO:0043197 dendrit				
CHsGV100	CHsGV1000238	ENSG0000	NM_004288	9595	CYTIP	cytohesin	GO:003015	GO:000551	GO:0005654 nucleopla	26			
AHsV1000	AHsV10001637	ENSG0000	NR_046070	9557	CHD1L	chromodom	GO:000628	GO:000016	GO:000563	425	550	1.29	0.37
H20000853	H200008530	ENSG0000	XR_950828	6296	ACSM3	acyl-CoA s	GO:000663	GO:000367	GO:000557	1295	880	0.68	-0.56
AHsV1000	AHsV10001101	ENSG0000	XM_011521	6263	RYR3	ryanodine r	GO:000681	GO:000521	GO:0016021 integral c	5			
H20001780	H200017804	ENSG0000	NM_194431	6038	RNASE4	ribonucleas	GO:000637	GO:000367	GO:000557	28	29	1.03	0.04
AHsV1000	AHsV10001832	ENSG0000	XM_005268	23390	ZDHHC17	zinc finger	GO:000716	GO:000487	GO:000013	86	93	1.08	0.10
AHsV1000	AHsV10001494	ENSG0000	NM_015318	23370	ARHGEF18	Rho/Rac g	GO:000717	GO:000508	GO:000573	153	178	1.16	0.22
H30001396	H300013961	ENSG0000	XM_011545	9376	SLC22A8	solute carr	GO:000963	GO:000545	GO:000588	75	64	0.85	-0.24
AHsV1000	AHsV10001809	ENSG0000	NM_001289	9353	SLIT2	slit guidanc	GO:000165	GO:000509	GO:0005576 extracellu	7			
CHsGV100	CHsGV1000144	ENSG0000	NM_004708	9141	PDCD5	programme	GO:000828	GO:000367	GO:000563	4034	4012	0.99	-0.01
AHsV1000	AHsV10003313	ENSG0000	NM_005446	9127	P2RX6	purinergic r	GO:000681	GO:000161	GO:0005639 integral c	6			
H30001776	H300017766	ENSG0000	NM_001199	8942	KYNU	kynurenina	GO:000656	GO:003017	GO:000565	256	273	1.06	0.09
CHsGV100	CHsGV1000226	ENSG0000	NM_001272	8905	AP1S2	adaptor rel	GO:000688	GO:000551	GO:000013	392	569	1.45	0.54
AHsV1000	AHsV10003558	ENSG0000	XR_942617	8732	RNGTT	RNA guany	GO:000636	GO:000448	GO:000563	190	167	0.88	-0.18
AHsV1000	AHsV10003205	ENSG0000	NM_001198	8715	NOL4	nucleolar p	-	GO:000372	GO:0005634 nucleus,GO:0005730 nucleolus				
AHsV1000	AHsV10002637	ENSG0000	NM_001303	5431	POLR2B	polymerase	GO:000039	GO:000105	GO:000078	686	690	1.01	0.01
H20000470	H200004708	ENSG0000	NM_002687	5411	PNN	pinin, desm	GO:000039	GO:000367	GO:000565	3265	3355	1.03	0.04
H20001051	H200010511	ENSG0000	NM_053024	5217	PFN2	profilin 2	GO:001063	GO:000077	GO:0005737 cytoplasm	4			
H30000683	H300006834	ENSG0000	XR_941559	26747	NUFIP1	nuclear fra	GO:000049	GO:000367	GO:000563	89	95	1.07	0.10
H30000004	H300000043	ENSG0000	XM_011535	26575	RGS17	regulator o	GO:000996	GO:000509	GO:0005634 nucleus,GO:0005737 cytoplasm,C				
H30001314	H300013145	ENSG0000	NM_001198	10093	ARPC4	actin relate	GO:000726	GO:000520	GO:000582	267	221	0.83	-0.27
CHsGV100	CHsGV100039	ENSG0000	NM_130443	10072	DPP3	dipeptidyl p	GO:000650	GO:000551	GO:000565	170	203	1.20	0.26
H30001994	H300019948	ENSG0000	NM_203505	9908	G3BP2	G3BP stre	GO:000725	GO:000016	GO:000573	582	603	1.04	0.05
CHsGV100	CHsGV1000367	ENSG0000	NM_014840	9891	NUAK1	NUAK fami	GO:000646	GO:000203	GO:0005634 nucleus,GO:0005730 nucleolus,G				
H20001185	H200011858	ENSG0000	NM_001099	9737	GPRASP1	G protein-c	GO:000833	GO:000551	GO:0005634 nucleus,G	9			
H30001314	H300013148	ENSG0000	NM_032088	9708	PCDHGA8	protocadhe	GO:000715	GO:000550	GO:0005886 plasma membrane,GO:0016021 in				
H30000068	H300000689	ENSG0000	NM_001301	9535	GMFG	glia matura	GO:000646	GO:000377	GO:000562	774	1427	1.84	0.88
AHsV1000	AHsV10003287	ENSG0000	NR_024320	9516	LITAF	lipopolysac	GO:000181	GO:000487	GO:000565	62	87	1.40	0.49
H20000180	H200001809	ENSG0000	NM_006270	6237	RRAS	related RA	GO:000252	GO:000392	GO:000562	68	56	0.83	-0.27
AHsV1000	AHsV10000054	ENSG0000	NM_001030	6210	RPS15A	ribosomal							

H20000137	H200001377	ENSG0000	NM_001317	8882	ZPR1	ZPR1 zinc	GO:000022	GO:000551	GO:000563	1056	986	0.93	-0.10
AHsV10000	AHsV10000780	ENSG0000	XM_011537	8858	PROZ	protein Z, v	GO:000646	GO:000425	GO:0005788	endoplasm	3		
AHsV10000	AHsV10000596	ENSG0000	NM_001199	100528030	POC1B-GA	POC1B-GA	-	-	-	12	28	2.43	1.28
H30001991	H300019912	ENSG0000	NM_001134	8671	SLC4A4	solute carr	GO:000681	GO:000545	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005887 in			
H20001901	H200019013	ENSG0000	NM_032242	5361	PLXNA1	plexin A1	GO:000727	GO:000487	GO:000211	787	1011	1.28	0.36
H20001130	H200011308	ENSG0000	XM_005256	5338	PLD2	phospholipa	GO:000203	GO:000463	GO:000578	4	8	1.95	0.96
AHsV10000	AHsV10002558	ENSG0000	XM_011522	5170	PDPK1	3-phospho	GO:000222	GO:000467	GO:000562	89	138	1.55	0.63
H20000252	H200002527	ENSG0000	NM_024574	79625	NDNF	neuron-der	GO:000152	GO:000553	GO:0005576	extracellu	8		
H20001504	H200015043	ENSG0000	NM_001304	79019	CENPM	centromere	GO:000027	-	GO:000077	577	505	0.88	-0.19
H30001306	H300013066	ENSG0000	NM_199235	78989	COLEC11	collectin su	GO:000689	GO:000553	GO:0005576	extracellular region,GO:0005581			
H30001083	H300010830	ENSG0000	XM_005254	64782	AEN	apoptosis e	GO:001021	GO:000367	GO:000563	712	607	0.85	-0.23
H20000216	H200002164	ENSG0000	XM_011516	64761	PARP12	poly(ADP-r	GO:000815	GO:000395	GO:000563	292	352	1.21	0.27
H30001003	H300010038	ENSG0000	NM_022121	64065	PERP	PERP, TP5	GO:000293	-	GO:000573	6	6	1.02	0.02
H20001666	H200016667	ENSG0000	NR_030740	63934	ZNF667	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus			
AHsV10000	AHsV10000381	ENSG0000	XM_011545	51108	METTL9	methyltran	-	GO:000551	-	32	46	1.44	0.53
AHsV10000	AHsV10003464	ENSG0000	NM_001040	51092	SIDT2	SID1 trans	GO:000090	GO:005103	GO:000576	6	11	1.74	0.80
H20000892	H200008923	ENSG0000	NM_001173	50515	CHST11	carbohydr	GO:000206	GO:000153	GO:000013	187	206	1.10	0.14
CHsGV100	CHsGV100009	ENSG0000	NM_001287	30968	STOML2	stomatin lik	GO:000685	GO:000510	GO:000177	1263	976	0.77	-0.37
H20001225	H200012251	ENSG0000	NM_013270	29122	PRSS50	protease, s	GO:000650	GO:000425	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005783	endoplasm		
H30002024	H300020244	ENSG0000	NR_102347	29097	CNIH4	cornichon	GO:000688	GO:000551	GO:000578	2099	2406	1.15	0.20
H20001564	H200015645	ENSG0000	NM_023039	57763	ANKRA2	ankyrin rep	GO:000635	GO:000371	GO:000563	151	142	0.94	-0.09
CHsGV100	CHsGV100013	ENSG0000	XR_946716	57489	ODF2L	outer dens	-	-	GO:000581	51	52	1.02	0.03
H20001913	H200019133	ENSG0000	NM_024100	57418	WDR18	WD repeat	GO:000727	GO:000551	GO:000565	851	843	0.99	-0.01
H20000322	H200003227	ENSG0000	NM_020311	57007	ACKR3	atypical ch	GO:000152	GO:000504	GO:000576	5	6	1.12	0.16
CHsGV100	CHsGV100021	ENSG0000	NM_001127	56971	CEACAM1	carcinoem	-	-	GO:001602	267	187	0.70	-0.51
H20001477	H200014774	ENSG0000	NM_018903	56137	PCDHA12	protocadhe	GO:000715	GO:000550	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021 in			
AHsV10000	AHsV10002303	ENSG0000	NM_018920	56108	PCDHGA7	protocadhe	GO:000715	GO:000550	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021 in			
H20000446	H200004467	ENSG0000	XM_011536	26499	PLEK2	pleckstrin 2	GO:003003	-	GO:000573	9	17	1.89	0.91
H20001443	H200014434	ENSG0000	NM_001271	26279	PLA2G2D	phospholipa	GO:000236	GO:000462	GO:000576	extracellular region			
AHsV10000	AHsV10000712	ENSG0000	NM_015512	25981	DNAH1	dynein axo	GO:000153	GO:000377	GO:0005858	axonemal dynein complex,GO:000			
H30000287	H300002879	ENSG0000	XM_011515	25948	KBTD2	kelch repea	GO:001656	GO:000484	GO:003146	215	204	0.95	-0.08
AHsV10000	AHsV10002120	ENSG0000	NM_001185	24146	CLDN15	claudin 15	GO:000681	GO:000519	GO:000592	34	49	1.42	0.51
AHsV10000	AHsV10003396	ENSG0000	NM_001282	23762	OSBP2	oxysterol b	GO:000686	GO:000551	GO:001602	279	129	0.46	-1.11
H30001326	H300013265	-	NM_030766	79370	BCL2L14	BCL2 like	GO:000691	GO:000551	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005829	cytosol,G		
AHsV10000	AHsV10003519	ENSG0000	NM_023931	65988	ZNF747	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005622	intracellular			
AHsV10000	AHsV10000720	ENSG0000	NM_023074	65251	ZNF649	zinc finger	GO:000012	GO:000370	GO:0005615	extracellu	8		
AHsV10000	AHsV10001756	ENSG0000	NM_022662	64682	ANAPC1	anaphase p	GO:000027	-	GO:000565	133	109	0.82	-0.28
H30002050	H300020502	ENSG0000	XR_930515	64421	DCLRE1C	DNA cross	GO:000225	GO:000001	GO:000078	93	190	2.03	1.02
CHsGV100	CHsGV1000196	ENSG0000	NM_022078	63906	GPATCH3	G-patch do	GO:000815	GO:000367	-	130	131	1.01	0.01
AHsV10000	AHsV10003117	ENSG0000	XM_011525	60681	FKBP10	FK506 bind	GO:000041	GO:000375	GO:0005788	endoplasm	3		
H20000339	H200003391	ENSG0000	NM_015954	51071	DERA	deoxyribos	GO:000597	GO:000413	GO:000563	147	179	1.21	0.28
AHsV10000	AHsV10000980	ENSG0000	NR_123735	51029	DESI2	desumoylat	GO:000650	GO:000823	GO:000573	869	810	0.93	-0.10
H30001981	H300019810	ENSG0000	NM_001271	30817	ADGRE2	adhesion G	GO:000695	GO:000493	GO:000588	29	34	1.19	0.26
H30001772	H300017725	ENSG0000	NM_013439	29992	PILRA	paired imm	GO:000716	GO:000551	GO:000588	78	67	0.86	-0.22
AHsV10000	AHsV10001625	ENSG0000	NM_014166	29079	MED4	mediator c	GO:000635	GO:000110	GO:000563	461	449	0.97	-0.04
AHsV10000	AHsV10001590	-	NM_001137	28985	MCTS1	malignant T	GO:000173	GO:000374	GO:0005737	cytoplasm	16		
CHsGV100	CHsGV1000325	ENSG0000	NM_001135	57679	ALS2	ALS2, alsin	GO:000166	GO:000508	GO:000172	99	107	1.08	0.11
AHsV10000	AHsV10000328	ENSG0000	XM_011523	57336	ZNF287	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus			
AHsV10000	AHsV10001926	ENSG0000	NM_020452	57198	ATP8B2	ATPase ph	GO:000703	GO:000028	GO:0005789	endoplasm	10		
AHsV10000	AHsV10000525	ENSG0000	XM_006719	56938	ARNTL2	aryl hydroc	GO:000635	GO:000098	GO:000563	25	31	1.25	0.32
CHsGV100	CHsGV1000100	ENSG0000	XM_011521	56905	C15orf39	chromosom	-	-	GO:0005737	cytoplasm	12		
CHsGV100	CHsGV1000126	ENSG0000	NR_036641	56034	PDGFC	platelet der	GO:000717	GO:000516	GO:000013	7	13	1.75	0.81
AHsV10000	AHsV10000025	ENSG0000	NM_018728	55930	MYO5C	myosin VC	GO:000815	GO:000377	GO:0016459	myosin complex,GO:0070062	ext		
H20001302	H200013029	ENSG0000	NM_012168	26232	FBXO2	F-box prot	GO:000646	GO:000154	GO:000578	40	38	0.95	-0.08
H20001329	H200013299	ENSG0000	NM_015655	26152	ZNF337	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	56	74	1.32	0.40
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_006718	25923	ATL3	atlastin GT	GO:000688	GO:000392	GO:000578	292	196	0.67	-0.57
H20000514	H200005146	ENSG0000	NM_001282	25891	PAMR1	peptidase c	-	-	GO:000576	extracellular region			
CHsGV100	CHsGV1000364	ENSG0000	XM_005251	23670	TMEM2	transmemb	GO:000727	-	GO:001602	21	74	3.52	1.81
AHsV10000	AHsV10002339	ENSG0000	NM_001256	23635	SSBP2	single-str	GO:000635	GO:000369	GO:000563	686	708	1.03	0.05
CHsGV100	CHsGV1000120	ENSG0000	XM_006719	79158	GNPTAB	N-acetylglu	GO:000704	GO:000397	GO:000013	40	76	1.91	0.93
CHsGV100	CHsGV1000036	ENSG0000	NM_001114	65065	NBEAL1	neurobeach	-	GO:000554	GO:0012505	endomem	16		
AHsV10000	AHsV10003284	ENSG0000	NM_032476	64968	MRPS6	mitochondr	GO:000641	GO:000373	GO:000574	1302	911	0.70	-0.52
AHsV10000	AHsV10000321	ENSG0000	NM_001005	64332	NFKB1	NFKB inhib	GO:000635	GO:000371	GO:0005634	nucleus	8		
H30001893	H300018932	ENSG0000	NM_022371	64222	TOR3A	torsin famil	-	GO:000552	GO:000578	135	142	1.05	0.07
AHsV10000	AHsV10000452	ENSG0000	NM_001031	60487	TRMT11	tRNA meth	GO:000640	GO:000004	-	862	658	0.76	-0.39
CHsGV100	CHsGV1000003	ENSG0000	XM_011544	59339	PLEKHA2	pleckstrin f	GO:000195	GO:000196	GO:000563	25	43	1.71	0.78
AHsV10000	AHsV10002750	ENSG0000	XM_011539	51013	EXOSC1	exosome c	GO:000028	GO:000372	GO:000017	1055	947	0.90	-0.16
AHsV10000	AHsV10000020	ENSG0000	XM_011542	50937	CDON	cell adhesi	GO:000170	GO:000551	GO:0005886	plasma membrane,GO:0009986	c		
H30001769	H300017696	ENSG0000	NM_013391	29958	DMGDH	dimethylgly	GO:000654	GO:000905	GO:0005759	mitochondrial matrix			
H20001739	H200017394	ENSG0000	NM_013340	29930	PCDH1	protocadhe	GO:000715	GO:000550	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021 in			
H20000253	H200002531	ENSG0000	NM_001040	28958	COA3	cytochrom	GO:000361	GO:000551	GO:000573	993	703	0.71	-0.50
CHsGV100	CHsGV1000018	ENSG0000	NM_001301	27352	SGSM3	small G pro	GO:000705	GO:000509	GO:000582	119	120	1.01	0.02
AHsV10000	AHsV10002814	ENSG0000	XR_242701	57584	ARHGAP2	Rho GTPase	GO:000703	GO:000509	GO:000013	12	30	2.55	1.35
AHsV10000	AHsV10003001	ENSG0000	NR_072983	57171	DOLPP1	dolichyldiph	GO:000648	GO:004787	GO:000578	133	110	0.82	-0.28
H30001602	H300016025	ENSG0000	NM_001161	57139	RGL3	ral guanine	GO:000726	GO:000832	GO:000562	5	9	1.92	0.94
H20000290	H200002904	-	NM_020125	56833	SLAMF8	SLAM fami	GO:003386	-	GO:0005623	cell,GO:0016021	integral compon		
AHsV10000	AHsV10001097	ENSG0000	NR_027691	56666	PANX2	pannexin 2	GO:000293	GO:000507	GO:0005737	cytoplasm	5		
H20001797	H200017979	ENSG0000	XM_011520	55885	LMO3	LIM domain	GO:000635	GO:000551	GO:0005737	cytoplasm			
H20000254	H200002548	ENSG0000	NM_018467	55850	USE1	unconventi	GO:000688	GO:000551	GO:000576	268	221	0.82	-0.28
CHsGV100	CHsGV100012	ENSG0000	XM_011521	26108	PYGO1	pygopus fa	GO:000182	GO:000551	GO:0005654	nucleopla	6		
H30001137	H300011373	ENSG0000	NR_103494	26058	GIGYF2	GRB10 inte	GO:000763	GO:004482	GO:001602	520	412	0.79	-0.34
AHsV10000	AHsV10003080	ENSG0000	XM_011517	25853	DCAF12	DDB1 and	GO:001656	-	GO:000573	210	186	0.89	-0.18
CH													

AHsV1000	AHsV10001901	ENSG0000	NR_110830	64109	CRLF2	cytokine re-	-	-	GO:0005576 extracellular region,GO:0005886				
CHsGV100	CHsGV1000185	-	XM_005253	58516	FAM60A	family with	GO:003033	GO:000551	GO:001658	744	593	0.80	-0.33
H30000898	H300008988	ENSG0000	NM_021217	58492	ZNF77	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	121	158	1.31	0.39
H20001689	H200016898	ENSG0000	NM_023919	50837	TAS2R7	taste 2 rec	GO:000158	GO:000852	GO:0005886 plasma membrane,GO:0016021 in				
H30001923	H300019236	ENSG0000	NM_033310	50801	KCNK4	potassium	GO:000681	GO:000524	GO:000588	16	19	1.15	0.20
H20001371	H200013710	ENSG0000	NM_013300	29902	FAM216A	family with	-	-	-	554	475	0.86	-0.22
AHsV1000	AHsV10002897	ENSG0000	NR_130910	29799	YPEL1	yippee like	-	-	GO:0005634 nucleus		6		
H20000448	H200004486	ENSG0000	NM_014496	27330	RPS6KA6	ribosomal p	GO:000646	GO:000028	GO:0005634 nucleus,GO:0005654 nucleoplasm				
H30000290	H300002908	ENSG0000	NM_014465	27284	SULT1B1	sulfotransf	GO:000657	GO:000406	GO:0005829 cytosol				
H20001357	H200013577	ENSG0000	NM_020755	57515	SERINC1	serine inco	GO:000665	GO:000551	GO:000578	585	623	1.07	0.09
H30001931	H300019318	ENSG0000	NR_133653	57111	RAB25	RAB25, me	GO:000338	GO:000551	GO:001602	55	43	0.79	-0.35
H20001412	H200014128	ENSG0000	NM_020414	57062	DDX24	DEAD-box	GO:001050	GO:000372	GO:000573	1016	709	0.70	-0.52
H20001291	H200012912	ENSG0000	NM_019839	56413	LTB4R2	leukotriene	GO:000693	GO:000163	GO:0005886 plasma m		9		
CHsGV100	CHsGV1000028	ENSG0000	XM_011518	56254	RNF20	ring finger	GO:000020	GO:000203	GO:000015	187	207	1.11	0.15
H20001759	H200017595	ENSG0000	NM_018441	55825	PECR	peroxisoma	GO:000663	GO:000510	GO:000573	191	167	0.87	-0.20
AHsV1000	AHsV10002648	ENSG0000	XM_005268	55795	PCID2	PCI domain	GO:004306	GO:000551	GO:000557	487	524	1.08	0.10
AHsV1000	AHsV10000043	ENSG0000	NM_015557	26038	CHD5	chromodon	GO:000635	GO:000367	GO:0000792 heterochr		4		
H20000119	H200001192	ENSG0000	XM_011544	26007	TKFC	triokinase a	GO:000597	GO:000437	GO:000563	185	139	0.75	-0.41
AHsV1000	AHsV10000059	ENSG0000	NR_027779	25809	TTL1	tubulin tyr	GO:000335	GO:000552	GO:0005737 cytoplasm		11		
CHsGV100	CHsGV1000033	ENSG0000	NM_001205	25788	RAD54B	RAD54 hor	GO:000072	GO:000367	GO:000563	249	205	0.82	-0.28
AHsV1000	AHsV10002698	ENSG0000	NM_001082	23543	RBFOX2	RNA bindin	GO:000038	GO:000016	GO:000563	167	169	1.01	0.02
H30001665	H300016656	ENSG0000	XM_011524	23512	SUZ12	SUZ12 poly	GO:000012	GO:000097	GO:000173	997	1146	1.15	0.20
DHsGV100	DHsGV1000254	ENSG0000	NM_000064	718	C3	complemen	GO:000179	GO:000486	GO:0005576 extracellu		6		
AHsV1000	AHsV10002283	ENSG0000	XM_011516	653361	NCF1	neutrophil	GO:000187	GO:000551	GO:000582	482	367	0.76	-0.39
AHsV1000	AHsV10001068	ENSG0000	-	-	RP11-171N	-	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000462	-	NR_045484	646626	LOC646626	uncharacte	-	-	-		7		
AHsV1000	AHsV10002506	ENSG0000	XM_005251	169611	OLFML2A	olfactomed	GO:003019	GO:004280	GO:0005578 proteinaceous extracellular matri				
CHsGV100	CHsGV1000006	ENSG0000	NM_205548	167555	FAM151B	family with	-	GO:000551	-				
AHsV1000	AHsV10003137	ENSG0000	XM_005251	158135	TTL1	tubulin tyr	GO:001809	GO:000552	GO:000573	37	43	1.15	0.20
AHsV1000	AHsV10000674	ENSG0000	NM_176813	155465	AGR3	anterior gra	GO:000815	GO:000216	GO:0005575 cellular_component,GO:0005783				
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	NM_001136	149281	METTL11B	methyltran	GO:000648	GO:007188	GO:0005634 nucleus,GO:0005737 cytoplasm				
CHsGV100	CHsGV1000133	ENSG0000	NM_152487	148534	TMEM56	transmemb	GO:000815	GO:000367	GO:000557	143	96	0.67	-0.57
AHsV1000	AHsV10003583	ENSG0000	XM_011519	144108	SPTY2D1	SPT2 chro	GO:000633	GO:000104	GO:000557	29	52	1.82	0.87
H30000323	H300003230	ENSG0000	XM_011523	1984	EIF5A	eukaryotic	GO:000640	GO:000372	GO:000563	3267	2370	0.73	-0.46
AHsV1000	AHsV10002261	ENSG0000	NM_001173	79649	MAP7D3	MAP7 dom	GO:000022	GO:000519	GO:000563	174	189	1.09	0.12
AHsV1000	AHsV10000037	ENSG0000	XM_006718	403253	OR4A47	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:0005886 plasma membrane,GO:0016021 in				
opHsV0400	opHsV0400009	-	NM_001100	653606	PRAMEF22	PRAME far	GO:000828	GO:004297	-				
AHsV1000	AHsV10002337	ENSG0000	XM_011515	392862	GRID2IP	Grid2 inter	GO:006029	-	GO:0030054 cell junction,GO:0043197 dendrit				
AHsV1000	AHsV10002878	ENSG0000	NM_001012	391712	TRIM61	tripartite m	-	GO:000827	GO:000562	17	18	1.08	0.11
CHsGV100	CHsGV1000006	-	-	-	-	-	-	-	-	31	27	0.88	-0.18
CHsGV100	CHsGV1000353	ENSG0000	NM_173489	133558	MROH2B	maestro he	-	-	-		4		
AHsV1000	AHsV10000465	ENSG0000	NM_001105	127255	LRRIQ3	leucine-ric	-	GO:000551	-				
DHsGV100	DHsGV1000575	ENSG0000	NR_033298	126661	CCDC163F	coiled-coil	-	-	-	34	39	1.16	0.21
CHsGV100	CHsGV1000374	ENSG0000	XM_011537	120892	LRRK2	leucine-ric	GO:000016	GO:000014	GO:0005615 extracellular space,GO:0005622 i				
H30001507	H300015070	ENSG0000	XM_011539	119548	PNLIPRP3	pancreatic	GO:001604	GO:000480	GO:000557	35	35	1.00	0.00
AHsV1000	AHsV10002098	ENSG0000	NM_052929	114827	FHAD1	forkhead-a	-	-	-				
H20001758	H200017585	ENSG0000	NM_001080	114783	LMTK3	lemur tyros	GO:000646	GO:000367	GO:000013	171	174	1.02	0.02
H30000203	H300002030	ENSG0000	NM_021046	57830	KRTAP5-8	keratin ass	GO:000815	GO:003028	GO:004509	25	26	1.01	0.01
AHsV1000	AHsV10001618	ENSG0000	NR_111980	653121	ZBTB8A	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005575 cellular_component,GO:0005634				
DHsGV100	DHsGV1000458	-	-	-	-	-	-	-	-				
AHsV1000	AHsV10002507	ENSG0000	NR_033946	646268	LOC646268	hCG165470	-	-	-		3		
AHsV1000	AHsV10000202	ENSG0000	NM_052883	114112	TXNRD3	thioredoxin	GO:000727	GO:000479	GO:000563	18	15	0.85	-0.24
AHsV1000	AHsV10001789	ENSG0000	NM_194293	165904	XIRP1	xin actin bi	GO:000750	GO:000377	GO:0030054 cell junction				
AHsV1000	AHsV10000462	ENSG0000	NM_153609	164656	TMPRSS6	transmemb	GO:000012	GO:000425	GO:0005615 extracellular space,GO:0005622 i				
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	NM_001017	154288	KHDC3L	KH domain	-	GO:000372	-				
AHsV1000	AHsV10000984	ENSG0000	NM_152543	152940	C4orf45	chromosom	-	-	-				
CHsTV100	CHsTV1000000	ENSG0000	NM_144689	147923	ZNF420	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	8	17	2.19	1.13
DHsGV100	DHsGV1000152	ENSG0000	NM_001163	147645	VSIG10L	V-set and	-	-	GO:001602	4	7	1.69	0.75
CHsGV100	CHsGV1000065	-	-	-	-	-	-	-	-		5		
AHsV1000	AHsV10001596	-	-	-	-	-	-	-	-	13	16	1.18	0.24
H30002187	H300021870	ENSG0000	NM_001201	79585	CORO7	coronin 7	GO:000689	GO:000377	GO:000013	134	104	0.77	-0.37
AHsV1000	AHsV10001421	ENSG0000	NR_033863	401492	LINC01235	long interge	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000528	-	XM_011514	105374753	LOC105374	class E vac	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000046	-	-	-	-	-	-	-	-		3		
DHsGV100	DHsGV1000220	ENSG0000	XM_011523	390748	PABPN1L	poly(A) bin	-	GO:000016	GO:0005737 cytoplasm		3		
H20000377	H200003775	ENSG0000	NM_001317	132332	TMEM155	transmemb	-	-	GO:0005576 extracellular region				
CHsGV100	CHsGV1000019	ENSG0000	XM_011512	131368	ZPLD1	zona pelluc	-	-	GO:0016021 integral component of membrane				
CHsGV100	CHsGV1000113	ENSG0000	NM_153329	126133	ALDH16A1	aldehyde d	GO:005511	GO:001914	GO:001602	202	211	1.04	0.06
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	NM_001202	125893	ZNF816	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	35	38	1.08	0.11
H30001507	H300015079	ENSG0000	NM_001286	118429	ANTXR2	anthrax tox	GO:002241	GO:000487	GO:000557	232	477	2.05	1.04
AHsV1000	AHsV10000253	ENSG0000	XM_005249	116988	ARFAP3	ArfGAP wit	GO:000006	GO:000392	GO:000563	1235	939	0.76	-0.40
CHsGV100	CHsGV1000056	ENSG0000	XM_011519	113746	ODF3	outer dens	GO:000727	-	GO:000152	56	50	0.89	-0.17
CHsGV100	CHsGV1000138	ENSG0000	NM_033550	112858	TP53RK	TP53 regul	GO:000640	GO:000203	GO:000040	103	121	1.18	0.24
CHsGV100	CHsGV1000183	ENSG0000	XM_005252	57706	DENN1A	DENN dom	GO:000689	GO:001711	GO:003005	52	43	0.83	-0.27
DHsGV100	DHsGV1000154	ENSG0000	XM_011542	472	ATM	ATM serine	GO:000072	GO:000367	GO:0000781 chromoso		7		
DHsGV100	DHsGV1000368	-	-	-	-	-	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000331	-	-	-	-	-	-	-	-		8		
AHsV1000	AHsV10001257	ENSG0000	NM_001287	645121	CCNI2	cyclin I fam	-	-	-				
CHsGV100	CHsGV1000088	ENSG0000	NM_153358	163049	ZNF791	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	171	219	1.28	0.35
AHsV1000	AHsV10003055	ENSG0000	XM_011522	162239	ZFP1	ZFP1 zinc	GO:000635	GO:000367	GO:000563	97	110	1.12	0.17
H20000645	H200006453	ENSG0000	XM_006716	152006	RNF38	ring finger	GO:000858	GO:000484	GO:000563	104	110	1.06	0.09
CHsGV100	CHsGV1000186	ENSG0000	NM_001168	151254	ALS2CR11	amyotrophil	-	GO:000551	-				
AHsV1000	AHsV10003032	ENSG0000	XM_011524	146779	EFCAB3	EF-hand ca	-	GO:000550	-		3		
CHsGV100	CHsGV1000177	ENSG0000	NM_145270	146325	PRR35	proline rich	-	-	-	92	68	0.74	-0.44
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	XM_011530	139793	PAGE3	PAGE fami	-	GO:000551	-	70	56	0.80	-0.32
opHsV0400	opHsV0400007	-	-	-	-	-	-	-	-				
H20001902	H200019029	ENSG0000	NM_024334	79188	TMEM43	transmemb	GO:007176	GO:000551	GO:000563	421	399	0.95	-0.08
DHsGV100	DHsGV1000456	-	-	-	-	-	-	-	-		8		
AHsV1000	AHsV10001215	ENSG0000	NR_075077	400757	C1orf141	chromosom	-	-	-				

opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	XM_011520	390110	ACCSL	1-aminocyc	GO:000905	GO:000382	-											
DHsGV100	DHsGV1000436	ENSG0000	NM_001080	389813	C9orf172	chromosom	-	-	-	14	18	1.32	0.40							
AHsV1000	AHsV10000653	ENSG0000	NM_144631	130557	ZNF513	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	46	53	1.15	0.20							
AHsV1000	AHsV10000975	ENSG0000	NM_138798	129531	MITD1	microtubule	GO:000028	GO:000551	GO:001989	586	640	1.09	0.13							
CHsGV100	CHsGV1000071	ENSG0000	NM_144611	124936	CYB5D2	cytochrom	GO:004566	GO:002003	GO:000557	45	42	0.93	-0.11							
CHsGV100	CHsGV1000211	ENSG0000	XM_011545	124411	ZNF720	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005622	intracellul	11									
H20000346	H200003464	ENSG0000	NM_171998	116442	RAB39B	RAB39B, m	GO:000726	GO:000551	GO:000562	27	28	1.06	0.09							
CHsGV100	CHsGV1000133	ENSG0000	NM_001314	116115	ZNF526	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	65	48	0.74	-0.44							
CHsGV100	CHsGV1000041	ENSG0000	NM_033341	112401	BIRC8	baculoviral	GO:001656	GO:000484	GO:000563	30	33	1.09	0.13							
AHsV1000	AHsV10002374	ENSG0000	NM_053045	94107	TMEM203	transmemb	GO:000223	GO:000551	GO:000578	608	494	0.81	-0.30							
AHsV1000	AHsV10002177	ENSG0000	NM_020860	57620	STIM2	stromal int	GO:000687	GO:000524	GO:0005783	endoplasr	17									
DHsGV100	DHsGV1000187	-	-	-	-	-	-	-	-	182	164	0.90	-0.15							
AHsV1000	AHsV10000615	ENSG0000	NM_001130	647087	C7orf73	chromosom	-	-	GO:001602	140	157	1.12	0.17							
AHsV1000	AHsV10001323	ENSG0000	NM_001101	644672	CLDN25	claudin 25	-	GO:000519	GO:000588	6	12	2.06	1.04							
AHsV1000	AHsV10002375	-	NR_033856	644316	FLJ43315	asparagine	-	-	-											
CHsGV100	CHsGV1000181	ENSG0000	XM_011537	160760	PPTC7	PTC7 prote	GO:000647	GO:000472	GO:000573	62	90	1.46	0.54							
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	NR_033212	158830	CXorf65	chromosom	-	-	-											
AHsV1000	AHsV10000092	ENSG0000	NM_207327	150383	CDPF1	cysteine ric	-	GO:000551	-	22	25	1.16	0.22							
CHsGV100	CHsGV1000271	ENSG0000	NM_173354	150094	SIK1	salt inducib	GO:000202	GO:000028	GO:0005634	nucleus,GO:0005737	cytoplasm									
CHsGV100	CHsGV1000233	ENSG0000	NR_104370	145781	GCOM1	GRINL1A c	-	-	-		3									
H20000573	H200005735	ENSG0000	XM_006720	145389	SLC38A6	solute carr	GO:000333	GO:001517	GO:000588	168	142	0.85	-0.24							
AHsV1000	AHsV10001632	ENSG0000	XM_011517	138046	RALYL	RALY RNA	-	GO:000016	GO:0005634	nucleus										
AHsV1000	AHsV10001798	ENSG0000	NM_001080	135935	NOBOX	NOBOX oo	GO:000154	GO:000097	GO:0005634	nucleus,GO	3									
AHsV1000	AHsV10002147	ENSG0000	NM_024105	79087	ALG12	ALG12, alp	GO:000645	GO:000000	GO:000578	16	24	1.54	0.63							
AHsV1000	AHsV10002590	ENSG0000	NR_033925	400550	FENDRR	FOXF1 adja	-	-	-											
AHsV1000	AHsV10003022	ENSG0000	NM_001144	399968	PATE4	prostate ar	GO:000961	-	GO:0001669	acrosomal vesicle,GO:0005576	ex									
AHsV1000	AHsV10002233	ENSG0000	XM_011535	389421	LIN28B	lin-28 hom	GO:000635	GO:000367	GO:000573	131	172	1.31	0.39							
DHsGV100	DHsGV1000413	-	-	-	-	-	-	-	-	115	95	0.82	-0.28							
AHsV1000	AHsV10000879	ENSG0000	NM_152864	128414	NKAIN4	Na+/K+ tra	GO:000202	-	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in									
AHsV1000	AHsV10001732	ENSG0000	NM_152377	127795	C1orf87	chromosom	-	-	-											
CHsGV100	CHsGV1000361	ENSG0000	XM_005254	123591	TMEM266	transmemb	-	-	GO:000588	13	14	1.07	0.10							
DHsGV100	DHsGV1000252	-	-	-	-	-	-	-	-	11	14	1.27	0.34							
AHsV1000	AHsV10000897	ENSG0000	NM_152307	115708	TRMT61A	tRNA meth	GO:000640	GO:001642	GO:0005634	nucleus,GO	6									
CHsGV100	CHsGV1000228	ENSG0000	XM_011519	114900	C1QTNF4	C1q and tu	-	GO:000512	GO:0005615	extracellular space										
H30001771	H300017710	ENSG0000	NM_033068	93650	ACPT	acid phosph	GO:001631	GO:000399	GO:001602	13	14	1.06	0.08							
AHsV1000	AHsV10003121	ENSG0000	NM_001320	93185	IGSF8	immunoglob	GO:000692	GO:000551	GO:000588	117	109	0.93	-0.10							
H30000180	H300001806	ENSG0000	XM_011525	57551	TAOK1	TAO kinase	GO:000016	GO:000467	GO:000563	24	36	1.53	0.61							
H20000395	H200003957	ENSG0000	NM_001289	9353	SLIT2	slit guidanc	GO:000165	GO:000509	GO:000557	35	32	0.91	-0.13							
DHsGV100	DHsGV1000260	-	-	-	-	-	-	-	-	107	92	0.86	-0.21							
DHsGV100	DHsGV1000397	ENSG0000	NG_034114	221914	GPC2	glypican 2	GO:000152	GO:004339	GO:000557	5	7	1.21	0.28							
DHsGV100	DHsGV1000421	ENSG0000	NR_036512	100129917	LOC100124	uncharacte	-	-	-											
DHsGV100	DHsGV1000283	ENSG0000	NM_001923	1642	DDB1	damage spe	GO:000071	GO:000367	GO:000078	758	501	0.66	-0.60							
DHsGV100	DHsGV1000245	-	-	-	-	-	-	-	-											
DHsGV100	DHsGV1000175	ENSG0000	-	-	RP11-2711	-	-	-	-	41	41	0.98	-0.02							
DHsGV100	DHsGV1000213	ENSG0000	NM_000839	2912	GRM2	glutamate r	GO:000719	GO:000164	GO:0005622	intracellular,GO:0005886	plasma									
DHsGV100	DHsGV1000009	-	XM_011519	8939	FUBP3	far upstrea	GO:000635	GO:000097	GO:0005634	nucleus,GO:0005737	cytoplasm,C									
DHsGV100	DHsGV1000359	ENSG0000	NR_102705	101410538	MMP24-AS	MMP24 ant	-	-	-	137	129	0.94	-0.09							
opHsV0400	opHsV0400008	ENSG0000	NM_001099	729475	RAD51AP2	RAD51 ass	-	-	-		4									
DHsGV100	DHsGV1000537	-	-	-	-	-	-	-	-	384	411	1.07	0.10							
DHsGV100	DHsGV1000435	-	XM_006711	55532	SLC30A10	solute carr	GO:000682	GO:000538	GO:0005886	plasma m	3									
H20000417	H200004175	ENSG0000	NR_045659	78989	COLEC11	collectin su	GO:000689	GO:000553	GO:000557	68	35	0.52	-0.95							
DHsGV100	DHsGV1000486	-	-	-	-	-	-	-	-	34	30	0.89	-0.17							
DHsGV100	DHsGV1000214	-	-	-	-	-	-	-	-		8									
DHsGV100	DHsGV1000554	-	-	-	-	-	-	-	-	23	19	0.82	-0.29							
DHsGV100	DHsGV1000243	-	-	-	-	-	-	-	-	25	31	1.23	0.30							
DHsGV100	DHsGV1000058	-	-	-	-	-	-	-	-											
DHsGV100	DHsGV1000039	-	-	-	-	-	-	-	-	26	28	1.05	0.07							
DHsGV100	DHsGV1000332	-	-	-	-	-	-	-	-											
DHsGV100	DHsGV1000062	-	-	-	-	-	-	-	-	47	43	0.90	-0.15							
AHsV1000	AHsV10001785	-	NG_007110	4436	MSH2	mutS homd	GO:000170	GO:000028	GO:000078	30	24	0.80	-0.32							
DHsGV100	DHsGV1000192	ENSG0000	-	643563	EEF1A1P1	eukaryotic	-	-	-	6906	7377	1.07	0.10							
AHsV1000	AHsV10002169	ENSG0000	NM_207163	442721	LMOD2	leiomodrin 2	GO:000693	GO:000377	GO:0005865	striated m	4									
H30000803	H300008037	ENSG0000	NM_001020	6217	RPS16	ribosomal p	GO:000018	GO:000372	GO:000582	31929	24093	0.75	-0.41							
H20000420	H200004207	ENSG0000	NM_001318	6405	SEMA3F	semaphorin	GO:000175	GO:003021	GO:000561	7	8	1.26	0.33							
DHsGV100	DHsGV1000109	ENSG0000	NM_001168	10370	CITED2	Cbp/p300	GO:000012	GO:000110	GO:000079	9	12	1.39	0.48							
DHsGV100	DHsGV1000421	-	-	-	-	-	-	-	-		3									
DHsGV100	DHsGV1000150	-	-	-	-	-	-	-	-	30	32	1.10	0.13							
DHsGV100	DHsGV1000109	-	-	-	-	-	-	-	-											
DHsGV100	DHsGV1000015	-	-	-	-	-	-	-	-											
DHsGV100	DHsGV1000015	-	NR_178557	339983	NAT8L	N-acetyltra	GO:000815	GO:001718	GO:000573	110	97	0.88	-0.18							
DHsGV100	DHsGV1000395	-	-	-	-	-	-	-	-	10	17	1.74	0.80							
DHsGV100	DHsGV1000056	-	-	-	-	-	-	-	-	15	17	1.11	0.14							
DHsGV100	DHsGV1000069	-	-	-	-	-	-	-	-		3									
DHsGV100	DHsGV1000288	-	-	-	-	-	-	-	-		4									
DHsGV100	DHsGV1000020	ENSG0000	-	-	RP11-2830	-	-	-	-		6									
AHsV1000	AHsV10001484	ENSG0000	XR_937256	728434	C20orf187	chromosom	-	-	-											
AHsV1000	AHsV10003356	-	XR_244234	728283	LOC728283	uncharacte	-	-	-											
H20000016	H200000161	ENSG0000	NM_000074	959	CD40LG	CD40 ligand	GO:000695	GO:000512	GO:000561	69	66	0.96	-0.06							
DHsGV100	DHsGV1000023	-	-	-	-	-	-	-	-	20	22	1.07	0.09							
H20001397	H200013975	ENSG0000	NM_001236	874	CBR3	carbonyl re	GO:004237	GO:000025	GO:0005615	extracellular space,GO:0005654	r									
DHsGV100	DHsGV1000526	ENSG0000	XM_011537	1																

H20000480	H200004808	ENSG0000	NM_016614	51567	TDP2	tyrosyl-DN	GO:000630	GO:000028	GO:000563	2340	2114	0.90	-0.15	
DHsGV100	DHsGV1000186	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	
DHsGV100	DHsGV1000546	ENSG0000	NM_007046	11117	EMILIN1	elastin mic	GO:000715	GO:000551	GO:000557	145	101	0.70	-0.52	
DHsGV100	DHsGV100034	-	-	-	-	-	-	-	-	10	16	1.62	0.70	
DHsGV100	DHsGV1000227	-	-	-	-	-	-	-	-	29	30	1.05	0.07	
DHsGV100	DHsGV1000194	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	
DHsGV100	DHsGV100033	ENSG0000	-	-	RP4-673D	-	-	-	-	47	37	0.78	-0.35	
DHsGV100	DHsGV1000046	ENSG0000	NM_018279	55266	TMEM19	transmemb	-	GO:000551	GO:0016021	integral component of membrane	-	-	-	-
H20001220	H200012208	ENSG0000	NM_012110	26511	CHIC2	cysteine ric	GO:000689	GO:000367	GO:000557	185	174	0.94	-0.09	
DHsGV100	DHsGV1000233	-	-	-	-	-	-	-	-	13	12	0.96	-0.06	
DHsGV100	DHsGV1000152	ENSG0000	NM_001294	728927	ZNF736	zinc finger	GO:000635	GO:000097	GO:0005634	nucleus	3	3	-	-
DHsGV100	DHsGV1000433	ENSG0000	XM_011524	100505591	LRRRC3C	leucine ric	-	-	GO:001602	6	10	1.66	0.73	
H30000944	H300009446	ENSG0000	XM_011517	727957	MROH1	maestro he	-	-	-	71	55	0.78	-0.36	
H30000113	H300001136	ENSG0000	XM_011515	79783	SUGCT	succinyl-C	GO:000815	GO:004736	GO:000573	37	36	0.99	-0.01	
DHsGV100	DHsGV1000158	-	NG_031890	51008	ASCC1	activating s	GO:000628	GO:000372	GO:000565	6	12	2.05	1.03	
DHsGV100	DHsGV1000141	-	-	-	-	-	-	-	-	23	24	1.05	0.07	
DHsGV100	DHsGV1000103	ENSG0000	NG_033057	84153	RNASEH2C	ribonucleas	GO:000640	GO:000452	GO:000563	344	200	0.58	-0.79	
DHsGV100	DHsGV1000523	ENSG0000	XM_006720	1136	CHRNA3	cholinergic	GO:000681	GO:000488	GO:000588	34	33	0.99	-0.01	
DHsGV100	DHsGV1000186	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	
DHsGV100	DHsGV1000324	ENSG0000	NM_032882	84968	PNMA6A	paraneopla	-	-	-	22	22	1.01	0.02	
DHsGV100	DHsGV1000442	ENSG0000	NR_037809	151171	LINC01107	long interge	-	-	-	6	11	1.89	0.92	
DHsGV100	DHsGV100024	-	-	-	-	-	-	-	-	21	24	1.17	0.23	
DHsGV100	DHsGV1000373	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	
CHsGV100	CHsGV1000215	ENSG0000	NM_001030	594855	CPLX3	complexin 3	GO:001607	GO:000532	GO:000582	48	44	0.91	-0.14	
AHsV1000	AHsV10002800	-	-	-	-	-	-	-	-	-	5	-	-	
AHsV1000	AHsV10002246	ENSG0000	NR_126160	100996259	FAM106B	family with	-	-	-	-	-	-	-	
H30000210	H300002108	ENSG0000	NM_005669	7905	REEP5	receptor ad	GO:000815	GO:000367	GO:001602	354	352	0.99	-0.01	
DHsGV100	DHsGV1000510	-	NG_033841	10472	ZBTB18	zinc finger	GO:000012	GO:000367	GO:0000228	nuclear cl	3	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000056	ENSG0000	NM_001303	23024	PDZRN3	PDZ domai	GO:000752	GO:000484	GO:0031594	neuromus	3	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000351	-	-	-	-	-	-	-	-	-	5	-	-	
DHsGV100	DHsGV1000186	-	-	-	-	-	-	-	-	22	23	1.02	0.03	
DHsGV100	DHsGV1000433	ENSG0000	XM_006717	55844	PPP2R2D	protein pho	GO:000027	GO:000860	GO:000015	5	15	2.98	1.57	
DHsGV100	DHsGV1000038	-	XM_011531	105373311	LOC10537	uncharacte	-	-	-	-	-	-	-	
DHsGV100	DHsGV1000036	ENSG0000	NR_110560	101928445	LOC10192	uncharacte	-	-	-	37	39	1.05	0.07	
DHsGV100	DHsGV1000323	-	-	-	-	-	-	-	-	8	16	2.06	1.04	
DHsGV100	DHsGV1000356	-	-	-	-	-	-	-	-	-	4	-	-	
DHsGV100	DHsGV1000023	ENSG0000	-	130733	TMEM178A	transmemb	GO:004567	-	GO:0005789	endoplasr	8	-	-	-
CHsGV100	CHsGV1000230	ENSG0000	NM_001242	29057	FAM156A	family with	-	GO:000551	GO:000563	98	109	1.11	0.15	
CHsGV100	CHsGV1000103	ENSG0000	NM_001040	723790	HIST2H2A	histone clu	GO:000634	GO:000367	GO:000078	3560	1813	0.51	-0.97	
H20001706	H200017066	-	NM_001199	7917	BAG6	BCL2 asso	GO:000182	GO:000551	GO:000563	1555	1152	0.74	-0.43	
DHsGV100	DHsGV1000206	ENSG0000	XM_011525	64132	XYLT2	xylosyltran	GO:000602	GO:000837	GO:000013	28	27	0.98	-0.03	
DHsGV100	DHsGV1000253	-	-	-	-	-	-	-	-	-	8	-	-	
DHsGV100	DHsGV1000273	-	-	-	-	-	-	-	-	-	6	-	-	
DHsGV100	DHsGV100024	ENSG0000	NR_033978	100287879	LINC00994	long interge	-	-	-	11	15	1.34	0.42	
DHsGV100	DHsGV1000130	ENSG0000	-	-	RP11-471N	-	-	-	-	-	-	-	-	
DHsGV100	DHsGV1000166	-	-	-	-	-	-	-	-	34	32	0.94	-0.10	
DHsGV100	DHsGV1000132	-	-	-	-	-	-	-	-	7	8	1.24	0.31	
AHsV1000	AHsV10001679	ENSG0000	XM_011534	100190949	C5orf52	chromosom	-	-	-	-	-	-	-	
H30000952	H300009529	ENSG0000	NM_001013	541468	LURAP1	leucine ric	GO:000181	GO:000551	GO:000573	32	40	1.27	0.34	
CHsGV100	CHsGV1000128	ENSG0000	NM_001008	493753	COA5	cytochrom	-	GO:000551	GO:000573	150	112	0.75	-0.42	
AHsV1000	AHsV10000731	ENSG0000	NR_033834	440119	FZD10-AS	FZD10 anti	-	-	-	-	4	-	-	
AHsV1000	AHsV10000272	ENSG0000	NM_001001	414332	LCN10	lipocalin 10	GO:000681	-	GO:0005576	extracellular region	-	-	-	-
H20000468	H200004683	ENSG0000	XM_005244	11266	DUSP12	dual specif	GO:000646	GO:000472	GO:000563	2075	2394	1.15	0.21	
H20000121	H200001215	ENSG0000	XM_006718	10524	KAT5	lysine acet	GO:000012	GO:000371	GO:000081	326	373	1.14	0.20	
H30001873	H300018731	ENSG0000	NM_006509	5971	RELB	v-rel avian	GO:000012	GO:000097	GO:000563	25	24	0.94	-0.09	
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_006237	5457	POU4F1	POU class	GO:000012	GO:000098	GO:000079	55	41	0.74	-0.44	
H20000733	H200007337	ENSG0000	NM_001805	1053	CEBPE	CCAAT/er	GO:000636	GO:000097	GO:000565	33	33	0.99	-0.01	
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_138622	10018	BCL2L11	BCL2 like	GO:000170	GO:000551	GO:000573	104	76	0.73	-0.46	
H30001363	H300013638	ENSG0000	NM_001270	148281	SYT6	synaptotag	GO:006047	GO:000550	GO:0005829	cytosol,G	8	-	-	-
H20000424	H200004241	ENSG0000	NM_001142	372	ARCN1	archain 1	GO:000688	GO:004482	GO:000013	673	601	0.89	-0.16	
H30000458	H300004589	ENSG0000	NM_025217	80328	ULBP2	UL16 bindi	GO:001988	GO:000382	GO:000561	12	14	1.15	0.20	
H20001275	H200012752	ENSG0000	NM_001135	151531	UPP2	uridine pho	GO:000620	GO:000485	GO:000582	9	11	1.23	0.30	
H20000797	H200007974	ENSG0000	NM_001135	3267	ArfGAP wit	GO:000167	GO:000367	GO:000564	268	216	0.81	-0.31		
DHsGV100	DHsGV1000266	ENSG0000	XM_006723	646862	RNF225	ring finger	-	GO:000827	GO:001602	6	5	0.89	-0.17	
H20000595	H200005959	ENSG0000	NM_003145	6746	SSR2	signal sequ	GO:000641	-	GO:000578	3066	3430	1.12	0.16	
H20001398	H200013989	ENSG0000	XM_005255	5373	PMM2	phosphoma	GO:000648	GO:000461	GO:000582	43	35	0.82	-0.28	
H30001912	H300019121	-	NR_033397	3276	PRMT1	protein arg	GO:000632	GO:000551	GO:000563	621	462	0.74	-0.43	
H20000235	H200002351	ENSG0000	XR_929782	29952	DPP7	dipeptidyl p	GO:000650	GO:000418	GO:000576	193	174	0.90	-0.15	
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_011525	9146	HGS	hepatocyte	GO:000662	GO:000551	GO:000573	325	276	0.85	-0.24	
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XM_011522	9055	PRC1	protein reg	GO:000002	GO:000551	GO:000092	2354	1889	0.80	-0.32	
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_000069	779	CACNA1S	calcium vol	GO:000150	GO:000524	GO:0005737	cytoplasm	5	-	-	-
H20000245	H200002456	ENSG0000	NM_001145	26064	RAI14	retinoic aci	-	-	GO:000563	472	352	0.74	-0.43	
H30000053	H300000535	ENSG0000	XM_011516	5799	PTPRN2	protein tyro	GO:000647	GO:000500	GO:000578	7	12	1.57	0.65	
H20000663	H200006631	ENSG0000	NM_005381	4691	NCL	nucleolin	GO:000152	GO:000016	GO:000165	3508	2668	0.76	-0.39	
H20000724	H200007247	ENSG0000	NM_023936	65993	MRPS34	mitochondr	GO:000699	GO:000373	GO:000573	1274	808	0.63	-0.66	
H20000486	H200004860	ENSG0000	XM_006717	84263	HSDL2	hydroxyste	GO:000815	GO:000367	GO:000573	785	651	0.83	-0.27	
H30002233	H300022339	ENSG0000	NM_000519	3045	HBD	hemoglobin	GO:000759	GO:000534	GO:000582	5967	2808	0.47	-1.09	
H30000411	H300004118	ENSG0000	NM_001142	2833	CXCR3	chemokine	GO:000152	GO:000487	GO:000573	31	27	0.87	-0.20	
H20002023	H200020236	ENSG0000	XM_011537	10138	YAF2	YY1 associ	GO:000635	GO:000371	GO:000563	363	297	0.82	-0.29	
H30001874	H300018744	-	NM_004714	9149	DYRK1B	dual specif	GO:000646	GO:000371	GO:000563	347	258	0.74	-0.43	
H20000268	H200002688	ENSG0000	NM_004153	4998	ORC1	origin recog	GO:000008	GO:000367	GO:000078	539	499	0.93	-0.11	
H30000992	H300009924	ENSG0000	NM_002479	4656	MYOG	myogenin (GO:000150	GO:000097	GO:0005634	nucleus,G	6	-	-	-
H20001395	H200013959	ENSG0000	NM_019851	26281	FGF20	fibroblast g	GO:000016	GO:000510	GO:000557	4	5	1.19	0.25	
H20000587	H200005875	ENSG0000	NM_002935	6037	RNASE3	ribonucleas	GO:000222	GO:000367	GO:0005576	extracellu	8	-	-	-
H20000165	H200001653	ENSG0000	NM_006876	11041	B4GAT1	beta-1,4-g	GO:000597	GO:000853	GO:000013	46	46	0.99	-0.01	
H20001703	H200017030	ENSG0000	NM_016148	50944	SHANK1	SH3 and m	GO:000646	GO:000551	GO:000562	13	17	1.24	0.31	
H20001611	H200016113	ENSG0000	NM_006771	8687	KRT38	keratin 38,	-	GO:000519	GO:000588	5	11	2.37	1.25	
H20001471	H200014718	ENSG0000	NM_000424	3852	KRT5	keratin 5, t	GO:000854	GO:000520	GO:000563	130	94	0.72	-0.47	
H20001429	H200014298	ENSG0000	XM_011521	65125	WNK1	WNK lysine	GO:000308	GO:000028	GO:000573	303	249	0.82	-0.28	

H20000625	H200006253	ENSG0000	NM_004181	7345	UCHL1	ubiquitin C-	GO:000293	GO:000419	GO:0005654	nucleopla	3		
DHsGV100	DHsGV1000406	-	XM_011513	105374312	LOC10537	coiled-coil	-	-	-	-	8		
H20001148	H200011481	ENSG0000	NM_004053	705	BYSL	bystin like	GO:000046	GO:000551	GO:000563	568	423	0.74	-0.43
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_033540	55669	MFN1	mitofusin 1	GO:000042	GO:000392	GO:000573	339	326	0.96	-0.06
H20000844	H200008449	ENSG0000	NM_001079	5828	PEX2	peroxisoma	GO:000003	GO:000551	GO:000577	386	294	0.76	-0.39
H30002099	H300020992	ENSG0000	NM_007126	7415	VCP	valosin con	GO:000628	GO:000551	GO:000050	1263	879	0.70	-0.52
H20001953	H200019539	ENSG0000	NM_032602	84694	GJA10	gap junctio	GO:000726	GO:000524	GO:000588	15	15	1.00	0.00
H20001118	H200011189	ENSG0000	NM_018489	55870	ASH1L	ash1 (abse	GO:000267	GO:000367	GO:000563	48	77	1.60	0.68
H30000071	H300000716	ENSG0000	NM_000313	5627	PROS1	protein S (GO:000257	GO:000486	GO:000013	254	246	0.97	-0.05
H30001876	H300018766	ENSG0000	XM_011516	5445	PON2	paraoxonas	GO:000697	GO:000406	GO:000557	291	229	0.79	-0.35
H30002055	H300020550	ENSG0000	XM_011521	4205	MEF2A	myocyte er	GO:000000	GO:000097	GO:000079	10	14	1.40	0.49
H30001916	H300019166	ENSG0000	XM_011539	5599	MAPK8	mitogen-ac	GO:000150	GO:000467	GO:000210	49	75	1.52	0.61
H30002118	H300021188	ENSG0000	NM_181874	2917	GRM7	glutamate r	GO:000166	GO:000164	GO:0005886	plasma m	3		
H30001665	H300016658	ENSG0000	NM_001282	2782	GNB1	guanine nu	GO:000611	GO:000392	GO:000191	1037	959	0.93	-0.11
H20000814	H200008140	ENSG0000	NM_020920	57680	CHD8	chromodom	GO:000012	GO:000203	GO:000563	99	101	1.02	0.03
H20000453	H200004530	ENSG0000	XM_011538	8092	ALX1	ALX homeo	GO:000012	GO:000097	GO:000563	19	26	1.36	0.44
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_024426	7490	WT1	Wilms tumo	GO:000012	GO:000107	GO:000563	295	327	1.11	0.15
H20000447	H200004475	ENSG0000	NM_004973	3720	JARID2	jumonji and	GO:000012	GO:000097	GO:000563	408	301	0.74	-0.44
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011539	3195	TLX1	T-cell leuk	GO:000636	GO:000097	GO:000563	64	51	0.79	-0.34
H30000385	H300003858	ENSG0000	NM_000805	2520	GAST	gastrin	GO:000716	GO:000517	GO:000557	18	25	1.40	0.48
H30002165	H300021655	ENSG0000	NM_001282	9782	MATR3	matrin 3	GO:001060	GO:000016	GO:000563	1447	1633	1.13	0.17
H20000067	H200000671	-	NM_001005	3191	HNRNPL	heterogene	GO:000039	GO:000016	GO:000563	872	642	0.74	-0.44
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001123	728464	METTL24	methyltran	GO:003225	GO:000816	GO:0005576	extracellu	6		
H30001985	H300019856	ENSG0000	XM_011545	9066	SYT7	synaptotag	GO:000177	GO:000550	GO:000576	57	43	0.76	-0.39
H30002108	H300021082	ENSG0000	NR_046363	3359	HTR3A	5-hydroxyt	GO:000681	GO:000487	GO:0005737	cytoplasm	3		
H30001851	H300018514	ENSG0000	NM_001271	7216	TRO	trophinin	GO:000715	GO:000551	GO:000563	80	87	1.08	0.11
H20000188	H200001880	ENSG0000	NM_016639	51330	TNFRSF12	tumor necr	GO:000152	GO:000551	GO:000172	230	172	0.74	-0.43
H20000520	H200005206	ENSG0000	NM_016052	51018	RRP15	ribosomal P	-	-	GO:000563	1364	948	0.70	-0.52
H20001294	H200012948	ENSG0000	NM_005390	5161	PDHA2	pyruvate de	GO:000600	GO:000473	GO:0005634	nucleus,G	8		
H20001587	H200015873	ENSG0000	XM_006711	4580	MTX1	metaxin 1	GO:000662	-	GO:000574	1242	774	0.62	-0.68
H20000450	H200004500	ENSG0000	NM_005114	9957	HS3ST1	heparan su	GO:000597	GO:000814	GO:000579	13	18	1.41	0.50
H20000789	H200007890	ENSG0000	NM_014239	8892	EIF2B5	eukaryotic	GO:000154	GO:000374	GO:000573	672	574	0.85	-0.23
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_003277	7122	CLDN5	claudin 5	GO:000315	GO:000519	GO:000591	47	41	0.87	-0.20
H30002084	H300020840	ENSG0000	NR_046234	116143	WDR92	WD repeat	GO:000691	GO:000551	-	139	110	0.80	-0.33
H30002090	H300020905	ENSG0000	NR_110293	54872	PIGG	phosphatid	GO:000650	GO:001678	GO:000578	73	72	0.99	-0.01
H20001399	H200013994	ENSG0000	XM_011522	5170	PDPK1	3-phospho	GO:000222	GO:000467	GO:000562	313	340	1.09	0.12
H30001607	H300016070	ENSG0000	NM_006369	10489	LRRC41	leucine ric	GO:001656	GO:004280	GO:000563	70	73	1.04	0.06
H20000886	H200008861	ENSG0000	XM_005245	29956	CERS2	ceramide s	GO:000666	GO:000367	GO:000578	1439	1092	0.76	-0.40
H30000876	H300008768	ENSG0000	XM_005256	2314	FLII	flightless I	GO:000635	GO:000377	GO:000565	408	442	1.08	0.11
H30001842	H300018429	ENSG0000	XM_011536	30001	ERO1A	endoplasm	GO:000030	GO:000375	GO:000578	570	610	1.07	0.10
H20001745	H200017453	ENSG0000	NM_001284	831	CAST	calpastatin	GO:000188	GO:000202	GO:000563	477	380	0.80	-0.33
H30001982	H300019821	ENSG0000	NM_021961	7003	TEAD1	TEA domai	GO:000635	GO:000367	GO:000565	36	43	1.19	0.26
H20000071	H200000717	ENSG0000	XM_005249	6671	SP4	Sp4 transc	GO:000635	GO:000098	GO:000563	18	27	1.54	0.62
H20001185	H200011851	ENSG0000	NM_012186	2301	FOXO3	forkhead b	GO:000208	GO:000098	GO:000563	10	16	1.54	0.62
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_004418	1844	DUSP2	dual specif	GO:000018	GO:000472	GO:000563	96	90	0.94	-0.09
H30000471	H300004711	ENSG0000	NM_004739	9219	MTA2	metastasis	GO:000012	GO:000097	GO:000011	179	137	0.77	-0.38
H30000620	H300006204	ENSG0000	NM_004805	5433	POLR2D	polymerase	GO:000028	GO:000016	GO:000093	940	754	0.80	-0.32
H20001087	H200010876	ENSG0000	NM_030622	29785	CYP2S1	cytochrom	GO:000680	GO:000550	GO:000578	131	109	0.83	-0.26
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_004391	1582	CYP8B1	cytochrom	GO:000669	GO:000550	GO:000578	18	17	0.97	-0.04
H20001725	H200017251	ENSG0000	NM_000080	1145	CHRNE	cholinergic	GO:000300	GO:000488	GO:000588	29	28	0.95	-0.08
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	-	-	MT-ND1	mitochondr	-	-	-	4972	4875	0.98	-0.03
H30002202	H300022028	ENSG0000	XM_011522	22980	TCF25	transcripti	GO:000012	GO:000367	GO:000563	608	612	1.01	0.01
H30000750	H300007508	ENSG0000	NM_003849	8802	SUCLG1	succinate-	GO:000609	GO:000477	GO:000573	3828	3057	0.80	-0.32
H30002127	H300021279	ENSG0000	NM_133631	6091	ROBO1	roundabout	GO:000204	GO:000551	GO:000573	68	53	0.78	-0.36
H30000920	H300009203	ENSG0000	NM_000097	1371	CPOX	coproporph	GO:000677	GO:000410	GO:000573	356	277	0.78	-0.36
H20000344	H200003446	ENSG0000	NM_003818	8760	CDS2	CDP-diacy	GO:000664	GO:000460	GO:000574	97	85	0.87	-0.20
H30000615	H300006154	ENSG0000	XM_011517	54212	SNTG1	syntrophin	GO:000223	GO:000377	GO:0005634	nucleus,G	4		
H20000724	H200007240	ENSG0000	XM_006711	3713	IVL	involucrin	GO:001022	GO:000519	GO:000153	75	66	0.89	-0.17
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_181361	10242	KCNMB2	potassium	GO:000150	GO:000820	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005887 in			
H20000438	H200004389	ENSG0000	NM_001260	3760	KCNJ3	potassium	GO:000681	GO:000524	GO:000588	11	15	1.37	0.45
H30000117	H300001174	ENSG0000	NM_001005	390063	OR51I1	olfactory re	GO:000716	GO:000493	GO:000588	23	16	0.70	-0.52
H20001755	H200017551	ENSG0000	NR_134318	51491	NOP16	NOP16 nuc	GO:004227	GO:004482	GO:000563	2920	1568	0.54	-0.90
H20000404	H200004047	-	XM_005255	9665	KIAA0430	KIAA0430	GO:000630	GO:000016	GO:000577	153	320	2.09	1.06
H30001975	H300019758	ENSG0000	NM_001101	8821	INPP4B	inositol pol	GO:000664	GO:000551	GO:000582	67	67	1.00	0.01
H30000473	H300004735	ENSG0000	XR_928314	23167	EFR3A	EFR3 hom	GO:004685	-	GO:000582	122	125	1.03	0.04
H20000305	H200003058	ENSG0000	NR_072983	57171	DOLPP1	dolichyldip	GO:000648	GO:004787	GO:000578	563	508	0.90	-0.15
H20000227	H200002273	ENSG0000	XM_011521	93081	TEX30	testis expr	-	-	GO:000563	1411	2286	1.62	0.70
H20001071	H200010717	ENSG0000	XR_945884	9562	MINPP1	multiple inc	GO:000150	GO:000399	GO:000578	262	278	1.06	0.09
H20001085	H200010855	ENSG0000	XM_006718	219844	HYLS1	hydrolethal	-	GO:000551	GO:000563	114	155	1.36	0.45
H20000911	H200009118	-	-	-	-	-	-	-	-				
H20002030	H200020309	ENSG0000	XM_005270	6975	TCTB	tectorin be	-	-	GO:0005578	proteinaceous extracellular matri			
H20001197	H200011970	ENSG0000	NM_001319	64858	DCLRE1B	DNA cross	GO:000007	GO:000368	GO:000078	164	155	0.95	-0.08
H20000277	H200002771	ENSG0000	XM_006719	81566	CSRNP2	cysteine-s	GO:000636	GO:000122	GO:000563	117	178	1.52	0.60
H20001140	H200011400	ENSG0000	XM_011544	23130	ATG2A	autophagy	GO:000004	GO:000551	GO:000040	240	198	0.82	-0.28
H20001307	H200013071	ENSG0000	NM_014475	27294	DHDH	dihydrodiol	GO:000597	GO:000874	-	42	36	0.85	-0.24
H20000511	H200005115	ENSG0000	XM_005254	123263	MTFMT	mitochondr	GO:000699	GO:000447	GO:000573	215	199	0.92	-0.11
H20000648	H200006489	ENSG0000	NM_001303	55280	CWF19L1	CWF19-like	GO:000815	GO:000367	GO:000557	390	365	0.93	-0.10
H20001801	H200018018	ENSG0000	NM_022363	64211	LHX5	LIM homeo	GO:000635	GO:000827	GO:0005634	nucleus			
H20001521	H200015212	ENSG0000	NM_031485	83743	GRWD1	glutamate-	-	GO:004482	GO:000563	427	267	0.62	-0.68
H20000142	H200001428	ENSG0000	XM_011540	79009	DDX50	DEAD-box	GO:001050	GO:000400	GO:000573	1633	1693	1.04	0.05
H20000659	H200006599	ENSG0000	NM_002045	2596	GAP43	growth ass	GO:000720	GO:000178	GO:000573	5	5	0.98	-0.03
H20000249	H200002495	ENSG0000	NM_006833	10980	COPS6	COP9 sign	GO:000071	GO:000551	GO:000565	1882	1755	0.93	-0.10
H20001757													

H20002027	H200020271	ENSG0000	NM_138437	114928	GPRASP2	G protein-coupled receptor	GO:000154	GO:000573	28	40	1.44	0.53
H20002015	H200020156	ENSG0000	NM_033256	94274	PPP1R14A	protein phosphatase 1 regulatory subunit 14A	GO:000726	GO:000486	758	563	0.74	-0.43
H20001235	H200012350	ENSG0000	NM_201595	2957	GTF2A1	general transcription factor II A subunit 1	GO:000635	GO:000110	35	45	1.28	0.35
H20000660	H200006602	ENSG0000	XM_005267	22938	SNW1	SNW domain-containing protein	GO:000012	GO:000371	1219	1227	1.01	0.01
H20000573	H200005737	ENSG0000	NM_001127	65056	GPBP1	GC-rich protein 1	GO:000635	GO:000367	1695	1635	0.96	-0.05
H20001876	H200018767	ENSG0000	NM_001002	283160	OR8D2	olfactory receptor class D2	GO:000718	GO:000493				
H20001084	H200010848	ENSG0000	NM_033214	2712	GK2	glycerol kinase 2	GO:000607	GO:000437				
H20001694	H200016942	ENSG0000	NM_001303	54955	C1orf109	chromosome 1 open reading frame 109		GO:000551	602	461	0.77	-0.38
H20000450	H200004504	ENSG0000	NM_019091	65977	PLEKHA3	pleckstrin homology domain-containing protein A3	GO:000815	GO:000554	206	210	1.02	0.03
H20001022	H200010220	ENSG0000	NM_003924	8929	PHOX2B	paired-like homeobox 2B	GO:000176	GO:000097				
H20000661	H200006614	ENSG0000	NR_073470	6827	SUPT4H1	SPT4 homolog 1	GO:000012	GO:000370	684	531	0.78	-0.36
H20001184	H200011849	ENSG0000	XM_005255	50855	PAR6A	par-6 family class A GTP-binding protein A	GO:000193	GO:000508	43	35	0.82	-0.29
H20001596	H200015963	ENSG0000	NM_001010	340554	ZC3H12B	zinc finger CCHHC domain-containing protein 12B	GO:009030	GO:000451	30	27	0.91	-0.14
H20000353	H200003533	ENSG0000	NM_018047	55696	RBM22	RNA binding motif protein 22	GO:000006	GO:000016	478	458	0.96	-0.06
H20000481	H200004818	ENSG0000	NR_133632	51668	HSPB11	heat shock protein beta family class B member 11	GO:000150	GO:000551	3093	2779	0.90	-0.15
H20001800	H200018004	ENSG0000	NM_021803	59067	IL21	interleukin 21	GO:000181	GO:000512	9	16	1.74	0.80
H30002143	H300021430	ENSG0000	NM_018690	55911	APOBR	apolipoprotein B-related protein	GO:000664	GO:003022	159	129	0.81	-0.30
H20001565	H200015658	ENSG0000	NM_133367	85315	PAQR8	progesterone and androgen receptor coregulator 8	GO:000727	GO:000370	44	94	2.16	1.11
H20001967	H200019672	ENSG0000	NM_001145	90522	YIF1B	Yip1 interacting factor 1B			979	565	0.58	-0.79
H20001890	H200018905	ENSG0000	NM_032124	84064	HDHD2	haloacid dehalogenase domain-containing protein 2	GO:000815	GO:000551	355	444	1.25	0.32
H20001816	H200018168	ENSG0000	NM_031918	83855	KLF16	Kruppel-like factor 16	GO:000012	GO:000097	167	91	0.55	-0.87
H20001560	H200015607	ENSG0000	XR_934481	51629	SLC25A39	solute carrier family 25 member 39	GO:000641	GO:000373	1106	812	0.73	-0.45
H30000878	H300008780	ENSG0000	NM_198153	285852	TREML4	triggering receptor myeloid cell protein 4	GO:000245		26	30	1.14	0.19
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_207345	283420	CLEC9A	C-type lectin domain class A member 9A	GO:000689	GO:003024				
H30000639	H300006399	ENSG0000	NM_001304	143458	LDLRAD3	low density lipoprotein receptor adaptor protein 3	GO:000689	GO:000154	93	96	1.03	0.05
H30002221	H300022211	ENSG0000	NM_144658	139818	DOCK11	dedicator of cytokinesis 11	GO:000726	GO:000508	1139	1163	1.02	0.03
H20002016	H200020169	ENSG0000	NM_001168	90293	KLHL13	kelch like family 13	GO:000091	GO:000484	19	18	0.90	-0.15
H20001966	H200019664	ENSG0000	XM_011522	84993	UBL7	ubiquitin-like protein 7		GO:000551	256	208	0.81	-0.30
H30002008	H300020082	ENSG0000	NM_003095	6636	SNRPF	small nuclear ribonucleoprotein F	GO:000038	GO:000372	4835	4462	0.92	-0.12
H30001818	H300018186	ENSG0000	NM_001002	93034	NT5C1B	5'-nucleotidase cytosolic 1B	GO:000614	GO:000016	4	11	2.93	1.55
H20000381	H200003811	ENSG0000	XM_006721	9851	KIAA0753	KIAA0753 domain-containing protein	GO:000709	GO:000551	89	97	1.08	0.12
H20001220	H200012205	ENSG0000	NM_014698	9725	TMEM63A	transmembrane protein 63A	GO:000681	GO:000016	48	61	1.25	0.33
H20001385	H200013854	ENSG0000	NM_001201	9015	TAF1A	TATA-box associated factor 1A	GO:000018	GO:000367	230	184	0.80	-0.32
H20001633	H200016335	ENSG0000	NM_001145	85461	TANC1	tetratricopon domain-containing protein 1	GO:000752					
H20001773	H200017733	ENSG0000	NM_020199	56951	C5orf15	chromosome 5 open reading frame 15						
H20001609	H200016098	ENSG0000	NM_006236	5455	POU3F3	POU class domain 3 family class 3 member 3	GO:000635	GO:000370	7	12	1.86	0.89
H20001325	H200013252	ENSG0000	NM_033107	85865	GTPBP10	GTP-binding protein 10	GO:000815	GO:000028	851	787	0.92	-0.11
H20000918	H200009188	ENSG0000	NM_001304	140711	TLDC2	TBC/LysM domain-containing protein 2			64	53	0.82	-0.29
H20001741	H200017413	ENSG0000	XM_005267	51804	SIX4	SIX homeobox 4	GO:000636	GO:000097	24	21	0.89	-0.16
H20000572	H200005721	ENSG0000	XM_005254	54962	TIPIN	TIMELESS interacting protein	GO:000007	GO:000551	396	307	0.78	-0.37
H20000758	H200007580	ENSG0000	XM_011517	22844	FRMPD1	FERM and RRM domain-containing protein 1		GO:000551	10	11	1.13	0.18
H20001008	H200010083	ENSG0000	XM_005257	51747	LUC7L3	LUC7-like protein 3	GO:000637	GO:000367	2353	1963	0.83	-0.26
H20000179	H200001797	ENSG0000	NM_053067	29979	UBQLN1	ubiquilin 1	GO:001624	GO:000551	392	366	0.93	-0.10
H20000483	H200004839	ENSG0000	NR_033181	94056	SYAP1	synapse associated protein 1		GO:000551	1468	1102	0.75	-0.41
H20001336	H200013368	ENSG0000	NM_018670	55897	MESP1	mesoderm-specific protein 1	GO:000194	GO:000097				
H20000509	H200005093	ENSG0000	XM_011520	7275	TUB	tubby bipolar domain-containing protein	GO:000691	GO:003240				
H20001035	H200010355	ENSG0000	XM_005257	974	CD79B	CD79b molecule	GO:000225	GO:000488	14	19	1.38	0.46
H20001615	H200016156	ENSG0000	NM_005523	3207	HoxA11	homeobox A11	GO:000150	GO:004356	13	15	1.18	0.24
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000		256158	HMCN2	hemicentin 2	GO:005089	GO:000550	40	35	0.87	-0.20
H20001700	H200017005	ENSG0000	NM_001317	222229	LRWD1	leucine-rich repeat domain-containing protein 1	GO:000627	GO:000368	619	427	0.69	-0.54
H30000937	H300009373	ENSG0000	NR_104589	132299	OCIAD2	OCIA domain-containing protein 2						
H20001270	H200012704		XM_006711	127124	ATP6V1G3	ATPase H+ transporting V1G3 subunit	GO:000687	GO:000855				
H20001312	H200013123	ENSG0000	NM_032514	84557	MAP1LC3A	microtubule-associated protein 1 light chain 3A	GO:000004	GO:000551	7	14	1.90	0.93
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_032152	84106	PRAM1	PML-RARA fusion protein	GO:000722	GO:000551	5	8	1.60	0.68
H20000240	H200002409	ENSG0000	NM_018677	55902	ACSS2	acyl-CoA synthetase 2	GO:000606	GO:000398	118	124	1.06	0.08
H30002172	H300021724	ENSG0000	NM_006666	10856	RUVBL2	RuvB-like protein 2	GO:000628	GO:000097	2442	1453	0.59	-0.75
H20000241	H200002414	ENSG0000	NM_001290	199692	ZNF627	zinc finger protein 627	GO:000635	GO:000367	117	166	1.42	0.50
H20001676	H200016760	ENSG0000	NM_052813	64170	CARD9	caspase recruitment domain family class B member 9	GO:000222	GO:000551	44	167	3.82	1.93
H20000711	H200007118	ENSG0000	NM_006645	10809	STARD10	StAR related domain-containing protein 10	GO:003278	GO:000551	73	60	0.82	-0.28
H20000156	H200001566	ENSG0000	NM_006083	3550	IK	IK cytokine receptor	GO:000695	GO:000551	1359	1246	0.92	-0.13
H20001160	H200011602	ENSG0000	NM_016513	22858	ICK	intestinal casein kinase	GO:000646	GO:000028	93	109	1.17	0.22
H20000178	H200001783	ENSG0000	NM_020904	57664	PLEKHA4	pleckstrin homology domain-containing protein A4	GO:000815	GO:000554	262	179	0.68	-0.55
H20000176	H200001761	ENSG0000	NM_001300	85360	SYDE1	synapse deinduction factor 1	GO:000726	GO:000509	7	14	1.95	0.96
H20000695	H200006955	ENSG0000	NM_015140	23170	TLL12	tubulin tyrosine dephosphorylation 12	GO:000646	GO:000552	137	87	0.64	-0.65
H20001391	H200013913	ENSG0000	NM_005035	5442	POLRMT	polymerase (RNA) II (transcription factor II) subunit	GO:000639	GO:000367	240	159	0.66	-0.60
H20000776	H200007760	ENSG0000	XM_011536	55102	ATG2B	autophagy related 2B	GO:000004		45	57	1.27	0.35
H20000878	H200008789	ENSG0000	NM_001204	100534592	URGCP-M	URGCP-M domain-containing protein						
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_015456	25920	NELFB	negative elongation factor B	GO:000636	GO:000551	674	459	0.68	-0.55
H20001399	H200013995	ENSG0000	NM_001162	23066	CAND2	cullin-associated domain-containing protein 2	GO:000635	GO:000551	67	56	0.83	-0.26
H20000522	H200005222	ENSG0000	XR_934782	105371795	LOC105371795	uncharacterized protein			20	26	1.26	0.33
H20001287	H200012878	ENSG0000	NM_001261	9317	PTER	phosphotriesterase	GO:000905	GO:000367	510	447	0.88	-0.19
H20001535	H200015352	ENSG0000	XM_005253	120939	TMEM52B	transmembrane protein 52B	GO:000815	GO:000367				
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001103	400745	SH2D5	SH2 domain-containing protein 5		GO:001406	12	14	1.12	0.17
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_005273	387601	SLC22A25	solute carrier family 22 member 25	GO:004325	GO:000545				
H30002224	H300022242	ENSG0000	NM_153610	202333	CMYA5	cardiomyopathy-associated protein 5	GO:001473	GO:000551	14	19	1.33	0.41
H30000161	H300001619	ENSG0000	NM_001276	171389	NLRP6	NLR family protein 6	GO:000286	GO:000500	12	17	1.38	0.46
H20000515	H200005157	ENSG0000	XM_011536	123016	TTG8	tetratricopon domain-containing protein 8	GO:000699	GO:000110	151	144	0.95	-0.07
H30002136	H300021362	ENSG0000	NM_053282	117157	SH2D1B	SH2 domain-containing protein 1B	GO:000225	GO:000551	17	16	0.94	-0.09
H20000796	H200007963	ENSG0000	XM_011518	81704	DOCK8	dedicator of cytokinesis 8	GO:000177	GO:000508	117	234	2.00	1.00
H20001212	H200012125	ENSG0000	NM_025212	80319	CXXC4	CXXC finger protein 4	GO:000735	GO:000367	44	35	0.80	-0.32
H20001454	H200014541	ENSG0000	NM_001291	9402	GRAP2	GRB2-related protein 2	GO:000726	GO:000507	242	203	0.84	-0.25
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_011538	8315	BRAP	BRCA1 associated protein	GO:000016	GO:000016	250	269	1.08	0.11
H30001283	H300012836	ENSG0000	XM_011539	220972	42437	membrane protein	GO:000020	GO:000484	570	473	0.83	-0.27
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001105	57526	PCDH19	protocadherin 19	GO:000715	GO:000550	60	56	0.93	-0.10
H30001619	H300016197	ENSG0000	NM_012092	29851	ICOS	inducible costimulatory molecule	GO:000251					
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_001297	51023	MRPS18C	mitochondrial ribosomal protein S18C	GO:000641	GO:000373	3235	2795	0.86	-0.21
H30001397	H300013971	ENSG0000	NM_152493	149076	ZNF362	zinc finger protein 362	GO:000635	GO:000367				
opHsV04												

H30000623	H300006236	ENSG0000	NM_152914	256302	NATD1	N-acetyltra	-	GO:000551	-	124	118	0.95	-0.07
H20001202	H200012024	ENSG0000	NM_181501	3672	ITGA1	integrin sub	GO:000018	GO:000510	GO:0001669	acrosoma	5		
H20001080	H200010802	ENSG0000	XM_011535	56163	RNF17	ring finger	GO:000727	GO:000827	GO:0005634	nucleus,GO:0005737	cytoplasm		
H20001012	H200010125	ENSG0000	XM_011538	29127	RACGAP1	Rac GTPas	GO:000028	GO:000509	GO:000166	190	320	1.69	0.75
H20001561	H200015617	ENSG0000	NM_001271	55005	RMND1	required fo	GO:000641	GO:000551	GO:000573	394	320	0.81	-0.30
H20001464	H200014645	ENSG0000	XM_011536	8838	WISP3	WNT1 indu	GO:000155	GO:000517	GO:0005578	proteinaceous extracellular matri			
H30001478	H300014786	ENSG0000	NM_015236	23284	ADGRL3	adhesion G	GO:000176	GO:000493	GO:000588	6	9	1.57	0.65
H30001277	H300012770	ENSG0000	XR_429673	124446	TMEM219	transmemb	GO:000691	-	GO:000588	275	229	0.83	-0.26
H30000430	H300004304	ENSG0000	NM_015111	23138	N4BP3	NEDD4 bin	-	-	GO:003065	13	14	1.07	0.10
H30000933	H300009334	ENSG0000	NM_145244	115265	DDIT4L	DNA damag	GO:000996	GO:000551	GO:0005737	cytoplasm	3		
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001292	5596	MAPK4	mitogen-ac	GO:000016	GO:000467	GO:000563	10	16	1.59	0.67
H30000058	H300000583	ENSG0000	XM_011523	283927	NUDT7	nudix hydro	GO:000815	GO:000028	GO:000577	82	61	0.74	-0.43
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_003513	8335	HIST1H2A8	histone clu	GO:000634	GO:000367	GO:000078	301	163	0.54	-0.89
H30000211	H300002111	ENSG0000	NM_015469	25934	NIPSNAP3	nipsnap hor	-	GO:000551	GO:000563	900	1062	1.18	0.24
H20001580	H200015800	ENSG0000	NM_001300	84924	ZNF566	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	32	38	1.18	0.24
H20001767	H200017676	ENSG0000	-	-	RP13-786C	-	-	-	-	-	8		
H20001630	H200016307	ENSG0000	NM_001013	387856	CCDC184	coiled-coil	-	GO:000551	GO:000573	39	40	1.01	0.02
H20000351	H200003517	ENSG0000	XM_011522	10265	IRX5	iroquois ho	GO:000202	GO:000549	GO:000563	16	18	1.15	0.21
H20002025	H200020257	ENSG0000	XM_011537	118430	MUC1L	mucin like	GO:000649	-	GO:0005576	extracellu	4		
H20001609	H200016095	ENSG0000	XM_011523	4994	OR3A1	olfactory re	GO:000716	GO:000493	GO:000588	57	51	0.90	-0.16
opHsV0400	opHsV0400009	ENSG0000	NM_001302	729852	UMAD1	UBAP1-MV	-	-	-	148	120	0.81	-0.30
H30000041	H300000411	ENSG0000	NR_073132	200373	CFAP221	cilia and fla	GO:000334	GO:000551	GO:0005856	cytoskeleton,GO:0005929	cilium,		
H30000817	H300008178	ENSG0000	NM_144625	128025	WDR64	WD repeat	-	-	-	-	-		
H30000528	H300005282	ENSG0000	NM_001038	56990	CDC42SE2	CDC42 sm	GO:000690	GO:000519	GO:000189	394	434	1.10	0.14
H30000116	H300001168	ENSG0000	NM_207370	387509	GPR153	G protein-c	GO:000718	GO:000493	GO:000588	54	48	0.89	-0.16
H30000751	H300007517	ENSG0000	-	343170	OR14K1	olfactory re	-	-	-	41	44	1.08	0.10
H30002050	H300020506	ENSG0000	NM_001193	55676	SLC30A6	solute carr	GO:001004	GO:000538	GO:000013	178	243	1.36	0.45
H20000329	H200003291	ENSG0000	XM_011534	11278	KLF12	Kruppel-lik	GO:000012	GO:000097	GO:0005654	nucleopla	9		
H20000106	H200001060	ENSG0000	XM_011536	55218	EXD2	exonucleas	GO:009030	GO:000367	GO:000563	55	68	1.24	0.31
H20000781	H200007814	ENSG0000	XM_011544	84513	PLPP5	phospholipi	GO:000664	GO:000819	GO:0005737	cytoplasm	11		
H20001149	H200011492	ENSG0000	XM_011509	23126	POGZ	pogo trans	GO:000706	GO:000367	GO:000079	94	119	1.28	0.35
H20000814	H200008146	ENSG0000	NM_032985	10483	SEC23B	Sec23 hom	GO:000688	GO:000551	GO:000013	678	668	0.99	-0.02
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_011544	283208	P4HA3	prolyl 4-hy	GO:001951	GO:000465	GO:000578	29	34	1.17	0.23
H30000520	H300005209	ENSG0000	XM_011539	441581	FRG2B	FSHD regic	-	-	GO:000563	12	19	1.60	0.68
H30000119	H300001199	ENSG0000	-	100287880	NDUFA4P2	NADH dehy	-	-	-	2033	1400	0.69	-0.54
H30002027	H300020275	ENSG0000	NM_001308	151194	METTL21A	methyltran	GO:000647	GO:000551	GO:000573	268	202	0.75	-0.41
H30000910	H300009106	ENSG0000	NM_207117	283600	SLC25A47	solute carr	GO:000641	GO:000373	GO:000574	9	14	1.55	0.63
H30000033	H300000333	ENSG0000	NM_001010	196541	METTL21C	methyltran	GO:000647	GO:000551	GO:000563	300	213	0.71	-0.49
H30001943	H300019430	ENSG0000	NM_006825	10970	CKAP4	cytoskelet	GO:004426	GO:004482	GO:0005783	endoplasmic reticulum,GO:00057			
H30000244	H300002443	ENSG0000	-	650747	IMPA1P	inositol(my	-	-	-	353	306	0.87	-0.20
H20001347	H200013476	ENSG0000	-	-	CTC-343N	-	-	-	-	8	15	2.03	1.02
H20001115	H200011154	ENSG0000	XM_011542	143879	KBTD3	kelch repea	GO:001656	GO:000484	GO:0031463	Cul3-RIN	5		
H20001417	H200014175	ENSG0000	NM_033513	91978	TPGS1	tubulin poly	GO:000726	GO:000801	GO:000573	106	81	0.77	-0.39
H20000945	H200009451	ENSG0000	XM_005274	80227	PAAF1	proteasoma	GO:001603	GO:000551	GO:000050	416	349	0.84	-0.25
H20001982	H200019826	ENSG0000	NM_001286	65989	DLK2	delta-like 2	GO:004559	GO:000550	GO:001602	17	19	1.14	0.19
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_006715	441204	LOC44120	uncharacte	-	-	-	57	54	0.94	-0.09
H30000764	H300007648	ENSG0000	NM_153343	133121	ENPP6	ectonucleo	GO:000662	GO:000808	GO:0005576	extracellular region,GO:0005886			
H30000036	H300000364	ENSG0000	NM_001010	284611	FAM102B	family with	-	-	-	63	66	1.05	0.07
H30000672	H300006729	-	XM_011522	64711	HS3ST6	heparan su	GO:000597	GO:000846	GO:000013	57	44	0.78	-0.36
H30001099	H300010993	ENSG0000	NM_004449	2078	ERG	v-ets aviar	GO:000319	GO:000098	GO:000563	26	26	1.01	0.01
H30001391	H300013914	ENSG0000	XM_006720	2585	GALK2	galactokina	GO:000597	GO:000433	GO:000573	157	144	0.92	-0.12
H30000444	H300004445	ENSG0000	NM_025029	80097	MZT2B	mitotic spir	-	GO:000551	GO:000581	4975	4004	0.80	-0.31
H30000457	H300004578	ENSG0000	NM_172250	166785	MMAA	methylmal	GO:000663	GO:000392	GO:000575	47	46	0.99	-0.01
H20000136	H200001366	ENSG0000	NM_153429	131034	CPNE4	copine 4	-	GO:000551	GO:0070062	extracellu	5		
H20000518	H200005180	ENSG0000	NM_001302	79703	C11orf80	chromosom	-	-	-	94	111	1.18	0.24
H20002109	H200021097	ENSG0000	NR_109843	6744	SFFA2	sperm spec	-	GO:000510	GO:000563	459	432	0.94	-0.09
H20001582	H200015826	ENSG0000	NM_144982	196441	ZFC3H1	zinc finger	GO:000639	GO:000551	GO:000561	40	31	0.76	-0.39
H30000573	H300005735	ENSG0000	XM_011539	22986	SORCS3	sortilin rela	GO:000721	GO:000818	GO:0016020	membrane,GO:0016021	integral c		
H30000347	H300003474	-	NM_000972	6130	RPL7A	ribosomal p	GO:000018	GO:000372	GO:000563	27002	16624	0.62	-0.70
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	NM_001303	6134	RPL10	ribosomal p	GO:000002	GO:000373	GO:000578	26669	18911	0.71	-0.50
H30002026	H300020261	ENSG0000	NM_031902	64969	MRPS5	mitochondr	GO:000699	GO:000373	GO:000573	843	661	0.78	-0.35
H30000547	H300005470	ENSG0000	XM_006711	148327	REBB3L4	cAMP resp	GO:000636	GO:000097	GO:000013	70	79	1.12	0.16
H30002008	H300020083	ENSG0000	XM_011537	121441	NEDD1	neural prec	GO:000008	-	GO:000024	121	126	1.04	0.06
H30001994	H300019947	ENSG0000	NM_001042	27163	NAAA	N-acyletha	GO:000662	GO:000813	GO:000573	106	102	0.97	-0.05
H30001938	H300019380	ENSG0000	NM_006206	5156	PDGFRA	platelet der	GO:000016	GO:000467	GO:0005634	nucleus,GO:0005737	cytoplasm,C		
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_030754	6289	SAA2	serum amy	GO:000695	GO:004205	GO:000561	5	14	3.05	1.61
H20000355	H200003555	ENSG0000	NM_181786	284459	HKR1	HKR1, GLI	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus			
H20000448	H200004485	ENSG0000	NM_006897	3225	HOXC9	homeobox	GO:000635	GO:000551	GO:000563	215	212	0.99	-0.02
H20000443	H200004435	ENSG0000	NM_153746	79683	ZDHHC14	zinc finger	GO:001834	GO:000827	GO:000578	236	206	0.87	-0.20
H20000794	H200007945	-	NM_052952	116093	DIRC1	disrupted ir	-	-	-	67	53	0.79	-0.34
H20000954	H200009547	ENSG0000	NM_144632	130827	TMEM182	transmemb	-	GO:000551	GO:001602	32	53	1.65	0.73
H30001476	H300014764	ENSG0000	NM_138364	90826	PRMT9	protein arg	GO:000647	GO:000816	-	149	108	0.72	-0.47
H30000163	H300001631	ENSG0000	NR_130126	285126	DNAJC5G	DnaJ heat	-	-	GO:0016020	membrane	3		
H30000669	H300006699	-	XM_011514	221545	C6orf136	chromosom	-	-	GO:000573	186	144	0.77	-0.37
H30002122	H300021220	ENSG0000	XM_011509	200186	CRTC2	CREB regu	GO:000609	GO:000368	GO:000563	154	149	0.97	-0.05
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_006492	257	ALX3	ALX homeo	GO:000635	GO:004356	GO:000563	186	135	0.73	-0.46
H30000491	H300004917	ENSG0000	XM_011537	79544	OR4K1	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:0005886	plasma m	9		
H30001461	H300014614	ENSG0000	XM_011519	2132	EXT2	exostosin g	GO:000150	GO:000837	GO:000013	339	341	1.01	0.01
H30000740	H300007400	ENSG0000	NR_130703	196383	RILPL2	Rab interac	GO:000338	GO:004280	GO:000573	359	526	1.46	0.55
H20001337	H200013379	ENSG0000	XM_011538	57701	NCKAP5L	NCK assoc	GO:000157	GO:000551	GO:000573	114	96	0.84	-0.25
H20000123	H200001239	ENSG0000	NM_032355	84315	MON1A	MON1 hom	GO:000930	-	GO:000562	108	100	0.93	-0.11
H20001391	H200013911	ENSG0000	XM_011522	63922	CHTF18	chromosom	GO:000626	GO:000367	GO:000565	71	70	0.99	-0.01
H20001688	H200016888	ENSG0000	XM_005267	283571	PROX2	prospero h	GO:000012	GO:000107	GO:0005634	nucleus	7		
H20001050	H200010506	ENSG0000	NR_046462	26049	FAM169A	family with	-	-	GO:000563				

opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_006720	51203	NUSAP1	nucleolar a	GO:000007	GO:000367	GO:000563	1320	988	0.75	-0.42
H30001934	H300019345	ENSG0000	XM_005252	23075	SWAP70	SWAP swit	GO:000720	GO:000367	GO:000563	52	95	1.82	0.86
H30000933	H300009337	ENSG0000	NM_031274	56157	TEX13A	testis expr	-	GO:000551	-	33	38	1.13	0.17
H20000875	H200008758	ENSG0000	NM_001308	10194	TSHZ1	teashirt zin	GO:000635	GO:000367	GO:000563	87	94	1.09	0.12
H20001638	H200016389	ENSG0000	NG_008155	3798	KIF5A	kinesin fam	GO:000701	GO:000377	GO:000582	27	26	0.98	-0.02
H20002099	H200020993	ENSG0000	NM_144719	152206	CCDC13	coiled-coil	GO:000697	GO:000551	GO:000581	10	12	1.19	0.25
H20000134	H200001340	ENSG0000	NM_152293	93624	TADA2B	transcriptio	GO:000632	GO:000367	GO:003091	196	168	0.86	-0.23
H20000076	H200000763	ENSG0000	NM_004992	4204	MECP2	methyl-Cp	GO:000012	GO:000040	GO:000079	131	158	1.21	0.28
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_011539	5532	PPP3CB	protein pho	GO:000191	GO:000472	GO:000565	147	186	1.26	0.34
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NR_046308	706	TSPO	translocato	GO:000662	GO:000549	GO:000573	738	536	0.73	-0.46
H30001860	H300018609	-	XM_011514	259197	NCR3	natural cyt	GO:000286	GO:000487	GO:000588	27	38	1.42	0.51
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_011509	2213	FCGR2B	Fc fragmen	GO:000695	GO:000551	GO:000588	33	30	0.91	-0.14
H30001954	H300019540	ENSG0000	XM_005253	10060	ABCC9	ATP bindin	GO:000681	GO:000521	GO:000588	7	9	1.22	0.29
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NR_024062	100131816	UBE2DNL	ubiquitin cc	-	-	-	13	16	1.24	0.31
H30000997	H300009971	ENSG0000	NM_001318	201501	ZBTB7C	zinc finger	-	GO:000367	-	45	35	0.78	-0.37
opHsV0400	opHsV0400002	-	NM_198512	347516	DGAT2L6	diacylglyce	GO:000662	GO:001674	GO:0005789	endoplas	7		
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_178556	339976	TRIML1	tripartite m	GO:000727	GO:000827	-	66	52	0.79	-0.33
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	286494	BRAF1	BRAF pseu	-	-	-	-	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	-	AC011933	-	-	-	-	8804	9574	1.09	0.12
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_021066	8331	HIST1H2A	histone clu	-	-	-	1684	941	0.56	-0.84
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001012	338879	RNASE10	ribonucleas	GO:000338	GO:000367	GO:0005576	extracellu			
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	-	401637	OR7E26P	olfactory re	-	-	-	196	148	0.75	-0.41
H30000218	H300002185	ENSG0000	NM_207365	344752	AADACL2	arylacetam	GO:000815	GO:005268	GO:0005576	extracellu	8		
opHsV0400	opHsV0400008	ENSG0000	-	400841	LINC01597	long interge	-	-	-	-	11		
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	-	-	AC016577	-	-	-	-	520	602	1.16	0.21
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_205545	137797	LYPD2	LY6/PLAU	-	-	GO:000588	191	145	0.76	-0.40
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_025041	80111	C3orf36	chromosom	-	-	-	-	8		
H30000188	H300001882	ENSG0000	NR_040045	285492	LINC00955	long interge	-	-	-	-	-		
H30000944	H300009443	ENSG0000	XR_941546	253832	ZDHHC20	zinc finger	GO:001834	GO:000827	GO:000588	13	21	1.53	0.61
H30000236	H300002360	ENSG0000	NM_133267	170825	GSX2	GS homeok	GO:000208	GO:004356	GO:000563	22	24	1.13	0.17
H30000972	H300009720	ENSG0000	NM_007160	7932	OR2H2	olfactory re	GO:000695	GO:000493	GO:000588	19	19	1.01	0.01
H30000363	H300003630	ENSG0000	NR_046249	100287948	GM140	uncharacte	-	-	-	-	-		
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_017422	51806	CALML5	calmodulin	GO:000716	GO:000550	GO:007006	19	26	1.34	0.42
H30000693	H300006934	-	XR_132524	100506557	LOC10050	uncharacte	-	-	-	-	4		
H30001972	H300019723	ENSG0000	NR_040546	5143	PDE4C	phosphodie	GO:000619	GO:000411	GO:000561	34	32	0.94	-0.09
H30002169	H300021694	ENSG0000	XR_429721	55066	PDPR	pyruvate de	GO:000609	GO:001649	GO:000573	208	169	0.82	-0.29
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001207	8455	ATRNL	attractin	GO:000695	GO:000487	GO:000561	28	38	1.34	0.42
H30001962	H300019625	ENSG0000	XM_011521	4649	MYO9A	myosin IXA	GO:000726	GO:000377	GO:000582	40	51	1.27	0.35
H30002077	H300020776	ENSG0000	NM_001308	10188	TNK2	tyrosine kir	GO:000689	GO:000467	GO:000563	41	41	0.98	-0.02
H30000676	H300006761	ENSG0000	NM_012403	23520	ANP32C	acidic nucl	-	-	-	63	60	0.95	-0.08
H30000237	H300002372	ENSG0000	NG_028005	100132978	ATP6V0CF	ATPase, H-	-	-	-	141	103	0.73	-0.45
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001614	71	ACTG1	actin gamm	GO:000189	GO:000520	GO:000561	29199	19828	0.68	-0.56
H30000380	H300003805	ENSG0000	NM_178840	149563	C1orf64	chromosom	-	-	-	-	-		
opHsV0400	opHsV0400002	-	NM_033318	91689	SMDT1	single-pass	GO:000685	-	GO:000563	48	45	0.93	-0.11
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_002949	6182	MRPL12	mitochondr	GO:000639	GO:000372	GO:000573	954	707	0.74	-0.43
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NG_031950	100302751	NCLP1	nucleolin p	-	-	-	42	42	1.01	0.01
H30000976	H300009760	ENSG0000	NM_001029	285429	DCAF4L1	DDB1 and	-	-	-	26	20	0.76	-0.39
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XR_429267	644623	TPTE2P2	transmemb	-	-	-	9	19	2.07	1.05
H30000217	H300002177	ENSG0000	NM_001004	119772	OR52M1	olfactory re	GO:000716	GO:000493	GO:000588	17	16	0.96	-0.06
H30000652	H300006523	ENSG0000	NR_036683	440700	LOC44070	carbonic ar	-	-	-	-	-		
H30000629	H300006293	ENSG0000	XM_006720	641	BLM	Bloom synd	GO:000007	GO:000040	GO:000022	211	205	0.97	-0.04
H30001036	H300010362	ENSG0000	NM_052923	114821	ZBED9	zinc finger	GO:000635	GO:000367	-	9	22	2.43	1.28
H30000495	H300004955	ENSG0000	NM_001005	338662	OR8D4	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:000588	27	24	0.88	-0.19
H30000892	H300008922	ENSG0000	-	642580	HSPA8P14	heat shock	-	-	-	-	5		
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_203451	400120	SERTM1	serine rich	-	-	GO:0016021	integral c	7		
H30000583	H300005835	ENSG0000	-	2228	FDPSP4	farnesyl dip	-	-	-	937	799	0.85	-0.23
opHsV0400	opHsV0400008	ENSG0000	XM_011536	23241	PACS2	phosphofur	GO:000004	GO:004432	GO:0005739	mitochond	10		
H30000895	H300008956	ENSG0000	XM_005250	255374	MBLAC1	metallo-be	GO:000815	GO:001678	-	37	39	1.06	0.08
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001003	388951	TSPYL6	TSPY-like	GO:000633	-	GO:000563	14	16	1.18	0.23
H30001032	H300010324	-	NR_026746	285267	ZNF619	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	25	28	1.13	0.17
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_011522	260429	PRSS33	protease, s	GO:000650	GO:000425	GO:000561	46	46	0.99	-0.02
H30001855	H300018558	ENSG0000	NM_006387	10523	CHERP	calcium ho	GO:000639	GO:000551	GO:000573	30	27	0.89	-0.16
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_198329	79876	UBA5	ubiquitin lik	GO:003314	GO:000551	GO:000563	741	581	0.78	-0.35
H30002196	H300021965	ENSG0000	XM_006719	54477	PLEKHA5	pleckstrin P	GO:000815	GO:000551	GO:000565	109	136	1.24	0.31
H30001845	H300018455	ENSG0000	NM_001017	57120	GOPC	golgi-assoc	GO:000688	GO:000551	GO:000573	297	260	0.87	-0.20
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_011523	201243	C17orf74	chromosom	-	-	GO:0016021	integral c	4		
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_006716	11156	PTPA43	protein tyr	GO:000721	GO:000472	GO:000563	545	220	0.40	-1.31
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_182762	346389	MACC1	metastasis	GO:000635	GO:000808	GO:000563	8	12	1.58	0.66
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_011521	145858	C15orf32	chromosom	-	-	-	68	72	1.06	0.08
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XR_428269	392843	IQCA1L	IQ motif co	-	GO:000552	-	36	31	0.85	-0.23
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_031481	83733	SLC25A18	solute carr	GO:000641	GO:000373	GO:0005743	mitochond	5		
H30001711	H300017116	ENSG0000	NM_005210	1419	CRYGB	crystallin g	GO:000760	GO:000521	GO:0005575	cellular_co	4		
opHsV0400	opHsV0400010	ENSG0000	NR_120455	101927905	LOC10192	uncharacte	-	-	-	36	70	1.92	0.94
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_011539	195977	ANTXRL	anthrax tox	-	GO:000487	GO:0016021	integral c	5		
H30000084	H300000847	ENSG0000	NR_027378	643763	UG0898HO	uncharacte	-	-	-	88	83	0.95	-0.08
H30000741	H300007413	ENSG0000	NM_001010	343263	MYBPHL	myosin bin	GO:000815	GO:000367	GO:000557	10	15	1.47	0.56
H30000460	H300004602	-	NM_178351	353133	LCE1C	late cornif	GO:001814	GO:000519	GO:000153	412	302	0.73	-0.45
H30000218	H300002183	ENSG0000	XM_011516	57541	ZNF398	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	301	309	1.02	0.03
H30000181	H300001816	ENSG0000	XR_925094	389197	C4orf50	chromosom	-	-	-	99	95	0.96	-0.07
H30000993	H300009937	ENSG0000	XM_011535	9501	RPH3AL	rabphilin 3A	GO:000688	GO:000550	GO:000573	133	102	0.76	-0.39
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001168	221400	TDRD6	tudor doma	GO:000727	-	GO:0005737	cytoplasm,	GO:0005783	endoplas	
H30000805	H300008059	ENSG0000	NM_001306	284273	ZADH2	zinc binding	GO:000815	GO:000367	GO:000573	123	101	0.82	-0.29
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	-	-	CTD-2527	-	-	-	-	67	59	0.89	-0.18
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_152347	124989	EFCAB13	EF-hand ca	-	-	GO:0005634	nucleus,	GO:0005654	nucleoplasm	
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001014	389289	ANXA2R	annexin A2	-	GO:000487	-	40	45	1.13	0.17
opHsV0400	opHsV0400001	-	-	-	-	-	-	-	-	208	132	0.63	-0.66
H30002211	H300022113	ENSG0000	NM_033081	11083	D								

H30001954	H300019543	ENSG0000	XM_011537	5926	ARID4A	AT-rich int	GO:000632	GO:000367	GO:000563	64	90	1.41	0.50
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001025	972	CD74	CD74 mole	GO:000018	GO:000154	GO:0000139	Golgi mem	3		
H30000649	H300006493	ENSG0000	XR_934364	124783	SPATA32	spermatoge	GO:000728	GO:000377	GO:0048471	perinuclea	5		
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_002353	4070	TACSTD2	tumor-assc	GO:000716	GO:000487	GO:000561	81	60	0.75	-0.42
opHsV0400	opHsV0400008	ENSG0000	XM_006721	54988	ACSM5	acyl-CoA s	GO:000663	GO:000552	GO:000575	20	23	1.13	0.18
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001008	440955	TMEM89	transmemb	-	-	GO:000563	112	91	0.81	-0.30
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_014117	29035	C16orf72	chromosom	-	GO:000551	-	229	182	0.80	-0.33
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	-	RP11-529A	-	-	-	-	15	19	1.27	0.35
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NR_036498	388906	OGFRP1	opioid grow	-	-	-	19	22	1.13	0.17
H30000998	H300009989	ENSG0000	XM_011544	219432	OR4C6	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:0005886	plasma m	9		
opHsV0400	opHsV0400008	ENSG0000	NM_032341	84301	DDI2	DNA dama	GO:000650	GO:000419	GO:000565	89	71	0.80	-0.33
H30000900	H300009004	ENSG0000	NM_001005	391112	OR6Y1	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma m	7		
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	NR_001569	1587	ADAM3A	ADAM met	-	-	-				
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_005269	170384	FUT11	fucosyltran	GO:000648	GO:000551	GO:001602	96	85	0.89	-0.16
opHsV0400	opHsV0400005	-	XM_011521	23026	MYO16	myosin XV	GO:000815	GO:000377	GO:0005654	nucleopla	4		
H30002159	H300021593	ENSG0000	XM_011521	255252	LRRC57	leucine ric	-	-	GO:001602	96	103	1.08	0.11
H30000110	H300001103	ENSG0000	NM_175872	126375	ZNF792	zinc finger	GO:000635	GO:000097	GO:000563	19	26	1.35	0.43
H30000381	H300003812	-	-	-	-	-	-	-	-				
H30000805	H300008057	ENSG0000	NM_054105	341416	OR6C2	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:000588	64	61	0.95	-0.08
H30000918	H300009184	ENSG0000	NM_001307	284254	DYNAP	dynactin as	GO:000828	GO:000551	GO:0000139	Golgi membra	GO:0005794	Gol	
H30000493	H300004932	ENSG0000	XM_005249	221806	VWDE	von Willebr	-	-	GO:000557	33	29	0.88	-0.18
H30000298	H300002980	-	-	-	-	-	-	-	-	6485	6385	0.98	-0.02
H30000648	H300006487	-	NM_013337	29928	TIMM22	translocase	GO:000662	GO:001526	GO:000574	111	83	0.75	-0.42
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_011544	9108	MTMR7	myotubular	GO:000647	GO:000472	GO:000582	10	15	1.54	0.62
opHsV0400	opHsV0400010	ENSG0000	NM_001276	388633	LDLRAD1	low density	-	GO:000551	GO:0016021	integral component of membrane			
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NR_038369	400941	LINC00487	long interge	-	-	-		4		
H30001285	H300012859	ENSG0000	NM_001001	155054	ZNF425	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus, G	20		
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001286	221178	SPATA13	spermatoge	GO:001647	GO:000508	GO:0005654	nucleopla	5		
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001290	91663	MYADM	myeloid-as	GO:000193	GO:000367	GO:000172	220	220	1.00	0.00
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_001136	166929	SGMS2	sphingomye	GO:000666	GO:001630	GO:0005794	Golgi appa	3		
H30001454	H300014548	ENSG0000	NM_032752	84838	ZNF496	zinc finger	GO:000012	GO:000098	GO:000563	317	267	0.84	-0.24
H30002178	H300021788	ENSG0000	XR_946723	58155	PTBP2	polypyrimid	GO:000637	GO:000016	GO:000568	93	70	0.75	-0.41
H30000316	H300003169	-	NM_001009	400735	PRAMEF4	PRAME far	GO:000828	GO:004297	-	66	65	0.99	-0.02
H30001880	H300018809	ENSG0000	XM_005257	6603	SMARCD2	SWI/SNF r	GO:000633	GO:000097	GO:000079	370	355	0.96	-0.06
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_199451	22891	ZNF365	zinc finger	GO:000028	GO:000551	GO:000093	227	178	0.78	-0.35
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_011538	91	ACVR1B	activin A re	GO:000008	GO:000467	GO:000588	26	29	1.12	0.16
H30002174	H300021742	ENSG0000	XM_006718	84445	LZTS2	leucine zip	GO:000091	GO:000551	GO:000573	89	69	0.78	-0.36
H30001960	H300019606	ENSG0000	NM_030579	80777	CYB5B	cytochrom	GO:000511	GO:002003	GO:000574	1430	1549	1.08	0.12
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_014480	27300	ZNF544	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	198	159	0.80	-0.31
H30002188	H300021881	ENSG0000	XM_011539	1305	COL13A1	collagen ty	GO:000176	GO:000551	GO:000557	22	20	0.90	-0.15
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_005249	404220	C6orf201	chromosom	-	-	-				
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001134	283643	C14orf80	chromosom	-	-	-	57	50	0.88	-0.18
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011515	54476	RNF216	ring finger	GO:000691	GO:000551	GO:000563	51	60	1.19	0.26
H30001840	H300018404	ENSG0000	NM_007052	27035	NOX1	NADPH oxi	GO:000152	GO:000551	GO:0005769	early end	5		
H30000642	H300006428	ENSG0000	NM_001004	391194	OR2M2	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma membra	GO:0016021	in	
opHsV0400	opHsV0400010	ENSG0000	NM_001010	149018	LELP1	late cornifi	GO:001814	GO:000519	GO:0001533	cornified envelope	GO:0005737	c	
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_001008	158798	AKAP14	A-kinase a	GO:000728	GO:005101	GO:0005737	cytoplasm	GO:0035686	sperm fib	
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	-	28763	IGLVI-70	immunoglob	-	-	-		6		
H30000783	H300007837	-	NM_001005	442186	OR2J3	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma m	6		
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_006719	54621	VSIG10	V-set and	-	-	GO:0016021	integral c	7		
H30001470	H300014702	ENSG0000	NM_001278	3104	ZBTB48	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000565	59	79	1.33	0.41
H30001094	H300010947	ENSG0000	NM_014188	29101	SSU72	SSU72 hon	GO:000637	GO:000551	GO:000563	2679	2423	0.90	-0.14
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_133379	7273	TTN	titin	GO:000257	GO:000202	GO:0000794	condensed nuclear chromosome,			
H30001993	H300019930	ENSG0000	NM_001521	2976	GTF3C2	general tra	GO:000635	GO:000367	GO:000012	234	150	0.64	-0.64
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NR_131773	23567	ZNF346	zinc finger	GO:004306	GO:000203	GO:000563	123	117	0.95	-0.08
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_006193	5078	PAX4	paired box	GO:000012	GO:000098	GO:0005654	nucleopla	9		
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_011535	90627	STARD13	StAR relate	GO:000726	GO:000509	GO:0005811	lipid partic	9		
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_001300	10053	AP1M2	adaptor rel	GO:000660	GO:000551	GO:000013	20	23	1.11	0.15
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_153645	10762	NUP50	nucleoporin	GO:000027	GO:000551	GO:000564	23	38	1.66	0.73
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011538	22895	RPH3A	rabphilin 3A	GO:000688	GO:000550	GO:000579	16	20	1.21	0.28
H30000287	H300002874	ENSG0000	NM_003509	8329	HIST1H2AI	histone clu	GO:000634	GO:000367	GO:000078	234	215	0.92	-0.12
H30002118	H300021186	ENSG0000	NM_012426	23450	SF3B3	splicing fac	GO:000037	GO:000372	GO:000563	2016	1816	0.90	-0.15
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_000085	1188	CLCNKB	chloride vo	GO:000681	GO:000524	GO:000588	36	33	0.92	-0.12
H30002259	H300022597	-	NM_001289	100507436	MICA	MHC class	GO:000191	GO:000382	GO:000561	242	241	0.99	-0.01
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NR_134976	204	AK2	adenylate k	GO:000188	GO:000401	GO:000574	4100	2555	0.62	-0.68
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	-	-	RP11-183C	-	-	-	-	27357	18884	0.69	-0.53
H30000944	H300009449	ENSG0000	-	389672	RPSAP47	ribosomal p	-	-	-	55818	28255	0.51	-0.98
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_001005	7341	SUMO1	small ubiqu	GO:000072	GO:000551	GO:000079	123	135	1.09	0.13
H30000330	H300003302	ENSG0000	XM_005249	346528	OR2A1	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma m	5		
H30000227	H300002274	ENSG0000	NM_001286	134637	ADAT2	adenosine	GO:000210	GO:000551	GO:000565	457	398	0.87	-0.20
H30002278	H300022785	ENSG0000	NM_002127	3135	HLA-G	major histo	GO:000247	GO:000382	GO:000013	270	194	0.72	-0.48
H30001434	H300014348	ENSG0000	NM_147175	90161	HS6ST2	heparan su	GO:000597	GO:001709	GO:0000139	Golgi membra	GO:0005654	nuc	
H30001216	H300012168	ENSG0000	XM_005245	284565	NBPF15	neuroblast	-	-	GO:000573	1195	1406	1.18	0.23
H30000073	H300000734	-	NR_024074	283796	GOLGA8IP	golgin A8 fa	-	-	GO:003258	85	79	0.94	-0.10
H30001227	H300012274	ENSG0000	XR_929874	90678	LRSAM1	leucine ric	GO:000020	GO:000484	GO:000557	139	128	0.93	-0.11
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_011514	23113	CUL9	cullin 9	GO:000022	GO:000551	GO:0005737	cytoplasm	5		
H30002176	H300021762	ENSG0000	XM_006714	1432	MAPK14	mitogen-ac	GO:000007	GO:000467	GO:000092	310	291	0.94	-0.09
H30001904	H300019046	ENSG0000	NM_001271	8677	STX10	syntaxin 10	GO:000688	GO:000548	GO:000013	471	367	0.78	-0.36
H30001909	H300019095	ENSG0000	NR_046295	55154	MSTO1	misato 1, m	GO:000700	GO:000367	GO:000573	181	132	0.73	-0.46
H30001035	H300010352	ENSG0000	NM_020683	57413	TMIGD3	transmemb	-	-	GO:0016021	integral c	3		
H30002200	H300022007	ENSG0000	XM_006722	57690	TNRC6C	trinucleotid	GO:000170	GO:000016	GO:000582	58	90	1.55	0.64
H30001420	H300014208	ENSG0000	XR_246111	84545	MRPL43	mitochondr	GO:000641	GO:000373	GO:000574	145	115	0.79	-0.33
H30002226	H300022262	ENSG0000	NM_018392	55345	ZGRF1	zinc finger	-	GO:000827	GO:001602	193	253	1.31	0.39
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_011524	201181	ZNF385C	zinc finger	GO:007233	GO:000203	GO:000563	82	67	0.82	-0.29
opHsV0400	opHsV04												

H30000682	H300006828	ENSG0000	NM_001004	392138	OR2A25	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:0005886 plasma m	5			
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XM_011542	85452	CFAP74	cilia and fla	GO:003508	-	GO:0005856 cytoskeleton,GO:0005930 axoner				
H30001139	H300011390	ENSG0000	XR_947093	101928189	LOC10192	uncharacte	-	-	202	140	0.69	-0.53	
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_024627	79680	C22orf29	chromosom	GO:005188	GO:000551	GO:000573	264	326	1.24	0.30
H30001792	H300017921	ENSG0000	XM_006718	79659	DYNC2H1	dynein cyto	GO:000688	GO:000377	GO:0005794 Golgi apparatus,GO:0005829 cyto				
H30002098	H300020987	ENSG0000	XM_011518	65268	WNK2	WNK lysine	GO:000646	GO:000467	GO:000573	80	63	0.79	-0.35
H30002025	H300020253	ENSG0000	NM_001039	400954	EML6	echinoderm	-	-	GO:000573	28	30	1.10	0.14
H30002248	H300022482	ENSG0000	XR_950811	55114	ARHGAP1	Rho GTPase	GO:000726	GO:000509	GO:000582	183	156	0.86	-0.22
opHsV0400	opHsV0400000	-	XM_005253	80824	DUSP16	dual specif	GO:000018	GO:000472	GO:000563	34	49	1.45	0.53
H30001882	H300018825	ENSG0000	XM_006718	3338	DNAJC4	DnaJ heat	GO:000645	GO:000551	GO:001602	230	318	1.38	0.47
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_019117	56062	KLHL4	kelch like f	GO:000815	GO:000367	GO:0005737 cytoplasm		7		
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_006891	1421	CRYGD	crystallin g	GO:000208	GO:000521	GO:0005634 nucleus,GO:0005737 cytoplasm				
H30002229	H300022291	-	NM_015396	25852	ARMC8	armadillo re	-	GO:000551	-	559	509	0.91	-0.13
H30001839	H300018395	ENSG0000	NM_144570	90861	HN1L	hematologi	-	-	GO:000563	369	330	0.89	-0.16
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_001011	4103	MAGEA4	MAGE fami	GO:000815	GO:000367	GO:000557	102	73	0.72	-0.48
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	-	84809	CROCCP2	ciliary rootl	-	-	-	68	59	0.86	-0.22
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_199321	124626	ZBPB2	zona pelluc	GO:000167	-	GO:0001669 acrosoma		3		
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_011542	28970	C11orf54	chromosom	GO:000815	GO:000551	GO:000563	453	487	1.07	0.10
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_005254	267012	DAOA	D-amino ac	GO:004308	GO:000804	GO:000573	10	14	1.33	0.41
H30000358	H300003587	ENSG0000	-	730144	EIF1P3	eukaryotic	-	-	-	6422	7530	1.17	0.23
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_006359	10479	SLC9A6	solute carr	GO:000681	GO:001538	GO:000573	226	215	0.95	-0.07
H30000233	H300002339	ENSG0000	-	388761	OR14A2	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886 plasma m		9		
H30001722	H300017222	ENSG0000	NM_001063	7018	TF	transferrin	GO:000189	GO:000551	GO:000557	28	101	3.61	1.85
AHsV1000	AHsV10001665	ENSG0000	XM_011545	6809	STX3	syntaxin 3	GO:000688	GO:000014	GO:000577	546	913	1.67	0.74
H30000388	H300003888	ENSG0000	XM_005257	6777	STAT5B	signal trans	GO:000025	GO:000097	GO:000563	513	641	1.25	0.32
AHsV1000	AHsV10001644	ENSG0000	NM_001286	6612	SUMO3	small ubiqu	GO:000628	GO:000551	GO:000077	2543	2231	0.88	-0.19
H20001630	H200016308	ENSG0000	NM_003064	6590	SLPI	secretory li	GO:000695	GO:000486	GO:0005615 extracellular space,GO:0031012 e				
AHsV1000	AHsV10001205	ENSG0000	XM_011539	3632	INPP5A	inositol pol	GO:004364	GO:000444	GO:000588	122	200	1.64	0.72
H20000117	H200001179	ENSG0000	XM_005252	3611	ILK	integrin link	GO:000165	GO:000467	GO:000172	340	454	1.33	0.41
CHsGV100	CHsGV1000095	ENSG0000	NM_000864	3352	HTR1D	5-hydroxyt	GO:000718	GO:000499	GO:0005886 plasma m		6		
H20000656	H200006560	ENSG0000	NM_001541	3316	HSPB2	heat shock	GO:000698	GO:000551	GO:000563	10	6	0.65	-0.63
H20000641	H200006413	-	NM_006120	3108	HLA-DMA	major histo	GO:000250	GO:002302	GO:0005765 lysosomal		4		
H20001304	H200013042	ENSG0000	NM_005337	3071	NCKAP1L	NCK assoc	GO:000178	GO:000509	GO:000582	28	70	2.51	1.33
AHsV1000	AHsV10002066	ENSG0000	XM_011518	2902	GRIN1	glutamate i	GO:000016	GO:000497	GO:0005783 endoplasmic reticulum,GO:00058				
CHsGV100	CHsGV1000025	ENSG0000	NM_004490	2888	GRB14	growth fact	GO:000716	GO:000507	GO:0005737 cytoplasm,GO:0005829 cytosol,G				
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001170	4303	FOXO4	forkhead bc	GO:000635	GO:000098	GO:000563	49	54	1.12	0.16
H20000580	H200005801	ENSG0000	NM_004988	4100	MAGEA1	MAGE fami	GO:000012	GO:000551	GO:000563	2068	1241	0.60	-0.74
AHsV1000	AHsV10003406	ENSG0000	NM_002354	4072	EPCAM	epithelial c	GO:000165	GO:000551	GO:000588	1016	1026	1.01	0.01
H20000556	H200005562	ENSG0000	NM_000224	3875	KRT18	keratin 18,	GO:000704	GO:000519	GO:000573	4657	3840	0.82	-0.28
H20000085	H200000855	ENSG0000	NM_002267	3839	KPNA3	karyopherin	GO:000646	GO:000551	GO:000564	532	360	0.68	-0.56
H20000778	H200007789	ENSG0000	NM_014289	827	CAPN6	calpain 6	GO:000157	GO:000419	GO:000587	6	8	1.23	0.29
H20000828	H200008281	ENSG0000	XM_006720	801	CALM1	calmodulin	GO:000016	GO:000550	GO:000092	1370	1142	0.83	-0.26
H20000520	H200005203	ENSG0000	XM_011520	627	BDNF	brain-deriv	GO:000165	GO:000516	GO:0005576 extracellular region,GO:0005737				
H20000604	H200006042	ENSG0000	NM_004050	599	BCL2L2	BCL2-like	GO:000728	GO:000551	GO:000574	254	266	1.04	0.06
H30002149	H300021493	ENSG0000	XM_005252	391	RHOG	ras homolo	GO:000726	GO:000392	GO:000578	1633	1270	0.78	-0.36
H20000636	H200006361	ENSG0000	NM_001654	369	ARAF	A-Raf prot	GO:000016	GO:000467	GO:000557	74	72	0.98	-0.03
H20000806	H200008066	ENSG0000	NM_001161	191	AHCY	adenosylho	GO:000009	GO:000401	GO:000563	3920	3750	0.96	-0.06
H20000013	H200000136	ENSG0000	NM_001133	173	AFM	afamin	GO:005118	GO:000843	GO:0005576 extracellular region,GO:0005615				
AHsV1000	AHsV10001956	ENSG0000	XM_006717	6934	TCF7L2	transcriptid	GO:000012	GO:000097	GO:0000790 nuclear chromatin,GO:0005634 n				
H30000930	H300009308	ENSG0000	NM_001052	6754	SSTR4	somatostat	GO:000718	GO:000499	GO:000573	214	162	0.76	-0.40
AHsV1000	AHsV10000146	ENSG0000	NR_048541	6730	SRP68	signal reco	GO:000641	GO:000504	GO:000573	785	778	0.99	-0.01
H20000025	H200000251	ENSG0000	NM_003052	6569	SLC34A1	solute carr	GO:000150	GO:000551	GO:0005768 endosome,GO:0005886 plasma m				
H30001883	H300018834	ENSG0000	XM_006719	6540	SLC6A13	solute carr	GO:000683	GO:000532	GO:0005886 plasma m		4		
H20000818	H200008183	ENSG0000	NM_000628	3588	IL10RB	interleukin	GO:000695	GO:000487	GO:000588	375	437	1.17	0.22
H20000017	H200000171	ENSG0000	NM_000588	3562	IL3	interleukin	GO:000016	GO:000512	GO:000557	68	58	0.86	-0.22
H20000610	H200006104	ENSG0000	NM_001292	3295	HSD17B4	hydroxyste	GO:000003	GO:000385	GO:000573	1127	1242	1.10	0.14
AHsV1000	AHsV10001271	ENSG0000	XM_005250	3268	AGFG2	ArfGAP wit	GO:000815	GO:000367	GO:001602	12	10	0.84	-0.25
CHsGV100	CHsGV1000095	ENSG0000	NM_000559	3047	HBG1	hemoglobin	GO:000759	GO:000534	GO:000582	65451	18618	0.28	-1.81
AHsV1000	AHsV10003128	ENSG0000	NM_005324	3021	H3F3B	H3 histone	GO:000018	GO:000097	GO:000022	770	941	1.22	0.29
H20001603	H200016032	ENSG0000	NM_005306	2867	FFAR2	free fatty a	GO:000223	GO:000493	GO:0005886 plasma membrane,GO:0005887 in				
CHsGV100	CHsGV1000312	ENSG0000	NM_005297	2847	MCHR1	melanin co	GO:000609	GO:000493	GO:000582	36	28	0.79	-0.35
CHsGV100	CHsGV1000189	ENSG0000	NM_002408	4247	MGAT2	mannosyl (G	GO:000648	GO:000845	GO:000013	447	446	1.00	-0.01
CHsGV100	CHsGV1000124	ENSG0000	XM_011536	4053	LTBP2	latent trans	GO:000660	GO:000550	GO:0005578 proteinac		6		
AHsV1000	AHsV10001202	ENSG0000	XM_011524	4025	LPO	lactoperoxi	GO:000158	GO:002003	GO:000561	47	34	0.73	-0.45
AHsV1000	AHsV10000749	ENSG0000	NM_001098	3796	KIF2A	kinesin hea	GO:000027	GO:000377	GO:000092	2256	1971	0.87	-0.20
AHsV1000	AHsV10002712	ENSG0000	NM_002245	3775	KCNK1	potassium	GO:000681	GO:000524	GO:000588	5	13	2.76	1.46
AHsV1000	AHsV10001013	ENSG0000	NM_000724	783	CACNB2	calcium vol	GO:000681	GO:000524	GO:0005886 plasma membrane,GO:0005887 in				
AHsV1000	AHsV10001752	ENSG0000	NM_001044	758	MPPED1	metallopho	GO:000815	GO:000367	GO:0005575 cellular_co		4		
AHsV1000	AHsV10000444	ENSG0000	NM_001172	573	BAG1	BCL2 asso	GO:000691	GO:000505	GO:000563	176	123	0.70	-0.52
AHsV1000	AHsV10002042	ENSG0000	XM_006719	540	ATP7B	ATPase co	GO:000682	GO:000400	GO:000013	146	121	0.83	-0.28
H30002114	H300021144	ENSG0000	NM_001648	354	KLK3	kallikrein re	GO:000277	GO:000417	GO:000557	44	45	1.03	0.05
H20001271	H200012712	ENSG0000	XM_011542	330	BIRC3	baculoviral	GO:000222	GO:000484	GO:0005634 nucleus,GO:0005654 nucleoplasm				
H20001242	H200012426	ENSG0000	XM_005265	147	ADRA1B	adrenocept	GO:000197	GO:000493	GO:0005634 nucleus,G		9		
AHsV1000	AHsV10002254	ENSG0000	NM_000671	128	ADH5	alcohol deH	GO:000152	GO:000402	GO:000573	1048	836	0.80	-0.33
AHsV1000	AHsV10000753	ENSG0000	NM_006755	6888	TALDO1	transaldola	GO:000597	GO:000480	GO:000563	7339	8130	1.11	0.15
H20000013	H200000139	ENSG0000	NM_001047	6715	SRD5A1	steroid 5 al	GO:000165	GO:000386	GO:000578	130	115	0.89	-0.17
H20000726	H200007265	ENSG0000	XM_011520	6688	SPI1	Spi-1 prot	GO:000012	GO:000097	GO:000079	129	228	1.77	0.82
CHsGV100	CHsGV1000163	ENSG0000	XM_011542	6518	SLC2A5	solute carr	GO:000304	GO:000535	GO:000588	8	15	1.83	0.87
H30000205	H300002055	ENSG0000	NM_170679	6500	SKP1	S-phase ki	GO:000008	GO:000484	GO:000563	8738	7848	0.90	-0.16
H30000375	H300003753	ENSG0000	NM_144646	3512	JCHAIN	joining chai	GO:000189	GO:000369	GO:0005576 extracellu		8		
H20000151	H200001513	ENSG0000	XR_927463	3475	IFRD1	interferon r	GO:000751	-	GO:000563	1664	2014	1.21	0.28
H20000468	H200004689	ENSG0000	NM_017409	3226	HOXC10	homeobox	GO:000150	GO:004356	GO:0005654 nucleopla		10		
H20001125													

H20000102	H200001029	-	NM_006149	3960	LGALS4	lectin, galactose	GO:000715	GO:001693	GO:000561	15	21	1.41	0.49
CHsGV100	CHsGV100004	ENSG0000	NM_004977	3748	KCNC3	potassium channel	GO:000726	GO:000524	GO:0005886	plasma membrane	4		
H20000066	H200000669	ENSG0000	XM_011521	3706	ITPKA	inositol 1,4,5-trisphosphate 3-kinase	GO:000602	GO:000468	GO:000582	360	469	1.30	0.38
AHsV1000	AHsV10000575	ENSG0000	NM_000064	718	C3	complement component 3	GO:000179	GO:000486	GO:0005576	extracellular region			
H20001371	H200013711	ENSG0000	NM_001206	687	KLF9	Kruppel-like factor 9	GO:000635	GO:000367	GO:000563	355	281	0.79	-0.34
H30001801	H300018015	ENSG0000	NM_001320	522	ATP5J	ATP synthase subunit j	GO:002176	GO:000521	GO:000027	140	116	0.83	-0.28
AHsV1000	AHsV10000348	ENSG0000	NM_173201	487	ATP2A1	ATPase subunit alpha 2	GO:000681	GO:000538	GO:000573	27	25	0.91	-0.14
H30001905	H300019058	ENSG0000	XM_005268	309	ANXA6	annexin A6	GO:000681	GO:000550	GO:000563	99	75	0.76	-0.41
DHsGV100	DHsGV1000153	-	-	-	-	-	-	-	-	54	43	0.80	-0.33
H20000031	H200000315	ENSG0000	NM_000022	100	ADA	adenosine deaminase	GO:000166	GO:000188	GO:000561	456	300	0.66	-0.60
H20000859	H200008595	-	NM_004924	81	ACTN4	actinin alpha 4	GO:000166	GO:000097	GO:000172	309	243	0.78	-0.35
H20000075	H200000757	-	XM_011518	6834	SURF1	surfeit 1	GO:000611	GO:000412	GO:000574	343	341	0.99	-0.01
CHsGV100	CHsGV1000356	ENSG0000	XM_011537	6655	SOS2	SOS Ras effector 2	GO:000178	GO:000367	GO:000582	48	103	2.15	1.11
AHsV1000	AHsV10001185	ENSG0000	NM_177542	6633	SNRPD2	small nuclear ribonucleoprotein D2	GO:000024	GO:000551	GO:000565	41	29	0.70	-0.52
H20000773	H200007739	ENSG0000	NM_001145	6452	SH3BP2	SH3 domain binding protein 2	GO:000716	GO:000507	-		28		
H30000710	H300007105	ENSG0000	XR_429912	6426	SRSF1	serine/arginine-rich splicing factor 1	GO:000038	GO:000016	GO:000563	6617	5642	0.85	-0.23
AHsV1000	AHsV10000841	ENSG0000	NM_000204	3426	CFI	complement factor I	GO:000650	GO:000425	GO:0005576	extracellular region			
H30000286	H300002867	ENSG0000	NM_000201	3383	ICAM1	intercellular adhesion molecule 1	GO:000154	GO:000161	GO:000177	54	76	1.41	0.50
CHsGV100	CHsGV1000042	ENSG0000	NM_004497	3171	FOXA3	forkhead box A3	GO:000167	GO:000098	GO:000563	38	39	1.01	0.01
AHsV1000	AHsV10000852	ENSG0000	NM_001313	3146	HMGB1	high mobility group box 1	GO:000012	GO:000040	GO:000079	911	761	0.84	-0.26
CHsGV100	CHsGV1000396	-	NM_000853	2952	GSTT1	glutathione S-transferase theta 1	GO:000674	GO:000436	GO:000582	378	280	0.74	-0.43
H20000038	H200000383	ENSG0000	NM_001012	2922	GRP	gastrin receptor	GO:000716	GO:000510	GO:0005576	extracellular region	7		
H20000702	H200007026	ENSG0000	NM_004126	2791	GNG11	guanine nucleotide binding protein (G-protein) 11	GO:000611	GO:000392	GO:000583	8	8	0.94	-0.09
H30000924	H300009245	ENSG0000	XM_011516	2765	GML	glycosylphosphatidylinositol mannosyltransferase	GO:000691	-	GO:0005622	intracellular	9		
AHsV1000	AHsV10001361	ENSG0000	XM_011536	4140	MARK3	microtubule-associated protein kinase 3	GO:000016	GO:000467	GO:000582	631	737	1.17	0.22
H20001383	H200013838	ENSG0000	NM_002296	3930	LBR	lamin B receptor	GO:000669	GO:000367	GO:000563	6485	5890	0.91	-0.14
H20000270	H200002708	ENSG0000	XM_011509	3898	LAD1	ladinin 1	-	GO:000519	GO:000560	47	38	0.82	-0.29
CHsGV100	CHsGV1000356	ENSG0000	XM_011524	3691	ITGB4	integrin subunit beta 4	GO:000691	GO:000166	GO:0005604	basement membrane	4		
H30001851	H300018519	ENSG0000	XM_005252	3665	IRF7	interferon regulatory factor 7	GO:000012	GO:000097	GO:000563	81	81	0.99	-0.02
AHsV1000	AHsV10000042	ENSG0000	NM_001302	670	BPHL	biphenyl hydrolase	GO:000652	GO:001678	GO:000573	149	137	0.92	-0.12
H20000587	H200005879	ENSG0000	NM_001200	650	BMP2	bone morphogenetic protein 2	GO:000012	GO:000474	GO:0005576	extracellular region	5		
CHsGV100	CHsGV1000088	ENSG0000	XM_006721	443	ASPA	aspartoacylase	GO:000653	GO:000404	GO:0005634	nucleus	8		
H20000672	H200006723	ENSG0000	NM_000351	412	STS	steroid sulfotransferase	GO:000666	GO:000477	GO:0005635	nuclear envelope	8		
AHsV1000	AHsV10002420	-	XM_011539	240	ALOX5	arachidonate 5-lipoxygenase	GO:000252	GO:000405	GO:000561	27	55	2.03	1.02
H20001470	H200014708	ENSG0000	NM_001204	217	ALDH2	aldehyde dehydrogenase 2	GO:000597	GO:000402	GO:000575	734	1487	2.02	1.02
H30001848	H300018488	ENSG0000	XR_934023	37	ACADVL	acyl-CoA oxidase long chain family, very long chain subfamily 1	GO:000165	GO:000006	GO:000563	1899	1637	0.86	-0.21
AHsV1000	AHsV10000864	-	NM_001089	21	ABCA3	ATP binding cassette transporter 3	GO:000681	GO:000521	GO:000561	229	354	1.54	0.63
AHsV1000	AHsV10001591	ENSG0000	NM_148975	51338	MS4A4A	membrane-spanning 4-domain class A subfamily 4A	-	-	GO:001602	133	150	1.13	0.17
H30002069	H300020698	ENSG0000	XM_005273	51312	SLC25A37	solute carrier family 25 member 37	GO:000641	GO:000373	GO:000574	502	478	0.95	-0.07
CHsGV100	CHsGV1000368	ENSG0000	NM_006872	11036	GTF2A1L	general transcription factor 2A like 1	GO:000635	GO:000367	GO:000567	27	28	1.05	0.07
H30000120	H300001203	ENSG0000	XM_011537	11010	GLIPR1	GLI pathogenesis related 1	GO:004425	-	GO:000557	10	27	2.61	1.39
H20001274	H200012743	ENSG0000	NM_006661	10846	PDE10A	phosphodiesterase 10A	GO:000619	GO:000411	GO:0005829	cytosol			
H20001513	H200015138	ENSG0000	NM_021982	10802	SEC24A	SEC24 homolog	GO:000247	GO:000367	GO:000013	208	247	1.19	0.25
H20000214	H200002140	ENSG0000	NM_213622	10617	STAMPB	STAM binding protein	GO:000028	GO:000484	GO:000563	1471	1508	1.02	0.04
H30001035	H300010354	ENSG0000	NM_006998	10590	SCGN	secretogogin	GO:000815	GO:000550	GO:0005576	extracellular region			
H20000215	H200002154	ENSG0000	XM_005251	10434	LYPLA1	lysophosphatidase 1	GO:000208	GO:000462	GO:000573	1957	2065	1.06	0.08
H30001864	H300018649	ENSG0000	XR_429287	10419	PRMT5	protein arginine methyltransferase 5	GO:000038	GO:000104	GO:000563	859	538	0.63	-0.68
AHsV1000	AHsV10001834	ENSG0000	NM_000474	7291	TWIST1	twist family bHLH transcription factor 1	GO:000012	GO:000098	GO:000563	18	20	1.13	0.17
AHsV1000	AHsV10003233	ENSG0000	NM_003310	7260	TSSC1	tumor suppressor 1	-	-	-	206	248	1.20	0.27
DHsGV100	DHsGV1000366	-	-	-	-	-	-	-	-	415	407	0.98	-0.03
CHsGV100	CHsGV1000328	ENSG0000	NM_007214	11231	SEC63	SEC63 homolog	GO:000188	GO:000487	GO:000578	958	1074	1.12	0.17
AHsV1000	AHsV10002832	ENSG0000	NM_001257	11200	CHEK2	checkpoint kinase 2	GO:000007	GO:000467	GO:000078	142	165	1.16	0.21
H20000499	H200004993	ENSG0000	NM_003745	8651	SOCS1	suppressor of cytokine signaling 1	GO:000193	GO:000486	GO:000563	25	57	2.29	1.19
AHsV1000	AHsV10000742	ENSG0000	NM_003728	8633	UNC5C	unc-5 netrin receptor	GO:000691	GO:000504	GO:0005886	plasma membrane			
AHsV1000	AHsV10003585	ENSG0000	NM_014236	8443	GNPAT	glyceronephosphoacetyltransferase	GO:000664	GO:000510	GO:000573	693	961	1.39	0.47
CHsGV100	CHsGV1000064	ENSG0000	NM_003568	8416	ANXA9	annexin A9	GO:001633	GO:000178	GO:000582	26	26	1.00	0.01
H20001947	H200019472	ENSG0000	NM_006304	7979	SHFM1	split hand/finger 1	GO:000072	GO:000551	GO:000050	5220	4094	0.78	-0.35
H20000604	H200006049	ENSG0000	NM_001306	7884	SLBP	stem-loop binding protein	GO:000636	GO:000372	GO:000563	3687	3367	0.91	-0.13
H30001854	H300018548	ENSG0000	NM_003400	7514	XPO1	exportin 1	GO:000005	GO:000372	GO:000077	1921	1999	1.04	0.06
CHsGV100	CHsGV1000247	ENSG0000	NM_003392	7474	WNT5A	wingless-type frizzled class 5 receptor	GO:000018	GO:000370	GO:0005576	extracellular region			
H20001473	H200014735	ENSG0000	NM_000631	4689	NCF4	neutrophil cytosolic factor 4	GO:000247	GO:000551	GO:000582	23	46	2.02	1.01
AHsV1000	AHsV10001766	ENSG0000	XM_011538	4666	NACA	nascent chain associated protein	GO:000323	GO:000367	GO:000563	15	18	1.20	0.26
H30002064	H300020646	ENSG0000	NM_004995	4323	MMP14	matrix metalloproteinase 14	GO:000152	GO:000422	GO:0005737	cytoplasm	3		
H20000372	H200003723	ENSG0000	XM_011521	51285	RASL12	RAS like family 12	GO:000726	GO:000552	GO:0005622	intracellular			
H30000370	H300003707	ENSG0000	NM_016508	51265	CDKL3	cyclin dependent kinase like 3	GO:000646	GO:000467	GO:000573	30	35	1.17	0.22
H20001482	H200014827	ENSG0000	NM_006837	10987	COP5	COP9 signal complex subunit 5	GO:000033	GO:000371	GO:000563	3727	3659	0.98	-0.03
H20000620	H200006209	-	NM_006818	10962	MLLT11	myeloid/lymphoid protein 11	GO:004306	GO:000367	GO:000562	717	472	0.66	-0.60
H20001210	H200012102	ENSG0000	NM_006631	10781	ZNF266	zinc finger protein 266	GO:000635	GO:000367	GO:000563	260	303	1.17	0.22
AHsV1000	AHsV10001970	ENSG0000	NM_006614	10752	CHL1	cell adhesion molecule 1	GO:000176	GO:000202	GO:0005578	proteinaceous extracellular matrix			
AHsV1000	AHsV10001514	ENSG0000	XM_011539	10570	DPYSL4	dihydropyridine receptor-like protein 4	GO:000739	GO:000551	GO:0005829	cytosol			
H30002127	H300021275	-	XM_011514	10554	AGPAT1	1-acylglycerol-3-phosphate acyltransferase 1	GO:000181	GO:000384	GO:000578	145	133	0.92	-0.13
H30001866	H300018667	ENSG0000	NM_006097	10398	MYL9	myosin light chain 9	GO:000693	GO:000550	GO:000172	6	18	3.00	1.59
AHsV1000	AHsV10000587	ENSG0000	XM_005269	10367	MICU1	mitochondrial calcium uniporter 1	GO:000685	GO:000550	GO:000562	333	299	0.90	-0.15
H20000072	H200000725	ENSG0000	XM_011517	7201	TRHR	thyrotropin releasing hormone receptor	GO:000718	GO:000499	GO:0005886	plasma membrane			
H30001896	H300018965	ENSG0000	NM_001318	7164	TPD52L1	tumor protein D52 like 1	GO:000008	GO:000551	GO:000573	617	421	0.68	-0.55
CHsGV100	CHsGV1000096	ENSG0000	NM_006520	6990	DYNLT3	dynein light chain 3	GO:000681	GO:000377	GO:000077	242	323	1.33	0.42
AHsV1000	AHsV10003528	ENSG0000	XM_011542	11181	TREH	trehalase	GO:000597	GO:000455	GO:0005886	plasma membrane			
AHsV1000	AHsV10003214	ENSG0000	XM_011519	11164	NUDT5	nudix hydrolyase 5	GO:000911	GO:000028	GO:000562	1841	1712	0.93	-0.11
CHsGV100	CHsGV1000184	ENSG0000	XM_011538	8608	RDH16	retinol dehydrogenase 16	GO:000662	GO:000474	GO:0005789	endoplasmic reticulum	8		
AHsV1000	AHsV10002218	ENSG0000	NM_003681	8566	PDXK	pyridoxal phosphate-dependent kinase	GO:000676	GO:000028	GO:000563	48	66	1.36	0.45
AHsV1000	AHsV10001368	ENSG0000	XM_011515	8379	MAD1L1	MAD1 mitochondrial	GO:000027	GO:000551	GO:000077	161	130	0.81	-0.31
H20000631													

H20000281	H200002810	ENSG0000	NM_016441	51232	CRIM1	cysteine ric	GO:000155	GO:000486	GO:0005886 plasma m	14			
H30001987	H300019871	ENSG0000	NM_016951	51192	CKLF	chemokine	GO:000828	GO:000800	GO:000557	2565	2564	1.00	0.00
H30001839	H300018390	ENSG0000	NM_001193	10943	MSL3	male-speci	GO:000632	GO:000367	GO:000565	324	282	0.87	-0.20
H20001530	H200015306	ENSG0000	NM_197975	10917	BTNL3	butyrophilin	GO:000815	GO:000367	GO:0005575 cellular_co	6			
H20000109	H200001097	ENSG0000	XR_945588	10724	MGEA5	meningioma	GO:000604	GO:000441	GO:000563	513	682	1.33	0.41
H20000600	H200006004	ENSG0000	NM_006579	10682	EBP	emopamil b	GO:000150	GO:000024	GO:000578	930	587	0.63	-0.66
AHsV10000	AHsV10000440	ENSG0000	NM_001144	10533	ATG7	autophagy	GO:000042	GO:000483	GO:000040	163	192	1.18	0.23
AHsV10000	AHsV10001824	ENSG0000	XM_011517	10497	UNC13B	unc-13 hor	GO:000691	GO:000487	GO:000573	43	46	1.07	0.10
H20000811	H200008119	ENSG0000	XM_011522	10328	EMC8	ER membra	-	-	GO:000563	924	661	0.72	-0.48
H20000292	H200002920	ENSG0000	NM_001122	10295	BCKDK	branched c	GO:000646	GO:000467	GO:000573	240	199	0.83	-0.27
H20000004	H200000045	ENSG0000	NM_001065	7132	TNFRSF1A	tumor necr	GO:000669	GO:000503	GO:000013	394	622	1.58	0.66
H20000204	H200002040	ENSG0000	NM_004617	7104	TM4SF4	transmemb	GO:004224	GO:000551	GO:001602	5	8	1.73	0.79
AHsV10000	AHsV10002981	ENSG0000	XM_011542	6913	TBX15	T-box 15	GO:000012	GO:000097	GO:007072	7	22	3.30	1.72
H20000805	H200008052	ENSG0000	NM_001317	11137	PWP1	PWP1 hom	GO:000635	-	GO:000563	1520	900	0.59	-0.76
AHsV10000	AHsV10000635	ENSG0000	XM_011537	11113	CIT	citron rho	GO:000007	GO:000467	GO:0001726 ruffle,GO:	14			
H20001939	H200019395	ENSG0000	NM_003665	8547	FCN3	ficolin 3	GO:000186	GO:000382	GO:0005576 extracellu	3			
H20000383	H200003834	ENSG0000	NM_003643	8521	GCM1	glial cells m	GO:000635	GO:000097	GO:000563	45	37	0.82	-0.28
AHsV10000	AHsV10001180	-	-	-	-	-	-	-	-	1280	980	0.77	-0.39
H20000479	H200004796	ENSG0000	NR_072977	8195	MKKS	McKusick-	GO:000194	GO:000110	GO:000562	333	365	1.10	0.13
AHsV10000	AHsV10001815	ENSG0000	NM_001178	7739	ZNF185	zinc finger	-	GO:000827	GO:0005737 cytoplasm	3			
H20000862	H200008625	ENSG0000	NM_003437	7695	ZNF136	zinc finger	GO:000012	GO:000367	GO:000563	59	61	1.04	0.05
H20000428	H200004286	ENSG0000	NM_001017	7398	USP1	ubiquitin sp	GO:000150	GO:000419	GO:000563	913	1155	1.27	0.34
H20000052	H200000528	ENSG0000	NR_033437	7372	UMPS	uridine mor	GO:000620	GO:000458	GO:000563	1190	880	0.74	-0.43
AHsV10000	AHsV10000994	ENSG0000	XM_011523	4597	MVD	mevalonate	GO:000648	GO:000416	GO:000577	141	137	0.97	-0.04
AHsV10000	AHsV10002583	ENSG0000	NM_005958	4543	MTNR1A	melatonin r	GO:000716	GO:000551	GO:0005886 plasma m	5			
CHsGV1000	CHsGV1000023	ENSG0000	NM_005370	4218	RAB8A	RAB8A, me	GO:000008	GO:000392	GO:000013	584	560	0.96	-0.06
AHsV10000	AHsV10000718	ENSG0000	NM_016245	51170	HSD17B11	hydroxyste	GO:000670	GO:000430	GO:000557	859	1159	1.35	0.43
H30000746	H300007465	ENSG0000	XM_005268	51135	IRAK4	interleukin	GO:000181	GO:000028	GO:000561	66	95	1.45	0.54
H20000269	H200002690	ENSG0000	NM_006691	10894	LYVE1	lymphatic v	GO:000597	GO:000487	GO:0005886 plasma membrane,GO:0005887 in				
H30001946	H300019467	ENSG0000	XM_005251	10868	USP20	ubiquitin sp	GO:000651	GO:000166	GO:000581	268	270	1.01	0.01
AHsV10000	AHsV10002174	ENSG0000	NR_073498	10657	KHDRBS1	KH domain	GO:000008	GO:000367	GO:000563	2341	2113	0.90	-0.15
AHsV10000	AHsV10001748	ENSG0000	NM_006479	10635	RAD51AP1	RAD51 ass	GO:000072	GO:000369	GO:000563	663	652	0.98	-0.02
H20000570	H200005700	ENSG0000	NM_001278	10472	ZBTB18	zinc finger	GO:000012	GO:000367	GO:000022	15	21	1.38	0.47
H30001887	H300018876	ENSG0000	NR_028588	10455	ECI2	enoyl-CoA	GO:000663	GO:000006	GO:000565	2980	2194	0.74	-0.44
H20000351	H200003516	ENSG0000	NM_005860	10272	FSTL3	folliculin li	GO:000150	GO:000196	GO:0005576 extracellu	7			
CHsGV1000	CHsGV1000033	ENSG0000	NM_005838	10249	GLYAT	glycine-N-	GO:000654	GO:000551	GO:0005739 mitochondrion,GO:0005759 mitoc				
H20001037	H200010370	ENSG0000	NR_047580	7086	TKT	transketola	GO:000597	GO:000480	GO:000563	2586	2338	0.90	-0.15
CHsGV1000	CHsGV1000072	ENSG0000	NM_003247	7058	THBS2	thrombospo	GO:000715	GO:000550	GO:000557	12	18	1.54	0.62
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_015727	6869	TACR1	tachykinin	GO:000211	GO:000499	GO:0005829 cytosol,GO:0005886 plasma mem				
H20000448	H200004488	ENSG0000	NM_007033	11079	RER1	retention ir	GO:000689	GO:000367	GO:000579	1688	1234	0.73	-0.45
H30000594	H300005941	ENSG0000	XM_011522	11060	WWP2	WW domain	GO:000012	GO:000108	GO:000015	85	80	0.93	-0.10
CHsGV1000	CHsGV100005	ENSG0000	XM_006719	8496	PPF1BP1	PPF1A bind	GO:000715	-	GO:000588	8	13	1.73	0.79
CHsGV1000	CHsGV100038	ENSG0000	XM_011516	8468	FKBP6	FK506 bind	GO:000041	GO:000375	GO:000079	15	14	0.93	-0.11
AHsV10000	AHsV10000204	ENSG0000	XM_011535	8100	IFT88	intraflagella	GO:000165	GO:000551	GO:000208	102	98	0.96	-0.06
CHsGV1000	CHsGV1000295	ENSG0000	XM_011519	8029	CUBN	cubilin	GO:000189	GO:000487	GO:000576	26	27	1.02	0.03
AHsV10000	AHsV10000609	ENSG0000	XM_005250	7589	ZSCAN21	zinc finger	GO:000635	GO:000097	GO:000563	83	78	0.95	-0.08
AHsV10000	AHsV10003425	ENSG0000	NM_007129	7546	ZIC2	Zic family r	GO:000184	GO:000367	GO:000563	193	172	0.89	-0.17
H30001018	H300010185	ENSG0000	NM_001005	7341	SUMO1	small ubiqui	GO:000072	GO:000551	GO:000079	3300	3006	0.91	-0.13
AHsV10000	AHsV10003280	ENSG0000	NM_021009	7316	UBC	ubiquitin C	GO:000008	GO:000202	GO:000561	34	40	1.18	0.24
AHsV10000	AHsV10002610	ENSG0000	NM_002444	4478	MSN	moesin	GO:000692	GO:000372	GO:000193	2641	2109	0.80	-0.32
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_005373	4352	MPL	MPL proto	GO:000716	GO:000488	GO:000579	127	111	0.88	-0.19
H20001602	H200016021	ENSG0000	NM_019888	4159	MC3R	melanocort	GO:000202	GO:000497	GO:0005886 plasma m	4			
H20002058	H200020582	ENSG0000	NM_053278	83551	TAAR8	trace amine	GO:000718	GO:000159	GO:0005886 plasma m	5			
H20001597	H200015972	ENSG0000	NM_001143	81491	GPR63	G protein-c	GO:000718	GO:000367	GO:000588	34	29	0.86	-0.22
AHsV10000	AHsV10001527	ENSG0000	NM_001160	81030	ZBP1	Z-DNA bin	GO:000815	GO:000367	GO:0005634 nucleus,GO:0005737 cytoplasm,C				
AHsV10000	AHsV10003388	ENSG0000	NM_001319	80167	ABHD18	abhydrolase	-	-	GO:000557	284	407	1.43	0.52
H20000922	H200009220	ENSG0000	XM_011519	80142	PTGES2	prostagland	GO:000151	GO:000367	GO:000013	752	524	0.70	-0.52
CHsGV1000	CHsGV1000002	ENSG0000	NR_073534	79856	SNX22	sorting nex	GO:001503	GO:003509	GO:003065	27	24	0.91	-0.13
AHsV10000	AHsV10002537	ENSG0000	NM_024775	79833	GEMIN6	gem nuclea	GO:000024	GO:000551	GO:000565	512	514	1.00	0.00
AHsV10000	AHsV10003152	ENSG0000	NM_001300	54815	GATAD2A	GATA zinc	GO:000012	GO:000097	GO:000563	269	199	0.74	-0.44
AHsV10000	AHsV10000508	ENSG0000	NM_017638	54797	MED18	mediator c	GO:000635	GO:000110	GO:001659	46	29	0.62	-0.69
AHsV10000	AHsV10000009	ENSG0000	NR_046079	54437	SEMA5B	semaphorin	GO:000175	GO:003021	GO:0016021 integral component of membrane				
H20001379	H200013799	ENSG0000	XM_005250	54329	GPR85	G protein-c	GO:000716	GO:000493	GO:000578	50	168	3.37	1.75
H30002072	H300020722	ENSG0000	NM_016140	51673	TPPP3	tubulin poly	GO:000157	GO:001563	GO:000573	5	10	2.15	1.10
AHsV10000	AHsV10000799	ENSG0000	NM_016029	51635	DHRS7	dehydroger	GO:005511	GO:001649	GO:001602	448	474	1.06	0.08
H20000168	H200001685	ENSG0000	NM_001306	55752	42624	septin 11	GO:000704	GO:000551	GO:000172	318	292	0.92	-0.13
CHsGV1000	CHsGV1000283	ENSG0000	NR_046437	55532	SLC30A10	solute carr	GO:000682	GO:000538	GO:000588	23	24	1.05	0.06
H20000222	H200002227	ENSG0000	NM_001037	55486	PARL	presenilin a	GO:000650	GO:000417	GO:000563	969	943	0.97	-0.04
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	XM_011541	55219	TMEM57	transmemb	GO:000742	GO:000367	GO:000563	183	158	0.87	-0.21
H20000559	H200005595	ENSG0000	NM_018174	55201	MAP1S	microtubule	GO:000157	GO:000367	GO:000563	364	349	0.96	-0.06
H20000188	H200001889	ENSG0000	NM_017934	55023	PHIP	pleckstrin	GO:000193	GO:000515	GO:000563	655	783	1.20	0.26
AHsV10000	AHsV10001825	ENSG0000	XM_011538	54997	TESC	tescalcin	GO:000828	GO:000028	GO:000172	191	104	0.55	-0.87
CHsGV1000	CHsGV1000353	ENSG0000	NM_001300	23300	ATMIN	ATM intera	GO:000635	GO:000551	GO:000563	577	511	0.89	-0.17
CHsGV1000	CHsGV1000185	ENSG0000	NM_001112	23272	FAM208A	family with	GO:000635	GO:004482	GO:000563	145	223	1.54	0.62
H20001164	H200011642	ENSG0000	NM_025153	23120	ATP10B	ATPase ph	GO:000815	GO:000028	GO:0005783 endoplasmic reticulum,GO:00057				
AHsV10000	AHsV10001398	ENSG0000	NM_015072	23093	TTL5	tubulin tyrc	GO:000635	GO:000552	GO:000563	5	13	2.50	1.32
H30000735	H300007351	ENSG0000	NM_001319	22908	SACM1L	SAC1 supp	GO:000664	GO:000443	GO:000013	571	521	0.91	-0.13
AHsV10000	AHsV10002965	ENSG0000	NM_014945	22885	ABLIM3	actin bindir	GO:000635	GO:000377	GO:0001725 stress fib	4			
H20001910	H200019106	ENSG0000	NM_001267	81892	SLIRP	SRA stem	GO:000096	GO:000016	GO:000166	6517	4164	0.64	-0.65
AHsV10000	AHsV10000842	ENSG0000	XM_005268	80821	DDHD1	DDHD dom	GO:000664	GO:001678	GO:000582	16	26	1.63	0.71
CHsGV1000	CHsGV1000373	ENSG0000	NM_001316	80731	THSD7B	thrombospo	-	-	GO:001602	32	27	0.87	-0.21
CHsGV1000	CHsGV100038												

H30001735	H300017355	ENSG0000	NM_205835	51599	LSR	lipolysis sti	GO:000188	-	GO:000588	49	47	0.97	-0.04
CHsGV100	CHsGV1000369	ENSG0000	XM_011538	51561	IL23A	interleukin	GO:000191	GO:000512	GO:007074	80	77	0.96	-0.06
CHsGV100	CHsGV1000172	ENSG0000	XM_011523	55697	VAC14	Vac14 hom	GO:000664	GO:000487	GO:000013	42	51	1.23	0.30
AHsV1000	AHsV10001852	ENSG0000	NM_018426	55362	TMEM63B	transmemb	GO:000681	GO:000016	GO:000588	53	50	0.95	-0.07
H20000360	H200003608	ENSG0000	NM_001303	100527949	GIMAP1-G	GIMAP1-G	-	-	-	-	-	-	-
AHsV1000	AHsV10001991	ENSG0000	XM_005270	55182	RNF220	ring finger	GO:001656	GO:000484	GO:000573	270	299	1.11	0.15
CHsGV100	CHsGV1000086	ENSG0000	XM_011523	55159	RFWD3	ring finger	GO:000223	GO:000203	GO:000563	230	249	1.08	0.11
H30001590	H300015900	ENSG0000	NM_178031	54972	TMEM132A	transmemb	GO:000815	GO:000367	GO:0000139	Golgi men	3		
AHsV1000	AHsV10003224	ENSG0000	NM_017832	54942	FAM206A	family with	-	GO:000551	GO:001660	369	351	0.95	-0.08
CHsGV100	CHsGV1000072	ENSG0000	XR_931777	23251	KIAA1024	KIAA1024	-	-	GO:0016021	integral c	7		
H20000493	H200004938	ENSG0000	NM_015187	23231	SEL1L3	SEL1L fam	-	-	GO:000563	180	347	1.92	0.94
CHsGV100	CHsGV1000330	ENSG0000	XM_011538	23067	SETD1B	SET domai	GO:000632	GO:000016	GO:0005654	nucleopl	6		
AHsV1000	AHsV10003504	ENSG0000	NM_001252	23046	KIF21B	kinesin fam	GO:000701	GO:000377	GO:0005737	cytoplasm	GO:0005871	kinesin co	
H30001895	H300018956	ENSG0000	NM_001136	22868	FASTKD2	FAST kinas	GO:000646	GO:000467	GO:000573	532	376	0.71	-0.50
H20000825	H200008258	ENSG0000	NM_001042	22839	DLGAP4	discs large	GO:002305	GO:000551	GO:001602	54	56	1.04	0.06
CHsGV100	CHsGV1000312	ENSG0000	XR_426630	81669	CCNL2	cyclin L2	GO:000635	GO:000551	GO:000030	710	742	1.05	0.06
H20000965	H200009659	ENSG0000	XR_931918	80349	WDR61	WD repeat	GO:000635	GO:000551	GO:000563	1184	720	0.61	-0.72
CHsGV100	CHsGV1000009	ENSG0000	NM_030624	80311	KLHL15	kelch like f	GO:004278	GO:000484	GO:003146	12	28	2.34	1.23
AHsV1000	AHsV10002271	ENSG0000	NM_153366	79987	SVEP1	sushi, von	GO:000715	GO:000368	GO:0005576	extracellular region	GO:0005737		
AHsV1000	AHsV10001328	ENSG0000	NR_048552	79954	NOL10	nucleolar p	-	GO:004482	GO:000573	541	482	0.89	-0.17
H20001098	H200010981	ENSG0000	NM_024702	79755	ZNF750	zinc finger	GO:000636	GO:000104	GO:0005634	nucleus,G	5		
AHsV1000	AHsV10001243	ENSG0000	NM_001287	79717	PPCS	phosphopar	GO:000676	GO:000463	GO:000582	226	254	1.12	0.17
H30001969	H300019692	ENSG0000	XM_011518	54566	EPB41L4B	erythrocyte	GO:001062	GO:000520	GO:000573	38	29	0.79	-0.35
AHsV1000	AHsV10001526	ENSG0000	NM_001100	54542	RC3H2	ring finger	GO:000020	GO:000367	GO:000093	180	176	0.98	-0.03
CHsGV100	CHsGV1000342	ENSG0000	NM_017431	53632	PRKAG3	protein kina	GO:000597	GO:000467	GO:000561	26	19	0.75	-0.41
H20000300	H200003006	ENSG0000	NM_025238	53339	BTBD1	BTB domai	GO:001656	GO:000551	GO:000093	1555	1263	0.81	-0.30
H30001504	H300015049	ENSG0000	NM_016470	51526	OSER1	oxidative st	GO:007030	-	-	366	303	0.83	-0.27
H30001857	H300018577	ENSG0000	XM_011536	51466	EVL	Enah/Vasp	GO:000701	GO:000377	GO:000573	271	160	0.59	-0.76
AHsV1000	AHsV10003083	ENSG0000	NM_001114	55635	DEPDC1	DEP domai	GO:000635	GO:000509	GO:000563	97	141	1.45	0.54
CHsGV100	CHsGV1000138	ENSG0000	NM_018342	55314	TMEM144	transmemb	-	-	GO:001602	10	15	1.53	0.61
H20001152	H200011526	ENSG0000	NM_001104	55286	C4orf19	chromosom	-	GO:000551	GO:0005654	nucleoplasm	GO:0030054	cell jun	
AHsV1000	AHsV10002784	ENSG0000	NM_018072	55127	HEATR1	HEAT repe	GO:000046	GO:000551	GO:000563	142	136	0.95	-0.07
H30001393	H300013930	ENSG0000	NR_030765	55101	ATP5SL	ATP5S-like	-	-	GO:000573	12	16	1.29	0.37
H20001777	H200017776	ENSG0000	NM_017801	54918	CMTM6	CKLF like	GO:000693	GO:000512	GO:000561	1556	1416	0.91	-0.14
AHsV1000	AHsV10002443	ENSG0000	XM_005249	54887	UHRF1BP1	UHRF1 bin	-	GO:000551	-	6	13	2.21	1.14
H20000575	H200005759	ENSG0000	NM_015169	23212	RRS1	ribosome b	GO:000005	GO:000551	GO:000079	570	433	0.76	-0.40
H30000604	H300006043	ENSG0000	XM_005267	23186	RCOR1	REST core	GO:000012	GO:000107	GO:000563	11	26	2.42	1.27
AHsV1000	AHsV10000792	ENSG0000	NM_014014	23020	SNRNP200	small nucle	GO:000035	GO:000400	GO:000563	16	34	2.10	1.07
AHsV1000	AHsV10000678	ENSG0000	NM_001297	22996	TTC39A	tetratricop	GO:000815	GO:000367	GO:0005575	cellular_component			
AHsV1000	AHsV10003342	ENSG0000	NM_001177	22800	RRAS2	related RA	GO:000164	GO:000392	GO:000578	304	349	1.15	0.20
CHsGV100	CHsGV10000329	ENSG0000	NM_007275	11334	TUSC2	tumor supp	GO:000177	GO:000551	GO:000573	108	94	0.87	-0.20
H20000184	H200001844	ENSG0000	NM_030802	81558	FAM117A	family with	-	-	-	189	231	1.22	0.29
CHsGV100	CHsGV1000129	ENSG0000	XM_011518	80256	FAM214B	family with	-	GO:000551	GO:000563	19	28	1.50	0.58
H30001601	H300016017	ENSG0000	NM_001291	80210	ARMC9	armadillo re	-	GO:000551	GO:007006	44	34	0.77	-0.38
H20001450	H200014504	ENSG0000	XM_006719	5965	RECQL	RecQ like	GO:000073	GO:000367	GO:000563	102	125	1.23	0.30
H30001716	H300017162	ENSG0000	NM_001039	79884	MAP9	microtubule	GO:000091	-	GO:0000235	astral microtubule	GO:1990023	m	
H20000473	H200004732	ENSG0000	NM_024637	79690	GAL3ST4	galactose-	GO:000679	GO:000173	GO:001602	215	172	0.80	-0.32
H20000394	H200003948	ENSG0000	NM_024613	79666	PLEKHF2	pleckstrin	GO:001503	GO:000551	GO:000578	125	164	1.31	0.39
H20001071	H200010712	ENSG0000	XR_930875	54503	ZDHC13	zinc finger	GO:000716	GO:000487	GO:000013	83	106	1.28	0.35
H20000707	H200007075	ENSG0000	XM_011515	54468	MIOS	missing ood	GO:003200	-	GO:000563	250	155	0.62	-0.69
AHsV1000	AHsV10001339	ENSG0000	XM_005257	51755	CDK12	cyclin-depe	GO:000639	GO:000467	GO:0002944	cyclin K-	3		
AHsV1000	AHsV10003481	ENSG0000	NM_001317	51720	UIMC1	ubiquitin in	GO:000072	GO:000551	GO:000563	207	263	1.27	0.34
H20001649	H200016492	ENSG0000	XM_011516	51422	PRKAG2	protein kina	GO:000597	GO:000467	GO:000561	35	32	0.93	-0.11
H20001749	H200017498	ENSG0000	NM_015932	51371	POMP	proteasome	GO:004324	GO:000551	GO:000563	6247	5018	0.80	-0.32
AHsV1000	AHsV10002250	ENSG0000	NM_198892	55589	BMP2K	BMP2 indu	GO:000646	GO:000467	GO:000565	144	249	1.74	0.80
AHsV1000	AHsV10000111	ENSG0000	XM_005253	55259	CASC1	cancer sus	-	-	-	-	-	-	-
AHsV1000	AHsV10002336	ENSG0000	NM_138637	55240	STEAP3	STEAP3 m	GO:000687	GO:000551	GO:000577	323	169	0.52	-0.94
AHsV1000	AHsV10002742	ENSG0000	NM_017999	55072	RNF31	ring finger	GO:000020	GO:000484	GO:0005829	cytosol,G	11		
AHsV1000	AHsV10001865	ENSG0000	NM_001318	55052	MRPL20	mitochondr	GO:000002	GO:000373	GO:000573	4012	3043	0.76	-0.40
H20001453	H200014530	ENSG0000	NM_017726	54866	PPP1R14D	protein pho	GO:004232	GO:000486	GO:0005737	cytoplasm	6		
H20001157	H200011575	ENSG0000	XM_005252	54836	BSPRY	B-box and	GO:000681	GO:000827	GO:001602	11	16	1.43	0.52
H30000184	H300001840	ENSG0000	XM_005250	23165	NUP205	nucleoporin	GO:000005	GO:000551	GO:000563	2114	1813	0.86	-0.22
H20001569	H200015697	ENSG0000	NM_001287	23142	DCUN1D4	defective ir	GO:000815	GO:000367	GO:000015	164	183	1.12	0.16
CHsGV100	CHsGV1000142	ENSG0000	XM_011518	22954	TRIM32	tripartite m	GO:000020	GO:000371	GO:000563	82	60	0.74	-0.43
AHsV1000	AHsV10002692	ENSG0000	XM_005251	22927	HABP4	hyaluronan	GO:000257	GO:000551	GO:000557	47	65	1.40	0.48
AHsV1000	AHsV10002575	ENSG0000	XR_921735	11311	VPS45	vacuolar pr	GO:000688	GO:000367	GO:000013	341	384	1.13	0.17
CHsGV100	CHsGV1000212	ENSG0000	XM_011537	11260	XPOT	exportin, t	GO:000640	GO:000004	GO:000564	685	1098	1.60	0.68
DHsGV100	DHsGV1000302	-	-	-	-	-	-	-	-	-	5		
DHsGV100	DHsGV1000482	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
AHsV1000	AHsV10000046	ENSG0000	NM_001085	790955	UQC3	ubiquinol-c	GO:000612	GO:007030	GO:000575	471	530	1.13	0.17
AHsV1000	AHsV10000628	ENSG0000	NR_125753	103689915	DLEU1-AS	DLEU1 ant	-	-	-	-	-	-	-
CHsGV100	CHsGV1000083	ENSG0000	NM_173631	284306	ZNF547	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus			
CHsGV100	CHsGV1000337	ENSG0000	XM_006721	284111	SLC13A5	solute carr	GO:000681	GO:001513	GO:000588	7	10	1.55	0.63
AHsV1000	AHsV10003126	ENSG0000	NM_001144	257407	C2orf72	chromosom	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000420	ENSG0000	-	-	RP4-564M	-	-	-	-	69	68	0.99	-0.02
H20000396	H200003967	ENSG0000	XM_006715	221981	THSD7A	thrombospe	GO:000152	-	GO:0005886	plasma membrane	GO:0016021	ir	
AHsV1000	AHsV10001518	ENSG0000	NM_001143	221496	LEM2	LEM domai	GO:000699	-	GO:000563	42	107	2.53	1.34
CHsGV100	CHsGV1000334	ENSG0000	NM_152680	201799	TMEM154	transmemb	-	-	GO:0016021	integral c	197		
AHsV1000	AHsV10000612	ENSG0000	NR_047685	200959	GABRR3	gamma-am	GO:000721	GO:000489	GO:0005575	cellular_component	GO:0005886		
H30001516	H300015163	ENSG0000	XM_011522	83660	TLN2	talin 2	GO:000701	GO:000377	GO:000172	44	43	0.97	-0.05
CHsGV100	CHsGV1000071	ENSG0000	NM_001254	343641	TGM6	transglutan	GO:001814	GO:000381	GO:0005737	cytoplasm	5		
CHsGV100	CHsGV1000393	ENSG0000	NM_181846	342945	ZSCAN22	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	5	12	2.31	1.21
AHsV1000	AHsV10000277	ENSG0000	XM_005257	326624	RAB37	RAB37, me	GO:000726	GO:000551	GO:0005793	endoplas	10		
AHsV1000	AHsV10000243	ENSG0000	NM_001128	286262	TPRN	taperin	GO:000760	GO:000					

AHsV1000	AHsV10000771	ENSG0000	NM_032744	84830	ADTRP	androgen d	-	-	GO:000588	212	314	1.48	0.57
DHsGV100	DHsGV1000254	-	-	-	-	-	-	-	-	7	10	1.40	0.48
AHsV1000	AHsV10002418	ENSG0000	XM_011522	84256	FLYWCH1	FLYWCH-t	-	GO:000367	GO:000565	121	112	0.93	-0.11
H30002046	H300020462	ENSG0000	NM_001145	55768	NGLY1	N-glycanas	GO:000651	GO:000022	GO:000573	995	1168	1.17	0.23
DHsGV100	DHsGV1000204	ENSG0000	XM_005254	9899	SV2B	synaptic ve	GO:000683	GO:000551	GO:000166	47	40	0.86	-0.23
DHsGV100	DHsGV1000475	-	-	-	-	-	-	-	-	15	18	1.26	0.34
DHsGV100	DHsGV1000476	-	XM_011520	440073	IQSEC3	IQ motif an	GO:003003	GO:000508	GO:000573	20	21	1.03	0.04
DHsGV100	DHsGV1000020	-	-	-	-	-	-	-	-	6			
AHsV1000	AHsV10001528	ENSG0000	NM_001146	283953	TMEM114	transmemb	-	-	GO:001602	29	28	0.96	-0.06
AHsV1000	AHsV10002771	ENSG0000	NR_028330	283687	ST20-AS1	ST20 antis	-	-	-	17	30	1.75	0.81
AHsV1000	AHsV10001676	ENSG0000	XM_011509	255928	SYT14	synaptotag	-	GO:000550	GO:0016021	integral component of membrane			
AHsV1000	AHsV10000060	ENSG0000	NR_033400	255193	CSNK1G2	CSNK1G2	-	-	-				
CHsGV100	CHsGV1000015	ENSG0000	NR_033806	221391	OPN5	opsin 5	GO:000718	GO:000493	GO:0016021	integral component of membrane			
AHsV1000	AHsV10003589	ENSG0000	NM_001282	221074	SLC39A12	solute carr	GO:000716	GO:000538	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021 in			
H30001204	H300012049	ENSG0000	NM_001168	200172	SLFN1	schlafen lik	-	GO:000552	-	35	30	0.86	-0.22
DHsGV100	DHsGV1000330	-	-	-	-	-	-	-	-	13	21	1.57	0.65
AHsV1000	AHsV10001690	ENSG0000	NM_031301	83464	APH1B	aph-1 hom	GO:000721	GO:000551	GO:000588	12	22	1.89	0.92
AHsV1000	AHsV10003118	ENSG0000	NM_001005	341418	OR6C4	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021 in			
AHsV1000	AHsV10003010	ENSG0000	NM_178175	340596	LHFPL1	lipoma HMC	-	-	GO:0016021	integral component of membrane			
CHsGV100	CHsGV1000306	ENSG0000	XM_011516	285989	ZNF789	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	87	78	0.90	-0.15
CHsGV100	CHsGV1000168	-	NM_001099	285643	KIF4B	kinesin fam	GO:000028	GO:000367	GO:000565	15	20	1.33	0.41
CHsGV100	CHsGV1000272	ENSG0000	XM_006714	91975	ZNF300	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	10	21	2.20	1.14
AHsV1000	AHsV10003559	ENSG0000	NM_001110	91646	TDRD12	tudor doma	GO:000714	GO:000367	GO:0005575	cellular component,GO:1990923			
CHsGV100	CHsGV1000080	ENSG0000	XM_006718	85456	TNKS1BP1	tankyrase	GO:000028	GO:001989	GO:000563	6	10	1.65	0.72
AHsV1000	AHsV10002172	ENSG0000	NR_024532	85365	ALG2	ALG2, alph	GO:000648	GO:000003	GO:000563	424	416	0.98	-0.03
CHsGV100	CHsGV1000171	ENSG0000	XM_011525	84733	CBX2	chromobox	GO:000012	GO:000367	GO:000079	41	36	0.89	-0.16
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001172	84671	ZNF347	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	698	659	0.94	-0.08
H30000593	H300005936	ENSG0000	XM_011544	84197	POMK	protein-O	GO:000176	GO:000467	GO:000578	7	16	2.24	1.16
H30002255	H300022554	ENSG0000	NM_001242	84164	ASCC2	activating s	GO:000628	-	GO:000565	159	191	1.21	0.27
H20000365	H200003654	ENSG0000	NM_018154	55723	ASF1B	anti-silenc	GO:000633	GO:000551	GO:000079	609	508	0.83	-0.26
DHsGV100	DHsGV1000423	-	-	-	-	-	-	-	-	10	16	1.66	0.73
DHsGV100	DHsGV1000393	-	XM_011514	346157	ZNF391	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	41	39	0.96	-0.07
DHsGV100	DHsGV1000490	ENSG0000	XR_944118	105370611	LOC105370	uncharacte	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000105	ENSG0000	-	-	RP11-69H1	-	-	-	-		9		
AHsV1000	AHsV10000106	ENSG0000	NM_173600	283463	MUC19	mucin 19, c	GO:000649	-	GO:000579	76	76	1.00	0.00
AHsV1000	AHsV10001920	ENSG0000	XM_011544	283238	SLC22A24	solute carr	GO:004325	GO:000545	GO:0005887	integral component of plasma me			
H20000654	H200006549	ENSG0000	NM_207340	254359	ZDHHC24	zinc finger	GO:000815	GO:000551	GO:001602	154	139	0.90	-0.14
AHsV1000	AHsV10002041	ENSG0000	XM_011539	253738	EBF3	early B-ce	GO:000636	GO:000097	GO:0005634	nucleus			
AHsV1000	AHsV10000761	ENSG0000	XM_011544	220047	CCDC83	coiled-coil	-	-	-				
H30000896	H300008964	ENSG0000	XM_005273	219537	SMTNL1	smoothelin	GO:004590	GO:000551	GO:0005634	nucleus,GO:0005634			4
AHsV1000	AHsV10001001	ENSG0000	XM_011522	197258	FUK	fucokinase	GO:000648	GO:000552	GO:000582	107	110	1.02	0.03
H20000368	H200003681	ENSG0000	NM_144982	196441	ZFC3H1	zinc finger	GO:000639	GO:000551	GO:000561	139	136	0.98	-0.03
AHsV1000	AHsV10001133	-	NM_030966	81850	KRTAP1-3	keratin ass	GO:000815	GO:003028	GO:0045095	keratin filament			
H30000703	H300007038	ENSG0000	NM_001008	340146	SLC35D3	solute carr	GO:000864	-	GO:0016021	integral c			3
DHsGV100	DHsGV1000086	-	-	-	-	-	-	-	-		8		
H30001787	H300017876	-	NM_001288	55888	ZKSCAN7	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	11	22	2.05	1.03
AHsV1000	AHsV10000317	ENSG0000	-	285025	CCDC141	coiled-coil	GO:002179	GO:000551	GO:0005737	cytoplasm			3
H30001891	H300018919	ENSG0000	NM_001033	91304	TMEM259	transmemb	GO:003497	-	GO:000578	190	161	0.85	-0.24
AHsV1000	AHsV10002578	ENSG0000	NM_138368	91056	AP5B1	adaptor rel	GO:001503	GO:000551	GO:000576	161	125	0.77	-0.37
AHsV1000	AHsV10001056	ENSG0000	NM_001286	85021	REPS1	RALBP1 as	-	GO:000550	GO:000588	28	41	1.47	0.56
CHsGV100	CHsGV1000132	ENSG0000	NM_032890	84976	DISP1	dispatched	GO:000722	GO:000551	GO:001602	19	14	0.71	-0.49
CHsGV100	CHsGV1000040	ENSG0000	NM_032538	84630	TTBK1	tau tubulin	GO:001810	GO:000467	GO:0005737	cytoplasm			
CHsGV100	CHsGV1000350	ENSG0000	NM_001195	84561	SLC12A8	solute carr	GO:000681	GO:001529	GO:0016021	integral component of membrane			
AHsV1000	AHsV10001005	ENSG0000	NM_001286	84083	ZRANB3	zinc finger	GO:000073	GO:000367	GO:000563	36	50	1.38	0.46
CHsGV100	CHsGV1000395	ENSG0000	XM_011516	83992	CTTNBP2	cortactin b	GO:000742	GO:001712	GO:0005938	cell cortex,GO:0008021 synaptic			
CHsGV100	CHsGV1000230	-	-	-	-	-	-	-	-	611	575	0.94	-0.09
DHsGV100	DHsGV1000536	-	-	-	-	-	-	-	-		5		
AHsV1000	AHsV10003102	ENSG0000	NM_017629	192670	AGO4	argonaute	GO:000640	GO:000372	GO:000093	9	20	2.18	1.13
AHsV1000	AHsV10002067	ENSG0000	NM_001145	729967	MORN2	MORN repe	-	GO:000551	-	239	217	0.91	-0.14
DHsGV100	DHsGV1000007	-	-	-	-	-	-	-	-		13		
AHsV1000	AHsV10002513	ENSG0000	XM_011539	282974	STK32C	serine/thre	GO:001810	GO:000467	GO:000562	55	57	1.05	0.07
H30001877	H300018775	-	NR_033323	260294	NSUN5P2	NOP2/Sun	GO:003225	GO:000372	-	624	421	0.67	-0.57
AHsV1000	AHsV10001470	ENSG0000	NR_040288	246181	AKR7L	aldo-keto r	GO:000680	GO:001649	GO:000582	30	34	1.15	0.20
AHsV1000	AHsV10002591	ENSG0000	XM_006715	222658	KCTD20	potassium	GO:004232	-	GO:000573	478	524	1.10	0.13
H30001714	H300017147	ENSG0000	NM_152696	204851	HIPK1	homeodom	GO:000165	GO:000467	GO:000563	8	14	1.69	0.76
AHsV1000	AHsV10002473	ENSG0000	XM_006716	203102	ADAM32	ADAM met	GO:000650	GO:000422	GO:0016021	integral c			3
AHsV1000	AHsV10001592	-	NM_182832	191585	PLAC4	placenta sp	-	-	-				
AHsV1000	AHsV10003151	ENSG0000	XM_011534	170622	COMMD6	COMM dom	GO:000635	GO:000551	GO:000563	928	995	1.07	0.10
H30002134	H300021341	ENSG0000	NM_030918	81609	SNX27	sorting nex	GO:000177	GO:000551	GO:000177	33	36	1.11	0.16
AHsV1000	AHsV10001714	ENSG0000	NM_001113	339263	C17orf51	chromosom	-	-	-		16		
DHsGV100	DHsGV1000005	-	-	-	-	-	-	-	-				
AHsV1000	AHsV10000944	ENSG0000	NM_001242	284654	RSPO1	R-spondin	GO:000193	GO:000166	GO:0005576	extracellu			9
DHsGV100	DHsGV1000378	ENSG0000	NR_029390	284412	LOC28441	uncharacte	-	-	-		8		
CHsGV100	CHsGV1000308	ENSG0000	NM_138300	90780	PYGO2	pygopus fa	GO:000170	GO:000368	GO:000565	18	30	1.64	0.71
H30001693	H300016936	ENSG0000	NM_138350	90326	THAP3	THAP dom	-	GO:000367	-				
AHsV1000	AHsV10003392	ENSG0000	NM_032858	84944	MAEL	maelstrom	GO:000012	GO:004356	GO:0000785	chromatin,GO:0001741 XY body,GO			
AHsV1000	AHsV10001731	ENSG0000	NM_001318	84916	UTP4	UTP4, sma	GO:000635	GO:000551	GO:000165	1202	998	0.83	-0.27
CHsGV100	CHsGV1000069	ENSG0000	NM_001011	84460	ZMAT1	zinc finger	GO:007233	GO:000203	GO:0005634	nucleus			
H20000461	H200004616	ENSG0000	NM_032411	84417	C2orf40	chromosom	GO:000805	-	GO:000561	25	23	0.93	-0.11
AHsV1000	AHsV10000485	ENSG0000	NM_001282	83931	STK40	serine/thre	GO:000301	GO:000467	GO:000565	42	54	1.27	0.35
AHsV1000	AHsV10003343	ENSG0000	NM_031924	83861	RSPH3	radial spok	-	GO:000551	-	12	26	2.11	1.08
H30001282	H300012821	ENSG0000	NM_001199	55614	KIF16B	kinesin fam	GO:000170	GO:000552	GO:000576	57	63	1.11	0.15
H30000930	H300009309	ENSG0000	XM_005256	433	ASGR2	asialoglyco	GO:000689	GO:000487	GO:0016021	integral component of membrane			
H20000531	H200005314	ENSG0000	NM_007038	11096	ADAMTS5	ADAM met	GO:000649	GO:000422	GO:0005576	extracellular region,GO:0005578			
DHsGV100	DHsGV1000463	ENSG0000	NR_104292	25771	TBC1D22A	TBC1 dom	GO:004354	GO:000509	-	22	24	1.08	0.11
DHsGV100	DHsGV1000043	ENSG0000	-	90594	ZNF439	zinc finger	GO:000635						

DHsGV100	DHsGV1000205	-	XM_011548	11025	LILRB3	leukocyte i	GO:000225	GO:000487	GO:000588	32	33	1.04	0.05
DHsGV100	DHsGV1000070	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000301	ENSG0000	NM_001242	100130357	LOC100130	uncharacte	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000338	-	-	-	-	-	-	-	-	12	16	1.29	0.36
DHsGV100	DHsGV1000379	ENSG0000	NR_126017	100129461	LYRM4-AS	LYRM4 ant	-	-	-	9	14	1.66	0.73
DHsGV100	DHsGV1000546	ENSG0000	NM_001271	100129361	SMIM10L1	small integr	-	-	GO:001602	939	1079	1.15	0.20
DHsGV100	DHsGV1000091	-	-	-	-	-	-	-	-	115	99	0.86	-0.22
DHsGV100	DHsGV1000239	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000117	-	-	-	-	-	-	-	-	5	10	2.01	1.00
DHsGV100	DHsGV1000407	-	XM_011525	101927376	LOC101927	uncharacte	-	-	-	512	391	0.76	-0.39
DHsGV100	DHsGV1000328	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000409	-	NG_034048	100288142	NBPF20	neuroblast	-	-	GO:000573	12	14	1.24	0.30
DHsGV100	DHsGV1000304	-	-	-	-	-	-	-	-	30	49	1.65	0.72
DHsGV100	DHsGV1000529	ENSG0000	NR_134643	101926934	LOC101926	uncharacte	-	-	-	10	11	1.17	0.22
DHsGV100	DHsGV1000216	-	-	-	-	-	-	-	-	62	50	0.80	-0.32
CHsGV100	CHsGV1000354	ENSG0000	NM_016206	389136	VGLL3	vestigial lik	GO:000635	GO:000802	GO:0005634	nucleus	3		
DHsGV100	DHsGV1000017	ENSG0000	NM_001145	388946	TMEM247	transmemb	-	-	GO:000578	46	50	1.09	0.12
AHsV1000	AHsV10001868	ENSG0000	NM_001030	375298	CERKL	ceramide k	GO:001631	GO:001630	GO:0005730	nucleolus	GO:0005737	cytoplasm	
AHsV1000	AHsV10003438	ENSG0000	NM_198534	374877	C19orf45	chromosom	-	-	-	7	12	1.67	0.74
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_011524	4635	MYL4	myosin ligh	GO:000202	GO:000378	GO:000582	837	443	0.53	-0.92
DHsGV100	DHsGV1000412	-	NG_009258	2159	F10	coagulation	GO:000646	GO:000425	GO:000557	22	23	1.05	0.08
DHsGV100	DHsGV1000168	ENSG0000	-	-	CTB-50L1	-	-	-	-	-	6		
DHsGV100	DHsGV1000026	ENSG0000	NM_015164	23207	PLEKHM2	pleckstrin	GO:000703	GO:000551	GO:001000	40	34	0.84	-0.25
DHsGV100	DHsGV1000134	-	-	-	-	-	-	-	-	-	5		
DHsGV100	DHsGV1000229	ENSG0000	-	-	RP11-77P	-	-	-	-	31	33	1.08	0.11
DHsGV100	DHsGV1000404	-	-	-	-	-	-	-	-	49	45	0.91	-0.14
H20000987	H200009876	ENSG0000	NR_037618	100526837	EEF1E1-B1	EEF1E1-B1	-	-	-	4767	5822	1.22	0.29
DHsGV100	DHsGV1000536	ENSG0000	NM_203422	221091	LRRN4CL	LRRN4 C-t	-	-	GO:001602	36	33	0.92	-0.12
DHsGV100	DHsGV1000304	ENSG0000	-	100130097	KIF28P	kinesin fam	GO:000700	GO:000377	GO:0005622	intracellular	GO:0005871	kinesin	
DHsGV100	DHsGV1000308	-	-	-	-	-	-	-	-	20	27	1.33	0.41
DHsGV100	DHsGV1000407	-	-	-	-	-	-	-	-	-	5		
DHsGV100	DHsGV1000055	-	NR_033999	100129148	LOC100129	uncharacte	-	-	-	15	20	1.32	0.40
DHsGV100	DHsGV1000279	ENSG0000	XM_011537	91748	ELMSAN1	ELM2 and	GO:000635	GO:000367	GO:0005654	nucleopla	7		
DHsGV100	DHsGV1000381	ENSG0000	XM_011516	4584	MUC3A	mucin 3A,	GO:000649	GO:000520	GO:0005576	extracellu	5		
DHsGV100	DHsGV1000202	ENSG0000	NM_017633	55603	FAM46A	family with	GO:001046	GO:000551	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000293	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000406	-	-	-	-	-	-	-	-	49	49	0.98	-0.03
DHsGV100	DHsGV1000284	-	-	-	-	-	-	-	-	11	15	1.33	0.41
DHsGV100	DHsGV1000295	ENSG0000	NR_038996	100131733	USP30-AS	USP30 ant	-	-	-	14	15	1.04	0.06
DHsGV100	DHsGV1000267	-	-	-	-	-	-	-	-	-	5		
DHsGV100	DHsGV1000247	-	-	-	-	-	-	-	-	4	14	3.65	1.87
CHsGV100	CHsGV1000258	ENSG0000	NM_001006	388650	FAM69A	family with	-	-	GO:000578	4	12	2.85	1.51
AHsV1000	AHsV10003267	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
AHsV1000	AHsV10000531	ENSG0000	XR_933968	10517	FBXW10	F-box and	-	-	-	-	-	-	-
CHsGV100	CHsGV1000340	ENSG0000	NM_178353	353135	LCE1E	late cornifi	GO:001814	GO:000519	GO:000153	12	17	1.41	0.50
H30001194	H300011946	ENSG0000	NM_001300	57010	CABP4	calcium bin	GO:000716	GO:000550	GO:000557	69	67	0.98	-0.03
DHsGV100	DHsGV1000351	-	-	-	-	-	-	-	-	26	28	1.09	0.13
DHsGV100	DHsGV1000136	-	XR_924263	105374001	LOC105374	uncharacte	-	-	-	8	14	1.72	0.78
DHsGV100	DHsGV1000268	ENSG0000	-	116135	LRRC3B	leucine rich	-	-	GO:0016021	integral c	4		
DHsGV100	DHsGV1000215	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000068	ENSG0000	NM_012181	23770	FKBP8	FK506 bind	GO:000041	GO:000375	GO:000578	42	38	0.90	-0.14
DHsGV100	DHsGV1000036	ENSG0000	XM_005254	87769	GGACT	gamma-glu	GO:004221	GO:000383	GO:0070062	extracellu	5		
DHsGV100	DHsGV1000396	ENSG0000	NR_034032	100289361	LOC100289	uncharacte	-	-	-	81	65	0.80	-0.33
DHsGV100	DHsGV1000352	ENSG0000	NG_008985	427	ASAHI	N-acylsph	GO:000666	GO:000382	GO:000561	10	13	1.31	0.39
DHsGV100	DHsGV1000422	ENSG0000	-	-	RP11-380I	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000152	ENSG0000	NM_006788	10928	RALBP1	ralA binding	GO:000681	GO:000509	GO:0005829	cytosol,G	3		
DHsGV100	DHsGV1000253	ENSG0000	XM_011515	105375304	LOC105375	collagen al	-	-	-	-	8		
DHsGV100	DHsGV1000261	ENSG0000	NR_073178	100996291	LOC100996	uncharacte	-	-	-	-	9		
DHsGV100	DHsGV1000384	-	-	-	-	-	-	-	-	19	18	0.95	-0.08
DHsTV100	DHsTV1000008	-	XM_011542	4978	OPCML	opioid bind	GO:000715	-	GO:0005886	plasma membrane	GO:0031225	ar	
DHsGV100	DHsGV1000571	ENSG0000	-	28461	IGHV1-69	immunoglob	-	-	-	-	7		
DHsGV100	DHsGV1000490	ENSG0000	NG_007988	9150	CTDP1	CTD (carb	GO:000636	GO:000551	GO:0000922	spindle po	7		
DHsGV100	DHsGV1000004	ENSG0000	XM_005255	23524	SRRM2	serine/argi	GO:000039	GO:004482	GO:0005654	nucleopla	5		
DHsGV100	DHsGV1000197	ENSG0000	NR_104626	101928370	LOC101928	uncharacte	-	-	-	50	47	0.94	-0.10
DHsGV100	DHsGV1000150	ENSG0000	XM_011530	105369188	LOC105369	uncharacte	-	-	-	196	158	0.80	-0.32
DHsGV100	DHsGV1000370	-	-	-	-	-	-	-	-	11	18	1.59	0.67
DHsGV100	DHsGV1000062	ENSG0000	XM_011537	11021	RAB35	RAB35, me	GO:000091	GO:000392	GO:000013	6	12	2.06	1.05
CHsGV100	CHsGV100004	ENSG0000	NM_001010	387923	SERP2	stress-ass	GO:001503	GO:000551	GO:000578	49	40	0.82	-0.29
AHsV1000	AHsV10002657	ENSG0000	NM_001145	387694	SH2D4B	SH2 domain	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000523	ENSG0000	NR_034096	348751	FTCDNL1	formiminotr	GO:000815	GO:000554	-	-	10		
AHsV1000	AHsV10001987	ENSG0000	NM_178130	347736	NME9	NME/NM23	GO:000616	GO:000455	GO:000573	39	48	1.23	0.30
H20000024	H200000249	ENSG0000	NM_001100	4620	MYH2	myosin, he	GO:000177	GO:000014	GO:000579	7	13	1.73	0.79
DHsGV100	DHsGV1000218	ENSG0000	NG_029746	349136	WDR86	WD repeat	-	-	-	16	20	1.22	0.29
DHsGV100	DHsGV1000521	ENSG0000	NM_018390	55344	PLCXD1	phosphatid	GO:000662	GO:000808	-	23	21	0.95	-0.08
H30002130	H300021301	ENSG0000	NM_006609	10746	MAP3K2	mitogen-ad	GO:000018	GO:000467	GO:000565	32	56	1.76	0.82
DHsTV100	DHsTV1000015	ENSG0000	XM_011522	7760	ZNF213	zinc finger	GO:000635	GO:000370	GO:000563	51	56	1.10	0.14
DHsGV100	DHsGV1000261	-	-	-	-	-	-	-	-	37	34	0.94	-0.10
DHsGV100	DHsGV1000145	ENSG0000	NM_001242	400950	C2orf91	chromosom	-	-	-	6	11	1.69	0.76
DHsGV100	DHsGV100021	ENSG0000	NR_108066	101927181	LOC101927	uncharacte	-	-	-	6	13	2.26	1.18
DHsGV100	DHsGV1000486	ENSG0000	XM_011539	9904	RBM19	RNA bindin	GO:000727	GO:000016	GO:0005634	nucleus	GO:0005654	nucleoplasm	
DHsGV100	DHsGV1000221	ENSG0000	XM_011517	100129654	TCF24	transcripti	GO:000635	GO:000367	GO:000563	12	18	1.46	0.55
DHsGV100	DHsGV1000424	-	-	-	-	-	-	-	-	-	3		
DHsGV100	DHsGV1000362	ENSG0000	-	106478938	OOEP-AS	OOEP antis	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000044	-	XR_242328	101927974	LOC101927	uncharacte	-	-	-	33	45	1.35	0.44
DHsTV100	DHsTV1000000	-	XR_958642	100507415	FAM220CP	putative SI	-	-	-	-	3		
DHsGV100	DHsGV1000089	-	-	-	-	-	-	-	-	-	4		
DHsGV100	DHsGV1000535	-	-	-	-	-	-	-	-	10	13	1.28	0.35
DHsGV100	DHsGV1000432	-	XM_011514	101929895	LOC101929	eukaryotic	-	-	-	29	33	1.12	0.16
DHsGV100	DHsGV1000246	ENSG0000	XM_011521	65125	WNK1	WNK lysine	GO:000308	GO:000028	GO:000573	21	21	1.02	0.03

opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001267	129080	EMID1	EMI domain	-	-	GO:000557	17	25	1.44	0.53	
H30000984	H300009840	ENSG0000	XM_011522	162239	ZFP1	ZFP1 zinc	GO:000635	GO:000367	GO:000563	99	84	0.85	-0.23	
H30001153	H300011530	ENSG0000	NM_134258	90665	TBL1Y	transducin	GO:000635	GO:000371	GO:000011	23	25	1.07	0.10	
H20000592	H200005920	ENSG0000	NM_001256	9398	CD101	CD101 mol	GO:000276	GO:001681	GO:000588	35	34	0.97	-0.04	
H20000875	H200008759	ENSG0000	XM_011524	9196	KCNAB3	potassium	GO:000681	GO:000524	GO:0005737	8				
H20000010	H200000101	ENSG0000	XM_011520	6506	SLC1A2	solute carr	GO:000681	GO:000531	GO:0005886	plasma membrane,GO:0009986 c				
H30001097	H300010976	ENSG0000	NM_001035	6262	RYR2	ryanodine r	GO:000166	GO:000521	GO:0005790	smooth e	8			
H30000428	H300004287	ENSG0000	NM_001399	1896	EDA	ectodyspla	GO:000695	GO:000510	GO:0005576	extracellu	6			
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001257	1187	CLCNA	chloride vo	GO:000681	GO:000524	GO:000588	26	28	1.08	0.11	
H20000855	H200008553	ENSG0000	XM_006721	2793	GNGT2	guanine nu	GO:000718	GO:000392	GO:000583	19	18	1.00	0.00	
H30000024	H300000244	ENSG0000	NM_001134	284613	CYB561D1	cytochrom	GO:005511	GO:004687	GO:001602	110	153	1.38	0.47	
H30000292	H300002929	ENSG0000	NM_182541	203562	TRMM31	transmemb	-	GO:000551	GO:001602	6	9	1.49	0.58	
H30000051	H300000516	ENSG0000	NR_033262	79057	PRRG3	proline rich	GO:000815	GO:000550	GO:0005576	extracellu	9			
H20001305	H200013059	ENSG0000	NM_022144	64102	TNMD	tenomodul	GO:000188	GO:000551	GO:000563	5	11	2.36	1.24	
H20000150	H200001507	ENSG0000	NM_014437	27173	SLC39A1	solute carr	GO:000170	GO:000510	GO:000578	474	411	0.87	-0.20	
H20000623	H200006234	ENSG0000	NM_015379	25798	BRI3	brain prote	-	GO:004280	GO:001602	238	167	0.70	-0.51	
H20001055	H200010551	ENSG0000	NM_015407	25864	ABHD14A	abhydrolas	GO:000815	GO:001678	GO:000573	62	61	0.99	-0.01	
DHsGV100	DHsGV100049	-	NG_012257	4329	ALDH6A1	aldehyde d	GO:000621	GO:000006	GO:0005654	nucleoplasm,GO:0005739	mitoch			
DHsGV100	DHsGV1000074	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000162	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000155	-	-	-	-	-	-	-	-	-	5	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000133	ENSG0000	NM_181482	753	LDLRAD4	low density	GO:001071	GO:000551	GO:001602	23	21	0.93	-0.10	
DHsGV100	DHsGV1000007	ENSG0000	-	104472715	SNHG14	small nucle	-	-	-	-	-	-	-	-
H30002005	H300020059	ENSG0000	NM_001100	10335	MRV11	murine retr	GO:000759	GO:000551	GO:000578	91	90	0.99	-0.01	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001297	7638	ZNF221	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus				
H30001306	H300013069	ENSG0000	XM_006715	54443	ANLN	anillin actin	GO:000028	GO:000377	GO:000565	98	128	1.31	0.38	
H20001312	H200013125	ENSG0000	NM_022006	53822	FXYP7	FXYP doma	GO:003422	GO:000521	GO:0005886	plasma m	6			
H20001567	H200015678	ENSG0000	XR_934593	90507	SCRN2	secernin 2	GO:000650	GO:000367	GO:000562	165	172	1.04	0.06	
H20001549	H200015495	ENSG0000	NM_000035	229	ALDOB	aldolase, fr	GO:000188	GO:000433	GO:0005634	nucleus,GO:0005764	lysosome,G			
H20000186	H200001861	ENSG0000	XR_428088	83605	CCM2	CCM2 scaf	GO:000157	GO:000551	GO:000573	578	491	0.85	-0.24	
H20000828	H200008285	ENSG0000	NM_024303	79149	ZSCAN5A	zinc finger	GO:000635	GO:000098	GO:000563	65	62	0.95	-0.07	
H20001700	H200017001	ENSG0000	NM_054112	117285	DEFB118	defensin be	GO:000716	-	GO:0005576	extracellu	9			
H20001173	H200011735	ENSG0000	NM_032306	84266	ALKBH7	alkB homol	GO:000663	GO:004687	GO:000575	520	398	0.77	-0.39	
H20001533	H200015334	ENSG0000	XM_011514	346157	ZNF391	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	21	24	1.15	0.20	
H30001008	H300010088	ENSG0000	NM_018055	4838	NODAL	nodal grow	GO:000012	GO:000512	GO:000561	103	73	0.71	-0.50	
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_002364	4113	MAGEB2	MAGE fami	-	GO:000551	-	1821	1554	0.85	-0.23	
H20001814	H200018140	ENSG0000	NM_000112	1836	SLC26A2	solute carr	GO:000150	GO:000525	GO:000588	85	112	1.31	0.39	
H20001709	H200017096	-	NR_103874	6838	SURF6	surfeit 6	GO:004225	GO:000367	GO:000165	1596	1256	0.79	-0.34	
H20001072	H200010728	ENSG0000	XM_011544	1142	CHRN3	cholinergic	GO:000681	GO:000488	GO:000588	600	591	0.99	-0.02	
H20001226	H200012262	ENSG0000	XR_947865	79796	ALG9	ALG9, alph	GO:000648	GO:000003	GO:000578	253	205	0.81	-0.30	
H20000956	H200009565	ENSG0000	NM_022168	64135	IFIH1	interferon i	GO:000959	GO:000367	GO:000563	29	29	0.99	-0.02	
H30001929	H300019290	ENSG0000	NM_001184	54521	WDR44	WD repeat	GO:003033	GO:001713	GO:000579	161	186	1.15	0.20	
H20000202	H200002021	ENSG0000	NM_203380	51703	ACSL5	acyl-CoA s	GO:000167	GO:000446	GO:000563	55	67	1.20	0.26	
H20000946	H200009460	ENSG0000	NR_103500	140739	UBE2F	ubiquitin cc	GO:000630	GO:000551	GO:000563	578	543	0.94	-0.09	
H20000430	H200004307	ENSG0000	NM_012071	23412	COMMD3	COMM dom	GO:000635	GO:000551	GO:000563	1135	1112	0.98	-0.03	
H30002013	H300020130	ENSG0000	XM_011522	9051	PSTPIP1	proline-ser	GO:000689	GO:000551	GO:000193	37	34	0.92	-0.13	
H30001087	H300010871	ENSG0000	XM_011540	8513	LIPF	lipase F, ga	GO:000610	GO:000480	GO:000557	12	15	1.28	0.35	
H30000672	H300006727	ENSG0000	NM_004974	3737	KCNA2	potassium	GO:000681	GO:000524	GO:000578	24	27	1.13	0.17	
H20001677	H200016773	ENSG0000	NR_073107	3673	ITGA2	integrin sub	GO:000166	GO:000161	GO:0005634	nucleus,G	5			
H30000741	H300007419	ENSG0000	XM_011545	55623	THUMP1	THUMP do	-	GO:000551	-	790	731	0.93	-0.11	
H30000614	H300006146	ENSG0000	XM_011516	80853	KDM7A	lysine deme	GO:000632	GO:000550	GO:0005634	nucleus,G	11			
H20001888	H200018884	ENSG0000	XM_011540	92565	FANK1	fibronectin	-	-	GO:000565	15	17	1.10	0.14	
H20000827	H200008272	ENSG0000	XM_011521	56964	WDR93	WD repeat	GO:002290	GO:001665	-	-	12			
H20001637	H200016376	ENSG0000	XM_011538	84530	SRRM4	serine/argi	GO:000038	GO:000372	GO:0005634	nucleus	5			
H20001495	H200014959	ENSG0000	NM_022915	65080	MRPL44	mitochondr	GO:000699	GO:000372	GO:000557	506	372	0.73	-0.45	
H20001112	H200011127	ENSG0000	NM_018064	55122	AKIRIN2	akirin 2	GO:000012	GO:001989	GO:000563	256	231	0.90	-0.15	
H20000750	H200007506	ENSG0000	XM_005272	445	ASS1	argininosuc	GO:000005	GO:000405	GO:000563	17	61	3.64	1.86	
H20000933	H200009334	ENSG0000	XM_011544	80185	TTI2	TELO2 inte	-	-	-	301	229	0.76	-0.40	
H20001240	H200012405	ENSG0000	NM_176791	149699	GTSF1L	gametocyte	-	GO:004687	-	9	13	1.54	0.63	
H20000616	H200006160	ENSG0000	XM_011538	4778	NFE2	nuclear fac	GO:000633	GO:000097	GO:000563	1356	474	0.35	-1.52	
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_005249	3638	INSIG1	insulin indu	GO:000664	GO:000551	GO:000578	2385	1985	0.83	-0.27	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001197	2729	GCLC	glutamate-	GO:000009	GO:000028	GO:000582	128	151	1.18	0.24	
H20001082	H200010828	ENSG0000	NM_001166	54514	DDX4	DEAD-box	GO:000714	GO:000367	GO:0005634	nucleus,GO:0005737	cytoplasm,C			
H20000004	H200000042	ENSG0000	XM_011515	9586	CREB5	cAMP resp	GO:000636	GO:000370	GO:000563	5	9	1.63	0.71	
H20001753	H200017531	ENSG0000	NM_017774	54901	CDKAL1	CDK5 regu	GO:000640	GO:000367	GO:000578	134	151	1.12	0.17	
H20000408	H200004085	ENSG0000	NM_001172	57799	RAB40C	RAB40C, m	GO:000726	GO:000552	GO:000588	34	33	0.97	-0.05	
H20001015	H200010152	ENSG0000	NM_001135	57549	IGSF9	immunoglob	GO:000715	GO:009863	GO:000588	4	11	2.83	1.50	
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_011535	51429	SNX9	sorting nex	GO:000028	GO:000551	GO:000172	312	232	0.74	-0.42	
H20000283	H200002830	ENSG0000	NM_001024	51102	MECR	mitochondr	GO:000663	GO:000827	GO:000563	301	311	1.03	0.04	
H30001153	H300011534	ENSG0000	-	-	RP11-45M	-	-	-	-	29	31	1.06	0.08	
H30000670	H300006709	ENSG0000	NM_007193	11199	ANXA10	annexin A1	-	GO:000550	GO:0005739	mitochond	10			
H20001282	H200012823	ENSG0000	NM_001204	7321	UBE2D1	ubiquitin cc	GO:000012	GO:000484	GO:000015	511	508	0.99	-0.01	
H20001401	H200014012	ENSG0000	NM_001173	7024	TFCP2	transcriptio	GO:000635	GO:000367	GO:000557	475	332	0.70	-0.52	
H30000147	H300001477	ENSG0000	NM_080431	140625	ACTRT2	actin relate	-	-	GO:000573	29	25	0.87	-0.20	
H20001135	H200011354	ENSG0000	NM_001134	64147	KIF9	kinesin fam	GO:000701	GO:000377	GO:000210	26	26	1.00	0.00	
H30002225	H300022258	-	NM_006642	10806	SDCCAG8	serological	GO:000008	GO:000551	GO:000581	55	56	1.02	0.03	
H20001782	H200017821	ENSG0000	NM_018924	56102	PCDHGB3	protocadhe	GO:000715	GO:000550	GO:000588	38	31	0.81	-0.30	
H20000568	H200005684	ENSG0000	NM_001025	4155	MBP	myelin basi	GO:000695	GO:000202	GO:0005634	nucleus,GO:0005886	plasma men			
H20000960	H200009600	ENSG0000	NM_001300	121506	ERP27	endoplasmic	GO:000645	GO:000375	GO:0005788	endoplasmic reticulum lumen				
H20000760	H200007606	ENSG0000	NM_032600	84692	CCDC54	coiled-coil	-	-	-	-	3			
H20001624	H200016243	ENSG0000	NM_001078	8933	FAM127A	family with	-	GO:000551	-	667	519	0.78	-0.36	
H20001685	H200016856	ENSG0000	XM_011544	56154	TEX15	testis expr	GO:000628	-	GO:000563	251	214	0.85	-0.23	
H20000188	H200001888	ENSG0000	XM_011522	84952	CGNL1	cingulin-lik	GO:000815	GO:000377	GO:0005923	bicellular tight junction,GO:00164				
H20001182	H200011828	ENSG0000	NM_022041	8139	GAN	gigaxonin								

H20000360	H200003602	ENSG0000	NM_001042	84992	PIGY	phosphatid	GO:000650	-	GO:000050	2918	2988	1.02	0.03
H20000560	H200005600	ENSG0000	NM_020814	57574	42433	membrane	GO:001656	GO:000484	GO:0000139	Golgi men	6		
H20000879	H200008797	ENSG0000	NM_001161	56931	DUS3L	dihydrourid	GO:000294	GO:001715	GO:000582	365	298	0.82	-0.29
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_018847	55958	KLHL9	kelch like f	GO:000091	GO:000484	GO:003049	7	16	2.46	1.30
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001278	30820	KCNIP1	potassium i	GO:006133	GO:000524	GO:0005737	cytoplasm	9		
H20001193	H200011933	ENSG0000	NM_014181	29094	LGALS1	lectin, galac	-	GO:000551	GO:000562	18	18	1.02	0.03
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_006453	10607	TBL3	transducin	GO:000046	GO:000551	GO:000563	300	260	0.87	-0.20
H20001986	H200019865	ENSG0000	XM_006719	10220	GDF11	growth diff	GO:000150	GO:000512	GO:000557	52	48	0.93	-0.10
H30002070	H300020708	ENSG0000	NM_001001	6453	ITSN1	intersectin	GO:000726	GO:000508	GO:000582	137	203	1.48	0.57
H20001576	H200015765	ENSG0000	NM_006506	5922	RASA2	RAS p21 p	GO:000016	GO:000509	GO:000573	69	86	1.25	0.32
H20000324	H200003244	ENSG0000	XM_011523	3801	KIFC3	kinesin fam	GO:000701	GO:000377	GO:000579	1003	623	0.62	-0.69
H30000234	H300002344	ENSG0000	XM_011520	283316	CD163L1	CD163 mol	GO:000223	GO:000504	GO:000557	10	20	2.15	1.11
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_001135	4238	MFAP3	microfibrilla	GO:003019	-	GO:000557	139	117	0.84	-0.26
H20000964	H200009644	ENSG0000	NR_038270	81858	SHARPIN	SHANK ass	GO:000700	GO:000551	GO:000563	69	72	1.05	0.07
H20000778	H200007785	ENSG0000	XM_011517	55074	OXR1	oxidation re	GO:000697	GO:000367	GO:000557	109	124	1.14	0.19
H20000593	H200005931	ENSG0000	NM_001318	84259	DCUN1D5	defective ir	GO:000815	GO:000367	GO:000015	2014	1656	0.82	-0.28
H20001756	H200017563	ENSG0000	XM_005248	23787	MTCH1	mitochondr	GO:000681	GO:000551	GO:000562	895	912	1.02	0.03
H20000155	H200001558	ENSG0000	NM_080607	128434	VSTM2L	V-set and	GO:004352	GO:000551	GO:000557	70	59	0.84	-0.25
H20001325	H200013254	ENSG0000	XM_005271	63979	FIGL1	fidgetin like	GO:000164	GO:000028	GO:000022	187	170	0.91	-0.14
H20001256	H200012569	ENSG0000	NM_004085	1678	TIMM8A	translocase	GO:000662	GO:000551	GO:000573	232	208	0.90	-0.15
H20001773	H200017732	ENSG0000	NM_004187	8242	KDM5C	lysine deme	GO:000632	GO:000367	GO:000563	98	79	0.81	-0.31
H20000486	H200004862	ENSG0000	NR_036632	55592	GOLGA2P5	golgin A2 p	-	-	GO:000579	276	229	0.83	-0.27
H20001769	H200017693	ENSG0000	NM_018932	56124	PCDHB12	protocadhe	GO:000715	GO:000550	GO:0005887	integral component of plasma me			
H20001329	H200013292	ENSG0000	XM_011520	392	ARHGAP1	Rho GTPase	GO:000726	GO:000507	GO:000172	254	209	0.82	-0.29
H20000962	H200009628	ENSG0000	XM_005248	255488	RNF144B	ring finger	GO:000020	GO:000484	GO:0000151	ubiquitin l	9		
H20001128	H200011285	ENSG0000	XM_011520	51074	APIP	APAF1 inte	GO:000009	GO:000551	GO:000573	2037	1612	0.79	-0.34
H20000534	H200005349	ENSG0000	NM_001243	4931	NVL	nuclear VC	GO:004225	GO:000551	GO:000563	579	604	1.04	0.06
H20000783	H200007838	ENSG0000	XM_006710	85369	STRIP1	striatin inte	GO:002260	GO:000367	GO:000563	411	383	0.93	-0.10
H20000232	H200002327	ENSG0000	XM_011536	55727	BTBD7	BTB domai	GO:000727	-	GO:000563	79	84	1.06	0.08
H30002090	H300020904	ENSG0000	NM_018313	55193	PBRM1	polybromo	GO:000189	GO:000367	GO:000022	100	97	0.97	-0.04
H20001167	H200011675	ENSG0000	NM_001303	26548	ITGB1BP2	integrin sub	GO:000716	GO:000517	GO:003001	29	34	1.17	0.23
H20001382	H200013826	ENSG0000	NM_015650	26146	TRAF3IP1	TRAF3 inte	GO:000173	GO:000551	GO:000581	65	52	0.80	-0.31
H30002030	H300020300	ENSG0000	NM_014703	9730	VPRBP	Vpr (HIV-1	GO:000012	GO:000551	GO:000563	120	107	0.88	-0.18
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011518	9373	PLAA	phospholipa	GO:000664	GO:000551	GO:007006	116	156	1.35	0.44
H20000603	H200006031	ENSG0000	NM_181839	5569	PKIA	protein kin	GO:000012	GO:000486	GO:000563	42	41	0.97	-0.04
H20000767	H200007673	ENSG0000	NM_005603	5205	ATP8B1	ATPase ph	GO:000685	GO:000028	GO:000578	17	16	0.92	-0.12
H30000744	H300007444	ENSG0000	XM_011517	84988	PPP1R16A	protein pho	GO:005079	GO:000551	GO:000588	201	140	0.70	-0.52
H30000600	H300006008	ENSG0000	XM_005270	59338	PLEKHA1	pleckstrin	GO:000155	GO:000551	GO:000565	46	46	1.00	0.01
H30000166	H300001666	ENSG0000	NM_001335	1521	CTSW	cathepsin V	GO:000695	GO:000419	GO:000561	148	139	0.94	-0.09
H30000960	H300009605	ENSG0000	NM_001005	219952	OR6Q1	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:000588	24	25	1.04	0.06
H30000490	H300004909	ENSG0000	XM_011518	26248	OR2K2	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021 in			
H30000860	H300008600	ENSG0000	NM_001004	125963	OR1M1	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma m	8		
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_006110	10421	CD2BP2	CD2 (cytop	GO:000024	GO:000551	GO:000563	309	296	0.96	-0.06
H30001752	H300017525	ENSG0000	NM_020747	57507	ZNF608	zinc finger	-	GO:004687	-	20	21	1.07	0.09
H30000293	H300002934	ENSG0000	NM_001080	388381	C17orf98	chromosom	-	-	-		4		
H30000664	H300006648	ENSG0000	NM_152755	245812	CNPY4	canopy FG	-	GO:000510	GO:000557	43	45	1.03	0.05
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_022150	64111	NPVF	neuropepti	GO:000721	-	GO:0005576	extracellular region			
H30000164	H300001648	ENSG0000	NM_001022	6223	RPS19	ribosomal p	GO:000002	GO:000373	GO:000573	27	25	0.91	-0.13
opHsV0400	opHsV0400008	ENSG0000	NM_001010	161394	SAMD15	sterile alph	-	-	-		3		
H30000750	H300007501	ENSG0000	XM_011542	112937	GLB1L3	galactosida	GO:000597	GO:000456	-				
H30002198	H300021981	ENSG0000	XM_011538	88455	ANKRD13A	ankyrin rep	-	-	GO:000577	436	556	1.27	0.35
H30000496	H300004964	ENSG0000	NM_001124	80336	PABPC1L	poly(A) bin	GO:000155	GO:000016	GO:007006	14	38	2.73	1.45
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_011525	55556	ENOSF1	enolase su	GO:000906	GO:000028	GO:000557	593	733	1.23	0.30
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	NR_002144	407835	LOC407835	mitogen-ac	-	-	-	172	203	1.18	0.23
H30000014	H300000144	-	-	-	-	-	-	-	-		4		
H30001453	H300014536	ENSG0000	NM_212543	8702	B4GALT4	UDP-Gal:b	GO:000597	GO:000394	GO:000013	36	38	1.06	0.09
H30001900	H300019005	ENSG0000	NM_001171	91687	CENPL	centromere	GO:000027	GO:000551	GO:000077	194	238	1.23	0.30
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_032290	84250	SLF1	SMC5-SMC	GO:000628	GO:000551	GO:000078	94	83	0.88	-0.18
H30000691	H300006918	ENSG0000	NM_144980	168090	C6orf118	chromosom	-	-	-		5		
H20001028	H200010283	ENSG0000	XM_005266	221150	SKA3	spindle and	GO:000705	GO:000551	GO:000094	119	151	1.27	0.34
H20002126	H200021266	ENSG0000	XM_011515	136263	SSMEM1	serine-rich	-	-	GO:0016021	integral component of membrane			
H20002051	H200020517	ENSG0000	NM_144629	130132	RFTN2	raftlin famil	GO:003259	-	GO:0005737	cytoplasm	5		
H20001901	H200019012	ENSG0000	XM_006710	57648	KIAA1522	-	-	-	-	209	142	0.68	-0.55
H20002006	H200020068	ENSG0000	XM_005250	286053	NISMCE2	NSE2/MMS	GO:000072	GO:000551	GO:000078	499	403	0.81	-0.31
H30000335	H300003352	ENSG0000	NM_001004	219429	OR4C11	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021 in			
H30000567	H300005671	ENSG0000	NM_001004	440695	ETV3L	ETS varian	GO:000635	GO:000098	GO:000563	10	17	1.72	0.79
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_001130	284076	TTL6	tubulin tyr	GO:000157	GO:000551	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005874 microtubu			
H30000074	H300000742	ENSG0000	NM_144706	150590	C2orf15	chromosom	-	GO:004482	-		12		
H30000848	H300008489	ENSG0000	NM_001127	54790	TET2	tet methylc	GO:000182	GO:000367	-	4	10	2.69	1.43
H30000702	H300007026	ENSG0000	-	389246	VTI1BP2	vesicle trar	-	-	-	134	181	1.35	0.43
H30000191	H300001916	ENSG0000	XM_011521	374654	KIF7	kinesin fam	GO:000327	GO:000377	GO:000587	64	51	0.80	-0.32
H30001030	H300010303	ENSG0000	XR_930870	440026	TMEM41B	transmemb	GO:000739	-	GO:001602	150	203	1.35	0.44
H30002172	H300021725	ENSG0000	NM_000737	1082	CGB3	chorionic g	GO:000691	GO:000517	GO:000557	77	67	0.88	-0.19
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NR_040712	54108	CHRAC1	chromatin	GO:000633	GO:000367	GO:000862	93	111	1.20	0.27
H30000965	H300009657	ENSG0000	NM_032973	83259	PCDH11Y	protocadhe	GO:000715	GO:000550	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021 in			
H30001706	H300017064	ENSG0000	NM_001122	57553	MICAL3	microtubule	GO:000688	GO:000377	GO:000563	41	34	0.85	-0.24
opHsV0400	opHsV0400009	ENSG0000	XR_950914	105371131	LOC105371	uncharacte	-	-	-	9	14	1.52	0.61
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_000505	2161	F12	coagulation	GO:000235	GO:000425	GO:000557	267	158	0.59	-0.76
H30000730	H300007300	ENSG0000	NM_080473	140628	GATA5	GATA bind	GO:000636	GO:000097	GO:000563	41	30	0.74	-0.43
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_003370	7408	VASP	vasodilator	GO:000184	GO:000377	GO:000573	386	412	1.07	0.09
H30000013	H300000131	ENSG0000	NR_110862	101928663	LOC101928	uncharacte	-	-	-	2427	2558	1.05	0.08
H30001180	H300011800	ENSG0000	XM_006720	10965	ACOT2	acyl-CoA t	GO:000003	GO:000510	GO:000573	55	44	0.81	-0.31
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011535	27253	PCDH17	protocadhe	GO:000715	GO:000550	GO:0005886	plasma m	4		
H30001886	H300018861												

H20000876	H200008769	ENSG0000	NM_018439	55364	IMPACT	impact RW	GO:000012	GO:000367	GO:000557	18	30	1.66	0.74
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001316	51030	TVP23B	trans-golgi	-	-	GO:001602	278	304	1.09	0.13
H30000758	H300007588	-	NM_004942	1673	DEFB4A	defensin be	GO:000693	-	GO:0005576	6			
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001898	1469	CST1	cystatin SN	GO:000158	GO:000486	GO:0005615	3			
H30000473	H300004734	ENSG0000	NM_001100	201931	TMEM192	transmemb	-	GO:004280	GO:000563	178	130	0.73	-0.45
H30000095	H300000955	ENSG0000	NM_194293	165904	XIRP1	xin actin bi	GO:000750	GO:000377	GO:0030054	11			
H30000308	H300003083	ENSG0000	NM_001010	222584	FAM83B	family with	GO:000717	GO:000463	GO:0005737	6			
H30000867	H300008676	ENSG0000	NR_038392	119504	ANAPC16	anaphase p	GO:000027	-	GO:000565	2045	2721	1.33	0.41
H30002103	H300021039	ENSG0000	XM_006718	9702	CEP57	centrosom	GO:000006	GO:000551	GO:000563	571	630	1.10	0.14
H30002201	H300022018	ENSG0000	XR_933117	101927469	LOC10192	metacasp	-	-	-	1324	1163	0.88	-0.19
H30000522	H300005222	ENSG0000	XM_005255	23361	ZNF629	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	21	26	1.27	0.34
H20001438	H200014386	ENSG0000	NM_144645	132989	C4orf36	chromosom	-	-	-	11	13	1.27	0.34
H30001100	H300011000	ENSG0000	XM_011537	2196	FAT2	FAT atypic	GO:000715	GO:000550	GO:0005634	9			
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XM_011544	11178	LZTS1	leucine zip	GO:000635	GO:000367	GO:000573	5	12	2.18	1.12
H30000401	H300004017	ENSG0000	NM_174905	147965	FAM98C	family with	-	-	GO:007266	183	211	1.15	0.21
H30001296	H300012961	ENSG0000	NM_001306	9459	ARHGEF6	Rac/Cdc42	GO:000691	GO:000508	GO:000562	24	114	4.76	2.25
H30001932	H300019321	ENSG0000	NM_017895	55661	DDX27	DEAD-box	GO:000636	GO:000400	GO:000573	1379	1185	0.86	-0.22
H30000706	H300007064	-	NR_023311	7696	ZNF137P	zinc finger	-	-	-	20	30	1.52	0.60
H30001810	H300018107	ENSG0000	NM_005862	10274	STAG1	stromal ant	GO:000027	GO:000122	GO:000077	23	35	1.51	0.60
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_011542	9670	IPO13	importin 13	GO:000660	GO:000551	GO:000573	80	87	1.09	0.12
H30002005	H300020053	ENSG0000	NM_001308	55531	ELMOD1	ELMO dom	GO:003164	GO:000509	GO:0005654	nucleoplasm,GO:0005737	cytopla		
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_006714	57482	KIAA1211	KIAA1211	-	-	-	12	17	1.46	0.54
H20001021	H200010213	ENSG0000	NM_178833	133308	SLC9B2	solute carr	GO:000681	GO:001529	GO:000574	78	53	0.68	-0.55
H20001245	H200012453	ENSG0000	NM_020359	57047	PLSCR2	phospholipi	GO:001712	GO:000550	GO:0005634	nucleus,G	6		
H20001964	H200019642	-	NM_001142	84221	SPATC1L	spermatoge	GO:000815	GO:000367	GO:000557	478	301	0.63	-0.67
H20001067	H200010677	ENSG0000	NM_172369	714	C1QC	complemen	GO:000695	-	GO:000557	4	6	1.40	0.48
H20000247	H200002477	ENSG0000	NR_052013	51594	NBAS	neuroblast	GO:000095	GO:000014	GO:000578	357	533	1.49	0.58
H30000792	H300007927	ENSG0000	NM_001004	138882	OR1N2	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:000588	60	49	0.82	-0.29
H30001014	H300010146	ENSG0000	NM_001080	392465	GLOD5	glyoxalase	-	-	-	33	42	1.27	0.34
H30000841	H300008413	ENSG0000	-	378013	TSPY14P	testis spec	-	-	-		8		
H30000856	H300008564	ENSG0000	NM_201431	166824	RASSF6	Ras associ	GO:000691	GO:000551	-		5		
H30000701	H300007016	ENSG0000	NM_001004	81168	OR8J3	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma m	4		
opHsV0400	opHsV0400000	-	XM_011548	147798	TMC4	transmemb	GO:000681	-	GO:001602	49	42	0.86	-0.21
H30000333	H300003337	ENSG0000	XM_011539	142940	TRUB1	TruB pseud	GO:000640	GO:000372	-	188	182	0.97	-0.05
H30000710	H300007107	ENSG0000	XM_011539	118881	COMTD1	catechol-C	GO:003225	GO:000551	GO:000573	245	158	0.64	-0.63
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001127	2000	ELF4	E74 like ET	GO:000178	GO:000097	GO:000565	16	24	1.54	0.63
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_000490	551	AVP	arginine va	GO:000212	GO:000467	GO:000557	250	176	0.70	-0.51
H30001954	H300019549	ENSG0000	XM_005266	22894	DIS3	DIS3 homo	GO:000028	GO:000017	GO:000017	233	208	0.89	-0.17
opHsV0400	opHsV0400000	-	-	-	-	-	-	-	-		5		
H30000016	H300000168	ENSG0000	NM_019857	56474	CTPS2	CTP synth	GO:000622	GO:000388	GO:000573	218	231	1.06	0.08
H30001532	H300015326	ENSG0000	NM_020648	57045	TWSG1	twisted gas	GO:000150	GO:000551	GO:000561	177	168	0.95	-0.08
H30000400	H300004007	ENSG0000	NM_033257	85359	DGCR6L	DiGeorge s	-	GO:000551	GO:000563	301	272	0.90	-0.15
H30000056	H300000564	ENSG0000	XM_011517	64168	NECAB1	N-terminal	-	GO:000550	GO:000563	4	12	3.15	1.66
H30000575	H300005759	ENSG0000	XM_005255	7755	ZNF205	zinc finger	GO:000012	GO:000370	GO:000563	83	76	0.91	-0.14
H30002048	H300020489	ENSG0000	NR_130154	10056	FAR5B	phenylalan	GO:000641	GO:000028	GO:000573	1750	1513	0.86	-0.21
H30001685	H300016858	ENSG0000	NM_001256	51555	PEX5L	peroxisoma	GO:001656	GO:000026	GO:0005778	peroxisom	6		
H30001880	H300018806	ENSG0000	XM_011525	80279	CDK5RAP3	CDK5 regu	GO:000007	GO:000551	GO:000563	373	390	1.04	0.06
H30000598	H300005985	ENSG0000	NR_040586	64940	STAG3L4	stromal ant	-	-	-	572	608	1.06	0.09
H20001303	H200013034	ENSG0000	NR_130913	128229	TSACC	TSSK6 act	-	GO:000551	GO:000573	28	33	1.16	0.21
H20001669	H200016696	ENSG0000	NM_017741	54876	DCAF16	DDB1 and	GO:001656	GO:000551	GO:008000	383	336	0.88	-0.19
H20000733	H200007335	ENSG0000	NM_021182	57824	HMHB1	histocompa	GO:000225	-	-				
H20000313	H200003137	ENSG0000	NM_001168	150946	GAREM2	GRB2 asso	-	-	GO:007006	6	11	2.07	1.05
H20000621	H200006217	ENSG0000	NR_037567	740	MRPL49	mitochondr	GO:000699	GO:000373	GO:000574	601	426	0.71	-0.50
H30002216	H300022168	ENSG0000	NM_031935	83872	HMCN1	hemicentin	GO:000760	GO:000550	GO:000560	631	882	1.40	0.48
H30001947	H300019470	ENSG0000	XM_005252	51531	TRMO	tRNA meth	GO:003048	GO:001643	-	169	150	0.89	-0.17
H30002033	H300020339	ENSG0000	XM_011515	64759	TNS3	tensin 3	GO:000828	GO:000551	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005925	focal adh		
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_002776	5655	KLK10	kallikrein re	GO:000650	GO:000425	GO:000557	12	18	1.52	0.61
H30001915	H300019159	ENSG0000	NM_001286	51234	EMC4	ER membra	GO:000691	-	GO:001602	2188	1614	0.74	-0.44
opHsV0400	opHsV0400008	ENSG0000	XR_927163	102724668	DPY19L1P	DPY19L1 p	-	-	-	103	105	1.03	0.04
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_203436	121549	ASCL4	achaete-sd	GO:000635	GO:000367	GO:0005575	cellular_component,GO:0005634			
opHsV0400	opHsV0400002	-	NR_027457	338005	LINC00221	long interge	-	-	-	445	468	1.05	0.07
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_181617	337978	KRTAP21-	keratin ass	-	-	GO:000588	90	81	0.90	-0.15
H30000538	H300005380	ENSG0000	NR_002308	442454	UQCRCBP1	ubiquitin-c	-	-	-	999	1062	1.06	0.09
H30000386	H300003869	ENSG0000	NM_207328	150763	GPAT2	glycerol-3-	GO:000607	GO:000436	GO:0005739	mitochondr	3		
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_175735	254773	LYG2	lysozyme g	GO:000925	GO:000379	GO:0005576	extracellular region			
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_001318	64976	MRPL40	mitochondr	GO:000699	GO:000551	GO:000563	3832	2873	0.75	-0.42
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_001303	389649	C8orf86	chromosom	-	-	-	29	28	0.96	-0.05
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_152603	163081	ZNF567	zinc finger	GO:000012	GO:000370	GO:000563	39	50	1.28	0.36
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001290	1719	DHFR	dihydrofol	GO:000008	GO:000372	GO:000557	580	801	1.38	0.47
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_011521	283652	SLC24A5	solute carr	GO:000681	GO:000526	GO:0005802	trans-Gol	4		
opHsV0400	opHsV0400003	-	-	-	-	-	-	-	-	19	18	0.96	-0.05
H30001725	H300017253	ENSG0000	NM_001008	493829	TRIM72	tripartite m	GO:000177	GO:000178	GO:003065	12	13	1.08	0.11
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_152462	146861	SLC35G3	solute carr	-	-	GO:001602	25	20	0.80	-0.33
H30000667	H300006677	ENSG0000	NM_001005	79317	OR4K5	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:000588	6	9	1.62	0.70
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001033	342908	ZNF404	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus	5		
H30000078	H300000788	ENSG0000	NM_001005	282775	OR5J2	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in		
H30002146	H300021461	ENSG0000	NM_001256	2015	ADGRE1	adhesion G	GO:000225	GO:000493	GO:000588	88	69	0.79	-0.35
H30000647	H300006478	ENSG0000	-	390352	EEF1A1P3	eukaryotic	-	-	-	239	279	1.17	0.23
H30000727	H300007277	ENSG0000	-	255208	TUBB8P9	tubulin, bet	-	-	-	66	45	0.68	-0.56
H30002014	H300020143	ENSG0000	XR_950797	3687	ITGAX	integrin sub	GO:000715	GO:000487	GO:000588	78	72	0.92	-0.12
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_030568	80759	KHDC1	KH homolo	-	GO:000372	GO:001602	25	27	1.07	0.10
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NR_120480	3572	IL6ST	interleukin	GO:000267	GO:000489	GO:000557	6	20	3.48	1.80
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_020719	57479	PRR12	proline rich	-	GO:000367	-	92	53	0.58	-0.79
H30001990	H300019902	ENSG0000	NM_145799	23157	42619	septin 6	GO:000091	GO:000551	GO:000077	138	275	1.99	1.00
H30000620	H300006203	ENSG0000	XM_011521	338949	TMEM202	transmemb	-	-	GO:0016021	integral component of membrane			

H30000926	H300009265	ENSG0000	XM_011544	219438	OR5D18	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886 plasma m	3			
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XR_159115	100287497	LOC10028	uncharacte	-	-	-	25	39	1.57	0.65
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_030901	26333	OR7A17	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886 plasma m	3			
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_183353	51132	RLIM	ring finger	GO:000012	GO:000371	GO:000563	16327	10376	0.64	-0.65
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001004	440435	GPR179	G protein-c	GO:000718	GO:000493	GO:000588	10	14	1.31	0.38
H30000755	H300007559	ENSG0000	NM_001172	147694	ZNF548	zinc finger	GO:000635	GO:000097	GO:000563	33	40	1.23	0.29
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001077	255798	SMCO1	single-pass	-	-	GO:0016021 integral component of membrane				
H30001917	H300019174	ENSG0000	NM_023008	65095	KRI1	KRI1 homo	-	GO:004482	GO:000573	211	168	0.80	-0.32
H30000072	H300000725	ENSG0000	NM_152578	158521	FMR1NB	fragile X me	-	-	GO:000573	67	49	0.73	-0.46
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_006029	9240	PNMA1	paraneoplas	GO:000243	GO:000551	GO:000573	299	247	0.82	-0.28
H30000601	H300006018	ENSG0000	NM_173574	257101	ZNF683	zinc finger	GO:000177	GO:000367	GO:000563	12	14	1.18	0.24
H30000244	H300002444	ENSG0000	XM_005250	340359	KLHL38	kelch like f	GO:001656	GO:000484	GO:003146	79	58	0.73	-0.46
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_174909	153339	TMEM167A	transmemb	-	-	GO:000013	2128	1417	0.67	-0.59
H30000008	H300000088	ENSG0000	-	642443	ADH5P4	alcohol def	-	-	-	2494	1369	0.55	-0.86
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NR_033758	440574	MINOS1	mitochondr	GO:000815	GO:000367	GO:000573	7547	4854	0.64	-0.64
H30000972	H300009727	ENSG0000	XM_011537	153770	PLAC8L1	PLAC8-like	-	-	-	33	31	0.94	-0.09
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_153634	144402	CPNE8	copine 8	GO:000815	GO:000367	GO:007006	277	235	0.85	-0.24
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_011522	4629	MYH11	myosin, hea	GO:000693	GO:000377	GO:0005829 cytosol,GO:0005859 muscle myo				
H30001930	H300019308	ENSG0000	NM_032151	84105	PCBD2	pterin-4 al	GO:000672	GO:000450	GO:000557	282	298	1.06	0.08
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001160	81030	ZBP1	Z-DNA bin	GO:000815	GO:000367	GO:0005634 nucleus,G	6			
H30001982	H300019826	ENSG0000	NM_001142	5033	P4HA1	prolyl 4-hy	GO:001840	GO:000465	GO:000573	283	340	1.20	0.26
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	-	7120	TMSB4XP6	thymosin b	-	-	-	15188	21048	1.39	0.47
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001144	57495	NWD2	NACHT an	-	-	-				
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_181840	338567	KCNK18	potassium	GO:000681	GO:000526	GO:0005886 plasma m	6			
opHsV0400	opHsV0400008	ENSG0000	NM_019090	54627	MAP10	microtubule	GO:003112	GO:000801	GO:000581	12	25	2.07	1.05
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NR_037583	93273	LEM1	LEM domai	-	-	GO:0016021 integral component of membrane				
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_011545	283897	C16orf54	chromosom	-	-	GO:001602	23	22	0.96	-0.06
H30000462	H300004625	ENSG0000	NM_201286	158880	USP51	ubiquitin sp	GO:000635	GO:000484	GO:0000124 SAGA co	13			
H30000269	H300002690	-	NM_181489	353274	ZNF445	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634 nucleus,G	14			
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	-	-	CTB-147C	-	-	-	-	1210	687	0.57	-0.82
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	-	100421178	PGAM4P1	phosphogly	-	-	-				
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NR_026960	284836	LINC00319	long interge	-	-	-	5	7	1.41	0.49
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	-	-	RP11-964E	-	-	-	-		3		
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	-	-	RP1-202I2	-	-	-	-	55	51	0.92	-0.13
H30000172	H300001728	-	-	-	-	-	-	-	-	7824	6478	0.83	-0.27
H30000264	H300002649	ENSG0000	XM_011517	51115	RMDN1	regulator o	-	-	GO:000092	664	741	1.12	0.16
H30000629	H300006294	ENSG0000	NM_015343	23399	CTDNEP1	CTD nuclea	GO:000027	GO:000472	GO:000563	764	815	1.07	0.09
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001287	728597	DCDC2C	doublecort	GO:003555	-	GO:0005622 intracellul	10			
opHsV0400	opHsV0400009	ENSG0000	NM_148842	81554	WBSR16	Williams-B	GO:000815	GO:004482	GO:000557	410	309	0.75	-0.41
H30000203	H300002036	-	XM_011549	105369258	LOC10536	arf-GAP w	-	-	-	292	319	1.09	0.13
H30000117	H300001170	ENSG0000	XM_011539	142827	ACSM6	acyl-CoA s	GO:000663	GO:000552	GO:0005739 mitochon	9			
H30000360	H300003607	ENSG0000	XR_949902	338692	ANKRD13C	ankyrin rep	-	-	GO:000577	73	70	0.96	-0.06
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_017631	55601	DDX60	DEXD/H-b	GO:000815	GO:000369	GO:0005737 cytoplasm	4			
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001199	60401	EDA2R	ectodyspla	GO:000727	GO:000487	GO:0005622 intracellul	12			
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001645	341	APOC1	apolipoprot	GO:000662	GO:000485	GO:000578	4542	4575	1.01	0.01
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XR_245956	7181	NR2C1	nuclear rec	GO:000012	GO:000097	GO:000565	162	164	1.01	0.02
H30001899	H300018994	ENSG0000	XM_011537	83544	DNAL1	dynein axon	-	-	-	62	63	1.01	0.02
H30001002	H300010028	ENSG0000	NR_027480	404785	POTEG	POTE anky	-	-	-	18	32	1.77	0.82
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_174901	171484	FAM9C	family with	GO:000728	GO:000551	GO:0005634 nucleus	5			
opHsV0400	opHsV0400002	-	XM_011520	728715	LOC72871	ovostatin h	-	-	-	72	88	1.21	0.28
H30000105	H300001055	ENSG0000	XM_011549	101930168	LOC10193	putative ac	-	-	-	6	11	1.93	0.95
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001005	390326	OR6C76	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886 plasma membrane,GO:0016021 in				
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001098	6345	SRL	sarcalumen	-	GO:000552	GO:0033018 sarcoplasmic reticulum lumen				
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_011520	338440	ANO9	anoctamin	GO:000682	GO:000522	GO:0005622 intracellul	16			
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NR_001537	83868	TTY13	testis-spec	-	-	-	56	52	0.92	-0.12
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NR_003661	388165	UBE2Q2P1	ubiquitin cc	-	-	-	47	35	0.74	-0.43
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	-	100130277	CDC27P2	cell divisio	-	-	-				
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NR_026749	391037	SKINT1L	Skint1 like	-	-	GO:0016021 integral component of membrane				
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NR_002830	492303	GEMIN8P4	gem nuclea	-	-	-	150	123	0.82	-0.29
H30000942	H300009422	ENSG0000	-	-	RP11-69M	-	-	-	-	7003	4105	0.59	-0.77
H30000026	H300000268	ENSG0000	XM_011515	222171	PRR15	proline rich	GO:000727	-	-	110	82	0.74	-0.44
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_000196	3291	HSD11B2	hydroxyste	GO:000166	GO:000384	GO:000578	21	22	1.03	0.04
H30000550	H300005503	ENSG0000	-	100420046	PRELID1P	PRELI dom	-	-	-	218	149	0.68	-0.55
H30000897	H300008974	ENSG0000	NM_145652	149708	WFDC5	WAP four-	GO:001095	GO:000486	GO:000557	27	24	0.88	-0.18
H30000520	H300005206	ENSG0000	XM_011534	220416	LRRC63	leucine rich	-	-	-				
H30000749	H300007495	ENSG0000	XR_242715	399716	LOC39971	uncharacte	-	-	-		5		
H30000028	H300000287	ENSG0000	XM_005257	283985	FADS6	fatty acid d	GO:000663	GO:001649	GO:001602	5	9	1.65	0.72
H30000315	H300003155	ENSG0000	-	-	AC078899	-	-	-	-	1139	1799	1.58	0.66
H30000007	H300000073	ENSG0000	NM_001012	494514	TYMSOS	TYMS opp	-	GO:000551	-	359	417	1.16	0.21
H30000799	H300007990	ENSG0000	XM_011542	160140	C11orf65	chromosom	-	GO:000551	-	57	55	0.96	-0.06
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_198152	257313	UTS2B	urotensin 2	GO:000821	GO:000166	GO:000557	7	17	2.40	1.26
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_178428	353139	LCE2A	late cornifi	GO:001814	GO:000519	GO:000153	7	11	1.71	0.77
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XM_006721	404550	C16orf74	chromosom	-	-	-	22	18	0.82	-0.28
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_001308	125476	INO80C	INO80 com	GO:000628	GO:000367	GO:000573	595	573	0.96	-0.05
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001301	114805	GALNT13	polypeptide	GO:000649	GO:000465	GO:000013	9	11	1.19	0.25
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001098	341208	HEPHE1	hephaestin	GO:000682	GO:000432	GO:0016021 integral component of membrane				
opHsV0400	opHsV0400001	-	NR_003666	441251	SPDYE7P	speedy/RIN	GO:004585	GO:001990	-	12	13	1.13	0.17
H30002119	H300021195	ENSG0000	NR_135013	80765	STAR5	StAR relat	GO:000670	GO:003205	GO:000582	15	14	0.94	-0.09
H30002119	H300021190	ENSG0000	NM_005026	5293	PIK3CD	phosphatid	GO:000177	GO:000551	GO:000582	85	82	0.96	-0.05
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_006167	4824	NKX3-1	NK3 homeo	GO:000165	GO:000097	GO:0005622 intracellul	9			
H30002106	H300021069	ENSG0000	XM_011521	123169	LEO1	LEO1 homo	GO:000171	GO:000551	GO:000565	404	337	0.83	-0.26
H30001311	H300013119	ENSG0000	NM_198681	57449	PLEKHG5	pleckstrin P	GO:000726	GO:000487	GO:000573	12	16	1.35	0.43
H30002077	H300020774	ENSG0000	NM_004423	1857	DVL3	dishevelled	GO:000193	GO:000202	GO:000079	155	103	0.66	-0.59
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001292	125488	TTC39C	tetratricop	-	-	-				
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NR_029192	100133315	LOC10013	transient re	GO:000001	GO:000368	GO:000563	46	40	0.87	-0.21
opHsV0400	opHsV0400005	-	XM_006725	439915	KRTAP5-5	keratin ass	-	-	GO:004509	189	161	0.85	-0.23
H30000992	H300009923	-	NM_013937	26531	OR11A1	olfactory re	GO:000716	GO:000493	GO:000588	22	24	1.12	0.17
H300015													

H30001830	H300018301	ENSG0000	NM_153742	1491	CTH	cystathionil	GO:000009	GO:000412	GO:000563	803	1950	2.43	1.28
opHsV0400	opHsV0400010	ENSG0000	NR_038352	167227	DCP2	decapping f	GO:000018	GO:000372	GO:000093	1108	1348	1.22	0.28
opHsV0400	opHsV0400012	ENSG0000	XM_011534	8728	ADAM19	ADAM met	GO:000650	GO:000422	GO:000579	14	19	1.32	0.40
H30002223	H300022239	ENSG0000	NM_030923	81615	TMEM163	transmemb	-	GO:000827	GO:003005	36	34	0.93	-0.10
H30002045	H300020455	ENSG0000	NM_001093	79839	CCDC102E	coiled-coil	-	-	-	13	20	1.53	0.61
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_005256	10609	P3H4	prolyl 3-hy	GO:000713	-	GO:0000794	condense	9		
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001002	127254	ERICH3	glutamate r	-	-	-		4		
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_011542	105378952	KLF18	Kruppel-lik	-	-	-	18	16	0.93	-0.10
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_000208	3643	INSR	insulin rece	GO:000018	GO:000471	GO:0005634	nucleus,GO:0005829	cytosol,GO:		
H30002122	H300021222	ENSG0000	XR_937664	105372779	LOC10537	uncharacte	-	-	-	185	123	0.66	-0.59
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001308	153579	BTNL9	butyrophilir	-	-	GO:0016021	integral c	3		
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001318	360	AQP3	aquaporin 3	GO:000268	GO:000521	GO:000563	211	99	0.47	-1.09
H30001980	H300019807	ENSG0000	NM_020971	57731	SPTBN4	spectrin be	GO:000016	GO:000377	GO:000573	37	35	0.95	-0.07
H30002072	H300020720	ENSG0000	XM_011509	117145	THEM4	thioesteras	GO:000663	GO:001629	GO:000573	364	302	0.83	-0.27
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XR_947000	101927806	LOC10192	uncharacte	-	-	-		4		
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	-	-	CTB-25J1	-	-	-	-	6	9	1.45	0.54
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001005	390260	OR6X1	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma m	4		
H30002030	H300020302	ENSG0000	NM_134425	10861	SLC26A1	solute carr	GO:000597	GO:000525	GO:000588	7	13	1.91	0.93
H30001991	H300019914	ENSG0000	NM_022731	64710	NUCKS1	nuclear cas	GO:000636	GO:000107	GO:000563	5674	6182	1.09	0.12
H20001103	H200011033	ENSG0000	XM_011545	932	MS4A3	membrane	GO:005172	GO:000551	GO:001250	230	1399	6.08	2.60
H20000283	H200002834	ENSG0000	NM_001142	63901	FAM111A	family with	GO:000626	GO:000551	GO:000078	127	129	1.02	0.02
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_021184	57827	C6orf47	chromosom	-	-	GO:000573	34	42	1.26	0.33
H30000088	H300000884	ENSG0000	NM_017654	54809	SAMD9	sterile alph	-	GO:000551	GO:000573	11	24	2.16	1.11
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_006718	159963	SLC5A12	solute carr	GO:000681	GO:001512	GO:001602	4	11	2.57	1.36
H30002037	H300020379	ENSG0000	XR_928357	84294	UTP23	UTP23, sm	GO:000636	GO:000551	GO:000573	457	337	0.74	-0.44
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011538	283385	MORN3	MORN repe	-	GO:000551	GO:0005634	nucleus	9		
H30001494	H300014940	ENSG0000	NM_032047	84002	B3GNT5	UDP-GlcN	GO:000648	GO:000837	GO:000013	220	243	1.10	0.14
H30002140	H300021405	ENSG0000	NM_174933	254295	PHYHD1	phytanoyl-	GO:005511	GO:000551	-	212	165	0.78	-0.36
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	-	100507490	ZNF859P	zinc finger	-	-	-	6	8	1.29	0.37
H30002124	H300021245	ENSG0000	NM_079420	4632	MYL1	myosin ligh	GO:000693	GO:000550	GO:0005829	cytosol,G	6		
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_006715	222223	KIAA1324L	KIAA1324-	-	-	GO:001602	134	158	1.17	0.23
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_021973	9464	HAND2	heart and r	GO:000152	GO:000097	GO:000079	46	39	0.85	-0.23
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NR_045602	79623	GALNT14	polypeptid	GO:000649	GO:000465	GO:0000139	Golgi membra	GO:0016021	inte	
H30001069	H300010694	ENSG0000	XR_950847	78994	PRR14	proline rich	-	-	-	15	15	0.97	-0.04
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NR_024333	147727	ILF3-AS1	ILF3 antise	-	-	-	176	187	1.06	0.09
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NR_027687	284739	LINC00176	long interge	-	-	-				
H30000220	H300002208	-	-	-	-	-	-	-	-		17		
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_011518	377841	ENTPD8	ectonucleo	GO:000912	GO:000552	GO:000588	43	44	1.02	0.03
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_178537	338707	B4GALNT4	beta-1,4-N	GO:000815	GO:000837	GO:001602	170	110	0.65	-0.63
H20000283	H200002833	ENSG0000	XM_011538	91574	C12orf65	chromosom	GO:007012	GO:000404	GO:000573	445	470	1.06	0.08
H20000569	H200005697	ENSG0000	NM_007158	7812	CSDE1	cold shock	GO:000635	GO:000367	GO:000573	5143	4021	0.78	-0.36
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_001291	100133941	CD24	CD24 mole	GO:000166	GO:000487	GO:000562	2190	3093	1.41	0.50
opHsV0400	opHsV0400010	ENSG0000	XM_011544	11030	RBPMS	RNA bindin	GO:000039	GO:000016	GO:0005654	nucleoplasm,GO:0005737	cytopla		
H30000042	H300000426	ENSG0000	XM_011509	353299	RGSL1	regulator o	GO:004354	GO:000509	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005886	plasma m		
H30002030	H300020309	ENSG0000	NM_173662	285533	RNF175	ring finger	GO:001656	GO:000551	GO:0000139	Golgi men	5		
H30001951	H300019519	ENSG0000	XM_011539	51008	ASCC1	activating s	GO:000628	GO:000372	GO:000565	593	823	1.39	0.47
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001308	152002	XXYL1	xyloside xy	GO:000815	GO:001676	GO:000578	98	104	1.06	0.09
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XM_011518	158399	ZNF483	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	10	6	0.58	-0.78
H30002128	H300021281	ENSG0000	XM_005257	283987	HID1	HID1 doma	GO:000688	GO:000551	GO:000013	77	65	0.85	-0.24
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001161	162963	ZNF610	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus			
H30002089	H300020891	ENSG0000	NM_001077	78987	CRELD1	cysteine ric	GO:000319	GO:000550	GO:001602	76	118	1.56	0.65
H30002084	H300020849	ENSG0000	NR_133933	133015	PACRGL	PARK2 co-	-	GO:000551	-	261	200	0.77	-0.38
H30002060	H300020608	ENSG0000	XM_011516	286148	DPY19L4	dpy-19 like	GO:001840	GO:000003	GO:000563	105	143	1.36	0.45
H30002285	H300022856	ENSG0000	NM_130773	129684	CNTNAP5	contactin a	GO:000715	-	GO:001602	4	8	2.04	1.03
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NR_027916	340811	AKR1C8P	aldo-keto r	GO:005511	GO:001649	GO:000573	6	16	2.61	1.38
H30000003	H300000034	ENSG0000	-	-	AC007163.	-	-	-	-	203	210	1.03	0.05
H30000730	H300007308	ENSG0000	NM_198457	162966	ZNF600	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	167	210	1.26	0.33
CHsGV100	CHsGV1000001	ENSG0000	NM_033625	6164	RPL34	ribosomal p	GO:000018	GO:000372	GO:000573	530	648	1.22	0.29
H30002010	H300020102	ENSG0000	XM_011535	5925	RB1	retinoblast	GO:000007	GO:000104	GO:000078	270	334	1.24	0.31
H30001590	H300015904	ENSG0000	NM_001317	5905	RANGAP1	Ran GTPas	GO:000027	GO:000509	GO:000077	357	334	0.94	-0.10
CHsGV100	CHsGV100035	ENSG0000	NM_001164	5724	PTAFR	platelet-ac	GO:000181	GO:000153	GO:0005654	nucleopla	9		
H20001625	H200016251	ENSG0000	XM_011520	5702	PSMC3	proteasome	GO:000008	GO:000371	GO:000050	2664	2721	1.02	0.03
H30001628	H300016289	ENSG0000	NM_001317	72720	GLB1	galactosida	GO:000597	GO:000456	GO:000573	839	967	1.15	0.20
AHsV1000	AHsV10001017	ENSG0000	NM_001242	2690	GHR	growth hor	GO:000018	GO:000489	GO:0005576	extracellular region,GO:0005615			
CHsGV100	CHsGV100017	ENSG0000	NM_002023	2331	FMOD	fibromoduli	GO:000597	GO:000820	GO:000557	30	31	1.02	0.03
CHsGV100	CHsGV100017	ENSG0000	NM_005511	2315	MLANA	melan-A	-	GO:000551	GO:0005789	endoplasmic reticulum membrane			
H20000390	H200003905	ENSG0000	NM_172110	2139	EYA2	EYA trans	GO:000628	GO:000028	GO:0005654	nucleoplasm,GO:0005739	mitoch		
AHsV1000	AHsV10002990	ENSG0000	XM_011542	2113	ETS1	ETS proto-	GO:000166	GO:000098	GO:0005634	nucleus,G	15		
H20000056	H200000562	ENSG0000	NM_001178	1950	EGF	epidermal g	GO:000016	GO:000515	GO:000557	268	160	0.60	-0.75
H20000619	H200006199	ENSG0000	XM_005251	1902	LPAR1	lysophosph	GO:000018	GO:000196	GO:0005768	endosome,GO:0005829	cytosol,G		
H20001103	H200011031	ENSG0000	NM_002652	5304	PIP	prolactin-ir	GO:000158	GO:000194	GO:0005576	extracellular region,GO:0005615			
H20000865	H200008658	ENSG0000	XM_011538	5128	CDK17	cyclin-depe	GO:000646	GO:000467	-	277	231	0.83	-0.26
H20000628	H200006282	ENSG0000	NM_000624	5104	SERPINA5	serpin pept	GO:000686	GO:000197	GO:000208	52	47	0.91	-0.14
H30001970	H300019709	ENSG0000	NM_001242	4898	NRDC	nardilysin c	GO:000650	GO:000422	GO:000582	1506	1406	0.93	-0.10
CHsGV100	CHsGV100013	ENSG0000	NM_002521	4879	NPPB	natriuretic	GO:000618	GO:000510	GO:000557	15	12	0.82	-0.29
CHsGV100	CHsGV100037	ENSG0000	XM_005255	1723	DHODH	dihydroorot	GO:000620	GO:000415	GO:000565	398	268	0.67	-0.57
H20000453	H200004537	ENSG0000	NM_004398	1662	DEAD10	DEAD-box	GO:001050	GO:000372	-	626	427	0.68	-0.55
CHsGV100	CHsGV100018	ENSG0000	NM_001044	1456	CSNK1G3	casein kina	GO:000646	GO:000467	GO:000573	230	259	1.13	0.17
CHsGV100	CHsGV100011	ENSG0000	NM_000496	1415	CRYBB2	crystallin b	GO:000760	GO:000519	-	133	152	1.14	0.19
CHsGV100	CHsGV100015	ENSG0000	XM_011524	1213	CLTC	clathrin he	GO:000164	GO:000372	GO:000581	2105	2185	1.04	0.05
AHsV1000	AHsV10001234	ENSG0000	XM_011522	1186	CLCN7	chloride vo	GO:000681	GO:000524	GO:000576	54	43	0.80	-0.33
H20000634	H200006347	ENSG0000	NM_004359	997	CDC34	cell divisio	GO:000008	GO:000484	GO:000563	2135	1589	0.74	-0.43
H20001101	H200011012	ENSG0000	NM_001252	970	CD70	CD70 mole	GO:000695	GO:000202	GO:000561	23	27	1.15	0.20
H20000054	H200000545	ENSG0000	XM_011521	6095									

H20000607	H200006076	ENSG0000	XM_011521	2628	GATM	glycine ami	GO:000659	GO:001506	GO:000574	8	15	1.83	0.87	
CHsGV100	CHsGV1000344	ENSG0000	XM_011520	2288	FKBP4	FK506 bind	GO:000041	GO:000375	GO:000565	1452	829	0.57	-0.81	
H30002262	H300022625	ENSG0000	XM_011544	2260	FGFR1	fibroblast g	GO:000012	GO:000194	GO:000557	126	105	0.83	-0.27	
H20001214	H200012146	ENSG0000	NM_004450	2079	ERH	enhancer o	GO:000164	GO:000551	GO:001602	3789	3586	0.95	-0.08	
H20000003	H200000037	ENSG0000	NM_001256	2053	EPHX2	epoxide hy	GO:000680	GO:000028	GO:000573	317	261	0.82	-0.28	
H20000280	H200002809	ENSG0000	NM_000113	1861	TOR1A	torsin famil	GO:000033	GO:000551	GO:000563	992	1142	1.15	0.20	
AHsV1000	AHsV10002036	ENSG0000	NM_001256	1838	DTNB	dystrobre	-	GO:000551	GO:0005737	cytoplasm	3			
H20000648	H200006482	ENSG0000	XM_011523	5257	PHKB	phosphoryl	GO:000597	GO:000468	GO:000582	693	814	1.17	0.23	
H30001882	H300018821	-	XM_005252	5080	PAX6	paired box	GO:000012	GO:000097	GO:000079	260	318	1.22	0.29	
H20000130	H200001306	ENSG0000	NM_001145	5050	PAFAH1B3	platelet act	GO:000662	GO:000384	GO:000573	984	597	0.61	-0.72	
CHsGV100	CHsGV1000356	ENSG0000	NM_000905	4852	NPY	neuropepti	GO:000187	GO:000166	GO:0005576	extracellular region,GO:0005615				
AHsV1000	AHsV10001683	ENSG0000	NM_005009	4833	NME4	NME/NM23	GO:000616	GO:000455	GO:000573	1045	838	0.80	-0.32	
AHsV1000	AHsV10001653	ENSG0000	NR_033935	1639	DCTN1	dynactin su	GO:000008	GO:000377	GO:000077	63	77	1.22	0.29	
AHsV1000	AHsV10003560	ENSG0000	NM_001291	1611	DAP	death-ass	GO:000691	GO:007051	-	592	579	0.98	-0.03	
CHsGV100	CHsGV1000224	ENSG0000	NM_001311	1396	CRIP1	cysteine ric	GO:000695	GO:000368	GO:000573	12	19	1.57	0.65	
H30001519	H300015191	ENSG0000	NM_001291	1370	CPN2	carboxypep	GO:005079	GO:003023	GO:000557	88	78	0.89	-0.16	
CHsGV100	CHsGV100004	ENSG0000	NM_001300	1155	TBCB	tubulin fold	GO:000739	GO:000551	GO:000565	940	829	0.88	-0.18	
H20001605	H200016054	ENSG0000	XM_011515	1129	CHRM2	cholinergic	GO:000694	GO:000814	GO:000588	7	11	1.64	0.71	
H20001385	H200013851	ENSG0000	NM_001040	951	CD37	CD37 mole	GO:000263	GO:000551	GO:000177	94	72	0.77	-0.38	
H20000714	H200007145	ENSG0000	NR_027353	925	CD8A	CD8a mole	GO:000245	GO:000551	GO:0005576	extracellular region,GO:0005886				
H20000649	H200006498	ENSG0000	NM_002926	6002	RGS12	regulator o	GO:000635	GO:000196	GO:000079	20	24	1.20	0.27	
H20000668	H200006684	ENSG0000	NM_005049	5822	PWP2	PWP2 peric	GO:000002	GO:003051	GO:003204	2202	1231	0.56	-0.84	
AHsV1000	AHsV10000053	ENSG0000	NM_001199	5798	PTPRN	protein tyr	GO:000030	GO:000472	GO:0005768	endosome	12			
CHsGV100	CHsGV1000172	ENSG0000	NM_004158	5623	PSPN	persephin	GO:000165	GO:000510	GO:000561	22	21	0.94	-0.09	
H20001677	H200016772	ENSG0000	XM_005254	5597	MAPK6	mitogen-ac	GO:000016	GO:000467	GO:000563	1285	984	0.77	-0.39	
H20000682	H200006820	ENSG0000	NM_138924	2593	GAMT	guanidinoac	GO:000659	GO:000816	GO:000563	621	394	0.63	-0.66	
H20000571	H200005719	ENSG0000	NM_014211	2568	GABRP	gamma-am	GO:000716	GO:000489	GO:0030054	cell junction,GO:0034707	chloride			
H20001233	H200012336	ENSG0000	NM_001308	2241	FER	FER tyrosin	GO:000022	GO:000471	GO:000079	45	46	1.01	0.02	
CHsGV100	CHsGV1000021	ENSG0000	XM_011544	2206	MS4A2	membrane	GO:000695	GO:001986	GO:000588	10	18	1.84	0.88	
AHsV1000	AHsV10001330	ENSG0000	NM_012156	2036	EPB41L1	erythrocyte	GO:000726	GO:000377	GO:0005829	cytosol,G	8			
H20001677	H200016771	ENSG0000	NM_001426	2019	EN1	engrailed h	GO:000012	GO:000097	GO:000563	443	330	0.74	-0.43	
H30002047	H300020476	ENSG0000	NM_033663	1814	DRD3	dopamine r	GO:000012	GO:000158	GO:000588	97	84	0.86	-0.21	
AHsV1000	AHsV10000237	ENSG0000	NM_001318	1796	DOK1	docking pro	GO:000716	GO:000505	GO:000563	633	674	1.06	0.09	
H20000985	H200009859	ENSG0000	NM_012394	5202	PFDN2	prefoldin su	GO:000645	GO:000551	GO:000563	4512	3780	0.84	-0.26	
H20000454	H200004546	ENSG0000	XR_934030	5023	P2RX1	purinergic r	GO:000255	GO:000161	GO:000563	13	41	3.19	1.67	
H30000402	H300004024	ENSG0000	NM_002551	4995	OR3A2	olfactory re	GO:000716	GO:000487	GO:000588	5	13	2.30	1.20	
CHsGV100	CHsGV1000173	ENSG0000	NM_002508	4811	NID1	nidogen 1	GO:000716	GO:000550	GO:0005576	extracellu	5			
H20000666	H200006664	ENSG0000	NM_001290	4783	NFIL3	nuclear fac	GO:000012	GO:000097	GO:000563	128	172	1.34	0.42	
H20000035	H200000357	ENSG0000	NM_000102	1586	CYP17A1	cytochrom	GO:000669	GO:000450	GO:0005739	mitochon	7			
CHsGV100	CHsGV1000016	ENSG0000	XM_011522	1535	CYB	cytochrom	GO:000193	GO:000551	GO:000573	2900	2506	0.86	-0.21	
H20000035	H200000351	ENSG0000	NM_001862	1329	COX5B	cytochrom	GO:000636	GO:000412	GO:000573	6107	4582	0.75	-0.41	
H20000837	H200008372	ENSG0000	NM_000493	1300	COL10A1	collagen ty	GO:000150	GO:000551	GO:0005576	extracellular region,GO:0005578				
H20000318	H200003180	ENSG0000	NM_001270	1105	CHD1	chromodom	GO:000635	GO:000367	GO:000563	677	586	0.87	-0.21	
AHsV1000	AHsV10003251	ENSG0000	NM_001813	1062	CENPE	centromere	GO:000027	GO:000377	GO:000077	401	513	1.28	0.36	
AHsV1000	AHsV10000176	ENSG0000	NM_001765	911	CD1C	CD1c mole	GO:000225	GO:003088	GO:0005764	lysosome	3			
H20000005	H200000057	ENSG0000	XM_011520	887	CCKBR	cholecysto	GO:000169	GO:000443	GO:0005829	cytosol,G	8			
CHsGV100	CHsGV1000231	ENSG0000	NM_002906	5962	RDX	radixin	GO:000836	GO:000377	GO:000172	357	424	1.19	0.25	
H30001885	H300018852	ENSG0000	XR_931520	5777	PTPN6	protein tyr	GO:000292	GO:000178	GO:000563	67	89	1.32	0.40	
H30002076	H300020761	ENSG0000	NM_001184	5745	PTH1R	parathyroid	GO:000150	GO:000499	GO:000563	4	10	2.19	1.13	
H20000069	H200000697	ENSG0000	NM_002739	5582	PRKCG	protein kin	GO:000646	GO:000467	GO:000562	14	17	1.17	0.22	
H20000059	H200000593	ENSG0000	NM_006252	5563	PRKAA2	protein kin	GO:000611	GO:000368	GO:0005654	nucleopla	8			
H30001841	H300018416	ENSG0000	XM_005266	2534	FYN	FYN proto-	GO:000016	GO:000166	GO:000563	105	125	1.19	0.26	
H20001389	H200013897	ENSG0000	NM_001463	2487	FRZB	frizzled-rel	GO:000150	GO:000493	GO:000561	13	22	1.71	0.77	
H20000157	H200001576	ENSG0000	NM_004629	2189	FANCG	Fanconi an	GO:000007	GO:000368	GO:000565	79	83	1.05	0.07	
H20000701	H200007014	ENSG0000	NM_001442	2167	FABP4	fatty acid b	GO:000181	GO:000521	GO:0005634	nucleus,G	4			
H20001396	H200013965	ENSG0000	XM_011534	1997	ELF1	E74 like ET	GO:000181	GO:000097	GO:000563	1187	1034	0.87	-0.20	
H20000797	H200007979	ENSG0000	NM_004431	1969	EPHA2	EPH recep	GO:000150	GO:000471	GO:000562	27	27	1.00	0.00	
H20001186	H200011864	ENSG0000	XM_006720	1773	DNASE1	deoxyribon	GO:000630	GO:000377	GO:000557	13	16	1.27	0.34	
AHsV1000	AHsV10002453	ENSG0000	XM_011544	1740	DLG2	discs large	GO:000726	GO:000438	GO:000588	26	30	1.15	0.20	
H20000278	H200002780	ENSG0000	NM_001315	15152	PDE9A	phosphodie	GO:000716	GO:000411	GO:0005783	endoplasm	4			
H20000603	H200006032	ENSG0000	NM_001287	4953	ODC1	ornithine d	GO:000182	GO:000458	GO:000557	9931	6279	0.63	-0.66	
H20000680	H200006806	ENSG0000	NM_006183	4922	NTS	neurotensin	GO:000188	GO:000518	GO:000557	68	96	1.41	0.49	
AHsV1000	AHsV10003405	ENSG0000	NM_001199	4750	NEK1	NIMA relat	GO:000182	GO:000467	GO:000024	60	118	1.97	0.98	
H20001165	H200011656	ENSG0000	NM_182739	4712	NDUFB6	NADH:ubiq	GO:000612	GO:000813	GO:000565	1884	1578	0.84	-0.26	
H20001993	H200019931	ENSG0000	NM_001909	1509	CTSD	cathepsin L	GO:000650	GO:000419	GO:000557	133	114	0.85	-0.23	
AHsV1000	AHsV10002974	ENSG0000	NM_004388	1486	CTBS	chitobiase	GO:000603	GO:000456	GO:000561	99	205	2.08	1.05	
AHsV1000	AHsV10000953	ENSG0000	NM_001846	1284	COL4A2	collagen ty	GO:000152	GO:000520	GO:000557	35	43	1.23	0.30	
AHsV1000	AHsV10000825	ENSG0000	XM_011519	1262	CNGA4	cyclic nucl	GO:000699	GO:000522	GO:0000139	Golgi men	4			
H20000394	H200003940	ENSG0000	NM_001800	1032	CDKN2D	cyclin-dep	GO:000007	GO:000466	GO:000563	73	89	1.23	0.30	
H20000280	H200002802	ENSG0000	XM_011537	1017	CDK2	cyclin-dep	GO:000008	GO:000466	GO:000030	730	619	0.85	-0.24	
CHsGV100	CHsGV1000210	ENSG0000	XM_006721	863	CBFA2T3	core-bindir	GO:000012	GO:000368	GO:000013	297	287	0.97	-0.05	
AHsV1000	AHsV10000619	ENSG0000	NR_111983	841	CASP8	caspase 8	GO:000152	GO:000419	GO:0005654	nucleopla	21			
CHsGV100	CHsGV1000153	ENSG0000	NM_019858	27239	GPR162	G protein-c	GO:000718	GO:000493	GO:000588	33	32	0.97	-0.04	
AHsV1000	AHsV10002280	ENSG0000	NM_018662	27185	DISC1	disrupted ir	GO:000022	GO:000551	GO:000563	15	18	1.23	0.30	
H20000724	H200007244	ENSG0000	NM_001146	10227	MFSD10	major facili	GO:000681	GO:000849	GO:001602	338	228	0.67	-0.57	
CHsGV100	CHsGV1000361	ENSG0000	NM_001007	10206	TRIM13	tripartite m	GO:000716	GO:000484	GO:000573	58	74	1.27	0.34	
H30001989	H300019898	ENSG0000	NM_001288	10051	SMC4	structural r	GO:000007	GO:000551	GO:000079	1688	1938	1.15	0.20	
AHsV1000	AHsV10002220	ENSG0000	XR_934338	10014	HDAC5	histone dea	GO:000012	GO:000102	GO:000011	6	15	2.34	1.23	
AHsV1000	AHsV10003360	ENSG0000	NM_012432	9869	SETDB1	SET domai	GO:000012	GO:000367	GO:000079	450	456	1.02	0.02	
AHsV1000	AHsV10003244	ENSG0000	NM_014805	9852	EPM2AIP1	EPM2A (laf	GO:003286	GO:000551	GO:000563	377	360	0.95	-0.07	
H20001405	H200014057	ENSG0000	XM_005256	9688	NUP93	nucleoporin	GO:000027	GO:001705	GO:000563	2613	1752	0.67		

H30002076	H300020764	ENSG0000	NR_103804	9260	PDLIM7	PDZ and L	GO:000150	GO:000551	GO:000172	27	29	1.07	0.10
H30001477	H300014778	ENSG0000	NM_004746	9229	DLGAP1	discs large	GO:000726	GO:000551	GO:0005575	cellular co	4		
CHsGV100	CHsGV100032	ENSG0000	XM_011523	9057	SLC7A6	solute carr	GO:000646	GO:001517	GO:000588	121	91	0.75	-0.41
H20001396	H200013961	ENSG0000	NM_003968	9039	UBA3	ubiquitin lik	GO:000222	GO:000551	GO:000563	715	777	1.09	0.12
H20001464	H200014646	ENSG0000	NM_003881	8839	WSP2	WNT1 indu	GO:000155	GO:000517	GO:000557	22	26	1.15	0.20
AHsV1000	AHsV10003569	ENSG0000	XM_005268	8814	CDKL1	cyclin depe	GO:000646	GO:000469	GO:0005634	nucleus,G	6		
AHsV1000	AHsV10003423	ENSG0000	NM_000945	5534	PPP3R1	protein pho	GO:000222	GO:000472	GO:000565	70	129	1.85	0.89
AHsV1000	AHsV10001337	ENSG0000	NR_033500	5518	PPP2R1A	protein pho	GO:000008	GO:000382	GO:000015	512	479	0.93	-0.10
H30000847	H300008473	ENSG0000	NM_002657	5326	PLAGL2	PLAG1 like	GO:000636	GO:000107	GO:000563	242	200	0.83	-0.27
CHsGV100	CHsGV1000096	ENSG0000	XM_011539	27143	PALD1	phosphatas	GO:003533	GO:000472	GO:0005634	nucleus,GO:0005829	cytosol		
AHsV1000	AHsV10000774	ENSG0000	NM_001134	27102	EIF2AK1	eukaryotic	GO:000252	GO:000469	GO:000573	43	58	1.36	0.44
H20000112	H200001120	ENSG0000	NM_001286	10179	RBM7	RNA bindin	GO:005132	GO:000016	GO:000563	597	632	1.06	0.08
CHsGV100	CHsGV100026	ENSG0000	NM_005764	10158	PDZK1IP1	PDZK1 inte	-	-	GO:0016021	integral component of membrane			
H30001860	H300018604	ENSG0000	XM_005252	9991	PTBP3	polypyrimid	GO:000639	GO:000016	GO:000563	245	284	1.16	0.21
AHsV1000	AHsV10000258	ENSG0000	NM_001077	9970	NR1I3	nuclear rec	GO:000164	GO:000097	GO:000563	27	29	1.09	0.12
CHsGV100	CHsGV1000074	ENSG0000	XM_011519	9830	TRIM14	tripartite m	GO:003289	GO:000367	GO:000562	128	96	0.75	-0.42
H20000596	H200005968	ENSG0000	XM_011540	9806	SPOCK2	sparc/oste	GO:000716	GO:000550	GO:000557	215	155	0.72	-0.47
H30001403	H300014031	ENSG0000	NM_181453	9648	GCC2	GRIP and c	GO:000004	GO:000551	GO:000579	137	141	1.03	0.04
AHsV1000	AHsV10002645	ENSG0000	XR_943565	9628	RGS6	regulator o	GO:000718	GO:000487	GO:000563	6	9	1.54	0.62
H30001333	H300013333	-	NR_027921	348249	CCL15-CC	CCL15-CC	-	-	-	182	148	0.81	-0.30
H30001970	H300019704	ENSG0000	NM_199037	6324	SCN1B	sodium volt	GO:000715	GO:000524	GO:000151	28	23	0.81	-0.30
AHsV1000	AHsV10002447	ENSG0000	NM_001243	6137	RPL13	ribosomal p	GO:000018	GO:000372	GO:000563	3478	2938	0.84	-0.24
CHsGV100	CHsGV1000224	ENSG0000	NM_007375	23435	TARDBP	TAR DNA b	GO:000193	GO:000016	GO:000563	185	184	1.00	-0.01
AHsV1000	AHsV10000671	ENSG0000	XM_011539	23411	SIRT1	sirtuin 1	GO:000001	GO:000104	GO:000079	199	246	1.24	0.31
H20000317	H200003175	ENSG0000	XR_947872	9440	MED17	mediator c	GO:000635	GO:000110	GO:000015	634	485	0.77	-0.39
H20000572	H200005729	ENSG0000	XM_011542	9411	ARHGAP29	Rho GTPase	GO:000726	GO:000509	GO:0005829	cytosol			
AHsV1000	AHsV10001522	ENSG0000	XM_006719	9201	DCLK1	doublecorti	GO:000176	GO:000467	GO:0005887	integral component of plasma me			
H20000627	H200006277	ENSG0000	NM_021103	9168	TMSB10	thymosin b	GO:000701	GO:000378	GO:000573	4577	7142	1.56	0.64
H20000555	H200005556	ENSG0000	NM_004669	9022	CLIC3	chloride int	GO:000674	GO:000436	GO:000563	19	20	1.05	0.08
H20001327	H200013273	ENSG0000	NM_007332	8989	TRPA1	transient re	GO:000681	GO:000521	GO:000562	8	16	1.83	0.87
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_003836	8788	DLK1	delta-like 1	GO:000721	GO:000367	GO:000561	10731	9520	0.89	-0.17
H20000465	H200004656	ENSG0000	NM_001142	8763	CD164	CD164 mol	GO:000695	GO:000551	GO:000557	3142	3433	1.09	0.13
H20000593	H200005933	ENSG0000	XM_006720	5493	PPL	periplakin	GO:003142	GO:000520	GO:0005634	nucleus,GO:0005739	mitochondri		
CHsGV100	CHsGV1000234	ENSG0000	NM_002700	5459	POU4F3	POU class	GO:000636	GO:000097	GO:000565	16	19	1.24	0.31
H20000732	H200007325	ENSG0000	NM_001012	5276	SERPIN2	serpin pept	GO:000692	GO:000486	GO:0005615	extracellu	3		
H20000662	H200006626	ENSG0000	NM_014390	27044	SND1	staphyloco	GO:000164	GO:000371	GO:000563	946	753	0.80	-0.33
AHsV1000	AHsV10002165	ENSG0000	XM_006711	27005	USP21	ubiquitin sp	GO:000635	GO:000371	GO:000557	96	73	0.76	-0.39
H30001198	H300011982	ENSG0000	NM_152838	10137	RBM12	RNA bindin	-	GO:000016	GO:000565	84	99	1.19	0.25
H20000398	H200003983	ENSG0000	XM_011519	10114	HIPK3	homeodom	GO:000635	GO:000467	GO:000563	35	43	1.24	0.31
CHsGV100	CHsGV1000368	ENSG0000	NM_005462	9947	MAGEC1	MAGE fami	-	GO:000551	-	41	37	0.90	-0.15
H20001698	H200016989	ENSG0000	NM_001166	9924	PAN2	PAN2 poly	GO:000028	GO:000017	GO:000093	94	105	1.12	0.16
AHsV1000	AHsV10000538	ENSG0000	NM_001244	9786	KIAA0586	KIAA0586	GO:000722	-	GO:000573	78	96	1.24	0.31
H20001426	H200014268	ENSG0000	NM_014729	9760	TOX	thymocyte	-	GO:000367	GO:0005634	nucleus	6		
H20001059	H200010594	ENSG0000	XM_006716	9601	PDIA4	protein dist	GO:000645	GO:000375	GO:000578	937	913	0.97	-0.04
H20000563	H200005630	ENSG0000	XM_011540	9559	VPS26A	VPS26 retr	GO:001503	GO:000551	GO:000576	2417	2138	0.88	-0.18
H20000673	H200006732	ENSG0000	XM_011537	6297	SALL2	spalt-like t	GO:000012	GO:000370	GO:000563	384	331	0.86	-0.22
AHsV1000	AHsV10002691	ENSG0000	NM_006271	6271	S100A1	S100 calci	GO:000012	GO:000550	GO:000563	72	59	0.81	-0.30
H20000326	H200003262	ENSG0000	NM_005615	6039	RNASE6	ribonucleas	GO:000640	GO:000367	GO:000557	13	23	1.77	0.83
H20000081	H200000813	ENSG0000	NM_015339	23394	ADNP	activity-de	GO:000635	GO:000367	GO:000561	333	291	0.87	-0.20
H20000116	H200001166	ENSG0000	XM_011538	23371	TNS2	tensin 2	GO:000182	GO:000472	GO:000562	56	53	0.96	-0.07
H20000849	H200008497	ENSG0000	NM_004255	9377	COX5A	cytochrom	GO:000612	GO:000412	GO:000574	7109	5494	0.77	-0.37
H20000605	H200006055	ENSG0000	NM_001204	9354	UBE4A	ubiquitinati	GO:000020	GO:000551	GO:000015	1583	1722	1.09	0.12
H30002184	H300021848	ENSG0000	NM_004209	9143	SYNGR3	synptogyr	GO:002176	GO:004216	GO:000802	368	262	0.71	-0.49
AHsV1000	AHsV10001437	ENSG0000	XM_011519	9128	PRPF4	pre-mRNA	GO:000037	GO:000551	GO:000563	261	268	1.03	0.04
AHsV1000	AHsV10002672	ENSG0000	NM_001261	8943	AP3D1	adaptor rel	GO:000672	GO:000521	GO:000013	1272	1463	1.15	0.20
AHsV1000	AHsV10001657	ENSG0000	NM_001184	8908	GYG2	glycogenin	GO:000597	GO:000846	GO:000582	65	79	1.21	0.28
AHsV1000	AHsV10000357	ENSG0000	NM_003801	8733	GPAA1	glycosylph	GO:000646	GO:000392	GO:000578	176	241	1.36	0.45
H20001039	H200010396	ENSG0000	XM_005256	8717	TRADD	TNFRSF1A	GO:000691	GO:000487	GO:000563	296	266	0.90	-0.15
H30001870	H300018700	ENSG0000	NM_032940	5432	POLR2C	polymerase	GO:000039	GO:000105	GO:000563	928	763	0.82	-0.28
AHsV1000	AHsV10000390	ENSG0000	XM_011535	5412	UBL3	ubiquitin lik	-	-	GO:000562	37	42	1.13	0.18
H30000500	H300005006	ENSG0000	NM_014224	5222	PGA5	pepsinogen	GO:000650	GO:000419	GO:007006	30	28	0.96	-0.07
H20000399	H200003999	ENSG0000	XM_011509	26750	RPS6KC1	ribosomal p	GO:000646	GO:000467	GO:000573	223	334	1.50	0.58
AHsV1000	AHsV10002104	ENSG0000	NM_001170	26576	SRPK3	SRSF prote	GO:000646	GO:000467	GO:0005575	cellular component			
AHsV1000	AHsV10003335	ENSG0000	XM_006715	10095	ARPC1B	actin relate	GO:000692	GO:000520	GO:000582	4452	6183	1.39	0.47
H20000304	H200003042	ENSG0000	NM_005701	10073	SNUPN	snurportin	GO:000038	GO:000033	GO:000564	579	440	0.76	-0.40
AHsV1000	AHsV10001026	ENSG0000	NM_014856	9909	DENND4B	DENN dom	GO:003248	GO:001711	GO:000563	782	928	1.19	0.25
H30000731	H300007310	ENSG0000	XR_932982	9894	TELO2	telomere m	GO:003200	GO:000551	GO:000078	124	102	0.82	-0.29
H20001754	H200017546	ENSG0000	XM_011545	9738	CCP110	centriolar c	GO:000008	GO:000551	GO:000581	181	237	1.31	0.39
H30002109	H300021095	ENSG0000	XM_006721	9709	HERPUD1	homocyste	GO:000651	GO:000367	GO:000578	441	593	1.35	0.43
H20001999	H200019993	ENSG0000	XM_011543	9538	EI24	EI24, autop	GO:000691	-	GO:000573	2847	1860	0.65	-0.61
DHsGV100	DHsGV1000355	-	-	-	-	-	-	-	-	-	8		
AHsV1000	AHsV10001168	ENSG0000	NM_001042	6238	RRBP1	ribosome b	GO:000164	GO:000487	GO:000578	63	110	1.76	0.81
AHsV1000	AHsV10002371	ENSG0000	NM_001020	6217	RPS16	ribosomal p	GO:000018	GO:000372	GO:000582	37024	25973	0.70	-0.51
H20000429	H200004293	ENSG0000	NM_181573	5984	RFC4	replication	GO:000027	GO:000368	GO:000565	2335	2193	0.94	-0.09
AHsV1000	AHsV10000716	ENSG0000	NM_001080	23350	U2SURP	U2 snRNP	GO:000639	GO:000016	GO:000563	836	766	0.92	-0.13
CHsGV100	CHsGV1000218	ENSG0000	NM_015269	23318	ZCCHC11	zinc finger	GO:001058	GO:000551	GO:000561	35	53	1.50	0.59
H20001202	H200012025	ENSG0000	XM_005254	9325	TRIP4	thyroid hor	GO:000636	GO:000202	GO:000563	223	243	1.09	0.12
H20001689	H200016891	ENSG0000	NM_001033	9287	TAAR2	trace amin	GO:000718	GO:000159	GO:000588	25	25	0.99	-0.02
H20001334	H200013343	ENSG0000	XM_006722	9110	MTMR4	myotubular	GO:000647	GO:000472	GO:000561	1649	1394	0.85	-0.24
H30000511	H300005118	ENSG0000	XM_011522	9088	PKMYT1	protein kin	GO:000007	GO:000467	GO:000013	526	403	0.77	-0.38
H20000546	H200005461	ENSG0000	XM_011523	8883	NAE1	NEDD8 act	GO:000716	GO:000551	GO:000563	8629	6181	0.72	-0.48
H20000012	H200000120	-	NR_026717	8859	STK								

H30000426	H300004262	-	XM_005268	78990	OTUB2	OTU deubi	GO:001657	GO:000484	GO:000563	25	25	0.98	-0.03
H30001265	H300012651	ENSG0000	XM_011541	64783	RBM15	RNA bindin	GO:000039	GO:000016	GO:000565	293	304	1.04	0.06
H20000217	H200002177	ENSG0000	NM_001242	64762	GAREM1	GRB2 asso	GO:000717	GO:000551	GO:000588	plasma m	4		
AHsV1000	AHsV10002481	ENSG0000	XM_011537	64067	NPAS3	neuronal P	GO:000196	GO:000098	GO:000564	nucleoplasm,	GO:0005737	cytopla	
H30002176	H300021761	-	NM_022107	63940	GPSM3	G-protein s	GO:000815	GO:000367	GO:000557	1576	994	0.63	-0.66
H20000838	H200008381	ENSG0000	NM_001252	51109	RDH11	retinol dehy	GO:000152	GO:000474	GO:000191	1222	1032	0.84	-0.24
CHsGV100	CHsGV100024	ENSG0000	NM_001290	51094	ADIPOR1	adiponectin	GO:000718	GO:001990	GO:000588	631	445	0.71	-0.50
H20001508	H200015080	ENSG0000	XM_011545	50615	IL21R	interleukin	GO:003010	GO:000153	GO:001602	integral c	10		
H20000748	H200007487	ENSG0000	NM_145895	43849	KLK12	kallikrein re	GO:000650	GO:000425	GO:000561	20	27	1.38	0.46
AHsV1000	AHsV10001471	ENSG0000	XM_006721	29123	ANKRD11	ankyrin rep	GO:000170	-	GO:000563	463	837	1.81	0.85
CHsGV100	CHsGV100029	ENSG0000	XM_005256	29098	RANGRF	RAN guanin	GO:000202	GO:000508	GO:000563	481	389	0.81	-0.31
H30001789	H300017892	ENSG0000	NM_031417	57787	MARK4	microtubule	GO:000022	GO:000467	GO:000581	20	20	1.02	0.03
CHsGV100	CHsGV1000164	ENSG0000	NM_020731	57491	AHRR	aryl-hydrod	GO:000012	GO:000119	GO:000573	cytoplasm	3		
H30000855	H300008558	ENSG0000	NM_001122	57451	TENM2	teneurin tr	GO:000012	GO:000510	GO:000562	58	58	1.00	0.00
AHsV1000	AHsV10000752	ENSG0000	XM_011516	57016	AKR1B10	aldo-keto r	GO:000152	GO:000175	GO:000576	lysosome,	GO:0005829	cytosol,	GO
CHsGV100	CHsGV1000206	ENSG0000	NM_020225	56977	STOX2	storkhead t	GO:000189	GO:000367	GO:000575	cellular cd	4		
H20001589	H200015894	ENSG0000	NM_018902	56138	PCDHA11	protocadhe	GO:000715	GO:000550	GO:000588	integral component of plasma me			
AHsV1000	AHsV10003366	ENSG0000	NM_018918	56110	PCDHGA5	protocadhe	GO:000715	GO:000550	GO:000588	plasma membrane,	GO:0016021	in	
H20001641	H200016410	ENSG0000	XM_011523	26502	NARF	nuclear pre	GO:001622	GO:000395	GO:000563	1136	800	0.70	-0.51
H20001646	H200016467	ENSG0000	NM_012131	26285	CLND17	claudin 17	GO:001633	GO:000519	GO:000588	plasma m	4		
CHsGV100	CHsGV1000165	-	XM_005257	25984	KRT23	keratin 23,	-	GO:000519	GO:000588	intermediate filament			
H20000286	H200002862	ENSG0000	NM_207170	25949	SYF2	SYF2 pre-r	GO:000039	GO:000551	GO:000097	731	625	0.86	-0.23
AHsV1000	AHsV10003141	ENSG0000	NM_014344	24147	FJX1	four jointed	GO:000726	-	GO:000561	39	33	0.84	-0.24
AHsV1000	AHsV10001563	ENSG0000	NM_001289	23765	IL17RA	interleukin	GO:000716	GO:000510	GO:000557	82	89	1.08	0.12
CHsGV100	CHsGV1000376	ENSG0000	NM_001184	79400	NOX5	NADPH ox	GO:000091	GO:000550	GO:000578	endoplasmic reticulum,	GO:00160		
CHsGV100	CHsGV1000406	ENSG0000	XR_243298	65990	FAM173A	family with	-	-	GO:001602	632	338	0.53	-0.90
AHsV1000	AHsV10002311	ENSG0000	NR_040243	65258	MPPE1	metallopho	GO:000650	GO:000551	GO:000565	57	57	1.00	0.00
H30001993	H300019934	ENSG0000	NR_103867	64689	GORASP1	golgi reasse	GO:000027	GO:000551	GO:000013	307	229	0.74	-0.43
AHsV1000	AHsV10001487	ENSG0000	XM_005268	64423	INF2	inverted fo	GO:003003	GO:000377	GO:004871	perinuclear region of cytoplasm			
AHsV1000	AHsV10002005	ENSG0000	NM_001283	63908	NAPB	NSF attach	GO:000688	GO:000548	GO:000577	40	65	1.65	0.73
AHsV1000	AHsV10000373	ENSG0000	NM_001281	60682	SMAP1	small ArFG	GO:004354	GO:000509	GO:000573	234	234	1.00	0.00
H20001746	H200017463	ENSG0000	NM_015956	51073	MRPL4	mitochondr	GO:000699	GO:000372	GO:000574	442	349	0.79	-0.34
H20001742	H200017425	ENSG0000	XM_006721	51031	GLOD4	glyoxalase	-	-	GO:000573	1070	640	0.60	-0.74
H20000848	H200008486	ENSG0000	NM_014593	30827	CXXC1	CXXC finge	GO:000635	GO:000098	GO:000563	180	152	0.84	-0.24
H20000123	H200001235	ENSG0000	XM_011514	29993	PACSIN1	protein kin	GO:000701	GO:000551	GO:000573	162	127	0.78	-0.35
H20001044	H200010441	ENSG0000	NR_033192	29080	CCDC59	coiled-coil	GO:000635	GO:000551	GO:000565	627	630	1.01	0.01
H20001750	H200017501	ENSG0000	NM_014061	28986	MAGEH1	MAGE fami	GO:000691	GO:000551	GO:000573	176	141	0.80	-0.32
AHsV1000	AHsV10000056	ENSG0000	NM_020920	57680	CHD8	chromodon	GO:000012	GO:000203	GO:000563	5	17	3.42	1.78
H30001953	H300019531	ENSG0000	NM_001282	57337	SENP7	SUMO1/se	GO:000650	GO:000551	GO:000562	85	119	1.39	0.48
H20000815	H200008150	ENSG0000	NM_020453	57205	ATP10D	ATPase ph	GO:000681	GO:000028	GO:000564	nucleopla	8		
CHsGV100	CHsGV1000044	ENSG0000	NM_020187	56941	HMCES	5-hydroxyn	GO:000650	GO:000367	-	951	713	0.75	-0.42
H20001950	H200019507	ENSG0000	XM_011542	56912	IFT46	intraflagella	GO:000699	GO:000367	GO:000573	234	214	0.91	-0.13
CHsGV100	CHsGV1000208	ENSG0000	XR_429678	56061	UBFD1	ubiquitin fa	-	GO:004482	-	68	70	1.02	0.04
H20001585	H200015859	ENSG0000	NM_019101	55937	APOM	apolipoprot	GO:000152	GO:000531	GO:000557	132	96	0.72	-0.47
H20000107	H200001073	ENSG0000	NR_036464	26234	FBXL5	F-box and	GO:001656	GO:000484	GO:000015	417	382	0.92	-0.13
AHsV1000	AHsV10001906	ENSG0000	NM_015659	26156	RSL1D1	ribosomal L	GO:000164	GO:004482	GO:000573	3468	2876	0.83	-0.27
CHsGV100	CHsGV1000398	ENSG0000	NM_001308	25925	ZNF521	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	37	72	1.97	0.98
AHsV1000	AHsV10000038	ENSG0000	XM_011509	25896	INTS7	integrator c	GO:000007	GO:000551	GO:000569	671	744	1.11	0.15
AHsV1000	AHsV10002907	ENSG0000	NM_016192	23671	TMEFF2	transmemb	-	GO:000367	GO:000576	extracellular region,	GO:0016021		
H30001327	H300013277	ENSG0000	NM_153719	23636	NUP62	nucleoporin	GO:000027	GO:000368	GO:000092	68	42	0.61	-0.71
H20001917	H200019172	ENSG0000	NM_024313	79159	NOL12	nucleolar p	-	GO:000551	GO:000573	9	12	1.24	0.31
CHsGV100	CHsGV1000235	ENSG0000	NM_023004	65078	RTN4R	reticulon 4	GO:000646	GO:000486	GO:000573	30	27	0.89	-0.17
AHsV1000	AHsV10003190	ENSG0000	NM_031902	64969	MRPS5	mitochondr	GO:000699	GO:000373	GO:000573	1041	754	0.72	-0.47
H20001256	H200012565	ENSG0000	NM_022460	64342	HS1BP3	HCLS1 bin	GO:004298	GO:003509	GO:000573	288	242	0.84	-0.25
H20000389	H200003899	ENSG0000	XR_243296	64223	MLST8	MTOR asso	GO:000636	GO:000551	GO:000565	240	226	0.94	-0.09
H30001212	H300012125	ENSG0000	NM_021821	60488	MRPS35	mitochondr	GO:000699	GO:000373	GO:000573	850	931	1.10	0.13
AHsV1000	AHsV10001443	ENSG0000	XM_011538	59341	TRPV4	transient re	GO:000681	GO:000377	GO:000582	5	13	2.67	1.42
CHsGV100	CHsGV1000115	ENSG0000	NM_181836	51014	TMED7	transmemb	GO:000688	-	GO:000013	504	465	0.92	-0.11
AHsV1000	AHsV10003243	ENSG0000	NM_016247	50939	IMPG2	interphotor	GO:000760	GO:000520	GO:000578	proteinaceous extracellular matri			
H20001694	H200016944	ENSG0000	NM_013392	29959	NRBP1	nuclear rec	GO:000636	GO:000467	GO:000565	192	203	1.06	0.08
CHsGV100	CHsGV1000388	ENSG0000	NM_013346	29934	SNX12	sorting nex	GO:000689	GO:000551	GO:000576	82	64	0.78	-0.35
CHsGV100	CHsGV1000301	ENSG0000	XM_006715	28959	TMEM176B	transmemb	GO:000988	-	GO:001602	integral c	6		
H30001941	H300019411	ENSG0000	NM_145074	27429	HTRA2	HtrA serine	GO:000650	GO:000425	GO:000078	357	255	0.71	-0.49
CHsGV100	CHsGV1000377	ENSG0000	NM_001247	57586	SYT13	synaptotag	GO:001619	GO:000550	GO:000588	integral component of plasma me			
H20001484	H200014840	ENSG0000	NM_020439	57172	CAMK1G	calcium/ca	GO:000646	GO:000468	GO:0000139	Golgi membrane,	GO:0005886	plas	
AHsV1000	AHsV10000094	ENSG0000	NM_018226	57140	RNPEPL1	arginyl amir	GO:000650	GO:000827	GO:000573	24	39	1.59	0.67
H20001000	H200010003	ENSG0000	NM_001243	56848	SPHK2	sphingosine	GO:000156	GO:000551	GO:000576	153	174	1.14	0.19
H20000112	H200001128	ENSG0000	NM_033049	56667	MUC13	mucin 13, c	GO:000649	GO:004280	GO:000565	extracellu	10		
AHsV1000	AHsV10001016	ENSG0000	XM_005257	55890	GPRC5C	G protein-c	GO:000718	GO:000493	GO:000588	41	38	0.93	-0.10
H30001406	H300014067	ENSG0000	NM_001281	55851	PSENEN	presenilin e	GO:000650	GO:000551	GO:000578	233	212	0.91	-0.14
H20001504	H200015049	ENSG0000	NM_015621	26112	CCDC69	coiled-coil	-	-	-	91	110	1.21	0.27
CHsGV100	CHsGV1000176	ENSG0000	NR_104315	26061	HACL1	2-hydroxya	GO:000156	GO:000028	GO:000577	599	798	1.33	0.41
AHsV1000	AHsV10000349	ENSG0000	NM_015398	25854	FAM149A	family with	-	-	-				
AHsV1000	AHsV10002982	ENSG0000	XR_943414	25831	HECTD1	HECT dom	GO:000177	GO:000484	-	29	46	1.58	0.66
H30000655	H300006551	ENSG0000	NM_012120	23607	CD2AP	CD2-assoc	GO:000646	GO:000517	GO:000172	623	738	1.19	0.25
AHsV1000	AHsV10001091	ENSG0000	XR_428973	23584	VSIG2	V-set and	-	-	GO:000588	integral c	11		
CHsGV100	CHsGV1000354	ENSG0000	XM_011524	79066	METTL16	methyltran	GO:007047	GO:004482	GO:000563	85	61	0.71	-0.49
AHsV1000	AHsV10002180	ENSG0000	NR_045623	64859	NABP1	nucleic aci	GO:000072	GO:000369	GO:000078	45	88	1.98	0.98
H20001802	H200018023	ENSG0000	NM_022788	64805	P2RY12	purinergic r	GO:000197	GO:000160	GO:000573	9			
AHsV1000	AHsV10000517	ENSG0000	NM_001130	64167	ERAP2	endoplasmic	GO:000225	GO:000417	GO:000578	endoplasm	7		
H20001821	H200018211	ENSG0000	NM_022149	64110	MAGEF1	MAGE fami	-	GO:000551	GO:007006	191	157	0.82	-0.28
H30001963	H300019635	ENSG0000	XM_011537	58517	RBM25	RNA bindin	GO:000038	GO:000016	GO:000565	656	452	0.69	-0.54
AHsV1000	AHsV10000342	ENSG0000											

CHsGV100	CHsGV1000354	ENSG0000	NM_020760	57520	HECW2	HECT, C2	GO:004278	GO:000484	GO:0005737 cytoplasm	13			
AHsV1000	AHsV10001374	ENSG0000	NM_001167	57113	TRPC7	transient re	GO:000682	GO:000551	GO:0005635 nuclear e	8			
AHsV1000	AHsV10003072	ENSG0000	NM_001164	57091	CASS4	Cas scaffol	GO:000016	GO:000015	GO:000573	65	95	1.45	0.54
AHsV1000	AHsV10000356	ENSG0000	NM_001164	56478	EIF4ENIF1	eukaryotic	GO:001503	GO:000372	GO:000093	38	45	1.17	0.22
H20000781	H200007816	ENSG0000	NM_021156	56255	TMX4	thioredoxin	GO:000645	GO:000375	GO:000562	237	285	1.20	0.26
AHsV1000	AHsV10002562	ENSG0000	NM_001198	55827	DCAF6	DDB1 and	GO:001656	GO:003037	GO:000563	333	425	1.28	0.35
CHsGV100	CHsGV1000178	ENSG0000	NM_018398	55799	CACNA2D3	calcium vol	GO:003476	GO:000524	GO:0005886 plasma membrane,GO:0005891 v				
AHsV1000	AHsV10002164	ENSG0000	NM_001301	26039	SS18L1	synovial sa	GO:000635	GO:000551	GO:000077	89	86	0.97	-0.05
AHsV1000	AHsV10003575	ENSG0000	NM_015534	26009	ZZZ3	zinc finger	GO:000632	GO:000367	GO:000563	67	101	1.49	0.58
AHsV1000	AHsV10000391	ENSG0000	NM_001167	25814	ATXN10	ataxin 10	GO:000739	GO:000551	GO:000561	71	61	0.86	-0.22
H30002039	H300020393	ENSG0000	XM_011518	25792	CIZ1	CDKN1A in	-	GO:000367	GO:000563	173	195	1.13	0.17
AHsV1000	AHsV10001145	ENSG0000	NM_001184	23544	SEZ6L	seizure rela	GO:000834	-	GO:0005789 endoplasmic reticulum membrane				
H30001614	H300016142	-	NM_182706	23513	SCRIB	scribbled p	GO:000184	GO:000551	GO:000565	17	17	1.03	0.05
H20001221	H200012219	ENSG0000	NM_000967	6122	RPL3	ribosomal p	GO:000002	GO:000372	GO:000563	36846	32349	0.88	-0.19
DHsTV100	DHsTV1000013	ENSG0000	NM_001123	729873	TBC1D3	TBC1 doma	GO:004354	GO:000509	GO:000588	6	10	1.79	0.84
H30002067	H300020671	ENSG0000	NM_000976	6136	RPL12	ribosomal p	GO:000002	GO:000373	GO:000582	19115	18535	0.97	-0.04
DHsGV100	DHsGV1000136	ENSG0000	NM_001085	646627	LYPD8	LY6/PLAU	-	-	GO:000588	5	12	2.56	1.36
AHsV1000	AHsV10001169	ENSG0000	NM_181701	169714	QSOX2	quiescin su	GO:000645	GO:000375	GO:000561	189	269	1.42	0.51
CHsGV100	CHsGV1000113	ENSG0000	XM_005248	167691	LCA5	Leber cong	GO:004207	GO:000551	GO:000592	9	15	1.63	0.71
CHsGV100	CHsGV1000244	ENSG0000	XM_005251	158158	RASEF	RAS and E	GO:000726	GO:000550	GO:0048471 perinuclear region of cytoplasm				
H30000398	H300003983	ENSG0000	XM_005272	157285	SGK223	homolog of	GO:001810	GO:000467	-	10	16	1.61	0.68
CHsGV100	CHsGV100025	-	-	-	-	-	-	-	-	90	94	1.04	0.06
CHsGV100	CHsGV1000178	ENSG0000	NM_152489	148581	UBE2U	ubiquitin cd	GO:000020	GO:000551	GO:0000790 nuclear chromatin,GO:0005737 c				
AHsV1000	AHsV10000466	-	-	-	-	-	-	-	-				
AHsV1000	AHsV10002141	ENSG0000	XM_011539	143279	HECTD2	HECT dom	GO:004278	GO:000484	-	11	21	1.94	0.96
H20000350	H200003507	ENSG0000	XM_011523	79650	USB1	U6 snRNA	GO:000639	GO:000017	GO:000563	107	83	0.78	-0.37
AHsV1000	AHsV10001143	ENSG0000	NM_001005	403257	OR4C45	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:0005886 plasma membrane,GO:0016021 in				
DHsGV100	DHsGV1000208	-	NR_036557	100506747	LOC10050	alpha-1,3-r	-	-	-		3		
CHsGV100	CHsGV1000134	ENSG0000	NM_201520	399512	SLC25A35	solute carr	GO:000641	GO:000373	GO:000574	26	28	1.07	0.10
DHsGV100	DHsGV1000443	-	-	-	-	-	-	-	-	35	30	0.85	-0.23
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_001172	134549	SHROOM1	shroom fam	GO:000090	GO:005101	GO:000573	37	47	1.26	0.33
CHsGV100	CHsGV1000076	ENSG0000	NM_152403	133584	EGFLAM	EGF like, fi	GO:001081	GO:000553	GO:000560	22	20	0.91	-0.14
H30001594	H300015948	ENSG0000	NM_182752	127262	KPRG1L	tumor prot	GO:000815	GO:000367	GO:000802	49	49	0.99	-0.01
CHsGV100	CHsGV1000025	ENSG0000	NM_152365	126695	PDF1	keratinocyt	GO:000333	-	GO:000573	9	10	1.12	0.16
AHsV1000	AHsV10002916	ENSG0000	XM_005253	120939	TMEM52B	transmemb	GO:000815	GO:000367	GO:001602	4	7	1.54	0.63
AHsV1000	AHsV10001314	ENSG0000	XM_005269	119559	SFXN4	sideroflexin	GO:003422	GO:001507	GO:000574	317	381	1.20	0.26
H30002016	H300020166	ENSG0000	NM_080597	114876	OSBPL1A	oxysterol b	GO:000686	GO:000551	GO:0005622 intracellular,GO:0005634 nucleus				
H20002026	H200020264	ENSG0000	XR_429073	114785	MBD6	methyl-Cp	-	GO:000367	GO:000563	53	56	1.07	0.10
AHsV1000	AHsV10001577	ENSG0000	NM_021187	57834	CYP4F11	cytochrom	GO:000680	GO:000550	GO:0005789 endoplas	3			
CHsGV100	CHsGV1000388	ENSG0000	XM_005270	26095	PTPN20	protein tyr	GO:003533	GO:000472	GO:0005634 nucleus,GO:0005737 cytoplasm,C				
DHsTV100	DHsTV1000015	-	-	-	-	-	-	-	-	52	49	0.94	-0.09
DHsGV100	DHsGV1000350	-	-	-	-	-	-	-	-	20	21	1.03	0.05
DHsGV100	DHsGV1000002	-	-	-	-	-	-	-	-	7			
CHsGV100	CHsGV100025	ENSG0000	NM_152889	166012	CHST13	carbohydr	GO:000597	GO:000153	GO:0000139 Golgi membrane,GO:0016021 inte				
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XR_938350	164714	TTL8	tubulin tyr	GO:001809	GO:000552	GO:0005874 microtubu	3			
CHsGV100	CHsGV1000036	ENSG0000	NM_138493	154467	CCDC167	coiled-coil	-	-	GO:001602	468	342	0.73	-0.45
H30001990	H300019906	ENSG0000	NM_152545	153020	RASGEF1E	RasGEF do	GO:000726	GO:000508	GO:0005769 early endosome,GO:0005770 late				
AHsV1000	AHsV10001496	ENSG0000	NM_207325	147991	DPY19L3	dpy-19 like	GO:001840	GO:000003	GO:000563	40	63	1.56	0.64
DHsGV100	DHsGV1000050	ENSG0000	NR_126530	147646	C19orf84	chromosom	-	-	-		8		
AHsV1000	AHsV10000516	ENSG0000	NM_080827	140870	WFDC6	WAP four	GO:001095	GO:000486	GO:0005576 extracellular region				
AHsV1000	AHsV10001952	ENSG0000	NM_080614	140686	WFDC3	WAP four	GO:001095	GO:000486	GO:0005576 extracellu	9			
CHsGV100	CHsGV1000354	ENSG0000	NM_001195	79586	CHPF	chondroitin	GO:000597	GO:000551	GO:000013	150	127	0.85	-0.23
CHsGV100	CHsGV1000363	ENSG0000	XM_011517	401494	HACD4	3-hydroxya	GO:003049	GO:001881	GO:0005783 endoplasmic reticulum,GO:00057				
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NR_073511	401190	RGS7BP	regulator o	GO:000718	-	GO:0005634 nucleus,G	6			
AHsV1000	AHsV10002644	ENSG0000	NM_001013	391059	FRRS1	ferric chela	GO:005511	GO:000029	GO:001602	10	11	1.16	0.21
DHsGV100	DHsGV1000173	ENSG0000	-	-	AC026954	-	-	-	-	12	13	1.16	0.21
AHsV1000	AHsV10001515	ENSG0000	NM_001114	132430	PABPC4L	poly(A) bin	-	GO:000016	-		3		
CHsGV100	CHsGV1000384	ENSG0000	NM_001304	131375	LYZL4	lysozyme li	GO:000815	GO:000379	GO:0005576 extracellu	7			
AHsV1000	AHsV10000603	ENSG0000	NM_153447	126206	NLRP5	NLR family	GO:000170	GO:000552	GO:0005730 nucleolus,GO:0005739 mitochond				
AHsV1000	AHsV10002152	ENSG0000	NM_213598	125919	ZNF543	zinc finger	GO:000635	GO:000097	GO:0005634 nucleus	5			
H30000333	H300003335	ENSG0000	NM_080865	118442	GPR62	G protein-c	GO:000718	GO:000493	GO:000557	6	8	1.47	0.56
AHsV1000	AHsV10002088	ENSG0000	XM_011509	117145	THEM4	thioesteras	GO:000663	GO:001629	GO:000573	481	411	0.85	-0.23
CHsGV100	CHsGV1000320	ENSG0000	NM_001135	113791	PIK3IP1	phosphoino	GO:000650	GO:000425	GO:000588	34	35	1.05	0.07
AHsV1000	AHsV10003318	ENSG0000	NR_134535	112885	PHF21B	PHD finger	GO:000635	GO:000097	GO:0005634 nucleus	4			
AHsV1000	AHsV10001820	ENSG0000	XM_005271	57708	MIER1	MIER1 tran	GO:000635	GO:000367	GO:000565	178	179	1.01	0.01
H20001274	H200012744	ENSG0000	XM_011525	9625	AATK	apoptosis-	GO:000742	GO:000467	GO:000578	18	23	1.28	0.36
DHsGV100	DHsGV1000055	-	-	-	-	-	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000304	ENSG0000	XR_937756	101930094	LOC101930	uncharacte	-	-	-	8	12	1.57	0.65
DHsGV100	DHsGV1000015	-	-	-	-	-	-	-	-	11	17	1.50	0.59
CHsGV100	CHsGV1000255	ENSG0000	NM_152604	163087	ZNF383	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	20	33	1.68	0.75
CHsGV100	CHsGV1000395	ENSG0000	XM_005257	162394	SLFN5	schlafen fa	GO:003015	GO:000552	GO:0005634 nucleus				
H30000622	H300006224	ENSG0000	NM_001040	152098	ZCWPW2	zinc finger	-	GO:000827	-	6	21	3.26	1.70
CHsGV100	CHsGV1000065	ENSG0000	NM_001199	151258	SLC38A11	solute carr	GO:000333	GO:001517	GO:0005783 endoplas	3			
AHsV1000	AHsV10002885	ENSG0000	NM_001080	146845	CFAP52	cilia and fla	-	GO:000551	GO:0005737 cytoplasm,GO:0042995 cell proje				
AHsV1000	AHsV10001670	ENSG0000	NM_144675	146395	GSG1L	GSG1-like	-	GO:000551	GO:0005886 plasma membrane,GO:0016021 in				
AHsV1000	AHsV10003431	ENSG0000	NM_001145	139804	RBMXL3	RNA bindin	-	GO:000016	-	9	10	1.15	0.20
CHsGV100	CHsGV1000050	ENSG0000	NM_153346	139105	BEND2	BEN domai	GO:004874	-	-	9	14	1.46	0.54
CHsGV100	CHsGV1000266	ENSG0000	XM_005256	79190	IRX6	iroquois ho	GO:000635	GO:004356	GO:0005634 nucleus				
AHsV1000	AHsV10002091	ENSG0000	NR_033870	401014	TEX41	testis expr	-	-	-				
AHsV1000	AHsV10001745	ENSG0000	NR_033981	400761	FLJ27354	uncharacte	-	-	-				
AHsV1000	AHsV10000470	ENSG0000	NM_001146	390231	TRIM77	tripartite m	-	GO:000827	GO:0005622 intracellular				
AHsV1000	AHsV10000567	ENSG0000	NM_001079	729201	SPACA5B	sperm acro	GO:000815	GO:000379	GO:0005576 extracellu	3			
AHsV1000	AHsV10001647	ENSG0000	NM_139073	130560	SPATA3	spermatoge	-	GO:000367	GO:0005575 cellular_component				
CHsGV100	CHsGV1000308	ENSG0000	NR_046236	129607	CMPK2	cytidine/ur	GO:000616	GO:000412	GO:000565	82	164	2.01	1.01
CHsGV100	CHsGV1000129	ENSG0000	NM_001288	124975	GMP6	gamma-glu	GO:000650	GO:000384	GO:0016021 integral c	7			
AHsV1000	AHsV10002439	ENSG0000	XM_006721	124512	METTL23	methyltran	GO:003225	GO:000816	GO:000573	478	596	1.25	0.32
H20000489	H200004899	ENSG0000	XM_011509	116496	FAM129A	family with	GO:000193	GO:00					

H20001587	H200015872	ENSG0000	NM_080737	94121	SYTL4	synaptotag	GO:000688	GO:000550	GO:000565	26	48	1.83	0.87
CHsGV100	CHsGV1000313	ENSG0000	NM_020873	57633	LRRN1	leucine rich	GO:000740	-	GO:0016021	integral c	4		
H20000722	H200007225	ENSG0000	XM_011522	9677	PIIP5K1	diphosphoir	GO:000602	GO:000082	GO:000565	10	22	2.23	1.16
DHsGV100	DHsGV1000360	-	-	-	-	-	-	-	-	33	31	0.95	-0.08
DHsGV100	DHsGV1000270	-	-	-	-	-	-	-	-	16	23	1.39	0.47
DHsGV100	DHsGV1000417	-	-	-	-	-	-	-	-	177	128	0.73	-0.46
AHsV1000	AHsV10002328	ENSG0000	XM_006719	160762	CCDC63	coiled-coil	-	-	-				
H30000507	H300005075	ENSG0000	NM_001013	158833	AWAT1	acyl-CoA v	GO:000664	GO:004719	GO:0005789	endoplasmic reticulum membrane			
CHsGV100	CHsGV1000351	ENSG0000	NM_138336	150678	MYEOV2	myeloma o	-	-	-	6			
AHsV1000	AHsV10000330	ENSG0000	NR_047515	150159	SLC9B1	solute carr	GO:003422	GO:001529	GO:0005886	plasma m	5		
AHsV1000	AHsV10000760	ENSG0000	NM_001198	145788	C15orf65	chromosom	-	-	-	11	33	3.15	1.66
AHsV1000	AHsV10002921	ENSG0000	NR_037676	145438	FRMD6-AS	FRMD6 ant	-	-	-	6			
AHsV1000	AHsV10002609	ENSG0000	XM_005273	138050	HGSNAT	heparan-al	GO:000597	GO:001501	GO:000576	9	13	1.43	0.52
CHsGV100	CHsGV1000266	ENSG0000	XM_011515	136306	SVOPL	SVOP-like	GO:005508	GO:002289	GO:0016021	integral component of membrane			
AHsV1000	AHsV10000832	ENSG0000	XR_243305	79091	METTL22	methyltran	GO:003225	GO:000816	GO:000563	108	125	1.16	0.22
DHsGV100	DHsGV1000431	-	XR_950965	105371161	LOC10537	uncharacte	-	-	-				
AHsV1000	AHsV10002856	ENSG0000	-	399972	ST3GAL4	ST3GAL4 a	-	-	-	7			
AHsV1000	AHsV10001440	ENSG0000	XR_942852	105377934	LOC10537	uncharacte	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000194	ENSG0000	NR_105007	102477328	LOC10247	uncharacte	-	-	-	3			
AHsV1000	AHsV10002597	ENSG0000	NM_001080	128486	FITM2	fat storage	GO:000701	GO:000367	GO:000573	23	16	0.68	-0.56
CHsGV100	CHsGV1000283	ENSG0000	NM_001256	127829	ARL8A	ADP ribosy	GO:000705	GO:000392	GO:000573	358	291	0.81	-0.30
AHsV1000	AHsV10003173	ENSG0000	XM_011521	123624	AGBL1	ATP/GTP	GO:000650	GO:000418	GO:0005829	cytosol			
H30000285	H300002851	ENSG0000	NM_001166	122042	RXFP2	relaxin/insl	GO:000155	GO:001650	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021 in			
H30001665	H300016657	ENSG0000	XM_005254	115752	DIS3L	DIS3 like e	GO:000636	GO:000017	GO:000017	116	152	1.31	0.39
H30001719	H300017197	ENSG0000	NM_052932	114908	TMEM123	transmemb	GO:007026	GO:000487	GO:000989	590	687	1.17	0.22
AHsV1000	AHsV10001172	ENSG0000	XM_005267	93663	ARHGAP18	Rho GTPas	GO:000726	GO:000509	GO:000573	196	258	1.32	0.40
AHsV1000	AHsV10003490	ENSG0000	NM_152290	93190	C1orf158	chromosom	-	-	-	3			
AHsV1000	AHsV10002555	ENSG0000	NM_001122	57553	MICAL3	microtubule	GO:000688	GO:000377	GO:000563	6	12	2.17	1.12
H20000666	H200006665	ENSG0000	XM_005269	6602	SMARCD1	SWI/SNF r	GO:000633	GO:000368	GO:001651	65	54	0.83	-0.27
DHsGV100	DHsGV1000330	-	-	-	-	-	-	-	-	5			
DHsGV100	DHsGV1000473	ENSG0000	XM_011513	57654	UVSSA	UV stimula	GO:000628	GO:000099	GO:000565	7	10	1.50	0.59
DHsGV100	DHsGV1000124	-	-	-	-	-	-	-	-	5	10	1.82	0.87
H20000370	H200003701	ENSG0000	NM_001320	55840	EAF2	ELL associ	GO:000636	GO:000097	GO:000565	112	106	0.94	-0.08
DHsGV100	DHsGV1000112	-	-	-	-	-	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000085	-	NG_009078	653361	NCF1	neutrophil	GO:000187	GO:000551	GO:000582	6	11	1.88	0.91
DHsGV100	DHsGV1000033	-	-	-	-	-	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000528	-	-	-	-	-	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000390	ENSG0000	NM_012342	25805	BAMBI	BMP and a	GO:000717	GO:000510	GO:0005737	cytoplasm	5		
DHsGV100	DHsGV1000229	ENSG0000	NR_104138	101515984	LINC01080	long interge	-	-	-	4	9	2.19	1.13
DHsGV100	DHsGV1000448	ENSG0000	NM_001303	728637	MEIKIN	meiotic kin	GO:000706	-	GO:0000777	condensed chromosome kinetoch			
DHsGV100	DHsGV1000305	-	-	-	-	-	-	-	-	9	16	1.74	0.80
H20000334	H200003346	ENSG0000	NM_017845	54951	COMMD8	COMM don	GO:000635	GO:000551	GO:000563	453	333	0.73	-0.44
DHsGV100	DHsGV1000174	ENSG0000	XM_011534	105376955	LOC10537	nuclear por	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000113	-	NG_016700	25861	DFNB31	deafness, a	GO:000189	GO:000551	GO:000573	9	10	1.04	0.05
DHsGV100	DHsGV1000319	ENSG0000	NM_001308	90625	ERVH48-1	endogenou	GO:000694	GO:000551	GO:0005615	extracellu	4		
DHsGV100	DHsGV1000542	ENSG0000	NG_032811	124997	WDR81	WD repeat	GO:000013	GO:000801	GO:000077	9	10	1.16	0.21
DHsGV100	DHsGV1000458	ENSG0000	XM_011546	101929839	LOC10192	uncharacte	-	-	-	22	23	1.05	0.07
DHsGV100	DHsGV1000077	-	NG_008655	1509	CTSD	cathepsin I	GO:000650	GO:000419	GO:0005576	extracellu	8		
DHsGV100	DHsGV1000167	-	-	-	-	-	-	-	-	19	23	1.24	0.31
DHsGV100	DHsGV1000494	ENSG0000	NG_034141	-	LA16c-313	-	-	-	-	9			
AHsV1000	AHsV10000806	ENSG0000	NM_001042	644096	SDHAF1	succinate d	GO:001622	-	GO:000573	293	185	0.63	-0.66
AHsV1000	AHsV10000041	ENSG0000	XM_011539	144535	CFAP54	cilia and fla	GO:000728	-	GO:0005856	cytoskeleton,GO:0005930 axoner			
CHsGV100	CHsGV1000312	ENSG0000	NM_001002	442862	PRY2	PTPN13-lik	-	-	-				
AHsV1000	AHsV10002393	ENSG0000	NM_001290	441925	BECN2	beclin 2	GO:000004	GO:000551	GO:0000407	pre-autop	7		
H20000146	H200001464	ENSG0000	NM_001193	64218	SEMA4A	semaphorin	GO:000152	GO:000551	GO:000561	64	50	0.79	-0.34
DHsGV100	DHsGV1000097	-	NR_036530	100289230	LOC10028	uncharacte	-	-	-	17	21	1.17	0.23
DHsGV100	DHsGV1000134	ENSG0000	NM_001128	55275	VPS53	VPS53, GA	GO:001503	GO:000551	GO:000093	21	22	1.03	0.04
DHsGV100	DHsGV1000067	ENSG0000	-	-	RP11-420L	-	-	-	-	17	19	1.12	0.16
DHsGV100	DHsGV1000160	-	-	-	-	-	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000012	-	-	-	-	-	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000282	-	-	-	-	-	-	-	-	212	155	0.73	-0.45
DHsGV100	DHsGV1000042	ENSG0000	-	6387	CXCL12	chemokine	GO:000156	GO:000510	GO:000557	12	11	0.93	-0.11
DHsGV100	DHsGV1000443	-	NG_029706	25970	SH2B1	SH2B adap	GO:000759	GO:000487	GO:000563	27	19	0.71	-0.50
DHsGV100	DHsGV1000184	-	-	-	-	-	-	-	-				
AHsV1000	AHsV10002219	ENSG0000	XR_923793	729224	LOC72922	uncharacte	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000577	ENSG0000	XM_005276	653145	ANXA8	annexin A8	GO:000703	GO:000550	GO:000582	33	31	0.93	-0.10
DHsGV100	DHsGV1000478	ENSG0000	-	-	RP11-1008	-	-	-	-				
H30002023	H300020231	ENSG0000	NR_125349	1604	CD55	CD55 mole	GO:000688	GO:000161	GO:000013	716	843	1.18	0.24
DHsGV100	DHsGV1000289	-	-	-	-	-	-	-	-	53	38	0.71	-0.49
DHsGV100	DHsGV1000098	-	NG_012742	8997	KALRN	kalirin, Rho	GO:000646	GO:000467	GO:000582	4	9	2.12	1.08
DHsGV100	DHsGV1000096	-	-	-	-	-	-	-	-	107	79	0.74	-0.44
DHsGV100	DHsGV1000000	-	-	-	-	-	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000430	-	-	-	-	-	-	-	-	18	16	0.88	-0.18
H20000965	H200009652	ENSG0000	XM_011540	83937	RASSF4	Ras associ	GO:000704	GO:000551	-	3			
DHsGV100	DHsGV1000075	ENSG0000	NM_001009	23313	KIAA0930	KIAA0930	-	-	-	6	11	1.89	0.92
DHsGV100	DHsGV1000203	ENSG0000	-	100132273	NDUFA6-A	NDUFA6 ar	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000042	ENSG0000	NR_036494	643201	LOC64320	centrosome	-	-	-	19	19	1.00	0.01
DHsGV100	DHsGV1000140	-	-	-	-	-	-	-	-	3			
H30000036	H300000365	ENSG0000	NM_001078	441518	FAM127C	family with	-	GO:000551	-	179	145	0.81	-0.30
AHsV1000	AHsV10001455	ENSG0000	NM_001008	441150	C6orf226	chromosom	-	GO:000551	-				
H20001553	H200015533	ENSG0000	XM_011514	51053	GMNN	geminin, DN	GO:000027	GO:000371	GO:000563	4190	3342	0.80	-0.33
H30001852	H300018523	ENSG0000	XM_005254	54878	DPP8	dipeptidyl p	GO:000650	GO:000823	GO:000565	207	207	1.00	0.00
DHsGV100	DHsGV1000246	-	-	-	-	-	-	-	-	47	19	0.40	-1.33
DHsGV100	DHsGV1000122	ENSG0000	NM_007159	7871	SLMAP	sarcolemm	GO:000693	GO:000551	GO:0005790	smooth endoplasmic reticulum, G			
DHsGV100	DHsGV1000014	-	-	-	-	-	-	-	-	9			
DHsGV100	DHsGV1000324	-	-	-	-	-	-	-	-	15	17	1.12	0.17
DHsGV100	DHsGV1000319	ENSG0000	XM_011518	4851	NOTCH1	notch 1	GO:000012	GO:000104	GO:0000139	Golgi men	4		
DHsGV100	DHsGV1000556	-	-	-	-	-	-	-	-	27	21	0.76	-0.39
DHsGV100	DHsGV1000188	-	-	-	-	-	-	-	-				

DHsGV100	DHsGV100042	ENSG0000	NG_042272	100913183	MARCKSL	MARCKSL					80	69	0.87	-0.21
DHsGV100	DHsGV100041	ENSG0000	NR_073113	100652772	NNT-AS1	NNT antise					65	56	0.85	-0.23
DHsGV100	DHsGV1000106	ENSG0000			RP1-90J4.							8		
DHsGV100	DHsGV1000002										40	28	0.70	-0.50
H30000807	H300008074	ENSG0000	NR_024032	58483	LINC00474	long interge	GO:000815	GO:000367	GO:000557		8	11	1.47	0.55
DHsGV100	DHsGV1000085													
DHsGV100	DHsGV1000044													
DHsGV100	DHsGV1000149	ENSG0000	NM_001146	100505753	KRTAP16	keratin ass			GO:0045095	keratin fil		4		
DHsGV100	DHsGV1000495										253	180	0.71	-0.49
DHsGV100	DHsGV1000130										27	27	1.00	0.01
DHsGV100	DHsGV1000468	ENSG0000		653650	PDPK2P	3-phospho					100	78	0.79	-0.35
DHsGV100	DHsGV1000243	ENSG0000	NM_005234	2063	NR2F6	nuclear rec	GO:000012	GO:000098	GO:000563		41	47	1.15	0.20
DHsGV100	DHsGV1000014		NG_009238	26013	L3MBTL1	[(3)mbt-like	GO:000635	GO:000368	GO:0000785	chromatin		10		
AHsV1000	AHsV10001288	ENSG0000		642326	CCNYL3	cyclin Y-lik					13	15	1.19	0.25
AHsV1000	AHsV10002522	ENSG0000	NM_001031	606495	CYB5RL	cytochrom	GO:005511	GO:000412	GO:000563		34	54	1.59	0.67
DHsGV100	DHsGV1000243	ENSG0000	XM_011513	57047	PLSCR2	phospholipi	GO:001712	GO:000550	GO:0005634	nucleus,GO:0005886	plasma mem			
H20000954	H200009544	ENSG0000	XM_011525	9520	NPEPPS	aminopepti	GO:000020	GO:000417	GO:000563		492	419	0.85	-0.23
H20000075	H200000758	ENSG0000	NM_000537	5972	REN	renin	GO:000182	GO:000419	GO:000557		5	8	1.64	0.71
DHsGV100	DHsGV1000092	ENSG0000	NM_001320	8738	CRADD	CASP2 and	GO:000691	GO:000202	GO:0005634	nucleus,GO		10		
DHsGV100	DHsGV1000055										15	22	1.41	0.50
H20000091	H200000912	ENSG0000	NM_003801	8733	GPAA1	glycosylph	GO:000646	GO:000392	GO:000578		158	155	0.98	-0.03
DHsGV100	DHsGV1000242	ENSG0000	XM_011517	6917	TCEA1	transcripti	GO:000628	GO:000367	GO:000563		1043	2085	2.00	1.00
DHsGV100	DHsGV1000027										23	23	1.02	0.03
DHsGV100	DHsGV1000092										5	14	2.62	1.39
DHsGV100	DHsGV1000050										5	14	2.61	1.38
DHsGV100	DHsGV1000182											4		
DHsGV100	DHsGV1000496	ENSG0000	NM_001146	23562	CLDN14	claudin 14	GO:000646	GO:000519	GO:000578		9	18	2.00	1.00
DHsGV100	DHsGV1000512										30	32	1.06	0.08
DHsGV100	DHsGV1000377	ENSG0000	XR_246459	101928424	LOC101924	uncharacte						15		
DHsGV100	DHsGV1000106	ENSG0000	XR_158938	723805	LOC723805	interleukin					19	19	1.00	0.00
H20000407	H200004074	ENSG0000	NM_005178	602	BCL3	B-cell CLL	GO:000006	GO:000367	GO:000563		57	57	1.01	0.02
DHsGV100	DHsGV1000081													
DHsGV100	DHsGV1000177	ENSG0000	NM_018197	55734	ZFP64	ZFP64 zinc	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus				
DHsGV100	DHsGV1000050													
DHsGV100	DHsGV1000285													
DHsGV100	DHsGV1000222										8	12	1.61	0.68
DHsGV100	DHsGV1000354											3		
DHsGV100	DHsGV1000027											5		
CHsGV100	CHsGV1000268	ENSG0000	NM_001100	58191	CXCL16	C-X-C mo	GO:000689	GO:000504	GO:0005576	extracellular region,GO:0005615				
AHsV1000	AHsV10002875	ENSG0000	NM_173686	541565	C8orf58	chromosom					33	44	1.32	0.40
AHsV1000	AHsV10003448	ENSG0000	NM_001008	493861	EID3	EP300 inte	GO:000628	GO:000551	GO:0000781	chromoso		11		
AHsV1000	AHsV10002231											4		
CHsGV100	CHsGV100023	ENSG0000	NM_001001	414899	BLID	BH3-like m	GO:000691		GO:0005739	mitochondrion				
H20001547	H200015474	ENSG0000	XM_011515	11281	POU6F2	POU class	GO:000635	GO:000367	GO:000563		24	31	1.28	0.36
H30001929	H300019291	ENSG0000	XR_242374	10656	KHDRBS3	KH domain	GO:000635	GO:000372	GO:000563		27	25	0.92	-0.12
H20001246	H200012468	ENSG0000	NM_002918	5989	RFX1	regulatory	GO:000635	GO:000097	GO:000563		21	25	1.21	0.28
H20000026	H200000262	ENSG0000	NM_001001	5465	PPARA	peroxisome	GO:000012	GO:000097	GO:000563		188	184	0.98	-0.03
H30001274	H300012743	ENSG0000	NR_134607	1149	CIDEA	cell death-	GO:000165	GO:004280	GO:000563		37	43	1.14	0.19
H30002155	H300021559	ENSG0000	XM_011536	29966	STRN3	striatin 3	GO:000012	GO:000370	GO:0000159	protein ph		9		
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001127	162	AP1B1	adaptor rel	GO:000688	GO:000521	GO:000013		48	54	1.12	0.16
H20000073	H200000730	ENSG0000	NM_016451	1315	COPB1	coatomer p	GO:000688	GO:000519	GO:000013		1694	2014	1.19	0.25
H20001919	H200019194	ENSG0000	NR_133659	80329	ULBP1	UL16 bindi	GO:001988	GO:000382	GO:000578		9	28	3.05	1.61
H20001599	H200015991		NM_030966	81850	KRTAP1-3	keratin ass	GO:000815	GO:003028	GO:004509		9	11	1.12	0.17
H20001254	H200012549	ENSG0000	XM_011538	8086	AAAS	aladin WD r	GO:000027	GO:000367	GO:000563		209	182	0.87	-0.20
H20000716	H200007161	ENSG0000	NM_024671	79724	ZNF768	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000566		81	94	1.16	0.21
H20000664	H200006641	ENSG0000	XM_011545	6749	SSRP1	structure s	GO:000626	GO:000367	GO:000563		2671	2100	0.79	-0.35
H20000069	H200000694	ENSG0000	NM_002677	5375	PMP2	peripheral r	GO:000681	GO:000521	GO:000573		46	40	0.87	-0.20
H30000608	H300006080	ENSG0000	XM_011524	3292	HSD17B1	hydroxyste	GO:000669	GO:000382	GO:000565		112	93	0.83	-0.26
H20000076	H200000765	ENSG0000	XM_006718	6150	MRPL23	mitochondr	GO:000641	GO:000016	GO:000573		1660	1204	0.73	-0.46
H20000386	H200003861	ENSG0000	NM_004800	9375	TM9SF2	transmemb	GO:000681		GO:000576		1585	1204	0.76	-0.40
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_011539	9735	KNTC1	kinetochor	GO:000027	GO:000551	GO:000077		711	779	1.09	0.13
H30000864	H300008649	ENSG0000	NM_000727	786	CACNG1	calcium vol	GO:000681	GO:000524	GO:0005622	intracellul		6		
H20001142	H200011427	ENSG0000	NM_001271	5900	RALGDS	ral guanine	GO:000726	GO:000508	GO:000563		614	525	0.85	-0.23
H30000239	H300002397	ENSG0000	NR_002734	26255	PTTG3P	pituitary tu	GO:000635	GO:001712	GO:000563		5357	3443	0.64	-0.64
H20000922	H200009224	ENSG0000	NM_020967	57727	NCOA5	nuclear rec	GO:000635	GO:000368	GO:000561		66	57	0.87	-0.21
H20000658	H200006584	ENSG0000	NM_000251	4436	MSH2	mutS hom	GO:000170	GO:000028	GO:000078		1914	1428	0.75	-0.42
H20000171	H200001719	ENSG0000	NM_005345	3303	HSPA1A	heat shock	GO:001046	GO:000161	GO:000015		4588	2545	0.55	-0.85
H20000676	H200006765	ENSG0000	NM_006402	10542	LAMTOR5	late endosc	GO:000636	GO:000508	GO:000576		2111	1640	0.78	-0.36
H30002101	H300021011	ENSG0000	XM_011534	1602	DACH1	dachshund	GO:000012	GO:000107	GO:000563		12	22	1.82	0.86
H20001491	H200014919	ENSG0000	NR_036627	10181	RBM5	RNA bindi	GO:000024	GO:000016	GO:000563		836	825	0.99	-0.02
H20000775	H200007754	ENSG0000	NM_004818	9416	DDX23	DEAD-box	GO:000035	GO:000400	GO:000563		749	551	0.73	-0.44
H20000514	H200005147	ENSG0000	NM_002552	5000	ORC4	origin recog	GO:000008	GO:000016	GO:000078		247	231	0.94	-0.09
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_005268	4665	NAB2	NGFI-A bir	GO:000195	GO:000371	GO:000563		76	65	0.86	-0.22
H20001763	H200017636	ENSG0000	NM_019113	26291	FGF21	fibroblast g	GO:000716	GO:000510	GO:000557		22	26	1.20	0.26
opHsV0400	opHsV0400000		NM_000541	6295	SAG	S-antigen;	GO:000716	GO:000204	GO:000175		21	22	1.06	0.09
H20001141	H200011416	ENSG0000	NM_001318	53947	A4GALT	alpha 1,4-g	GO:000157	GO:000837	GO:001602		469	335	0.72	-0.48
H30002191	H300021914	ENSG0000	NM_001369	1767	DNAH5	dynein axon	GO:000334	GO:000377	GO:0005575	cellular cd		6		
H20000743	H200007433		NM_003770	8688	KRT37	keratin 37,		GO:000519	GO:000588		18	19	1.08	0.11
H20000067	H200000677	ENSG0000	NM_000226	3857	KRT9	keratin 9, t	GO:000728	GO:000520	GO:000561		57	46	0.81	-0.31
H30001112	H300011123	ENSG0000	XM_005265	23286	WWC1	WW and C2	GO:000012	GO:000371	GO:000563		4	7	1.78	0.83
H20000646	H200006468	ENSG0000	XM_011535	7347	UCHL3	ubiquitin C	GO:000651	GO:000484	GO:000563		1249	955	0.76	-0.39
H30001935	H300019350	ENSG0000	XM_011536	26037	SIPA1L1	signal-indu	GO:000815	GO:000367	GO:000557		94	85	0.90	-0.15
H20001799	H200017998	ENSG0000	NM_020985	1103	CHAT	choline O-	GO:000154	GO:000410	GO:000563		68	54	0.80	-0.33
H30001013	H300010139	ENSG0000	NM_018464	55847	CISD1	CDGSH iro	GO:004345	GO:004687	GO:000573		4288	2345	0.55	-0.87
H20000140	H200001401	ENSG0000	NM_003630	8504	PEX3	peroxisoma	GO:000223	GO:000551	GO:000565		716	585	0.82	-0.29
H20001535	H200015353	ENSG0000	XM_005270	8945	BTRC	beta-trans	GO:000008	GO:000484	GO:000565		203	168	0.83	-0.27
H20000569	H200005693	ENSG0000	NM_024421	1823	DSC1	desmocollir	GO:000715	GO:000550	GO:0005886	plasma m		9		
H20001924	H200019245	ENSG0000	NM_031895	59283	CACNG8	calcium vol	GO:000681	GO:000524	GO:000588		33	32	0.97	-0.04
H20000026	H200000265	ENSG0000	XM_011537	8858	PROZ									

H30000092	H300000923	ENSG0000	XM_005266	10631	POSTN	periostin, o	GO:000150	GO:000551	GO:0005578	proteinaceous extracellular matri				
H20000107	H200001079	ENSG0000	NM_001080	1955	MEGF9	multiple EG	GO:000815	-	GO:000557	112	91	0.81	-0.30	
H30000258	H300002580	ENSG0000	NM_012324	23542	MAPK8IP2	mitogen-ac	GO:000016	GO:000154	GO:000562	931	631	0.68	-0.56	
H30001029	H300010290	ENSG0000	NM_019884	2931	GSK3A	glycogen sy	GO:000307	GO:000467	GO:000573	244	192	0.79	-0.35	
H30002028	H300020287	ENSG0000	NM_002078	2803	GOLGA4	golgin A4	GO:000004	GO:000551	GO:000013	192	200	1.04	0.06	
H20000788	H200007885	ENSG0000	NR_038133	1123	CHN1	chimerin 1	GO:000726	GO:000507	GO:000573	6	6	1.07	0.10	
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001204	8241	RBM10	RNA bindin	GO:000639	GO:000016	GO:000563	85	68	0.80	-0.32	
H20001088	H200010885	ENSG0000	NM_006297	7515	XRCC1	X-ray repa	GO:000001	GO:000368	GO:000563	269	215	0.80	-0.32	
H30000658	H300006587	ENSG0000	NM_002268	3840	KPNA4	karyopherin	GO:000660	GO:000551	GO:000564	166	192	1.15	0.20	
H30001242	H300012429	ENSG0000	NM_016170	3196	TLX2	T-cell leuk	GO:000170	GO:000367	GO:000557	15	17	1.19	0.25	
H20001283	H200012835	ENSG0000	NM_178332	2797	GNRH2	gonadotrop	GO:000716	GO:000517	GO:000557	31	35	1.14	0.19	
H30000371	H300003713	-	NM_001287	1192	CLIC1	chloride int	GO:000674	GO:000436	GO:000561	20022	14592	0.73	-0.46	
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_006805	10949	HNRNPA0	heterogene	GO:000039	GO:000016	GO:000563	293	380	1.29	0.37	
H20000316	H200003165	ENSG0000	NM_003659	8540	AGPS	alkylglycerol	GO:000861	GO:000551	GO:000573	1167	881	0.76	-0.41	
H20000847	H200008475	ENSG0000	NM_001039	9463	PICK1	protein inte	GO:000209	GO:000166	GO:000573	135	95	0.70	-0.52	
H20000774	H200007743	ENSG0000	NM_006529	8001	GLRA3	glycine rec	GO:000721	GO:001659	GO:000588	5	16	3.00	1.59	
H30002029	H300020296	ENSG0000	NM_001251	7220	TRPC1	transient re	GO:000681	GO:000526	GO:0005829	cytosol,G	11			
H20000064	H200000641	ENSG0000	NM_001192	608	TNFRSF17	tumor necr	GO:000225	GO:000487	GO:0005886	plasma membrane,GO:0012505 e				
H20000703	H200007031	ENSG0000	NM_015138	23168	RTF1	RTF1 homod	GO:000012	GO:000369	GO:000573	269	231	0.86	-0.22	
H30001555	H300015559	ENSG0000	NM_001122	5498	PPOX	protoporph	GO:000677	GO:000472	GO:000575	236	140	0.59	-0.75	
H20000598	H200005986	ENSG0000	NM_004541	4694	NDUFA1	NADH:ubiqu	GO:000612	GO:000813	GO:000573	6578	5866	0.89	-0.17	
H30001797	H300017977	ENSG0000	NM_173201	487	ATP2A1	ATPase sa	GO:000681	GO:000538	GO:000573	17	25	1.46	0.55	
H30000579	H300005798	ENSG0000	NM_003908	8894	EIF2S2	eukaryotic	GO:000170	GO:000372	GO:000563	9440	8521	0.90	-0.15	
H20001148	H200011489	ENSG0000	NM_004819	8189	SYMPK	symplekin	GO:000637	GO:000551	GO:000565	181	142	0.79	-0.34	
H20001617	H200016176	ENSG0000	XM_005252	5286	PIK3C2A	phosphatid	GO:000664	GO:000552	GO:000563	91	97	1.06	0.09	
H20000708	H200007082	ENSG0000	NM_047695	51604	PIGT	phosphatid	GO:000650	GO:000392	GO:000578	173	155	0.89	-0.16	
H30001906	H300019067	ENSG0000	NM_001166	5184	PEPD	peptidase I	GO:000650	GO:000417	GO:007006	429	322	0.75	-0.41	
H20000527	H200005273	ENSG0000	XM_011522	79705	LRRK1	leucine-ric	GO:000646	GO:000467	GO:0005737	cytoplasm	4			
H30002002	H300020026	ENSG0000	NM_015344	23484	LEPROTL1	leptin rece	-	-	GO:001602	644	487	0.76	-0.40	
H20000037	H200000371	ENSG0000	NM_000145	2492	FSHR	follicle stim	GO:000154	GO:000496	GO:000588	4	7	1.86	0.90	
H20001430	H200014307	ENSG0000	NM_001281	9415	FADS2	fatty acid d	GO:000663	GO:000476	GO:000578	245	169	0.69	-0.54	
H20000108	H200001083	ENSG0000	XM_011525	8535	CBX4	chromobox	GO:000012	GO:000368	GO:000563	74	104	1.40	0.49	
H20000545	H200005458	ENSG0000	NM_003222	7022	TFAP2C	transcripti	GO:000012	GO:000097	GO:000563	18	20	1.13	0.17	
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_003140	6736	SRY	sex determ	GO:000012	GO:000367	GO:000563	24	34	1.44	0.53	
H20001566	H200015669	ENSG0000	NM_005251	2303	FOXC2	forkhead b	GO:000012	GO:000107	GO:000563	471	335	0.71	-0.49	
H20000060	H200000600	ENSG0000	XM_011544	1846	DUSP4	dual specifi	GO:000016	GO:000472	GO:000563	17	26	1.51	0.59	
H20000304	H200003043	ENSG0000	NG_016325	9282	MED14	mediator c	GO:000635	GO:000110	GO:000563	13	23	1.80	0.85	
H20000495	H200004950	ENSG0000	NR_037620	23594	ORC6	origin recog	GO:000008	GO:000367	GO:000080	642	656	1.02	0.03	
H30001914	H300019141	ENSG0000	NM_021187	57834	CYP4F11	cytochrom	GO:000680	GO:000550	GO:0005789	endoplasm	8			
H20001371	H200013714	ENSG0000	NM_000783	1592	CYP26A1	cytochrom	GO:000676	GO:000197	GO:000578	12	21	1.69	0.76	
H20001605	H200016056	ENSG0000	NM_005199	1146	CHNRG	cholinerpic	GO:000681	GO:000488	GO:000588	278	175	0.63	-0.67	
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	-	-	MT-ND3	mitochondr	-	-	-	28268	12268	0.43	-1.20	
H20000171	H200001716	ENSG0000	NM_007170	10420	TESK2	testis-spec	GO:000646	GO:000467	GO:000563	58	60	1.04	0.06	
H30001920	H300019204	ENSG0000	NM_001056	6819	SULT1C2	sulfotransfe	GO:000680	GO:000551	GO:000573	91	71	0.78	-0.36	
H30001843	H300018436	ENSG0000	NM_021244	58528	RRAGD	Ras related	GO:000636	GO:000392	GO:0005634	nucleus,G	4			
H30000356	H300003568	ENSG0000	NM_001122	1373	CPS1	carbamoyl-	GO:000005	GO:000407	GO:000573	41	65	1.56	0.64	
H30001868	H300018683	ENSG0000	NM_001282	9016	SLC25A14	solute carr	GO:000641	GO:000373	GO:000573	249	268	1.08	0.11	
H20002062	H200020628	ENSG0000	NM_001304	56203	LMOD3	leiomodlin 3	GO:000693	GO:000378	GO:000586	5	18	3.34	1.74	
H30001233	H300012338	ENSG0000	NM_001171	4168	MCF2	MCF.2 cell	GO:000726	GO:000508	GO:0005829	cytosol,G	3			
H20001572	H200015728	ENSG0000	NM_012285	23415	KCNH4	potassium	GO:000016	GO:000015	GO:000562	54	47	0.88	-0.18	
H20000416	H200004168	ENSG0000	NM_004981	3761	KCNJ4	potassium	GO:000681	GO:000524	GO:000588	28	28	0.99	-0.02	
H20000542	H200005420	ENSG0000	NM_022776	114885	OSBPL11	oxysterol b	GO:000686	GO:000828	GO:000579	82	94	1.14	0.19	
H20000246	H200002461	ENSG0000	XM_005253	4839	NOP2	NOP2 nucl	GO:000636	GO:000551	GO:000573	604	445	0.74	-0.44	
H20000401	H200004018	ENSG0000	XM_005253	9847	C2CD5	C2 calcium	GO:001082	GO:000550	GO:000573	175	207	1.18	0.24	
H30000383	H300003835	-	NM_005541	3635	INPP5D	inositol pol	GO:000664	GO:000444	GO:000582	18	23	1.25	0.32	
H20001282	H200012822	ENSG0000	NR_037926	100533955	SENP3-EIF	SENP3-EIF	-	-	-	7884	5241	0.66	-0.59	
H20001196	H200011966	ENSG0000	XM_011523	64174	DPEP2	dipeptidase	GO:000650	GO:000823	GO:003122	6	20	3.16	1.66	
H20000567	H200005676	ENSG0000	NR_024034	100132341	CLUHP3	clustered n	-	-	-	124	73	0.59	-0.77	
H20001672	H200016721	ENSG0000	XM_005257	51174	TUBD1	tubulin delt	GO:000701	GO:000392	GO:000565	656	561	0.86	-0.23	
H20001548	H200015481	-	NM_003511	8332	HIST1H2AL	histone clu	GO:000634	GO:000367	GO:000078	4	5	1.01	0.02	
H20000537	H200005375	ENSG0000	NM_033449	89848	FCHSD1	FCH and de	-	-	-	91	71	0.79	-0.34	
H20001076	H200010766	ENSG0000	XM_011540	84795	PYROXD2	pyridine nu	GO:005511	GO:000551	-	11	20	1.92	0.94	
H20000477	H200004779	ENSG0000	NM_001286	84071	ARMC2	armadillo re	-	GO:000551	-	-	-	-	-	-
H20000684	H200006847	ENSG0000	XR_944681	65117	RSRC2	arginine/se	-	GO:000551	-	879	858	0.98	-0.03	
H20001090	H200010907	ENSG0000	XM_005271	83480	PUS3	pseudourid	GO:003111	GO:000372	GO:000563	290	225	0.78	-0.37	
H20000101	H200001018	ENSG0000	NM_017916	55011	PIH1D1	PIH1 doma	GO:000049	GO:000116	GO:000563	1938	1239	0.64	-0.64	
H20000136	H200001367	-	XM_011521	23359	FAM189A1	family with	-	-	GO:001602	46	45	0.96	-0.05	
H20000291	H200002919	ENSG0000	XM_006717	64376	IKZF5	IKAROS fa	GO:000635	GO:000097	GO:000563	173	111	0.64	-0.64	
H20001027	H200010276	ENSG0000	NM_017714	55617	TASP1	taspase 1	GO:000650	GO:000429	-	115	88	0.76	-0.39	
H20000518	H200005186	ENSG0000	XM_005252	83856	FSD1L	fibronectin	GO:000815	GO:000367	GO:000557	31	36	1.14	0.19	
H20000100	H200001004	ENSG0000	XR_944712	79023	NUP37	nucleoporin	GO:000027	GO:000551	GO:000077	1695	1279	0.75	-0.41	
H20001299	H200012994	ENSG0000	NM_152670	200523	TEX37	testis expr	-	GO:000551	GO:0005634	nucleus				
H20000133	H200001336	ENSG0000	NM_032349	84309	NUDT16L1	nudix hydro	GO:000815	GO:000551	GO:000573	296	190	0.64	-0.64	
H20000231	H200002315	ENSG0000	NM_145274	147184	TMEM99	transmemb	-	-	GO:001602	343	391	1.14	0.19	
H20001784	H200017847	ENSG0000	NM_080617	140689	CBLN4	cerebellin 4	GO:000930	-	GO:000561	92	67	0.73	-0.46	
H20001630	H200016300	ENSG0000	NM_001102	5685	PSMA4	proteasome	GO:000008	GO:000429	GO:000050	7634	5614	0.74	-0.44	
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_178011	347731	LRRTM3	leucine rich	GO:000646	GO:000486	GO:000573	6	8	1.36	0.45	
opHsV0400	opHsV0400009	ENSG0000	XM_011524	339221	ENPP7	ectonucleo	GO:000666	GO:000476	GO:000579	200	140	0.70	-0.51	
H30000424	H300004249	ENSG0000	XM_011537	160622	GRASP	GRP1 (gen	GO:000716	GO:003016	GO:0030054	cell juncti	7			
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NR_047585	151011	42623	septin 10	GO:000704	GO:000551	GO:000573	18	19	1.05	0.07	
H20001425	H200014254	ENSG0000	NR_026978	115106	HAUS1	HAUS augr	GO:000706	GO:000367	GO:000092	908	907	1.00	0.00	
H20000372	H200003726	ENSG0000	XM_011516	95681	CEP41	centrosom	GO:000008	GO:000551	GO:000					

H20000765	H200007657	ENSG0000	NM_012390	26952	SMR3A	submaxillar	-	-	GO:000557	6	10	1.73	0.79		
H20001661	H200016616	ENSG0000	XM_011524	55163	PNPO	pyridoxamir	GO:000223	GO:000473	GO:000565	170	181	1.06	0.09		
H20001133	H200011333	ENSG0000	XM_011523	55565	ZNF821	zinc finger	GO:000635	GO:000370	GO:000563	19	21	1.13	0.17		
H20001269	H200012699	ENSG0000	NR_002191	80316	PPP1R2P9	protein pho	GO:000996	GO:000486	GO:000016	29	26	0.92	-0.12		
H20001491	H200014913	ENSG0000	NM_018360	55787	TXLNG	taxilin gamr	GO:000635	GO:001990	GO:000582	196	152	0.78	-0.36		
H20000703	H200007037	-	XM_005257	4779	NFE2L1	nuclear fac	GO:000635	GO:000097	GO:000563	180	249	1.38	0.47		
H30001286	H300012861	ENSG0000	XM_011542	63876	PKNOX2	PBX/knott	GO:000635	GO:000097	GO:000563	277	193	0.70	-0.52		
H20000156	H200001562	ENSG0000	XM_006710	55929	DMAP1	DNA methy	GO:000012	GO:000110	GO:000563	269	258	0.96	-0.06		
H20000916	H200009165	ENSG0000	NM_001268	80131	LRRCE8E	leucine-ric	GO:004407	GO:000522	GO:000573	76	57	0.74	-0.43		
H20001223	H200012235	ENSG0000	NM_001256	352909	DNAAF3	dynein (axo	GO:004445	-	GO:000573	684	445	0.65	-0.62		
H20000166	H200001662	ENSG0000	NM_003430	7644	ZNF91	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	75	71	0.94	-0.09		
H20000440	H200004406	ENSG0000	XM_011538	55596	ZCCHC8	zinc finger	GO:000039	GO:000551	GO:000563	437	478	1.09	0.13		
H20001748	H200017488	ENSG0000	XM_011516	51667	NUB1	negative re	GO:000651	GO:000551	GO:000563	361	310	0.86	-0.22		
H30000354	H300003544	ENSG0000	XM_011543	286046	XKR6	XK related	-	-	GO:001602	12	12	1.00	0.00		
H30000273	H300002739	ENSG0000	-	283458	NME2P1	NME/NM23	GO:000616	GO:000455	GO:000563	7854	4422	0.56	-0.83		
H20000309	H200003099	ENSG0000	NM_153347	144110	TMEM86A	transmemb	-	-	GO:001602	272	161	0.59	-0.76		
H30001369	H300013690	ENSG0000	NM_080874	140458	ASB5	ankyrin rep	GO:001656	-	GO:000562	11	16	1.46	0.55		
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_005254	90427	BMF	Bcl2 modif	GO:000691	GO:000551	GO:000166	206	161	0.78	-0.35		
H20001965	H200019650	ENSG0000	NM_032928	85014	TMEM141	transmemb	-	-	GO:001602	494	343	0.69	-0.53		
H30000635	H300006350	ENSG0000	NM_001317	6637	SNRPG	small nucle	GO:000024	GO:000372	GO:000565	13799	8460	0.61	-0.71		
H20001167	H200011679	ENSG0000	NM_031908	114898	C1QTNF2	C1q and tu	GO:000018	GO:000510	GO:000558	6	11	1.95	0.96		
H20000040	H200000405	ENSG0000	XM_011540	9937	DCLRE1A	DNA cross	GO:000628	GO:000368	GO:000078	327	294	0.90	-0.16		
H20000533	H200005336	ENSG0000	NM_001010	90321	ZNF766	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	158	176	1.12	0.16		
H20001688	H200016884	ENSG0000	NM_014589	30814	PLA2G2E	phospholip	GO:000664	GO:000462	GO:000557	62	45	0.72	-0.47		
H20001730	H200017308	ENSG0000	NM_014748	9784	SNX17	sorting nex	GO:000327	GO:000510	GO:000573	409	293	0.72	-0.48		
H20000030	H200000306	ENSG0000	NM_001278	23398	PPWD1	peptidylpro	GO:000039	GO:000375	GO:000563	1075	879	0.82	-0.29		
H20000033	H200000330	ENSG0000	XM_011518	727	C5	complemen	GO:000018	GO:000486	GO:0005576	extracellu	9				
H20000691	H200006916	ENSG0000	XM_011516	27000	DNAJC2	DnaJ heat	GO:000626	GO:000367	GO:000563	2133	1678	0.79	-0.35		
H20001247	H200012478	ENSG0000	NM_080739	128653	C20orf141	chromosom	-	-	GO:001602	595	391	0.66	-0.61		
H20001688	H200016889	ENSG0000	XM_011536	145508	CEP128	centrosom	-	-	GO:000092	37	50	1.34	0.43		
H20000803	H200008039	ENSG0000	XR_242257	55972	SLC25A40	solute carr	GO:000641	GO:000373	GO:000574	224	216	0.96	-0.05		
H20000644	H200006445	ENSG0000	NM_006803	10947	AP3M2	adaptor rel	GO:000688	-	GO:000579	229	163	0.71	-0.49		
H30001036	H300010366	ENSG0000	XM_005267	53981	CPSF2	cleavage ar	GO:000039	GO:000372	GO:000565	168	147	0.87	-0.19		
H20001614	H200016146	ENSG0000	NM_021025	30012	TLX3	T-cell leuk	GO:000176	GO:000551	GO:000563	15	23	1.55	0.64		
H20000382	H200003820	ENSG0000	NM_015207	23252	OTUD3	OTU deubi	GO:003587	GO:000484	-	125	128	1.03	0.04		
H20000263	H200002639	ENSG0000	XM_011537	11318	GPR182	G protein-c	GO:000166	GO:000160	GO:000562	53	57	1.08	0.11		
H20001322	H200013227	ENSG0000	XM_011536	122618	PLD4	phospholip	GO:000664	GO:000443	GO:000578	7	18	2.80	1.49		
H20000475	H200004755	ENSG0000	XM_005257	6329	SCN4A	sodium volt	GO:000681	GO:000524	GO:000151	44	46	1.04	0.06		
H20001620	H200016207	ENSG0000	NM_020162	56919	DHX33	DEAH-box	GO:000639	GO:000018	GO:000565	24	32	1.35	0.44		
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_177533	256281	NUDT14	nudix hydro	GO:000815	GO:000551	GO:000573	92	76	0.82	-0.28		
H30000167	H300001673	ENSG0000	NM_173561	222643	UNC5CL	unc-5 fami	GO:000650	GO:000823	GO:000573	94	74	0.79	-0.35		
H30000907	H300009077	ENSG0000	NM_182502	132724	TMPRSS11	transmemb	GO:000650	GO:000425	GO:000588	9	14	1.54	0.62		
H20001130	H200011306	ENSG0000	NM_001320	128218	TMEM125	transmemb	GO:000815	GO:000367	GO:0005575	cellular_co	6				
H20001577	H200015777	ENSG0000	NM_032520	84572	GNPTG	N-acetylglu	GO:001625	GO:000397	GO:000013	159	156	0.98	-0.03		
H30002205	H300022051	-	XM_011542	84196	USP48	ubiquitin sp	GO:000651	GO:000484	GO:000565	70	75	1.08	0.11		
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NR_028089	55998	NXF5	nuclear RN	GO:000640	GO:000016	GO:000563	18	23	1.28	0.36		
H20000195	H200001957	ENSG0000	NM_007262	11315	PARK7	Parkinsonis	GO:000193	GO:000104	GO:000078	9074	7545	0.83	-0.27		
H20001760	H200017600	ENSG0000	NR_033268	131870	NUDT16	nudix hydro	GO:000638	GO:000028	GO:000563	104	103	0.99	-0.01		
H20001306	H200013067	ENSG0000	XM_005271	65243	ZFP69B	ZFP69 zinc	GO:000635	GO:000367	GO:000563	71	71	1.00	0.01		
H20000720	H200007208	-	-	-	-	-	-	-	-	11	17	1.55	0.63		
H20000630	H200006306	ENSG0000	XM_011534	23197	FAF2	Fas associa	GO:000698	GO:000551	GO:000578	553	481	0.87	-0.20		
H20000531	H200005319	ENSG0000	NM_018322	55776	SAYS1	SAYS1	-	-	GO:001602	61	92	1.50	0.58		
H20001161	H200011616	ENSG0000	NM_016145	51398	WDR83OS	WD repeat	-	-	GO:001602	1420	1114	0.78	-0.35		
H20000691	H200006913	ENSG0000	NR_027368	10775	POP4	POP4 hom	GO:000636	GO:000017	GO:000017	927	862	0.93	-0.11		
H20000869	H200008698	ENSG0000	NM_182527	164633	CABP7	calcium bin	-	GO:000550	GO:0005886	plasma m	4				
H20001296	H200012965	ENSG0000	NM_019601	56241	SUSD2	sushi doma	GO:000689	GO:000504	GO:000588	41	43	1.07	0.10		
H20000249	H200002497	ENSG0000	XM_011517	57623	ZFAT	zinc finger	GO:000224	GO:000097	GO:000563	15	21	1.44	0.53		
H20000760	H200007601	ENSG0000	NR_133915	55588	MED29	mediator c	GO:000635	GO:000551	GO:000565	120	154	1.29	0.36		
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_032107	26013	L3MBTL1	l(3)mbt-like	GO:000635	GO:000368	GO:000078	46	38	0.83	-0.27		
H20001164	H200011649	-	NM_015094	23119	HIC2	hypermethy	GO:000635	GO:000367	GO:000563	142	140	0.99	-0.02		
H30000488	H300004887	ENSG0000	XM_011518	401551	WDR38	WD repeat	-	-	-	39	39	0.99	-0.02		
H20001619	H200016190	ENSG0000	XR_947867	85459	CEP295	centrosom	GO:190211	-	GO:000573	63	85	1.35	0.43		
H20000794	H200007948	ENSG0000	NM_001306	90167	FRMD7	FERM dom	GO:001059	GO:000367	GO:000561	4	11	2.72	1.45		
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_207469	400830	DEFB132	defensin be	GO:004274	-	GO:000557	16	20	1.26	0.34		
opHsV0400	opHsV0400003	-	NR_003945	387751	GVINP1	GTPase, ve	-	GO:000552	GO:000563	15	18	1.25	0.32		
H30000885	H300008859	ENSG0000	XM_011544	203100	HTRA4	HtraA serine	GO:000155	GO:000417	GO:0005576	extracellu	10				
H30001580	H300015807	ENSG0000	XM_011514	171558	PTCRA	pre T-cell	-	GO:000551	GO:001602	7	14	1.96	0.97		
H30000426	H300004263	ENSG0000	NM_001002	124274	GPR139	G protein-c	GO:000718	GO:000818	GO:000588	8	12	1.38	0.47		
H20002008	H200020085	ENSG0000	NM_053284	117166	WFIKKN1	WAP, follist	GO:000150	GO:000486	GO:000557	17	23	1.33	0.41		
H20000751	H200007518	ENSG0000	XM_011536	81833	SPACA1	sperm acro	GO:000167	-	GO:000208	23	22	0.94	-0.09		
H20001153	H200011537	ENSG0000	NR_033429	80325	ATB1	ankyrin rep	GO:000641	GO:000374	GO:000573	48	44	0.90	-0.15		
H30000600	H300006004	ENSG0000	NM_004914	9609	RAB36	RAB36, me	GO:000726	GO:000552	GO:0000139	Golgi men	6				
H30000673	H300006734	ENSG0000	NM_003666	8548	BLZF1	basic leucir	GO:000027	GO:000367	GO:000013	309	337	1.09	0.12		
H30000178	H300001783	ENSG0000	-	283008	NUTM2E	NUT family	-	-	-	50	52	1.03	0.04		
H30000022	H300000227	ENSG0000	XM_011518	158131	OR1Q1	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:0005886	plasma m	3				
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001318	151987	PPP4R2	protein pho	GO:000072	GO:000551	GO:000563	522	764	1.46	0.55		
H30000464	H300004646	ENSG0000	NM_001195	8545	CGGBP1	CGG triple	GO:000012	GO:000097	GO:000563	330	291	0.88	-0.18		
H30000972	H300009726	ENSG0000	NM_080860	89765	RSPH1	radial spoke	GO:003508	GO:000551	GO:0005634	nucleus,GO:0005829	cytosol,GO:				
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001190	149483	CCDC17	coiled-coil	-	GO:000551	-	51	50	0.98	-0.03		
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_138381	92106	OXNAD1	oxidoreduc	GO:000815	GO:000367	GO:000557	522	387	0.74	-0.43		
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_153769	26256	CABYR	calcium bin	GO:000335	GO:000550	GO:0005634	nucleus,G	7				
H20000886	H200008863	ENSG0000	NM_001153	60592	SCOC	short coile	GO:001623	GO:000551	GO:000013	1378	1305	0.95	-0.08		
H20															

H30000956	H300009567	ENSG0000	NM_019050	54532	USP53	ubiquitin sp	GO:000815	GO:003645	GO:000557	150	146	0.97	-0.05
H30000183	H300001837	ENSG0000	NM_182511	147381	CBLN2	cerebellin 2	GO:005196	-	GO:000561	4	7	1.74	0.80
H30001016	H300010164	ENSG0000	XM_005256	57707	TLDC1	TBC/LysM	-	GO:000551	GO:000576	161	152	0.95	-0.08
H30002188	H300021887	-	XM_011514	4277	MICB	MHC class	GO:000191	GO:000382	GO:000588	349	260	0.74	-0.43
H30000394	H300003940	ENSG0000	XM_011518	23732	FRRS1L	ferric chela	GO:000815	GO:000367	GO:000575	cellular component,GO:0005886			
H20000376	H200003768	ENSG0000	NM_001145	57711	ZNF529	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	151	140	0.93	-0.11
H20000244	H200002442	ENSG0000	XM_011544	157313	CDCA2	cell division	GO:000705	-	GO:000565	176	143	0.81	-0.30
H20001686	H200016864	ENSG0000	NM_014594	30832	ZNF354C	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005737	cytoplasm,GO:0031965	nuclear m		
H20000419	H200004198	ENSG0000	NM_003108	6664	SOX11	SRY-box 1	GO:000012	GO:000097	GO:0005634	nucleus,GO:0005737	cytoplasm		
H20001077	H200010775	ENSG0000	XR_254513	256957	HEATR9	HEAT repe	GO:000224	-	-	16	22	1.41	0.50
H30000906	H300009065	ENSG0000	XM_011515	26173	INTS1	integrator c	GO:000183	-	GO:001602	44	37	0.85	-0.24
H30002095	H300020957	ENSG0000	XM_005250	154865	IQUB	IQ motif an	GO:000722	GO:000551	GO:000166	17	28	1.67	0.74
H30000297	H300002977	ENSG0000	-	-	AC079753.	-	-	-	-	7	17	2.39	1.26
H30000444	H300004440	ENSG0000	-	-	RP5-827C2	-	-	-	-	7749	5285	0.68	-0.55
H30000731	H300007316	ENSG0000	XR_428923	79053	ALG8	ALG8, alph	GO:000648	GO:000003	GO:000578	3613	2362	0.65	-0.61
opHsV0400	opHsV0400000	-	-	-	-	-	-	-	-	170	104	0.61	-0.70
H30000092	H300000922	ENSG0000	NR_026761	84791	LINC00467	long interge	-	-	-	244	291	1.20	0.26
H30000643	H300006439	ENSG0000	NM_178019	347732	CATSPER3	cation char	GO:000681	GO:000524	GO:000166	72	66	0.92	-0.12
H20001418	H200014184	ENSG0000	NM_001306	343099	CCDC18	coiled-coil	-	-	-	182	243	1.34	0.42
H20001218	H200012180	ENSG0000	NM_001009	25943	C2orf194	chromosom	-	-	-	56	58	1.05	0.06
H20000953	H200009533	ENSG0000	XM_005266	92715	DPH7	diphthamid	GO:001718	GO:006168	-	254	232	0.91	-0.13
H20001647	H200016478	ENSG0000	NM_080429	89872	AQP10	aquaporin 1	GO:000683	GO:001520	GO:000588	225	122	0.54	-0.89
H20000758	H200007588	ENSG0000	NM_024805	79863	RBFA	ribosome b	GO:000636	GO:000367	GO:000557	328	214	0.65	-0.61
H30001375	H300013759	-	XR_947790	10525	HYOU1	hypoxia up	GO:000293	GO:000552	GO:000557	160	172	1.08	0.11
H30001503	H300015036	ENSG0000	XR_945782	54805	CNNM2	cyclin and	GO:001096	-	GO:001602	4	9	2.25	1.17
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_173825	285282	RABL3	RAB, mem	GO:000726	GO:000552	GO:000562	139	123	0.88	-0.18
H30000320	H300003209	ENSG0000	NM_173077	130749	CPO	carboxypep	GO:000650	GO:000418	GO:0005615	extracellu	4		
H30000534	H300005341	ENSG0000	-	-	RP11-31H4	-	-	-	-				
H30002197	H300021975	ENSG0000	XM_005254	10150	MBNL2	muscleblind	GO:000639	GO:004482	GO:000563	80	69	0.87	-0.21
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_005266	3936	LCP1	lymphocyte	GO:000228	GO:000377	GO:000172	3335	3833	1.15	0.20
H30000369	H300003699	ENSG0000	NM_002076	2799	GNS	glucosamin	GO:000597	GO:000551	GO:004320	57	55	0.96	-0.05
H20000240	H200002404	ENSG0000	NR_122031	750	GAS8-AS1	GAS8 antis	GO:000815	GO:000367	GO:000557	149	109	0.73	-0.46
H20000089	H200000891	ENSG0000	NM_001037	652968	GATSL3	GATS prot	-	GO:000551	-	137	91	0.66	-0.59
H20001585	H200015857	ENSG0000	NR_073506	55254	TMEM39A	transmemb	GO:000223	-	GO:001602	34	57	1.65	0.72
H20002013	H200020136	ENSG0000	NR_130754	116028	RM12	RecQ medi	GO:000072	GO:000367	GO:000563	651	670	1.03	0.04
H20001086	H200010860	ENSG0000	NM_032109	23440	OTP	orthopedia	GO:000205	GO:004356	GO:0005634	nucleus	3		
H30000041	H300000410	ENSG0000	XM_005248	221476	PI16	peptidase i	GO:001046	GO:003041	GO:000561	5	6	1.33	0.41
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001170	285782	CAGE1	cancer ant	-	GO:000551	-		5		
H30000928	H300009288	ENSG0000	NM_001102	113802	HENMT1	HEN1 meth	GO:000151	GO:000372	GO:004318	4	7	1.75	0.81
H30000161	H300001618	ENSG0000	NM_001199	57465	TBC1D24	TBC1 doma	GO:003117	GO:000509	GO:000573	36	25	0.70	-0.52
H30000283	H300002832	ENSG0000	NM_015500	25966	C2CD2	C2 calcium	-	-	GO:000557	22	25	1.15	0.20
H30000753	H300007532	ENSG0000	NM_198560	375323	LHFPL4	lipoma HMC	-	-	GO:001602	45	39	0.88	-0.19
H30002084	H300020841	ENSG0000	NM_207312	112714	TUBA3E	tubulin alp	GO:000645	GO:000367	GO:000563	104	98	0.94	-0.10
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_000901	4306	NR3C2	nuclear rec	GO:000635	GO:000370	GO:0005654	nucleoplasm,GO:0005789	endopl		
H20001218	H200012187	ENSG0000	XM_005249	27153	ZNF777	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000557	33	33	0.99	-0.02
H20001077	H200010772	ENSG0000	NM_014373	26996	GPR160	G protein-c	GO:000718	GO:000493	GO:000588	262	226	0.86	-0.21
H20000199	H200001994	ENSG0000	NM_032839	84925	DIRC2	disrupted ir	GO:000681	-	GO:000576	28	27	0.97	-0.04
H20000329	H200003294	ENSG0000	NM_020854	57614	KIAA1468	KIAA1468	-	-	-	79	92	1.17	0.23
H20001613	H200016139	ENSG0000	NM_001170	63932	CXorf56	chromosom	-	-	-	128	161	1.25	0.32
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_005251	28989	NTMT1	N-terminal	GO:000705	GO:000827	GO:000563	1505	850	0.57	-0.82
H30001191	H300011918	ENSG0000	XM_011517	85479	DNAJC5B	DnaJ heat	-	GO:000551	GO:001602	15	19	1.28	0.35
H30000958	H300009586	ENSG0000	NM_001115	79998	ANKRD53	ankyrin rep	-	-	-	100	89	0.88	-0.18
H30002083	H300020834	ENSG0000	NM_152379	128061	C1orf131	chromosom	-	GO:004482	-	825	724	0.88	-0.19
H30000092	H300000927	ENSG0000	XM_005268	50511	SYCP3	synaptoner	GO:000071	GO:000367	GO:0000780	condense	3		
H30001664	H300016642	ENSG0000	NM_001290	8615	USO1	USO1 vesic	GO:000027	GO:000551	GO:000013	590	516	0.87	-0.19
H30001399	H300013998	ENSG0000	XR_243046	7174	TPP2	tripeptidyl	GO:000020	GO:000417	GO:000563	495	498	1.01	0.01
H30000040	H300000403	ENSG0000	XR_921727	10877	CFHR4	complemen	GO:000686	GO:000531	GO:000557	447	333	0.74	-0.43
H20000243	H200002432	ENSG0000	NM_002655	5324	PLAG1	PLAG1 zin	GO:000636	GO:000097	GO:000563	48	52	1.09	0.12
H20001495	H200014952	ENSG0000	NM_024871	79929	MAP6D1	MAP6 dom	GO:000022	GO:000551	GO:000579	31	21	0.67	-0.57
H20000987	H200009875	ENSG0000	NM_030645	80851	SH3BP5L	SH3-bindin	GO:003555	GO:000486	GO:000573	58	52	0.91	-0.14
H20000720	H200007200	ENSG0000	NM_178463	128826	MIR1-1HG	MIR1-1 ho	-	-	-	6	11	1.81	0.85
H20000123	H200001238	ENSG0000	NM_152686	202052	DNAJC18	DnaJ heat	-	-	GO:001602	24	33	1.39	0.48
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001297	79993	ELOVL7	ELOVL fatt	GO:001936	GO:000551	GO:000578	87	77	0.89	-0.16
H30001502	H300015028	ENSG0000	NM_178177	349565	NMNAT3	nicotinamid	GO:000676	GO:000030	GO:000573	161	171	1.06	0.09
H30000371	H300003711	ENSG0000	NM_001005	125962	OR7G1	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:000588	7	10	1.55	0.63
H30002075	H300020759	ENSG0000	NR_102269	151903	CCDC12	coiled-coil	-	GO:000551	-	1078	770	0.71	-0.49
H30000337	H300003372	ENSG0000	NM_178454	128338	DRAM2	DNA damag	GO:000691	-	GO:000191	1301	1351	1.04	0.06
H30001022	H300010221	ENSG0000	NM_001010	401647	GOLGA7B	golgin A7 fa	-	-	GO:000013	70	63	0.89	-0.16
H30000582	H300005827	ENSG0000	NM_001105	343930	MSGN1	mesogenin	GO:000175	GO:000122	GO:0005634	nucleus	7		
H30001536	H300015362	ENSG0000	NM_032656	57647	DHX37	DEAH-box	GO:000639	GO:000400	GO:000573	179	136	0.76	-0.39
H20000233	H200002339	ENSG0000	NM_153331	200845	KCTD6	potassium	GO:005126	GO:000551	-	67	57	0.85	-0.23
H20002046	H200020460	ENSG0000	NM_144641	132160	PPM1M	protein pho	GO:000647	GO:000842	GO:000563	13	31	2.47	1.30
H20001613	H200016133	ENSG0000	NM_001130	4357	MPST	mercaptopy	GO:000182	GO:000479	GO:000574	713	535	0.75	-0.41
H20001750	H200017507	ENSG0000	XM_005267	27030	MLH3	mutL hom	GO:000629	GO:000368	GO:000079	38	48	1.28	0.36
H20000191	H200001914	ENSG0000	NM_052857	91603	ZNF830	zinc finger	GO:000154	GO:000551	GO:000563	295	270	0.92	-0.12
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011516	346673	STRA8	stimulated	GO:000154	GO:004698	GO:0005634	nucleus,GO:0005737	cytoplasm		
H30000663	H300006635	ENSG0000	NM_001010	135293	PM20D2	peptidase N	-	-	GO:000565	18	12	0.66	-0.59
H30001018	H300010187	ENSG0000	XM_011541	55917	CTTNBP2N	CTTNBP2	GO:000647	GO:000551	GO:000573	47	62	1.32	0.41
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	-	645317	CHCHD2P	coiled-coil	-	-	-	9281	6372	0.69	-0.54
H30000512	H300005120	-	-	-	-	-	-	-	-	144	111	0.77	-0.38
H30001950	H300019500	ENSG0000	XM_011521	55075	UACA	uveal auto	GO:000815	GO:000367	GO:0005576	extracellular region,GO:0005634			
H30001535	H300015354	ENSG0000	NM_016127	51669	SARAF	store-oper	GO:000681	GO:000551	GO:003017	1189	1141	0.96	-0.06
H30002135	H300021356	ENSG0000	NM_001303	10250	SRRM1	serine/argi	GO:000037	GO:000367	GO:000563	508	418	0.82	-0.28
H20001261	H200012614	ENSG0000	NR_024269	149830	PRNT	prior prote	-	-	GO:0005576	extracellu	3		
H20001011	H200010115	ENSG0000	NM_022072	63899	NSUN3	NOP2/Sun</							

H30001864	H300018642	ENSG0000	NM_031488	83746	L3MBTL2	l(3)mbt-like	GO:000635	GO:000551	GO:000563	112	118	1.05	0.07			
H30001861	H300018614	ENSG0000	XR_929340	79956	ERMP1	endoplasmic	GO:000650	GO:000823	GO:000578	84	177	2.11	1.08			
H30001997	H300019972	ENSG0000	NM_033645	23291	FBXW11	F-box and	GO:000008	GO:000484	GO:000015	86	107	1.24	0.31			
H30002167	H300021674	ENSG0000	NM_194460	55658	RNF126	ring finger	GO:000020	GO:000515	GO:000563	439	340	0.77	-0.37			
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_006026	8971	H1FX	H1 histone	GO:000633	GO:000367	GO:000078	409	366	0.89	-0.16			
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NR_026545	79135	APOO	apolipoprot	GO:000686	GO:000551	GO:000013	321	254	0.79	-0.33			
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_001167	84319	CMSS1	cms1 ribos-	-	GO:004482	-	992	938	0.95	-0.08			
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_003634	8508	NIPSNAP1	nipsnap hor	GO:001923	GO:000551	GO:000573	218	176	0.81	-0.31			
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	-	101927519	TUBBP8	tubulin, bet	-	-	-	82	66	0.80	-0.32			
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_178499	160777	CCDC60	coiled-coil	-	GO:000551	-	10	9	0.87	-0.20			
H30000059	H300000599	ENSG0000	NM_206880	285659	OR2V2	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:000588	16	18	1.12	0.16			
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	-	AC016739.	-	-	-	-	30644	22988	0.75	-0.41			
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_003545	8367	HIST1H4E	histone clu	GO:000018	GO:000367	GO:000022	108	59	0.55	-0.87			
H30000558	H300005584	ENSG0000	NM_001308	7675	ZNF121	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	123	105	0.85	-0.24			
H30000863	H300008633	ENSG0000	NM_001004	219958	OR1S2	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:000588	6	6					
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	-	390040	OR51F5P	olfactory re	-	-	-							
H30002151	H300021513	ENSG0000	NM_152411	136051	ZNF786	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	71	64	0.90	-0.16			
H30000087	H300000873	ENSG0000	NR_024079	151477	LINC00471	long interge	-	-	-	37	33	0.89	-0.17			
H30000377	H300003770	-	NM_001004	219464	OR5T2	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:000588	4	4					
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_011523	374860	ANKRD30B	ankyrin rep	GO:000815	GO:000367	GO:000575	cellular component						
H30000921	H300009212	ENSG0000	NR_003367	5820	PVT1	Pvt1 oncog	-	-	-	105	82	0.78	-0.36			
H30000979	H300009792	ENSG0000	NM_178836	201164	PLD6	phospholipa	GO:000664	GO:000452	GO:000574	138	98	0.71	-0.49			
H30001013	H300010136	ENSG0000	XM_011515	135924	OR9A2	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:000588	42	52	1.24	0.30			
H30000610	H300006103	ENSG0000	NM_182491	90637	ZFAND2A	zinc finger	GO:003243	GO:000827	GO:000050	192	186	0.97	-0.05			
H30000350	H300003505	ENSG0000	NM_152698	205147	AMER3	APC memb	GO:001605	GO:000551	GO:000588	plasma membrane	7	7				
H30001974	H300019742	ENSG0000	NM_002088	2901	GRIK5	glutamate i	GO:000662	GO:000523	GO:000578	4	9	2.16	1.11			
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XM_011523	51168	MYO15A	myosin XV	GO:000760	GO:000377	GO:000573	cytoplasm,GO:0016459	myosin c					
H30001865	H300018658	ENSG0000	NM_001270	54498	SMOX	spermine o	GO:000659	GO:004659	GO:000563	52	79	1.52	0.61			
H30001851	H300018512	ENSG0000	NM_004660	8653	DDX3Y	DEAD-box	GO:000641	GO:000367	GO:000563	372	319	0.86	-0.22			
H30001953	H300019539	ENSG0000	XR_944510	23041	MON2	MON2 hom	GO:000689	GO:000551	GO:000573	114	159	1.40	0.49			
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001013	389816	LRRC26	leucine ric	GO:000681	GO:000551	GO:000573	46	40	0.85	-0.23			
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_005272	203074	PRSS55	protease, s	GO:000650	GO:000425	GO:000582	cytosol,G	4	4				
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_011519	23258	DENND5A	DENN dom	GO:004214	GO:000526	GO:000580	266	287	1.08	0.11			
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001008	130502	TTC32	tetratricop	-	GO:000551	-	193	119	0.62	-0.70			
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NR_047685	200959	GABRR3	gamma-am	GO:000721	GO:000489	GO:000557	16	17	1.06	0.08			
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_207334	163933	FAM43B	family with	-	-	-	346	230	0.66	-0.59			
opHsV0400	opHsV0400001	-	-	-	-	-	-	-	-	13736	9120	0.66	-0.59			
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	-	392516	KRT18P49	keratin 18	-	-	-	2448	1525	0.62	-0.68			
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_181621	337959	KRTAP13	keratin ass	-	-	GO:000588	26	21	0.79	-0.35			
opHsV0400	opHsV0400004	-	-	-	-	-	-	-	-	11	16	1.42	0.50			
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_175710	1379	CR1L	complemen	-	-	GO:000557	363	206	0.57	-0.82			
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_011537	100129940	LOC100129	uncharacte	-	-	-		7					
opHsV0400	opHsV0400005	-	-	-	-	-	-	-	-							
H30002160	H300021601	ENSG0000	NM_001018	2187	FANCB	Fanconi an	GO:000628	GO:000551	GO:000565	182	164	0.90	-0.15			
H30000556	H300005560	ENSG0000	NM_001005	219484	OR5M8	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:000588	plasma membrane,GO:0016021	in					
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_002048	2619	GAS1	growth arre	GO:000705	GO:000551	GO:000588	plasma membrane	6	6				
H30000057	H300000571	ENSG0000	NM_080753	140832	WFDC10A	WAP four-	GO:001095	GO:000486	GO:000557	41	47	1.15	0.20			
H30000388	H300003886	ENSG0000	NM_153702	255520	ELMOD2	ELMO dom	GO:004354	GO:000509	GO:001602	174	190	1.09	0.12			
H30000900	H300009005	ENSG0000	NM_173635	284369	SIGLECL1	SIGLEC far	-	-	GO:0016021	integral component of membrane						
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_153711	254228	FAM26E	family with	GO:003422	GO:000526	GO:000588	integral component of plasma membrane						
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	-	-	RP11-7G1	-	-	-	-	10074	9603	0.95	-0.07			
H30001870	H300018708	ENSG0000	XM_006721	4150	MAZ	MYC assoc	GO:000635	GO:000097	GO:000563	115	106	0.92	-0.12			
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_011519	2346	FOLH1	folate hydr	GO:000650	GO:000418	GO:000573	cytoplasm	5	5				
H30002271	H300022710	ENSG0000	NM_033066	58538	MPP4	membrane	GO:003541	-	GO:000565	33	33	1.01	0.02			
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011520	60529	ALX4	ALX homeo	GO:000150	GO:000097	GO:000563	20	17	0.86	-0.22			
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001080	57545	CC2D2A	coiled-coil	GO:000699	-	GO:000582	cytosol,G	9	9				
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	-	100418815	PHBP10	prohibitin p	-	-	-	5789	2704	0.47	-1.10			
opHsV0400	opHsV0400001	-	-	-	-	-	-	-	-	141	96	0.68	-0.56			
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_001004	390928	ACP7	acid phosph	GO:001631	GO:000399	GO:000557	35	33	0.95	-0.07			
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001100	399949	C11orf88	chromosom	GO:004874	-	-		3					
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001124	124976	SPNS2	spinster ho	GO:000178	GO:004662	GO:000576	8	13	1.69	0.75			
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_152278	56849	TECTAL7	transcripti	GO:000635	GO:000569	GO:000563	nucleus	6	6				
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_000127	2131	EXT1	exostosin g	GO:000150	GO:000837	GO:000013	31	42	1.36	0.45			
H30001674	H300016745	ENSG0000	NM_001270	9798	IST1	IST1, ESCF	GO:000091	GO:000551	GO:000579	1257	880	0.70	-0.51			
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_011537	6815	STYX	serine/thre	GO:000647	GO:000551	GO:000563	43	50	1.15	0.21			
H30000667	H300006670	-	-	-	-	-	-	-	-							
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_001136	284371	ZNF841	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	27	44	1.63	0.71			
opHsV0400	opHsV0400006	-	NR_024413	401105	FLJ42393	uncharacte	-	-	-		6					
H30000232	H300002325	-	NR_024055	147947	ZNF542P	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	15	19	1.22	0.29			
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_033445	92815	HIST3H2A	histone clu	GO:000633	GO:000367	GO:000078	1888	904	0.48	-1.06			
H30000375	H300003757	ENSG0000	NM_178526	284439	SLC25A42	solute carr	GO:000641	GO:000373	GO:000563	58	46	0.79	-0.33			
H30000261	H300002615	ENSG0000	XM_011540	59	ACTA2	actin, alpha	GO:000693	GO:000552	GO:000561	8	14	1.87	0.90			
H30000422	H300004224	ENSG0000	-	-	RP11-756F	-	-	-	-	280	246	0.88	-0.18			
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_152723	220388	CCDC89	coiled-coil	-	-	GO:000563	nucleus,G	6	6				
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_005642	6879	TAF7	TATA-box	GO:000012	GO:000370	GO:000565	1400	984	0.70	-0.51			
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_006943	6666	SOX12	SRY-box 1	GO:000635	GO:000097	GO:000575	cellular_co	13	13				
H30000661	H300006615	ENSG0000	-	389626	OR7E161P	olfactory re	-	-	-	116	89	0.77	-0.39			
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NR_029377	79133	NDUFAF5	NADH:ubiq	GO:002290	GO:000367	GO:000574	179	135	0.76	-0.40			
H30001956	H300019569	ENSG0000	NM_005339	3093	UBE2K	ubiquitin cc	GO:000651	GO:000484	GO:000563	3216	2469	0.77	-0.38			
H30001989	H300019894	ENSG0000	XR_946789	8672	EIF4G3	eukaryotic	GO:000641	GO:000033	GO:000582	148	137	0.93	-0.11			
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001257	8452	CUL3	cullin 3	GO:000008	GO:000484	GO:000013	1145	894	0.78	-0.36			
H30001875	H300018759	ENSG0000	XM_011516	3082	HGF	hepatocyte	GO:000018	GO:000425	GO:000576	extracellu	6	6				
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	-	100462824	EIF4A1P3	eukaryotic	-	-	-	437	297	0.68	-0.56			
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_011520	160365	CLECL1	C-type lec	-	GO:003024	GO:000588	plasma membrane,GO:0016021	in					
opHsV0400	opHsV0400008	ENSG0000	NM_001010	399												

H30000032	H300000326	ENSG0000	NM_001135	134553	C5orf24	chromosom	-	GO:000551	-	249	233	0.93	-0.10
H30000088	H300000880	ENSG0000	XM_005266	7637	ZNF84	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	454	528	1.16	0.22
opHsV0400	opHsV0400005	-	NR_033857	100288974	BMS1P21	BMS1, ribo	-	-	-	21	32	1.55	0.63
opHsV0400	opHsV0400004	-	-	-	-	-	-	-	-	31	31	0.97	-0.04
H30000814	H300008141	ENSG0000	NR_002216	55999	NXF4	nuclear RN	-	-	-	-	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_207408	389320	TEX43	testis expr	-	-	-	-	4	-	-
H30000930	H300009306	ENSG0000	XM_011520	390077	OR52N2	olfactory re	GO:000716	GO:000493	GO:000588	10	13	1.36	0.45
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NR_001548	83866	TTY11	testis-spec	-	-	-	-	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_001318	144809	FAM216B	family with	-	-	-	-	6	-	-
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	-	-	RP11-314N	-	-	-	-	-	8	-	-
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_017793	54913	RPP25	ribonucleas	GO:000803	GO:000452	GO:000565	83	70	0.84	-0.24
H30002148	H300021482	ENSG0000	XM_006716	157777	MCMDC2	minichromd	GO:000626	GO:000367	-	5	7	1.43	0.51
H30000559	H300005598	ENSG0000	NM_001080	375316	RCM44	RNA bindin	-	GO:000016	GO:0005737	cytoplasm	3	-	-
H30000120	H300001202	ENSG0000	-	81439	OR9H1P	olfactory re	-	-	-	-	9	-	-
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_005120	9968	MED12	mediator co	GO:000184	GO:000098	GO:000015	187	214	1.14	0.19
opHsV0400	opHsV0400010	ENSG0000	NM_001010	439996	IFIT1B	interferon i	GO:005160	GO:000372	-	15	21	1.37	0.46
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NR_122074	400997	LOC40099	uncharacte	-	-	-	-	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_001001	255349	TMEM211	transmemb	-	-	GO:001602	58	53	0.91	-0.14
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001303	338872	C1QTNF9	C1q and tu	-	GO:000517	GO:0005576	extracellular region,	GO:0005581	-	-
H30000316	H300003162	ENSG0000	XM_011517	253650	ANKRD18A	ankyrin rep	-	-	-	15	31	2.09	1.07
H30001031	H300010316	ENSG0000	NR_110266	153396	TMEM161E	transmemb	-	-	GO:001602	401	227	0.57	-0.82
H30000732	H300007321	ENSG0000	NM_001320	127943	FCRLB	Fc recepto	GO:005077	-	GO:000573	9	10	1.09	0.12
H30001978	H300019783	ENSG0000	XM_011542	9890	PLPPR4	phospholipi	GO:000664	GO:000819	GO:0005887	integral component of plasma me	-	-	-
H30002178	H300021786	ENSG0000	XM_005245	7799	PRDM2	PR domain	GO:000635	GO:000367	GO:000563	10	15	1.53	0.61
H30001207	H300012071	ENSG0000	NM_001267	90410	IFT20	intraflagella	GO:000182	GO:000204	GO:000013	542	629	1.16	0.22
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_011539	22891	ZNF365	zinc finger	GO:000028	GO:000551	GO:000093	6	11	1.79	0.84
H30000403	H300004030	ENSG0000	NM_032779	84865	CCDC142	coiled-coil	-	-	-	51	40	0.77	-0.37
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011539	114815	SORCS1	sortilin rela	GO:000721	GO:000551	GO:001602	23	57	2.42	1.28
H30001870	H300018707	ENSG0000	XM_011545	124454	EARS2	glutamyl-tF	GO:000641	GO:000004	GO:000573	130	131	1.01	0.01
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_030763	79366	HMG5	high mobil	GO:000635	GO:000368	GO:000078	397	288	0.73	-0.46
opHsV0400	opHsV0400000	-	XR_430418	649179	PRAMENP	PRAME N-	-	-	-	-	4	-	-
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_011523	51479	ANKFY1	ankyrin rep	GO:000689	GO:000551	GO:000576	71	70	0.99	-0.02
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NR_110887	5600	MAPK11	mitogen-ac	GO:000018	GO:000467	GO:000565	28	21	0.76	-0.40
H30001845	H300018456	ENSG0000	XM_006719	1634	decorin	decorin	GO:000182	GO:000486	GO:000557	200	131	0.66	-0.61
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_005257	9043	SPAG9	sperm asso	GO:000725	GO:000507	GO:000166	270	248	0.92	-0.12
H30000540	H300005405	-	-	-	-	-	-	-	-	29251	14785	0.51	-0.98
opHsV0400	opHsV0400010	-	-	-	-	-	-	-	-	115	87	0.76	-0.40
opHsV0400	opHsV0400012	ENSG0000	XM_005273	6542	SLC7A2	solute carr	GO:000253	GO:000528	GO:0005886	plasma m	7	-	-
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	-	28774	IGLV8-61	immunoglob	-	-	-	255	152	0.60	-0.75
H30000170	H300001708	ENSG0000	XM_011536	161424	NOP9	NOP9 nucl	GO:000815	GO:004482	GO:000557	120	77	0.64	-0.65
H30002197	H300021974	ENSG0000	XM_011523	6470	SHMT1	serine hydr	GO:000623	GO:000437	GO:000563	197	167	0.85	-0.23
H30002265	H300022659	ENSG0000	XM_011542	80835	TAS1R1	taste 1 rec	GO:000718	GO:000852	GO:0005886	plasma membrane,	GO:0016021	in	-
H30001604	H300016040	ENSG0000	NM_001286	5316	PKNOX1	PBX/knott	GO:000152	GO:000122	GO:000563	149	108	0.73	-0.46
H30001194	H300011949	ENSG0000	XM_011522	9154	SLC28A1	solute carr	GO:000613	GO:000533	GO:000588	504	370	0.73	-0.45
H30001983	H300019833	ENSG0000	NM_001201	51130	ASB3	ankyrin rep	GO:001656	GO:000551	GO:000562	560	438	0.78	-0.35
H30001888	H300018889	ENSG0000	NM_022899	93973	ACTR8	ARP8 actin	GO:000628	GO:000551	GO:000563	311	276	0.89	-0.17
H30001902	H300019024	ENSG0000	XM_011516	26261	FBXO24	F-box prot	GO:001656	GO:000484	GO:0000151	ubiquitin l	6	-	-
H30002223	H300022231	ENSG0000	NM_001293	4613	MYCN	v-myc avia	GO:000635	GO:000367	GO:0000785	chromatin	6	-	-
opHsV0400	opHsV0400000	-	-	-	-	-	-	-	-	17	19	1.08	0.11
H30002202	H300022020	ENSG0000	XR_930491	51322	WAC	WW domain	GO:000635	GO:000099	GO:0005634	nucleus,G	7	-	-
H30001292	H300012921	ENSG0000	NM_001289	55900	ZNF302	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus	5	-	-
H30001841	H300018417	ENSG0000	XM_005252	89853	MVB12B	multivesicu	GO:001503	GO:000551	GO:0000813	ESCRT I complex,	GO:0005634	nu	-
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001242	80317	ZKSCAN3	zinc finger	GO:000012	GO:000097	GO:000563	121	134	1.11	0.15
opHsV0400	opHsV0400002	-	NM_145159	3714	JAG2	jagged 2	GO:000150	GO:000511	GO:000588	50	27	0.55	-0.86
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_011537	340061	TMEM173	transmemb	GO:000221	GO:000551	GO:000574	218	205	0.94	-0.09
H30002001	H300020013	ENSG0000	NM_018412	7982	ST7	suppressor	-	-	GO:001602	347	206	0.59	-0.75
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_030613	80108	ZFP2	ZFP2 zinc	GO:000635	GO:000367	GO:000563	4	11	3.00	1.58
H30000792	H300007925	ENSG0000	-	127617	OR14L1P	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:000588	42	34	0.81	-0.31
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_011518	114987	WDR31	WD repeat	-	-	-	21	39	1.82	0.87
H30000768	H300007687	ENSG0000	NM_001005	391114	OR6K3	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:000588	4	11	2.68	1.42
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_011538	196528	ARID2	AT-rich int	GO:000633	GO:000367	GO:000565	331	293	0.88	-0.18
H30001409	H300014091	ENSG0000	XM_005251	7373	COL14A1	collagen ty	GO:000322	GO:000520	GO:0005576	extracellular region,	GO:0005578	-	-
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_021871	2243	FGA	fibrinogen a	GO:000225	GO:000510	GO:000557	111	92	0.83	-0.28
H30002085	H300020851	ENSG0000	NM_144992	200403	VWA3B	von Willebr	-	-	-	12	14	1.24	0.31
H30000696	H300006966	ENSG0000	NM_001142	80309	SPHKAP	SPHK1 inte	GO:001073	GO:000551	GO:0005739	mitochondrion,	GO:0030018	Z dis	-
H30000858	H300008580	ENSG0000	NM_080627	140710	SOGA1	suppressor	GO:000828	GO:000367	GO:0005615	extracellular space,	GO:0070062	e	-
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_005865	10279	PRSS16	protease, s	GO:000650	GO:000418	GO:000576	117	83	0.70	-0.51
H30001886	H300018864	ENSG0000	NM_000324	6005	RHAG	Rh-associa	GO:000687	GO:000851	GO:000588	5130	2810	0.55	-0.87
H30002183	H300021835	ENSG0000	NM_024760	79816	TLE6	transducin	GO:000635	-	GO:000563	47	44	0.93	-0.10
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_005244	10485	C1orf61	chromosom	-	-	GO:000563	85	52	0.61	-0.71
H30001830	H300018307	ENSG0000	XM_005249	27241	BBS9	Bardet-Bie	GO:000699	GO:000367	GO:000024	24	21	0.87	-0.20
H30002179	H300021790	-	XM_011535	2037	EPB41L2	erythrocyte	GO:003086	GO:000377	GO:000563	226	212	0.93	-0.10
H30001206	H300012064	ENSG0000	NM_001001	493	ATP2B4	ATPase pla	GO:000340	GO:000538	GO:000588	6	21	3.28	1.71
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_198153	285852	TREML4	triggering r	GO:000245	-	GO:000557	22	21	0.98	-0.03
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NR_046300	100289150	FAM197Y5	family with	-	-	-	-	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_001286	55243	KIRREL	kin of IRRE	GO:000193	GO:000551	GO:0005886	plasma membrane,	GO:0005911	c	-
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_198243	140460	ASB7	ankyrin rep	GO:001656	GO:000551	GO:000562	66	63	0.96	-0.06
H30000934	H300009342	ENSG0000	NM_001163	150771	ITPR1L1	inositol 1,4	-	GO:000551	GO:001602	72	46	0.65	-0.63
opHsV0400	opHsV0400006	-	XM_011522	9824	ARHGAP1	Rho GTPas	GO:000726	GO:000509	GO:000582	653	475	0.73	-0.46
opHsV0400	opHsV0400004	-	-	-	-	-	-	-	-	13	13	1.04	0.06
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_001004	26246	OR2L2	olfactory re	GO:000718	GO:000367	GO:0005886	plasma m	7	-	-
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_001003	389058	SP5	Sp5 transc	GO:000635	GO:000097	GO:000563	8	16	2.04	1.03
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NR_110567	114044	MCM3AP-	MCM3AP a-	-	-	-	22	25	1.11	0.15
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001373	127602	DNAH14	dynein axon	GO:000701	GO:000377	GO:0005737	cytoplasm,	GO:0005874	microtubu	-
H30002110	H300021102	ENSG0000	XM_011518	51148	CEACAM	cerebral en	GO:000692	-	GO:000578	160	160	1.01	0.01
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011539	219736	STOX1	storkhead h	GO:000635	GO:000097					

H30002001	H300020016	ENSG0000	XM_011544	10938	EHD1	EH domain	GO:000688	GO:000550	GO:000581	50	62	1.25	0.32	
H30001869	H300018692	ENSG0000	XM_011521	5611	DNAJC3	DnaJ heat	GO:003096	GO:000486	GO:000573	146	161	1.10	0.14	
H30001758	H300017580	ENSG0000	XM_011536	79747	ADGB	androglobin	GO:000650	GO:000419	GO:000562	161	122	0.76	-0.40	
H30001043	H300010436	ENSG0000	NM_152671	200576	PIKFYVE	phosphoino	GO:000664	GO:000028	GO:000013	5	12	2.40	1.26	
H30002164	H300021648	ENSG0000	NM_019024	54497	HEATR5B	HEAT repe	-	-	GO:001602	269	289	1.07	0.10	
opHsV0400	opHsV0400005	-	-	-	-	-	-	-	-	1419	1381	0.97	-0.04	
H30002170	H300021706	ENSG0000	NM_181831	4771	NF2	neurofibron	GO:000170	GO:000377	GO:000563	41	33	0.80	-0.32	
H30000153	H300001530	ENSG0000	XR_242777	120227	CYP2R1	cytochrom	GO:000676	GO:000550	GO:000578	282	393	1.39	0.48	
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NR_046352	25904	CNOT10	CCR4-NOT	GO:000028	GO:000551	GO:000563	1076	822	0.76	-0.39	
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001314	54059	YBEY	ybeY meta	GO:000636	GO:000422	GO:000563	57	52	0.91	-0.14	
H30000938	H300009384	-	NR_046098	284581	LOC28458	uncharacte	-	-	-	107	148	1.38	0.47	
H30000774	H300007744	ENSG0000	NR_034180	645682	POU5F1P4	POU class	-	-	-	-	-	-	-	
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_005267	161145	TMEM229E	transmemb	-	-	GO:001602	11	11	0.99	-0.01	
CHsGV100	CHsGV1000206	ENSG0000	NR_073073	7019	TFAM	transcripti	GO:000626	GO:000097	GO:000563	2069	1936	0.94	-0.10	
AHsV1000	AHsV10002413	ENSG0000	XM_005255	6810	STX4	syntaxin 4	GO:000688	GO:000014	GO:000032	199	272	1.37	0.45	
H20000849	H200008495	ENSG0000	XM_011538	6778	STAT6	signal trans	GO:000012	GO:000097	GO:000079	40	46	1.15	0.20	
H20000710	H200007108	ENSG0000	NM_130811	6616	SNAP25	synaptosom	GO:000150	GO:000548	GO:000573	4	-	-	-	
H20001055	H200010559	ENSG0000	NM_003068	6591	SNAI2	snail family	GO:000012	GO:000107	GO:0000790	nuclear chromatin,GO:0005634 n	-	-	-	-
AHsV1000	AHsV10002445	-	NM_005541	3635	INPP5D	inositol pol	GO:000664	GO:000444	GO:000582	9	30	3.26	1.71	
H20000799	H200007991	ENSG0000	NM_001144	3612	IMPA1	inositol(my	GO:000602	GO:000028	GO:000573	1073	959	0.89	-0.16	
H20000042	H200000424	ENSG0000	NM_000865	3354	HTR1E	5-hydroxyt	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005887 in	-	-	-	-
CHsGV100	CHsGV1000396	ENSG0000	XM_011536	3320	HSP90AA1	heat shock	GO:000008	GO:000016	GO:000557	20014	12826	0.64	-0.64	
AHsV1000	AHsV10003008	ENSG0000	NM_002118	3109	HLA-DMB	major histo	GO:000239	GO:002302	GO:0005765	lysosomal membrane,GO:001602	-	-	-	-
H20001220	H200012206	ENSG0000	NM_000520	3073	HEXA	hexosamini	GO:000597	GO:000456	GO:001602	78	74	0.95	-0.08	
CHsGV100	CHsGV1000404	ENSG0000	XM_011522	2903	GRIN2A	glutamate i	GO:000016	GO:000497	GO:0005783	endoplasmic reticulum,GO:00058	-	-	-	-
AHsV1000	AHsV10000307	ENSG0000	XM_011518	2889	RAPGEF1	Rap guanin	GO:000018	GO:000551	GO:000576	8	17	2.09	1.06	
AHsV1000	AHsV10001166	ENSG0000	NM_000901	4306	NR3C2	nuclear rec	GO:000635	GO:000370	GO:0005654	nucleoplasm,GO:0005789 endopl	-	-	-	-
CHsGV100	CHsGV1000106	ENSG0000	NM_021049	4104	MAGEA5	MAGE fami	GO:000815	GO:000367	GO:000557	106	78	0.74	-0.44	
H20000617	H200006176	ENSG0000	XM_011520	4074	M6PR	mannose-6	GO:000689	GO:000488	GO:000576	901	866	0.96	-0.06	
CHsGV100	CHsGV1000206	ENSG0000	NM_002276	3880	KRT19	keratin 19,	GO:000721	GO:000520	GO:000588	495	399	0.81	-0.31	
H20000863	H200008631	ENSG0000	NM_002269	3841	KPNA5	karyopherin	GO:000660	GO:000551	GO:000564	29	31	1.08	0.11	
AHsV1000	AHsV10002482	ENSG0000	NM_006135	829	CAPZA1	capping act	GO:000646	GO:000377	GO:000557	5088	5969	1.17	0.23	
H30001013	H300010137	ENSG0000	NM_005185	810	CALML3	calmodulin	-	GO:000550	GO:007006	5	6	1.28	0.36	
H30000648	H300006480	ENSG0000	NM_001710	629	CFB	complemen	GO:000650	GO:000184	GO:000557	25	21	0.85	-0.24	
AHsV1000	AHsV10002793	ENSG0000	NM_005178	602	BCL3	B-cell CLL	GO:000006	GO:000367	GO:000563	5	19	3.76	1.91	
AHsV1000	AHsV10001467	ENSG0000	XM_005267	394	ARHGAP5	Rho GTPas	GO:000205	GO:000392	GO:000573	99	112	1.13	0.17	
H30001888	H300018884	ENSG0000	NM_033228	373	TRIM23	tripartite m	GO:000726	GO:000392	GO:000013	55	58	1.05	0.06	
H30001878	H300018780	ENSG0000	NM_001621	196	AHR	aryl hydroc	GO:000012	GO:000367	GO:0005634	nucleus,GO:0005654 nucleoplasm	-	-	-	-
H30000263	H300002630	ENSG0000	NM_001171	175	AGA	aspartylglu	GO:000650	GO:000394	GO:000561	130	240	1.85	0.89	
AHsV1000	AHsV10002429	ENSG0000	XM_011519	6935	ZEB1	zinc finger	GO:000012	GO:000122	GO:000563	18	31	1.71	0.78	
H20001571	H200015719	ENSG0000	XM_006720	6755	SSTR5	somatostat	GO:000718	GO:000499	GO:000563	47	44	0.94	-0.09	
H20001560	H200015604	ENSG0000	NM_006947	6731	SRP72	signal reco	GO:000641	GO:000504	GO:000573	1430	1393	0.97	-0.04	
H30002004	H300020046	ENSG0000	XM_011544	6570	SLC18A1	solute carr	GO:000685	GO:000850	GO:0005789	endoplasm	5	-	-	-
CHsGV100	CHsGV1000167	ENSG0000	NM_015063	6543	SLC8A2	solute carr	GO:000681	GO:000543	GO:0005886	plasma m	6	-	-	-
H30000740	H300007403	ENSG0000	NM_002188	3596	IL13	interleukin	GO:000177	GO:000512	GO:000557	61	50	0.82	-0.29	
CHsGV100	CHsGV100024	ENSG0000	NM_002183	3563	IL3RA	interleukin	GO:000016	GO:000491	GO:0005622	intracellul	5	-	-	-
AHsV1000	AHsV10000739	ENSG0000	XM_011517	3297	HSF1	heat shock	GO:000012	GO:000097	GO:000565	44	50	1.13	0.17	
H20000040	H200000408	ENSG0000	NM_001098	3269	HRH1	histamine r	GO:000695	GO:000493	GO:0005654	nucleopl	5	-	-	-
CHsGV100	CHsGV1000375	-	NM_005332	3050	HBZ	hemoglobin	GO:000012	GO:000534	GO:000583	4410	2366	0.54	-0.90	
H30000622	H300006226	ENSG0000	NM_004132	3026	HABP2	hyaluronan	GO:000650	GO:000425	GO:0005576	extracellular region,GO:0005615	-	-	-	-
H20000419	H200004196	ENSG0000	NM_005307	2868	GRK4	G protein-c	GO:000203	GO:000470	GO:0005829	cytosol,GO:0005938 cell cortex,C	-	-	-	-
CHsGV100	CHsGV1000040	ENSG0000	NM_005298	2848	GPR25	G protein-c	GO:000718	GO:000493	GO:000588	35	29	0.82	-0.29	
H20000477	H200004772	ENSG0000	XM_005274	4250	SCGB2A2	secretoglo	GO:000815	GO:000367	GO:0005575	cellular_compone	-	-	-	-
H30002245	H300022455	ENSG0000	XR_949928	4054	LTBP3	latent trans	GO:003019	GO:000550	GO:000557	33	30	0.88	-0.18	
CHsGV100	CHsGV1000406	ENSG0000	NM_002332	4035	LRP1	LDL recept	GO:000152	GO:000202	GO:0005730	nucleolus	4	-	-	-
CHsGV100	CHsGV1000315	ENSG0000	NM_002254	3797	KIF3C	kinesin fam	GO:000699	GO:000377	GO:000582	87	86	0.99	-0.02	
AHsV1000	AHsV10003300	ENSG0000	XM_011509	3776	KCNK2	potassium	GO:000323	GO:001527	GO:0005634	nucleus,GO:0005783 endoplasmic	-	-	-	-
H30000657	H300006573	ENSG0000	XM_011538	784	CACNB3	calcium vol	GO:000681	GO:000524	GO:0005829	cytosol,G	5	-	-	-
H30000871	H300008717	ENSG0000	XM_011517	759	CA1	carbonic ar	GO:000673	GO:000406	GO:000582	59	34	0.58	-0.79	
AHsV1000	AHsV10001079	-	NM_001187	574	BAGE	B melanom	-	-	GO:000557	137	194	1.42	0.51	
AHsV1000	AHsV10003254	ENSG0000	NM_001184	545	ATR	ATR serine	GO:000007	GO:000367	GO:000078	25	26	1.04	0.06	
H30002179	H300021799	ENSG0000	NR_028036	355	FAS	Fas cell sur	GO:000155	GO:000202	GO:000561	14	16	1.18	0.24	
H30001971	H300019718	ENSG0000	XR_243654	332	BIRC5	baculoviral	GO:000008	GO:000484	GO:000022	1484	897	0.60	-0.73	
H20000505	H200005055	ENSG0000	XM_006716	148	ADRA1A	adrenocept	GO:000198	GO:000493	GO:0005634	nucleus,GO:0005829 cytosol,GO:	-	-	-	-
AHsV1000	AHsV10000300	ENSG0000	NR_132990	130	ADH6	alcohol def	GO:000606	GO:000402	GO:0005829	cytosol,GO:0070062 extracellular	-	-	-	-
H30001411	H300014110	ENSG0000	NM_000593	6890	TAP1	transporter	GO:000225	GO:000551	GO:000573	75	62	0.83	-0.28	
AHsV1000	AHsV10002406	ENSG0000	NM_000348	6716	SRD5A2	steroid 5 al	GO:000670	GO:000386	GO:0005789	endoplasmic reticulum membrane	-	-	-	-
CHsGV100	CHsGV1000119	ENSG0000	NM_001243	6689	SPIB	Spi-B trans	GO:000635	GO:000098	GO:000563	10	15	1.54	0.63	
H30000587	H300005877	ENSG0000	NM_000341	6519	SLC3A1	solute carr	GO:000333	GO:000382	GO:0005743	mitochon	9	-	-	-
H30001207	H300012074	ENSG0000	NM_001243	6502	SKP2	S-phase ki	GO:000008	GO:000551	GO:000563	448	363	0.81	-0.30	
CHsGV100	CHsGV1000039	ENSG0000	NM_152855	3543	IgLL1	immunoglob	GO:000691	GO:000382	GO:000989	7	15	2.06	1.04	
H30000312	H300003128	ENSG0000	NM_001551	3476	IGBP1	immunoglob	GO:000012	GO:000551	GO:000573	1586	1671	1.05	0.08	
AHsV1000	AHsV10000497	ENSG0000	NM_024501	3231	HOXD1	homeobox	GO:000635	GO:004356	GO:0005634	nucleus	-	-	-	-
H30001876	H300018769	ENSG0000	NM_153620	3198	HOXA1	homeobox	GO:000635	GO:000551	GO:0005634	nucleus	4	-	-	-
H30001142	H300011423	ENSG0000	NR_027763	2997	GYS1	glycogen sy	GO:000597	GO:000437	GO:000582	19	21	1.10	0.13	
CHsGV100	CHsGV100036	ENSG0000	NM_002098	2979	GUCA1B	guanylate c	GO:000716	GO:000550	GO:000191	19	20	1.07	0.09	
H20001606	H200016065	ENSG0000	NM_005286	2832	NPBWR2	neuropepti	GO:000718	GO:000498	GO:000588	9	10	1.13	0.18	
H20000066	H200000660	ENSG0000	NM_002081	2817	GPC1	glypican 1	GO:000152	GO:000550	GO:000557	21	19	0.89	-0.17	
AHsV1000	AHsV10002182	ENSG0000	NM_001278	4193	MDM2	MDM2 prot	GO:000012	GO:000203	GO:000563	478	646	1.35	0.43	
H30001850	H300018501	ENSG0000	XM_011524	3993	LLGL2	lethal giant	GO:000688	GO:000509	GO:000565	63	54	0.85	-0.23	
H30001898	H300018983	ENSG0000	NM_006499	3964	LGALS8	lectin, galac	GO:000231	GO:000551	GO:000561	686	664	0.97	-0.05	
AHsV1000	AHsV10003433	ENSG0000	NM_004979	3750	KCND1	pot								

H20000153	H200001539	ENSG0000	XM_006711	103	ADAR	adenosine	GO:000164	GO:000367	GO:000563	790	728	0.92	-0.12
H30001665	H300016654	ENSG0000	NM_178042	86	ACTL6A	actin like 6	GO:000340	GO:000097	GO:000079	3346	2846	0.85	-0.23
CHsGV100	CHsGV1000165	ENSG0000	NM_001282	6839	SUV39H1	suppressor	GO:000012	GO:000097	GO:000077	97	110	1.13	0.17
H20000021	H200000213	ENSG0000	NM_003106	6657	SOX2	SRY-box 2	GO:000012	GO:000097	GO:000563	29	28	0.95	-0.08
AHsV1000	AHsV10002846	-	NR_130746	6635	SNRPE	small nucle	GO:000024	GO:000372	GO:000563	10	20	1.95	0.96
AHsV1000	AHsV10001599	ENSG0000	NM_001001	6453	ITSN1	intersectin	GO:000726	GO:000508	GO:000582	77	138	1.79	0.84
H20001017	H200010178	ENSG0000	XR_429914	6427	SRSF2	serine/argi	GO:000038	GO:000016	GO:000563	5512	4210	0.76	-0.39
AHsV1000	AHsV10000067	ENSG0000	XM_006711	3428	IFI16	interferon,	GO:000012	GO:000097	GO:000563	6	41	6.98	2.80
H30000786	H300007861	ENSG0000	XM_011525	92340	PRR29	proline rich	-	-	-	810	377	0.47	-1.10
AHsV1000	AHsV10000830	ENSG0000	NM_178850	3172	HNF4A	hepatocyte	GO:000635	GO:000006	GO:0005634 nucleus,GO:0005654 nucleoplasm				
H30000745	H300007452	ENSG0000	NM_001301	3149	HMGB3	high mobil	GO:000631	GO:000040	GO:000563	1011	661	0.65	-0.61
H30001865	H300018653	ENSG0000	NM_005267	2954	GSTZ1	glutathione	GO:000655	GO:000436	GO:000573	142	194	1.36	0.44
H30000914	H300009149	ENSG0000	NM_005313	2923	PDIA3	protein dis	GO:000247	GO:000375	GO:000563	1502	1814	1.21	0.27
CHsGV100	CHsGV1000276	ENSG0000	NM_005275	2794	GNL1	guanine nu	GO:000245	GO:000392	GO:000561	298	317	1.06	0.09
H30000347	H300003470	ENSG0000	NM_006877	2766	GMPT	guanosine	GO:000614	GO:000392	GO:000582	890	638	0.72	-0.48
H20001101	H200011013	ENSG0000	NM_002377	4142	MAS1	MAS1 prot	GO:000193	GO:000159	GO:0005622 intracellul	7			
AHsV1000	AHsV10000585	ENSG0000	NM_001042	3932	LCK	LCK proto	GO:000646	GO:000194	GO:0000242 pericentri	10			
H20000590	H200005907	ENSG0000	NM_002286	3902	LAG3	lymphocyte	GO:000716	GO:000382	GO:000989	15	15	1.00	0.01
H20000101	H200001014	ENSG0000	NR_052024	3692	EIF6	eukaryotic	GO:000005	GO:000374	GO:000563	2488	1607	0.65	-0.63
H30000960	H300009606	ENSG0000	XM_011521	3669	ISG20	interferon s	GO:000073	GO:000017	GO:000563	26	20	0.77	-0.37
AHsV1000	AHsV10002044	ENSG0000	NM_001725	671	BPI	bactericida	GO:000695	GO:000153	GO:0005615 extracellular space,GO:0005737 c				
CHsGV100	CHsGV1000298	ENSG0000	NM_001201	651	BMP3	bone morpl	GO:000150	GO:000510	GO:0005615 extracellular space,GO:0070062 e				
H30001144	H300011441	ENSG0000	XM_005245	462	SERPINC1	serpin pept	GO:000758	GO:000202	GO:0005576 extracellu	11			
opHsV0400	opHsV0400011	ENSG0000	NM_001669	414	ARSD	arylsulfatas	GO:000666	GO:000406	GO:000576	4	11	2.46	1.30
H20001105	H200011059	ENSG0000	NM_001204	241	ALOX5AP	arachidona	GO:000669	GO:000436	GO:0005635 nuclear envelope,GO:0005783 en				
AHsV1000	AHsV10000891	ENSG0000	XM_011523	218	ALDH3A1	aldehyde d	GO:000166	GO:000402	GO:000561	14	21	1.48	0.57
H30001927	H300019279	ENSG0000	XM_005257	47	ACLY	ATP citrate	GO:000608	GO:000387	GO:000565	1313	1230	0.94	-0.09
AHsV1000	AHsV10003513	ENSG0000	NM_001271	22	ABC7	ATP bindin	GO:000681	GO:000552	GO:000573	542	720	1.33	0.41
H20000491	H200004911	ENSG0000	XM_006720	51339	DACT1	dishevelled	GO:000012	GO:000108	GO:0005634 nucleus,GO:0005654 nucleoplasm				
CHsGV100	CHsGV1000075	ENSG0000	NM_001128	51313	FAM198B	family with	-	-	GO:000013	6	5	0.74	-0.44
H30001454	H300014545	ENSG0000	NM_001198	11037	STON1	stonin 1	GO:000689	-	GO:0005737 cytoplasm,GO:0016020 membran				
H30001152	H300011527	ENSG0000	XM_011524	11011	TLK2	tousled like	GO:000167	GO:000467	GO:000563	54	85	1.59	0.67
H20001908	H200019087	ENSG0000	NM_006663	10848	PPP1R13L	protein pho	GO:000012	GO:000371	GO:000563	41	36	0.88	-0.18
H20001530	H200015303	ENSG0000	NM_006641	10803	CCR9	chemokine	GO:000693	GO:000495	GO:0005829 cytosol,G	5			
AHsV1000	AHsV10001851	ENSG0000	NM_001206	10618	TGOLN2	trans-golgi	GO:000689	GO:000551	GO:000565	62	92	1.48	0.56
H20001166	H200011665	ENSG0000	NM_006443	10591	DNPH1	2'-deoxynu	GO:000828	GO:000551	GO:000563	2491	2516	1.01	0.01
H30001972	H300019724	ENSG0000	NM_006332	10437	IFI30	interferon,	GO:001922	GO:000551	GO:000557	958	484	0.51	-0.98
AHsV1000	AHsV10002010	ENSG0000	NM_007170	10420	TESK2	testis-spec	GO:000646	GO:000467	GO:000563	42	51	1.20	0.26
AHsV1000	AHsV10002766	ENSG0000	NM_003326	7292	TNFSF4	tumor necr	GO:000221	GO:000510	GO:0005615 extracellu	4			
H20002129	H200021293	ENSG0000	NM_003312	7263	TST	thiosulfate	GO:000009	GO:000479	GO:000561	609	504	0.83	-0.27
CHsGV100	CHsGV1000366	ENSG0000	NM_001308	7039	TGFA	transformin	GO:000018	GO:000515	GO:0000139 Golgi membrane,GO:0005615 ext				
AHsV1000	AHsV10003150	ENSG0000	NM_007220	11238	CA5B	carbonic ar	GO:000673	GO:000408	GO:0005739 mitochon	5			
AHsV1000	AHsV10002877	ENSG0000	NM_007195	11201	POLI	polymerase	GO:000626	GO:000368	GO:000562	65	84	1.29	0.37
AHsV1000	AHsV10001109	ENSG0000	NM_004660	8653	DDX3Y	DEAD-box	GO:000641	GO:000367	GO:0005634 nucleus,GO:0005737 cytoplasm,C				
H20000373	H200003731	ENSG0000	XM_005271	8634	RTCA	RNA 3'-ter	GO:000639	GO:000372	GO:000563	1532	1590	1.04	0.05
AHsV1000	AHsV10000560	ENSG0000	NM_001004	8444	DYRK3	dual specifi	GO:000646	GO:000028	GO:000563	228	217	0.95	-0.07
H30000219	H300002199	ENSG0000	XM_011520	8424	BBOX1	gamma-but	GO:000908	GO:000550	GO:0005739 mitochon	4			
H20000964	H200009647	ENSG0000	NM_001271	7980	TFPI2	tissue fact	GO:000759	GO:000486	GO:0005578 proteinaceous extracellular matri				
AHsV1000	AHsV10002178	ENSG0000	NM_005669	7905	REEP5	receptor ad	GO:000815	GO:000367	GO:001602	114	141	1.24	0.31
H20001098	H200010988	ENSG0000	XM_005268	7517	XRCC3	X-ray repa	GO:000070	GO:000015	GO:000078	17	24	1.44	0.53
CHsGV100	CHsGV1000256	ENSG0000	NM_004625	7476	WNT7A	wingless-ty	GO:000057	GO:000510	GO:000557	254	206	0.81	-0.30
H20000511	H200005112	ENSG0000	NM_001190	4690	NCK1	NCK adapt	GO:000693	GO:000486	GO:000016	303	267	0.88	-0.18
H20000608	H200006088	ENSG0000	NM_000262	4668	NAGA	N-acetylga	GO:001605	GO:000455	GO:000573	221	230	1.04	0.06
H20000675	H200006755	ENSG0000	NM_002428	4324	MMP15	matrix met	GO:000646	GO:000422	GO:0005886 plasma m	5			
H20000790	H200007908	-	NM_016568	51289	RXF3	relaxin/ins	GO:000718	GO:000493	GO:0005829 cytosol,G	7			
CHsGV100	CHsGV1000146	ENSG0000	XM_011520	51267	CLEC1A	C-type lec	GO:000695	GO:000488	GO:0005622 intracellul	4			
AHsV1000	AHsV10001630	ENSG0000	NR_133673	10988	METAP2	methionyl a	GO:000760	GO:000417	GO:000573	624	521	0.83	-0.26
H30000080	H300000805	ENSG0000	NM_001282	10963	STIP1	stress indu	GO:000695	GO:000551	GO:000563	2411	2117	0.88	-0.19
H20000706	H200007060	ENSG0000	NM_001278	10782	ZNF274	zinc finger	GO:000635	GO:000098	GO:000563	393	403	1.02	0.04
CHsGV100	CHsGV1000138	ENSG0000	NM_016452	10753	CAPN9	calpain 9	GO:000650	GO:000419	GO:000557	185	154	0.83	-0.26
H20001159	H200011598	-	NR_029403	10574	CCT7	chaperonin	GO:000645	GO:000551	GO:000219	4965	3764	0.76	-0.40
H20001505	H200015050	ENSG0000	NM_006412	10555	AGPAT2	1-acylglyce	GO:000181	GO:000384	GO:000578	237	266	1.12	0.16
H30000444	H300004444	ENSG0000	NM_006098	10399	RACK1	receptor fo	GO:000164	GO:000508	GO:000189	41542	25997	0.63	-0.68
CHsGV100	CHsGV1000104	ENSG0000	NM_001168	10370	CITED2	Cbp/p300	GO:000012	GO:000110	GO:000079	129	125	0.97	-0.04
AHsV1000	AHsV10002989	ENSG0000	NR_036565	7203	CCT3	chaperonin	GO:000645	GO:000551	GO:000219	5445	4931	0.91	-0.14
AHsV1000	AHsV10001485	ENSG0000	NM_199361	7165	TPD52L2	tumor prot	GO:004212	GO:000551	GO:000573	338	359	1.06	0.09
AHsV1000	AHsV10003540	-	NM_021959	6992	PPP1R11	protein pho	GO:003251	GO:000486	GO:000016	443	391	0.88	-0.18
CHsGV100	CHsGV1000022	-	XR_428513	11182	SLC2A6	solute carr	GO:001599	GO:000535	GO:000588	29	20	0.69	-0.53
H20000966	H200009664	ENSG0000	NM_007085	11167	FSTL1	folliculin li	GO:003050	GO:000550	GO:000557	28	24	0.86	-0.22
H30001993	H300019939	ENSG0000	NM_003711	8611	PLPP1	phospholipi	GO:000662	GO:000819	GO:000588	26	25	0.95	-0.08
CHsGV100	CHsGV1000062	ENSG0000	NM_003683	8568	RRP1	ribosomal P	GO:000636	GO:004482	GO:000563	654	460	0.70	-0.51
H30000064	H300000645	ENSG0000	NM_003551	8382	NME5	NME/NM23	GO:000335	GO:000455	GO:0005575 cellular_component,GO:0036126 s				
CHsGV100	CHsGV1000203	ENSG0000	NM_003500	8309	ACOX2	acyl-CoA d	GO:000669	GO:000006	GO:0005739 mitochondrion,GO:0005777 perox				
CHsGV100	CHsGV1000006	ENSG0000	NM_013992	7849	PAX8	paired box	GO:000165	GO:000097	GO:000563	86	62	0.72	-0.47
AHsV1000	AHsV10002262	ENSG0000	NM_001306	7776	ZNF236	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	26	37	1.43	0.51
H20000697	H200006974	ENSG0000	NM_001130	7444	VRK2	vaccinia re	GO:000646	GO:000467	GO:000563	752	680	0.90	-0.14
CHsGV100	CHsGV1000121	ENSG0000	XM_006719	7421	VDR	vitamin D (GO:000012	GO:000367	GO:000563	65	53	0.82	-0.29
AHsV1000	AHsV10000488	ENSG0000	NM_001080	4645	MYO5B	myosin VB	GO:000309	GO:000014	GO:0016459 myosin complex,GO:0030659 cyt				
H30000945	H300009457	ENSG0000	NM_015675	4616	GADD45B	growth arre	GO:000018	GO:000551	GO:000563	73	75	1.03	0.05
H30002236	H300022369	ENSG0000	NM_198159	4286	MITF	microphtha	GO:000012	GO:000097	GO:000563	251	204	0.81	-0.30
H30001415	H300014151	ENSG0000	NM_016454	51234	EMC4	ER membra	GO:000691	-	GO:001602	2767	1786	0.65	-0.63
CHsGV100	CHsGV1000195	ENSG0000	NM_001303	51193	ZNF639	zinc finger	GO:000636	GO:					

H30001332	H300013327	ENSG0000	NM_001297	10296	MAEA	macrophag	GO:000701	GO:000377	GO:000563	301	245	0.81	-0.30
AHsV1000	AHsV10001298	ENSG0000	XM_011542	7133	TNFRSF1B	tumor necr	GO:000695	GO:000503	GO:000557	282	248	0.88	-0.19
H20001227	H200012278	ENSG0000	NM_001278	7105	TSPAN6	tetraspanin	GO:000716	GO:000487	GO:0005887	9			
H30001914	H300019144	ENSG0000	NM_201636	6915	TBXA2R	thromboxan	GO:000695	GO:000496	GO:000166	20	19	0.97	-0.04
H30002218	H300022185	ENSG0000	NM_001102	11138	TBC1D8	TBC1 dom	GO:000801	GO:000509	GO:001602	27	21	0.78	-0.36
H30001950	H300019509	ENSG0000	NM_007046	11117	EMILIN1	elastin mic	GO:000715	GO:000551	GO:000557	69	61	0.89	-0.16
AHsV1000	AHsV10001507	ENSG0000	NM_003666	8548	BLZF1	basic leucir	GO:000027	GO:000367	GO:000013	306	325	1.06	0.08
H30000915	H300009152	ENSG0000	NM_003650	8530	CST7	cystatin F	GO:000695	GO:000486	GO:000557	24	30	1.27	0.34
AHsV1000	AHsV10000182	ENSG0000	NM_012151	8263	F8A1	coagulation	GO:000815	GO:000367	GO:000563	33	28	0.83	-0.27
CHsGV100	CHsGV1000256	ENSG0000	NM_001319	8200	GDF5	growth diff	GO:000206	GO:000512	GO:0005576	3			
H30001946	H300019465	ENSG0000	XM_011518	7743	ZNF189	zinc finger	GO:000012	GO:000367	GO:000563	128	176	1.37	0.46
CHsGV100	CHsGV1000073	ENSG0000	XM_011534	7699	ZNF140	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	27	44	1.62	0.69
CHsGV100	CHsGV1000212	ENSG0000	NM_007123	7399	USH2A	Usher synd	GO:000760	GO:000551	GO:0001917	5			
H20000656	H200006562	ENSG0000	NM_003362	7374	UNG	uracil DNA	GO:000628	GO:000368	GO:000563	503	377	0.75	-0.42
H30000088	H300000889	ENSG0000	NM_001144	4599	MX1	MX dynami	GO:000691	GO:000392	GO:0005737	9			
H20000734	H200007341	ENSG0000	XM_011542	4544	MTNR1B	melatonin r	GO:000716	GO:000493	GO:0005829	3			
H30001172	H300011720	ENSG0000	NM_130803	4221	MEN1	menin 1	GO:000012	GO:000040	GO:0000784				
H20000276	H200002762	ENSG0000	NM_016246	51171	HSD17B14	hydroxyste	GO:000670	GO:000430	GO:0005829	10			
AHsV1000	AHsV10002139	ENSG0000	NM_016125	51136	RNFT1	ring finger	-	GO:000827	GO:001602	531	558	1.05	0.07
AHsV1000	AHsV10000503	ENSG0000	NM_022375	10896	OCLM	oculomedin	GO:000760	-	-	4			
H30001580	H300015805	ENSG0000	NM_001199	10869	USP19	ubiquitin sp	GO:001657	GO:000484	GO:000578	83	64	0.77	-0.37
H30002042	H300020424	ENSG0000	XM_011519	10658	CELF1	CUGBP, El	GO:000637	GO:000016	GO:000563	248	240	0.97	-0.04
H20000176	H200001769	ENSG0000	XM_005265	10636	RGS14	regulator o	GO:000691	GO:000196	GO:000092	43	47	1.09	0.12
H30002116	H300021168	ENSG0000	NM_133480	10474	TADA3	transcripti	GO:000193	GO:000370	GO:000562	369	450	1.22	0.29
H20000691	H200006911	ENSG0000	NM_002510	10457	GNPMB	glycoprotei	GO:000164	GO:000517	GO:0005887	3			
H30001337	H300013376	ENSG0000	NM_001105	10277	UBE4B	ubiquitinati	GO:000862	GO:001687	GO:000015	25	26	1.03	0.05
CHsGV100	CHsGV100037	ENSG0000	NM_005840	10251	SPRY3	sprouty RT	GO:000727	GO:000367	GO:0005737	3			
AHsV1000	AHsV10001742	ENSG0000	XM_006717	7088	TLE1	transducin	GO:000012	GO:000110	GO:0005634				
CHsGV100	CHsGV100040	ENSG0000	NM_001306	7060	THBS4	thrombospe	GO:000193	GO:000196	GO:000557	11	15	1.29	0.37
H30000983	H300009836	ENSG0000	NM_001059	6870	TACR3	tachykinin	GO:000721	GO:000499	GO:0005634	3			
H20000453	H200004534	ENSG0000	NM_001317	11080	DNAJB4	DnaJ heat	GO:000645	GO:000551	GO:000565	323	474	1.47	0.55
AHsV1000	AHsV10003221	ENSG0000	XM_006716	11064	CNTRL	centriolin	GO:000008	GO:000551	GO:000573	119	171	1.43	0.52
H20000824	H200008247	ENSG0000	NM_001300	8498	RANBP3	RAN bindin	GO:001503	GO:000551	GO:000563	208	165	0.79	-0.34
AHsV1000	AHsV10000152	ENSG0000	NM_001145	8470	SORBS2	sorbin and	GO:000701	GO:000520	GO:0005634	4			
CHsGV100	CHsGV1000326	ENSG0000	NM_001199	100529063	BCL2L2-P	BCL2L2-P	-	-	-	2308	2527	1.09	0.13
H20001101	H200011015	ENSG0000	NM_005437	8031	NCOA4	nuclear rec	GO:000635	GO:000371	GO:000563	4656	3996	0.86	-0.22
H30001289	H300012893	ENSG0000	NM_153380	7592	ZNF41	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	35	36	1.04	0.05
CHsGV100	CHsGV1000026	ENSG0000	NM_003413	7547	ZIC3	Zic family r	GO:000194	GO:000097	GO:0005634				
AHsV1000	AHsV10000911	ENSG0000	NM_004181	7345	UCHL1	ubiquitin C	GO:000293	GO:000419	GO:0005654				
H20000052	H200000527	ENSG0000	NM_153280	7317	UBA1	ubiquitin lik	GO:000697	GO:000483	GO:000079	707	741	1.05	0.07
H20000364	H200003644	ENSG0000	NM_001199	4482	MSRA	methionine	GO:000646	GO:000811	GO:000565	83	82	0.99	-0.01
AHsV1000	AHsV10001669	ENSG0000	XM_011524	4355	MPP2	membrane	GO:000716	GO:000438	GO:0005887				
H20001600	H200016009	ENSG0000	NM_005912	4160	MC4R	melanocort	GO:000202	GO:000497	GO:0005634	4			
CHsGV100	CHsGV100021	ENSG0000	NM_001300	83594	NUDT12	nudix hydro	GO:000674	GO:000021	GO:000563	178	145	0.81	-0.30
AHsV1000	AHsV10002538	ENSG0000	NM_001172	81532	MOB2	MOB kinas	GO:000193	GO:004687	GO:000563	147	118	0.80	-0.31
H30000315	H300003150	ENSG0000	NM_030777	81031	SLC2A10	solute carr	GO:001575	GO:000535	GO:0005737	4			
CHsGV100	CHsGV1000303	ENSG0000	XM_011524	80169	CTC1	CTS telom	GO:000072	GO:000369	GO:000078	41	31	0.76	-0.40
CHsGV100	CHsGV1000092	ENSG0000	NR_049742	80143	SIKE1	suppressor	GO:004508	GO:000551	GO:000582	133	197	1.48	0.57
CHsGV100	CHsGV1000106	ENSG0000	NM_145910	79858	NEK11	NIMA relat	GO:000646	GO:000467	GO:0005654				
H20001344	H200013445	ENSG0000	NR_110311	79836	LONRF3	LON peptid	GO:000650	GO:000417	-	911	752	0.83	-0.28
H20001653	H200016534	-	XM_011522	4629	MYH11	myosin, hea	GO:000693	GO:000377	GO:000582	341	297	0.87	-0.20
CHsTV100	CHsTV1000008	ENSG0000	NM_001142	54798	DCHS2	dachsous d	GO:000715	GO:000367	GO:000557	48	38	0.78	-0.35
H20000543	H200005436	ENSG0000	NM_018990	54440	SASH3	SAM and S	GO:000263	-	GO:000563	11	15	1.38	0.46
CHsGV100	CHsGV1000074	ENSG0000	NM_018973	54344	DPM3	dolichyl-ph	GO:000597	GO:000458	GO:000578	511	495	0.97	-0.05
CHsGV100	CHsGV1000281	ENSG0000	XM_005249	51678	MPP6	membrane	GO:000646	GO:000551	GO:000588	290	221	0.76	-0.39
H20000693	H200006935	ENSG0000	NR_134661	51642	MRP148	mitochondr	GO:000699	GO:000551	GO:000574	1642	2011	1.22	0.29
H20001011	H200010113	ENSG0000	XM_011539	55753	OGDHL	oxoglutarat	GO:000609	GO:000459	GO:0005739	7			
CHsGV100	CHsGV1000156	ENSG0000	NM_018717	55534	MAML3	mastermind	GO:000636	GO:000371	GO:000563	4	10	2.61	1.38
H30002007	H300020078	ENSG0000	XM_005253	55500	ETNK1	ethanolami	GO:000664	GO:000430	GO:000565	268	195	0.73	-0.46
H30002266	H300022661	ENSG0000	NR_103468	55222	LRRC20	leucine ric	-	GO:000551	-	11	14	1.30	0.38
CHsGV100	CHsGV1000231	ENSG0000	NM_018176	55203	LG12	leucine-ric	-	-	GO:0005576	6			
AHsV1000	AHsV10000781	ENSG0000	NM_001104	55026	TMEM255A	transmemb	-	-	GO:0016021				
H30002156	H300021566	ENSG0000	NM_001127	54998	AURKAIP1	aurora kina	GO:000699	GO:000551	GO:000563	3994	3029	0.76	-0.40
H20000255	H200002551	ENSG0000	NM_001142	23301	EHBP1	EH domain	-	-	GO:000573	162	199	1.23	0.30
AHsV1000	AHsV10001054	ENSG0000	XM_006720	23274	CLEC16A	C-type lec	GO:000691	-	GO:000576	13	23	1.79	0.84
AHsV1000	AHsV10000375	ENSG0000	XR_934009	23125	CAMTA2	calmodulin	GO:000635	GO:000107	GO:0005634	3			
H20000417	H200004172	ENSG0000	NM_183416	23095	KIF1B	kinesin fam	GO:000691	GO:000377	GO:000573	217	228	1.05	0.08
H20000084	H200000842	ENSG0000	NM_001142	22911	WDR47	WD repeat	GO:000727	GO:000551	GO:000573	90	104	1.15	0.20
H30001237	H300012373	ENSG0000	NM_001198	22887	FOXJ3	forkhead bc	GO:000635	GO:000098	GO:000563	15	22	1.43	0.51
CHsGV100	CHsGV1000288	ENSG0000	NM_001013	81929	SEH1L	SEH1 like r	GO:000027	GO:000551	GO:000077	935	765	0.82	-0.29
CHsGV100	CHsGV1000018	ENSG0000	NM_001197	80829	ZFP91	ZFP91 zinc	GO:000725	GO:000367	GO:000563	117	142	1.22	0.28
CHsGV100	CHsGV1000346	-	XR_926313	80737	VWA7	von Willebr	GO:000815	GO:000367	GO:000557	48	36	0.75	-0.41
H20002034	H200020342	ENSG0000	NM_025045	80115	BAIAP2L2	BAI1 assoc	GO:000700	GO:000554	GO:000582	4	5	1.33	0.41
H20000886	H200008860	ENSG0000	NM_024955	80020	FOXRED2	FAD depen	GO:003043	GO:000194	GO:000578	27	23	0.86	-0.22
AHsV1000	AHsV10001021	ENSG0000	XM_005248	79810	PTCD2	pentatricop	GO:000182	GO:004482	GO:000573	318	283	0.89	-0.17
AHsV1000	AHsV10002992	ENSG0000	XM_011515	79783	SUGCT	succinyl-C	GO:000815	GO:004736	GO:000573	34	29	0.88	-0.19
AHsV1000	AHsV10002194	ENSG0000	XM_011515	54753	ZNF853	zinc finger	-	GO:000367	-				
CHsGV100	CHsGV100039	ENSG0000	NM_018334	54674	LRRN3	leucine ric	GO:005196	-	GO:0016021				
AHsV1000	AHsV10002757	ENSG0000	NM_020639	54101	RIPK4	receptor in	GO:000200	GO:000467	GO:0005737	4			
AHsV1000	AHsV10002409	ENSG0000	NM_016154	53916	RAB4B	RAB4B, me	GO:000726	GO:000367	GO:000588	144	151	1.05	0.07
H30001796	H300017960	ENSG0000	NR_037936	51601	LIPT1	lipoyltransf	GO:000646	GO:001674	GO:000575	56	49	0.87	-0.20
CHsGV100	CHsGV1000166	ENSG0000	XM_011538	51564	HDAC7	histone dea	GO:000012	GO:000368	GO:000011	92	63	0.69	-0.54
AHsV1000	AHsV10003237	ENSG0000	NM_018059	55698	RADIL	Ras associ	GO:000716	GO:000551	GO:000587	120	102	0.85	-0.23
CHsGV100	CHsGV1000202	ENSG0000	XM_011516	55365	TMEM176A	transmemb	GO:200119	-					

AHsV1000	AHsV10000484	ENSG0000	XM_005258	23255	MTCL1	microtubule	GO:000157	GO:000551	GO:000092	52	48	0.93	-0.11
AHsV1000	AHsV10002385	ENSG0000	NM_015189	23233	EXOC6B	exocyst co	GO:000690	-	GO:0000145	exocyst	10		
H30001968	H300019683	ENSG0000	NM_015051	23071	ERP44	endoplasmic	GO:000645	GO:000375	GO:000578	1842	1688	0.92	-0.13
H30001958	H300019585	ENSG0000	XM_011535	23047	PDS5B	PDS5 cohe	GO:000027	GO:000367	GO:000077	188	212	1.12	0.17
CHsGV100	CHsGV1000024	ENSG0000	XM_011518	22869	ZNF510	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	72	77	1.07	0.10
AHsV1000	AHsV10003183	ENSG0000	XM_005269	22841	RAB11FIP2	RAB11 fam	GO:000309	GO:000551	GO:000565	30	55	1.83	0.87
H20000767	H200007677	ENSG0000	NM_030938	81671	VMP1	vacuole me	GO:000688	GO:000551	GO:000040	2340	2472	1.06	0.08
H20001757	H200017577	ENSG0000	XM_011540	80351	TNKS2	tankyrase 2	GO:000020	GO:000395	GO:000013	79	165	2.09	1.06
H30001683	H300016835	ENSG0000	NM_001143	80313	LRRC27	leucine ric	-	-	-		4		
CHsGV100	CHsGV100023	ENSG0000	XM_011516	79989	TTC26	tetratricop	GO:000699	-	GO:000581	163	124	0.76	-0.39
CHsGV100	CHsGV100002	ENSG0000	XR_945816	79955	PDZD7	PDZ domai	GO:004518	GO:000551	GO:000214	14	15	1.09	0.12
CHsGV100	CHsGV100028	ENSG0000	XM_005255	9726	ZNF646	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	13	12	0.92	-0.12
H20000646	H200006460	ENSG0000	XR_945471	105370039	LOC105370	uncharacte	-	-	-	445	353	0.79	-0.33
H30002227	H300022279	ENSG0000	NM_000463	54658	UGT1A1	UDP glucur	GO:000188	GO:000197	GO:0005783	endoplasm	5		
AHsV1000	AHsV10001519	-	-	-	-	-	-	-	-	10796	7180	0.67	-0.59
H20000283	H200002837	ENSG0000	NR_130963	53635	PTOV1	prostate tu	GO:000635	-	GO:000563	353	274	0.78	-0.36
H20000889	H200008890	ENSG0000	XM_011542	53340	SPA17	sperm auto	GO:000335	GO:000551	GO:000573	310	239	0.77	-0.38
AHsV1000	AHsV10002696	ENSG0000	NM_001289	51529	ANAPC11	anaphase p	GO:000027	GO:000484	GO:000565	133	145	1.08	0.12
AHsV1000	AHsV10001999	ENSG0000	NM_016356	51473	DCDC2	doublecort	GO:000176	GO:000551	GO:0005634	nucleus,GO:0005737	cytoplasm,GO:0005737		
H30000476	H300004761	ENSG0000	XM_011517	55636	CHD7	chromodon	GO:000150	GO:000097	GO:000563	181	146	0.81	-0.31
AHsV1000	AHsV10002926	ENSG0000	NM_018347	55317	AP5S1	adaptor rel	GO:000072	GO:000551	GO:000563	93	88	0.95	-0.08
CHsGV100	CHsGV100038	ENSG0000	NM_001284	55287	TMEM40	transmemb	-	-	GO:001602	30	43	1.44	0.53
CHsGV100	CHsGV100017	ENSG0000	NM_001204	55129	ANO10	anoctamin	GO:000681	GO:000522	GO:000562	419	406	0.97	-0.04
AHsV1000	AHsV10003495	ENSG0000	XM_011536	55102	ATG2B	autophagy	GO:000004	-	GO:0000407	pre-autop	5		
AHsV1000	AHsV10002235	ENSG0000	NR_075098	54919	DNAAF5	dynein (axc	GO:000334	GO:004550	GO:000573	469	340	0.72	-0.47
AHsV1000	AHsV10000416	ENSG0000	NM_017759	54891	INO80D	INO80 com	GO:000628	-	GO:0005634	nucleus	3		
H20000572	H200005722	ENSG0000	XM_006716	23213	SULF1	sulfatase 1	GO:000182	GO:000406	GO:000561	75	56	0.75	-0.42
AHsV1000	AHsV10001379	ENSG0000	NM_013325	23192	ATG4B	autophagy	GO:000004	GO:000417	GO:000573	263	293	1.12	0.16
AHsV1000	AHsV10002407	ENSG0000	NM_001166	23022	PALLD	palladin, cy	GO:000333	GO:000377	GO:0001726	ruffle,GO:0002102	podosome,GO:0002102		
AHsV1000	AHsV10002531	ENSG0000	NM_001112	22998	LIMCH1	LIM and ca	GO:003103	GO:000377	-				
AHsV1000	AHsV10003299	ENSG0000	NM_001079	22807	IKZF2	IKAROS fa	GO:000635	GO:000367	GO:000563	38	59	1.53	0.61
AHsV1000	AHsV10000315	ENSG0000	NM_007276	11335	CBX3	chromobox	GO:000633	GO:000551	GO:000077	6188	5415	0.88	-0.19
CHsGV100	CHsGV1000118	ENSG0000	NM_145214	81559	TRIM11	tripartite m	GO:001656	GO:000551	GO:000563	203	175	0.86	-0.21
AHsV1000	AHsV10001764	ENSG0000	NM_025184	80258	EFHC2	EF-hand do	-	GO:000550	-	40	138	3.44	1.78
H20000940	H200009400	-	XM_005253	80212	CCDC92	coiled-coil	-	GO:000551	GO:000581	84	95	1.14	0.19
AHsV1000	AHsV10002055	ENSG0000	NM_001099	79917	MAGIX	MAGI famil	-	-	-		5		
H20000838	H200008386	ENSG0000	NM_024830	79888	LPCAT1	lysophosph	GO:000664	GO:000550	GO:000013	672	575	0.85	-0.23
CHsGV100	CHsGV1000106	-	-	-	-	-	-	-	-	199	204	1.03	0.04
H20000398	H200003980	ENSG0000	NM_024616	79669	C3orf52	chromosom	-	GO:000551	GO:000578	123	64	0.52	-0.95
H20001070	H200010704	ENSG0000	XM_011515	54504	CPVL	carboxypep	GO:005160	GO:000418	GO:007006	25	24	0.93	-0.10
H30001290	H300012909	ENSG0000	NR_130789	54471	MIEF1	mitochondr	GO:000026	GO:000551	GO:000573	684	537	0.79	-0.35
H30001289	H300012896	ENSG0000	XM_011518	51759	C9orf78	chromosom	-	GO:000551	GO:000565	3215	2241	0.70	-0.52
H20001693	H200016937	ENSG0000	NM_016298	51725	FBXO40	F-box prot	GO:001656	GO:000367	GO:0005737	cytoplasm	6		
AHsV1000	AHsV10002181	ENSG0000	NM_016218	51426	POLK	polymerase	GO:000626	GO:000368	GO:000563	90	117	1.31	0.39
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_015969	51373	MRPS17	mitochondr	GO:000641	GO:000373	GO:000574	1689	1181	0.70	-0.52
H20001424	H200014246	ENSG0000	NM_001136	55593	OTUD5	OTU deubi	GO:003248	GO:000484	GO:000582	290	265	0.91	-0.13
CHsGV100	CHsGV1000112	ENSG0000	NM_001303	55260	TMEM143	transmemb	GO:000224	GO:000367	GO:000573	59	59	0.99	-0.01
AHsV1000	AHsV10003317	ENSG0000	NM_001286	55243	KIRREL	kin of IRRE	GO:000193	GO:000551	GO:000588	7	15	2.16	1.11
H20001133	H200011334	ENSG0000	NM_018004	55076	TMEM45A	transmemb	-	-	GO:001602	27	17	0.63	-0.67
AHsV1000	AHsV10002786	-	NM_017974	55054	ATG16L1	autophagy	GO:000004	GO:000551	GO:000042	29	39	1.32	0.41
H30001471	H300014715	ENSG0000	NM_133180	54869	EPS8L1	EPS8 like 1	GO:000726	GO:000377	GO:0005737	cytoplasm,GO:0032587	ruffle me		
AHsV1000	AHsV10001055	ENSG0000	XM_011521	54839	LRRC49	leucine ric	-	-	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005874	microtubu		
H20001799	H200017994	ENSG0000	NM_015136	23166	STAB1	stabilin 1	GO:000689	GO:000504	GO:000588	15	13	0.86	-0.21
AHsV1000	AHsV10000380	ENSG0000	XM_011535	23143	LRCH1	leucine-ric	-	GO:000551	-	13	20	1.60	0.67
H20000176	H200001767	ENSG0000	NM_012112	22974	TPX2	TPX2, micr	GO:000691	GO:000551	GO:000092	3030	2483	0.82	-0.29
H30000826	H300008262	ENSG0000	NM_012248	22928	SEPHS2	selenophos	GO:001626	GO:000475	GO:000557	1502	1370	0.91	-0.13
H30000481	H300004815	ENSG0000	NM_007260	11313	LYPLA2	lysophosph	GO:000208	GO:000847	GO:000573	794	579	0.73	-0.45
H30000248	H300002487	ENSG0000	NM_007236	11261	CHP1	calcineurin	GO:000157	GO:000486	GO:000013	100	112	1.12	0.16
DHsGV100	DHsGV1000576	-	-	-	-	-	-	-	-	52	73	1.41	0.50
DHsGV100	DHsGV100046	ENSG0000	-	-	RP11-1109	-	-	-	-	6	12	2.12	1.09
AHsV1000	AHsV10002710	ENSG0000	NM_001084	100037417	DDTL	D-dopachr	GO:000815	GO:001682	GO:0005737	cytoplasm,GO:0070062	extracellu		
DHsGV100	DHsGV1000557	ENSG0000	-	285154	CYP1B1-A	CYP1B1 ar	-	-	-	15	17	1.14	0.18
CHsGV100	CHsGV1000033	ENSG0000	NM_182572	284312	ZSCAN1	zinc finger	GO:000635	GO:000098	GO:0005634	nucleus			
H20000395	H200003952	ENSG0000	NM_012232	284119	PTRF	polymerase	GO:000635	GO:000551	GO:000563	373	330	0.88	-0.18
AHsV1000	AHsV10001167	ENSG0000	NR_109929	257415	FAM133B	family with	-	GO:004482	-	165	157	0.95	-0.07
CHsGV100	CHsGV100036	ENSG0000	XM_011521	256646	NUTM1	NUT midlin	-	GO:000551	GO:0005634	nucleus,GO:0005737	cytoplasm		
AHsV1000	AHsV10001680	ENSG0000	NR_133927	222008	VSTM2A	V-set and	-	-	GO:000557	53	53	0.99	-0.01
CHsGV100	CHsGV1000334	ENSG0000	NM_152735	221504	ZBTB9	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	45	37	0.84	-0.26
CHsGV100	CHsGV1000298	ENSG0000	NM_153365	202018	TAPT1	transmemb	GO:000170	GO:001652	GO:001602	213	284	1.33	0.41
CHsGV100	CHsGV1000180	ENSG0000	XR_934007	201163	FLCN	folliculin	GO:000012	GO:000508	GO:000563	16	17	1.07	0.10
AHsV1000	AHsV10002096	ENSG0000	NM_031469	83699	SH3BGR2	SH3 domai	-	GO:001712	GO:000565	36	31	0.87	-0.21
AHsV1000	AHsV10002307	ENSG0000	NM_207362	343990	KIAA1211L	KIAA1211	-	-	-		7		
DHsGV100	DHsGV1000144	-	-	-	-	-	-	-	-	150	134	0.90	-0.16
H30001693	H300016932	ENSG0000	NM_005167	333926	PPM1J	protein pho	GO:000647	GO:000472	-	33	26	0.77	-0.37
AHsV1000	AHsV10001698	ENSG0000	XM_011518	286336	FAM78A	family with	-	-	-	572	617	1.08	0.11
AHsV1000	AHsV10000292	ENSG0000	NM_001320	92856	IMP4	IMP4 homo	GO:000636	GO:000551	GO:000573	1277	1079	0.85	-0.24
CHsGV100	CHsGV1000407	ENSG0000	NM_138385	92305	TMEM129	transmemb	GO:000020	GO:000367	GO:000557	50	62	1.24	0.32
H20000120	H200001208	ENSG0000	NM_001142	89927	C16orf45	chromosom	GO:000702	GO:000551	GO:001563	13	23	1.79	0.84
AHsV1000	AHsV10003430	ENSG0000	NM_001167	89796	NAV1	neuron nav	GO:000157	GO:000551	GO:000573	27	27	0.98	-0.03
AHsV1000	AHsV10003283	ENSG0000	XR_428983	84897	TBRG1	transformir	GO:000626	GO:000551	GO:000563	77	140	1.83	0.88
AHsV1000	AHsV10003545	ENSG0000	NM_032752	84838	ZNF496	zinc finger	GO:000012	GO:000098	GO:000563	50	39	0.80	-0.33
AHsV1000	AHsV10001333	ENSG0000	NM_032338	84298	LLPH	LLP homol	-	GO:004482	GO:000573	687	566	0.82	-0.28
H30001044	H300010446	ENSG0000	XM_011519	84263	HSDL2	hydroxyste	GO:000815	GO:000367	GO:000573	518	501	0.97	-0.05
CHsGV100	CHsGV1000048	ENSG0000	NM_001304	54933	RHBDL2	rhomboid, v	GO:001648	GO:000425	GO:0005743	mitochondrial inner membrane,GO:0005743			

DHsGV100	DHsGV100029	ENSG0000	XM_011521	283710	LOC283710	uncharacte	-	-	-	4	10	2.70	1.43
AHsV1000	AHsV10001110	ENSG0000	NR_022012	256076	COL6A5	collagen ty	GO:000715	GO:000551	GO:0005576	extracellu	13		
AHsV1000	AHsV10002272	ENSG0000	NM_001286	255220	TXNDC8	thioredoxin	GO:000010	GO:001503	GO:0001669	acrosomal vesicle,GO:0005737 cy			
H30000213	H300002138	ENSG0000	NM_153838	221393	ADGRF4	adhesion G	GO:000716	GO:000493	GO:001602	6	9	1.68	0.75
H30000522	H300005227	ENSG0000	NM_001079	221092	HNRNPUL2	heterogene	GO:000815	GO:004482	GO:000563	521	704	1.35	0.43
AHsV1000	AHsV10000075	ENSG0000	XM_011509	200186	CRTC2	CREB regul	GO:000609	GO:000368	GO:000563	55	49	0.88	-0.19
CHsGV100	CHsGV1000008	ENSG0000	NR_131032	199857	ALG14	ALG14, UD	GO:000648	-	GO:000578	272	192	0.71	-0.50
CHsGV100	CHsGV100023	ENSG0000	XM_011538	83468	GLT8D2	glycosyltra	GO:000027	GO:001675	GO:000579	6	9	1.48	0.56
CHsGV100	CHsGV100018	ENSG0000	NM_001004	342132	ZNF774	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus	10		
CHsGV100	CHsGV100005	ENSG0000	XM_011539	340654	LIPM	lipase famil	GO:001604	GO:001678	GO:0005576	extracellular region			
DHsGV100	DHsGV100034	ENSG0000	NR_028137	286002	SLC26A4	SLC26A4 a	-	-	-		5		
CHsGV100	CHsGV100016	ENSG0000	NM_001130	285613	RELL2	RELT like 2	GO:001081	GO:000551	GO:000560	88	79	0.90	-0.15
AHsV1000	AHsV10000250	ENSG0000	NM_001130	92002	FAM58A	family with	GO:003214	GO:000551	GO:000030	417	381	0.91	-0.13
AHsV1000	AHsV10001767	ENSG0000	NM_001301	91653	BOC	BOC cell a	GO:000715	GO:000551	GO:0005886	plasma m	4		
H20000543	H200005431	ENSG0000	NM_001037	85458	DIXDC1	DIX domain	GO:000704	GO:000377	GO:000573	92	63	0.68	-0.56
CHsGV100	CHsGV100007	ENSG0000	NM_033118	85366	MYLK2	myosin ligh	GO:000694	GO:000468	GO:0005634	nucleus, G	6		
AHsV1000	AHsV10001881	ENSG0000	XM_011544	84750	FUT10	fucosyltran	GO:000645	GO:004692	GO:000579	52	59	1.13	0.17
CHsGV100	CHsGV100016	ENSG0000	NM_032587	84674	CARD6	caspase re	GO:000691	-	-	14	22	1.53	0.61
H30001053	H300010533	ENSG0000	NM_001277	84215	ZNF541	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000011	11	10	0.87	-0.20
H30001685	H300016859	ENSG0000	NM_053034	84168	ANTXR1	anthrax tox	GO:000716	GO:000488	GO:0005886	plasma membrane,GO:0009986 c			
CHsGV100	CHsGV100016	ENSG0000	XM_011520	55729	ATF7IP	activating t	GO:000012	GO:000371	GO:000563	58	71	1.22	0.29
DHsGV100	DHsGV100052	ENSG0000	NR_135061	105376736	LOC105376	uncharacte	-	-	-	7	12	1.70	0.77
DHsTV100	DHsTV1000005	ENSG0000	NM_001319	4978	OPCML	opioid bindi	GO:000715	-	GO:000588	173	117	0.68	-0.57
AHsV1000	AHsV10002312	ENSG0000	NM_001136	730130	TMEM229A	transmemb	GO:000635	GO:000370	GO:0016021	integral component of membrane			
DHsGV100	DHsGV100020	ENSG0000	XM_011526	8715	NOL4	nucleolar p	-	GO:000372	GO:0005634	nucleus,GO:0005730	nucleolus		
CHsGV100	CHsGV100016	ENSG0000	NM_001099	283464	GYLT1	glucoside x	GO:000597	GO:003525	GO:000013	39	60	1.52	0.61
CHsGV100	CHsGV100003	ENSG0000	XM_005273	283248	RCOR2	REST core	GO:000635	GO:000367	GO:000563	85	66	0.78	-0.36
AHsV1000	AHsV10003336	ENSG0000	NM_001163	254528	MEIOB	meiosis spe	GO:000071	GO:000368	GO:000563	1624	1234	0.76	-0.40
CHsGV100	CHsGV100015	ENSG0000	NM_203463	253782	CERS6	ceramide s	GO:000666	GO:000367	GO:000578	94	129	1.37	0.45
CHsTV100	CHsTV1000003	ENSG0000	XM_011544	220074	LRTOMT	leucine rich	GO:000760	GO:001620	GO:000557	52	40	0.78	-0.36
H20000382	H200003825	ENSG0000	XM_011539	219654	ZCCHC24	zinc finger	-	GO:000827	-	74	73	0.99	-0.01
H30002131	H300021311	ENSG0000	XR_933233	197259	MLKL	mixed linea	GO:000646	GO:000467	GO:000573	31	30	0.97	-0.04
CHsGV100	CHsGV100024	-	-	-	-	-	-	-	-	58	46	0.80	-0.32
AHsV1000	AHsV10000728	-	NM_030967	81851	KRTAP1-1	keratin ass	GO:000815	-	GO:0045095	keratin filament			
H30000054	H300000545	ENSG0000	NM_001012	340156	MYLK4	myosin ligh	GO:000646	GO:000467	GO:007006	5	9	1.75	0.80
DHsGV100	DHsGV100055	-	-	-	-	-	-	-	-	25	27	1.10	0.13
AHsV1000	AHsV10003542	-	NM_001047	285381	DPH3	diphthamid	GO:001718	GO:000551	GO:000563	8	19	2.31	1.21
H30000610	H300006101	ENSG0000	NM_000980	6142	RP118A	ribosomal p	GO:000018	GO:000372	GO:000582	26322	15657	0.59	-0.75
CHsGV100	CHsGV100004	ENSG0000	NM_001135	91355	LRP5L	LDL recept	GO:004433	GO:001714	GO:000588	89	114	1.28	0.36
AHsV1000	AHsV10001754	ENSG0000	XR_930524	91074	ANKRD30A	ankyrin rep	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus			
CHsGV100	CHsGV100006	ENSG0000	NM_032936	85025	TMEM60	transmemb	-	-	GO:001602	857	759	0.89	-0.17
CHsGV100	CHsGV100029	ENSG0000	XM_011522	84978	FRMD5	FERM dom	GO:000815	GO:000367	GO:0005575	cellular_cd	4		
CHsGV100	CHsGV100038	ENSG0000	XM_005270	84632	AFAP1L2	actin filame	GO:000695	GO:001712	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005886	plasma m		
CHsGV100	CHsGV100007	ENSG0000	NR_045756	84570	COL25A1	collagen ty	GO:002261	GO:000154	GO:000557	11	11	1.03	0.04
CHsGV100	CHsGV100001	ENSG0000	XR_944757	84101	USP44	ubiquitin sp	GO:000706	GO:000484	GO:000563	13	96	7.27	2.86
H30001722	H300017224	ENSG0000	NM_032048	84034	EMILIN2	elastin mic	GO:000715	GO:000551	GO:0005576	extracellu	8		
AHsV1000	AHsV10000536	ENSG0000	XM_006716	55667	DENND4C	DENN dom	GO:001503	GO:001711	GO:000582	79	140	1.76	0.82
DHsGV100	DHsGV100036	ENSG0000	-	440416	CCDC144N	CCDC144N	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV100011	ENSG0000	NR_110904	101927102	ITFG1-AS1	ITFG1 antis	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV100034	ENSG0000	NR_033998	729970	LOC729970	hCG20283	-	-	-	7	13	1.78	0.83
DHsGV100	DHsGV100053	ENSG0000	XR_110425	729815	LOC729815	keratin-ass	-	-	-		9		
AHsV1000	AHsV10000702	ENSG0000	NM_001282	282991	BLOC1S2	biogenesis	GO:000702	GO:000551	GO:000093	8	14	1.77	0.82
AHsV1000	AHsV10001775	ENSG0000	NM_152900	260425	MAG3	membrane	GO:000691	GO:000438	GO:000563	75	121	1.61	0.69
AHsV1000	AHsV10000389	ENSG0000	NM_139286	246184	CDC26	cell divisio	GO:000027	GO:000551	GO:000565	1085	873	0.80	-0.31
CHsGV100	CHsGV100029	ENSG0000	NM_001134	222865	TMEM130	transmemb	-	-	GO:000013	161	152	0.94	-0.09
AHsV1000	AHsV10001104	ENSG0000	NM_001320	204962	SLC44A5	solute carr	GO:000664	-	GO:000588	6	19	3.36	1.75
CHsGV100	CHsGV100000	ENSG0000	NM_145005	203228	C9orf72	chromosom	GO:000689	GO:000551	GO:000561	29	32	1.12	0.16
AHsV1000	AHsV10003157	ENSG0000	NM_138706	192134	B3GNT6	UDP-GlcN	GO:000649	GO:000837	GO:0000139	Golgi men	8		
CHsGV100	CHsGV100031	ENSG0000	NM_014068	170679	PSORS1C1	psoriasis su	-	-	-	7	11	1.50	0.59
CHsGV100	CHsGV100024	ENSG0000	NM_001289	81616	ACSBG2	acyl-CoA s	GO:000167	GO:000446	GO:0005737	cytoplasm	8		
opHsV0400	opHsV0400011	ENSG0000	XM_011524	339287	MSL1	male-speci	GO:000632	GO:000368	GO:000565	344	427	1.24	0.31
CHsGV100	CHsGV100019	ENSG0000	XM_011538	338761	C1QL4	complemen	GO:004559	GO:004280	GO:000558	29	25	0.87	-0.20
AHsV1000	AHsV10000876	ENSG0000	NM_001099	284656	FAM1A10	EPH recept	GO:000741	GO:000500	GO:000588	19	22	1.19	0.25
AHsV1000	AHsV10001254	ENSG0000	NM_001145	284418	FAM71E2	family with	-	-	GO:0005634	nucleus	4		
AHsV1000	AHsV10000422	ENSG0000	XR_934594	90799	CEP95	centrosom	-	GO:000551	GO:000092	338	424	1.25	0.33
H20000357	H200003577	ENSG0000	NM_033211	90355	C5orf30	chromosom	GO:001503	GO:000551	GO:000573	236	256	1.08	0.12
AHsV1000	AHsV10000308	ENSG0000	XR_942606	84947	SERAC1	serine activ	GO:000650	GO:001678	GO:000557	20	45	2.23	1.15
CHsGV100	CHsGV100033	ENSG0000	NM_032832	84918	LRP11	LDL recept	GO:000940	GO:005121	GO:000588	77	60	0.78	-0.36
CHsGV100	CHsGV100029	ENSG0000	XM_011522	84464	SLX4	SLX4 struc	GO:000072	GO:000551	GO:000078	47	40	0.84	-0.24
H20001180	H200011805	ENSG0000	NM_197955	84419	C15orf48	chromosom	-	-	GO:0005634	nucleus, G	6		
H30001823	H300018239	ENSG0000	NM_001010	83932	SPRNTN	SprT-like N	GO:000628	GO:000367	GO:000563	154	158	1.03	0.04
AHsV1000	AHsV10003297	ENSG0000	NM_001142	83871	RAB34	RAB34, me	GO:000726	GO:000551	GO:0005794	Golgi apparatus,GO:0005795	Golg		
H20001116	H200011168	ENSG0000	NM_001017	55615	PRR5	proline rich	GO:000193	-	GO:000582	142	103	0.73	-0.46
H20000656	H200006563	ENSG0000	NM_001303	482	ATP1B2	ATPase Na	GO:000681	GO:000167	GO:000573	4	8	1.79	0.84
H20000307	H200003071	ENSG0000	XM_011537	11108	PRDM4	PR domain	GO:000635	GO:000367	GO:000573	202	197	0.97	-0.04
DHsGV100	DHsGV100039	-	-	-	-	-	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV100046	ENSG0000	NR_034158	255330	NUP210P1	nucleoporin	-	-	-	150	119	0.79	-0.33
DHsGV100	DHsGV100028	-	-	-	-	-	-	-	-	18	20	1.09	0.13
DHsGV100	DHsGV100018	-	-	-	-	-	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV100011	-	-	-	-	-	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV100017	-	-	-	-	-	-	-	-	11	14	1.26	0.34
DHsGV100	DHsGV100026	ENSG0000	XM_006721	79798	ARMC5	armadillo re	-	-	GO:000573	6	10	1.60	0.68
DHsGV100	DHsGV100033	ENSG0000	XM_011515	101928433	LOC101928	arabino gala	-	-	-	43	43	1.01	0.01
CHsGV100	CHsGV100036	ENSG0000	-	389177	TMEM212	transmemb	-	-	GO:001602	44	39	0.90	-0.16
DHsGV100	DHsGV100002	ENSG0000	-	101410536	EVX1-AS1	EVX1 antis	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV100008	ENSG0000	NG_008402	3875	KRT18	keratin 18,	GO:000704	GO:000519	GO:000573	55	51	0.94	-0.08
DHsGV100	DHsGV100040	-	-	-	-	-	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV100032	-	XR_108776	1001283									

DHsTV100	DHsTV1000014	-	NG_029922	3119	HLA-DQB1	major histo	GO:000238	GO:003239	GO:000013	4	10	2.34	1.23	
DHsGV100	DHsGV1000171	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	
DHsGV100	DHsGV1000006	ENSG0000	XR_428164	10156	RASA4	RAS p21 p	GO:000016	GO:000509	GO:000582	38	45	1.17	0.23	
H30000713	H300007135	ENSG0000	NM_001033	4610	MYCL	v-myc avia	GO:000635	GO:000367	GO:000563	73	102	1.40	0.48	
DHsGV100	DHsGV1000364	-	NR_038929	100131289	LOC10013	uncharacte	-	-	-	13	22	1.68	0.75	
DHsGV100	DHsGV1000460	ENSG0000	XR_928275	105375614	LOC10537	uncharacte	-	-	-	11	16	1.46	0.55	
DHsGV100	DHsGV1000450	ENSG0000	NM_001013	389151	PRR23B	proline rich	-	-	-	-	-	-	-	
AHsV10000	AHsV10000112	ENSG0000	XM_005264	388960	C2orf78	chromosom	-	-	-	-	-	-	-	
AHsV10000	AHsV10002815	ENSG0000	NM_001080	375316	RBM44	RNA bindin	-	GO:000016	GO:000573	cytoplasm,GO:004517	intercellu	-	-	
CHsGV100	CHsGV1000070	ENSG0000	NM_001190	374887	YJEFN3	YjeF N-ter	-	GO:005285	GO:000573	101	85	0.84	-0.25	
H20000794	H200007942	ENSG0000	NM_002477	4636	MYL5	myosin ligh	GO:000693	GO:000550	GO:000582	26	31	1.21	0.28	
DHsGV100	DHsGV1000503	-	-	-	-	-	-	-	-	20	20	1.02	0.02	
DHsGV100	DHsGV1000219	-	-	-	-	-	-	-	-	-	3	-	-	
DHsGV100	DHsGV1000479	ENSG0000	NR_045573	51477	ISYNA1	inositol-3-	GO:000602	GO:000451	GO:000582	15	19	1.20	0.27	
DHsGV100	DHsGV1000005	-	-	-	-	-	-	-	-	8	10	1.30	0.38	
DHsGV100	DHsGV1000551	ENSG0000	-	106480745	TUBBP11	tubulin, bet	-	-	-	120	96	0.80	-0.32	
DHsGV100	DHsGV1000560	ENSG0000	NM_003750	8661	EIF3A	eukaryotic	GO:000173	GO:000374	GO:000563	19	13	0.68	-0.56	
DHsGV100	DHsGV1000003	-	-	-	-	-	-	-	-	83	71	0.85	-0.23	
DHsGV100	DHsGV1000295	-	-	-	-	-	-	-	-	-	9	-	-	
DHsGV100	DHsGV1000234	ENSG0000	NR_132986	105375650	LOC10537	uncharacte	-	-	-	46	39	0.85	-0.23	
DHsGV100	DHsGV1000184	ENSG0000	NM_001309	100129969	FAM205C	family with	-	-	GO:0016021	integral c	9	-	-	
DHsGV100	DHsGV1000204	-	-	-	-	-	-	-	-	17	23	1.34	0.42	
DHsGV100	DHsGV1000089	-	-	-	-	-	-	-	-	-	3	-	-	
DHsGV100	DHsGV1000161	-	XR_938332	105373085	LOC10537	uncharacte	-	-	-	-	-	-	-	
DHsGV100	DHsGV1000394	ENSG0000	-	100287725	GAPDHP7	glyceraldeh	-	-	-	1447	721	0.50	-1.00	
DHsGV100	DHsGV1000161	-	-	-	-	-	-	-	-	36	30	0.85	-0.24	
DHsGV100	DHsGV1000518	-	-	-	-	-	-	-	-	-	7	-	-	
DHsGV100	DHsGV1000277	ENSG0000	NM_001289	2597	GAPDH	glyceraldeh	GO:000022	GO:000436	GO:000563	117	91	0.77	-0.37	
DHsGV100	DHsGV1000005	-	-	-	-	-	-	-	-	20	26	1.36	0.44	
DHsGV100	DHsGV1000147	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	
DHsGV100	DHsGV1000553	-	NM_001304	55776	SAYS1	SAYS1	-	-	GO:001602	85	59	0.69	-0.54	
DHsGV100	DHsGV1000538	ENSG0000	NM_001282	57504	MTA3	metastasis	GO:000632	GO:000368	GO:000563	7	4	0.58	-0.78	
H30000249	H300002496	ENSG0000	NM_203458	388677	NOTCH2NL	notch 2 N-	GO:000721	GO:000550	GO:000557	363	210	0.58	-0.79	
DHsGV100	DHsGV1000030	ENSG0000	NM_001310	388553	BHMG1	basic helix-	GO:000635	GO:000367	GO:000563	4	12	2.79	1.48	
DHsTV100	DHsTV1000004	-	-	-	-	-	-	-	-	-	188	124	0.66	-0.60
CHsGV100	CHsGV1000046	ENSG0000	NM_178571	353149	TBC1D26	TBC1 dom	GO:004354	GO:000509	-	-	4	-	-	
H20000016	H200000164	ENSG0000	NM_004352	869	CBLN1	cerebellin 1	GO:000715	GO:004280	GO:000557	4	11	2.40	1.26	
DHsGV100	DHsGV1000062	-	-	-	-	-	-	-	-	8	14	1.62	0.70	
DHsGV100	DHsGV1000098	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	
DHsGV100	DHsGV1000104	-	-	-	-	-	-	-	-	-	11	-	-	
DHsGV100	DHsGV1000132	-	-	-	-	-	-	-	-	38	32	0.86	-0.22	
DHsGV100	DHsGV1000201	-	-	-	-	-	-	-	-	4	9	2.16	1.11	
DHsGV100	DHsGV1000455	-	-	-	-	-	-	-	-	56	46	0.82	-0.28	
DHsGV100	DHsGV1000285	-	-	-	-	-	-	-	-	12	15	1.29	0.37	
DHsGV100	DHsGV1000037	ENSG0000	XM_005252	89853	MVB12B	multivesicu	GO:001503	GO:000551	GO:000081	111	96	0.86	-0.21	
AHsV10000	AHsV10002313	ENSG0000	NR_046407	100113403	LIN28B-AS	LIN28B ant	-	-	-	8	13	1.57	0.65	
DHsGV100	DHsGV1000267	-	-	-	-	-	-	-	-	10	12	1.16	0.22	
DHsGV100	DHsGV1000002	-	NG_029844	23254	KAZN	kazrin, peri	GO:003142	GO:000551	GO:0001533	cornified	7	-	-	
DHsGV100	DHsGV1000072	ENSG0000	NM_001078	441518	FAM127C	family with	-	GO:000551	-	34	34	0.99	-0.01	
DHsGV100	DHsGV1000302	-	-	-	-	-	-	-	-	51	48	0.95	-0.08	
DHsGV100	DHsGV1000078	-	NG_011798	1244	ABCC2	ATP bindin	GO:000681	GO:000551	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005887	in	-	-	
DHsGV100	DHsGV1000471	-	-	-	-	-	-	-	-	-	6	-	-	
DHsGV100	DHsGV1000340	ENSG0000	-	-	RP11-196C	-	-	-	-	-	3	-	-	
DHsGV100	DHsGV1000132	-	-	-	-	-	-	-	-	-	3	-	-	
DHsGV100	DHsGV1000514	-	NG_027527	26040	SETBP1	SET bindin	-	GO:000367	GO:0005634	nucleus	-	-	-	
DHsGV100	DHsGV1000075	ENSG0000	XM_011518	53358	SHC3	SHC (Src H	GO:000016	GO:000487	GO:0005575	cellular_component,GO:0005829	cellular	-	-	
DHsGV100	DHsGV1000261	ENSG0000	NG_007664	5727	PTCH1	patched 1	GO:000012	GO:000511	GO:000579	10	16	1.58	0.66	
AHsV10000	AHsV10003398	ENSG0000	NM_181506	100130733	LRRC70	leucine rich	GO:000740	-	GO:0016021	integral c	11	-	-	
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	XM_005254	388135	C15orf59	chromosom	-	-	-	24	20	0.84	-0.25	
CHsGV100	CHsGV1000380	ENSG0000	NM_213606	387700	SLC16A12	solute carr	GO:003587	GO:000530	GO:0005887	integral component of plasma me	-	-	-	
H30000707	H300007077	ENSG0000	NM_001085	348801	LNP1	leukemia N	-	-	-	43	49	1.14	0.19	
CHsGV100	CHsGV1000213	ENSG0000	XM_011524	347741	OTOP3	otopetrin 3	-	GO:004687	GO:0016021	integral c	8	-	-	
H30000055	H300000559	ENSG0000	NM_017533	4622	MYH4	myosin, hea	GO:000693	GO:000014	GO:000585	42	41	0.97	-0.04	
DHsGV100	DHsGV1000336	-	-	-	-	-	-	-	-	-	219	183	0.84	-0.26
DHsGV100	DHsGV1000164	ENSG0000	NM_001348	1613	DAPK3	death-assc	GO:000091	GO:000467	GO:000563	93	70	0.75	-0.42	
DHsGV100	DHsGV1000397	ENSG0000	XM_011516	26873	OPLAH	5-oxoprolin	GO:000675	GO:000552	GO:000582	72	60	0.83	-0.27	
DHsGV100	DHsGV1000201	-	NG_008654	1201	CLN3	ceroid-lipo	GO:000150	GO:000551	GO:000013	26	32	1.25	0.32	
DHsTV100	DHsTV1000001	-	-	-	-	-	-	-	-	22	23	1.04	0.05	
DHsGV100	DHsGV1000517	-	-	-	-	-	-	-	-	-	5	-	-	
DHsGV100	DHsGV1000388	-	-	-	-	-	-	-	-	20	23	1.16	0.21	
DHsGV100	DHsGV1000363	-	-	-	-	-	-	-	-	33	33	1.01	0.01	
AHsV10000	AHsV10003420	ENSG0000	-	100129669	IZUMO3	IZUMO fam	-	GO:004280	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in	-	-	
DHsGV100	DHsGV1000014	-	-	-	-	-	-	-	-	-	4	-	-	
DHsGV100	DHsGV1000216	ENSG0000	NR_036480	100128881	VPS9D1-A	VPS9D1 ar	-	-	-	41	34	0.83	-0.27	
DHsGV100	DHsGV1000415	-	-	-	-	-	-	-	-	-	6	-	-	
DHsGV100	DHsGV1000309	-	-	-	-	-	-	-	-	30	36	1.18	0.23	
DHsGV100	DHsGV1000543	-	-	-	-	-	-	-	-	-	9	-	-	
H30000490	H300004901	ENSG0000	NM_001008	6192	RPS4Y1	ribosomal p	GO:000018	GO:000372	GO:0005634	nucleus,GO	8	-	-	
DHsGV100	DHsGV1000316	ENSG0000	NR_046420	100862728	UPK1A-AS	UPK1A ant	-	-	-	47	46	0.98	-0.03	
DHsGV100	DHsGV1000444	ENSG0000	-	-	RP1-117B	-	-	-	-	-	7	-	-	
DHsGV100	DHsGV1000223	-	NG_030672	-	-	-	-	-	-	23	26	1.11	0.15	
DHsGV100	DHsGV1000107	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	
DHsGV100	DHsGV1000345	ENSG0000	-	100874389	CNOT4P1	CCR4-NOT	-	-	-	28	31	1.10	0.14	
DHsTV100	DHsTV1000014	-	-	-	-	-	-	-	-	15	23	1.58	0.66	
CHsGV100	CHsGV1000300	ENSG0000	NM_019110	387032	ZKSCAN4	zinc finger	GO:000635	GO:000370	GO:000563	64	94	1.47	0.56	
CHsGV100	CHsGV1000199	ENSG0000	NM_198581	376940	ZC3H6	zinc finger	GO:000815	GO:000367	GO:0005575	cellular_cc	6	-	-	
AHsV10000	AHsV10003479	ENSG0000	XM_011517	347240	KIF24	kinesin fam	GO:000699	GO:000377	GO:0005814	centriole,	5	-	-	
DHsGV100	DHsGV1000517	-	-	-	-	-	-	-	-	38	37	0.96	-0.07	
H20002011	H200020110	ENSG0000	NM_033549	90933	TRIM41	tripartite m	GO:001656	GO:000551	GO:000573	31	34	1.10	0.13	

H20000506	H200005069	ENSG0000	NM_001304	55128	TRIM68	tripartite m	GO:001922	GO:000484	GO:000563	104	117	1.12	0.17
H20000742	H200007420	ENSG0000	XM_011544	27121	DKK4	dickkopf W	GO:000727	GO:000367	GO:000557	22	25	1.16	0.21
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_058238	7477	WNT7B	wingless-ty	GO:000170	GO:000510	GO:0005576	extracellular region,GO:0005578			
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011537	11081	KERA	keratocan	GO:000597	GO:000367	GO:0005576	extracellu			
H20000041	H200000416	ENSG0000	NM_000095	1311	COMP	cartilage ol	GO:000150	GO:000202	GO:000557	35	31	0.89	-0.17
H20001670	H200016701	ENSG0000	NM_013356	23539	SLC16A8	solute carr	GO:000609	GO:001512	GO:000588	43	45	1.03	0.05
H20000382	H200003827	ENSG0000	NM_007218	11236	RNF139	ring finger	GO:000020	GO:000202	GO:000578	409	386	0.94	-0.08
H20001192	H200011929	ENSG0000	NM_001270	8792	TNFRSF11	tumor necr	GO:000150	GO:000487	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005887 in			
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_003761	8673	VAMP8	vesicle ass	GO:000689	GO:000014	GO:000573	1157	1074	0.93	-0.11
H20000741	H200007414	ENSG0000	NM_000441	5172	SLC26A4	solute carr	GO:000681	GO:000525	GO:000588	69	67	0.98	-0.03
H30000632	H300006323	ENSG0000	NM_001098	4248	MGAT3	mannosyl (GO:000604	GO:000383	GO:000013	10	12	1.26	0.33
H30000222	H300002226	ENSG0000	NM_001039	977	CD151	CD151 mol	GO:000715	GO:000517	GO:000560	400	253	0.63	-0.66
H20001161	H200011611	ENSG0000	XM_005249	51678	MPP6	membrane	GO:000646	GO:000551	GO:000588	219	166	0.76	-0.40
H20001040	H200010406	ENSG0000	XM_005251	11075	STMN2	stathmin 2	GO:000701	GO:000551	GO:0005737	cytoplasm			
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_181776	153201	SLC36A2	solute carr	GO:000681	GO:000528	GO:0005737	cytoplasm			
H30002087	H300020879	ENSG0000	NM_170780	131450	CD200R1	CD200 rec	GO:001603	GO:000551	GO:0005576	extracellular region,GO:0005886			
H20000874	H200008743	ENSG0000	NM_020897	57657	HCN3	hyperpolari	GO:000726	GO:000524	GO:000588	368	296	0.81	-0.31
H20001632	H200016327	ENSG0000	NM_022055	56660	KCNK12	potassium	GO:003032	GO:000524	GO:000588	4	7	1.69	0.76
H20000008	H200000082	ENSG0000	XM_011530	407	ARR3	arrestin 3,	GO:000193	GO:000204	GO:0001750	photoreceptor outer segment,GC			
H20000062	H200000621	ENSG0000	XR_928319	284	ANGPT1	angiopoietin	GO:000016	GO:000551	GO:000557	607	1061	1.75	0.81
DHsGV100	DHsGV1000224	-	NG_011509	4046	LSP1	lymphocyte	GO:000692	GO:000377	GO:000588	17	20	1.19	0.25
DHsGV100	DHsGV100047	ENSG0000	NM_001013	389816	LRRC26	leucine ric	GO:000681	GO:000551	GO:000573	11	9	0.83	-0.27
DHsGV100	DHsGV1000230	ENSG0000	NM_001304	4586	MUC5AC	mucin 5AC	GO:000649	GO:000520	GO:000561	105	101	0.96	-0.06
DHsGV100	DHsGV1000378	-	-	-	-	-	-	-	-	4	11	2.48	1.31
DHsGV100	DHsGV100025	-	-	-	-	-	-	-	-	6	10	1.86	0.90
H20001389	H200013892	ENSG0000	XM_006719	8085	KMT2D	lysine meth	GO:000155	GO:000367	GO:000563	10	14	1.39	0.47
H20001488	H200014882	ENSG0000	NM_022909	64946	CENPH	centromere	GO:000027	GO:000551	GO:000077	464	615	1.32	0.40
H30000413	H300004131	ENSG0000	NM_002934	6036	RNASE2	ribonucleas	GO:000640	GO:000367	GO:0005576	extracellu			
H20000581	H200005815	ENSG0000	NM_002620	5197	PF4V1	platelet fac	GO:000269	GO:000800	GO:000561	92	85	0.92	-0.12
H30001004	H300010048	ENSG0000	NM_014421	27123	DKK2	dickkopf W	GO:000727	-	GO:000561	20	22	1.13	0.18
H30000684	H300006844	ENSG0000	NM_001286	7178	TPT1	tumor prot	GO:000681	GO:000550	GO:000561	18675	16449	0.88	-0.18
H20000121	H200001219	ENSG0000	NM_006694	10899	JTB	jumping tra	GO:000091	GO:001990	GO:000573	5088	3645	0.72	-0.48
H30000006	H300000061	ENSG0000	NM_006446	10599	SLCO1B1	solute carr	GO:000820	GO:001512	GO:000588	8	13	1.65	0.72
H30001483	H300014838	ENSG0000	NM_001308	7881	KCNAB1	potassium	GO:000681	GO:000403	GO:0005829	cytosol,GO:0005886 plasma mem			
H20001373	H200013735	ENSG0000	NM_003305	7222	TRPC3	transient re	GO:000681	GO:000526	GO:0005829	cytosol,GO:0005886 plasma mem			
H20001393	H200013933	ENSG0000	NM_004139	3929	LBP	lipopolysac	GO:000188	GO:000153	GO:000557	20	20	1.00	0.01
H20000588	H200005888	ENSG0000	NM_001561	3604	TNFRSF9	tumor necr	GO:000691	GO:000487	GO:0005615	extracellu			
H20000808	H200008081	ENSG0000	NR_045560	8409	UXT	ubiquitous	GO:000012	GO:000110	GO:000093	2455	2383	0.97	-0.04
H20000747	H200007478	ENSG0000	XM_006724	8471	IRS4	insulin rece	GO:000716	GO:000487	GO:000582	24	24	1.01	0.01
H20001056	H200010563	ENSG0000	NM_006204	5146	PDE6C	phosphodie	GO:000760	GO:003055	GO:0005886	plasma m			
H20002004	H200020044	ENSG0000	NM_052945	115650	TNFRSF13	tumor necr	GO:000178	-	GO:000588	109	78	0.72	-0.48
H20001618	H200016189	ENSG0000	NM_053003	89858	SIGLEC12	sialic acid b	GO:000715	GO:003024	GO:001602	53	55	1.03	0.05
H20000141	H200001415	ENSG0000	NM_018279	55266	TMEM19	transmemb	-	GO:000551	GO:001602	29	34	1.17	0.22
H30000000	H300000009	ENSG0000	NM_173160	53828	FXYD4	FXYD doma	GO:003422	GO:000526	GO:000588	31	26	0.84	-0.25
H20001966	H200019667	ENSG0000	NR_026827	84856	LINC00839	long interge	-	-	-	9	11	1.25	0.32
H20000091	H200000916	ENSG0000	XM_005249	117	ADCYAP1F	adenylate d	GO:000716	GO:000487	GO:0005768	endosome			
DHsGV100	DHsGV1000163	-	-	-	-	-	-	-	-	23	21	0.93	-0.11
DHsGV100	DHsGV1000387	-	-	-	-	-	-	-	-	4	9	2.24	1.16
DHsGV100	DHsGV1000573	ENSG0000	-	388112	NANOGP8	Nanog hom	GO:000635	GO:004356	GO:0005634	nucleus			
DHsGV100	DHsGV1000161	-	XR_939343	105377486	LOC10537	uncharacte	-	-	-	9	13	1.48	0.57
DHsGV100	DHsGV1000084	-	-	-	-	-	-	-	-	11	16	1.43	0.51
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_003493	8290	HIST3H3	histone clu	GO:000072	GO:000367	GO:000078	10560	6812	0.65	-0.63
H30000575	H300005757	ENSG0000	NM_080869	128488	WFDC12	WAP four-	GO:001095	GO:000486	GO:0005576	extracellular region			
H20000056	H200000569	ENSG0000	NM_000879	3567	IL5	interleukin	GO:000016	GO:000512	GO:000557	26	23	0.89	-0.17
H20000003	H200000030	ENSG0000	NM_001528	3083	HGFAC	HGF activa	GO:000650	GO:000425	GO:000557	77	55	0.71	-0.49
H20000774	H200007748	ENSG0000	NM_002302	3950	LECT2	leukocyte d	GO:000150	GO:004280	GO:000561	13	19	1.45	0.54
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XR_921732	1118	CHIT1	chitinase 1	GO:000027	GO:000456	GO:000557	12	17	1.35	0.43
H30000655	H300006556	ENSG0000	XM_006719	10154	PLXNC1	plexin C1	GO:000715	GO:000510	GO:0002116	semaphor			
H20000487	H200004874	ENSG0000	XM_011524	9955	HS3ST3A1	heparan su	GO:000597	GO:000814	GO:000013	53	38	0.71	-0.50
H20000239	H200002393	ENSG0000	NR_045530	6646	SOAT1	sterol O-ad	GO:000820	GO:000006	GO:000578	315	241	0.76	-0.39
H30000715	H300007155	ENSG0000	XM_011523	6553	SLC9A5	solute carr	GO:000681	GO:001538	GO:000588	27	23	0.87	-0.21
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NR_047578	2890	GRIA1	glutamate r	GO:000688	GO:000497	GO:000013	31	29	0.93	-0.11
H20001214	H200012141	ENSG0000	XM_011536	2530	FUT8	fucosyltran	GO:000170	GO:000842	GO:000013	49	76	1.55	0.63
H20001415	H200014150	ENSG0000	NM_003936	8941	CDK5R2	cyclin-depe	GO:000007	GO:000828	GO:000573	34	30	0.87	-0.20
H30002014	H300020149	ENSG0000	XM_011522	1012	CDH13	cadherin 13	GO:000027	GO:000550	GO:000561	55	42	0.77	-0.38
H30000876	H300008764	ENSG0000	NM_182632	348932	SLC6A18	solute carr	GO:000333	GO:000532	GO:000588	8	14	1.75	0.81
H20000228	H200002283	ENSG0000	XM_005249	83930	STARD3NL	STARD3 N-	-	-	GO:000576	421	328	0.78	-0.36
H30002170	H300021700	-	NM_005155	9374	PPT2	palmitoyl-p	GO:001943	GO:000847	GO:000576	434	250	0.58	-0.80
H20001740	H200017402	ENSG0000	NM_016161	51146	A4GNT	alpha-1,4-	GO:000597	GO:000837	GO:000013	1262	1070	0.85	-0.24
H30000328	H300003286	ENSG0000	NM_013339	29929	ALG6	ALG6, alph	GO:000648	GO:004228	GO:000578	457	400	0.87	-0.19
H30000627	H300006273	ENSG0000	NR_026575	2713	GK3P	glycerol kin	-	-	-	173	217	1.26	0.33
H30002089	H300020892	ENSG0000	NM_001320	23350	U2SURP	U2 snRNP	GO:000639	GO:000016	GO:000563	454	490	1.08	0.11
DHsGV100	DHsGV1000200	ENSG0000	XR_954446	105379695	LOC10537	uncharacte	-	-	-	8	15	1.76	0.82
DHsGV100	DHsGV1000193	-	-	-	-	-	-	-	-	7	11	1.58	0.66
DHsGV100	DHsGV1000106	ENSG0000	NM_005814	10223	GPA33	glycoprotei	GO:001633	GO:000487	GO:0005887	integral c			
DHsGV100	DHsGV1000247	-	XR_928223	105375585	LOC10537	uncharacte	-	-	-	30	31	1.03	0.04
DHsGV100	DHsGV1000468	-	-	-	-	-	-	-	-	41	36	0.88	-0.19
H20001249	H200012496	ENSG0000	NM_030931	81623	DEFB126	defensin be	GO:004274	-	GO:0005576	extracellular region,GO:0009986			
H30000986	H300009869	ENSG0000	NM_017549	54749	EPDR1	ependymin	GO:000716	GO:000550	GO:0005764	lysosome,			
H30000695	H300006956	ENSG0000	XM_011534	1668	DEFA3	defensin al	GO:000222	GO:000367	GO:0005576	extracellular region,GO:0005615			
H30000012	H300000123	ENSG0000	XR_243204	145864	HAPLN3	hyaluronan	GO:000150	GO:000554	GO:000557	414	352	0.85	-0.24
H20000954	H200009549	ENSG0000	NR_073051	162989	DEDD2	death effec	GO:000635	GO:000367	GO:000565	211	156	0.74	-0.43
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_052854	90993	CREB3L1	cAMP resp	GO:000164	GO:000107	GO:000563	68	57	0.84	-0.26
H30001962	H300019629	ENSG0000	XM_005254	9399	STOML1	stomatin lik	GO:000815	GO:000367	GO:000557	139	107	0.77	-0.38
H20001539	H200015393	ENSG0000	NM_004736	9213	XPR1	xenotropic	GO:000178	GO:000161	GO:000579	776	710	0.91	-0.13
H20000867	H200008675	ENSG0000	NM_001145	6510	SLC1A5	solute carr	GO:000681	GO:000161					

H30001011	H300010112	ENSG0000	XM_011525	8787	RGS9	regulator of	GO:000721	GO:000487	GO:000175	5	9	1.73	0.79	
H30000934	H300009348	ENSG0000	XM_011543	285601	GPRI150	G protein-c	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma m	6			
H30000669	H300006690	ENSG0000	XM_006714	206358	SLC36A1	solute carr	GO:000681	GO:000528	GO:000576	29	22	0.78	-0.35	
H30001374	H300013744	ENSG0000	NR_125358	79368	FCRL2	Fc recepto	GO:000726	GO:000507	GO:0005886	plasma m	9			
H30000236	H300002367	ENSG0000	NR_024539	64208	POPCD3	popeye dor	GO:000815	GO:000367	GO:001602	5	11	2.36	1.24	
H20001583	H200015832	ENSG0000	NM_014441	27180	SIGLEC9	sialic acid b	GO:000715	GO:003024	GO:0005886	plasma m	7			
H20001724	H200017249	ENSG0000	XM_011522	25823	TPSG1	trypsin ga	GO:000650	GO:000425	GO:000588	127	108	0.85	-0.23	
H30002142	H300021423	ENSG0000	NM_014945	22885	ABLIM3	actin bindir	GO:000635	GO:000377	GO:0001725	stress fib	12			
DHsGV100	DHsGV1000319	-	-	-	-	-	-	-	-	5	10	1.83	0.87	
DHsGV100	DHsGV1000360	-	-	-	-	-	-	-	-	16	21	1.30	0.37	
DHsGV100	DHsGV1000131	-	-	-	-	-	-	-	-	211	173	0.82	-0.28	
DHsGV100	DHsGV1000566	-	-	-	-	-	-	-	-	326	312	0.96	-0.06	
DHsGV100	DHsGV1000272	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000119	-	NG_012153	-	-	-	-	-	-	95	79	0.83	-0.26	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_024074	79041	TMEM38A	transmemb	GO:007180	GO:000526	GO:001602	14	15	1.10	0.14	
H30001984	H300019846	ENSG0000	XM_011520	56981	PRDM11	PR domain	GO:000635	GO:000816	GO:0005634	nucleus,GO:0005737	cytoplasm			
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_021241	58525	WIZ	widely inter	GO:001057	GO:000551	GO:000563	92	101	1.10	0.14	
H20001343	H200013435	ENSG0000	NM_001282	81794	ADAMTS10	ADAM met	GO:000650	GO:000367	GO:000152	57	48	0.84	-0.26	
H20001316	H200013167	ENSG0000	XM_006722	90799	CEP95	centrosome	-	GO:000551	GO:000092	357	308	0.86	-0.21	
H20000381	H200003818	ENSG0000	XM_006716	113220	KIF12	kinesin fam	GO:000701	GO:000367	GO:000573	6	7	1.21	0.28	
H20001065	H200010659	ENSG0000	NM_025250	80727	TTYH3	tweety fam	GO:000682	GO:000522	GO:000588	70	73	1.06	0.08	
H20000892	H200008924	ENSG0000	NM_020903	57663	USP29	ubiquitin sp	GO:000651	GO:000823	GO:000575	cellular_component				
H20001009	H200010092	ENSG0000	NM_001289	7770	ZNF227	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	66	76	1.15	0.20	
H20000773	H200007738	ENSG0000	NM_001080	56927	GPRI108	G protein-c	-	-	GO:001602	246	252	1.02	0.03	
H20001348	H200013486	ENSG0000	NM_001318	27232	GNMT	glycine N-r	GO:000188	GO:000551	GO:000573	20	20	1.00	0.00	
H20000709	H200007094	ENSG0000	NM_002522	4884	NPTX1	neuronal pe	GO:000681	GO:004687	GO:003013	31	32	1.01	0.02	
H20001188	H200011881	ENSG0000	NM_002365	4114	MAGEB3	MAGE fami	-	-	-	17	20	1.17	0.22	
H20001092	H200010929	ENSG0000	XM_011517	158297	SAXO1	stabilizer of	GO:000963	GO:000551	GO:000581	21	20	0.93	-0.11	
H20001554	H200015542	-	NR_103995	57109	REXO4	REX4 hom	GO:000635	GO:000370	GO:000563	283	201	0.71	-0.49	
H20000097	H200000979	ENSG0000	XM_011544	91782	CHMP7	charged mu	GO:000092	GO:000856	GO:000081	442	477	1.08	0.11	
H20001314	H200013147	ENSG0000	NM_024769	79827	CLMP	CXADR-lik	GO:004856	-	GO:000588	19	21	1.08	0.11	
H20000398	H200003988	ENSG0000	XR_926944	64224	HERPUD2	HERPUD fa	GO:000698	-	GO:001602	148	126	0.85	-0.24	
H20000536	H200005362	ENSG0000	NM_001282	54587	MXRA8	matrix-rem	GO:006085	GO:000367	GO:000998	88	49	0.56	-0.83	
H30002071	H300020716	ENSG0000	NM_016243	51706	CYB5R1	cytochrome	GO:000815	GO:000367	GO:000573	416	304	0.73	-0.45	
H20001747	H200017471	ENSG0000	NM_001204	100533105	C8orf44-S	C8orf44-S	GO:000155	GO:000467	GO:000576	165	225	1.37	0.45	
H20001780	H200017806	ENSG0000	XM_011518	23424	TDRD7	tudor doma	GO:000208	GO:000372	GO:000573	134	172	1.29	0.36	
H20001575	H200015755	ENSG0000	NM_004673	9068	ANGPTL1	angiopoietin	GO:000716	GO:000510	GO:000561	26	28	1.06	0.08	
H20001722	H200017225	-	XM_011520	8525	DGKZ	diacylglyce	GO:000720	GO:000172	GO:000563	533	506	0.95	-0.08	
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_002233	3739	KCNA4	potassium	GO:000681	GO:000524	GO:000588	23	21	0.90	-0.15	
H20000446	H200004468	ENSG0000	NM_000885	3676	ITGA4	integrin sub	GO:000197	GO:000196	GO:0005886	plasma m	10			
H30001849	H300018494	ENSG0000	XM_011536	26153	KIF26A	kinesin fam	GO:000156	GO:000377	GO:0005829	cytosol,GO:0005871	kinesin com			
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_011516	57157	PHTF2	putative ho	GO:000635	GO:000367	GO:000563	165	139	0.85	-0.24	
H20001818	H200018180	ENSG0000	NR_024335	148231	LINC00905	long interge	-	-	-	10	12	1.23	0.30	
H20001263	H200012630	ENSG0000	XM_011522	124404	42625	septin 12	GO:000704	GO:000551	GO:000172	11	11	1.07	0.10	
H20001505	H200015054	ENSG0000	XM_011537	319089	TTC6	tetratricope	-	-	-	-	-	-	-	-
H20000865	H200008657	ENSG0000	NM_015630	26122	EPC2	enhancer o	GO:000628	-	GO:003277	142	154	1.09	0.12	
H20001876	H200018766	ENSG0000	NM_033277	90070	LACRT	lacritin	GO:000828	GO:000194	GO:0005576	extracellu	6			
H20000891	H200008918	ENSG0000	NM_021619	59335	PRDM12	PR domain	GO:000635	GO:000367	GO:000563	27	25	0.92	-0.12	
H20001917	H200019176	ENSG0000	NM_032377	84337	ELOF1	elongation	GO:000635	GO:004687	GO:000563	1101	643	0.58	-0.78	
H20001487	H200014878	ENSG0000	NM_021035	57169	ZNF1	zinc finger	-	GO:004482	-	116	106	0.92	-0.13	
H20001802	H200018020	ENSG0000	XM_011538	64375	IKZF4	IKAROS fa	GO:000635	GO:000370	GO:000563	123	118	0.96	-0.07	
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_005897	3652	IPP	intracistern	GO:001656	GO:000377	GO:000573	213	200	0.94	-0.09	
H20000603	H200006030	ENSG0000	NM_006708	2739	GLO1	glyoxalase	GO:000597	GO:000446	GO:000573	5684	3408	0.60	-0.74	
H20001311	H200013116	ENSG0000	NM_020226	56978	PRDM8	PR domain	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus				
H30002198	H300021983	ENSG0000	XM_005253	51433	ANAPC5	anaphase p	GO:000027	GO:001990	GO:000563	925	714	0.77	-0.37	
H20000880	H200008801	ENSG0000	NR_001281	54660	PCDHB18F	protocadhe	GO:000715	GO:000550	GO:0005886	plasma m	3			
H30001892	H300018922	ENSG0000	NM_001282	57823	SLAMF7	SLAM fami	GO:000225	-	GO:000588	79	61	0.77	-0.37	
H20000725	H200007259	ENSG0000	XM_011541	57554	LRRC7	leucine ric	GO:001097	GO:000551	GO:000573	16	16	1.01	0.02	
H20001696	H200016968	ENSG0000	NM_001282	51440	HPCAL4	hippocalcin	GO:000716	GO:000524	GO:000562	9	13	1.46	0.55	
H20001163	H200011632	ENSG0000	NM_181528	51126	NAA20	N(alpha)-ad	GO:001719	GO:000459	GO:000562	1492	923	0.62	-0.69	
H20000640	H200006403	ENSG0000	NM_014607	23190	UBXN4	UBX domai	GO:000698	GO:000551	GO:000563	722	808	1.12	0.16	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_006719	11228	RASSF8	Ras associ	GO:000716	-	-	29	27	0.94	-0.09	
H30002174	H300021746	ENSG0000	NM_181891	7323	UBE2D3	ubiquitin cd	GO:000012	GO:000484	GO:000565	3136	2387	0.76	-0.39	
H20000780	H200007807	ENSG0000	NM_001135	7042	TGFB2	transformir	GO:000090	GO:000154	GO:000557	12	16	1.30	0.38	
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_178525	284382	ACTL9	actin like 9	-	-	GO:000573	11	14	1.28	0.36	
H20001536	H200015365	ENSG0000	NM_032559	84643	KIF2B	kinesin fam	GO:000027	GO:000377	GO:0000777	condense	10			
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	NM_001286	23201	FAM168A	family with	-	GO:000551	-	4	10	2.53	1.34	
H20000473	H200004731	ENSG0000	XM_006718	3619	INCENP	inner centr	GO:000027	GO:000551	GO:000077	87	87	0.99	-0.01	
H20001248	H200012488	ENSG0000	NR_037695	100286922	LOC10028	DnaJ heat	-	-	-	5	10	1.81	0.86	
H20000498	H200004983	ENSG0000	XR_931299	51067	YARS2	tyrosyl-trN	GO:000641	GO:000004	GO:000573	1287	900	0.70	-0.52	
H20001304	H200013043	ENSG0000	NM_018365	55329	MNS1	meiosis spe	GO:000728	GO:004280	GO:000563	91	93	1.03	0.04	
H20001249	H200012499	ENSG0000	XM_011545	747	DAGLA	diacylglyce	GO:000740	GO:001678	GO:0005886	plasma m	5			
H20001375	H200013752	ENSG0000	NM_024787	79845	RNF122	ring finger	GO:000020	GO:000827	GO:0005783	endoplasmic reticulum,GO:00057				
H20000447	H200004476	ENSG0000	XM_011521	54617	INO80	INO80 com	GO:000007	GO:000367	GO:000563	224	200	0.89	-0.17	
H20000583	H200005836	ENSG0000	NM_021955	2792	GNGT1	guanine nu	GO:000716	GO:000392	GO:000191	5	12	2.55	1.35	
H20000381	H200003817	ENSG0000	XM_011516	57670	KIAA1549	-	-	-	GO:0016021	integral c	7			
H20000258	H200002588	ENSG0000	XM_005272	27246	RNF115	ring finger	GO:000020	GO:000484	GO:000582	376	342	0.91	-0.14	
H20001100	H200011001	-	NM_001972	1991	ELANE	elastase, n	GO:000012	GO:000110	GO:000557	13	18	1.32	0.41	
H20000847	H200008478	ENSG0000	NM_001871	1360	CPB1	carboxypep	GO:000650	GO:000418	GO:000561	48	39	0.80	-0.32	
H20000943	H200009432	ENSG0000	XM_011537	80224	NUBPL	nucleotide	GO:002290	GO:000552	GO:000573	251	168	0.67	-0.58	
H20001269	H200012698	ENSG0000	NM_020961	57721	METTL14	methyltran	GO:000039	GO:000372	GO:000563	374	337	0.90	-0.15	
H20000210	H200002104	ENSG0000	NM_032806	84892	POMGNT2	protein O-I	GO:000176	GO:000551	GO:000578	955	719	0.75	-0.41	
H20000259	H200002595	ENSG0000	XM_005256	56953	NT5M	5',3'-nucle	GO:000620	GO:000016	GO:000573	209	196	0.94	-0.09	
H30001661	H300016613	ENSG0000	NM_019106	55964	42616	septin 3	GO:000704	GO:000367	GO:000573	7</				

H30001234	H300012348	ENSG0000	NM_006909	5924	RASGRF2	Ras proteir	GO:000016	GO:000508	GO:000578	5	13	2.58	1.37
H20001479	H200014791	ENSG0000	NM_005355	3834	KIF25	kinesin fam	GO:000007	GO:000377	GO:000573	7	13	1.98	0.98
H20001442	H200014420	ENSG0000	XM_005267	283578	TMED8	transmemb	GO:000681	-	GO:001602	23	25	1.12	0.17
H30001845	H300018450	ENSG0000	XM_005256	79142	PHF23	PHD finger	GO:000691	GO:000551	GO:000563	160	146	0.91	-0.13
H20000209	H200002092	ENSG0000	NM_178496	151963	MB21D2	Mab-21 do	-	GO:003240	-	-	7	-	-
H30000713	H300007132	ENSG0000	NM_001017	150223	YDJC	YdjC homo	GO:000597	GO:000028	-	2163	1291	0.60	-0.74
H20001090	H200010909	ENSG0000	NR_038364	91893	FDXACB1	ferredoxin	GO:000643	GO:000004	GO:000573	64	63	0.98	-0.03
H20001091	H200010916	ENSG0000	NM_031950	83888	FGFBP2	fibroblast g	-	GO:001983	GO:000561	9	14	1.60	0.68
H20001380	H200013801	ENSG0000	NM_032367	84327	ZBED3	zinc finger	GO:000193	GO:000367	GO:0005829	cytosol,G	5	-	-
H20000559	H200005597	ENSG0000	XM_011525	85451	UNK	unkempt fa	GO:000176	GO:000827	GO:000573	21	23	1.09	0.12
H20000262	H200002628	ENSG0000	NM_002927	6003	RGS13	regulator o	GO:000718	GO:000509	GO:0005634	nucleus,G	3	-	-
H20000175	H200001757	ENSG0000	NM_001113	154796	AMOT	angiominin	GO:000157	GO:000487	GO:000172	33	38	1.14	0.19
H20000449	H200004496	ENSG0000	NM_013319	29914	UBIAD1	UbiA preny	GO:000674	GO:000465	GO:000563	172	115	0.67	-0.57
H20001586	H200015865	ENSG0000	NR_037606	63931	MRPS14	mitochondr	GO:000641	GO:000373	GO:000573	1702	1297	0.76	-0.39
H20000784	H200007840	ENSG0000	NM_004043	438	ASMT	acetylserot	GO:000641	GO:000817	GO:000582	23	21	0.93	-0.11
H30001233	H300012331	ENSG0000	NM_152616	287015	TRIM42	tripartite m	-	GO:000551	GO:000562	30	32	1.04	0.06
H20002057	H200020570	ENSG0000	XM_011542	143686	SESN3	sestrin 3	GO:003286	-	GO:0005634	nucleus	10	-	-
H20000227	H200002272	ENSG0000	NM_152495	149111	CNIH3	cornichon	GO:000688	GO:001624	GO:000013	11	16	1.46	0.55
H20000234	H200002346	ENSG0000	NM_032414	84432	PROK1	prokineticir	GO:000018	GO:000166	GO:0005576	extracellular region	-	-	-
H20000275	H200002754	ENSG0000	NM_001318	55728	N4BP2	NEDD4 bin	GO:001631	GO:000451	GO:000573	69	104	1.52	0.60
H20000337	H200003370	ENSG0000	XR_941613	55213	RCBTB1	RCC1 and	GO:000635	-	GO:000563	270	240	0.89	-0.17
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_012133	26958	COPG2	coatomer p	GO:000688	GO:000519	GO:000013	173	209	1.21	0.27
H30001935	H300019355	ENSG0000	NM_001308	26191	PTPN22	protein tyr	GO:000647	GO:000472	GO:000563	15	32	2.19	1.13
opHsV0400	opHsV0400008	ENSG0000	NM_001136	9802	DAZAP2	DAZ assoc	-	GO:000551	GO:000563	617	550	0.89	-0.17
H30001817	H300018177	ENSG0000	NM_001142	9392	TFGBRAP	transformin	GO:000635	GO:000516	GO:000576	59	59	1.00	0.00
H30000218	H300002180	ENSG0000	XM_005269	5571	PRKAG1	protein kin	GO:000611	GO:000467	GO:000563	638	836	1.31	0.39
H20001479	H200014799	ENSG0000	NM_001317	5210	PFKFB4	6-phospho	GO:000597	GO:000387	GO:000582	144	123	0.85	-0.23
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_011542	114609	TIRAP	toll-interle	GO:000222	GO:000508	GO:000565	48	43	0.91	-0.13
H30001923	H300019232	ENSG0000	NM_001318	63916	ELMO2	engulfment	GO:000691	GO:000551	GO:000573	61	95	1.55	0.63
H30000543	H300005432	ENSG0000	NM_001001	408263	FNDC9	fibronectin	-	-	GO:001602	24	23	0.97	-0.05
H30000854	H300008545	ENSG0000	-	-	AC093106	-	-	-	-	4039	3111	0.77	-0.38
H30001530	H300015302	ENSG0000	NM_152692	29071	C1GALT1C	C1GALT1	GO:000649	GO:000465	GO:000013	77	75	0.97	-0.04
H30000850	H300008508	ENSG0000	-	10934	MORF4	mortality fa	-	-	-	1165	1191	1.02	0.03
H30000810	H300008109	ENSG0000	NM_145278	148823	GCSAML	germinal ce	GO:005085	-	-	-	-	-	-
H30000219	H300002197	ENSG0000	-	-	RP11-288C	-	-	-	-	629	1176	1.87	0.90
H30000889	H300008894	ENSG0000	XR_947817	257160	RNF214	ring finger	-	GO:000827	-	40	55	1.36	0.44
H30000511	H300005116	ENSG0000	XM_011516	375607	NAT16	N-acetyltra	GO:000647	GO:000459	GO:0031417	NatC com	7	-	-
H30000984	H300009847	ENSG0000	NM_019644	56311	ANKRD7	ankyrin rep	GO:000858	-	-	-	-	-	-
H30001875	H300018750	ENSG0000	NM_002975	6320	CLEC11A	C-type lec	GO:000828	GO:000808	GO:000557	75	78	1.04	0.06
H30001707	H300017074	ENSG0000	NM_181054	3091	HIF1A	hypoxia ind	GO:000012	GO:000098	GO:000563	245	175	0.71	-0.49
H30000808	H300008087	ENSG0000	NM_001242	9701	PPP6R2	protein pho	-	GO:000551	GO:000573	153	120	0.78	-0.36
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XR_946733	5909	RAP1GAP	RAP1 GTP	GO:000716	GO:000392	GO:000013	21	21	1.01	0.01
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NR_034104	79015	LINC01260	long interge	-	-	-	-	-	-	-
H30000674	H300006748	ENSG0000	NM_001080	729330	OC90	otoconin 90	GO:000664	GO:000367	GO:0005575	cellular cc	8	-	-
H30000282	H300002829	ENSG0000	XM_005269	92797	HELB	helicase (D	GO:000626	GO:000400	GO:0005658	alpha DNA	11	-	-
H30000409	H300004094	ENSG0000	-	729608	RPF2P1	ribosome p	-	-	-	920	815	0.89	-0.18
H30000680	H300006803	ENSG0000	XM_005253	9479	MAPK8IP1	mitogen-ac	GO:000635	GO:000486	GO:0005634	nucleus,GO:0005737	cytoplasm,C	-	-
H30000589	H300005892	ENSG0000	XM_011542	399979	SNX19	sorting nex	GO:000206	GO:000551	GO:000573	85	107	1.26	0.33
H30001744	H300017448	ENSG0000	NR_047677	6897	TARS	threonyl-th	GO:000641	GO:000482	GO:000573	1920	2082	1.08	0.12
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NR_104473	56940	DUSP22	dual specif	GO:000012	GO:000472	GO:000563	133	131	0.98	-0.02
H20001978	H200019785	ENSG0000	NM_001001	6166	RPL36AL	ribosomal p	GO:000641	GO:000373	GO:002262	2754	1988	0.72	-0.47
H20001567	H200015675	-	NM_178829	135927	C7orf34	chromosom	-	-	GO:000557	18	16	0.87	-0.20
H20000080	H200000804	ENSG0000	NM_024520	79568	C2orf47	chromosom	-	-	GO:000573	291	216	0.74	-0.43
H20001519	H200015194	ENSG0000	NM_152376	127733	UBXN10	UBX domai	-	-	-	178	146	0.82	-0.28
H20000532	H200005325	ENSG0000	NR_073482	115509	ZNF689	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	171	139	0.82	-0.29
H30000300	H300003008	-	NM_001005	219417	OR8U1	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in	-	-
H30000919	H300009194	ENSG0000	NM_173567	253152	EPHX4	epoxide hy	GO:000815	GO:001678	GO:001602	4	9	2.09	1.06
H30000060	H300000602	ENSG0000	XM_011539	143241	DYDC1	DPY30 dom	GO:000634	GO:000551	GO:0000781	chromosome, telomeric region,GO	-	-	-
H30000621	H300006212	ENSG0000	XM_011545	79905	TMC7	transmemb	GO:000681	-	GO:001602	62	48	0.77	-0.38
H30000497	H300004977	ENSG0000	XM_005253	79867	TCTN2	tectonic fa	GO:000699	-	GO:000573	36	38	1.06	0.08
H30002124	H300021249	ENSG0000	NM_152551	154007	SNRNP48	small nucle	GO:000039	GO:004687	GO:000565	97	112	1.15	0.21
H30000399	H300003996	ENSG0000	NM_194272	348093	RBPMS2	RNA bindin	-	GO:000016	-	44	37	0.83	-0.28
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_005253	7465	WEE1 G2 c	chromosom	GO:000008	GO:000028	GO:000563	332	390	1.17	0.23
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_018111	55150	C19orf73	chromosom	-	GO:000551	-	72	60	0.83	-0.27
H30001669	H300016697	ENSG0000	XM_011517	79792	GSDMD	gasdermin	GO:003166	GO:000551	GO:0005654	nucleopla	5	-	-
H30001973	H300019732	ENSG0000	NR_028062	5616	PRKY	protein kin	GO:000646	GO:000467	-	62	49	0.79	-0.33
H30001009	H300010090	ENSG0000	NM_005108	9942	XYLB	xylulokinas	GO:000597	GO:000485	GO:000573	77	46	0.60	-0.73
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001035	7353	UFD1L	ubiquitin fu	GO:000150	GO:000484	GO:000563	6925	5370	0.78	-0.37
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_006367	10487	CAP1	CAP, aden	GO:000166	GO:000377	GO:000588	3300	3166	0.96	-0.06
H30001925	H300019259	ENSG0000	XM_005272	10585	POMT1	protein O-	GO:000003	GO:000003	GO:000166	130	99	0.76	-0.40
H30001694	H300016946	ENSG0000	NR_026714	728882	FAM182B	family with	-	-	-	42	35	0.85	-0.24
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_003537	8358	HIST1H3B	histone clu	GO:000018	GO:000367	GO:000022	133	73	0.55	-0.86
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_017727	54867	TMEM214	transmemb	GO:000691	-	GO:000573	81	80	0.99	-0.01
H30001897	H300018976	ENSG0000	NR_104233	60526	LDHA	lipid drople	GO:001604	GO:001629	GO:000578	244	222	0.91	-0.14
H30000024	H300000240	-	XM_011514	5089	PBX2	pre-B-cell	GO:000635	GO:000368	GO:000563	709	622	0.88	-0.19
H30001884	H300018849	ENSG0000	XM_006718	1108	CHD4	chromodom	GO:000012	GO:000097	GO:000079	1405	1252	0.89	-0.17
H20000017	H200000177	ENSG0000	NM_001926	1671	DEFA6	defensin al	GO:001973	GO:000551	GO:0005576	extracellular region,GO:0005615	-	-	-
H20000456	H200004564	ENSG0000	NM_145049	134510	UBLCP1	ubiquitin lik	GO:000647	GO:000472	GO:000563	482	465	0.96	-0.05
H20001969	H200019692	ENSG0000	XM_011545	84447	SYVN1	synoviolin	GO:000645	GO:000551	GO:000083	58	51	0.87	-0.20
H20000640	H200006405	ENSG0000	XM_011525	5635	PRPSAP1	phosphorib	GO:000613	GO:000028	GO:000218	515	648	1.26	0.33
H20000574	H200005740	ENSG0000	NM_145267	135154	SDHAF4	succinate d	GO:004508	-	GO:000575	111	174	1.56	0.64
H30000338	H300003383	ENSG0000	NM_013938	26532	OR10H3	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma m	3	-	-
H30002122	H300021228	ENSG0000	NM_001172	151827	LRR34	leucine ric	GO:000815	GO:000367	GO:0005575	cellular_component	-	-	-
H30000776	H300007762	ENSG0000	XM_011537	121340									

H30000008	H300000089	ENSG0000	XM_006721	400506	KNOP1	lysine-rich	-	GO:004482	GO:000573	400	278	0.69	-0.53
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	-	84560	MT4	metallothio	GO:000687	GO:004687	GO:0005623	cell			
opHsV0400	opHsV0400009	ENSG0000	NM_002567	5037	PEBP1	phosphatid	GO:000016	GO:000486	GO:000563	3903	2596	0.67	-0.59
H30001856	H300018562	ENSG0000	NM_001101	8310	ACOX3	acyl-CoA d	GO:003353	GO:000006	GO:000573	18	29	1.62	0.70
H30001147	H300011473	ENSG0000	NM_017814	54929	TMEM161A	transmemb	GO:003252	-	GO:001602	432	316	0.73	-0.45
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_016199	51690	LSM7	LSM7 hom	GO:000028	GO:000372	GO:000565	4036	3671	0.91	-0.14
H30000117	H300001178	ENSG0000	-	59347	TPT1P8	tumor prot	GO:000691	-	-				
H30000631	H300006316	ENSG0000	NM_178456	128602	C20orf85	chromosom	-	-	-				
H30000411	H300004111	ENSG0000	NM_080615	140687	GCNT7	glucosamin	GO:000648	GO:000837	GO:0000139	Golgi men	4		
H30001895	H300018953	ENSG0000	NM_014875	9928	KIF14	kinesin fam	GO:000155	GO:000377	GO:000563	244	282	1.15	0.21
H30001971	H300019714	ENSG0000	NM_001303	8503	PIK3R3	phosphoino	GO:000664	GO:000551	GO:000582	33	47	1.43	0.51
H30002003	H300020035	ENSG0000	XR_949777	1119	CHK1	choline kin	GO:000658	GO:000410	GO:000582	224	188	0.84	-0.25
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NR_024170	8649	LAMTOR3	late endoso	GO:000016	GO:000508	GO:000576	1302	934	0.72	-0.48
H20000577	H200005771	ENSG0000	NM_001317	22824	HSPA4L	heat shock	GO:000645	GO:000552	GO:000563	534	433	0.81	-0.30
H20001762	H200017620	ENSG0000	NM_001308	84343	HPS3	HPS3, biog	GO:000699	-	GO:003108	77	147	1.93	0.94
H20001226	H200012266	ENSG0000	XM_011518	138162	C9orf116	chromosom	-	GO:000551	-	86	48	0.55	-0.85
H20000512	H200005120	ENSG0000	NM_144697	148523	CIART	circadian a	GO:000635	GO:000104	GO:000563	13	15	1.20	0.27
H20000605	H200006052	ENSG0000	NM_001334	1519	CTSO	cathepsin C	GO:000650	GO:000419	GO:0005615	extracellu			
H30000704	H300007042	ENSG0000	NM_012363	138883	OR1N1	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:0005886	plasma m	6		
H30000581	H300005810	ENSG0000	NM_181537	342574	KRT27	keratin 27,	GO:000815	GO:000367	GO:0005737	cytoplasm,	GO:0005882	intermedi	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011516	81844	TRIM56	tripartite m	GO:003247	GO:000484	GO:000573	53	75	1.42	0.51
H30000450	H300004509	ENSG0000	NM_001004	122740	OR4K14	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:0005886	plasma mem	GO:0016021	in	
H30001160	H300011602	ENSG0000	XM_006721	7775	ZNF232	zinc finger	GO:000635	GO:000370	GO:000563	43	35	0.82	-0.29
H30000244	H300002445	ENSG0000	NM_173633	284339	TMEM145	transmemb	GO:000718	-	GO:001602	506	285	0.56	-0.83
H30000810	H300008100	-	XM_011539	387707	CC2D2B	coiled-coil	-	-	-		3		
H30002101	H300021010	ENSG0000	NM_032772	84858	ZNF503	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	9	15	1.56	0.64
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_013271	27344	PCSK1N	proprotein	GO:000202	GO:000486	GO:000561	690	544	0.79	-0.34
H30000499	H300004993	ENSG0000	NM_080826	140862	ISM1	isthmin 1, a	-	-	GO:0005576	extracellu	4		
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_014347	25799	ZNF324	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	32	43	1.31	0.39
H30000910	H300009107	ENSG0000	NM_153605	131544	CRYBG3	crystallin b	-	GO:003024	-	6	18	2.78	1.47
H30001650	H300016501	ENSG0000	NR_046371	1356	CP	ceruloplas	GO:000188	GO:000432	GO:0005576	extracellular	GO:0005615		
H30000751	H300007510	ENSG0000	XM_011540	58504	ARHGAP22	Rho GTPas	GO:000152	GO:000509	GO:000563	73	70	0.96	-0.07
H30000863	H300008632	ENSG0000	NM_001190	54487	DGCR8	DGCR8 mid	GO:001046	GO:000372	GO:000563	189	201	1.06	0.08
H30001904	H300019045	ENSG0000	NM_006406	10549	PRDX4	peroxiredo	GO:000725	GO:000551	GO:000561	2696	2031	0.75	-0.41
H30000508	H300005082	ENSG0000	NM_001256	127495	LRRC39	leucine rich	-	-	-	14	26	1.90	0.93
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_021936	60676	PAPPA2	pappalysin	GO:000155	GO:000823	GO:000557	15	18	1.19	0.25
H30002029	H300020295	ENSG0000	NM_015595	26084	ARHGEF26	Rho guanin	GO:000188	GO:000508	GO:000172	4	12	3.13	1.65
H30001047	H300010472	ENSG0000	XM_005257	3216	HOXB6	homeobox	GO:000635	GO:000370	GO:000563	103	114	1.11	0.15
H30001878	H300018786	ENSG0000	XM_011518	23731	TMEM245	transmemb	GO:000815	GO:000367	GO:001602	429	433	1.01	0.01
H20001551	H200015517	ENSG0000	NM_017521	54738	FEV	FEV, ETS t	GO:000635	GO:000098	GO:000563	37	30	0.81	-0.30
H20000361	H200003617	ENSG0000	NR_073095	132789	GNPDA2	glucosamin	GO:000597	GO:000434	GO:000563	144	119	0.83	-0.28
H20000963	H200009632	ENSG0000	NM_001270	130617	ZFAND2B	zinc finger	GO:000661	GO:000551	GO:000578	129	176	1.37	0.45
H20001245	H200012456	ENSG0000	NM_145038	92749	DRC1	dynein regu	GO:000736	-	GO:0005856	cytoskele	6		
H20001742	H200017427	ENSG0000	XM_005255	83723	FAM57B	family with	GO:004559	GO:005029	GO:000013	64	63	0.99	-0.02
H30002023	H300020234	ENSG0000	NM_001286	51514	DTL	denticleles	GO:000020	GO:000484	GO:000563	393	401	1.02	0.03
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_033428	90871	TMEM261	transmemb	-	-	GO:001602	1526	1107	0.73	-0.46
H30001944	H300019443	ENSG0000	NM_001079	7080	NKX2-1	NK2 homeo	GO:000012	GO:000097	GO:000563	49	40	0.82	-0.28
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XM_011536	25983	NGDN	neuroguidin	GO:000046	GO:000551	GO:000077	1242	1092	0.88	-0.19
H30001957	H300019579	ENSG0000	XM_005256	92521	SPECC1	sperm antig	-	-	GO:000563	47	48	1.01	0.02
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	-	100289102	EIF4A1P8	eukaryotic	-	-	-	6539	5606	0.86	-0.22
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001318	550631	CCDC157	coiled-coil	-	-	-		3		
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_178356	199834	LCE4A	late cornifi	GO:001814	GO:000519	GO:000153	9	12	1.31	0.39
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_001304	344658	SAMD7	sterile alph	-	-	-		6		
H30000161	H300001610	ENSG0000	-	-	RP11-206F	-	-	-	-	384	350	0.91	-0.14
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_001172	148254	ZNF555	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	19	22	1.15	0.21
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	-	-	RP5-1170L	-	-	-	-	65	50	0.76	-0.39
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_203370	389119	FAM212A	family with	GO:002191	GO:000551	GO:007006	198	92	0.47	-1.10
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001302	399948	COLCA1	colorectal c	-	-	GO:0016020	membrane,	GO:0016021	integral c	
H30000879	H300008795	ENSG0000	XM_011543	728780	ANKDD1B	ankyrin rep	GO:000716	-	-				
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XR_429049	101928362	LOC10192	uncharacte	-	-	-		3		
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	-	-	RP11-79L9	-	-	-	-	6019	3214	0.53	-0.91
H30000255	H300002557	ENSG0000	NM_001122	127003	C1orf194	chromosom	-	-	-	83	63	0.76	-0.39
H30000722	H300007223	ENSG0000	-	127608	OR2AJ1	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:000588	17	15	0.89	-0.16
H30000262	H300002623	ENSG0000	NM_001001	127066	OR14C36	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma mem	GO:0016021	in	
H30000191	H300001913	-	-	-	-	-	-	-	-	48	47	0.99	-0.02
H30000153	H300001537	ENSG0000	NM_001318	25914	RTTN	rotatin	GO:000736	-	GO:000573	8	15	1.78	0.83
H30000562	H300005629	ENSG0000	NM_001005	282770	OR10AG1	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma m	6		
H30001106	H300011067	ENSG0000	NM_152678	201627	DENND6A	DENN dom	GO:004354	GO:001711	GO:000573	67	91	1.35	0.43
H30000130	H300001308	ENSG0000	NM_001024	390992	HES3	hes family	GO:000012	GO:000367	GO:0005634	nucleus	7		
H30000595	H300005958	ENSG0000	NM_176810	126204	NLRP13	NLR family	-	GO:000552	-		4		
H30002014	H300020146	ENSG0000	XM_011523	91862	MARVELD1	MARVEL d	GO:000697	GO:000551	GO:000592	5	8	1.52	0.60
H30001939	H300019398	ENSG0000	NM_001253	10492	SYNCRIP	synaptotag	GO:000039	GO:000016	GO:000563	2027	1344	0.66	-0.59
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_011545	10595	ERN2	endoplasm	GO:000635	GO:000028	GO:001602	11	13	1.20	0.26
H30001912	H300019126	ENSG0000	XM_006722	65266	WNK4	WNK lysine	GO:000646	GO:000467	GO:0005737	cytoplasm,	GO:0005923	bicellular	
H30001909	H300019094	ENSG0000	XM_005257	57409	MIF4GD	MIF4G dom	GO:000641	GO:000372	GO:000573	145	124	0.86	-0.22
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001105	347454	SOWAHD	so sondowa	-	-	-	10	10	0.97	-0.04
H30000784	H300007848	ENSG0000	NM_001005	340980	OR52B6	olfactory re	GO:000716	GO:000493	GO:000588	12	16	1.39	0.48
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_181610	337971	KRTAP19-	keratin ass	-	-	GO:0005882	intermediate	filament		
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	100128685	SLC16A14	solute carr	-	-	-		4		
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001029	345079	SOWAHB	so sondowa	-	-	-				
H30000738	H300007387	ENSG0000	-	81153	OR9M1P	olfactory re	-	-	-	131	101	0.77	-0.37
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NR_126522	116349	EXOC3-AS	EXOC3 ant	-	GO:000551	GO:000557	36	31	0.86	-0.22
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_006719	1975	EIF4B	eukaryotic	GO:000028	GO:000016	GO:000582	82	74	0.90	-0.16
opHsV0400	opHsV0400010	ENSG0000	NG_029727	5154	PDGFA	platelet-de	GO:000016	GO:000516	GO:000013	25	22	0.87	-0.20
opHsV0400	opHsV0400008	ENSG0000	XM_005257	339287	MSL1	male-speci	GO:000632	GO:000368	GO:000565	214	211	0.99	-0.02
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000											

H30000323	H300003231	ENSG0000	XM_011519	119692	OR51S1	olfactory re	GO:000716	GO:000493	GO:000588	5	10	1.98	0.99
H30000663	H300006637	-	-	-	-	-	-	-	-	16681	9892	0.59	-0.75
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NR_027060	285759	FLJ34503	uncharacte	-	-	-	-	4	-	-
H30000726	H300007267	ENSG0000	-	391276	THUMPDI	THUMP do	-	-	-	12	16	1.42	0.50
H30000757	H300007573	ENSG0000	-	-	RP11-438M	-	-	-	-	3638	3764	1.03	0.05
H30001354	H300013541	ENSG0000	XM_011544	254102	EHP1L1	EH domain	GO:000815	GO:000367	GO:001602	129	114	0.88	-0.18
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_011543	8658	TNKS	tankyrase	GO:000020	GO:000395	GO:000013	35	33	0.93	-0.11
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XM_006719	121536	AEBP2	AE binding	GO:000012	GO:000097	GO:000563	143	112	0.79	-0.35
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_138435	113828	FAM83F	family with	-	-	-	-	3	-	-
H30001930	H300019309	ENSG0000	NM_001199	51388	NIP7	NIP7, nucle	GO:004225	GO:000551	GO:000563	2453	1305	0.53	-0.91
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_006095	10396	ATP8A1	ATPase ph	GO:000761	GO:000028	GO:0000139	Golgi membrane,GO:0005783 end			
H30001904	H300019043	ENSG0000	XM_011538	28981	IFT81	intraflagella	GO:000699	GO:001563	GO:000581	115	130	1.12	0.17
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_011534	100190949	C5orf52	chromosom	-	-	-	-	-	-	-
H30000818	H300008180	ENSG0000	NM_020141	56900	TMEM167E	transmemb	-	-	GO:000013	269	241	0.90	-0.16
H30001955	H300019558	ENSG0000	NM_001135	84307	ZNF397	zinc finger	GO:000635	GO:000370	GO:000563	188	111	0.59	-0.77
H30000310	H300003102	ENSG0000	NM_013940	26539	OR10H1	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021 in			
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_015933	51372	TMA7	translation	-	-	-	5450	4605	0.84	-0.24
H30000323	H300003232	ENSG0000	NM_153270	257240	KLHL34	kelch like f	GO:001656	GO:000484	GO:0005615	extracellular space,GO:0031463 c			
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_011524	339230	CCDC137	coiled-coil	-	GO:000551	GO:000573	246	219	0.89	-0.17
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_001017	267002	PGBD2	piggyBac tr	-	-	-	72	72	1.00	0.00
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	-	23666	UBBP4	ubiquitin B	-	-	-	1848	1107	0.60	-0.74
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XR_242082	375567	VWC2	von Willebr	GO:001081	GO:000367	GO:0005604	basement membrane,GO:0005614			
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NR_024193	373861	HILS1	histone link	GO:000633	GO:000367	GO:0000786	nucleosor			
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XR_929252	401498	TMEM215	transmemb	-	-	GO:0016021	integral component of membrane			
H30000801	H300008011	ENSG0000	-	-	RP5-1119A	-	-	-	-	36	39	1.07	0.10
H30002150	H300021509	ENSG0000	XM_011539	256536	TCERG1L	transcriptic	-	-	-	-	-	-	-
H30000055	H300000550	ENSG0000	NM_152510	150280	HORMAD2	HORMA do	GO:000712	-	GO:0000795	synaptonemal complex,GO:00056			
H30000700	H300007005	ENSG0000	NR_036433	131909	FAM172BP	family with	-	-	GO:0016021	integral component of membrane			
H30000909	H300009094	ENSG0000	XM_011534	122046	TEX26	testis expr	-	-	-	-	-	-	-
H30000220	H300002201	ENSG0000	-	-	RP11-136E	-	-	-	-	18	25	1.38	0.46
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_007136	7634	ZNF80	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus			
H30000727	H300007278	ENSG0000	NM_001102	654790	PCP4L1	Purkinje ce	-	-	-	-	5	-	-
H30000483	H300004839	ENSG0000	NM_182551	253558	LCLAT1	lysocardiol	GO:000664	GO:000384	GO:000578	23	35	1.54	0.62
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_011542	7225	TRPC6	transient re	GO:000681	GO:000377	GO:000573	22	22	1.00	0.00
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_032571	84658	ADGRE3	adhesion G	GO:000716	GO:000493	GO:0005576	extracellular region,GO:0005886 r			
opHsV0400	opHsV0400002	-	XM_011515	1804	DPP6	dipeptidyl p	GO:000650	GO:000823	GO:0005886	plasma membrane,GO:0008076 v			
H30001954	H300019541	ENSG0000	XM_005269	7112	TMPO	thymopoiet	GO:000635	GO:000367	GO:000078	401	439	1.09	0.13
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_011537	9870	AREL1	apoptosis r	GO:000691	GO:000484	GO:000582	13	21	1.65	0.72
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	NM_001105	388327	C17orf100	chromosom	-	-	-	-	3	-	-
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_005250	375612	LHFPL3	lipoma HMC	-	-	GO:001602	30	26	0.88	-0.19
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	-	RP11-336M	-	-	-	-	-	6	-	-
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001025	6228	RPS23	ribosomal p	GO:000018	GO:000373	GO:000573	254	287	1.13	0.18
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	391282	RPL23AP1	ribosomal p	-	-	-	23683	17867	0.75	-0.41
H30000850	H300008503	ENSG0000	XM_011542	399947	C11orf87	chromosom	-	GO:000551	GO:0016021	integral ca			
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	-	-	RP11-425A	-	-	-	-	-	6	-	-
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_011545	387775	SLC22A10	solute carr	GO:004325	GO:000545	GO:0005887	integral component of plasma me			
H30000030	H300000305	ENSG0000	NM_022134	64090	GAL3ST2	galactose-	GO:000815	GO:000173	GO:0016020	membrane			
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_011539	144535	CFAP54	cilia and fla	GO:000728	-	GO:0005856	cytoskeleton,GO:0005930 axoner			
H30000419	H300004190	ENSG0000	XM_011518	389799	CFAP77	cilia and fla	-	GO:000551	-	8	13	1.70	0.76
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_011538	353116	RILPL1	Rab interac	GO:000338	-	GO:000565	235	247	1.05	0.07
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001316	391013	PLA2G2C	phospholipa	GO:000664	GO:000550	GO:000557	5	12	2.28	1.19
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_006718	403253	OR4A47	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021 in			
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_022160	63951	DMRTA1	DMRT like	GO:000154	GO:000098	GO:0005634	nucleus			
H30000976	H300009766	ENSG0000	NM_022068	63895	PIEZO2	piezo type	GO:000681	GO:000526	GO:0016021	integral ca			
H30000927	H300009270	ENSG0000	NM_030904	26696	OR2T1	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma m			
H30000015	H300000155	ENSG0000	-	-	RP1-228H	-	-	-	-	3959	3836	0.97	-0.05
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_005257	162333	42439	membrane	GO:001656	GO:000551	-	43	38	0.90	-0.16
H30000259	H300002595	ENSG0000	-	100270975	RPL30P1	ribosomal p	-	-	-	-	8	-	-
H30000071	H300000710	ENSG0000	-	137107	RPL10AP3	ribosomal p	-	-	-	14100	11141	0.79	-0.34
H30000904	H300009041	ENSG0000	NM_175875	147912	SIX5	SIX homeo	GO:000208	GO:000097	GO:000565	42	42	0.99	-0.01
H30000418	H300004181	ENSG0000	NM_152637	196410	METTL7B	methyltran	GO:003225	GO:000875	-	34	22	0.65	-0.62
H30001611	H300016110	ENSG0000	NM_198402	201562	HACD2	3-hydroxya	GO:001943	GO:000472	GO:000578	12	15	1.30	0.37
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_178429	353140	LCE2C	late cornifi	GO:000184	GO:000519	GO:0001533	cornified envelope,GO:0005737 c			
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001271	57338	JPH3	junctophilin	GO:000761	GO:000367	GO:0005886	plasma membrane,GO:0014701 ju			
H30002052	H300020528	ENSG0000	XM_011522	146556	C16orf89	chromosom	GO:004874	GO:004280	GO:0005829	cytosol,G			
H30002027	H300020271	ENSG0000	NM_001113	151126	ZNF385B	zinc finger	GO:007233	GO:000203	GO:0005634	nucleus			
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_011515	266553	OFCC1	orofacial cl	-	GO:000551	-	-	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_011538	283461	C12orf40	chromosom	-	GO:000551	-	5	10	2.18	1.12
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_005334	3054	HCFC1	host cell fa	GO:000012	GO:000120	GO:000012	33	31	0.97	-0.05
H30002119	H300021191	ENSG0000	NM_025106	80176	SPSB1	splA/ryano	GO:001656	GO:000551	GO:0005737	cytoplasm			
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001308	125336	LOXHD1	lipoxigenas	GO:000760	GO:000526	GO:001602	55	42	0.77	-0.37
H30002107	H300021070	ENSG0000	NR_024252	729375	FAM86HP	family with	-	-	-	103	63	0.61	-0.71
H30002235	H300022356	ENSG0000	XM_011541	57540	DISP3	dispatched	GO:000722	GO:000367	GO:000578	181	127	0.70	-0.51
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_011524	2905	GRIN2C	glutamate i	GO:000016	GO:000497	GO:000588	41	34	0.83	-0.27
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001308	90625	ERVH48-1	endogenou	GO:000694	GO:000551	GO:0005615	extracellular space,GO:0005886 g			
H30000730	H300007306	ENSG0000	NM_001001	284532	OR14A16	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021 in			
H30000704	H300007041	ENSG0000	NM_022106	63939	FAM217B	family with	-	-	-	80	72	0.90	-0.15
opHsV0400	opHsV0400011	ENSG0000	XM_011535	9818	NUP58	nucleoporin	GO:000027	GO:000548	GO:000563	524	571	1.09	0.12
H30002207	H300022078	ENSG0000	NM_001031	57222	ERGIC1	endoplasmic	GO:000688	GO:000551	GO:000013	115	75	0.65	-0.62
H30000078	H300000786	ENSG0000	XM_005251	195827	AAED1	AhpC/TSA	-	-	-	252	196	0.78	-0.36
H30000285	H300002853	ENSG0000	NM_024758	79814	AGMAT	agmatinase	GO:000659	GO:000878	GO:000573	13	11	0.85	-0.24
H30000738	H300007384	ENSG0000	NM_152721	220164	DOK6	docking prc	-	GO:000515	-	-	4	-	-
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_005251	2649	NR6A1	nuclear rec	GO:000012	GO:000097	GO:000565	56	53	0.95	-0.08
H30001534	H300015342	ENSG0000	XM_011535	79596	RNF219	ring finger	GO:004802	GO:000551	-	112	88	0.79	-0.35
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_011521	775	CACNA1C	calcium vol	GO:000611	GO:000524	GO:0002095	caveolar r			
H30002018	H300020180	-	XM_011525	8396	PIP4K2B	phosphatid	GO:000664	GO:000505	GO:000565	110	99	0.89	-0.16
H30001739	H300017396	ENSG0000	NM_183065	84314	TMEM107	transmemb	GO:000815	GO:000367	GO:000557	170	143	0.84	-0.25
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_032037	83983	TSSK6	testis spec	GO:000646	GO:000028	GO:000563	7	15	2.04	1.03
H30001140	H300011403	ENSG0000	NR_110612	1550									

opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XM_011519	5209	PFKFB3	6-phospho	GO:000597	GO:000387	GO:000565	24	24	1.02	0.03
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_011539	143379	C10orf82	chromosom	-	-	-		4		
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_011519	94134	ARHGAP12	Rho GTPas	GO:000201	GO:000509	GO:000582	154	201	1.30	0.38
H30002113	H300021138	ENSG0000	NM_134444	147945	NLRP4	NLR family	GO:000695	GO:000552	cytosol,G		4		
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_001001	112950	MED8	mediator c	GO:000635	GO:000110	GO:000565	920	931	1.01	0.02
H30002041	H300020415	ENSG0000	NM_001288	8038	ADAM12	ADAM met	GO:000650	GO:000422	GO:000557	5	11	2.06	1.04
opHsV0400	opHsV0400004	-	-	-	-	-	-	-	-		4		
H30000501	H300005019	ENSG0000	XM_005259	374879	ZNF699	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	51	44	0.87	-0.21
H30002033	H300020336	ENSG0000	XM_011542	9202	ZMYM4	zinc finger	GO:000701	GO:000367	-	428	412	0.96	-0.06
H30001919	H300019192	ENSG0000	XM_006721	1258	CNGB1	cyclic nucl	GO:000189	GO:000522	GO:0000139	Golgi mem	7		
H20000210	H200002106	ENSG0000	XR_930905	79608	RIC3	RIC3 acety	GO:000645	GO:003313	GO:0000139	Golgi membrane,GO:0005789	enc		
H20001880	H200018807	ENSG0000	NM_001080	79064	TMEM223	transmemb	-	-	GO:001602	722	516	0.71	-0.48
opHsV0400	opHsV0400012	ENSG0000	NM_021648	23270	TSPYL4	TSPY-like	GO:000633	GO:000551	GO:000563	556	501	0.90	-0.15
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_017742	54877	ZCCHC2	zinc finger	-	GO:000367	GO:000573	102	92	0.91	-0.14
H30002041	H300020418	ENSG0000	NM_022830	64852	TUT1	terminal ur	GO:000637	GO:000372	GO:000563	33	34	1.03	0.04
H30002038	H300020380	ENSG0000	XM_006716	83940	TATDN1	TatD DNas	GO:000630	GO:000453	GO:000565	761	815	1.07	0.10
H30002010	H300020105	ENSG0000	XM_011535	81624	DIAPH3	diaphanous	GO:000726	GO:000377	GO:000563	263	230	0.87	-0.19
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XR_934470	4642	MYO1D	myosin ID	GO:000815	GO:000014	GO:000576	25	31	1.23	0.29
H30002142	H300021421	ENSG0000	NM_001308	5771	PTPN2	protein tyr	GO:000828	GO:000472	GO:000563	789	746	0.94	-0.08
H30002130	H300021302	ENSG0000	XM_006720	25942	SIN3A	SIN3 trans	GO:000012	GO:000097	GO:000077	14	26	1.87	0.90
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_199053	60684	TRAPPC1	trafficking	GO:001619	-	GO:000579	377	388	1.03	0.04
H30001485	H300014854	ENSG0000	NM_001318	94120	SYTL3	synaptotag	GO:000688	GO:000550	GO:0019897	extrinsic c	5		
H30001659	H300016599	ENSG0000	NR_037840	3600	IL15	interleukin	GO:000177	GO:000512	GO:000557	11	17	1.53	0.61
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NR_104214	2140	EYA3	EYA trans	GO:000628	GO:000368	GO:000563	187	149	0.80	-0.33
H30002014	H300020144	ENSG0000	XM_011545	3681	ITGAD	integrin sub	GO:000695	GO:004687	GO:000588	29	24	0.82	-0.29
H30000602	H300006028	-	NM_003531	8352	HIST1H3C	histone clu	GO:000018	GO:000367	GO:000022	6	12	2.08	1.06
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001047	343505	NBPF7	neuroblast	-	-	GO:0005737	cytoplasm			
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NR_046236	129607	CMPK2	cytidine/ur	GO:000616	GO:000412	GO:000565	9	27	2.81	1.49
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	-	-	RP6-149D	-	-	-	-				
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NR_002323	55000	TUG1	taurine up-	-	-	-	1331	1235	0.93	-0.11
H20000994	H200009947	ENSG0000	NM_023072	65249	ZSWIM4	zinc finger	-	GO:000827	-	6	12	1.93	0.95
H20000332	H200003327	ENSG0000	NM_001163	10178	TENM1	teneurin tr	GO:000635	GO:000820	GO:0005576	extracellu	9		
H30001349	H300013492	ENSG0000	NM_031857	9752	PCDHA9	protocadhe	GO:000715	GO:000550	GO:000588	4	9	2.15	1.10
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_006883	6473	SHOX	short statu	GO:000150	GO:000370	GO:000563	115	98	0.85	-0.23
H30002034	H300020348	ENSG0000	XM_005250	56996	SLC12A9	solute carr	GO:000682	GO:001537	GO:000588	49	46	0.93	-0.10
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001171	133688	UGT3A1	UDP glycos	GO:000981	GO:000819	GO:0016021	integral component of membrane			
H30001952	H300019521	ENSG0000	XM_006718	84665	MYPN	myopalladin	GO:004521	GO:000377	GO:0005634	nucleus,GO:0030018	Z disc,GO:0		
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001080	388931	MFSD2B	major facilit	GO:000681	-	GO:0016021	integral c	7		
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XM_011542	713	C1QB	complemen	GO:000695	GO:000551	GO:000557	172	135	0.78	-0.35
H30002115	H300021151	ENSG0000	XR_934400	147138	TMC8	transmemb	GO:000155	GO:000510	GO:000561	22	20	0.91	-0.14
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_018260	55762	ZNF701	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	47	57	1.21	0.27
opHsV0400	opHsV0400003	-	NM_016598	51304	ZDHHC3	zinc finger	GO:000660	GO:000827	GO:000013	206	186	0.90	-0.15
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_001035	388962	BOLA3	bolA family	GO:000815	GO:000367	GO:000557	4554	3191	0.70	-0.51
H30002061	H300020610	ENSG0000	NR_047510	29104	N6AMT1	N-6 adenin	GO:000647	GO:000367	GO:004323	418	421	1.01	0.01
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001032	7071	KLF10	Kruppel-lik	GO:000012	GO:000104	GO:000563	119	112	0.94	-0.09
opHsV0400	opHsV0400004	-	-	-	-	-	-	-	-	8	16	1.98	0.98
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NR_024096	283601	LINC00523	long interge	-	-	-	4	9	2.24	1.16
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_005901	4087	SMAD2	SMAD fami	GO:000012	GO:000097	GO:000079	102	127	1.25	0.32
AHsV1000	AHsV10001015	ENSG0000	NM_000997	6167	RPL37	ribosomal p	GO:000018	GO:000372	GO:000582	144	157	1.09	0.12
H20000627	H200006272	ENSG0000	NM_001042	5927	KDM5A	lysine deme	GO:000012	GO:000367	GO:000563	165	173	1.05	0.07
H20000023	H200000233	ENSG0000	XR_946724	5906	RAP1A	RAP1A, me	GO:000018	GO:000392	GO:000573	965	901	0.93	-0.10
H30000808	H300008083	ENSG0000	XM_011518	5727	PTCH1	patched 1	GO:000012	GO:000511	GO:0005794	Golgi appa	6		
AHsV1000	AHsV10002455	-	NM_153001	5704	PSMC4	proteasome	GO:000008	GO:000551	GO:000050	1191	985	0.83	-0.27
H20001038	H200010382	ENSG0000	NM_002061	2730	GCLM	glutamate-	GO:000009	GO:000435	GO:000582	696	1009	1.45	0.54
H30001114	H300011149	ENSG0000	NM_000823	2692	GHRHR	growth hor	GO:000716	GO:000493	GO:000563	258	215	0.84	-0.26
AHsV1000	AHsV10001645	ENSG0000	NR_033700	2332	FMR1	fragile X m	GO:000741	GO:000372	GO:000565	105	150	1.43	0.51
AHsV1000	AHsV10002201	ENSG0000	NM_001110	2316	FLNA	filamin A	GO:000183	GO:000166	GO:000557	38	35	0.90	-0.15
H20000637	H200006371	ENSG0000	XM_011515	2146	EZH2	enhancer o	GO:000012	GO:000104	GO:000079	1412	1332	0.94	-0.08
H30000338	H300003388	ENSG0000	NM_001256	2114	ETS2	ETS proto-	GO:000012	GO:000097	GO:000563	102	101	0.99	-0.01
H20000515	H200005158	ENSG0000	NM_001407	1951	CELSR3	cadherin E	GO:000176	GO:000493	GO:000588	66	59	0.90	-0.16
H20000058	H200000580	ENSG0000	NM_001168	1906	EDN1	endothelin	GO:000012	GO:000512	GO:0005576	extracellu	6		
CHsGV100	CHsGV100031	ENSG0000	XM_011519	5305	PIP4K2A	phosphatid	GO:000664	GO:000552	GO:000557	146	147	1.00	0.00
H20001699	H200016992	ENSG0000	NM_005017	5130	PCYT1A	phosphate	GO:000664	GO:000410	GO:000578	211	189	0.90	-0.16
H30001906	H300019066	ENSG0000	NM_002591	5105	PCK1	phosphoen	GO:000597	GO:000028	GO:000573	29	27	0.95	-0.08
AHsV1000	AHsV10000039	ENSG0000	NM_001293	4899	NRF1	nuclear res	GO:000166	GO:000097	GO:000563	118	126	1.07	0.10
H20000772	H200007725	ENSG0000	XM_005245	4881	NPR1	natriuretic	GO:000618	GO:000401	GO:0005886	plasma m	6		
H20000661	H200006615	ENSG0000	NR_038192	1725	DHPS	deoxyhypus	GO:000641	GO:000551	GO:000582	826	722	0.87	-0.19
H20000684	H200006844	ENSG0000	XM_005250	1666	DECRI	2,4-dienoyl	GO:000663	GO:000867	GO:000563	1890	2259	1.20	0.26
H20001403	H200014034	ENSG0000	NM_177560	1457	CSNK2A1	casein kina	GO:000027	GO:000467	GO:000563	978	838	0.86	-0.22
H30000512	H300005122	ENSG0000	XM_011545	1428	CRYM	crystallin m	GO:000012	GO:000371	GO:0005634	nucleus,G	4		
H30001761	H300017619	ENSG0000	NM_001308	1215	CMA1	chymase 1	GO:000200	GO:000425	GO:000557	4	8	2.02	1.01
H20000600	H200006005	ENSG0000	XM_006716	1191	CLU	clusterin	GO:000090	GO:000551	GO:0005576	extracellu	3		
H30002187	H300021872	ENSG0000	NM_001039	998	CDC42	cell divisio	GO:000204	GO:000392	GO:000013	1368	1848	1.35	0.43
H20001201	H200012012	ENSG0000	XM_006716	971	CD72	CD72 mole	GO:000715	GO:000488	GO:0005886	plasma m	6		
CHsGV100	CHsGV100029	ENSG0000	NM_001001	6097	RORC	RAR relate	GO:000636	GO:000367	GO:000563	93	76	0.82	-0.29
H30000759	H300007591	ENSG0000	NM_001316	5881	RAC3	ras-related	GO:000726	GO:000392	GO:000582	105	67	0.64	-0.65
H30000999	H300009991	ENSG0000	XM_011541	5865	RAB3B	RAB3B, me	GO:000726	GO:000392	GO:000573	5	10	1.83	0.87
CHsGV100	CHsGV100018	ENSG0000	NM_002794	5690	PSMB2	proteasome	GO:000008	GO:000429	GO:000050	2356	1567	0.67	-0.59
H20000620	H200006201	ENSG0000	NM_002773	5652	PRSS8	protease, s	GO:000650	GO:000425	GO:000557	21	29	1.40	0.49
CHsGV100	CHsGV100032	ENSG0000	XM_006717	2662	GDF10	growth diff	GO:000150	GO:000512	GO:000561	42	36	0.85	-0.23
H20001762	H200017628	ENSG0000	XM_011509	2629	GBA	glucosidase	GO:000597	GO:000434	GO:000576	44	48	1.08	0.12
H30000518	H300005181	ENSG0000	NM_005249	2290	FOXG1	forkhead b	GO:000635	GO:000098	GO:000563	41	34	0.83	-0.26
AHsV1000	AHsV10002884	ENSG0000	NM_001163	2261	FGFR3	fibroblast g	GO:000012	GO:000471	GO:000557	181	92	0.51	-0.97
H200													

H20000688	H200006884	ENSG0000	NM_00602	5054	SERPINE1	serpin pept	GO:000130	GO:000202	GO:000576	extracellu	8			
CHsGV100	CHsGV1000044	ENSG0000	NM_024408	4853	NOTCH2	notch 2	GO:000012	GO:000487	GO:000013	53	49	0.92	-0.12	
AHsV10000	AHsV10000058	ENSG0000	NM_001318	4835	NQO2	NAD(P)H d	GO:000761	GO:000551	GO:000565	1710	2253	1.32	0.40	
H20000427	H200004274	ENSG0000	NM_001195	1641	DCX	doublecorti	GO:000176	GO:000468	GO:000573	cytoplasm,GO:0005829	cytosol,GO:0005829			
AHsV10000	AHsV10001028	ENSG0000	NM_001288	1612	DAPK1	death-assc	GO:000646	GO:000467	GO:000573	21	35	1.70	0.77	
AHsV10000	AHsV10002340	ENSG0000	NR_073084	1397	CRIP2	cysteine ric	GO:000828	GO:000827	GO:000593	6	8	1.49	0.58	
AHsV10000	AHsV10000833	ENSG0000	XM_005273	1374	CPT1A	carnitine pa	GO:000167	GO:000409	GO:000573	18	22	1.24	0.30	
H20001950	H200019503	ENSG0000	NM_001824	1158	CKM	creatine kir	GO:000659	GO:000411	GO:000582	24	27	1.12	0.16	
H30000534	H300005349	ENSG0000	NM_000740	1131	CHRM3	cholinergic	GO:000305	GO:000443	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005887	in			
H20000559	H200005596	ENSG0000	NR_132660	952	CD38	CD38 mole	GO:000166	GO:000395	GO:0005634	nucleus,GO:0005829	cytosol,GO:0005829			
CHsGV100	CHsGV1000219	ENSG0000	NM_001178	926	CD8B	CD8b mole	GO:000225	GO:000551	GO:000576	extracellular region,GO:0005886				
AHsV10000	AHsV10000878	ENSG0000	NM_002928	6004	RGS16	regulator o	GO:000718	GO:000509	GO:000573	20	36	1.78	0.83	
AHsV10000	AHsV10002277	ENSG0000	XM_005267	5826	ABCD4	ATP bindin	GO:000676	GO:000552	GO:000576	165	176	1.06	0.09	
AHsV10000	AHsV10003074	ENSG0000	NM_130842	5799	PTPRN2	protein tyr	GO:000647	GO:000500	GO:0005788	endoplasmic reticulum lumen,GO				
CHsGV100	CHsGV1000018	ENSG0000	NM_000312	5624	PROC	protein C, i	GO:000646	GO:000425	GO:000576	extracellu	5			
CHsGV100	CHsGV1000301	ENSG0000	XM_011523	5598	MAPK7	mitogen-ad	GO:000222	GO:000470	GO:000563	7	10	1.53	0.61	
CHsGV100	CHsGV1000373	ENSG0000	NM_001289	2597	GAPDH	glyceraldeh	GO:000022	GO:000436	GO:000563	15975	8388	0.53	-0.93	
H20000794	H200007949	ENSG0000	NM_001134	2572	GAD2	glutamate c	GO:000654	GO:000435	GO:0000139	Golgi men	4			
CHsGV100	CHsGV1000382	ENSG0000	NM_005141	2244	FGF	fibrinogen b	GO:000225	GO:000510	GO:000576	extracellu	3			
H30000315	H300003159	ENSG0000	NM_001207	2208	FCER2	Fc fragmen	GO:000292	GO:000517	GO:000588	59	48	0.81	-0.31	
CHsGV100	CHsGV1000069	ENSG0000	XM_011521	2038	EPB42	erythrocyte	GO:000090	GO:000381	GO:000585	117	90	0.77	-0.38	
AHsV10000	AHsV10000205	ENSG0000	NM_001427	2020	EN2	engrailed h	GO:000727	GO:004356	GO:000563	6	10	1.52	0.60	
H20001102	H200011020	-	NM_000797	1815	DRD4	dopamine r	GO:000018	GO:000158	GO:000588	74	86	1.16	0.21	
CHsGV100	CHsGV1000361	ENSG0000	XM_011522	1800	DPEP1	dipeptidase	GO:000650	GO:000551	GO:000561	52	42	0.82	-0.29	
H20001047	H200010475	ENSG0000	NM_002623	5203	PFDN4	prefoldin su	GO:000645	GO:000551	GO:000563	1392	1285	0.92	-0.12	
H20001898	H200018987	ENSG0000	XM_011538	5025	P2RX4	purinergic r	GO:000189	GO:000161	GO:000563	77	132	1.71	0.78	
CHsGV100	CHsGV1000203	ENSG0000	NR_033915	4999	ORC2	origin recog	GO:000008	GO:000368	GO:000078	251	272	1.08	0.11	
H30000761	H300007613	ENSG0000	XM_011518	4814	NINJ1	ninjurin 1	GO:000195	GO:000551	GO:001602	78	129	1.64	0.72	
H20000703	H200007033	ENSG0000	NM_001319	4790	NFKB1	nuclear fac	GO:000012	GO:000097	GO:000563	255	232	0.91	-0.13	
H20000673	H200006730	ENSG0000	XM_005254	1588	CYP19A1	cytochrom	GO:000267	GO:000550	GO:0005783	endoplasmic reticulum,GO:00057				
H20001029	H200010299	ENSG0000	NM_000397	1536	CYBB	cytochrom	GO:000247	GO:000524	GO:0005739	mitochond	6			
CHsGV100	CHsGV1000318	ENSG0000	NM_001863	1340	COX6B1	cytochrom	GO:000636	GO:000412	GO:000573	12046	7735	0.64	-0.64	
CHsGV100	CHsGV1000203	ENSG0000	NR_134980	1301	COL11A1	collagen ty	GO:000150	GO:000520	GO:000557	27	30	1.11	0.15	
CHsGV100	CHsGV1000404	ENSG0000	NM_001042	1106	CHD2	chromodom	GO:000635	GO:000104	GO:000563	42	58	1.38	0.46	
CHsGV100	CHsGV1000108	ENSG0000	XM_011509	1063	CENPF	centromere	GO:000008	GO:000368	GO:000077	129	136	1.05	0.08	
CHsGV100	CHsGV1000332	ENSG0000	NM_001319	912	CD1D	CD1d mole	GO:001603	GO:000487	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005765	lysosoma			
CHsGV100	CHsGV1000063	ENSG0000	XM_011516	889	KRIT1	KRIT1, ank	GO:000152	GO:000551	GO:000561	335	303	0.91	-0.14	
AHsV10000	AHsV10000154	ENSG0000	XM_006719	5965	RECQL	RecQ like H	GO:000073	GO:000367	GO:000563	97	132	1.36	0.45	
H20000704	H200007043	ENSG0000	XM_006719	5781	PTPN11	protein tyr	GO:000007	GO:000472	GO:000563	1582	1504	0.95	-0.07	
H30001473	H300014737	ENSG0000	NM_001309	5746	PTH2R	parathyroid	GO:000716	GO:000499	GO:000588	34	36	1.04	0.05	
H30000899	H300008995	ENSG0000	XM_011536	5583	PRKCH	protein kin	GO:000646	GO:000469	GO:000573	32	25	0.79	-0.33	
H20000114	H200001142	ENSG0000	XM_005253	5564	PRKAB1	protein kin	GO:000636	GO:000467	GO:000563	537	568	1.06	0.08	
H20000682	H200006824	-	NM_001466	2535	FZD2	frizzled cla	GO:000314	GO:000493	GO:000573	61	57	0.92	-0.12	
AHsV10000	AHsV10002687	ENSG0000	NM_001318	2491	CENPI	centromere	GO:000027	GO:000551	GO:000077	122	103	0.84	-0.25	
H20000011	H200000111	ENSG0000	NM_004460	2191	FAP	fibroblast a	GO:000152	GO:000202	GO:000561	28	26	0.90	-0.16	
H20002122	H200021228	ENSG0000	NM_001443	2168	FABP1	fatty acid b	GO:000223	GO:000368	GO:000565	11	17	1.52	0.61	
AHsV10000	AHsV10003458	ENSG0000	NM_001276	1998	ELF2	E74 like ET	GO:000635	GO:000098	GO:000563	174	247	1.42	0.50	
AHsV10000	AHsV10002822	ENSG0000	NR_037926	100533955	SENP3-EIF	SENP3-EIF	-	-	-	2133	1588	0.74	-0.43	
H20000635	H200006356	ENSG0000	NM_001303	1774	DNASE1L1	deoxyribon	GO:000625	GO:000367	GO:000563	280	221	0.79	-0.34	
CHsGV100	CHsGV1000306	ENSG0000	NM_021120	1741	DLG3	discs large	GO:000173	GO:000438	GO:0005615	extracellular space,GO:0005737	c			
AHsV10000	AHsV10001958	ENSG0000	XM_011538	5153	PDE1B	phosphodie	GO:000150	GO:000411	GO:0005829	cytosol,GO:0043025	neuronal cel			
H30000313	H300003133	ENSG0000	NM_005014	4958	OMD	osteomodul	GO:000597	-	GO:000576	extracellu	4			
DHsTV100	DHsTV1000017	-	-	-	-	-	-	-	-	1684	1525	0.91	-0.14	
CHsGV100	CHsGV1000058	ENSG0000	XM_005273	4751	NEK2	NIMA relat	GO:000007	GO:000467	GO:000077	246	337	1.37	0.45	
AHsV10000	AHsV10002114	ENSG0000	NM_005004	4714	NDUFB8	NADH:ubiq	GO:000612	GO:000813	GO:000574	2307	1923	0.83	-0.26	
CHsGV100	CHsGV1000296	ENSG0000	XM_011536	1511	CTSG	cathepsin G	GO:000200	GO:000425	GO:000557	17	22	1.30	0.38	
CHsGV100	CHsGV1000313	ENSG0000	NM_001329	1488	CTBP2	C-terminal	GO:000012	GO:000368	GO:0005634	nucleus,GO:0017053	transcriptio			
AHsV10000	AHsV10000680	ENSG0000	NM_000091	1285	COL4A3	collagen ty	GO:000691	GO:000517	GO:000576	extracellular region,GO:0005587				
H20001389	H200013894	ENSG0000	NM_004073	1263	PLK3	polo like kir	GO:000008	GO:000203	GO:000078	234	179	0.77	-0.39	
CHsGV100	CHsGV1000311	ENSG0000	XM_011536	1033	CDKN3	cyclin-depe	GO:000007	GO:000472	GO:000563	1115	994	0.89	-0.17	
H20001978	H200019782	ENSG0000	NR_037709	100529145	TEN1-CDK	TEN1-CDK	-	-	-	38	49	1.30	0.38	
H20000789	H200007892	ENSG0000	XM_011542	864	RUNX3	runt relat	GO:000012	GO:000097	GO:0000790	nuclear c	4			
AHsV10000	AHsV10002831	ENSG0000	NM_001228	841	CASP8	caspase 8	GO:000152	GO:000419	GO:000565	17	26	1.47	0.56	
H20001415	H200014155	ENSG0000	NM_014452	27242	TNFRSF21	tumor necr	GO:000178	GO:000503	GO:0005886	plasma m	20			
AHsV10000	AHsV10002149	ENSG0000	NM_001164	27185	DISC1	disrupted ir	GO:000022	GO:000551	GO:0005634	nucleus,GO:0005739	mitochondri			
DHsGV100	DHsGV1000386	-	-	-	-	-	-	-	-	5				
AHsV10000	AHsV10001845	ENSG0000	NM_176877	10207	PATJ	PATJ, crur	GO:003432	GO:000551	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005923	bi			
H30002019	H300020193	ENSG0000	NR_027280	10055	SAE1	SUMO1 ac	GO:000734	GO:000483	GO:000563	1484	1482	1.00	0.00	
H20000181	H200001812	ENSG0000	NM_013374	10015	PDCD6IP	programme	GO:000092	GO:000551	GO:000177	138	252	1.83	0.87	
H20000279	H200002790	ENSG0000	XM_011545	9873	FCHSD2	FCH and d	-	GO:000551	-	74	82	1.10	0.14	
H30001016	H300010165	ENSG0000	XM_011543	9854	C2CD2L	C2CD2 like	GO:000815	GO:000367	GO:000557	360	308	0.86	-0.22	
AHsV10000	AHsV10002200	ENSG0000	NM_001207	9689	BZW1	basic leucir	GO:000635	GO:004482	GO:000573	1570	1578	1.00	0.01	
CHsGV100	CHsGV1000348	ENSG0000	NM_014650	9668	ZNF432	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	28	57	2.06	1.04	
H20000698	H200006980	ENSG0000	NR_029467	6402	SELL	selectin L	GO:000715	GO:000202	GO:000588	35	31	0.87	-0.19	
H20000688	H200006886	ENSG0000	NM_001006	6382	SDC1	syndecan 1	GO:000152	GO:000194	GO:000573	16	13	0.85	-0.24	
CHsGV100	CHsGV1000021	ENSG0000	NM_001318	6196	RPS6KA2	ribosomal p	GO:000155	GO:000028	GO:000563	48	36	0.74	-0.44	
AHsV10000	AHsV10001873	ENSG0000	NM_012090	23499	MACP1	microtubule	GO:000170	GO:000377	GO:000573	5	18	3.54	1.82	
H20000137	H200001371	ENSG0000	NM_014296	23473	CAPN7	calpain 7	GO:001063	GO:000417	GO:000565	374	416	1.11	0.15	
CHsGV100	CHsGV1000319	ENSG0000	XR_429930	9489	PGS1	phosphatid	GO:000664	GO:000550	GO:000573	89	77	0.87	-0.20	
AHsV10000	AHsV10002678	ENSG0000	NM_001163	9468	PCYT1B	phosphate	GO:000154	GO:000410	GO:0005737	cytoplasm,				

AHsV1000	AHsV10000305	ENSG0000	XM_011535	27145	FILIP1	filamin A in	-	-	GO:0005737 cytoplasm,GO:0005856 cytoskele					
AHsV1000	AHsV10001307	ENSG0000	XM_011536	27109	ATP5S	ATP synth	GO:001599	GO:001507	GO:000574	125	96	0.76	-0.39	
H20000819	H200008190	ENSG0000	NM_001167	10180	RBM6	RNA bindin	GO:000639	GO:000016	GO:000563	600	706	1.18	0.23	
H20001421	H200014217	ENSG0000	XM_011521	10160	FARP1	FERM, ARH	GO:000741	GO:000508	GO:000573	38	33	0.87	-0.21	
AHsV1000	AHsV10002677	ENSG0000	NR_033674	9993	DGCR2	DiGeorge s	GO:000715	GO:003024	GO:001602	165	166	1.01	0.02	
H20001513	H200015136	ENSG0000	NM_005124	9972	NUP153	nucleoporin	GO:000027	GO:000368	GO:000564	947	844	0.89	-0.17	
H20001427	H200014273	ENSG0000	XM_011518	9833	MELK	maternal ex	GO:000008	GO:000467	GO:000588	295	305	1.03	0.05	
H30001013	H300010134	ENSG0000	NM_001006	9807	IP6K1	inositol hex	GO:004364	GO:000083	GO:000563	37	39	1.06	0.09	
H20000793	H200007932	ENSG0000	XM_011519	9649	RALGPS1	Ral GEF wi	GO:000726	GO:000508	GO:000575	cellular cd	4			
H20000499	H200004991	ENSG0000	XM_011519	9630	GNA14	guanine nu	GO:000716	GO:000166	GO:000583	17	16	0.92	-0.13	
CHsGV100	CHsGV1000229	ENSG0000	XM_005258	6360	CCL16	C-C motif	GO:000254	GO:000800	GO:000557	21	22	1.02	0.03	
AHsV1000	AHsV10001993	ENSG0000	NM_001081	6328	SCN3A	sodium volt	GO:000681	GO:000524	GO:0001518	voltage-gated sodium channel cc				
AHsV1000	AHsV10001573	ENSG0000	NM_001253	6138	RPL15	ribosomal p	GO:000018	GO:000372	GO:000563	5493	5019	0.91	-0.13	
AHsV1000	AHsV10001184	-	NM_007352	23436	CELA3B	chymotryps	GO:000650	GO:000425	GO:000561	34	28	0.84	-0.26	
AHsV1000	AHsV10000141	ENSG0000	NM_012071	23412	COMMD3	COMM dom	GO:000635	GO:000551	GO:000563	743	828	1.11	0.16	
H30002033	H300020335	ENSG0000	XM_011536	9444	QKI	QKI, KH do	GO:000157	GO:000372	GO:000563	605	550	0.91	-0.14	
H20000887	H200008877	ENSG0000	NR_073464	9412	MED21	mediator c	GO:000182	GO:000110	GO:000015	545	452	0.83	-0.27	
AHsV1000	AHsV10001138	ENSG0000	XR_246305	9202	ZMYM4	zinc finger	GO:000701	GO:000367	-	40	49	1.21	0.28	
AHsV1000	AHsV10003296	ENSG0000	XM_006719	9169	SCAF11	SR-related	GO:000024	GO:000551	GO:000563	500	439	0.88	-0.19	
H20001465	H200014651	ENSG0000	NM_003956	9023	CH25H	cholesterol	GO:000662	GO:000156	GO:0005789	endoplasmic reticulum membrane				
H30000841	H300008416	ENSG0000	NM_001258	8991	SELENBP1	selenium bi	GO:001503	GO:000551	GO:000561	332	198	0.60	-0.75	
AHsV1000	AHsV10000102	ENSG0000	NM_001199	8790	FPGT	fucose-1-p	GO:000600	GO:000382	GO:000573	209	216	1.03	0.05	
CHsGV100	CHsGV1000280	ENSG0000	XR_426638	8764	TNFRSF14	tumor necr	GO:000274	GO:000161	GO:000588	5	10	2.13	1.09	
H20000268	H200002685	ENSG0000	NM_177983	5496	PPM1G	protein pho	GO:000647	GO:000472	GO:000563	1235	992	0.80	-0.32	
CHsTV100	CHsTV1000003	-	NM_203289	5460	POU5F1	POU class	GO:000012	GO:000097	GO:0005634	nucleus,G	9			
H20002024	H200020246	ENSG0000	NM_002643	5281	PIGF	phosphatid	GO:000650	GO:000430	GO:000578	726	636	0.88	-0.19	
H20000669	H200006694	ENSG0000	NM_014392	27065	NSG1	neuron spe	GO:000192	GO:000510	GO:000013	86	77	0.89	-0.16	
DHsGV100	DHsGV1000016	-	XM_011509	105373434	LOC10537	uncharacte	-	-	-	15	17	1.13	0.18	
H20000830	H200008309	ENSG0000	NM_001243	10140	TOB1	transducer	GO:000718	GO:000371	GO:000563	160	104	0.65	-0.61	
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_015322	10116	FEM1B	fem-1 hom	GO:000691	GO:000484	GO:000563	73	75	1.03	0.04	
AHsV1000	AHsV10000104	ENSG0000	NM_005112	9948	WDR1	WD repeat	GO:000257	GO:000377	GO:000210	1606	1510	0.94	-0.09	
CHsGV100	CHsGV1000153	ENSG0000	NM_014873	9926	LPGAT1	lysophosph	GO:000664	GO:000367	GO:000573	93	160	1.73	0.79	
AHsV1000	AHsV10001063	ENSG0000	XR_943566	9787	DLGAP5	discs large	GO:000647	GO:000472	GO:000563	856	676	0.79	-0.34	
AHsV1000	AHsV10000501	ENSG0000	NM_001282	9762	LZTS3	leucine zip	-	-	GO:000573	15	11	0.76	-0.39	
CHsGV100	CHsGV1000355	ENSG0000	NM_004289	9603	NFE2L3	nuclear fac	GO:000012	GO:000097	GO:000563	12	10	0.80	-0.32	
H30001481	H300014813	ENSG0000	XR_945884	9562	MINPP1	multiple inc	GO:000150	GO:000399	GO:000578	433	302	0.70	-0.52	
H30000682	H300006826	ENSG0000	XM_011523	6299	SALL1	spalt-like t	GO:000012	GO:000097	GO:000079	5	7	1.38	0.46	
H20000445	H200004451	ENSG0000	NM_005978	6273	S100A2	S100 calciu	GO:004354	GO:000550	GO:000557	11	13	1.22	0.28	
H20001617	H200016175	ENSG0000	NM_021133	6041	RNASEL	ribonucleas	GO:000636	GO:000372	GO:000557	70	76	1.09	0.12	
H20000062	H200000620	ENSG0000	NM_015340	23395	LARS2	leucyl-tRN	GO:000641	GO:000216	GO:000573	156	118	0.76	-0.40	
H20000106	H200001061	ENSG0000	NM_015323	23376	UFL1	UFM1-spec	GO:000164	GO:000551	GO:000563	279	339	1.22	0.28	
AHsV1000	AHsV10002510	ENSG0000	NM_001135	9378	NRXN1	neurexin 1	GO:000152	GO:000487	GO:0005783	endoplasmic reticulum,GO:00058				
H20000040	H200000407	ENSG0000	XM_011519	9355	LHX2	LIM homeo	GO:000184	GO:000107	GO:0005634	nucleus	8			
H30001021	H300010215	ENSG0000	NM_004710	9144	SYNGR2	synaptogyr	-	GO:000551	GO:001602	29	22	0.75	-0.42	
H30001026	H300010269	ENSG0000	NM_004698	9129	PRPF3	pre-mRNA	GO:000024	GO:000551	GO:000563	646	390	0.60	-0.73	
AHsV1000	AHsV10000707	ENSG0000	XM_005270	8945	BTRC	beta-trans	GO:000008	GO:000484	GO:000565	48	55	1.15	0.21	
H20001170	H200011708	ENSG0000	XM_011516	8910	SGCE	sarcoglycar	GO:000716	-	GO:0005794	Golgi appa	10			
AHsV1000	AHsV10002306	ENSG0000	NM_019856	8736	MYOM1	myomesin	GO:000223	GO:000551	GO:0005863	striated muscle myosin thick filar				
H30002285	H300022857	ENSG0000	NM_148965	8718	TNFRSF25	tumor necr	GO:000691	GO:000487	GO:000557	223	160	0.71	-0.49	
AHsV1000	AHsV10002472	ENSG0000	NR_125371	5435	POLR2F	polymerase	GO:000039	GO:000105	GO:000563	1625	1048	0.65	-0.63	
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_002688	5413	42618	septin 5	GO:000091	GO:000392	GO:000585	15	13	0.87	-0.21	
CHsGV100	CHsGV1000197	-	NM_000290	5224	PGAM2	phosphogly	GO:000597	GO:000408	GO:000563	147	122	0.83	-0.28	
H20001283	H200012833	ENSG0000	XM_011534	26762	HAVCR1	hepatitis A	GO:004671	GO:000161	GO:0016021	integral c	3			
H30000161	H300001612	ENSG0000	NM_013363	26577	PCOLCE2	procollagen	GO:001095	GO:000551	GO:007006	14	6	0.46	-1.13	
H20000103	H200001034	ENSG0000	NR_102318	10096	ACTR3	ARP3 activ	GO:000692	GO:000520	GO:000582	2420	2839	1.17	0.23	
AHsV1000	AHsV10002372	ENSG0000	NM_001195	10076	PTPRU	protein tyr	GO:000647	GO:000472	GO:0005886	plasma m	3			
H30002223	H300022238	ENSG0000	NM_001035	9910	RABGAP1L	RAB GTPa	GO:003288	GO:000509	GO:000563	184	247	1.34	0.42	
CHsGV100	CHsGV1000384	ENSG0000	XM_005268	9895	TECPR2	tectonin be	GO:000691	GO:000551	-	164	138	0.84	-0.24	
H30001938	H300019386	ENSG0000	XM_011543	9743	ARHGAP32	Rho GTPas	GO:000726	GO:000509	GO:000013	101	72	0.71	-0.50	
H20001436	H200014361	ENSG0000	NM_014686	9710	KIAA0355	KIAA0355	-	-	-	179	150	0.84	-0.26	
H30001239	H300012399	ENSG0000	NM_004881	9540	TP53I3	tumor prot	GO:000673	GO:000396	GO:007006	57	49	0.85	-0.24	
H20000972	H200009720	ENSG0000	NM_004864	9518	GDF15	growth diff	GO:000716	GO:000512	GO:000557	715	859	1.20	0.27	
H20000070	H200000707	ENSG0000	XM_011520	6240	RRM1	ribonucleot	GO:000027	GO:000474	GO:000563	3914	3196	0.82	-0.29	
AHsV1000	AHsV10001927	-	NR_111944	6218	RPS17	ribosomal p	GO:000002	GO:000373	GO:000582	26761	20521	0.77	-0.38	
H30001884	H300018844	ENSG0000	XM_011538	5985	RFC5	replication	GO:000027	GO:000368	GO:000565	798	728	0.91	-0.13	
AHsV1000	AHsV10000413	ENSG0000	NM_020765	23352	UBR4	ubiquitin pr	GO:001603	GO:000484	GO:000565	24	24	0.99	-0.01	
CHsGV100	CHsGV1000358	ENSG0000	NM_015274	23324	MAN2B2	mannosidas	GO:000601	GO:000455	GO:007006	15	23	1.53	0.61	
H30000643	H300006438	ENSG0000	NR_104009	9326	ZNHIT3	zinc finger	GO:000635	GO:000551	GO:000562	1742	1492	0.86	-0.22	
H20000124	H200001248	ENSG0000	XM_005256	9289	ADGRG1	adhesion G	GO:000152	GO:000493	GO:000562	10	17	1.74	0.80	
H30000197	H300001976	ENSG0000	NM_004688	9111	NMI	N-myc and	GO:000636	GO:000371	GO:000565	1518	2297	1.51	0.60	
CHsGV100	CHsGV1000007	ENSG0000	NM_148920	9091	PIGQ	phosphatid	GO:000597	GO:001717	GO:000050	156	132	0.85	-0.24	
CHsGV100	CHsGV1000152	ENSG0000	NM_021095	8884	SLC5A6	solute carr	GO:000676	GO:000852	GO:000588	690	463	0.67	-0.58	
AHsV1000	AHsV10002834	ENSG0000	NM_017413	8862	APLN	apelin	GO:000202	GO:000166	GO:000557	46	38	0.82	-0.29	
AHsV1000	AHsV10000756	ENSG0000	NM_004661	8697	CDC23	cell divisio	GO:000027	GO:000484	GO:000562	304	338	1.11	0.15	
AHsV1000	AHsV10002592	ENSG0000	NR_037943	8675	STX16	syntaxin 16	GO:000688	GO:000548	GO:000013	143	255	1.78	0.83	
H20001725	H200017253	ENSG0000	NM_001130	5364	PLXNB1	plexin B1	GO:000716	GO:000487	GO:000211	7	23	3.23	1.69	
H20000639	H200006396	ENSG0000	NM_002664	5341	PLEK	pleckstrin	GO:000224	GO:000508	GO:000557	11	18	1.64	0.72	
AHsV1000	AHsV10000570	ENSG0000	XM_005276	5175	PECAM1	platelet/en	GO:000257	GO:000551	GO:000561	4	10	2.21	1.14	
AHsV1000	AHsV10001351	ENSG0000	NM_001301	79630	C1orf54	chromosom	-	-	GO:000557	11	26	2.39	1.25	
H30000280	H300002800	ENSG0000	XM_011545	79026	AHNAK	AHNAK nu	GO:004348	GO:000551	GO:000563	72	187	2.61	1.38	
H30001226	H300012266	ENSG0000	XM_011525	78995	C17orf53	chromosom	-	-	-	16	19	1.22	0.29	
H30000632	H300006325	ENSG0000	XM_011521	647										

AHsV1000	AHsV10002949	ENSG0000	NR_024621	29125	C11orf21	chromosome	-	-	GO:000573	8	14	1.78	0.83	
CHsGV100	CHsGV1000116	ENSG0000	NM_001318	29100	TMEM208	transmembr	GO:000662	-	GO:000577	504	422	0.84	-0.26	
CHsGV100	CHsGV1000206	ENSG0000	NM_172231	57794	SUGP1	SURP and	GO:000039	GO:000551	GO:000565	80	73	0.92	-0.12	
AHsV1000	AHsV10002719	ENSG0000	NM_020732	57492	ARID1B	AT-rich int	GO:000635	GO:000367	GO:000565	13	28	2.11	1.08	
CHsGV100	CHsGV1000095	ENSG0000	NM_020695	57455	REXO1	REX1, RNA	GO:009030	GO:000367	GO:000563	28	30	1.09	0.12	
H20000090	H200000904	ENSG0000	NM_020312	57017	COQ9	coenzyme	GO:000612	GO:000551	GO:000573	630	584	0.93	-0.11	
AHsV1000	AHsV10003344	ENSG0000	NM_020226	56978	PRDM8	PR domain	GO:000635	GO:000367	GO:000563	62	60	0.96	-0.06	
AHsV1000	AHsV10001204	ENSG0000	NM_031860	56139	PCDHA10	protocadhe	GO:000715	GO:000550	GO:000576	extracellular region,GO:0005887				
AHsV1000	AHsV10000794	ENSG0000	NM_032053	56111	PCDHGA4	protocadhe	GO:000715	GO:000550	GO:0005886	plasma m	9			
CHsGV100	CHsGV1000246	ENSG0000	XM_011535	26503	SLC17A5	solute carr	GO:000648	GO:000535	GO:000573	44	50	1.12	0.17	
H20000857	H200008579	ENSG0000	XM_005252	26298	EHF	ETS homol	GO:000636	GO:000097	GO:000563	19	25	1.29	0.37	
H20000154	H200001549	ENSG0000	XR_931792	25989	ULK3	unc-51 like	GO:000691	GO:000467	GO:000040	127	108	0.85	-0.24	
CHsGV100	CHsGV1000106	ENSG0000	NM_015490	25956	SEC31B	SEC31 hom	GO:001503	-	GO:000578	26	24	0.91	-0.14	
AHsV1000	AHsV10002079	ENSG0000	XM_011514	24149	ZNF318	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000565	20	43	2.20	1.14	
AHsV1000	AHsV10001557	ENSG0000	NM_001304	23774	BRD1	bromodoma	GO:003590	GO:000827	GO:000563	70	90	1.29	0.36	
H30001371	H300013712	ENSG0000	NM_001286	79411	GLB1L	galactosida	GO:000597	GO:000456	GO:000557	9	15	1.61	0.69	
AHsV1000	AHsV10002951	ENSG0000	NM_023934	65991	FUNDC2	FUN14 dom	GO:000042	-	GO:000563	30	45	1.50	0.58	
CHsGV100	CHsGV1000194	ENSG0000	NM_023077	65260	COA7	cytochrom	-	-	GO:000575	746	479	0.64	-0.64	
AHsV1000	AHsV10003548	-	NM_172241	64693	CTAGE1	cutaneous	GO:000815	-	GO:000557	322	229	0.71	-0.49	
H20000345	H200003450	ENSG0000	XM_005251	64425	POLR1E	polymerase	GO:000640	GO:0000105	GO:000563	632	428	0.68	-0.56	
H20000426	H200004264	ENSG0000	NM_001302	63910	SLC17A9	solute carr	GO:000682	GO:002285	GO:0005623	cell,GO:0016021	integral compon			
DHsGV100	DHsGV1000168	-	-	-	-	-	-	-	-		4			
CHsGV100	CHsGV1000152	ENSG0000	NM_015960	51076	CUTC	cutC copp	GO:000682	GO:000550	GO:000563	420	390	0.93	-0.10	
H30002080	H300020809	ENSG0000	XM_005274	51035	UBXN1	UBX domai	GO:003139	GO:000551	GO:000050	756	552	0.73	-0.45	
CHsGV100	CHsGV1000232	ENSG0000	NM_001278	30834	ZNRD1	zinc ribbon	GO:000613	GO:000105	GO:000565	1141	768	0.67	-0.57	
AHsV1000	AHsV10001319	ENSG0000	NM_013450	29994	BAZ2B	bromodoma	GO:000635	GO:000367	GO:000563	33	57	1.76	0.82	
H30001623	H300016232	ENSG0000	NM_003142	6741	SSB	Sjogren syr	GO:000640	GO:000004	GO:000078	3973	3299	0.83	-0.27	
H30000582	H300005824	ENSG0000	XM_011544	28992	MACROD1	MACRO do	GO:000697	GO:000551	GO:000563	60	56	0.93	-0.10	
AHsV1000	AHsV10001707	ENSG0000	XM_011541	57685	CACHD1	cache dom	GO:000681	-	GO:0016021	integral component of membrane				
AHsV1000	AHsV10002811	ENSG0000	NM_001290	57343	ZNF304	zinc finger	GO:000635	GO:000097	GO:000563	41	42	1.01	0.02	
AHsV1000	AHsV10001715	ENSG0000	XM_011519	57209	ZNF248	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	5	14	2.74	1.46	
H20001779	H200017799	ENSG0000	NR_036471	56943	ENY2	enhancer o	GO:000632	GO:000368	GO:000012	3949	3250	0.82	-0.28	
CHsGV100	CHsGV1000008	ENSG0000	XM_011515	56913	C1GALT1	core 1 synt	GO:000152	GO:000551	GO:000013	223	177	0.80	-0.33	
AHsV1000	AHsV10002725	ENSG0000	XM_005271	56063	TMEM234	transmemb	-	GO:000551	GO:001602	62	59	0.95	-0.08	
CHsGV100	CHsGV1000172	ENSG0000	XM_011541	55966	AJAP1	adherens ju	GO:000715	-	GO:0005912	adherens	4			
H30002032	H300020322	ENSG0000	NM_001257	26249	KLHL3	kelch like f	GO:001656	GO:000377	GO:0005829	cytosol,G	10			
AHsV1000	AHsV10000303	ENSG0000	NM_015662	26160	IIFT172	intraflagella	GO:000184	-	GO:000592	72	79	1.10	0.13	
H30001926	H300019267	ENSG0000	NM_015462	25926	NOL11	nucleolar p	GO:000635	GO:000551	GO:000573	1796	1343	0.75	-0.42	
AHsV1000	AHsV10001469	ENSG0000	XM_006718	25900	IFFO1	intermediat	-	-	GO:0005882	intermedi	4			
H30000874	H300008747	ENSG0000	NM_177424	23673	STX12	syntaxin 12	GO:000004	GO:000014	GO:000013	372	342	0.92	-0.12	
H20000515	H200005154	ENSG0000	XR_929742	23637	RABGAP1	RAB GTPa	GO:000704	GO:000367	GO:000581	255	206	0.81	-0.31	
H20001899	H200018994	ENSG0000	XM_005250	79161	TMEM243	transmemb	-	-	GO:001602	62	71	1.13	0.18	
AHsV1000	AHsV10001862	ENSG0000	NM_022917	65083	NOL6	nucleolar p	GO:000636	GO:000551	GO:000079	12	14	1.14	0.19	
H20001004	H200010042	ENSG0000	NM_023937	64981	MRPL34	mitochondr	GO:000641	GO:000373	GO:000574	1500	974	0.65	-0.62	
H30001664	H300016646	ENSG0000	NM_152794	64344	HIF3A	hypoxia ind	GO:000152	GO:000098	GO:0005654	nucleoplasm,GO:0005739	mitoch			
AHsV1000	AHsV10000745	ENSG0000	NM_022374	64225	ATL2	atlastin GT	GO:000688	GO:000392	GO:000578	376	429	1.14	0.19	
H20001622	H200016225	ENSG0000	NM_021822	60489	APOBEC3C	apolipoprot	GO:000223	GO:000372	GO:000093	41	35	0.84	-0.25	
H20001146	H200011468	ENSG0000	XM_005257	59342	SCPEP1	serine carb	GO:004257	GO:000418	GO:000582	146	119	0.82	-0.29	
H20000196	H200001967	ENSG0000	NM_016048	51015	ISOC1	isochorism	GO:000815	GO:000367	GO:000577	1679	1001	0.60	-0.75	
H30002059	H300020594	ENSG0000	NM_001077	50940	PDE11A	phosphodie	GO:000619	GO:000411	GO:0005575	cellular_component,GO:0005829				
H20002011	H200020119	ENSG0000	-	29964	PRICKLE4	prickle hom	GO:000815	GO:000367	GO:000563	68	59	0.86	-0.21	
H20001165	H200011650	ENSG0000	NR_026598	29937	NENF	neudesin n	GO:003209	GO:000808	GO:000561	1338	933	0.70	-0.52	
H20000757	H200007570	ENSG0000	XM_011535	28962	OSTM1	osteopetro	GO:003031	-	GO:000563	401	366	0.91	-0.13	
AHsV1000	AHsV10002304	ENSG0000	NM_019063	27436	EML4	echinoderm	GO:000701	GO:000367	GO:000573	361	349	0.97	-0.05	
AHsV1000	AHsV10002348	ENSG0000	NM_020827	57587	CFAP97	cilia and fla	-	-	-	218	255	1.17	0.22	
H20000117	H200001176	ENSG0000	XR_950232	105369357	LOC105369	uncharacte	-	-	-	206	212	1.03	0.05	
CHsGV100	CHsGV1000355	ENSG0000	XM_011536	57143	ADCK1	aarF domai	GO:000646	GO:000467	GO:000557	34	39	1.16	0.22	
H20000089	H200000895	ENSG0000	NM_020154	56851	EMC7	ER membra	GO:000815	GO:003024	GO:001602	1023	814	0.80	-0.33	
CHsGV100	CHsGV1000261	ENSG0000	NM_033050	56670	SUCNR1	succinate r	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in			
H20000415	H200004156	ENSG0000	NM_018660	55893	ZNF395	zinc finger	GO:000635	GO:000097	GO:000563	77	89	1.14	0.19	
H30001890	H300018902	ENSG0000	NM_018471	55854	ZC3H15	zinc finger	GO:001922	GO:000551	GO:000573	2836	2205	0.78	-0.36	
H20001439	H200014390	ENSG0000	XM_005257	26118	WSB1	WD repeat	GO:000815	GO:000551	GO:000562	2725	2340	0.86	-0.22	
CHsGV100	CHsGV1000180	-	NM_020664	26063	DECR2	2,4-dienoyl	GO:000663	GO:000510	GO:000577	116	85	0.73	-0.45	
AHsV1000	AHsV10002777	ENSG0000	XM_011518	25861	DFNB31	deafness, a	GO:000189	GO:000551	GO:000573	46	41	0.89	-0.16	
H30000204	H300002047	ENSG0000	NM_015384	25836	NIPBL	Nipped-B h	GO:000012	GO:000368	GO:000078	116	107	0.92	-0.11	
H20001743	H200017431	ENSG0000	NM_014160	23609	MKRN2	makorin rin	GO:000815	GO:000551	GO:000562	451	474	1.05	0.07	
AHsV1000	AHsV10002359	ENSG0000	NM_014314	23586	DDX58	DEXD/H-b	GO:000223	GO:000369	GO:0005737	cytoplasm	11			
H20000473	H200004737	ENSG0000	XM_011521	79070	KDEL1	KDEL moti	GO:000666	GO:004652	GO:000578	226	231	1.02	0.03	
CHsGV100	CHsGV1000092	ENSG0000	NM_001168	64860	ARMCX5	armadillo re	-	GO:000551	-	94	70	0.74	-0.43	
H20000354	H200003542	ENSG0000	NR_046117	64834	ELOVL1	ELOVL fat	GO:001936	GO:000551	GO:000578	649	612	0.94	-0.08	
AHsV1000	AHsV10000610	ENSG0000	NM_022353	64172	OSGEP1	O-sialoglyc	GO:000294	GO:000422	GO:000573	87	105	1.21	0.28	
H30000315	H300003151	ENSG0000	NM_022151	64112	MOAP1	modulator	GO:000184	GO:000551	GO:000573	60	92	1.52	0.61	
AHsV1000	AHsV10000158	ENSG0000	NM_021241	58525	WIZ	widely inter	GO:001057	GO:000551	GO:000563	58	76	1.32	0.40	
AHsV1000	AHsV10002503	ENSG0000	NM_001270	58494	JAM2	junctional a	GO:000716	GO:000551	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005887	in			
H20001690	H200016901	-	XR_931295	50839	TAS2R10	taste 2 rec	GO:000158	GO:000852	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in			
H20000462	H200004628	ENSG0000	NM_001199	50808	AK3	adenylate h	GO:000617	GO:000401	GO:000573	671	669	1.00	0.00	
H20000746	H200007465	ENSG0000	NM_013308	29909	GPR171	G protein-c	GO:000718	GO:000493	GO:0005887	integral component of plasma me				
H20001193	H200011931	ENSG0000	NM_014553	29842	TFCP2L1	transcriptid	GO:000012	GO:000370	GO:000563	16	17	1.09	0.12	
H20000968	H200009686	ENSG0000	NM_198333	27334	P2RY10	purinergic r	GO:003558	GO:004502	GO:0005886	plasma m	5			
H20001258	H200012581	ENSG0000	NM_014473	27292	DIMT1	DIM1 dimet	GO:003116	GO:000017	GO:000563	844	592	0.70	-0.51	
CHsGV100	CHsGV1000088	ENSG0000	XM_011538	57522	SRGAP1	SLIT-ROB	GO:000726	GO:000509	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005829	cytosol			
AHsV1000	AHsV10002081	ENSG0000	NM_020394	57116	ZNF695</									

CHsGV100	CHsGV100003	ENSG0000	NM_001077	25816	TNFAIP8	TNF alpha	GO:003261	GO:000551	GO:000573	405	568	1.40	0.49	
CHsGV100	CHsGV100038	ENSG0000	NM_001033	25793	FBX07	F-box prot	GO:000042	GO:000484	GO:000015	1184	1052	0.89	-0.17	
H30001310	H300013107	ENSG0000	NR_134970	23549	DNPEP	aspartyl am	GO:000650	GO:000417	GO:000563	48	47	0.99	-0.01	
H20001662	H200016624	ENSG0000	NM_015361	23518	R3HDM1	R3H domain	-	GO:004482	-	294	335	1.14	0.19	
H20000684	H200006848	ENSG0000	NM_000222	3815	KIT	KIT proto-	GO:000016	GO:000202	GO:000166	8	11	1.49	0.57	
DHsGV100	DHsGV1000092	ENSG0000	NM_032329	84289	ING5	inhibitor of	GO:000626	GO:000368	GO:000563	79	88	1.12	0.16	
DHsGV100	DHsGV100005	ENSG0000	-	646879	ARL2BPP3	ADP-ribosy	-	-	-	45	40	0.90	-0.16	
DHsGV100	DHsGV100015	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	
DHsGV100	DHsGV1000403	ENSG0000	NM_001101	169834	ZNF883	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	44	44	1.00	0.00	
CHsGV100	CHsGV100013	ENSG0000	NM_153235	167838	TXLNB	taxilin beta	-	GO:000551	GO:0005737 cytoplasm	-	-	-	-	
AHsV1000	AHsV10000564	ENSG0000	XM_005251	158234	TRMT10B	tRNA meth	GO:003225	GO:000816	-	89	104	1.17	0.23	
AHsV1000	AHsV10000064	ENSG0000	XM_011544	157313	CDCA2	cell divisor	GO:000705	-	GO:000565	181	179	0.99	-0.02	
CHsGV100	CHsGV1000039	ENSG0000	NM_001123	149461	CLDN19	claudin 19	GO:000760	GO:000519	GO:000563	20	27	1.32	0.40	
CHsGV100	CHsGV100030	ENSG0000	XM_005272	148738	HFE2	hemochrom	GO:000012	GO:000194	GO:000561	14	15	1.01	0.01	
CHsGV100	CHsGV1000124	ENSG0000	NM_001308	144245	ALG10B	ALG10B, a	GO:000648	GO:000458	GO:000578	20	30	1.53	0.62	
CHsGV100	CHsGV1000115	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	
H30002078	H300020784	ENSG0000	XM_011525	79651	RHBDF2	rhomboid 5	GO:001503	GO:000425	GO:000578	5	7	1.45	0.54	
H30000812	H300008125	ENSG0000	NM_001195	404203	SPINK6	serine pept	GO:190000	GO:000486	GO:000576	extracellular region	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000506	ENSG0000	NM_001193	402160	CFAP99	cilia and fla	-	-	GO:0042995 cell projec	4	-	-	-	
H30000434	H300004342	ENSG0000	NM_001174	399664	MEX3D	mex-3 RNA	GO:001060	GO:000827	GO:000563	92	82	0.89	-0.17	
DHsGV100	DHsGV1000069	ENSG0000	-	-	RP11-432N	-	-	-	-	12	13	1.01	0.01	
CHsGV100	CHsGV1000044	ENSG0000	NR_103525	134701	RIPPLY2	rippy trans	GO:000012	GO:000551	GO:0005634 nucleus	-	4	-	-	
H20000126	H200001263	ENSG0000	NM_130809	133619	PRRC1	proline rich	-	GO:000551	GO:000579	240	175	0.73	-0.45	
AHsV1000	AHsV10000426	ENSG0000	NM_152372	127294	MYOM3	myomesin	-	GO:004280	GO:003143	118	101	0.85	-0.23	
AHsV1000	AHsV10002196	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	
AHsV1000	AHsV10003428	ENSG0000	XR_429081	121260	SLC15A4	solute carr	GO:000681	GO:001529	GO:000576	48	47	0.98	-0.03	
CHsGV100	CHsGV1000378	ENSG0000	XM_011539	119587	CPXM2	carboxypep	GO:000651	GO:000418	GO:0005615 extracellular space,GO:0031012 e	-	-	-	-	
CHsGV100	CHsGV100006	ENSG0000	XM_011519	114879	OSBPL5	oxysterol b	GO:000689	GO:000178	GO:000578	12	16	1.30	0.38	
AHsV1000	AHsV10001529	ENSG0000	XM_011516	114788	CSMD3	CUB and S	-	-	GO:0005886 plasma membrane,GO:0016021 in	-	-	-	-	
AHsV1000	AHsV10002504	ENSG0000	NR_040251	57862	ZNF410	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	97	108	1.11	0.15	
DHsTV100	DHsTV1000001	ENSG0000	XR_937987	105372867	LOC105372	putative un	-	-	-	10	14	1.43	0.52	
DHsGV100	DHsGV1000297	-	XM_005273	55124	PIWIL2	piwi-like R	GO:000096	GO:000372	GO:0005737 cytoplasm,GO:0005844 polysome	-	-	-	-	
DHsGV100	DHsGV1000398	-	-	-	-	-	-	-	-	12	16	1.39	0.48	
DHsGV100	DHsGV1000045	-	XM_011512	101927764	LOC101927	serine/argi	-	-	-	13	16	1.21	0.28	
CHsGV100	CHsGV100022	ENSG0000	NM_198859	166336	PRICKLE2	prickle plan	GO:003117	GO:000827	GO:000573	41	41	1.01	0.01	
AHsV1000	AHsV10000595	ENSG0000	NM_153835	165082	ADGRF3	adhesion G	GO:000716	GO:000493	GO:001602	11	13	1.17	0.22	
H20000953	H200009530	ENSG0000	NM_152556	154743	C7orf60	chromosom	GO:003116	GO:001643	-	40	60	1.48	0.57	
AHsV1000	AHsV10000014	ENSG0000	NM_153223	153241	CEP120	centrosom	GO:002198	GO:000551	GO:000573	66	132	1.99	0.99	
H20000391	H200003914	ENSG0000	NM_182919	148022	TICAM1	toll like rec	GO:000222	GO:000487	GO:000577	128	109	0.85	-0.24	
AHsV1000	AHsV10003315	ENSG0000	NM_001297	147657	ZNF480	zinc finger	GO:000635	GO:000097	GO:000565	35	47	1.36	0.44	
AHsV1000	AHsV10001064	ENSG0000	NM_001145	140873	C20orf173	chromosom	GO:000157	GO:000383	-	-	-	-	-	
AHsV1000	AHsV10003526	ENSG0000	NM_080615	140687	GCNT7	glucosamin	GO:000648	GO:000837	GO:0000139 Golgi membrane,GO:0016021 inte	-	-	-	-	
H20000149	H200001495	ENSG0000	XM_011521	79587	CARS2	cysteiny-l-t	GO:000641	GO:000481	GO:000575	326	309	0.95	-0.08	
CHsGV100	CHsGV100022	ENSG0000	NM_001001	401505	TOMM5	translocase	GO:000042	GO:000856	GO:000573	4348	2619	0.60	-0.73	
AHsV1000	AHsV10000018	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	
CHsGV100	CHsGV1000309	ENSG0000	NM_001004	391107	OR10K2	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:0005886 plasma membrane,GO:0016021 in	-	-	-	-	
AHsV1000	AHsV10001984	ENSG0000	NM_001143	390790	ARL5C	ADP ribosy	GO:000726	GO:000552	GO:0005622 intracellular	-	-	-	-	
AHsV1000	AHsV10000077	ENSG0000	NM_001159	132612	ADAD1	adenosine	GO:000639	GO:000372	GO:0005634 nucleus	-	-	-	-	
H30001712	H300017125	ENSG0000	-	131408	FAM131A	family with	-	-	GO:000557	17	18	1.06	0.08	
AHsV1000	AHsV10000499	ENSG0000	NM_001172	126231	ZNF573	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	176	184	1.05	0.06	
CHsGV100	CHsGV1000204	ENSG0000	NM_001102	125931	CEACAM2	carcinoemb	-	-	GO:0016021 integral component of membrane	-	-	-	-	
AHsV1000	AHsV10003122	ENSG0000	XM_005269	118461	C10orf71	chromosom	-	-	-	-	-	-	-	
AHsV1000	AHsV10000915	ENSG0000	NM_001139	117154	DACH2	dachshund	GO:000635	GO:000367	GO:0005634 nucleus	-	-	-	-	
CHsGV100	CHsGV1000408	ENSG0000	XM_011536	114088	TRIM9	tripartite m	GO:001607	GO:000014	GO:0005737 cytoplasm	3	-	-	-	
AHsV1000	AHsV10001283	ENSG0000	NM_080667	112942	CFAP36	cilia and fla	-	-	GO:000563	456	589	1.29	0.37	
AHsV1000	AHsV10000735	ENSG0000	XR_945792	57715	SEMA4G	semaphorin	GO:000175	GO:000551	GO:000561	47	37	0.80	-0.31	
H20000776	H200007763	ENSG0000	NR_077060	6392	SDHD	succinate d	GO:000609	GO:000010	GO:000573	2704	1401	0.52	-0.95	
DHsGV100	DHsGV1000492	ENSG0000	-	649458	MPTX1	mucosal pe	-	-	-	274	224	0.82	-0.29	
DHsGV100	DHsGV1000128	-	-	-	-	-	-	-	-	29	25	0.88	-0.19	
DHsGV100	DHsGV1000405	ENSG0000	XM_011520	645177	LOC64517	lymphoid-r	-	-	-	-	-	-	-	
AHsV1000	AHsV10001554	ENSG0000	NM_153232	163126	EID2	EP300 inte	GO:000635	GO:000551	GO:000562	248	277	1.12	0.16	
CHsGV100	CHsGV1000323	ENSG0000	XM_011524	162417	NAGS	N-acetylgl	GO:000005	GO:000399	GO:0005759 mitochond	5	-	-	-	
AHsV1000	AHsV10002977	ENSG0000	NM_199347	152110	NEK10	NIMA relat	GO:000646	GO:000467	GO:0005634 nucleus,GO:0005737 cytoplasm,C	-	-	-	-	
AHsV1000	AHsV10003328	ENSG0000	NM_144712	151295	SLC23A3	solute carr	GO:005508	GO:000521	GO:0016021 integral component of membrane	-	-	-	-	
AHsV1000	AHsV10001147	ENSG0000	NM_001267	146862	UNC45B	unc-45 my	GO:000208	GO:000551	GO:0005737 cytoplasm,GO:0005829 cytosol	-	-	-	-	
CHsGV100	CHsGV1000097	ENSG0000	XM_011522	146433	IL34	interleukin	GO:000193	GO:000512	GO:0005615 extracellular space	-	-	-	-	
AHsV1000	AHsV10003037	ENSG0000	NM_144658	139818	DOCK11	dedicator o	GO:000726	GO:000508	GO:000582	299	364	1.22	0.28	
H30002104	H300021041	ENSG0000	NM_173493	139135	PASD1	PAS domain	GO:004275	GO:000122	GO:000563	112	57	0.51	-0.98	
CHsGV100	CHsGV1000129	ENSG0000	XM_005256	79191	IRX3	iroquois ho	GO:000165	GO:004356	GO:0005634 nucleus,GO:0005737 cytoplasm,C	-	-	-	-	
AHsV1000	AHsV10001187	ENSG0000	NM_212556	401036	ASB18	ankyrin rep	GO:001656	-	GO:0005622 intracellular	-	-	-	-	
AHsV1000	AHsV10000120	ENSG0000	NM_001085	400793	C1orf226	chromosom	-	-	-	-	-	-	-	
AHsV1000	AHsV10003512	ENSG0000	NM_001161	390245	KDM4E	lysine deme	GO:000635	GO:000368	GO:0005634 nucleus,GO:0005721 pericentric	-	-	-	-	
H30000101	H300001013	ENSG0000	NM_001145	389856	USP27X	ubiquitin sp	GO:000635	GO:000823	GO:0000124 SAGA co	5	-	-	-	
CHsGV100	CHsGV100021	ENSG0000	NM_001317	130576	LYPD6B	LY6/PLAU	-	-	GO:0005886 plasma membrane,GO:0031225 ar	-	-	-	-	
CHsGV100	CHsGV1000273	ENSG0000	NM_152834	129787	TMEM18	transmemb	GO:000635	GO:000367	GO:000573	112	127	1.13	0.18	
AHsV1000	AHsV10002894	ENSG0000	NM_152347	124989	EFCAB13	EF-hand ca	-	-	GO:0005634 nucleus,GO:0005654 nucleoplasm	-	-	-	-	
CHsGV100	CHsGV100018	ENSG0000	XM_011524	124565	SLC38A10	solute carr	GO:000333	GO:001517	GO:001602	75	74	0.98	-0.03	
H20001759	H200017598	-	NM_052967	116511	MAS1L	MAS1 prot	GO:000718	GO:000493	GO:000565	74	57	0.77	-0.37	
AHsV1000	AHsV10002146	ENSG0000	NM_138458	116143	WDR92	WD repeat	GO:000691	GO:000551	-	90	72	0.80	-0.32	
AHsV1000	AHsV10002755	ENSG0000	XM_011545	112476	PRRT2	proline rich	GO:000960	-	GO:000588	69	65	0.95	-0.08	
AHsV1000	AHsV10002955	ENSG0000	XM_011519	94134	ARHGAP12	Rho GTPas	GO:000201	GO:000509	GO:000582	37	54	1.46	0.55	
AHsV1000	AHsV10000837	ENSG0000	NM_015409	57634	EP400	E1A binding	GO:000632	GO:000367	GO:0000812 Swr1 com	6	-	-	-	
DHsGV100	DHsGV1000054	ENSG0000	NM_173600	283463	MUC19	mucin 19, c	GO:000649	-	GO:000579	403	215	0.53	-0.91	
DHsGV100	DHsGV1000410	-	-	-	-	-	-	-	-	10	-	-	-	
DHsGV100	DHsGV1000326	-	-	-	-	-	-	-	-	6	-	-	-	
AHsV1000	AHsV10003351	ENSG0000	NR_026694	644353	ZCCHC18	zinc finger	GO:003050	GO:000367	GO:001660	24	27	1.10	0.14	
CHsGV100	CHsGV1000134	ENSG0000	NM_144974											

AHsV1000	AHsV10002074	ENSG0000	NM_014406	150160	CCT8L2	chaperonin	GO:000681	GO:000525	GO:0005737 cytoplasm					
DHsGV100	DHsGV1000275	ENSG0000	XM_011521	145814	PGPEP1L	pyroglutam	GO:000650	GO:000823				4		
AHsV1000	AHsV10003109	ENSG0000	XM_011536	145447	ABHD12B	abhydrolase	GO:000815	GO:001678						
AHsV1000	AHsV10002938	ENSG0000	XM_011518	138065	RNF183	ring finger		GO:000551	GO:0016021 integral c			3		
CHsGV100	CHsGV1000214	ENSG0000	NM_001142	136371	ASB10	ankyrin rep	GO:001656		GO:0005634 nucleus,G			5		
CHsGV100	CHsGV1000264	ENSG0000	NM_001142	79094	CHAC1	ChaC gluta	GO:000675	GO:000511	GO:000580	116	313	2.70	1.43	
DHsGV100	DHsGV1000377	ENSG0000	NM_001291	79999	LOC79999	uncharacte						5		
DHsGV100	DHsGV1000332	ENSG0000	NR_028408	400027	LINC00938	long interge						153	130	0.85 -0.23
AHsV1000	AHsV10003516	ENSG0000	NM_001030	389432	SAMD5	sterile alph								
DHsGV100	DHsGV1000025											13	20	1.46 0.55
CHsGV100	CHsGV1000069	ENSG0000	NR_111901	128637	TBC1D20	TBC1 doma	GO:000167	GO:000509	GO:000578	75	102	1.35	0.43	
AHsV1000	AHsV10001980	ENSG0000	XR_921745	127933	UHMK1	U2AF hom	GO:000018	GO:000372	GO:000563	23	36	1.57	0.65	
AHsV1000	AHsV10000203	ENSG0000	XM_011521	123745	PLA2G4E	phospholipa	GO:000664	GO:000462	GO:0005765 lysosomal membrane,GO:0005829					
AHsV1000	AHsV10001481		XM_011537	122258	SPACA7	sperm acro	GO:000716		GO:0001669 acrosomal vesicle,GO:0005576 e					
AHsV1000	AHsV10000171	ENSG0000	XM_011537	115811	IQCD	IQ motif co						8		
AHsV1000	AHsV10000696	ENSG0000	XM_011518	114991	ZNF618	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	27	20	0.75	-0.41	
CHsGV100	CHsGV1000026	ENSG0000	XM_005250	93664	CADPS2	Ca2+ depe	GO:000926	GO:000828	GO:0005654 nucleopla			3		
AHsV1000	AHsV10000156	ENSG0000	NM_001291	93210	PGAP3	post-GPI a	GO:000650	GO:001678	GO:000013	56	76	1.35	0.44	
AHsV1000	AHsV10001598	ENSG0000	NM_001300	57556	SEMA6A	semaphorin	GO:000175	GO:000551	GO:0005887 integral component of plasma me					
H20001247	H200012475	ENSG0000	NM_014474	27293	SMPDL3B	sphingomye	GO:000668	GO:000367	GO:000561	6	11	1.86	0.90	
DHsGV100	DHsGV1000256											9		
DHsGV100	DHsGV1000319													
DHsGV100	DHsGV1000315											3		
DHsGV100	DHsGV1000270	ENSG0000	NM_001242	100131094	DPP9-AS1	DPP9 antis						18	21	1.16 0.22
DHsGV100	DHsGV1000033											109	83	0.76 -0.40
DHsGV100	DHsGV1000157											15	16	1.07 0.10
DHsGV100	DHsGV1000114											128	90	0.71 -0.50
DHsGV100	DHsGV1000426													
DHsGV100	DHsGV1000490													
DHsGV100	DHsGV1000109	ENSG0000			RP11-687M							19	20	1.04 0.06
CHsGV100	CHsGV1000285	ENSG0000	XM_006711	984	CDK11B	cyclin-depe	GO:000155	GO:000467	GO:000563	639	533	0.83	-0.26	
DHsTV100	DHsTV1000009	ENSG0000			RP11-504F							4	10	2.54 1.35
H30000953	H300009531	ENSG0000	XM_011535	51805	COQ3	coenzyme	GO:000607	GO:000439	GO:000573	863	584	0.68	-0.56	
DHsGV100	DHsGV1000312											26	28	1.08 0.12
DHsGV100	DHsGV1000340													
DHsGV100	DHsGV1000080	ENSG0000			RP5-832C							61	49	0.82 -0.29
DHsGV100	DHsGV1000413											88	73	0.83 -0.26
DHsGV100	DHsGV1000132											11	15	1.32 0.40
DHsGV100	DHsGV1000019		NG_029771	2011	MARK2	microtubule	GO:000042	GO:000028	GO:000563	29	25	0.85	-0.23	
DHsGV100	DHsGV1000201											6		
DHsGV100	DHsGV1000147													
DHsGV100	DHsGV1000115	ENSG0000	NM_001195	644100	ARL14EPL	ADP ribosy						9		
DHsGV100	DHsGV1000519													
CHsGV100	CHsGV1000051	ENSG0000	NM_004678	9083	BPY2	basic charg	GO:000728	GO:000551	GO:0005634 nucleus					
AHsV1000	AHsV10002665	ENSG0000	NM_001008	442038	SULT1C3	sulfotransf	GO:000679	GO:000402	GO:0005737 cytoplasm					
H20000783	H200007836	ENSG0000	XR_945792	57715	SEMA4G	semaphorin	GO:000175	GO:000551	GO:000561	35	34	0.97	-0.04	
DHsGV100	DHsGV1000021	ENSG0000			RP11-77K							4		
DHsTV100	DHsTV1000005		NG_023225	30	ACAA1	acetyl-CoA	GO:000003	GO:000398	GO:000577	26	23	0.87	-0.20	
DHsGV100	DHsGV1000053											20	17	0.86 -0.21
DHsGV100	DHsGV1000202											10	13	1.31 0.39
DHsGV100	DHsGV1000014											38	31	0.81 -0.30
DHsGV100	DHsGV1000563	ENSG0000	NR_103774	100289580	LOC100289	uncharacte						25	22	0.89 -0.16
DHsGV100	DHsGV1000564	ENSG0000	NR_040077	100289178	GNG12-AS	GNG12 ant							6	
DHsGV100	DHsGV1000010		XM_011534	11063	SOX30	SRY-box 3	GO:000635	GO:000098	GO:000563	23	18	0.79	-0.33	
DHsGV100	DHsGV1000481	ENSG0000	XR_939245	101927451	LOC101927	uncharacte						35	30	0.86 -0.23
DHsGV100	DHsGV1000296											8	13	1.57 0.65
H30000763	H300007636	ENSG0000	NM_000513	2652	OPN1MW	opsin 1 (co	GO:000152	GO:000493	GO:000588	4	7	1.78	0.83	
DHsGV100	DHsGV1000436	ENSG0000	NR_132411	728290	LOC728290	uncharacte						3		
H30001893	H300018937	ENSG0000	NR_026665	965	CD58	CD58 mole	GO:000715	GO:000510	GO:000588	381	417	1.09	0.13	
AHsV1000	AHsV10001737													
DHsGV100	DHsGV1000370	ENSG0000	NG_009078	653361	NCF1	neutrophil	GO:000187	GO:000551	GO:000582	37	34	0.94	-0.09	
DHsGV100	DHsGV1000117											15	17	1.13 0.18
DHsGV100	DHsGV1000084	ENSG0000			RP11-96B								8	
DHsGV100	DHsGV1000267											6		
DHsGV100	DHsGV1000036											12	15	1.20 0.26
DHsGV100	DHsGV1000038		NG_033035	131377	KLHL40	kelch like f	GO:001656	GO:000484	GO:0031463 Cul3-RIN			5		
AHsV1000	AHsV10001979	ENSG0000	XM_006710	79656	BEND5	BEN domai	GO:000635	GO:000367	GO:0005794 Golgi apparatus					
AHsV1000	AHsV10002022	ENSG0000	XM_011537	643226	GRXCR2	glutaredoxi	GO:000760	GO:003107	GO:0005902 microvillus,GO:0032420 stereocil					
DHsGV100	DHsGV1000514											7		
H30002252	H300022525	ENSG0000	NM_001017	541466	CT45A1	cancer/tes						908	901	0.99 -0.01
CHsGV100	CHsGV1000259	ENSG0000	NM_001137	441151	TMEM151B	transmemb			GO:001602	69	50	0.73	-0.45	
H30000952	H300009528	ENSG0000			RP4-612B							11210	9091	0.81 -0.30
DHsGV100	DHsGV1000246		NG_008931	23230	VPS13A	vacuolar pr	GO:000689	GO:000551	GO:0005622 intracellular,GO:0019898 extrinsic					
DHsGV100	DHsGV1000317		XR_951312	105379527	LOC105379	uncharacte						408	354	0.87 -0.20
DHsGV100	DHsGV1000511													
DHsGV100	DHsGV1000313	ENSG0000		79077	DCTPP1	dCTP pyro	GO:000914	GO:000028	GO:000582	39	36	0.92	-0.12	
DHsGV100	DHsGV1000321											10	7	0.73 -0.46
DHsGV100	DHsGV1000118	ENSG0000	NG_034258	79798	ARMC5	armadillo re			GO:000573	6	10	1.58	0.66	
DHsGV100	DHsGV1000323											75	60	0.80 -0.31
DHsGV100	DHsGV1000319		NG_009260	410	ARSA	arylsulfatas	GO:000666	GO:000406	GO:000576	445	376	0.84	-0.24	
DHsGV100	DHsGV1000248											164	134	0.81 -0.30
CHsGV100	CHsGV1000330	ENSG0000	NM_016334	51463	GPR89B	G protein-c	GO:000681	GO:000524	GO:000013	42	42	1.01	0.01	
DHsGV100	DHsGV1000420											12	15	1.33 0.41
DHsGV100	DHsGV1000388	ENSG0000	NM_015201	23246	BOP1	block of pr	GO:000044	GO:000551	GO:000563	222	165	0.75	-0.42	
H20000646	H200006463	ENSG0000	XM_005252	9413	FAM189A2	family with	GO:000815	GO:000367	GO:000557	7	11	1.52	0.60	
DHsGV100	DHsGV1000367	ENSG0000			AC013271							19	21	1.06 0.08
DHsGV100	DHsGV1000471	ENSG0000	NM_001256	100288520	USP17L15	ubiquitin sp	GO:000651	GO:000823	GO:0005634 nucleus,G			4		
DHsGV100	DHsGV1000140											6	8	1.36 0.44
DHsGV100	DHsGV1000374	ENSG0000	NM_001243	214	ALCAM	activated le	GO:000225	GO:000510	GO:0001772 immunological synapse,GO:00058					

DHsGV100	DHsGV1000104	ENSG0000	-	64785	GIN3	GIN3 comp	GO:000027	-	GO:000565	55	49	0.90	-0.15
DHsGV100	DHsGV1000041	-	-	-	-	-	-	-	-	59	51	0.87	-0.20
DHsGV100	DHsGV100027	ENSG0000	XM_005264	22906	TRAK1	trafficking r	GO:000635	GO:000551	GO:000563	27	26	0.96	-0.05
DHsGV100	DHsGV100056	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV100048	ENSG0000	-	642337	FTLP17	ferritin, ligh	-	-	-	-	3	-	-
AHsV10000	AHsV10000821	ENSG0000	NM_001033	613210	DEFB136	defensin be	GO:004274	-	GO:0005576	extracellular region	-	-	-
AHsV10000	AHsV10000372	-	-	-	-	-	-	-	-	-	3	-	-
DHsGV100	DHsGV100001	ENSG0000	NM_001136	440498	HSBP1L1	heat shock	-	-	-	327	210	0.64	-0.64
H20000664	H200006648	ENSG0000	XM_011509	23179	RGL1	ral guanine	GO:000726	GO:000832	GO:0005575	cellular_co	4	-	-
DHsGV100	DHsGV100023	-	NM_001318	23532	PRAME	preferentia	GO:000635	GO:000551	GO:000563	42	43	1.03	0.05
DHsGV100	DHsGV100037	-	NG_029576	63976	PRDM16	PR domain	GO:000012	GO:000371	GO:0005634	nucleus,G	5	-	-
DHsTV100	DHsTV1000000	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
CHsGV100	CHsGV1000008	ENSG0000	NM_001282	55833	UBAP2	ubiquitin as	-	GO:004482	-	959	744	0.78	-0.37
DHsGV100	DHsGV100008	-	-	-	-	-	-	-	-	-	6	-	-
DHsGV100	DHsGV100046	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV100008	-	XM_011530	8484	GALR3	galanin rec	GO:000718	GO:000496	GO:0005886	plasma m	3	-	-
DHsGV100	DHsGV100044	ENSG0000	NR_045681	26494	OR8G1	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:000588	36	37	1.03	0.04
AHsV10000	AHsV10003553	-	-	-	-	-	-	-	-	9	24	2.54	1.35
DHsGV100	DHsGV100039	ENSG0000	XM_003846	100996318	LOC10099	uncharacte	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV100047	-	-	-	-	-	-	-	-	13	19	1.50	0.59
H30000558	H300005581	ENSG0000	NM_001044	758	MPPED1	metallopho	GO:000815	GO:000367	GO:0005575	cellular_component	-	-	-
H20000323	H200003237	ENSG0000	NR_133909	10282	BET1	Bet1 golgi	GO:000688	GO:000551	GO:000013	612	673	1.10	0.14
DHsGV100	DHsGV100040	-	XM_005251	1902	LPAR1	lysophosph	GO:000018	GO:000196	GO:0005768	endosome	6	-	-
DHsGV100	DHsGV100051	-	-	-	-	-	-	-	-	-	5	-	-
DHsGV100	DHsGV100050	ENSG0000	NM_175741	256646	NUTM1	NUT midlin	-	GO:000551	GO:000563	7	13	2.02	1.02
DHsGV100	DHsGV100005	-	-	-	-	-	-	-	-	17	16	0.95	-0.07
DHsGV100	DHsGV100007	ENSG0000	XM_011542	105378951	LOC10537	collagen alt	-	-	-	90	47	0.52	-0.94
DHsGV100	DHsGV100034	ENSG0000	NM_003337	7320	UBE2B	ubiquitin co	GO:000020	GO:000484	GO:000078	31	27	0.85	-0.24
DHsGV100	DHsGV100004	-	NR_038942	100630918	PARTICL	promoter o	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV100013	ENSG0000	-	100271715	ARHGEF33	Rho guanin	GO:003502	GO:000508	-	-	3	-	-
CHsGV100	CHsGV100009	ENSG0000	NM_001013	541578	CXorf40B	chromosom	-	-	-	81	67	0.82	-0.29
CHsGV100	CHsGV100021	ENSG0000	NR_131338	493869	GPX8	glutathione	GO:000030	GO:000460	GO:0005788	endoplasmic reticulum lumen,GO	-	-	-
AHsV10000	AHsV10000685	ENSG0000	-	-	RP11-34F2	-	-	-	-	-	-	-	-
H30000898	H300008986	ENSG0000	NM_001039	431704	RGS21	regulator o	GO:000996	GO:000509	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005886	plasma m	-	-
H20000647	H200006474	ENSG0000	NM_007254	11284	PNKP	polynucleot	GO:000071	GO:000368	GO:000563	230	207	0.90	-0.15
H20000524	H200005244	ENSG0000	XM_005255	10664	CTCF	CCCTC-bin	GO:000012	GO:000097	GO:000077	352	332	0.94	-0.09
H20001104	H200011045	ENSG0000	NM_000635	5990	RFX2	regulatory f	GO:000635	GO:000097	GO:000563	33	38	1.16	0.21
H30001886	H300018862	ENSG0000	NM_001171	5467	PPARD	peroxisome	GO:000012	GO:000122	GO:000079	31	39	1.24	0.32
H20001616	H200016160	ENSG0000	NM_000554	1406	CRX	cone-rod h	GO:000635	GO:000097	GO:000563	59	52	0.89	-0.17
H30001148	H300011488	ENSG0000	XM_011545	84649	DGAT2	diacylglyce	GO:000607	GO:000384	GO:000573	13	15	1.12	0.17
H20000242	H200002422	ENSG0000	NM_001206	10618	TGOLN2	trans-golgi	GO:000689	GO:000551	GO:000565	52	60	1.16	0.21
H20000296	H200002960	ENSG0000	XM_011522	8120	AP3B2	adaptor rel	GO:000688	GO:000521	GO:000565	21	23	1.09	0.13
H20000014	H200000149	ENSG0000	NM_001086	13	AADAC	arylaceta	GO:000680	GO:000382	GO:000578	6	10	1.81	0.85
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_031962	83900	KRTAP9-3	keratin ass	-	-	GO:004509	90	75	0.84	-0.26
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011520	10526	IPO8	importin 8	GO:000660	GO:000551	GO:000563	127	153	1.20	0.26
H30000443	H300004432	ENSG0000	NM_001142	51333	ZNF771	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	32	28	0.87	-0.19
H20001529	H200015299	ENSG0000	NM_001042	8869	ST3GAL5	ST3 beta-g	GO:000157	GO:000383	GO:000013	84	89	1.06	0.08
H20001371	H200013715	ENSG0000	NM_006742	5681	PSKH1	protein ser	GO:000646	GO:000467	GO:000557	65	96	1.48	0.57
H20000964	H200009643	ENSG0000	NM_004136	3658	IREB2	iron respon	GO:000682	GO:000372	GO:000573	329	262	0.80	-0.33
H20000680	H200006805	ENSG0000	NM_002693	5428	POLG	polymerase	GO:000625	GO:000202	GO:000573	187	156	0.84	-0.26
H30000121	H300001214	ENSG0000	NM_001164	10226	PLIN3	perilipin 3	GO:001619	GO:000551	GO:000573	1540	1228	0.80	-0.33
H20001265	H200012652	ENSG0000	NM_014466	27285	TEKT2	tektin 2	GO:003031	-	GO:0005634	nucleus,G	7	-	-
H30000611	H300006110	ENSG0000	NM_001003	8911	CACNA1I	calcium vol	GO:000681	GO:000524	GO:000588	18	19	1.02	0.03
H30001844	H300018443	ENSG0000	NM_001300	8498	RANBP3	RAN bindin	GO:001503	GO:000551	GO:000563	40	34	0.84	-0.26
H20001901	H200019018	ENSG0000	NM_001289	54899	PXK	PX domain	GO:000646	GO:000016	GO:000563	138	136	0.98	-0.02
H20001076	H200010769	-	NM_001145	9437	NCR1	natural cyt	GO:000696	GO:000505	GO:0005886	plasma m	7	-	-
H20001747	H200017479	ENSG0000	NM_012228	22921	MSRB2	methionine	GO:000635	GO:000370	GO:000573	210	233	1.11	0.15
H30002164	H300021647	ENSG0000	NM_001166	3423	IDS	iduronate 2	GO:000597	GO:000442	GO:004320	58	48	0.82	-0.28
H20000077	H200000774	ENSG0000	XM_011535	3066	HDAC2	histone dea	GO:000012	GO:000097	GO:000079	783	768	0.98	-0.03
H30002061	H300020614	ENSG0000	XM_005251	1612	DAPK1	death-asso	GO:000646	GO:000467	GO:000573	34	32	0.94	-0.09
H20001382	H200013829	ENSG0000	XM_011522	10200	MPHOSPH	M-phase p	GO:000046	GO:000372	GO:000017	964	786	0.82	-0.30
H20001572	H200015723	ENSG0000	NM_004831	9441	MED26	mediator co	GO:000635	GO:000110	GO:000565	42	43	1.01	0.02
H20001529	H200015295	ENSG0000	NR_130153	5013	OTX1	orthodentic	GO:000636	GO:000097	GO:000563	32	31	0.98	-0.03
H30000619	H300006194	ENSG0000	NM_002500	4760	NEUROD1	neuronal di	GO:000332	GO:000097	GO:000563	10	17	1.64	0.71
H20001736	H200017363	ENSG0000	NM_013278	27189	IL17C	interleukin	GO:000695	GO:000512	GO:000561	6	9	1.43	0.52
opHsV0400	opHsV0400003	-	NM_181491	6837	MED22	mediator co	GO:000635	GO:000110	GO:000573	81	75	0.93	-0.11
H30000844	H300008448	ENSG0000	NM_153446	124872	B4GALNT2	beta-1,4-N	GO:000604	GO:000837	GO:001602	24	24	0.97	-0.04
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001206	1769	DNAH8	dynein axo	GO:000153	GO:000377	GO:000585	22	24	1.06	0.08
H20001611	H200016114	ENSG0000	XM_005257	8689	KRT36	keratin 16,	GO:000815	GO:003028	GO:000588	24	20	0.85	-0.24
H20000562	H200005624	-	NM_000223	3859	KRT12	keratin 12,	GO:000760	GO:000519	GO:000588	222	129	0.58	-0.79
H30002219	H300022196	ENSG0000	NM_018023	55689	YEATS2	YEATS dor	GO:000012	GO:000551	GO:000567	217	287	1.32	0.40
H20000446	H200004463	ENSG0000	NR_126526	54963	UCKL1	uridine-cyt	GO:000620	GO:000484	GO:000563	275	210	0.76	-0.39
H30001964	H300019642	ENSG0000	XM_011538	4891	SLC11A2	solute carr	GO:000166	GO:000537	GO:000563	124	86	0.70	-0.52
H30000285	H300002854	ENSG0000	XM_011519	1109	AKR1C4	aldo-keto r	GO:000152	GO:000175	GO:000573	227	217	0.96	-0.07
H20001565	H200015651	ENSG0000	XM_011535	55862	ECHDC1	ethylmalon	GO:000815	GO:000449	GO:000582	1175	805	0.68	-0.55
H20000699	H200006998	ENSG0000	NR_073492	8799	PEX11B	peroxisoma	GO:000703	GO:000551	GO:000577	250	200	0.80	-0.32
H20001303	H200013035	ENSG0000	NM_001163	9468	PCYT1B	phosphate	GO:000154	GO:000410	GO:000573	8	15	1.89	0.92
H20001744	H200017440	ENSG0000	XM_011538	4284	MIP	major intrin	GO:000208	GO:000521	GO:0005783	endoplas	7	-	-
H30000617	H300006179	ENSG0000	NM_001302	117583	PARD3B	par-3 famil	GO:000704	-	GO:000592	43	35	0.81	-0.30
H20000086	H200000862	ENSG0000	XM_005252	9128	PRPF4	pre-mRNA	GO:000037	GO:000551	GO:000563	693	539	0.78	-0.36
H20000061	H200000611	ENSG0000	XM_006718	5450	POU2AF1	POU class	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus	-	-	-
H20001744	H200017448	ENSG0000	XM_011545	51108	METTL9	methyltran	-	GO:000551	-	18	33	1.82	0.86
H30002186	H300021864	ENSG0000	XM_006720	23162	MAPK8IP3	mitogen-ac	GO:000170	GO:000507	GO:000013	148	105	0.71	-0.50
H20001536	H200015364	ENSG0000	NM_000852	2950	GSTP1	glutathione	GO:000030	GO:000436	GO:000561	4098	2366	0.58	-0.79
DHsTV100	DHsTV1000005	-	-	-	-	-	-	-	-	36	31	0.86	-0.21
H20000635	H200006350	ENSG0000	NM_014756	9793	CKAP5	cytoskelet	GO:000008	GO:000551	GO:000092	841	697	0.83	-0.27
H20000218	H200002183	-	NM_003587	8449	DHX16	DEAH-box	GO:000639	GO:000372	GO:000563	716	520	0.73	-0.46
H30000936	H300009363	ENSG0000	NM_005431	7516	XRCC2								

H30001819	H300018198	ENSG0000	XM_011524	3213	HOXB3	homeobox	GO:000012	GO:000097	GO:000563	215	141	0.66	-0.60		
H30002207	H300022071	ENSG0000	NM_002111	3064	HTT	huntingtin	GO:000005	GO:000203	GO:000563	60	61	1.01	0.01		
H30000101	H300001012	ENSG0000	NM_002073	2781	GNAZ	guanine nu	GO:000718	GO:000392	GO:000563	144	111	0.77	-0.37		
H30002098	H300020984	ENSG0000	XM_011518	3190	HNRNPK	heterogene	GO:000012	GO:000097	GO:000079	3019	2468	0.82	-0.29		
H20001457	H200014578	ENSG0000	NM_017545	54363	HAO1	hydroxyaci	GO:000156	GO:000397	GO:000577	5	7	1.37	0.46		
H20000414	H200004140	ENSG0000	NR_052019	23557	SNAPIN	SNAP asso	GO:000688	GO:000014	GO:000013	451	398	0.88	-0.18		
H20001122	H200011223	ENSG0000	NM_001199	8973	CHRNA6	cholinergic	GO:000681	GO:000488	GO:000588	6	13	2.25	1.17		
H20001216	H200012164	ENSG0000	XM_005253	7251	TSG101	tumor susc	GO:000155	GO:000367	GO:000081	516	576	1.12	0.16		
H30000404	H300004048	ENSG0000	XM_011542	7293	TNFRSF4	tumor necr	GO:000695	GO:000161	GO:000588	22	21	0.96	-0.05		
H20000177	H200001770	ENSG0000	XM_011521	6263	RYR3	ryanodine r	GO:000681	GO:000521	GO:0016021	integral c	4				
H20000238	H200002387	ENSG0000	XM_005256	6341	SCO1	SCO1 cyto	GO:000609	GO:000550	GO:000573	393	220	0.56	-0.84		
H30000300	H300003007	ENSG0000	NM_014222	4702	NDUFA8	NADH:ubiq	GO:000612	GO:000813	GO:000573	5454	3492	0.64	-0.64		
H30000389	H300003899	ENSG0000	NM_005570	3998	LMAN1	lectin, man	GO:000645	GO:000551	GO:000013	227	244	1.08	0.10		
H20001932	H200019327	ENSG0000	NM_001319	83939	EIF2A	eukaryotic	GO:000641	GO:000004	GO:000561	1920	1563	0.81	-0.30		
H20001645	H200016459	ENSG0000	NM_012129	9069	CLDN12	claudin 12	GO:001633	GO:000519	GO:000592	313	317	1.01	0.02		
H20001301	H200013011	ENSG0000	NM_002646	5287	PIK3C2B	phosphatid	GO:000664	GO:000172	GO:000563	142	127	0.89	-0.16		
H30001966	H300019668	ENSG0000	XM_005255	5310	PKD1	polycystin	GO:000150	GO:000526	GO:000013	23	23	0.97	-0.04		
H30001307	H300013079	ENSG0000	XM_005256	5187	PER1	period circa	GO:000012	GO:000097	GO:000563	41	23	0.57	-0.80		
H30002214	H300022147	ENSG0000	NM_001042	8425	LTBP4	latent trans	GO:000155	GO:000502	GO:000557	85	67	0.79	-0.34		
H20000749	H200007495	ENSG0000	NM_018490	55366	LGR4	leucine-ric	GO:000164	GO:000488	GO:000588	71	66	0.93	-0.10		
H20000416	H200004165	ENSG0000	NM_001128	56884	FSTL5	folliculin li	-	GO:000550	GO:0005576	extracellular region					
H30002143	H300021433	ENSG0000	NM_001171	131408	FAM131A	family with	-	-	GO:000557	78	96	1.22	0.29		
H30000055	H300000556	ENSG0000	NM_001303	23466	CBX6	chromobox	GO:000012	GO:000372	GO:0000792	heterochromatin,GO:0005634	nu				
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_021005	7026	NR2F2	nuclear rec	GO:000012	GO:000197	GO:000563	474	388	0.82	-0.29		
H30002230	H300022308	ENSG0000	NM_175723	6758	SSX5	synovial sa	GO:000635	GO:000367	GO:000563	569	330	0.58	-0.79		
H20000723	H200007234	ENSG0000	XM_005251	2516	NR5A1	nuclear rec	GO:000155	GO:000097	GO:000563	25	28	1.13	0.18		
H20000416	H200004163	ENSG0000	XM_011534	1879	EBF1	early B-ce	GO:000636	GO:000097	GO:000563	8	13	1.62	0.69		
H20001048	H200010488	ENSG0000	NM_006037	9759	HDAC4	histone dea	GO:000012	GO:000102	GO:000011	43	54	1.25	0.33		
H30000173	H300001730	ENSG0000	XM_006715	29803	REPIN1	replication	GO:000626	GO:000367	GO:000563	1453	815	0.56	-0.83		
H20000565	H200005653	ENSG0000	NM_033280	90701	SEC11C	SEC11 hom	GO:000641	GO:000823	GO:000578	507	492	0.97	-0.04		
H20000006	H200000066	ENSG0000	NM_001270	2538	G6PC	glucose-6-	GO:000597	GO:000434	GO:000578	51	47	0.92	-0.11		
H20000475	H200004753	ENSG0000	NM_001127	2554	GABRA1	gamma-am	GO:000681	GO:000489	GO:0005886	plasma m	7				
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	-	-	MT-ND5	mitochondr	-	-	-	2247	1412	0.63	-0.67		
H20000422	H200004220	ENSG0000	NM_003221	7021	TFAP2B	transcripti	GO:000012	GO:000097	GO:0005634	nucleus	4				
H30000748	H300007485	ENSG0000	XM_011540	6832	SUPV3L1	Suv3 like R	GO:000095	GO:000367	GO:000563	661	507	0.77	-0.38		
H30000764	H300007643	ENSG0000	NR_002162	432369	ATP5EP2	ATP synth	GO:001598	GO:001688	GO:000027	1923	1806	0.94	-0.09		
H30001434	H300014340	ENSG0000	NM_004077	1431	CS	citrate syn	GO:000597	GO:000410	GO:000563	200	169	0.85	-0.24		
H20001916	H200019160	ENSG0000	XM_011540	81894	SLC25A28	solute carr	GO:000641	GO:000373	GO:000574	122	92	0.75	-0.41		
H20001147	H200011473	ENSG0000	NM_020866	57626	KLHL1	kelch like f	GO:000762	GO:000377	GO:000573	64	66	1.04	0.05		
H20000740	H200007405	ENSG0000	NM_005401	5784	PTPN14	protein tyr	GO:000194	GO:000371	GO:000563	6	14	2.17	1.11		
H30000501	H300005017	ENSG0000	NR_110835	23510	KCTD2	potassium	GO:005126	GO:003240	-	29	42	1.46	0.54		
H20001453	H200014536	ENSG0000	XM_011542	3762	KCNJ5	potassium	GO:000681	GO:000524	GO:000588	20	21	1.05	0.07		
H30000376	H300003762	ENSG0000	NM_001145	220213	OTUD1	OTU deubi	GO:007053	GO:000484	-		8				
H20001279	H200012797	ENSG0000	XM_011518	4851	NOTCH1	notch 1	GO:000012	GO:000104	GO:000013	23	22	0.93	-0.11		
H20000378	H200003786	ENSG0000	XM_005258	23255	MTCL1	microtubule	GO:000157	GO:000551	GO:000092	5	13	2.74	1.45		
H20000249	H200002490	ENSG0000	XM_011544	55756	INTS9	integrator d	GO:001618	GO:000551	GO:000565	540	414	0.77	-0.38		
H20000603	H200006039	ENSG0000	NM_001144	1996	ELAVL4	ELAV like r	GO:000639	GO:000016	-						
H20000099	H200000993	ENSG0000	NR_133648	8813	DPM1	dolichyl-ph	GO:000648	GO:000416	GO:000563	1504	1199	0.80	-0.33		
H30002018	H300020184	ENSG0000	NR_045557	8725	URI1	URI1 prefo	GO:000012	GO:000110	GO:000563	599	672	1.12	0.17		
H20001108	H200011080	ENSG0000	XM_005257	9570	GOSR2	golgi SNAP	GO:000688	GO:000014	GO:000013	312	316	1.01	0.02		
H20000363	H200003638	ENSG0000	XM_011534	7574	ZNF26	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	57	58	1.02	0.02		
H20001583	H200015837	ENSG0000	NM_017770	54898	ELOVL2	ELOVL fatt	GO:000663	GO:000551	GO:000578	6	14	2.31	1.21		
H20001762	H200017625	ENSG0000	NM_024942	80007	C10orf88	chromosom	-	GO:004280	-	57	70	1.23	0.30		
H20001350	H200013502	ENSG0000	NM_020779	57539	WDR35	WD repeat	GO:000699	GO:003509	GO:000581	83	73	0.88	-0.18		
H20000831	H200008313	ENSG0000	XM_011538	8825	LIN7A	lin-7 homo	GO:000646	GO:000551	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005911	c				
H20001753	H200017536	ENSG0000	XM_011542	28960	DCPS	decapping	GO:000028	GO:000034	GO:000563	251	253	1.01	0.02		
H20001542	H200015427	ENSG0000	NM_001300	92960	PEX11G	peroxisoma	GO:001655	GO:000551	GO:000577	9	11	1.24	0.30		
H20000312	H200003126	ENSG0000	NM_001165	29106	SCG3	secretogra	GO:000257	GO:004482	GO:000557	49	29	0.59	-0.77		
H20001395	H200013957	ENSG0000	NM_012465	7093	TLL2	tolloid like	GO:000650	GO:000422	GO:0005576	extracellular region					
H20000704	H200007044	ENSG0000	NM_001136	57655	GRAMD1A	GRAM dom	-	GO:000551	GO:001602	197	204	1.04	0.05		
H30001949	H300019494	ENSG0000	NM_001256	83875	BCO2	beta-carot	GO:000152	GO:001670	GO:000562	8	10	1.15	0.20		
H30000963	H300009639	ENSG0000	XR_429472	79661	NEIL1	nei like DN	GO:000628	GO:000368	GO:000563	64	57	0.90	-0.15		
H20001140	H200011401	ENSG0000	XM_011524	55106	SLFN12	schlafen fa	-	GO:000552	-						
H20000845	H200008455	ENSG0000	NM_001286	57691	KIAA1586	KIAA1586	GO:001692	GO:000367	-	263	235	0.89	-0.17		
H20000441	H200004419	ENSG0000	NM_001142	84514	GHDC	GH3 domai	GO:000815	GO:000367	GO:000563	35	39	1.12	0.16		
H20001222	H200012229	ENSG0000	NM_015934	51602	NOP58	NOP58 rib	GO:000015	GO:000109	GO:000563	4393	2706	0.62	-0.70		
H20001100	H200011004	ENSG0000	NM_007009	11055	ZPBP	zona pelluc	GO:000167	-	GO:0001669	acrosomal vesicle,GO:0002199	z				
H20000498	H200004984	ENSG0000	NM_182627	348793	WDR53	WD repeat	-	-	-	255	234	0.92	-0.13		
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001004	339398	LINGO4	leucine ric	GO:000740	-	GO:001602	10	12	1.19	0.25		
H30001957	H300019576	ENSG0000	NR_123715	160851	DGKH	diacylglyce	GO:000720	GO:000414	GO:000563	4	9	2.31	1.21		
H30000541	H300005419	ENSG0000	NM_182828	151449	GDF7	growth diff	GO:000741	GO:000512	GO:000561	14	15	1.14	0.19		
H20001618	H200016187	-	NR_104026	115290	FBXO17	F-box prot	-	GO:000194	GO:001900	130	108	0.83	-0.27		
H20000838	H200008389	ENSG0000	XM_006716	96764	TGS1	trimethylgu	GO:000038	GO:000551	GO:000561	231	198	0.85	-0.23		
H20000700	H200007006	ENSG0000	NM_005643	6882	TAF11	TATA-box	GO:000635	GO:000371	GO:000565	680	564	0.83	-0.27		
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_031287	83443	SF3B5	splicing fac	GO:000039	-	GO:000563	8936	5355	0.60	-0.74		
H20000369	H200003699	ENSG0000	XM_011525	27098	CLUL1	clusterin li	GO:000821	-	GO:0005576	extracellu	5				
H20001269	H200012696	ENSG0000	XM_006721	57547	ZNF624	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus	11				
H20000675	H200006750	ENSG0000	NM_198595	60312	AFAP1	actin filame	GO:000996	GO:000377	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005856	cytoskele				
H20000692	H200006920	ENSG0000	NM_001291	4548	MTR	5-methylte	GO:000009	GO:000551	GO:000573	272	311	1.14	0.19		
H20000196	H200001962	ENSG0000	NR_133654	79084	WDR77	WD repeat	GO:000038	GO:000551	GO:000563	877	617	0.70	-0.51		
H20001198	H200011985	ENSG0000	NM_005908	4126	MANBA	mannosidas	GO:000597	GO:000456	GO:000576	144	159	1.11	0.15		
H20000497	H200004973	ENSG0000	XM_005257	57508	INTS2	integrator d	GO:001618	GO:000551	GO:0005						

H20000341	H200003410	ENSG0000	NM_001253	55311	ZNF444	zinc finger	GO:000635	GO:000098	GO:000563	48	39	0.80	-0.32
H20000165	H200001657	ENSG0000	NM_017803	54920	DUS2	dihydrourid	GO:000294	GO:000372	GO:000573	554	354	0.64	-0.65
H20001155	H200011551	ENSG0000	NM_001048	29128	UHRF1	ubiquitin lik	GO:000012	GO:000098	GO:000079	530	383	0.72	-0.47
H20000368	H200003684	ENSG0000	XM_011535	112611	RWD2A	RWD doma	-	-	-	43	48	1.13	0.18
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_175924	286676	ILDR1	immunoglot	GO:000689	GO:007050	GO:000582	11	14	1.29	0.37
opHsV0400	opHsV0400001	-	NM_001099	283869	NPW	neuropeptid	GO:000718	GO:000166	GO:000557	1432	982	0.69	-0.54
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_011523	146760	RTN4RL1	reticulon 4	GO:000646	GO:000486	GO:000573	50	50	1.00	0.00
H30000405	H300004050	ENSG0000	NM_183240	140738	TMEM37	transmemb	GO:003476	GO:000524	GO:001602	10	14	1.35	0.43
H20000817	H200008171	ENSG0000	XM_005271	90952	ESAM	endothelial	GO:000715	-	GO:000588	162	112	0.69	-0.53
H20001808	H200018084	ENSG0000	NM_001102	85397	RGS8	regulator o	GO:000721	GO:000509	GO:000563	11	15	1.38	0.46
H30000523	H300005237	-	NM_021177	57819	LSM2	LSM2 hom	GO:000028	GO:000372	GO:000093	2665	1769	0.66	-0.59
H20000725	H200007254	ENSG0000	NM_001278	114902	C1QTNF5	C1q and tu	-	-	GO:000558	110	84	0.76	-0.39
H20001066	H200010662	ENSG0000	XR_934623	9755	TBKBP1	TBK1 bindi	GO:004508	GO:000551	-	89	77	0.86	-0.21
H20000154	H200001548	ENSG0000	NM_001033	9901	SRGAP3	SLIT-ROB	GO:000726	GO:000509	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005829	cytosol		
H20001093	H200010930	ENSG0000	NM_001008	127391	TMCO2	transmemb	-	-	GO:0005634	nucleus,GO:0016021	integral com		
H20001210	H200012103	ENSG0000	NM_031288	83444	INO80B	INO80 com	GO:000628	GO:000551	GO:000563	107	88	0.82	-0.29
H20000790	H200007901	ENSG0000	NM_012382	23548	TTC33	tetratricop	-	GO:000551	-	198	179	0.90	-0.15
H20000023	H200000230	ENSG0000	NM_002900	5949	RBP3	retinol bind	GO:000152	GO:000550	GO:000557	19	18	0.96	-0.07
H20000519	H200005190	ENSG0000	NM_001002	221830	TWISTNB	TWIST neig	GO:000636	GO:000105	GO:000563	447	315	0.70	-0.51
H20000374	H200003744	ENSG0000	NM_021215	58490	RPRD1B	regulation d	GO:000635	GO:000099	GO:000563	320	244	0.76	-0.39
H20001904	H200019048	ENSG0000	XM_006720	79882	ZC3H14	zinc finger	GO:004348	GO:000551	GO:000563	707	622	0.88	-0.18
H20000152	H200001528	ENSG0000	NM_014177	29090	TIMM21	translocase	GO:000662	GO:000367	GO:000574	1084	661	0.61	-0.71
H20000300	H200003002	ENSG0000	NM_020165	56852	RAD18	RAD18, E3	GO:000628	GO:000040	GO:000078	617	457	0.74	-0.43
H30001868	H300018687	ENSG0000	NM_024885	54457	TAF7L	TATA-box	GO:000635	GO:000367	GO:000566	14	17	1.24	0.32
H20001740	H200017400	ENSG0000	NM_013435	30062	RAX	retina and	GO:000636	GO:000097	GO:000563	11	12	1.11	0.15
H20001875	H200018757	-	XR_927614	84214	LOC84214	uncharacte	-	-	-		4		
H20000541	H200005417	-	XM_011538	91419	ATP23	ATP23 met	GO:000630	GO:000422	GO:000588	585	404	0.69	-0.53
H20001927	H200019275	ENSG0000	XM_005255	123775	C16orf46	chromosom	-	-	GO:0005634	nucleus,G	3		
H20001113	H200011137	ENSG0000	XM_011522	113000	RPUSD1	RNA pseud	GO:000815	GO:000367	GO:000557	69	45	0.65	-0.62
H20000439	H200004397	ENSG0000	XR_934474	51226	COPZ2	coatome p	GO:000688	-	GO:000013	5	10	2.07	1.05
H30000621	H300006218	ENSG0000	XM_011544	256364	EML3	echinoderm	-	-	GO:000573	183	158	0.86	-0.21
H30000926	H300009262	ENSG0000	NR_126450	245936	DEFB123	defensin be	GO:004274	-	GO:000557	18	17	0.91	-0.13
opHsV0400	opHsV0400005	-	NM_206919	132946	ARL9	ADP ribosy	GO:000726	GO:000552	GO:000562	43	36	0.85	-0.23
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XM_011509	128239	IQGAP3	IQ motif co	GO:000008	GO:000509	GO:000582	34	65	1.94	0.96
H20001085	H200010858	ENSG0000	NM_032567	84654	SPZ1	spermatoge	GO:000635	GO:000367	GO:000563	33	27	0.81	-0.31
H20000458	H200004584	ENSG0000	XM_011538	84216	TMEM117	transmemb	GO:000815	GO:000367	GO:000578	24	34	1.43	0.51
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_019845	56475	RPRM	reprim, TF	GO:000705	GO:000551	GO:000573	21	27	1.28	0.35
H20000124	H200001245	ENSG0000	NM_007285	11345	GABARAP	GABA(A) r	GO:000004	GO:000014	GO:000013	2543	1834	0.72	-0.47
H20001872	H200018727	ENSG0000	NM_031959	83897	KRTAP3-2	keratin ass	-	GO:000519	GO:0045095	keratin filament			
H20001590	H200015909	ENSG0000	NM_001005	135946	OR6B1	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in		
H20000496	H200004965	ENSG0000	NM_178123	91404	SESTD1	SEC14 and	-	GO:000178	GO:003470	38	38	1.01	0.02
H20001769	H200017695	ENSG0000	NM_018937	56132	PCDH3B	protocadhe	GO:000715	GO:000550	GO:0005887	integral component of plasma me			
H20001302	H200013025	ENSG0000	XM_011514	222642	TSPO2	translocato	GO:000681	GO:001548	GO:000578	44	42	0.95	-0.07
H20001209	H200012097	ENSG0000	NM_001375	1777	DNASE2	deoxyribon	GO:000073	GO:000367	GO:000576	77	165	2.13	1.09
H20002049	H200020493	ENSG0000	NM_001001	92609	TIMM50	translocase	GO:000183	GO:000372	GO:000565	1252	793	0.64	-0.65
H20000444	H200004442	ENSG0000	NM_019103	55954	ZMAT5	zinc finger	GO:000039	GO:000827	GO:000565	147	113	0.77	-0.38
H20000575	H200005756	ENSG0000	NR_130910	29799	YPEL1	yippee like	-	-	GO:000563	12	16	1.38	0.46
H20001432	H200014328	ENSG0000	NM_003411	7544	ZFY	zinc finger	GO:000635	GO:000097	GO:0005634	nucleus	3		
H20001607	H200016078	ENSG0000	NM_005315	2928	GSC2	gooseoid	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus			
H20000387	H200003878	ENSG0000	NM_012384	26205	GMEB2	glucocortic	GO:000635	GO:000097	GO:000563	56	60	1.08	0.12
H20001136	H200011364	ENSG0000	NM_015106	23132	RAD54L2	RAD54-like	GO:000815	GO:000367	GO:001660	62	66	1.05	0.07
H20001252	H200012524	ENSG0000	NM_174911	157638	FAM84B	family with	-	GO:000551	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005886	plasma m		
H20000089	H200000890	ENSG0000	NM_018711	55530	SVOP	SV2 relate	GO:005508	GO:002289	GO:0008021	synaptic v	5		
H20001270	H200012707	ENSG0000	XM_011518	158067	AK8	adenylate	GO:000616	GO:000401	GO:0005829	cytosol,G	3		
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_212559	402415	XKRX	XK related,	-	-	GO:000588	6	16	2.66	1.41
H30000270	H300002707	ENSG0000	XM_011524	388364	TMIGD1	transmemb	-	-	GO:0016021	integral c	3		
H30001785	H300017855	ENSG0000	XM_005252	203859	ANO5	anoctamin	GO:000682	GO:000522	GO:0005622	intracellul	6		
H30000461	H300004619	ENSG0000	NM_138820	192286	HIGD2A	HIG1 hypox	GO:004306	-	GO:000574	1143	1020	0.89	-0.16
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_182854	124460	SNX20	sorting nex	GO:001503	GO:000551	GO:000563	6	10	1.76	0.82
H30001913	H300019136	ENSG0000	XM_011537	117177	RAB31P	RAB3A int	GO:000661	GO:000551	GO:000563	138	116	0.84	-0.26
H30000611	H300006119	ENSG0000	NM_031282	83417	FCRL4	Fc recepto	GO:000225	GO:000551	GO:000588	9	16	1.87	0.90
H20000546	H200005465	ENSG0000	XM_005251	80380	PDCD1LG2	programme	GO:000695	GO:000367	GO:0005886	plasma m	6		
H30002176	H300021769	ENSG0000	NM_006051	10307	APBB3	amyloid bet	GO:000635	GO:000154	GO:000563	39	40	1.00	0.01
H20001995	H200019950	ENSG0000	NM_003673	8557	TCAP	titin-cap	GO:000175	GO:000551	GO:000582	49	55	1.13	0.17
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011540	84457	PHYHIPL	phytanoyl-	-	GO:000551	GO:0005737	cytoplasm	5		
H30000574	H300005748	ENSG0000	NM_080859	392392	OR1K1	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in		
H30002237	H300022375	ENSG0000	NM_014991	23001	WDFY3	WD repeat	GO:000815	GO:000383	GO:000563	42	58	1.40	0.48
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_144772	128240	APOA1BP	apolipoprot	GO:000815	GO:000016	GO:000557	770	705	0.92	-0.13
H30000933	H300009339	ENSG0000	NM_052852	90649	ZNF486	zinc finger	GO:000635	GO:000097	GO:000563	79	114	1.43	0.52
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_199046	374739	TEPP	testis, pros	-	-	GO:000557	43	35	0.82	-0.29
H30000976	H300009765	ENSG0000	NM_001039	220134	SKA1	spindle and	GO:000027	GO:000551	GO:000094	173	229	1.33	0.41
H30000585	H300005859	ENSG0000	NM_001256	83539	CHST9	carbohydra	GO:000597	GO:000153	GO:0000139	Golgi membrane,GO:0005576	ext		
H20001765	H200017657	ENSG0000	NM_080282	10349	ABCA10	ATP bindin	GO:000686	GO:000552	GO:0016021	integral c	9		
H20000234	H200002348	ENSG0000	NR_131769	79616	CCNJL	cyclin J lik	-	-	GO:000563	29	28	0.95	-0.08
H20000159	H200001593	ENSG0000	NM_145243	115209	OMA1	OMA1 zinc	GO:000202	GO:000422	GO:000574	338	305	0.90	-0.15
H20000094	H200000949	ENSG0000	NR_073062	90550	MCU	mitochondr	GO:000685	GO:000526	GO:000573	243	225	0.92	-0.11
H20000235	H200002350	ENSG0000	NR_037703	9616	RNF7	ring finger	GO:003114	GO:000550	GO:000563	1354	1193	0.88	-0.18
H30000815	H300008155	ENSG0000	NM_144644	132851	SPATA4	spermatoge	-	GO:000367	GO:0005575	cellular component,GO:0005737			
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_011515	10135	NAMPT	nicotinamid	GO:000676	GO:000451	GO:000561	983	967	0.98	-0.02
H30000611	H300006111	ENSG0000	NM_173563	222826	FAM217A	family with	-	-	-	16	21	1.27	0.35
H30002030	H300020308	ENSG0000	NM_138386	92345	NAF1	nuclear ass	GO:000152	GO:000372	GO:000563	7	9	1.28	0.36
H30000126	H300001264	ENSG0000	XM_011524	115024	NT5C3B	5'-nucleoti	GO:000028	GO:000016	GO:000582	2325	1289	0.55	-0.85
H30002015	H300020153	ENSG0000	XM_011524	9611	NCOR1	nuclear rec	GO:000012	GO:000101	GO:0				

H20001409	H200014091	ENSG0000	XM_005251	137886	UBXN2B	UBX domain	GO:000703	GO:000551	GO:000563	152	173	1.14	0.19
H30001226	H300012264	ENSG0000	NM_005181	761	CA3	carbonic anhydrase	GO:000673	GO:000408	GO:000582	31	29	0.94	-0.09
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_152284	92421	CHMP4C	charged multimer	GO:000092	GO:000551	GO:000081	80	177	2.21	1.14
H30000680	H300006805	ENSG0000	-	-	AC011999	-	-	-	-	-	3	-	-
H30002083	H300020831	ENSG0000	NM_032029	83953	FCAMR	Fc fragment binding	GO:000225	-	GO:000588	9	14	1.52	0.60
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NR_027873	94104	PAXBP1	PAX3 and PAX7 binding	GO:000635	GO:000097	GO:000563	232	195	0.84	-0.25
H30002067	H300020676	ENSG0000	XR_949874	26005	C2CD3	C2 calcium domain	GO:000170	GO:000551	GO:000581	28	28	1.01	0.02
H30000994	H300009941	ENSG0000	NM_145253	124402	UBALD1	UBA like domain	-	-	-	61	45	0.75	-0.42
H30000031	H300000311	ENSG0000	NM_152665	200132	TCTEX1D1	Tctex1 domain	-	GO:000551	-	-	-	-	-
H20001314	H200013149	ENSG0000	NM_024770	79828	METTL8	methyltransferase	GO:003225	GO:000816	GO:000563	591	399	0.68	-0.57
H20001052	H200010521	ENSG0000	NM_007023	11069	RAPGEF4	Rap guanine nucleotide exchange factor	GO:000611	GO:000508	GO:000582	6	12	1.93	0.95
H20001309	H200013098	ENSG0000	NM_011520	27315	PGAP2	post-GPI attachment	GO:000650	GO:000551	GO:000013	235	184	0.78	-0.35
H20000413	H200004138	ENSG0000	XM_011509	25912	C1orf43	chromosome	GO:005511	GO:001649	GO:001602	2673	2943	1.10	0.14
H20000401	H200004011	ENSG0000	NM_001167	10084	PQBP1	polyglutamine	GO:000038	GO:000367	GO:000563	1559	1083	0.69	-0.53
H30000622	H300006221	ENSG0000	NM_001242	100128496	C20orf78	chromosome	-	-	-	-	3	-	-
H30000081	H300000813	ENSG0000	XM_011520	7761	ZNF214	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634 nucleus	-	3	-	-
H30000584	H300005845	ENSG0000	-	553117	RPL39P5	ribosomal protein	GO:000641	GO:000372	GO:002262	1736	2090	1.20	0.27
H30000202	H300002025	ENSG0000	NM_020864	57624	NYAP2	neuronal tyrosine phosphatase	GO:001406	GO:000551	GO:0005622 intracellular	-	6	-	-
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011521	146050	ZSCAN29	zinc finger	GO:000635	GO:000098	GO:000563	5	17	3.62	1.86
H30000077	H300000779	ENSG0000	XM_011521	84945	ABHD13	abhydrolase	GO:000815	GO:001678	GO:001602	102	92	0.91	-0.14
H30001944	H300019442	ENSG0000	NM_199122	9238	TBRG4	transformin	GO:000646	GO:000467	GO:000573	529	266	0.50	-0.99
H30001941	H300019414	ENSG0000	XM_005256	79786	KLHL36	kelch like family	GO:001656	GO:000484	GO:003146	64	56	0.88	-0.19
H20001318	H200013186	ENSG0000	NM_005170	430	ASCL2	achaete-scute class 2	GO:000012	GO:000097	GO:000563	69	49	0.71	-0.49
H20000199	H200001990	ENSG0000	NM_024548	79598	CEP97	centrosomal protein	GO:000699	GO:000551	GO:000573	74	56	0.76	-0.40
H20001453	H200014532	ENSG0000	XM_011525	79915	ATAD5	ATPase family	GO:000697	GO:000552	GO:000563	179	178	1.00	-0.01
H20000070	H200000703	ENSG0000	NM_002761	5619	PRM1	protamine	GO:000632	GO:000367	GO:0000786 nucleosome	-	4	-	-
H20001650	H200016508	ENSG0000	NM_001201	5356	PLRG1	pleiotropic	GO:000039	GO:000551	GO:000097	1677	1405	0.84	-0.26
H30000172	H300001722	ENSG0000	NM_001077	57057	TBX20	T-box 20	GO:000012	GO:000097	GO:0005634 nucleus,GO:0005737 cytoplasm	-	-	-	-
H30002093	H300020933	ENSG0000	NM_152683	201973	PRIMPOL	primase and polymerase	GO:000626	GO:000368	GO:000563	176	221	1.26	0.33
H30000730	H300007304	ENSG0000	NR_024113	148423	C1orf52	chromosome	-	GO:004482	GO:000563	895	771	0.86	-0.21
H30000025	H300000252	ENSG0000	NM_002370	4116	MAGOH	mago homeobox	GO:000018	GO:000551	GO:000563	472	512	1.08	0.12
H30000494	H300004949	ENSG0000	XM_011518	257169	C9orf43	chromosome	-	GO:000551	-	80	65	0.82	-0.28
H30000044	H300000441	ENSG0000	NM_145236	93010	B3GNT7	UDP-GlcNAc 4-epimerase	GO:000597	GO:000837	GO:0000139 Golgi membrane	-	11	-	-
H30000792	H300007928	ENSG0000	NM_024775	79833	GEMIN6	gem nuclear protein	GO:000024	GO:000551	GO:000565	494	378	0.76	-0.39
H30000412	H300004129	ENSG0000	NR_026743	389932	AKR1C6P	aldo-keto reductase	-	-	-	-	9	-	-
H20000545	H200005457	ENSG0000	NR_051979	79711	IPO4	importin 4	GO:000005	GO:000551	GO:000079	529	306	0.58	-0.79
H20001461	H200014615	ENSG0000	XM_011521	23269	MGA	MGA, MAX	GO:000635	GO:000367	GO:000565	326	263	0.81	-0.31
H20001381	H200013812	ENSG0000	NM_001128	55435	APIAR	adaptor related	GO:000192	GO:001989	GO:000576	280	333	1.19	0.25
H20000176	H200001765	ENSG0000	NM_005161	187	APLNR	apelin receptor	GO:000718	GO:000487	GO:0005886 plasma membrane	-	6	-	-
H20000645	H200006458	ENSG0000	XM_011542	23187	PHLDB1	pleckstrin homology domain	GO:001047	-	GO:004518	43	42	0.98	-0.03
H30000995	H300009957	ENSG0000	XM_011519	254427	PROSER2	proline and serine	-	GO:000551	-	65	50	0.78	-0.36
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011517	7013	TERF1	telomeric repeat	GO:000008	GO:000367	GO:000078	173	166	0.96	-0.06
H30000724	H300007240	ENSG0000	NM_182528	165257	C1QL2	complement	GO:005125	GO:004280	GO:000557	242	187	0.77	-0.37
H30000049	H300000491	ENSG0000	-	200149	TUBB8P6	tubulin, beta	-	-	-	51	28	0.56	-0.84
H30000498	H300004982	ENSG0000	XM_011538	283431	GAS2L3	growth arrest	GO:000022	GO:000377	GO:000573	17	22	1.29	0.37
H30001995	H300019950	ENSG0000	NM_003948	8999	CDKL2	cyclin dependent kinase	GO:000646	GO:000467	GO:0005634 nucleus,GO:0005737 cytoplasm	-	7	-	-
H30001939	H300019391	ENSG0000	XM_011538	51347	TAOK3	TAO kinase	GO:000016	GO:000467	GO:000563	323	355	1.10	0.13
H30000945	H300009459	ENSG0000	NM_024529	79577	CDC73	cell division	GO:000012	GO:000099	GO:000078	215	217	1.01	0.01
H20002016	H200020161	ENSG0000	NM_173834	286451	YIPF6	Yip1 domain	GO:006057	GO:000551	GO:000578	411	355	0.86	-0.21
H20001502	H200015021	ENSG0000	NM_022469	64388	GREM2	gremlin 2, ligand	GO:001017	GO:000512	GO:0005576 extracellular	-	5	-	-
H20001234	H200012341	ENSG0000	NM_024741	79797	ZNF408	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	226	191	0.85	-0.24
H20000272	H200002723	ENSG0000	XM_005253	400073	C12orf76	chromosome	-	-	-	209	273	1.31	0.39
H20001115	H200011153	ENSG0000	NM_016932	10736	SIX2	SIX homeobox	GO:000182	GO:000097	GO:000563	35	29	0.83	-0.28
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	NM_174889	91942	NDUFAF2	NADH:ubiquinone	GO:002290	GO:000813	GO:000573	1531	1257	0.82	-0.28
H30000483	H300004832	ENSG0000	NM_182628	348807	CFAP100	cilia and flagellum	-	-	-	-	-	-	-
H30000038	H300000386	ENSG0000	NM_181842	221527	ZBTB12	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	122	114	0.93	-0.10
H30002076	H300020760	ENSG0000	NM_001304	56893	UBQLN4	ubiquilin 4	GO:000691	GO:000551	GO:000563	350	318	0.91	-0.14
H30000659	H300006595	ENSG0000	XM_006720	161502	CFAP161	cilia and flagellum	-	-	-	122	52	0.43	-1.22
H30000257	H300002574	ENSG0000	NM_001001	388272	C16orf87	chromosome	-	GO:000551	-	186	189	1.02	0.03
H30000304	H300003046	ENSG0000	XM_011509	140609	NEK7	NIMA related	GO:000091	GO:000467	GO:000092	131	179	1.37	0.45
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_032136	84076	TKTL2	transketolase	GO:000815	GO:000480	GO:0005737 cytoplasm	-	-	-	-
H20001075	H200010759	ENSG0000	NM_001199	79740	ZBBX	zinc finger	-	GO:000827	GO:0005622 intracellular	-	-	-	-
H20000711	H200007114	ENSG0000	XM_011543	79722	ANKRD55	ankyrin repeat	-	-	-	24	66	2.79	1.48
H20001335	H200013350	ENSG0000	NM_019067	54552	GNL3L	guanine nucleotide	GO:003139	GO:000392	GO:000563	73	79	1.09	0.12
H20000257	H200002570	ENSG0000	XR_941619	55269	PSPC1	paraspeckle	GO:000039	GO:000016	GO:000563	290	290	1.00	0.00
H20001097	H200010978	ENSG0000	NM_001172	81839	VANGL1	VANGL plasma membrane	GO:000727	GO:000551	GO:001602	141	124	0.88	-0.18
opHsV0400	opHsV0400008	ENSG0000	NM_138400	64434	NOM1	nucleolar protein	GO:000815	GO:000372	GO:000563	178	175	0.98	-0.02
H30000484	H300004843	ENSG0000	XM_011524	124535	HSF5	heat shock factor	GO:000635	GO:000370	GO:000563	28	23	0.84	-0.25
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_001314	57645	POGK	pogo transmembrane	GO:000635	GO:000367	GO:000563	796	709	0.89	-0.17
H30001749	H300017497	ENSG0000	NM_001304	5226	PGD	phosphoglucomutase	GO:000597	GO:000461	GO:000563	6726	5843	0.87	-0.20
H30000815	H300008153	ENSG0000	NR_130125	170392	IT3	oncogene protein	GO:190311	GO:000550	GO:0005635 nuclear envelope	-	6	-	-
H30001950	H300019501	ENSG0000	XM_005254	102	ADAM10	ADAM metallopeptidase	GO:000170	GO:000417	GO:000563	163	176	1.08	0.11
H30002135	H300021359	ENSG0000	NM_024861	79919	C2orf54	chromosome	-	-	-	-	9	-	-
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_000283	5158	PDE6B	phosphodiesterase	GO:000760	GO:004687	GO:000582	43	45	1.03	0.05
H20002046	H200020466	ENSG0000	XM_005257	284071	MEIOC	meiosis specific	-	-	-	260	272	1.05	0.07
H20001137	H200011376	ENSG0000	XM_011523	5198	PFAS	phosphoribosyl	GO:000614	GO:000464	GO:000573	129	100	0.78	-0.36
H20001678	H200016787	ENSG0000	XM_011515	55025	FLJ20712	uncharacterized	-	-	-	-	-	-	-
H20001248	H200012481	ENSG0000	XM_011545	91683	SYT12	synaptotagmin	GO:004692	GO:000550	GO:0016021 integral cytoplasmic	-	7	-	-
H20000120	H200001201	ENSG0000	NM_004192	8623	ASMTL	acetylserotransferase	GO:000815	GO:000367	GO:000573	64	72	1.12	0.17
H30001978	H300019784	ENSG0000	NM_078469	56647	BCCIP	BRCA2 and CIP	GO:000007	GO:000551	GO:000563	2821	2068	0.73	-0.45
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_005268	8814	CDKL1	cyclin dependent kinase	GO:000646	GO:000469	GO:000563	21	18	0.87	-0.20
H30001947	H300019473	ENSG0000	NM_002451	4507	MTAP	methylthioadenosine	GO:000009	GO:000464	GO:0005634 nucleus,GO:0005737 cytoplasm	-	5	-	-
H30001848	H300018489	ENSG0000	XM_011523	51009	DERL2	derlin 2	GO:000196	GO:000551	GO:000576	345			

opHsV0400	opHsV0400001	-	-	-	-	-	-	-	-	122	86	0.71	-0.49
H30000206	H300002068	ENSG0000	-	-	RP11-1230	-	-	-	-	305	229	0.75	-0.42
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	729495	ABHD17A	abhydrolase	-	-	-	143	92	0.65	-0.63
H30000880	H300008801	ENSG0000	NM_001256	7594	ZNF43	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	77	94	1.22	0.28
H30001607	H300016073	ENSG0000	XM_011517	51105	PHF20L1	PHD finger	-	GO:000551	-	94	111	1.18	0.23
H30000440	H300004409	ENSG0000	XM_011519	644890	MEIG1	meiosis/sp	GO:000728	-	GO:000563	6	14	2.23	1.15
H30000998	H300009981	ENSG0000	NM_001004	390038	OR51D1	olfactory re	GO:000716	GO:000493	GO:000588	19	18	0.94	-0.09
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_011517	340385	ZNF517	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	18	15	0.83	-0.26
H30000875	H300008755	ENSG0000	NM_001001	341799	OR6S1	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886 plasma membrane,GO:0016021 in	-	-	-	-
H30000310	H300003101	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
H30002150	H300021503	ENSG0000	NM_024590	79642	ARSJ	arylsulfatas	GO:000666	GO:000406	GO:0005576 extracellu	5	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_005256	84622	ZNF594	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634 nucleus	6	-	-	-
H30000370	H300003705	ENSG0000	NM_145171	122876	GPHB5	glycoprotei	GO:000215	GO:000517	GO:0005576 extracellular region	-	-	-	-
H30000787	H300007875	ENSG0000	XM_011536	122525	C14orf28	chromosom	-	-	-	6	8	1.35	0.44
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	-	100270851	RPL7P17	ribosomal p	-	-	-	2947	1748	0.59	-0.75
H30000316	H300003165	ENSG0000	NM_152625	167465	ZNF366	zinc finger	GO:000012	GO:000367	GO:000563	13	18	1.33	0.41
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_005250	154661	RUNDC3B	RUN domai	-	-	-	-	8	-	-
H30002004	H300020048	ENSG0000	XM_011516	51530	ZC3HC1	zinc finger	GO:000706	GO:000551	GO:000563	836	656	0.79	-0.35
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001099	55184	DZANK1	double zinc	GO:009877	GO:000827	-	-	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001206	6672	SP100	SP100 nuc	GO:000012	GO:000367	GO:000078	221	184	0.84	-0.26
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XM_011521	4058	LTK	leukocyte r	GO:000646	GO:000467	GO:000562	7	11	1.58	0.66
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001077	642273	FAM110C	family with	GO:003033	GO:000551	GO:0000922 spindle pole,GO:0005654 nucleop	-	-	-	-
H30000463	H300004636	ENSG0000	XM_011523	146852	ODF4	outer dens	GO:000727	-	GO:000152	19	17	0.89	-0.17
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001004	127069	OR2T10	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886 plasma m	5	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	-	RP11-9830	-	-	-	-	16906	10909	0.65	-0.63
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001136	126567	C2CD4C	C2 calcium	-	GO:000550	-	455	292	0.64	-0.64
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	-	202861	OR2A3P	olfactory re	-	-	-	-	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001080	131149	OTOL1	otolin 1	-	-	GO:000557	99	68	0.68	-0.55
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_181646	219578	ZNF804B	zinc finger	-	GO:004687	-	80	71	0.89	-0.18
H30002144	H300021440	ENSG0000	NM_001079	9001	HAP1	huntingtin	GO:000688	GO:000551	GO:0005634 nucleus,GO:0005739 mitochondri	-	-	-	-
H30000833	H300008335	ENSG0000	NM_153257	92283	ZNF461	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	225	175	0.77	-0.37
H30002153	H300021532	ENSG0000	NM_001173	283579	C14orf178	chromosom	-	-	-	51	45	0.88	-0.19
H30000189	H300001898	ENSG0000	NM_001031	6234	RPS28	ribosomal p	GO:000018	GO:000373	GO:000573	30342	16793	0.55	-0.85
opHsV0400	opHsV0400004	-	-	-	-	-	-	-	-	279	260	0.93	-0.10
H30000271	H300002718	ENSG0000	NM_014159	29072	SETD2	SET domai	GO:000152	GO:000551	GO:000565	147	164	1.11	0.15
H30000817	H300008179	ENSG0000	-	646213	SS18L2P1	synovial sa	-	-	-	241	167	0.69	-0.53
H30000659	H300006591	ENSG0000	NM_001004	219960	OR10Q1	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886 plasma m	4	-	-	-
H30000660	H300006606	ENSG0000	NM_001145	285848	PNPLA1	patatin like	GO:001604	GO:001678	GO:0005737 cytoplasm	7	-	-	-
H30000295	H300002954	-	-	-	-	-	-	-	-	262	252	0.96	-0.06
H30000475	H300004750	ENSG0000	NM_004343	811	CALR	calreticulin	GO:000012	GO:000184	GO:000166	110	75	0.68	-0.55
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NR_121682	283416	LINC01465	long interge	-	-	-	52	46	0.89	-0.16
H30001421	H300014210	ENSG0000	NM_203506	2885	GRB2	growth fact	GO:000016	GO:000507	GO:000563	455	393	0.86	-0.21
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001293	57214	CEMP1	cell migrati	GO:000597	GO:000441	GO:0005576 extracellu	10	-	-	-
H30001960	H300019604	ENSG0000	XM_011521	54469	ZFAND6	zinc finger	GO:000662	GO:000367	GO:000557	1209	1082	0.90	-0.16
H30001897	H300018979	ENSG0000	XM_011519	80036	TRPM3	transient re	GO:000681	GO:000522	GO:000588	5	17	3.05	1.61
H30001999	H300019996	ENSG0000	NM_015082	23105	FSTL4	folliculin li	-	GO:000550	GO:000557	30	27	0.90	-0.15
H30001869	H300018696	ENSG0000	XM_011522	92017	SNX29	sorting nex	-	GO:003509	GO:007006	60	63	1.06	0.09
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NR_001543	83869	TTY14	testis-spec	-	-	-	35	30	0.86	-0.22
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_006719	348013	TMEM255B	transmemb	-	-	GO:001602	35	32	0.90	-0.15
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_023067	668	FOXL2	forkhead bc	GO:000012	GO:000097	GO:000563	33	29	0.86	-0.21
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NR_033368	100379661	GRIK1-AS2	GRIK1 anti	-	-	-	-	3	-	-
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_174918	199675	MCEMP1	mast cell-e	-	-	GO:001602	68	63	0.93	-0.10
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_172006	280664	WFDC10B	WAP four	GO:001046	GO:003041	GO:0005576 extracellular region	-	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_011538	6472	SHMT2	serine hydr	GO:000654	GO:000368	GO:000563	1239	1484	1.20	0.26
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	-	100130968	RPL7L1P4	ribosomal p	-	-	-	1619	922	0.57	-0.81
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	-	286512	EIF4A2P4	eukaryotic	-	-	-	1311	1168	0.89	-0.17
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NR_110051	101927770	LOC10192	uncharacte	-	-	-	883	645	0.73	-0.45
H30000506	H300005064	ENSG0000	NG_028246	5087	PBX1	pre-B-cell	GO:000165	GO:000097	GO:0005634 nucleus,GO:0005654 nucleoplasm	-	-	-	-
H30000807	H300008072	ENSG0000	NM_153363	168417	ZNF679	zinc finger	GO:000635	GO:000097	GO:0005634 nucleus	-	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	-	6465	SHC1P1	SHC (Src F	-	-	-	75	59	0.80	-0.33
H30000055	H300000558	ENSG0000	XM_011538	92293	TMEM132C	transmemb	GO:000815	GO:000367	GO:0005575 cellular_component,GO:0016021 i	-	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_006721	124512	METTL23	methyltrans	GO:003225	GO:000816	GO:000573	496	479	0.97	-0.05
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NG_030019	23605	HMG2P9	high mobil	-	-	-	5731	5661	0.99	-0.02
H30000570	H300005703	ENSG0000	NM_003553	8387	OR1E1	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:0005886 plasma m	8	-	-	-
H30000068	H300000682	ENSG0000	NM_001004	392376	OR13C2	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886 plasma m	7	-	-	-
H30000391	H300003914	ENSG0000	NM_198479	284355	TPRX1	tetra-pepti	-	GO:000367	GO:0005634 nucleus	5	-	-	-
H30000412	H300004128	ENSG0000	NR_104651	648987	LOC64898	uncharacte	-	-	-	81	79	0.97	-0.05
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_002228	3725	JUN	jun proto-d	GO:000152	GO:000097	GO:000022	100	186	1.85	0.89
H30001970	H300019707	ENSG0000	NM_080625	140706	CCM2L	CCM2 like	GO:000320	GO:000367	GO:000557	136	93	0.68	-0.55
H30001966	H300019663	ENSG0000	XM_011536	5527	PPP2R5C	protein pho	GO:000697	GO:000551	GO:000015	1668	1931	1.16	0.21
H30002005	H300020052	ENSG0000	XM_006718	38	ACAT1	acetyl-CoA	GO:000188	GO:000398	GO:000573	1132	849	0.75	-0.41
H30001964	H300019647	ENSG0000	NM_138716	4481	MSR1	macrophag	GO:000689	GO:000504	GO:0005581 collagen t	5	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XM_011539	54764	ZRANB1	zinc finger	GO:000701	GO:000484	GO:0005634 nucleus,G	6	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NR_027243	150147	UMODL1-A	UMODL1 a	-	-	-	5	11	2.26	1.18
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	-	-	AC010642	-	-	-	-	-	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NR_026760	317716	BPIFA4P	BPI fold co	-	-	-	-	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_194249	373863	DND1	DND micro	GO:000727	GO:000016	GO:000563	39	40	1.03	0.04
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001001	390649	OR4F15	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:0005886 plasma membrane,GO:0016021 in	-	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	646467	CNN2P1	calponin 2	-	-	-	16	15	0.95	-0.08
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	5623	PSPN	persephin	GO:000165	GO:000510	GO:000561	409	289	0.71	-0.50
H30000686	H300006866	ENSG0000	NR_073177	100996455	LOC10099	uncharacte	-	-	-	-	-	-	-
H30000376	H300003766	ENSG0000	XM_011539	50632	CALY	calcyon ne	GO:000689	GO:003205	GO:000588	15	18	1.20	0.27
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NR_045116	441108	C5orf56	chromosom	-	-	-	28	28	1.01	0.02
H30000433	H300004336	ENSG0000	NM_018931	56125	PCDHB11	protocadhe	GO:000715	GO:000550	GO:0005887 integral component of plasma me	-	-	-	-
H30000334	H300003346	ENSG0000	NR_024493	644596	SMIM10L2	small integ	-	-	-	67	53	0.79	-0.34
opHsV0400	opHsV0400008	-	NM_207328	150763	GPAT2	glycerol-3-	GO:000607	GO:000436	GO:0005739 mitochond	8	-	-	-
H30001030	H300010300	ENSG0000	NM_001318	64928	MRPL14	mitochondr	GO:000699	GO:000373	GO:000573	1520	1086	0.71	-0.49

H30000632	H300006326	ENSG0000	NM_001317	126205	NLRP8	NLR family	GO:007099	GO:000367	GO:000557	57	56	0.98	-0.03
H30000129	H300001294	ENSG0000	NM_173667	285668	C5orf64	chromosome	-	-	GO:0005576	extracellular	4		
H30000662	H300006624	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
H30000064	H300000648	ENSG0000	NM_001001	81470	OR2G2	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma m	5		
H30002276	H300022763	ENSG0000	-	346708	OR7E8P	olfactory re	-	-	-	28	30	1.08	0.12
opHsV0400	opHsV0400011	ENSG0000	NM_001085	1112	FOXN3	forkhead b	GO:000635	GO:000370	GO:000563	4	5	1.23	0.29
H30000308	H300003080	ENSG0000	NR_047663	89	ACTN3	actinin alp	GO:001472	GO:000377	GO:000562	62	53	0.86	-0.22
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XR_924916	152992	TRMT44	tRNA meth	GO:000640	GO:001630	GO:0005737	cytoplasm			
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XM_011518	392399	LCN9	lipocalin 9	GO:000681	GO:000521	GO:0005576	extracellular region			
H30002180	H300021805	ENSG0000	NM_007360	22914	KLRK1	killer cell le	GO:000222	GO:000487	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005887	in		
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_011517	66004	LYNX1	Ly6/neurot	-	-	GO:000588	24	19	0.81	-0.30
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_198150	153642	ARSK	arylsulfatas	GO:000666	GO:000406	GO:000557	223	163	0.73	-0.46
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001129	84542	KIAA1841	KIAA1841	-	-	-	58	64	1.09	0.13
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001031	83479	DDX59	DEAD-box	GO:001050	GO:000372	GO:000562	168	220	1.30	0.38
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_006608	10745	PHTF1	putative ho	GO:000635	GO:000367	GO:000563	192	229	1.19	0.25
H30001160	H300011606	ENSG0000	NM_002039	2549	GAB1	GRB2 asso	GO:000697	GO:000487	GO:000582	25	17	0.66	-0.59
H30002231	H300022315	ENSG0000	XM_011522	90525	SHF	Src homolo	GO:000691	-	-	-	-	-	-
H30001486	H300014861	ENSG0000	-	-	RP11-46A	-	-	-	-	15	17	1.09	0.13
opHsV0400	opHsV0400006	-	NM_002795	5691	PSMB3	proteasome	GO:000008	GO:000429	GO:000050	3373	2565	0.76	-0.39
H30000083	H300000832	ENSG0000	NM_018340	55313	CPPEP1	calcineurin	GO:000647	GO:000472	GO:000573	264	336	1.28	0.35
H30002125	H300021258	ENSG0000	NM_130441	170482	CLEC4C	C-type lec	GO:000222	GO:003024	GO:0005886	plasma m	6		
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_001171	91966	CXorf40A	chromosome	-	GO:000551	-	85	64	0.75	-0.41
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XR_930468	105	ADARB2	adenosine	GO:000639	GO:000372	GO:000563	142	108	0.76	-0.40
H30002218	H300022183	ENSG0000	NR_028356	51263	MRPL30	mitochondr	GO:000699	-	GO:000573	1095	900	0.82	-0.28
H30001853	H300018536	ENSG0000	XM_011539	9971	NR1H4	nuclear rec	GO:000012	GO:000098	GO:0005654	nucleopla	3		
H30001876	H300018760	ENSG0000	XR_242220	10157	AASS	aminoadipa	GO:000655	GO:004713	GO:0005739	mitochondrion,GO:0005759	mitoc		
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	NM_001306	100129278	TDRD15	tudor doma	-	-	-	-	-	-	-
H30000183	H300001831	ENSG0000	NM_001010	253017	TECRL	trans-2,3-e	GO:000662	GO:001662	GO:0005737	cytoplasm,GO:0016021	integral c		
opHsV0400	opHsV0400006	-	XR_252323	401410	LOC401410	uncharacte	-	-	-	-	3		
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	-	28784	IGLV4-69	immunoglob	-	-	-	34	37	1.09	0.12
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_213602	284266	SIGLEC15	sialic acid b	GO:003295	-	GO:000588	25	23	0.93	-0.11
H30002156	H300021568	ENSG0000	NM_022903	64925	CCDC71	coiled-coil	-	-	-	58	68	1.18	0.24
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001146	390231	TRIM77	tripartite m	-	GO:000827	GO:0005622	intracellul	6		
H30001033	H300010333	ENSG0000	NM_015151	23181	DIP2A	disco intera	GO:000727	GO:000382	GO:000563	906	633	0.70	-0.52
H30002227	H300022277	ENSG0000	NR_037162	26140	TTL3	tubulin tyr	GO:001809	GO:000552	GO:000587	183	222	1.21	0.28
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001003	5136	PDE1A	phosphodie	GO:000716	GO:000411	GO:0005829	cytosol	4		
H30001996	H300019963	ENSG0000	NM_001166	3827	KNG1	kininogen 1	GO:000257	GO:000486	GO:0005576	extracellular region,GO:0005615			
H30001877	H300018778	ENSG0000	NM_001283	1174	AP1S1	adaptor rel	GO:000688	GO:000856	GO:000013	311	249	0.80	-0.32
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NR_023359	91768	CABLES1	Cdk5 and A	GO:000704	GO:000551	GO:000563	9	8	0.95	-0.08
H30002189	H300021892	ENSG0000	XM_005263	157922	CAMSAP1	calmodulin	GO:000701	GO:000551	GO:0005737	cytoplasm	7		
H30000467	H300004675	ENSG0000	NM_001178	100423062	IGLL5	immunoglob	GO:000691	GO:000382	GO:000989	374	309	0.83	-0.27
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	NR_110322	55900	ZNF302	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	121	133	1.10	0.14
H30002176	H300021760	ENSG0000	XM_005249	64771	C6orf106	chromosome	GO:000815	GO:000367	GO:000040	184	141	0.77	-0.38
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001080	644943	RASSF10	Ras associ	GO:000716	-	GO:000092	9	10	1.11	0.15
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001291	646851	FAM227A	family with	-	-	-	-	5		
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_182759	284467	FAM19A3	family with	-	-	GO:0005576	extracellular region			
H30001908	H300019086	ENSG0000	XM_011524	4222	MEOX1	mesenchym	GO:000175	GO:000097	GO:000563	16	18	1.15	0.20
H30000131	H300001316	ENSG0000	-	-	RP11-543E	-	-	-	-	2335	2304	0.99	-0.02
H30000698	H300006988	ENSG0000	NM_001080	643905	PRR21	proline rich	-	-	-	28	28	1.02	0.03
H30001476	H300014765	ENSG0000	XM_011519	79109	MAPKAP1	mitogen-ac	GO:000717	GO:000551	GO:000563	162	166	1.03	0.04
H30000126	H300001260	ENSG0000	NM_001005	401666	OR51A4	olfactory re	GO:000716	GO:000493	GO:0005886	plasma m	3		
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_032453	84503	ZNF527	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	12	15	1.23	0.30
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	-	641649	TMEM91	transmemb	GO:000224	GO:000367	GO:0005575	cellular co	18		
H30000912	H300009129	ENSG0000	NM_001146	115727	RASGRP4	RAS guany	GO:000016	GO:000508	GO:000582	205	168	0.82	-0.29
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_181482	753	LDLRAD4	low density	GO:001071	GO:000551	GO:001602	126	134	1.06	0.09
H30002225	H300022255	-	-	-	-	-	-	-	-	225	153	0.68	-0.55
H30001343	H300013432	ENSG0000	NR_102367	7108	TM7SF2	transmemb	GO:000669	GO:001662	GO:000563	74	48	0.64	-0.63
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001080	9096	TBX18	T-box 18	GO:000012	GO:000097	GO:000563	64	67	1.04	0.06
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NR_036610	6428	SRSF3	serine/argi	GO:000039	GO:000016	GO:000565	6656	3970	0.60	-0.75
H30001920	H300019201	ENSG0000	NR_103501	11024	LILRA1	leukocyte i	GO:000225	GO:000382	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in		
H30001118	H300011183	ENSG0000	XM_011509	10485	C1orf61	chromosome	-	-	GO:000563	9	10	1.03	0.04
H30002261	H300022613	ENSG0000	XM_005269	23053	ZSWIM8	zinc finger	-	GO:000827	-	97	76	0.79	-0.34
H30001856	H300018560	ENSG0000	NM_018151	55183	RIF1	replication	GO:000628	-	GO:000078	459	463	1.01	0.01
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	-	729991	BORCS8	BLOC-1 re	GO:000750	GO:000551	-	-	3		
H30002223	H300022232	ENSG0000	XM_011519	26019	UPF2	UPF2 regul	GO:000018	GO:000372	GO:000563	190	171	0.90	-0.15
H30001946	H300019466	ENSG0000	NM_000608	5005	ORM2	orosomuco	GO:000268	-	GO:000561	144	109	0.75	-0.41
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001012	340075	ARSI	arylsulfatas	GO:000666	GO:000406	GO:000557	8	12	1.60	0.68
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_080701	11219	TREX2	three prime	GO:000625	GO:000028	GO:000563	26	21	0.81	-0.31
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NG_008397	80204	FBXO11	F-box prot	GO:000646	GO:000484	GO:000015	11	15	1.36	0.44
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	-	387867	RPSAP12	ribosomal p	-	-	-	45598	23051	0.51	-0.98
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_145039	92806	CENPBD1	CENPB DN	-	GO:000367	GO:000563	93	91	0.97	-0.04
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_001004	127059	OR2M5	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma m	5		
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XM_011518	255220	TXNDC8	thioredoxin	GO:000010	GO:001503	GO:0001669	acrosomal vesicle,GO:0005737	cy		
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NR_110565	114044	MCM3AP	MCM3AP a	-	-	-	35	36	1.04	0.05
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NG_021190	392540	OR11N1P	olfactory re	-	-	-	-	4		
H30000583	H300005837	ENSG0000	XM_006721	57636	ARHGAP23	Rho GTPas	GO:000726	GO:000509	GO:000582	14	16	1.18	0.24
H30000944	H300009447	ENSG0000	XM_011537	120935	CCDC38	coiled-coil	-	-	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005813	centrosol		
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NR_046476	129563	DIS3L2	DIS3 like 3	GO:000029	GO:000017	GO:000093	52	44	0.85	-0.24
H30000234	H300002346	ENSG0000	XM_006721	81577	GFOD2	glucose-fru	GO:003019	GO:001649	GO:000557	53	41	0.77	-0.38
H30001959	H300019594	ENSG0000	XR_944507	2054	STX2	syntaxin 2	GO:000688	GO:000014	GO:000561	193	164	0.85	-0.23
H30002125	H300021250	ENSG0000	XM_011545	51111	KMT5B	lysine meth	GO:000635	GO:001802	GO:000078	160	190	1.19	0.25
H30001303	H300013032	ENSG0000	XM_011521	8874	ARHGEF7	Rho guanin	GO:000224	GO:000508	GO:000032	44	39	0.88	-0.19
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_023073	65250	C5orf42	chromosome	GO:000173	-	GO:0016021	integral component of membrane			
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_017877	54978	SLC35F6	solute carr	GO:000828	GO:000551	GO:000573	28	33	1.17	0.22
H30002276	H300022769	ENSG0000	XM_011514	3077	HFE	hemochron	GO:000247	GO:000510	GO:000561	5	11	2.41	1.27
H30001837	H300												

CHsGV100	CHsGV100009	ENSG0000	XM_011517	3174	HNF4G	hepatocyte	GO:000635	GO:000370	GO:0005654 nucleoplasm	4			
AHsV1000	AHsV10001375	ENSG0000	NM_004965	3150	HMG1	high mobility group	GO:000072	GO:000367	GO:000078	13396	13099	0.98	-0.03
H20000076	H200000764	ENSG0000	NM_001281	2956	MSH6	mutS homolog	GO:000071	GO:000028	GO:000079	1336	963	0.72	-0.47
H20000588	H200005883	ENSG0000	NM_005314	2925	GRPR	gastrin receptor	GO:000718	GO:000852	GO:0005886 plasma membrane	3			
CHsGV100	CHsGV1000075	ENSG0000	NM_001083	2796	GNRH1	gonadotropin-releasing hormone 1	GO:000716	GO:000517	GO:000557	47	50	1.06	0.08
H20000043	H200000439	ENSG0000	NM_002067	2767	GNA11	guanine nucleotide-binding protein G(i)11	GO:000150	GO:000392	GO:000175	375	263	0.70	-0.51
CHsGV100	CHsGV100004	ENSG0000	NM_005911	4144	MAT2A	methionine adenosyltransferase 2A	GO:000655	GO:000447	GO:000582	2590	1927	0.74	-0.43
CHsGV100	CHsGV1000354	-	XM_011518	3933	LCN1	lipocalin 1	GO:000189	GO:000486	GO:000557	11	13	1.14	0.19
H30002244	H300022445	ENSG0000	NR_110280	3903	LAIR1	leukocyte adhesion-inhibitory receptor 1	GO:000225	GO:000551	GO:000588	9	15	1.57	0.66
H20001367	H200013679	ENSG0000	NM_002213	3693	ITGB5	integrin subunit beta 5	GO:000247	GO:000161	GO:000588	48	39	0.82	-0.29
H20001116	H200011160	ENSG0000	NM_201526	3671	ISLR	immunoglobulin superfamily low molecular weight member 1	GO:000715	-	GO:0070062 extracellular space	4			
H30001841	H300018419	ENSG0000	NR_027676	672	BRCA1	breast cancer 1	GO:000072	GO:000367	GO:000015	145	171	1.18	0.23
CHsGV100	CHsGV1000133	ENSG0000	XM_005268	652	BMP4	bone morphogenetic protein 4	GO:000012	GO:000512	GO:0005576 extracellular region				
H20001114	H200011147	ENSG0000	XM_005255	463	ZFX3	zinc finger protein 3	GO:000012	GO:000104	GO:0005634 nucleus				
H20000592	H200005924	ENSG0000	NM_000047	415	ARSE	arylsulfatase	GO:000150	GO:000406	GO:0005788 endoplasmic reticulum	3			
CHsGV100	CHsGV1000140	ENSG0000	NM_001140	246	ALOX15	arachidonate 15-lipoxygenase	GO:000150	GO:000405	GO:0005811 lipid particle				
AHsV1000	AHsV10000541	ENSG0000	NM_001161	221	ALDH3B1	aldehyde dehydrogenase 3B class 1	GO:000606	GO:000402	GO:000573	60	53	0.87	-0.20
H30001178	H300011786	ENSG0000	XM_005251	48	ACO1	aconitase	GO:000609	GO:000372	GO:000573	275	162	0.59	-0.77
H30001200	H300012008	ENSG0000	NM_007313	25	ABL1	ABL proto-oncogene	GO:000072	GO:000028	GO:000563	79	74	0.94	-0.10
AHsV1000	AHsV10002866	ENSG0000	NM_016652	51340	CRNL1	crooked neck protein 1	GO:000024	GO:000372	GO:000097	232	262	1.13	0.17
CHsGV100	CHsGV1000055	ENSG0000	NM_016616	51314	NME8	NME/NM23	GO:000616	GO:000455	GO:0036157 outer dynein arm				
H20000674	H200006740	ENSG0000	NM_006875	11040	PIM2	Pim-2 protein	GO:000008	GO:000467	GO:000573	347	440	1.27	0.34
H20000527	H200005275	ENSG0000	NM_001167	11012	KLK11	kallikrein related protein 11	GO:000650	GO:000425	GO:0005615 extracellular space				
H30000179	H300001795	ENSG0000	NM_012099	10849	CD3EAP	CD3e molecule associated protein	GO:000636	GO:000389	GO:000012	217	152	0.70	-0.52
AHsV1000	AHsV10000297	ENSG0000	NM_001039	10807	SDCCAG3	serological marker of colon cancer 3	GO:000704	GO:000551	GO:000576	235	254	1.08	0.11
AHsV1000	AHsV10000710	ENSG0000	XR_931742	10620	ARID3B	AT-rich interaction domain 3B	GO:000636	GO:000097	GO:0005634 nucleus	12			
H20000853	H200008535	ENSG0000	NM_006445	10594	PRPF8	pre-mRNA processing factor 8	GO:000024	GO:000038	GO:000563	656	643	0.98	-0.03
AHsV1000	AHsV10000738	ENSG0000	NM_001282	10439	OLFM1	olfactomedin 1	GO:000319	GO:000154	GO:000561	7	10	1.47	0.55
H20000174	H200001745	ENSG0000	NM_016172	10422	UBAC1	UBA domain containing 1	GO:001656	GO:000551	GO:000573	3367	2403	0.71	-0.49
AHsV1000	AHsV10000646	ENSG0000	XM_011542	7293	TNFRSF4	tumor necrosis factor receptor superfamily class 4 member 4	GO:000695	GO:000161	GO:000588	17	12	0.67	-0.58
H20001654	H200016541	-	XM_011517	7264	TSTA3	tissue specific adhesion molecule 3	GO:000648	GO:000905	GO:000573	455	324	0.71	-0.49
H30000317	H300003175	ENSG0000	NM_001164	7041	TGFB11	transforming growth factor beta 11	GO:000636	GO:000371	GO:000562	58	40	0.68	-0.55
CHsGV100	CHsGV1000045	ENSG0000	NM_007365	11240	PADI2	peptidyl arginase 2	GO:001084	GO:000466	GO:0005737 cytoplasm	6			
H30002074	H300020745	ENSG0000	NR_104008	11202	KLK8	kallikrein related protein 8	GO:000650	GO:000425	GO:0005615 extracellular space	5			
AHsV1000	AHsV10003215	ENSG0000	XM_011542	8659	ALDH4A1	aldehyde dehydrogenase 4A class 1	GO:000653	GO:000384	GO:000575	37	26	0.71	-0.49
CHsGV100	CHsGV1000166	ENSG0000	NM_003730	8635	RNASET2	ribonucleasase T2	GO:000640	GO:000372	GO:000557	387	532	1.38	0.46
H20000811	H200008116	ENSG0000	NM_006482	8445	DYRK2	dual specificity tyrosine phosphatase 2	GO:000646	GO:000028	GO:000015	91	87	0.95	-0.07
H30002169	H300021692	ENSG0000	NM_001042	8425	LTBP4	latent transforming growth factor beta 4	GO:000155	GO:000502	GO:000557	107	76	0.71	-0.50
H30001459	H300014596	ENSG0000	NM_021908	7982	ST7	suppressor of tumorigenesis 7	-	-	GO:001602	15	11	0.70	-0.51
H20001170	H200011709	ENSG0000	NM_003472	7913	DEK	DEK proto-oncogene	GO:000635	GO:000367	GO:000563	4855	4077	0.84	-0.25
AHsV1000	AHsV10002214	ENSG0000	NM_021141	7520	XRCC5	X-ray repair cross-complementing 5	GO:000072	GO:000367	GO:000078	948	1020	1.08	0.11
AHsV1000	AHsV10001194	ENSG0000	NM_058238	7477	WNT7B	wingless-type frizzled class 7B	GO:000170	GO:000510	GO:0005576 extracellular region				
AHsV1000	AHsV10003036	ENSG0000	NM_005381	4691	NCL	nucleolin	GO:000152	GO:000016	GO:000165	3081	2442	0.79	-0.34
AHsV1000	AHsV10002638	-	NM_000263	4669	NAGLU	N-acetylglucosaminidase	GO:000597	GO:000456	GO:0005764 lysosome				
AHsV1000	AHsV10000807	ENSG0000	XM_006719	4327	MMP19	matrix metalloproteinase 19	GO:000152	GO:000422	GO:0005576 extracellular space	3			
AHsV1000	AHsV10003058	ENSG0000	NM_016570	51290	ERGIC2	ERGIC and Golgi complex protein 2	GO:001619	GO:000551	GO:000563	497	498	1.00	0.00
H20000609	H200006098	ENSG0000	XM_011517	51271	UBAP1	ubiquitin assembly factor 1	GO:001503	GO:000551	GO:000081	98	83	0.85	-0.24
AHsV1000	AHsV10000614	ENSG0000	NM_001100	10989	IMMT	inner membrane protein	GO:000815	GO:000551	GO:000573	897	890	0.99	-0.01
H20000611	H200006112	ENSG0000	NM_006820	10964	IF14L	interferon gamma 14L	GO:000695	-	GO:0005654 nucleoplasm				
H30001898	H300018986	ENSG0000	XM_006716	10783	NEK6	NIMA related kinase 6	GO:000027	GO:000028	GO:000092	169	133	0.79	-0.34
H20000123	H200001231	ENSG0000	NM_202494	10755	GIPC1	GIPC PDZ domain 1	GO:000660	GO:000377	GO:000573	127	101	0.80	-0.33
H30000370	H300003701	ENSG0000	NM_006430	10575	CCT4	chaperonin subunit 4	GO:000645	GO:000551	GO:000219	11943	8395	0.70	-0.51
CHsGV100	CHsGV1000228	ENSG0000	XM_011539	10556	RPP30	ribonucleasase P subunit 30	GO:000803	GO:000372	GO:000563	475	383	0.81	-0.31
AHsV1000	AHsV10001155	ENSG0000	NM_006099	10401	PIAS3	protein inhibitor of activated signal transduction 3	GO:000635	GO:000551	GO:000565	22	32	1.50	0.58
H20001970	H200019704	ENSG0000	NM_006082	10376	TUBA1B	tubulin alpha 1B class 1	GO:000022	GO:000372	GO:000587	20999	13134	0.63	-0.68
CHsGV100	CHsGV1000245	ENSG0000	NR_134469	7204	TRIO	trio Rho guanine nucleotide exchange factor	GO:000646	GO:000467	GO:000582	4	11	2.79	1.48
H20000646	H200006466	ENSG0000	XM_006720	7168	TPM1	tropomyosin 1	GO:000170	GO:000377	GO:000172	44	27	0.62	-0.69
AHsV1000	AHsV10002509	ENSG0000	NM_001291	6993	DYNLT1	dynein light chain 1	GO:000013	GO:000377	GO:000579	2098	1833	0.87	-0.19
CHsGV100	CHsGV1000016	ENSG0000	XM_011536	11183	MAP4K5	mitogen-activated protein kinase 4	GO:000018	GO:000467	GO:000573	120	116	0.97	-0.04
H20000688	H200006887	-	NM_001128	11168	PSIP1	PC4 and Sema4D binding protein 1	GO:000039	GO:000110	GO:000563	954	1190	1.25	0.32
CHsGV100	CHsGV1000363	ENSG0000	NM_177543	8612	PLPP2	phospholipase 2	GO:000647	GO:000472	GO:000588	36	25	0.72	-0.48
CHsGV100	CHsGV1000238	ENSG0000	NM_003685	8570	KHSRP	KH-type serpin	GO:000037	GO:000367	GO:000565	34	31	0.90	-0.15
H30002022	H300020226	ENSG0000	NM_001135	8394	PIP5K1A	phosphatidylinositol 3-kinase class 1A	GO:000664	GO:000551	GO:000563	53	47	0.88	-0.18
CHsGV100	CHsGV1000153	ENSG0000	XM_011525	8313	AXIN2	axin 2	GO:000193	GO:000509	GO:000563	29	37	1.29	0.37
H20000351	H200003513	ENSG0000	NR_048564	7850	IL1R2	interleukin 1 receptor 2	GO:000695	GO:000490	GO:0005576 extracellular space	3			
AHsV1000	AHsV10001364	ENSG0000	XM_011542	7798	LUZP1	leucine zipper protein 1	GO:000328	-	GO:0005634 nucleus	5			
CHsGV100	CHsGV1000053	ENSG0000	NM_003385	7447	VSNL1	visinin like protein 1	GO:003577	GO:000550	GO:0005829 cytosol	5			
H30002176	H300021766	ENSG0000	NM_001171	7422	VEGFA	vascular endothelial growth factor A	GO:000012	GO:000196	GO:000557	234	509	2.17	1.12
AHsV1000	AHsV10003590	ENSG0000	NM_004999	4646	MYO6	myosin VI	GO:000660	GO:000377	GO:0001726 ruffle	9			
H20000830	H200008302	ENSG0000	NM_005593	4617	MYF5	myogenic factor 5	GO:000150	GO:000097	GO:0005634 nucleus				
AHsV1000	AHsV10002630	ENSG0000	NR_028463	4287	ATXN3	ataxin 3	GO:000022	GO:000484	GO:000563	15	19	1.26	0.33
AHsV1000	AHsV10000121	ENSG0000	NM_016459	51237	MZB1	marginal zone B cell 1	GO:000264	GO:000551	GO:0005576 extracellular region				
H30000215	H300002154	ENSG0000	XM_006721	51195	RAPGEFL1	Rap guanine nucleotide exchange factor 1	GO:000718	GO:000508	GO:000562	16	20	1.26	0.33
AHsV1000	AHsV10002326	ENSG0000	XR_934355	10948	STARD3	StAR related lipid transfer domain 3	GO:000662	GO:000551	GO:000573	104	104	1.00	0.00
AHsV1000	AHsV10002927	ENSG0000	NM_198189	10920	COPS8	COP9 signal complex subunit 8	GO:000071	GO:000551	GO:000563	840	677	0.81	-0.31
CHsGV100	CHsGV100014	ENSG0000	NM_006602	10732	TCFL5	transcript factor like 5	GO:000635	GO:000367	GO:000167	69	85	1.23	0.29
H20001628	H200016288	ENSG0000	NM_006580	10686	CLDN16	claudin 16	GO:000681	GO:000519	GO:0005886 plasma membrane	4			
AHsV1000	AHsV10002792	ENSG0000	NM_014262	10536	P3H3	prolyl 3-hydroxylase 3	GO:000828	GO:000550	GO:000578	49	51	1.04	0.06
H20000662	H200006623	ENSG0000	XM_005251	10507	SEMA4D	semaphorin 4D	GO:000012	GO:000487	GO:000561	4	8	2.10	1.07
H20000565	H200005657	ENSG0000	NM_014256	10331	B3GNT3	UDP-GlcNAc 4-epimerase 3	GO:000597	GO:000837	GO:000013	5	7	1.52	0.60
H30001925	H300019257	ENSG0000	NM_001014										

H30001975	H300019756	ENSG0000	NM_001174	8202	NCOA3	nuclear rec	GO:000636	GO:000107	GO:000079	65	61	0.94	-0.09
CHsGV100	CHsGV1000346	ENSG0000	XM_011520	7748	ZNF195	zinc finger	GO:000635	GO:000097	GO:000563	416	499	1.20	0.26
AHsV1000	AHsV10001382	ENSG0000	XM_005253	7702	ZNF143	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000565	234	192	0.82	-0.28
CHsGV100	CHsGV1000194	ENSG0000	NM_007124	7402	UTRN	utrophin	GO:000195	GO:000377	GO:0005654	nucleoplasm,GO:0005737	cytopla		
H30001344	H300013444	ENSG0000	NM_003363	7375	USP4	ubiquitin sp	GO:000024	GO:000484	GO:000563	623	578	0.93	-0.11
AHsV1000	AHsV10003101	ENSG0000	NM_002463	4600	MX2	MX dynami	GO:000695	GO:000392	GO:0005634	nucleus,GO:0005643	nuclear por		
CHsGV100	CHsGV1000174	ENSG0000	NR_134482	4552	MTRR	5-methylte	GO:000009	GO:000395	GO:000565	322	246	0.77	-0.39
H20000837	H200008370	ENSG0000	NM_005588	4224	MEP1A	mepri A s	GO:000650	GO:000422	GO:000561	15	18	1.16	0.22
CHsGV100	CHsGV1000036	ENSG0000	XM_011522	51172	NAGPA	N-acetylglu	GO:000597	GO:000394	GO:001602	116	79	0.68	-0.55
CHsGV100	CHsGV1000384	ENSG0000	NM_016133	51141	INSIG2	insulin indu	GO:000664	GO:000551	GO:000578	110	145	1.32	0.40
AHsV1000	AHsV10000905	ENSG0000	XM_005273	10897	YIF1A	Yip1 intera	GO:001503	GO:000551	GO:000013	1059	837	0.79	-0.34
CHsGV100	CHsGV1000203	ENSG0000	NM_006681	10874	NMU	neuromedir	GO:000169	GO:000510	GO:000557	10900	6036	0.55	-0.85
H30001411	H300014118	ENSG0000	XM_005252	10659	CELF2	CUGBP, E	GO:000639	GO:000016	GO:000563	92	102	1.10	0.14
H20001724	H200017244	ENSG0000	NM_020997	10637	LEFTY1	left-right d	GO:000012	GO:000512	GO:0005615	extracellu	6		
CHsGV100	CHsGV1000356	ENSG0000	NM_006356	10476	ATP5H	ATP synthe	GO:002290	GO:001507	GO:000027	3500	3923	1.12	0.16
H30002165	H300021654	ENSG0000	NM_006342	10460	TACC3	transformir	GO:000022	GO:000551	GO:000573	1100	807	0.73	-0.45
AHsV1000	AHsV10001694	ENSG0000	NM_005865	10279	PRSS16	protease, s	GO:000650	GO:000418	GO:000576	51	48	0.94	-0.09
H20000275	H200002753	ENSG0000	NM_005842	10253	SPRY2	sprouty RT	GO:000013	GO:000551	GO:000563	65	63	0.97	-0.05
CHsGV100	CHsGV1000337	ENSG0000	NM_001144	7089	TLE2	transducin	GO:000635	GO:000371	GO:000561	86	72	0.84	-0.26
H30001661	H300016617	ENSG0000	NM_001311	7070	THY1	Thy-1 cell	GO:000152	GO:000509	GO:0005783	endoplasmic reticulum,GO:00058			
H20000030	H200000303	ENSG0000	NM_001286	6872	TAF1	TATA-box	GO:000635	GO:000203	GO:000565	91	119	1.31	0.38
H20000454	H200004540	ENSG0000	NM_001135	11082	ESM1	endothelial	GO:000152	GO:000517	GO:0005576	extracellu	9		
H20001055	H200010558	ENSG0000	NR_104036	11065	UBE2C	ubiquitin cd	GO:000027	GO:000484	GO:000565	137	130	0.95	-0.08
AHsV1000	AHsV10000191	ENSG0000	XM_011538	8499	PPFIA2	PTPRF inte	GO:000716	GO:000551	GO:0005737	cytoplasm	6		
H20001106	H200011064	ENSG0000	NM_181672	8473	OGT	O-linked N	GO:000193	GO:000551	GO:000012	521	752	1.44	0.53
CHsGV100	CHsGV1000386	ENSG0000	XM_011537	8111	GPR68	G protein-c	GO:000695	GO:000493	GO:000588	65	67	1.03	0.04
CHsGV100	CHsGV1000024	ENSG0000	XM_005270	8034	SLC25A16	solute carr	GO:000641	GO:000373	GO:000574	185	203	1.09	0.13
CHsGV100	CHsGV1000405	ENSG0000	NM_003425	7596	ZNF45	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000565	15	27	1.81	0.85
AHsV1000	AHsV10001856	ENSG0000	NM_001017	7549	ZNF2	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus	10		
AHsV1000	AHsV10000230	ENSG0000	XM_011535	7347	UCHL3	ubiquitin C	GO:000651	GO:000484	GO:000563	1039	940	0.90	-0.14
CHsGV100	CHsGV1000326	ENSG0000	NM_003335	7318	UBA7	ubiquitin lik	GO:000628	GO:000483	GO:000563	11	14	1.27	0.34
AHsV1000	AHsV10001261	ENSG0000	NM_020998	4485	MST1	macrophag	GO:000650	GO:000367	GO:007006	5	10	2.03	1.02
AHsV1000	AHsV10002187	ENSG0000	XM_006721	4356	MPP3	membrane	GO:000716	GO:000438	GO:0005887	integral component of plasma me			
H20001608	H200016088	ENSG0000	NM_005913	4161	MCP5R	melanocort	GO:000718	GO:000497	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005887	in		
H30001241	H300012412	ENSG0000	NR_104201	83596	BCL2L12	BCL2 like	GO:004594	GO:000203	GO:000563	600	464	0.77	-0.37
opHsV0400	opHsV0400011	ENSG0000	NM_001278	81539	SLC38A1	solute carr	GO:000150	GO:000528	GO:000588	172	226	1.31	0.39
H20001473	H200014732	ENSG0000	NR_102338	81034	SLC25A32	solute carr	GO:000641	GO:000373	GO:000573	506	480	0.95	-0.08
CHsGV100	CHsGV1000275	ENSG0000	XM_006722	80174	DBF4B	DBF4 zinc	GO:000704	GO:000367	GO:000079	30	45	1.52	0.60
AHsV1000	AHsV10000023	ENSG0000	NM_025074	80144	FRAS1	Fraser extr	GO:000200	GO:004687	GO:000588	9	13	1.45	0.54
CHsGV100	CHsGV1000058	ENSG0000	NM_001171	79861	TUBAL3	tubulin alpl	GO:000645	GO:000392	GO:000573	172	159	0.92	-0.12
H20001345	H200013452	ENSG0000	XM_006719	79837	PIP4K2C	phosphatid	GO:000664	GO:000552	GO:000577	75	73	0.96	-0.06
AHsV1000	AHsV10003539	ENSG0000	NM_017669	54821	ERCC6L	excision re	GO:000027	GO:000367	GO:000077	72	75	1.04	0.05
H20000813	H200008136	ENSG0000	NM_001304	51177	PLEKHO1	pleckstrin P	GO:000752	GO:000551	GO:000563	37	44	1.19	0.25
AHsV1000	AHsV10002334	ENSG0000	NR_040584	442582	STAG3L2	stromal ant	-	-	GO:000563	113	98	0.87	-0.20
H20001009	H200010091	ENSG0000	NM_018419	54345	SOX18	SRY-box 1	GO:000012	GO:000097	GO:000079	30	24	0.78	-0.36
AHsV1000	AHsV10000226	ENSG0000	XM_011539	51684	SUFU	SUFU nega	GO:000012	GO:000371	GO:0005634	nucleus,GO	8		
AHsV1000	AHsV10000184	ENSG0000	NM_001282	51643	TMBIM4	transmemb	GO:000691	GO:000551	GO:000013	598	505	0.84	-0.24
AHsV1000	AHsV10001071	ENSG0000	XM_011535	1347	COX7A2	cytochrom	GO:190260	GO:000412	GO:000574	402	430	1.07	0.10
H20000106	H200001064	ENSG0000	NM_018725	55540	IL17RB	interleukin	GO:000155	GO:000489	GO:000557	93	82	0.88	-0.18
H20000349	H200003491	-	XM_011515	55501	CHST12	carbohydr	GO:000597	GO:004775	GO:000013	99	103	1.04	0.05
AHsV1000	AHsV10000406	ENSG0000	XM_011541	55223	TRIM62	tripartite m	GO:001071	GO:000484	GO:0005737	cytoplasm	4		
H30000321	H300003213	ENSG0000	NM_018178	55204	GOLPH3L	golgi phosp	GO:000703	GO:000551	GO:000013	128	163	1.27	0.35
H20000248	H200002483	ENSG0000	XM_006720	55030	FBX034	F-box prot	-	GO:000551	GO:000565	339	296	0.87	-0.20
CHsGV100	CHsGV1000164	ENSG0000	NM_001114	55001	TTC22	tetratricop	-	-	-				
H30002152	H300021526	ENSG0000	NM_005256	23302	WSCD1	WSC doma	GO:000815	GO:000814	GO:001602	26	26	1.01	0.02
H20000321	H200003213	ENSG0000	NM_025010	23276	KLHL18	kelch like f	GO:001656	GO:000484	GO:003146	542	356	0.66	-0.61
AHsV1000	AHsV10003142	ENSG0000	XM_011509	23127	COLGALT2	collagen be	GO:000815	GO:000551	GO:000578	24	112	4.62	2.21
AHsV1000	AHsV10001769	ENSG0000	NM_001300	23097	CDK19	cyclin-depe	GO:000646	GO:000469	GO:000563	27	47	1.70	0.77
H20000591	H200005919	ENSG0000	NM_016732	22913	RALY	RALY hete	GO:000039	GO:000016	GO:000563	569	570	1.00	0.00
AHsV1000	AHsV10003303	ENSG0000	NM_014949	22889	KIAA0907	KIAA0907	-	GO:000372	GO:000563	772	781	1.01	0.02
CHsGV100	CHsGV1000051	ENSG0000	NM_031218	81931	ZNF93	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	22	28	1.25	0.32
AHsV1000	AHsV10001411	ENSG0000	NM_030641	80830	APOL6	apolipoprot	GO:000686	GO:000828	GO:0005576	extracellu	7		
H20001578	H200015781	-	NM_025261	80740	LY6G6C	lymphocyte	-	-	GO:000588	35	26	0.72	-0.46
H20000913	H200009136	ENSG0000	NM_025047	80117	ARL14	ADP ribosy	GO:000726	GO:000551	GO:0016023	cytoplasm	4		
AHsV1000	AHsV10000803	ENSG0000	XM_011538	80024	SLC8B1	solute carr	GO:000681	GO:000543	GO:000582	75	92	1.22	0.29
H20001265	H200012657	ENSG0000	XM_005270	79812	MMRN2	multimerin	GO:000152	GO:000551	GO:000560	28	32	1.12	0.16
AHsV1000	AHsV10001902	ENSG0000	NM_001077	79784	MYH14	myosin, hea	GO:000300	GO:000014	GO:000172	59	51	0.86	-0.22
AHsV1000	AHsV10002718	ENSG0000	XM_006721	54758	KLHDC4	kelch doma	-	GO:000551	-	138	119	0.86	-0.22
CHsGV100	CHsGV1000336	ENSG0000	XM_011516	54677	CROT	carnitine O	GO:000609	GO:000510	GO:000573	43	49	1.13	0.17
AHsV1000	AHsV10003563	ENSG0000	NM_053277	54102	CLIC6	chloride int	GO:000674	GO:000436	GO:000563	6	10	1.49	0.57
H20000255	H200002557	ENSG0000	NR_109790	53917	RAB24	RAB24, me	GO:000691	GO:000551	GO:000573	415	336	0.81	-0.31
H20000284	H200002840	ENSG0000	XM_011517	51606	ATP6V1H	ATPase H+	GO:000687	GO:000551	GO:000022	288	296	1.03	0.04
AHsV1000	AHsV10002477	ENSG0000	XR_926244	51567	TDP2	tyrosyl-DN	GO:000630	GO:000028	GO:000563	901	783	0.87	-0.20
AHsV1000	AHsV10000312	ENSG0000	NM_018060	55699	IARS2	isoleucyl-t	GO:000641	GO:000216	GO:000573	1185	1160	0.98	-0.03
AHsV1000	AHsV10003253	ENSG0000	NM_018490	55366	LGR4	leucine-ric	GO:000164	GO:000488	GO:000588	23	18	0.81	-0.31
H20000208	H200002084	ENSG0000	XM_011520	55343	SLC35C1	solute carr	GO:000223	-	GO:000013	53	43	0.82	-0.29
CHsGV100	CHsGV1000043	ENSG0000	NM_018155	55186	SLC25A36	solute carr	GO:000000	GO:000373	GO:000573	832	777	0.93	-0.10
CHsGV100	CHsGV1000275	ENSG0000	XM_011539	55165	CEP55	centrosom	GO:000028	GO:000551	GO:000581	208	283	1.36	0.45
AHsV1000	AHsV10000586	ENSG0000	NM_001317	54974	THG1L	tRNA-histi	GO:000640	GO:000004	GO:000573	405	382	0.94	-0.08
AHsV1000	AHsV10000333	ENSG0000	NM_017845	54951	COMMD8	COMM dom	GO:000635	GO:000551	GO:000563	660	467	0.71	-0.50
AHsV1000	AHsV10001309	ENSG0000	XM_011536	23256	SCFD1	sec1 family	GO:000090	GO:000551	GO:000578	698	652	0.93	-0.10
H30													

H20001698	H200016987	ENSG0000	XM_011540	79991	OBFC1	oligonucleo	GO:000072	GO:000369	GO:000078	137	137	1.00	0.00
H20001556	H200015564	ENSG0000	NM_024898	79958	DENN1C	DENN dom	GO:004354	GO:001711	GO:0005829	cytosol,G	3		
CHsGV100	CHsGV1000085	ENSG0000	NM_001319	79760	GEMIN7	gem nuclea	GO:000038	GO:000551	GO:000563	525	372	0.71	-0.50
AHsV1000	AHsV10002545	ENSG0000	NM_024671	79724	ZNF768	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000566	271	287	1.06	0.08
H30001097	H300010972	ENSG0000	NM_001072	54578	UGT1A6	UDP glucur	GO:000680	GO:000197	GO:000578	5	8	1.79	0.84
CHsGV100	CHsGV100024	ENSG0000	NM_019060	54544	CRCT1	cysteine ric	GO:001814	GO:000519	GO:0001533	cornified	4		
AHsV1000	AHsV10001203	ENSG0000	NM_001166	53637	S1PR5	sphingosine	GO:000337	GO:003803	GO:000588	6	11	1.66	0.73
H20001795	H200017955	ENSG0000	NM_024047	53343	NUDT9	nudix hydro	GO:003465	GO:001914	GO:000562	534	419	0.78	-0.35
CHsGV100	CHsGV100035	ENSG0000	NM_001286	51534	VTA1	vesicle (mu	GO:000691	GO:000551	GO:000582	1681	1285	0.76	-0.39
AHsV1000	AHsV10002026	ENSG0000	XM_011518	51490	C9orf114	chromosom	GO:000704	GO:000816	GO:000077	441	270	0.61	-0.71
H20000163	H200001638	ENSG0000	XM_011517	55638	SYBU	syntabulin	GO:006117	GO:000551	GO:000013	36	27	0.74	-0.43
CHsTV100	CHsTV1000015	ENSG0000	NM_197958	55323	LARP6	La ribonucl	GO:000639	GO:000016	GO:0005634	nucleus,G	4		
H30002198	H300021980	ENSG0000	XR_934499	55288	RHOT1	ras homolo	GO:000726	GO:000367	GO:000573	799	747	0.94	-0.10
CHsGV100	CHsGV100000	ENSG0000	XM_011519	55130	ARMC4	armadillo re	GO:000334	-	GO:000563	68	50	0.74	-0.44
H20000506	H200005068	ENSG0000	NM_018040	55105	GPATCH2	G-patch do	GO:001092	GO:000367	GO:000573	5	7	1.56	0.64
H20001548	H200015489	ENSG0000	NM_017805	54922	RASIP1	Ras interac	GO:000152	-	GO:0005795	Golgi stad	7		
H20000274	H200002746	ENSG0000	XM_011516	54892	NCAPG2	non-SMC d	GO:000027	GO:000551	GO:000565	810	960	1.19	0.24
H30000987	H300009876	ENSG0000	XM_005255	23214	XPO6	exportin 6	GO:000661	GO:000551	GO:000563	679	440	0.65	-0.63
H20000633	H200006331	ENSG0000	NM_001278	23193	GANAB	glucosidase	GO:000645	GO:003024	GO:000578	270	217	0.80	-0.31
H20000828	H200008280	ENSG0000	NM_001303	23024	PDZRN3	PDZ domai	GO:000752	GO:000484	GO:0031594	neuromuscular junction			
AHsV1000	AHsV10003070	ENSG0000	NM_001168	22999	RIMS1	regulating s	GO:000646	GO:000551	GO:0005829	cytosol,GO:0005886	plasma mem		
H20000183	H200001832	ENSG0000	NM_001290	22809	ATF5	activating t	GO:000635	GO:000097	GO:000563	286	717	2.51	1.33
H20000159	H200001590	ENSG0000	NM_007277	11336	EXOC3	exocyst co	GO:000688	GO:000014	GO:000014	151	185	1.22	0.29
CHsGV100	CHsGV1000034	ENSG0000	NM_030806	81563	C1orf21	chromosom	-	GO:000551	-				
AHsV1000	AHsV10000927	ENSG0000	XM_005256	80262	C16orf70	chromosom	-	GO:000551	-	42	47	1.12	0.16
CHsGV100	CHsGV100024	ENSG0000	NM_001308	80218	NAA50	N(alpha)-ac	GO:000647	GO:000459	GO:000573	1248	1093	0.88	-0.19
CHsGV100	CHsGV1000153	ENSG0000	NM_001006	79921	TCEAL4	transcriptid	GO:000635	GO:005069	GO:000563	176	176	1.00	0.00
H20000842	H200008429	ENSG0000	NM_024833	79891	ZNF671	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	19	26	1.36	0.45
AHsV1000	AHsV10001316	ENSG0000	NM_024644	79697	C14orf169	chromosom	GO:000635	GO:000550	GO:000563	126	89	0.71	-0.50
AHsV1000	AHsV10002346	ENSG0000	XM_005252	79670	ZCCHC6	zinc finger	GO:003112	GO:000827	GO:000573	30	38	1.24	0.31
CHsGV100	CHsGV100018	ENSG0000	NM_019034	54509	RHOF	ras homolo	GO:000701	GO:000392	GO:000582	8	13	1.60	0.68
AHsV1000	AHsV10000368	ENSG0000	NM_001318	54472	TOLLIP	toll interac	GO:000691	GO:000487	GO:000573	21	32	1.53	0.61
AHsV1000	AHsV10003523	ENSG0000	XM_011545	51760	SYT17	synaptotag	GO:000688	GO:000550	GO:0005802	trans-Golgi network,GO:0016020			
H20001009	H200010098	ENSG0000	NR_046394	51727	CMPK1	cytidine/ur	GO:000616	GO:000412	GO:000563	961	1102	1.15	0.20
AHsV1000	AHsV10003264	ENSG0000	XM_006719	51433	ANAPC5	anaphase p	GO:000027	GO:001990	GO:000563	2262	2025	0.90	-0.16
AHsV1000	AHsV10000384	ENSG0000	XM_005245	51377	UCHL5	ubiquitin C	GO:000628	GO:000484	GO:000050	2233	1662	0.74	-0.43
AHsV1000	AHsV10001106	ENSG0000	NM_017619	55599	RNPC3	RNA bindin	GO:000039	GO:000016	GO:000563	97	137	1.41	0.49
AHsV1000	AHsV10003247	ENSG0000	NM_001303	55262	C7orf43	chromosom	-	-	-	46	44	0.94	-0.09
AHsV1000	AHsV10002493	ENSG0000	NM_018242	55244	SLC47A1	solute carr	GO:000685	GO:000545	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in		
CHsGV100	CHsGV1000032	ENSG0000	NM_018008	55079	FEZF2	FEZ family	GO:000012	GO:000097	GO:0005634	nucleus			
H20000300	H200003005	ENSG0000	NM_017975	55055	ZWILCH	zwilch kine	GO:000027	GO:000551	GO:000077	615	566	0.92	-0.12
AHsV1000	AHsV10001230	ENSG0000	NR_110293	54872	PIGG	phosphatid	GO:000650	GO:001678	GO:000578	110	120	1.09	0.12
AHsV1000	AHsV10003329	ENSG0000	XR_242393	54845	ESRP1	epithelial s	GO:000639	GO:000016	GO:0005634	nucleus,G	4		
AHsV1000	AHsV10000647	ENSG0000	XR_928314	23167	EFR3A	EFR3 homod	GO:004685	-	GO:000582	52	66	1.27	0.34
AHsV1000	AHsV10001137	ENSG0000	NM_198455	23145	SSPO	SCO-spon	GO:000715	GO:003041	GO:000561	32	34	1.06	0.09
H30002064	H300020645	ENSG0000	XM_011515	22976	PAXIP1	PAX intera	GO:000041	GO:000551	GO:000563	368	388	1.05	0.07
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	XM_006717	22929	SEPHS1	selenophos	GO:000646	GO:000475	GO:000573	283	271	0.96	-0.06
AHsV1000	AHsV10003189	ENSG0000	XM_011524	11314	CD300A	CD300a md	GO:000237	GO:000178	GO:0005886	plasma m	17		
CHsGV100	CHsGV1000155	ENSG0000	NM_001278	11262	SP140	SP140 nuc	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus,GO:0005635	nuclear env		
DHsGV100	DHsGV1000486	-	-	-	-	-	-	-	-	34	37	1.09	0.12
CHsGV100	CHsGV1000097	-	-	-	-	-	-	-	-	14	10	0.77	-0.37
AHsV1000	AHsV10000617	ENSG0000	NR_130724	100038246	TLX1NB	TLX1 neigh	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000037	-	-	-	-	-	-	-	-	114	96	0.84	-0.24
AHsV1000	AHsV10003135	-	NM_001142	284323	ZNF780A	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	16	42	2.62	1.39
AHsV1000	AHsV10002345	ENSG0000	XM_011524	284129	SLC26A11	solute carr	GO:000827	GO:000525	GO:000565	27	26	0.95	-0.07
CHsGV100	CHsGV1000011	ENSG0000	NM_145865	257629	ANKS4B	ankyrin rep	GO:003497	-	GO:0005789	endoplasmic reticulum membrane			
AHsV1000	AHsV10000540	ENSG0000	XM_011538	256710	GLIPR1L1	GLI pathog	GO:000733	-	GO:0001669	acrosomal vesicle,GO:0005576	ex		
H20000152	H200001525	ENSG0000	XM_005249	222166	MTURN	maturin, ne	GO:000727	-	-	49	35	0.73	-0.46
CHsGV100	CHsGV1000155	-	NM_170745	221613	HIST1H2A	histone clu	GO:000634	GO:000367	GO:000078	87	68	0.78	-0.35
DHsGV100	DHsGV100035	ENSG0000	NM_194296	202051	SPATA24	spermatoge	GO:000635	GO:000367	GO:000563	22	18	0.80	-0.32
AHsV1000	AHsV10003073	ENSG0000	XM_011524	201176	ARHGAP2	Rho GTPas	GO:000689	GO:000509	GO:0005622	intracellul	7		
CHsGV100	CHsGV1000063	ENSG0000	NM_001205	83700	JAM3	junctional a	GO:000152	GO:000517	GO:0005615	extracellular space,GO:0005794	o		
H30000160	H300001609	ENSG0000	NM_001134	344022	NOTO	notochord	GO:000194	GO:000367	GO:000563	13	14	1.06	0.09
opHsV0400	opHsV0400001	-	NM_001098	653619	PRAMEF15	PRAME far	GO:000828	GO:004297	-	74	59	0.79	-0.34
CHsGV100	CHsGV1000175	ENSG0000	NM_181622	337960	KRTAP13-	keratin ass	-	GO:000551	GO:0005882	intermediate filament			
CHsGV100	CHsGV1000132	ENSG0000	NM_203403	286343	LURAP1L	leucine rich	-	-	-				
AHsV1000	AHsV10003395	ENSG0000	NM_138394	92906	HNRNPLL	heterogene	GO:000639	GO:000016	GO:000563	551	622	1.13	0.17
AHsV1000	AHsV10002709	ENSG0000	XR_243688	92335	STRADA	STE20-rela	GO:000646	GO:000467	GO:000563	72	102	1.42	0.50
H20000303	H200003034	ENSG0000	XR_932964	89941	RHOT2	ras homolo	GO:000726	GO:000392	GO:000582	2337	1490	0.64	-0.65
AHsV1000	AHsV10002854	ENSG0000	XM_011520	89797	NAV2	neuron nav	GO:000302	GO:000438	GO:0005614	interstitial matrix,GO:0005654	nu		
AHsV1000	AHsV10001395	ENSG0000	XM_011538	84900	RNF2	ring finger	-	GO:000827	GO:001602	27	41	1.53	0.61
AHsV1000	AHsV10003322	ENSG0000	NM_032772	84858	ZNF503	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus			
CHsGV100	CHsGV1000085	ENSG0000	NM_032340	84300	UQC2	ubiquinol-c	GO:000208	GO:000551	GO:000563	1353	1160	0.86	-0.22
CHsGV100	CHsGV1000055	ENSG0000	NM_032305	84265	POLR3GL	polymerase	GO:000635	GO:000105	GO:000079	271	387	1.43	0.51
AHsV1000	AHsV10000087	ENSG0000	NM_018309	55773	TBC1D23	TBC1 dom	GO:003268	GO:000551	-	190	187	0.98	-0.02
DHsGV100	DHsGV1000392	ENSG0000	NG_029703	650669	GAS6-AS1	GAS6 antis	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000245	-	-	-	-	-	-	-	-		4		
AHsV1000	AHsV10001130	-	XR_928180	731075	LOC731075	uncharacte	-	-	-	27	20	0.72	-0.48
DHsGV100	DHsGV1000448	-	-	-	-	-	-	-	-		4		
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_011523	284001	CCDC57	coiled-coil	-	GO:000551	-	5	10	1.97	0.98
CHsGV100	CHsGV1000267	ENSG0000	NM_173611	283742	FAM98B	family with	GO:000803	GO:004482	GO:000563	4	12	3.03	1.60
AHsV1000	AHsV10001066	ENSG0000	NM_152774	256130	TMEM196	transmemb	-	-	GO:0016021	integral component of membrane			
AHsV1000	AHsV10001438	ENSG0000	NM_153259	255231	MCOLN2	mucolipin 2	GO:003422	-	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in		
H30002001	H300020010	ENSG0000	NM_001098	221395	ADGRF5	adhesion G	GO:000611	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0009986	c		
CHsGV100	CHsGV1000401	-	NM_139178	221120	ALKBH3	alkB homol	GO:0						

CHsGV100	CHsGV100029	ENSG0000	XM_011539	340706	VWA2	von Willebr	GO:000716	GO:000551	GO:000560	10	11	1.17	0.22	
DHsGV100	DHsGV100024	-	-	-	-	-	-	-	-	24	21	0.89	-0.18	
H30000260	H300002607	ENSG0000	XM_011534	285676	ZNF454	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus				
AHsV1000	AHsV10000246	ENSG0000	XM_005255	92017	SNX29	sorting nex	-	GO:003509	GO:0070062	extracellu	9			
AHsV1000	AHsV10003305	ENSG0000	NM_001277	91662	NLRP12	NLR family	GO:000691	GO:000551	GO:000563		44	0.75	-0.41	
CHsGV100	CHsGV1000394	ENSG0000	NM_053042	85460	ZNF518B	zinc finger	GO:000635	GO:000098	GO:000563		110	100	0.91	-0.14
AHsV1000	AHsV10000040	ENSG0000	NM_033386	85377	MICALL1	MICAL like	GO:000661	GO:000551	GO:000576		24	36	1.47	0.56
H20001888	H200018886	ENSG0000	NM_032673	84759	PCGF1	polycomb g	GO:000635	GO:000551	GO:000563		90	82	0.91	-0.14
AHsV1000	AHsV10001704	ENSG0000	XM_005253	84678	KDM2B	lysine deme	GO:000012	GO:000097	GO:000563		1289	795	0.62	-0.70
H30000187	H300001876	ENSG0000	NM_001134	84223	IQCG	IQ motif co	GO:000728	-	GO:007006		30	37	1.22	0.29
CHsGV100	CHsGV1000378	ENSG0000	XM_006718	84171	LOXL4	lysyl oxidas	GO:000689	GO:000472	GO:0005615	extracellular space,GO:0016020 r				
AHsV1000	AHsV10001197	ENSG0000	XM_005256	55737	VPS35	VPS35, ret	GO:000688	GO:000551	GO:000576		1047	899	0.86	-0.22
DHsGV100	DHsGV1000029	ENSG0000	-	-	RP5-1063M	-	-	-	-		7			
DHsGV100	DHsGV1000364	ENSG0000	NG_013034	57521	RPTOR	regulatory	GO:000193	GO:000103	GO:0005654	nucleoplasm,GO:0005737 cytopla				
DHsGV100	DHsGV1000546	ENSG0000	NG_031856	5396	PRRX1	paired relat	GO:000012	GO:000110	GO:000563		76	57	0.76	-0.40
AHsV1000	AHsV10001272	ENSG0000	NM_001144	730051	ZNF814	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005622	intracellul	8			
DHsGV100	DHsGV1000373	ENSG0000	NR_036487	283481	FGF14-AS	FGF14 anti	-	-	-					
AHsV1000	AHsV10003147	ENSG0000	XM_011538	283310	OTOGL	otogelin-like	GO:000760	GO:004655	GO:0005576	extracellular region				
CHsGV100	CHsGV1000258	ENSG0000	NM_054104	254786	OR6C3	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021 in				
H20001982	H200019822	ENSG0000	-	253868	C2orf166	C2orf166	-	-	-		54	42	0.78	-0.36
AHsV1000	AHsV10003414	ENSG0000	XM_011534	220082	SPERT	spermatid a	-	GO:000551	GO:0016023	cytoplasmic, membrane-bounded				
H30000223	H300002234	ENSG0000	NR_072993	219670	ENKUR	enkurin, TF	-	GO:000551	GO:000166		4	5	1.34	0.42
AHsV1000	AHsV10001716	ENSG0000	XM_005256	197320	ZNF778	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563		28	23	0.83	-0.27
CHsGV100	CHsGV1000317	ENSG0000	XM_011538	196463	PLBD2	phospholipa	GO:001604	GO:001678	GO:0043202	lysosomal	19			
AHsV1000	AHsV10002145	ENSG0000	XR_945825	81855	SFXN3	sideroflexin	GO:003422	GO:001507	GO:000573		40	34	0.84	-0.26
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	NM_001025	340168	DPPA5	developme	GO:000727	GO:000372	GO:0005737	cytoplasm	4			
AHsV1000	AHsV10001148	ENSG0000	XM_011511	339766	MROH2A	maestro he	-	-	-					
CHsGV100	CHsGV1000054	ENSG0000	NM_001025	285382	C3orf70	chromosom	-	-	-		39	43	1.08	0.12
AHsV1000	AHsV10000877	ENSG0000	NM_173821	285093	RTP5	receptor (c	GO:000158	GO:000551	GO:0005622	intracellul	9			
AHsV1000	AHsV10001394	ENSG0000	NM_080656	91368	CDKN2AIP	CDKN2A in	-	-	-		719	708	0.99	-0.02
H20001068	H200010683	ENSG0000	NM_173464	91133	L3MBTL4	[(3)mbt-like	GO:000635	GO:000370	GO:000563		11	12	1.11	0.16
H30000031	H300000318	ENSG0000	NM_001312	85236	HIST1H2B	histone clu	GO:000222	GO:000367	GO:000078		16069	7340	0.46	-1.13
AHsV1000	AHsV10001403	ENSG0000	NM_032898	84984	CEP19	centrosome	-	GO:000551	GO:000092		52	67	1.30	0.38
H20001503	H200015035	ENSG0000	NM_032551	84634	KISS1R	KISS1 rece	GO:000018	GO:000551	GO:000588		94	62	0.65	-0.61
CHsGV100	CHsGV1000177	ENSG0000	NM_032521	84612	PARD6B	par-6 famil	GO:000646	GO:000551	GO:000563		54	59	1.09	0.13
CHsGV100	CHsGV100022	ENSG0000	NM_032164	84124	ZNF394	zinc finger	GO:000635	GO:000370	GO:000563		191	150	0.78	-0.35
H30002225	H300022250	ENSG0000	XM_011543	84059	ADGRV1	adhesion G	GO:000716	GO:000493	GO:000573		17	16	0.96	-0.05
AHsV1000	AHsV10001807	ENSG0000	NM_033540	55669	MFN1	mitofusin 1	GO:000042	GO:000392	GO:000573		295	339	1.15	0.20
DHsGV100	DHsGV1000344	ENSG0000	XM_011512	25937	WWTR1	WW domain	GO:000012	GO:000371	GO:000563		56	46	0.82	-0.28
DHsGV100	DHsGV1000226	ENSG0000	-	-	RP11-353M	-	-	-	-			3		
DHsGV100	DHsGV1000463	-	-	-	-	-	-	-	-		2384	1858	0.78	-0.36
AHsV1000	AHsV10001816	ENSG0000	NM_001109	729830	FAM160A1	family with	-	-	-					
AHsV1000	AHsV10000834	-	-	-	-	-	-	-	-					
AHsV1000	AHsV10003324	ENSG0000	XM_011515	266553	OFCC1	orofacial cl	-	GO:000551	-					
H20000833	H200008332	ENSG0000	NM_001286	246243	RNASEH1	ribonucleas	GO:000640	GO:000028	GO:000573		2220	1720	0.78	-0.37
H30000177	H300001779	ENSG0000	NM_152898	222894	FERD3L	Fer3-like b	GO:000012	GO:000097	GO:000563		8	14	1.63	0.70
AHsV1000	AHsV10003411	ENSG0000	NM_153689	205327	C2orf69	chromosom	-	-	GO:000557		69	74	1.08	0.12
H30002278	H300022784	ENSG0000	XM_011517	203238	CCDC171	coiled-coil	-	-	-			9		
H20001023	H200010236	ENSG0000	XM_011524	192666	KRT24	keratin 24,	GO:000815	GO:000367	GO:0005737	cytoplasm	4			
CHsGV100	CHsGV1000094	ENSG0000	NM_014069	170680	PSORS1C2	psoriasis su	GO:000815	GO:000367	GO:000557		176	130	0.74	-0.44
H20001021	H200010215	ENSG0000	XM_011535	81617	CAB39L	calcium bin	GO:000705	GO:000551	GO:000582		78	61	0.79	-0.34
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	NM_001105	339291	LRRC30	leucine rich	-	-	-		5	10	2.03	1.02
CHsGV100	CHsGV1000277	ENSG0000	NM_175834	338785	KRT79	keratin 79,	-	GO:000519	GO:004509		22	28	1.25	0.32
opHsV0400	opHsV0400012	ENSG0000	NM_001134	284677	C1orf204	chromosom	-	-	-					
DHsGV100	DHsGV1000414	ENSG0000	NM_001136	284422	SMIM24	small integr	GO:000815	GO:000367	GO:001602		4	6	1.43	0.51
H30001153	H300011538	ENSG0000	NR_125333	90806	ANGEL2	angel homd	GO:004593	GO:000373	GO:000573		37	74	1.97	0.98
H20000987	H200009874	ENSG0000	NM_138353	90379	DCAF15	DDB1 and	GO:001656	-	-		39	50	1.29	0.37
AHsV1000	AHsV10002308	ENSG0000	NM_032862	84948	TIGD5	tigger trans	GO:000815	GO:000367	GO:000557		136	107	0.79	-0.34
CHsGV100	CHsGV1000364	ENSG0000	NM_032833	84919	PPP1R15B	protein pho	GO:000698	GO:000472	GO:000016		169	213	1.27	0.34
H20001613	H200016136	ENSG0000	XM_011522	84465	MEGF11	multiple EG	GO:001084	-	GO:0016021	integral component of membrane				
CHsGV100	CHsGV1000058	ENSG0000	XM_011515	84433	CARD11	caspase re	GO:000181	GO:000438	GO:000177		19	22	1.12	0.17
AHsV1000	AHsV10000011	ENSG0000	NM_001159	83933	HDAC10	histone dea	GO:000012	GO:000440	GO:000011		20	23	1.15	0.20
H20001926	H200019263	ENSG0000	XM_011542	83873	GPR61	G protein-c	GO:000718	GO:000493	GO:000557		26	32	1.20	0.27
H30001812	H300018128	-	XR_947061	105376858	LOC10537	uncharacte	-	-	-		40	54	1.35	0.43
H20001993	H200019933	ENSG0000	NM_001684	493	ATP2B4	ATPase pla	GO:000340	GO:000538	GO:000588		8	26	3.27	1.71
AHsV1000	AHsV10001541	ENSG0000	NR_103529	11129	CLASRP	CLK4-asso	GO:000639	-	GO:000563		607	506	0.83	-0.26
DHsGV100	DHsGV1000142	-	-	-	-	-	-	-	-					
DHsGV100	DHsGV1000163	ENSG0000	-	353135	LCE1E	late cornifi	GO:001814	GO:000519	GO:000153		7	8	1.02	0.03
DHsGV100	DHsGV1000204	-	-	-	-	-	-	-	-		17	17	1.00	-0.01
DHsGV100	DHsGV1000077	ENSG0000	-	91612	CHURC1	churchill dd	GO:000635	GO:000827	-		5	8	1.38	0.46
DHsGV100	DHsGV100014	ENSG0000	NG_008203	4990	SIX6	SIX homeo	GO:000636	GO:000120	GO:000563		6	9	1.48	0.57
DHsGV100	DHsGV1000143	-	-	-	-	-	-	-	-		17	17	1.00	0.00
DHsGV100	DHsGV1000434	-	-	-	-	-	-	-	-		47	55	1.17	0.23
DHsGV100	DHsGV1000257	ENSG0000	-	-	RP11-361I	-	-	-	-		6	10	1.65	0.72
DHsGV100	DHsGV1000204	-	NG_029948	10579	TACC2	transformir	GO:000022	GO:001990	GO:000563		23	21	0.91	-0.14
DHsGV100	DHsGV1000517	-	-	-	-	-	-	-	-		8	8	1.05	0.07
DHsGV100	DHsGV1000271	-	-	-	-	-	-	-	-		13	11	0.85	-0.23
DHsGV100	DHsGV100003	ENSG0000	-	22898	DENND3	DENN/MAI	GO:000833	GO:001711	GO:000562		42	37	0.86	-0.21
DHsGV100	DHsGV1000260	ENSG0000	-	-	AC009542	-	-	-	-		8	7	0.88	-0.18
DHsGV100	DHsGV1000574	-	-	-	-	-	-	-	-			3		
DHsGV100	DHsGV1000365	ENSG0000	XR_927300	105375297	LOC10537	uncharacte	-	-	-		33	33	0.99	-0.01
H20000076	H200000767	ENSG0000	NM_002155	3310	HSPA6	heat shock	GO:000698	GO:000551	GO:000573		33	136	4.18	2.06
DHsGV100	DHsGV1000427	ENSG0000	-	100132234	LINC00543	long interge	-	-	-			6		
DHsGV100	DHsGV1000338	-	-	-	-	-	-	-	-		79	59	0.75	-0.42
DHsGV100	DHsGV1000076	ENSG0000	-	9476	NAPSA	napsin A as	GO:000650	GO:000417	GO:0005615	extracellular space,GO:0005764 l				
DHsGV100	DHsGV1000367	-	-	-	-	-	-	-	-					
AHsV1000	AHsV10001872	ENSG0000	NM_001134	389152	PRR23C	proline rich	-	-	-					
AHsV1000	AHsV10001616	ENSG0000	NM_001316	388963	C2orf81	chromosom	-	-	-					
CH														

opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001171	374899	ZNF829	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634 nucleus				
H20000691	H200006915	ENSG0000	NM_004998	4643	MYO1E	myosin IE	GO:000157	GO:000014	GO:000573	22	27	1.25	0.32
DHsGV100	DHsGV1000284	-	-	-	-	-	-	-	-	31	33	1.08	0.11
DHsGV100	DHsGV1000153	-	NG_007452	10682	EBP	emopamil b	GO:000150	GO:000024	GO:000578	7	11	1.58	0.66
DHsGV100	DHsGV1000320	ENSG0000	NM_207385	388289	C16orf47	chromosom	-	-	-	14	13	0.95	-0.08
DHsGV100	DHsGV1000235	ENSG0000	XM_011518	30815	ST6GALNA	ST6 (alpha	GO:000157	GO:000166	GO:000013	10	14	1.41	0.50
DHsGV100	DHsGV1000017	-	NG_011639	721	C4B	complemen	GO:000695	GO:000184	GO:000557	129	95	0.73	-0.45
DHsGV100	DHsGV1000230	-	-	-	-	-	-	-	-	43	39	0.89	-0.16
DHsGV100	DHsGV1000203	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000218	ENSG0000	-	-	CTC-444N	-	-	-	-	221	200	0.90	-0.15
DHsGV100	DHsGV1000506	-	-	-	-	-	-	-	-	15	13	0.88	-0.18
DHsGV100	DHsGV1000029	-	-	-	-	-	-	-	-	139	121	0.87	-0.20
AHsV10000	AHsV10002389	ENSG0000	NM_001244	100133053	CXorf51B	chromosom	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000092	-	-	-	-	-	-	-	-	-	3	-	-
DHsGV100	DHsGV1000127	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000070	-	-	-	-	-	-	-	-	-	4	-	-
DHsGV100	DHsGV1000207	-	-	-	-	-	-	-	-	-	3	-	-
DHsGV100	DHsGV1000290	-	XR_946358	105378512	LOC10537	uncharacte	-	-	-	9	11	1.20	0.26
DHsGV100	DHsGV1000422	ENSG0000	XR_929095	105375920	LOC10537	uncharacte	-	-	-	226	161	0.71	-0.49
DHsTV100	DHsTV1000003	-	-	-	-	-	-	-	-	207	139	0.67	-0.58
DHsGV100	DHsGV1000285	-	NG_029763	40	ASIC2	acid sensin	GO:000302	GO:000551	GO:0005886 plasma membrane,GO:0005887 in	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000146	-	-	-	-	-	-	-	-	69	60	0.87	-0.20
DHsGV100	DHsGV1000229	-	-	-	-	-	-	-	-	1040	599	0.58	-0.80
AHsV10000	AHsV10000759	ENSG0000	NM_001009	388697	HRNR	hornerin	GO:000224	GO:000550	GO:0001533 cornified envelope,GO:0005634 n	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000408	ENSG0000	-	388564	TMEM238	transmemb	-	-	GO:001602	5	7	1.40	0.49
CHsGV100	CHsGV1000125	ENSG0000	XM_006718	374378	GALNT18	polypeptide	GO:000648	GO:000465	GO:000013	122	74	0.60	-0.73
CHsGV100	CHsGV1000345	ENSG0000	NM_180990	353174	ZACN	zinc activa	GO:000721	GO:000488	GO:0005886 plasma membrane,GO:0005892 ac	-	-	-	-
H20000781	H200007815	ENSG0000	XM_011521	5923	RASGRF1	Ras proteir	GO:000016	GO:000508	GO:000582	5	11	2.21	1.14
DHsGV100	DHsGV1000034	ENSG0000	-	-	RP11-264E	-	-	-	-	113	75	0.66	-0.59
DHsGV100	DHsGV1000037	-	-	-	-	-	-	-	-	-	7	-	-
DHsGV100	DHsGV1000109	ENSG0000	-	9827	RGP1	RGP1 hom	GO:004214	GO:000551	GO:000582	226	173	0.76	-0.39
DHsGV100	DHsGV100043	ENSG0000	NM_001303	58495	OVOL2	ovo like zin	GO:000152	GO:000098	GO:0005634 nucleus	-	5	-	-
DHsTV100	DHsTV1000002	ENSG0000	NM_175741	256646	NUTM1	NUT midlin	-	GO:000551	GO:0005634 nucleus,GO:0005737 cytoplasm	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000072	-	-	-	-	-	-	-	-	70	59	0.84	-0.26
DHsGV100	DHsGV1000013	-	-	-	-	-	-	-	-	-	3	-	-
DHsGV100	DHsGV1000510	ENSG0000	-	112869	SGF29	SAGA com	GO:000632	GO:000551	GO:000567	39	34	0.87	-0.20
DHsGV100	DHsGV1000428	ENSG0000	XR_936922	100129869	LOC10012	uncharacte	-	-	-	37	32	0.87	-0.21
DHsGV100	DHsGV1000193	ENSG0000	NR_132983	100129781	MIR193BH	MIR193B h	-	-	-	-	3	-	-
DHsGV100	DHsGV1000456	ENSG0000	NR_034091	100129046	LOC10012	uncharacte	-	-	-	28	27	0.96	-0.06
DHsGV100	DHsGV1000018	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000048	-	NG_029432	114876	OSBPL1A	oxysterol b	GO:000686	GO:000551	GO:0005622 intracellular,GO:0005634 nucleus	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000565	-	-	-	-	-	-	-	-	10	17	1.61	0.69
DHsGV100	DHsGV100051	ENSG0000	NM_001136	126567	C2CD4C	C2 calcium	-	GO:000550	-	-	4	-	-
DHsGV100	DHsGV1000382	-	-	-	-	-	-	-	-	155	124	0.80	-0.32
DHsGV100	DHsGV1000527	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000345	-	-	-	-	-	-	-	-	5	5	1.11	0.15
DHsGV100	DHsGV1000375	-	-	-	-	-	-	-	-	-	7	-	-
DHsGV100	DHsGV1000048	ENSG0000	XM_011519	340895	MALRD1	MAM and L	GO:004263	-	GO:0005737 cytoplasm	-	7	-	-
DHsGV100	DHsGV1000245	ENSG0000	-	101927519	TUBBP8	tubulin, bet	-	-	-	39	37	0.94	-0.09
DHsGV100	DHsGV1000390	ENSG0000	XM_006720	400499	LOC40049	uncharacte	-	-	-	-	4	-	-
AHsV10000	AHsV10001634	ENSG0000	XM_011539	387707	CC2D2B	coiled-coil	-	-	-	-	10	-	-
H30001332	H300013321	ENSG0000	NM_182632	348932	SLC6A18	solute carr	GO:000333	GO:000532	GO:000588	34	29	0.85	-0.23
AHsV10000	AHsV10002724	ENSG0000	XM_006715	347744	C6orf52	chromosom	-	-	-	30	19	0.62	-0.69
H20001727	H200017279	ENSG0000	NM_002471	4624	MYH6	myosin, hea	GO:000170	GO:000014	GO:0001725 stress fib	-	5	-	-
DHsGV100	DHsGV1000000	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000105	-	NM_152879	8527	DGKD	diacylglyce	GO:000689	GO:000414	GO:000573	42	39	0.93	-0.10
H20001330	H200013305	ENSG0000	XM_011521	10257	ABCC4	ATP bindin	GO:000257	GO:000552	GO:000588	123	91	0.74	-0.43
CHsGV100	CHsGV1000338	ENSG0000	XM_005269	10285	SMNDC1	survival mo	GO:000037	GO:000551	GO:000563	703	565	0.80	-0.32
DHsGV100	DHsGV1000362	-	NR_026664	85009	MGC16025	uncharacte	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000373	-	-	-	-	-	-	-	-	45	48	1.06	0.08
DHsGV100	DHsGV1000382	-	-	-	-	-	-	-	-	296	263	0.89	-0.17
DHsGV100	DHsGV1000155	-	-	-	-	-	-	-	-	682	565	0.83	-0.27
DHsGV100	DHsGV1000013	-	NG_029502	8522	GAS7	growth arre	GO:000635	GO:000370	GO:0001726 ruffle,GO:	-	3	-	-
DHsGV100	DHsGV1000363	-	NG_034036	375449	MAST4	microtubule	GO:000701	GO:000028	GO:000562	595	525	0.88	-0.18
DHsGV100	DHsGV1000278	ENSG0000	NR_102763	100128893	GATA6-AS	GATA6 ant	-	-	-	15	19	1.26	0.34
AHsV10000	AHsV10000544	-	-	-	-	-	-	-	-	-	7	-	-
DHsGV100	DHsGV1000193	ENSG0000	XM_006720	283807	FBXL22	F-box and	GO:001656	GO:006163	GO:003001	31	30	0.96	-0.05
H20001339	H200013392	ENSG0000	XM_011509	10765	KDM5B	lysine deme	GO:000632	GO:000367	GO:000563	314	297	0.95	-0.08
H20000637	H200006378	ENSG0000	NM_006755	6888	TALDO1	transaldola	GO:000597	GO:000480	GO:000563	7066	6088	0.86	-0.21
DHsGV100	DHsGV1000440	-	-	-	-	-	-	-	-	-	3	-	-
DHsGV100	DHsGV1000435	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000080	ENSG0000	XR_938569	101928969	RHOXF1-A	RHOXF1 ar	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000265	-	-	-	-	-	-	-	-	32	33	1.02	0.03
DHsGV100	DHsGV1000207	-	-	-	-	-	-	-	-	14	20	1.44	0.53
DHsGV100	DHsGV1000566	ENSG0000	NG_032888	51660	MPC1	mitochondr	GO:000609	GO:000367	GO:0005575 cellular_cd	-	5	-	-
AHsV10000	AHsV10002248	-	NG_012855	23345	SYNE1	spectrin re	GO:000699	GO:000377	GO:0005634 nucleus,GO:0005635 nuclear env	-	-	-	-
AHsV10000	AHsV10002291	ENSG0000	NM_199183	377047	PRSS45	protease, s	GO:000650	GO:000425	-	6	12	1.77	0.82
CHsGV100	CHsGV1000161	ENSG0000	XM_011518	347273	MURC	muscle-rel	GO:000635	-	GO:0005737 cytoplasm	-	5	-	-
AHsV10000	AHsV10002085	ENSG0000	NM_001167	345778	MTX3	metaxin 3	GO:000662	-	GO:0005741 mitochond	-	9	-	-
H20000957	H200009574	ENSG0000	XM_005257	91107	TRIM47	tripartite m	-	GO:000827	GO:000563	12	16	1.29	0.36
H30000556	H300005565	ENSG0000	NM_020358	57093	TRIM49	tripartite m	-	GO:000551	GO:0005622 intracellular	-	-	-	-
H20001736	H200017361	ENSG0000	NM_173178	27177	IL36B	interleukin	GO:000243	GO:000512	GO:000557	23	26	1.09	0.13
H20001327	H200013271	ENSG0000	NM_003393	7479	WNT8B	wingless-ty	GO:000716	GO:000510	GO:0005576 extracellu	-	8	-	-
H30001686	H300016865	ENSG0000	NM_007037	11095	ADAMTS8	ADAM met	GO:000650	GO:000422	GO:000557	26	28	1.07	0.10
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_004407	1758	DMP1	dentin mat	GO:000150	GO:000517	GO:000557	4	8	1.95	0.96
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XM_006719	23545	ATP6V0A2	ATPase H+	GO:000687	GO:000551	GO:000022	156	206	1.33	0.41
H20000512	H200005122	ENSG0000	XM_006714	11285	B4GALT7	xylosylprot	GO:000597	GO:000383	GO:000013	67	64	0.96	-0.06
H20001286	H200012865	ENSG0000	NM_003840	8793	TNFRSF10	tumor necr	GO:000695	GO:000488	GO:0005887 integral c	-	3	-	-
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_011517	8694	DGAT1	diacylglyce	GO:000664	GO:000384	GO:000578	200	193	0.96	-0.05

opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_021105	5359	PLSCR1	phospholipi	GO:000636	GO:000107	GO:000563	808	894	1.11	0.15
H30001845	H300018458	ENSG0000	NM_000899	4254	KITLG	KIT ligand	GO:000016	GO:000512	GO:000576	extracellular region,GO:0005615			
H20000663	H200006635	ENSG0000	XM_005255	1006	CDH8	cadherin 8	GO:000715	GO:000550	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in		
H20001552	H200015526	ENSG0000	XM_011542	53942	CNTN5	contactin 5	GO:000715	-	GO:000573	37	27	0.72	-0.48
H20000147	H200001474	ENSG0000	NM_007278	11337	GABARAP	GABA(A) r	GO:000022	GO:000551	GO:000013	946	807	0.85	-0.23
H20001879	H200018794	ENSG0000	NR_104440	154214	RNF217	ring finger	GO:000020	GO:000484	GO:000015	28	31	1.11	0.15
H30000080	H300000803	ENSG0000	NM_001135	131578	LRRC15	leucine ric	GO:000646	GO:000196	GO:000573	23	20	0.87	-0.21
H20001319	H200013190	ENSG0000	XM_011520	57689	LRRC4C	leucine ric	GO:000646	GO:000486	GO:0005615	extracellular space,GO:0005737	ex		
H20001908	H200019086	ENSG0000	NM_001037	56894	AGPAT3	1-acylglyce	GO:000664	GO:000384	GO:000563	128	115	0.90	-0.15
H30002026	H300020260	ENSG0000	NM_014014	23020	SNRNP200	small nucle	GO:000035	GO:000400	GO:000563	298	245	0.82	-0.28
H20000156	H200001567	ENSG0000	NM_012098	23452	ANGPTL2	angiopoietin	GO:000727	GO:000510	GO:0005615	extracellu	4		
DHsGV100	DHsGV1000453	-	-	-	-	-	-	-	-	149	145	0.98	-0.03
DHsGV100	DHsGV1000448	ENSG0000	NM_022834	64856	VWA1	von Willebr	GO:003019	GO:004280	GO:000560	9	10	1.09	0.13
DHsGV100	DHsGV1000374	-	-	-	-	-	-	-	-	11	13	1.12	0.17
DHsGV100	DHsGV1000056	ENSG0000	-	-	AC005609.	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000171	-	-	-	-	-	-	-	-	7	8	1.10	0.13
H20000747	H200007474	ENSG0000	NM_001289	8193	DPF1	double PHD	GO:000635	GO:000827	GO:000573	38	32	0.83	-0.28
H30000040	H300000401	ENSG0000	NM_001810	1059	CENPB	centromere	GO:000635	GO:000368	GO:000077	106	83	0.78	-0.36
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001199	100528017	SAA2-SAA	SAA2-SAA	-	-	-	7	10	1.35	0.43
H20000007	H200000078	ENSG0000	NM_000929	5322	PLA2G5	phospholipa	GO:000664	GO:000550	GO:000557	111	85	0.76	-0.39
H20001367	H200013671	ENSG0000	NM_015715	50487	PLA2G3	phospholipa	GO:000167	GO:004687	GO:000557	5	9	2.07	1.05
H20000057	H200000575	ENSG0000	NM_000638	7448	VTN	vitronectin	GO:000689	GO:000504	GO:000557	41	35	0.85	-0.23
H20000622	H200006221	ENSG0000	NM_006816	10960	LMAN2	lectin, man	GO:000689	GO:000194	GO:000013	396	353	0.89	-0.17
H30000300	H300003004	ENSG0000	NM_001006	10630	PDPN	podoplanin	GO:000090	GO:000537	GO:000172	132	101	0.77	-0.38
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011543	7903	ST8SIA4	ST8 alpha-	GO:000157	GO:000382	GO:0000139	Golgi membrane,GO:0030173	inte		
H20001652	H200016524	ENSG0000	XM_011535	7223	TRPC4	transient re	GO:000681	GO:000551	GO:000582	111	91	0.82	-0.28
H20000057	H200000572	ENSG0000	NM_002299	3938	LCT	lactase	GO:000166	GO:000001	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005887	in		
H20001908	H200019083	ENSG0000	XM_011520	3732	CD82	CD82 mole	GO:000716	GO:000551	GO:000588	39	41	1.06	0.09
H20001281	H200012810	ENSG0000	NM_017584	55586	MIOX	myo-inosit	GO:001931	GO:000403	GO:000573	22	21	0.97	-0.04
H30000706	H300007069	ENSG0000	NM_001146	8482	SEMA7A	semaphorin	GO:000164	GO:000517	GO:0005615	extracellular space,GO:0005886	pl		
H30000371	H300003715	ENSG0000	NM_033016	5155	PDGFB	platelet der	GO:000016	GO:000516	GO:000013	44	34	0.76	-0.39
H20001075	H200010755	ENSG0000	NR_037950	100534611	TM4SF19-	TM4SF19-	-	-	-	73	49	0.67	-0.57
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_011520	90139	TSPAN18	tetraspanin	GO:000716	-	GO:0005887	integral component of plasma me			
H20001285	H200012858	ENSG0000	XM_006717	55315	SLC29A3	solute carr	GO:005508	GO:000533	GO:000576	230	183	0.80	-0.33
H30001466	H300014669	ENSG0000	NM_001145	53919	SLC01C1	solute carr	GO:000820	GO:001512	GO:000588	24	23	0.99	-0.02
H30000352	H300003524	ENSG0000	-	390424	ATP5G1P5	ATP synth	-	-	-	397	206	0.52	-0.95
H30002201	H300022014	ENSG0000	XM_005250	3268	ARFGAP2	ArfGAP wit	GO:000815	GO:000367	GO:0016020	membrane	9		
DHsGV100	DHsGV1000075	-	-	-	-	-	-	-	-	324	220	0.68	-0.56
DHsGV100	DHsGV1000054	ENSG0000	NR_029376	100294362	LOC100294	uncharacte	-	-	-	29	24	0.83	-0.27
DHsGV100	DHsGV1000137	-	-	-	-	-	-	-	-	27	21	0.76	-0.39
DHsGV100	DHsGV1000031	ENSG0000	NG_041769	498	ATP5A1	ATP synth	GO:000193	GO:000551	GO:0005739	mitochondrion,GO:0005743	mitoc		
DHsGV100	DHsGV1000038	-	-	-	-	-	-	-	-	16	21	1.26	0.34
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_003519	8340	HIST1H2B1	histone clu	GO:000632	GO:000367	GO:000078	11202	5175	0.46	-1.11
H30000844	H300008447	ENSG0000	NM_198461	164832	LONRF2	LON peptid	GO:000650	GO:000417	-		5		
H20000025	H200000257	ENSG0000	NM_000590	3578	IL9	interleukin	GO:000695	GO:000512	GO:0005615	extracellular space			
H30000127	H300001272	-	NM_002159	3346	HTN1	histatin 1	GO:003121	GO:000551	GO:000557	6	10	1.74	0.80
H20000068	H200000688	ENSG0000	NM_000266	4693	NDP	Norrie dise	GO:000189	GO:000510	GO:000561	19	21	1.11	0.14
H30002151	H300021512	ENSG0000	NM_001317	1442	CSH1	chorionic s	GO:006039	GO:000517	GO:000557	59	48	0.81	-0.31
H20001334	H200013346	ENSG0000	NM_198196	10225	CD96	CD96 mole	GO:000695	-	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005887	in		
H20001198	H200011980	ENSG0000	NM_006043	9956	HS3ST2	heparan su	GO:000597	GO:000814	GO:000013	5	9	1.77	0.83
H30001467	H300014674	ENSG0000	XM_011542	6653	SORL1	sortilin-rela	GO:000004	GO:000154	GO:000561	36	31	0.85	-0.24
H20000025	H200000255	ENSG0000	NM_003049	6554	SLC10A1	solute carr	GO:000681	GO:000161	GO:0005886	plasma m	8		
H30001990	H300019903	ENSG0000	NM_000828	2892	GRIA3	glutamate r	GO:000681	GO:000497	GO:0005654	nucleoplasm,GO:0005886	plasma		
H20000025	H200000250	ENSG0000	XM_005248	2651	GCNT2	glucosamin	GO:000602	GO:000810	GO:0000139	Golgi men	5		
H30002046	H300020468	ENSG0000	XM_005268	9472	AKAP6	A-kinase a	GO:000150	GO:000551	GO:0005635	nuclear e	6		
H20002131	H200021310	ENSG0000	XM_011525	7266	DNAJC7	DnaJ heat	GO:000645	GO:000551	GO:000565	218	170	0.78	-0.36
H30000308	H300003087	ENSG0000	NM_021072	348980	HCN1	hyperpolar	GO:000681	GO:000522	GO:000588	6	12	2.19	1.13
H20001065	H200010658	-	NM_032036	83982	IFI27L2	interferon,	-	-	GO:001602	33	36	1.09	0.13
H30002281	H300022817	ENSG0000	NM_030782	81037	CLPTM1L	CLPTM1-li	GO:000691	-	GO:001602	2477	1590	0.64	-0.64
H20001740	H200017403	ENSG0000	NM_016180	51151	SLC45A2	solute carr	GO:000760	-	GO:001602	6	6	1.02	0.04
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001278	29933	GPR132	G protein-c	GO:000008	GO:000493	GO:0005886	plasma m	9		
H30000381	H300003811	-	-	-	-	-	-	-	-	218	169	0.78	-0.37
H30000946	H300009461	ENSG0000	-	1932	EEF1B2P1	eukaryotic	-	-	-	10467	9274	0.89	-0.17
DHsGV100	DHsGV1000108	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000189	-	XM_011514	4049	LTA	lymphotoxin	GO:000166	GO:000510	GO:0005615	extracellular space,GO:0005886	pl		
DHsGV100	DHsGV1000214	-	-	-	-	-	-	-	-	11	18	1.58	0.66
DHsGV100	DHsGV1000356	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000444	ENSG0000	NM_176819	79742	CXorf36	chromosom	-	-	GO:0005576	extracellu	6		
H20000858	H200008580	ENSG0000	NM_001286	83690	CRISPLD1	cysteine ric	GO:006032	GO:000367	GO:007006	24	17	0.71	-0.49
H30002114	H300021143	ENSG0000	NR_102274	55554	KLK15	kallikrein re	GO:000650	GO:000425	GO:000557	15	17	1.12	0.16
H30000758	H300007589	ENSG0000	NM_001205	100289462	DEFB4B	defensin be	-	-	-				
H30000752	H300007520	ENSG0000	XM_005271	170689	ADAMTS15	ADAM met	GO:000650	GO:000422	GO:0005578	proteinac	8		
H30001307	H300013076	ENSG0000	NR_110173	199746	U2AF1L4	U2 small nu	GO:000639	GO:000016	GO:000568	73	108	1.48	0.56
H30000581	H300005813	ENSG0000	XM_011534	643836	ZFP62	ZFP62 zinc	GO:000635	GO:000367	GO:000563	66	89	1.34	0.42
H20001567	H200015671	ENSG0000	NM_021999	9445	ITM2B	integral me	GO:000739	GO:000154	GO:000557	325	490	1.51	0.59
H20000861	H200008610	ENSG0000	NR_036633	9217	VAPB	VAMP (ves	GO:000666	GO:000551	GO:000013	195	255	1.31	0.39
H20001188	H200011889	ENSG0000	NR_073589	6511	SLC1A6	solute carr	GO:000681	GO:000531	GO:000579	28	35	1.24	0.31
opHsV0400	opHsV0400008	ENSG0000	NM_005063	6319	SCD	stearoyl-C	GO:000663	GO:000476	GO:000578	449	351	0.78	-0.36
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_182690	1945	EFNA4	ephrin-A4	GO:000726	GO:000500	GO:000557	74	77	1.05	0.07
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_001142	1259	CNGA1	cyclic nucl	GO:000681	GO:000522	GO:0005886	plasma m	4		
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_011537	9628	RGS6	regulator o	GO:000718	GO:000487	GO:0005634	nucleus,G	11		
H30000853	H300008530	ENSG0000	NM_001145	285641	SLC36A3	solute carr	GO:001580	GO:000528	GO:001602	10	15	1.60	0.68
H30002109	H300021091	ENSG0000	XM_011544	219995	MS4A15	membrane	-	-	GO:001602	16	16	1.02	0.03
H20001970	H200019709	ENSG0000	XM_011521	79602	ADIPOR2	adiponectin	GO:000718	GO:004280	GO:001602	1051	773	0.74	-0.44
H20001306	H200013064	ENSG0000	NM_022436	64240	ABCG5	ATP bindin	GO:000758	GO:000551	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016324	ar		
H20001026	H200010263	ENSG0000	NM_014450	27240	SIT1	signaling th	GO:000225	GO:000551	GO:000588	31	26	0.83	-0.27
H30001621	H300016213												

DHsGV100	DHsGV1000304	-	NM_001002	721	C4B	complemen	GO:000695	GO:000184	GO:000557	24	23	0.95	-0.07
DHsGV100	DHsGV1000330	-	-	-	-	-	-	-	-		8		
DHsGV100	DHsGV1000209	-	-	-	-	-	-	-	-	46	35	0.76	-0.39
DHsGV100	DHsGV1000276	ENSG0000	XM_006716	55872	PBK	PDZ bindin	GO:000646	GO:000467	GO:000557	36	34	0.93	-0.10
DHsGV100	DHsGV1000210	-	XR_928472	101927172	LOC10192	uncharacte	-	-	-		3		
H30001995	H300019958	ENSG0000	NM_181876	5522	PPP2R2C	protein pho	GO:003404	GO:000551	GO:000015	12	13	1.14	0.18
H30000568	H300005685	-	-	-	-	-	-	-	-		4		
opHsV0400	opHsV0400008	ENSG0000	NM_001204	5536	PPP5C	protein pho	GO:000016	GO:000196	GO:000563	318	354	1.11	0.15
H20000758	H200007583	ENSG0000	NM_138358	90580	C19orf52	chromosom	-	-	-	236	212	0.90	-0.16
H20000931	H200009316	ENSG0000	XM_011525	2774	GNAL	guanine nu	GO:000197	GO:000392	GO:0005886 plasma membrane,GO:0070062 e				
H20001482	H200014823	ENSG0000	NM_005458	9568	GABBR2	gamma-am	GO:000718	GO:000496	GO:000573	79	74	0.93	-0.10
H20001117	H200011178	ENSG0000	NM_138376	91875	TTC5	tetratricop	GO:000628	GO:000367	GO:000565	104	88	0.84	-0.25
H20000718	H200007182	ENSG0000	XM_011542	79727	LIN28A	lin-28 hom	GO:000635	GO:000367	GO:0000932 cytoplasmic mRNA processing bc				
H20001458	H200014583	ENSG0000	-	7700	ZNF141	zinc finger	GO:000635	GO:000097	GO:0005634 nucleus				
H20000388	H200003881	ENSG0000	NM_022482	64412	GZF1	GDNF indu	GO:000012	GO:000097	GO:000563	100	135	1.35	0.43
H20001806	H200018067	ENSG0000	NM_001003	401265	KLHL31	kelch like f	GO:000635	GO:000484	GO:0031463 Cul3-RING ubiquitin ligase compl				
H30002102	H300021022	ENSG0000	XM_005269	4892	NRAP	nebulin rela	GO:000815	GO:000377	GO:000591	23	27	1.16	0.21
H20000361	H200003614	ENSG0000	NM_001256	4123	MAN2C1	mannosidas	GO:000601	GO:000455	GO:000577	68	61	0.90	-0.15
H20001480	H200014807	ENSG0000	NM_003372	7411	VBP1	von Hippel-	GO:000645	GO:000551	GO:000563	3608	2960	0.82	-0.29
H20001913	H200019132	ENSG0000	XM_011519	84895	HAM73B	family with	GO:000805	GO:000551	GO:000574	543	549	1.01	0.02
H20000074	H200000746	ENSG0000	XM_006716	6770	STAR	steroidog	GO:000669	GO:000551	GO:000575	438	697	1.59	0.67
H30001702	H300017024	ENSG0000	NM_024807	79865	TREML2	triggering r	GO:004211	GO:000487	GO:000588	32	24	0.75	-0.42
H30002029	H300020290	ENSG0000	NM_001005	64332	NFKBIZ	NFKB inhib	GO:000635	GO:000371	GO:000563	44	40	0.91	-0.14
H20000236	H200002369	ENSG0000	NM_017653	54808	DYM	dymeclin	GO:000703	GO:000551	GO:000573	257	301	1.17	0.23
H30000401	H300004011	ENSG0000	XM_011524	51751	HIGD1B	HIG1 hypox	-	-	GO:001602	40	33	0.82	-0.29
H20001445	H200014450	ENSG0000	NM_013276	23729	SHPK	sedoheptul	GO:000597	GO:000552	GO:000573	137	105	0.77	-0.38
H20001572	H200015729	ENSG0000	NM_012217	23430	TPSD1	trypsin de	GO:000650	GO:000425	GO:000557	23	25	1.11	0.15
opHsV0400	opHsV0400006	-	NM_001002	353515	XKRY2	XK related,	-	-	GO:001602	20	16	0.81	-0.30
H30002104	H300021048	ENSG0000	XM_006718	8539	API5	apoptosis i	GO:000691	GO:000551	GO:000563	568	507	0.89	-0.16
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011520	3742	KCNA6	potassium	GO:000681	GO:000524	GO:000588	36	28	0.78	-0.36
H30001977	H300019770	ENSG0000	XM_011523	3682	ITGAE	integrin sub	GO:000715	GO:004687	GO:000588	624	645	1.03	0.05
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_006717	102723422	LOC10272	foot protei	-	-	-	2825	1837	0.65	-0.62
H30001837	H300018375	ENSG0000	NM_173717	60528	ELAC2	elaC ribonu	GO:000803	GO:000451	GO:000563	368	252	0.68	-0.55
H20001583	H200015839	ENSG0000	NM_178523	90317	ZNF616	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	36	30	0.83	-0.28
H20001019	H200010191	ENSG0000	XR_243401	23174	ZCCHC14	zinc finger	-	GO:000367	-	16	27	1.71	0.77
H20001667	H200016673	ENSG0000	XM_011536	145407	C14orf37	chromosom	-	-	GO:0016021 integral component of membrane				
H20000166	H200001666	ENSG0000	XM_011538	55576	STAB2	stabilin 2	GO:000152	GO:000504	GO:000573	26	20	0.75	-0.41
H20001228	H200012286	ENSG0000	NM_032130	84070	FAM186B	family with	-	-	GO:004323	4	7	1.85	0.88
H20000179	H200001798	ENSG0000	XM_011519	83549	UCK1	uridine-cyt	GO:000620	GO:000484	GO:000582	53	67	1.25	0.32
H20001955	H200019552	ENSG0000	NM_032805	84891	ZSCAN10	zinc finger	GO:000635	GO:000370	GO:0005634 nucleus,GO:0005654 nucleoplasm				
H20001807	H200018071	ENSG0000	NM_001304	140731	ANKRD60	ankyrin rep	-	-	-				
H20000101	H200001016	ENSG0000	NM_014165	29078	NDUFAF4	NADH:ubiq	GO:002290	GO:000551	GO:000573	1632	1201	0.74	-0.44
H20001949	H200019493	ENSG0000	NM_005554	3853	KRT6A	keratin 6A,	GO:004510	GO:000519	GO:000588	45	34	0.75	-0.42
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_144499	2779	GNAT1	guanine nu	GO:000158	GO:000003	GO:000175	53	44	0.83	-0.27
H20000253	H200002536	ENSG0000	XM_011514	9425	CDYL	chromodon	GO:000635	GO:000371	GO:000563	407	341	0.84	-0.26
H30001217	H300012171	ENSG0000	NM_003819	8761	PABPC4	poly(A) bin	GO:000639	GO:000016	GO:000563	319	169	0.53	-0.92
H20001110	H200011107	-	NM_133471	170954	PPP1R18	protein pho	-	GO:000377	GO:000573	224	250	1.12	0.16
H20000289	H200002893	ENSG0000	NR_037962	58480	RHO	ras homolo	GO:000008	GO:000551	GO:000013	13	23	1.73	0.79
H20001150	H200011506	ENSG0000	NR_120447	57563	KLHL8	kelch like f	GO:001656	GO:000484	GO:000565	159	148	0.93	-0.10
H20000157	H200001577	ENSG0000	XM_011545	51451	LCMT1	leucine car	GO:000646	GO:000388	GO:000582	585	562	0.96	-0.06
H20001986	H200019864	ENSG0000	XM_011517	51160	VPS28	VPS28, ES	GO:000691	GO:000551	GO:000081	350	337	0.96	-0.05
H20001722	H200017228	ENSG0000	-	23205	ACSBG1	acyl-CoA s	GO:000003	GO:000446	GO:000573	22	18	0.81	-0.30
H20000271	H200002715	ENSG0000	NR_026735	11321	GPN1	GPN-loop	GO:000815	GO:000392	GO:000565	741	604	0.82	-0.29
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_152653	7325	UBE2E2	ubiquitin co	GO:000697	GO:000484	-	54	44	0.82	-0.29
H20000348	H200003488	ENSG0000	NM_001172	7044	LEFTY2	left-right d	GO:000257	GO:000512	GO:000557	5	6	1.23	0.30
H30000495	H300004954	ENSG0000	NM_001029	345456	PFN3	profilin 3	GO:003003	GO:000377	GO:000563	53	41	0.79	-0.34
H20001977	H200019778	ENSG0000	NM_020461	85378	TUBGCP6	tubulin gam	GO:000008	GO:000520	GO:000092	103	81	0.78	-0.35
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NR_073502	26099	SZRD1	SUZ RNA t	-	-	-	497	406	0.82	-0.29
H20001558	H200015589	ENSG0000	XM_005251	65986	ZBTB10	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000565	22	28	1.25	0.32
H20001424	H200014248	ENSG0000	XM_005253	144363	LYRM5	LYR motif	-	-	GO:000573	460	481	1.05	0.06
H20000465	H200004652	ENSG0000	NM_033114	85437	ZCRB1	zinc finger	GO:000039	GO:000016	GO:000565	1463	1496	1.02	0.03
H20000342	H200003425	ENSG0000	NR_125369	60490	PPDC	phosphopa	GO:000676	GO:000463	GO:000582	30	22	0.72	-0.47
H20000988	H200009885	ENSG0000	XM_005254	87769	GGACT	gamma-glu	GO:004221	GO:000383	GO:007006	43	58	1.35	0.43
H20001658	H200016589	-	XM_011537	57578	UNC97	unc-79 hor	GO:003422	-	GO:0005886 plasma membrane,GO:0016021 in				
H20000854	H200008547	ENSG0000	NM_001142	90417	KNSTRN	kinetochore	GO:000007	GO:000551	GO:000077	765	465	0.61	-0.72
H20001083	H200010836	ENSG0000	NM_020862	57622	LRFN1	leucine rich	GO:000740	-	GO:000998	198	125	0.63	-0.66
H20000638	H200006388	ENSG0000	NM_018295	55281	TMEM140	transmemb	-	GO:000551	GO:001602	687	542	0.79	-0.34
H20001774	H200017746	ENSG0000	NM_001303	80008	TMEM156	transmemb	-	-	GO:001602	11	50	4.57	2.19
H20000765	H200007658	ENSG0000	XR_929212	1993	ELAVL2	ELAV like r	GO:000635	GO:000016	-	6	13	2.20	1.14
H20001420	H200014206	ENSG0000	NM_001199	1382	CRABP2	cellular ret	GO:000635	GO:000197	GO:000565	112	85	0.76	-0.40
H20001150	H200011504	ENSG0000	NM_001282	83643	CCDC3	coiled-coil	-	-	GO:000557	6	7	1.15	0.20
H20001047	H200010476	ENSG0000	NM_019018	54491	FAM105A	family with	-	-	-	38	33	0.87	-0.20
H20001057	H200010578	ENSG0000	NM_018130	55164	SHQ1	SHQ1, H/A	GO:002261	GO:000551	GO:000565	485	368	0.76	-0.40
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001166	56963	RGMA	repulsive g	GO:000741	GO:000194	GO:000578	6	9	1.49	0.58
H30001838	H300018381	ENSG0000	NM_018842	55971	BAIAP2L1	BAI1 assoc	GO:000700	GO:000377	GO:000565	247	139	0.56	-0.83
H30002020	H300020200	ENSG0000	NM_017818	49856	WRAP73	WD repeat	-	-	GO:000573	374	254	0.68	-0.56
H20001012	H200010123	ENSG0000	NM_013268	29124	LGALS13	lectin, galac	GO:000664	GO:000462	-	38	30	0.80	-0.32
H20001009	H200010090	ENSG0000	XM_005254	10776	ARPP19	cAMP regu	GO:000008	GO:000486	GO:000565	285	258	0.91	-0.14
H30001084	H300010849	ENSG0000	XM_011524	10350	ABCA9	ATP bindin	GO:000686	GO:000552	GO:000574	11	17	1.54	0.62
H20001246	H200012469	ENSG0000	NM_014229	6538	SLC6A11	solute carr	GO:000683	GO:000532	GO:000573	53	44	0.83	-0.26
H20001001	H200010015	ENSG0000	NM_006743	5935	RBM3	RNA bindin	GO:000639	GO:000016	GO:000563	4876	3669	0.75	-0.41
H30002093	H300020934	ENSG0000	NM_005909	4131	MAP1B	microtubule	GO:000157	GO:000519	GO:000175	179	311	1.73	0.79
H30001048	H300010480	ENSG0000	XM_011509	284525	SLC9C2	solute carr	GO:000681	GO:001529	GO:001602	16	16	1.00	0.00
H30001847	H300018474	ENSG0000	NM_001134	3631	INPP4A	inositol pol	GO:000664	GO:000551	GO:000582	43	43	0.99	-0.02
H2000													

H20001466	H200014668	ENSG0000	XR_246307	9406	ZRANB2	zinc finger	GO:000635	GO:000370	GO:000563	3365	2496	0.74	-0.43	
H20001878	H200018781	-	-	-	-	-	-	-	-		8			
H20001049	H200010496	ENSG0000	NM_007024	11070	TMEM115	transmemb	GO:000648	GO:000367	GO:000013	94	74	0.79	-0.34	
H20000034	H200000344	ENSG0000	XM_011542	943	TNFRSF8	tumor necr	GO:000695	GO:000488	GO:000573	56	53	0.95	-0.08	
H20001730	H200017303	ENSG0000	NM_005891	139	ACAT2	acetyl-CoA	GO:000662	GO:000398	GO:000563	3528	3273	0.93	-0.11	
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001187	574	BAGE	B melanom	-	-	GO:000557	227	186	0.82	-0.29	
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_011524	23265	EXOC7	exocyst co	GO:000688	GO:000551	GO:000014	50	54	1.08	0.11	
H20001180	H200011806	ENSG0000	XM_006718	79780	CCDC82	coiled-coil	-	-	-	254	299	1.18	0.23	
H20002132	H200021320	ENSG0000	NM_138799	129642	MBOAT2	membrane	GO:000664	GO:000384	GO:000578	286	183	0.64	-0.65	
H20002029	H200020292	ENSG0000	NR_002925	116123	FMO9P	flavin conta	-	-	-	4	10	2.80	1.49	
H20000534	H200005341	-	NM_018194	55733	HHAT	hedgehog a	GO:000722	GO:000552	GO:000578	34	37	1.08	0.11	
H20000167	H200001679	ENSG0000	NM_001242	55250	ELP2	elongator a	GO:000012	GO:000099	GO:000012	989	862	0.87	-0.20	
H30002174	H300021745	ENSG0000	NM_001306	27071	DAPP1	dual adapto	GO:000647	GO:000551	GO:000582	30	28	0.93	-0.10	
H20002036	H200020360	ENSG0000	NR_132347	26223	FBXL21	F-box and	GO:001656	GO:000484	GO:0000151	ubiquitin l	7			
H30001080	H300010803	ENSG0000	XM_006719	9815	GIT2	G protein-c	GO:000827	GO:000509	GO:000565	127	127	1.00	0.00	
H30001488	H300014880	ENSG0000	NM_001253	9442	MED27	mediator c	GO:000635	GO:000371	GO:000015	475	368	0.78	-0.37	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_005044	5613	PRKX	protein kin	GO:000152	GO:000469	GO:000563	130	120	0.92	-0.12	
H30000662	H300006626	ENSG0000	NM_001079	643834	PGA3	pepsinogen	GO:000650	GO:000419	GO:007006	1779	1582	0.89	-0.17	
H20000194	H200001945	ENSG0000	NM_052972	116844	LRG1	leucine-ric	GO:000193	GO:000367	GO:000557	166	143	0.87	-0.21	
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_011518	64078	SLC28A3	solute carr	GO:000038	GO:001538	GO:000578	9	13	1.49	0.57	
H30000535	H300005351	ENSG0000	NM_203298	118487	CHCHD1	coiled-coil	GO:000699	GO:000551	GO:000563	2542	2479	0.98	-0.04	
H30000389	H300003897	ENSG0000	NM_145174	150353	DNAJB7	DnaJ heat	-	GO:005108	-					
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_011519	79095	C9orf16	chromosom	GO:000815	GO:000367	GO:000557	746	782	1.05	0.07	
H30000243	H300002430	ENSG0000	-	392517	NCBP2L	nuclear cap	GO:000039	GO:000016	GO:0005846	nuclear cap binding complex				
H30000333	H300003336	ENSG0000	NM_001142	83463	MXD3	MAX dimer	GO:000635	GO:000367	GO:000563	1395	923	0.66	-0.60	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NR_102266	56947	MFF	mitochondr	GO:000026	GO:000551	GO:000574	841	722	0.86	-0.22	
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XM_011524	146713	RBFOX3	RNA bindin	GO:000038	GO:000016	GO:000563	40	35	0.87	-0.21	
H30000864	H300008648	ENSG0000	NM_152448	145645	C15orf43	chromosom	GO:000712	-	GO:000078	4	6	1.40	0.49	
H30000791	H300007912	ENSG0000	NM_152740	11112	HIBADH	3-hydroxyi	GO:000657	GO:000461	GO:000575	414	334	0.81	-0.31	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001352	1628	DBP	D site of al	GO:000188	GO:000097	GO:000563	35	26	0.75	-0.42	
H30001865	H300018656	ENSG0000	NM_001198	79038	ZFYVE21	zinc finger	-	GO:000551	GO:000576	129	114	0.88	-0.18	
H30001445	H300014456	ENSG0000	NM_001129	1727	CYB5R3	cytochrom	GO:000669	GO:000412	GO:000573	140	107	0.76	-0.39	
H30001987	H300019875	-	NM_152879	8527	DGKD	diacylglyc	GO:000689	GO:000414	GO:0005737	cytoplasm	10			
H30000194	H300001940	ENSG0000	NM_001271	8546	AP3B1	adaptor rel	GO:000662	GO:001990	GO:000576	656	578	0.88	-0.18	
H30001930	H300019302	ENSG0000	NM_022817	8864	PER2	period circa	GO:000012	GO:000097	GO:000563	72	60	0.83	-0.26	
H30000464	H300004641	ENSG0000	NM_001004	135948	OR2F2	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021 in				
H30001602	H300016021	ENSG0000	NM_001025	440387	CTRB2	chymotryps	GO:000650	GO:000425	GO:000557	185	110	0.60	-0.75	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XR_941652	7750	ZMYM2	zinc finger	GO:000635	GO:000827	GO:000582	98	85	0.86	-0.22	
H30000164	H300001642	ENSG0000	-	340947	EIF3LP3	eukaryotic	-	-	-	298	295	0.99	-0.01	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001278	50805	IRX4	iroquois ho	GO:000635	GO:004356	GO:0005634	nucleus				
H30000362	H300003623	-	XM_005266	100129528	MUC8	mucin 8	-	-	-	19	17	0.87	-0.19	
H20000291	H200002917	ENSG0000	XM_011536	23588	KLHDC2	kelch doma	-	-	GO:000563	252	206	0.82	-0.29	
H20001724	H200017245	ENSG0000	NM_001303	84302	TMEM246	transmemb	-	-	GO:001602	28	23	0.82	-0.29	
H20001120	H200011202	ENSG0000	NM_001303	165055	CCDC138	coiled-coil	-	-	-	251	188	0.75	-0.42	
H20001259	H200012592	ENSG0000	NM_152492	148870	CCDC27	coiled-coil	-	-	-	12	13	1.11	0.15	
H20001351	H200013510	ENSG0000	NM_194292	163786	SASS6	SAS-6 cer	GO:000709	GO:000551	GO:000581	159	136	0.86	-0.22	
H30000185	H300001852	ENSG0000	NM_001004	119764	OR4X2	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:000588	15	15	1.00	0.00	
H30001623	H300016236	ENSG0000	NR_073590	5859	QARS	glutaminyl-	GO:000188	GO:000481	GO:000573	573	426	0.74	-0.43	
H30000471	H300004710	ENSG0000	NM_001004	341276	OR10A2	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021 in				
H30000887	H300008877	ENSG0000	NM_024337	79192	IRX1	iroquois ho	GO:000635	GO:004356	GO:0005634	nucleus				
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001163	6474	SHOX2	short statu	GO:000012	GO:004356	GO:000563	35	36	1.03	0.04	
H30002247	H300022474	ENSG0000	XM_011525	79089	TMUB2	transmemb	-	GO:000551	GO:001602	51	60	1.17	0.22	
H30002108	H300021084	ENSG0000	XM_011520	89797	NAV2	neuron nav	GO:000302	GO:000438	GO:0005614	interstitial matrix,GO:0005654 nu				
H30002107	H300021071	ENSG0000	NM_001143	80323	CCDC68	coiled-coil	GO:003555	GO:000551	GO:0005622	intracellul	9			
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001288	1760	DMPK	dystrophia	GO:000202	GO:000467	GO:000564	56	41	0.73	-0.45	
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_011517	6713	SQLE	squalene et	GO:000669	GO:000450	GO:000578	1840	1498	0.81	-0.30	
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_001316	5434	POLR2E	polymerase	GO:000039	GO:000105	GO:000563	3367	2038	0.61	-0.72	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_005921	4214	MAP3K1	mitogen-ac	GO:000201	GO:000467	GO:0005737	cytoplasm	11			
H30000007	H300000076	ENSG0000	XM_011520	57661	PHRF1	PHD and ri	GO:000636	GO:000827	GO:001602	8	13	1.59	0.67	
H30001927	H300019273	ENSG0000	NR_046084	100505696	SH3BP5-A	SH3BP5 ar	-	-	-	204	247	1.21	0.27	
H30000932	H300009324	ENSG0000	XM_011522	84326	C16orf13	chromosom	-	-	-	902	652	0.72	-0.47	
H30001969	H300019694	ENSG0000	NM_080820	92675	DTD1	D-tyrosyl-	GO:000626	GO:000216	GO:000563	704	638	0.91	-0.14	
H30000363	H300003639	-	NM_030903	26692	TRD2W1	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma m	7			
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_054033	2281	FKBP1B	FK506 bind	GO:000041	GO:000375	GO:000573	51	64	1.26	0.33	
H30000343	H300003438	ENSG0000	-	360227	OTUD4P1	OTUD4 pse	-	-	-		7			
H30000761	H300007618	ENSG0000	XM_006715	222658	KCTD20	potassium	GO:004232	-	GO:000573	361	314	0.87	-0.20	
H30001885	H300018850	ENSG0000	XM_011521	83461	CDCA3	cell divisio	GO:000706	GO:000367	GO:000557	510	310	0.61	-0.72	
H20001096	H200010967	-	NM_153015	157753	TMEM74	transmemb	GO:000691	GO:000551	GO:0000421	autophag	4			
H20001105	H200011058	ENSG0000	NM_001284	84135	UTP15	UTP15, sm	GO:000636	GO:000551	GO:000165	177	136	0.77	-0.38	
H20001403	H200014037	ENSG0000	NM_006782	7542	ZFPL1	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	129	137	1.06	0.09	
H20001293	H200012930	ENSG0000	NM_001135	84765	ZNF577	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus	8			
H20000393	H200003930	ENSG0000	NM_145257	126731	CCSAP	centriole, c	GO:000706	GO:000801	GO:000581	46	54	1.17	0.23	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_005277	653464	SRGAP2C	SLIT-ROB	GO:002181	GO:000509	GO:000573	40	63	1.58	0.66	
opHsV0400	opHsV0400009	ENSG0000	XM_011538	5053	PAH	phenylalani	GO:000655	GO:000450	GO:000582	10	13	1.36	0.44	
H30000879	H300008794	ENSG0000	XM_006716	9747	TCAF1	TRPM8 cha	GO:000681	GO:000551	GO:0005886	plasma m	5			
H30000156	H300001560	ENSG0000	NM_021193	3238	HOXD12	homeobox	GO:000150	GO:000551	GO:0005634	nucleus,GO:0005667 transcriptio				
opHsV0400	opHsV0400006	-	NR_001435	3116	HLA-DPB2	major histo	-	-	-		5			
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	NM_001010	149603	RNF187	ring finger	GO:000828	GO:000484	GO:000563	52	72	1.38	0.46	
H30000795	H300007953	ENSG0000	NM_001282	101927581	CCDC182	coiled-coil	GO:000858	GO:000367	GO:0005575	cellular_cc	3			
H30000107	H300001077	ENSG0000	-	100188891	ZNF123P	zinc finger	-	-	-	50	40	0.80	-0.33	
H30001009	H300010099	ENSG0000	XR_931934	8925	HERC1	HECT and	GO:000681	GO:000484	GO:000573	106	119	1.12	0.16	
H30002171	H300021715	ENSG0000	XM_011523	80152	CENPT	centromere	GO:000027	GO:000367	GO:000077	84	104	1.24	0.31	
H30001857	H300018578	-	XM_011522	29965	CDIP1	cell death-	GO:000691	GO:000367	GO:000563	97	59	0.60	-0.73	
H30001856	H300018564	ENSG0000	XM_0											

opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_000364	7139	TNNT2	troponin T2	GO:000801	GO:000377	GO:000582	51	44	0.85	-0.23
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001163	80133	MROH9	maestro he	-	-	-				
H30001919	H300019190	ENSG0000	XM_006719	65981	CAPRIN2	caprin fami	GO:001714	GO:000372	GO:000563	71	68	0.96	-0.06
H30001882	H300018820	ENSG0000	XM_011513	116449	CLNK	cytokine de	GO:000695	GO:000507	GO:0005622 intracellul	5			
H20000929	H200009290	ENSG0000	NM_001319	80167	ABHD18	abhydrolase	-	-	GO:000557	263	297	1.13	0.18
H20000310	H200003100	ENSG0000	NM_001184	116441	TM4SF18	transmemb	-	-	GO:0016021 integral c	6			
H20001317	H200013176	ENSG0000	NR_117088	148206	ZNF714	zinc finger	GO:000635	GO:000097	GO:000563	284	264	0.93	-0.11
H20002131	H200021315	ENSG0000	NR_133679	11267	SNF8	SNF8, ESC	GO:000635	GO:000551	GO:000081	72	51	0.71	-0.50
H20000397	H200003971	ENSG0000	NM_001178	79668	PARP8	poly(ADP-r	GO:000815	GO:000395	GO:0005622 intracellular				
H30002126	H300021261	ENSG0000	XR_949931	4135	MAP6	microtubule	GO:000022	GO:000551	GO:0005794 Golgi apparatus,GO:0005874 micr				
H30000386	H300003865	ENSG0000	NM_001304	57684	ZBTB26	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000557	34	41	1.23	0.30
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NR_108107	642633	FAM230B	family with	-	-	-		4		
H30000878	H300008786	ENSG0000	NM_001005	81127	OR4K15	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:0005886 plasma membrane,GO:0016021 in				
H30002114	H300021149	ENSG0000	XM_011524	11314	CD300A	CD300a mc	GO:000237	GO:000178	GO:000588	16	35	2.13	1.09
H30002113	H300021133	ENSG0000	XM_011517	83696	TRAPPC9	trafficking p	GO:000688	-	GO:000013	6	14	2.23	1.15
H30000509	H300005096	ENSG0000	NM_001272	122961	ISCA2	iron-sulfur	GO:000679	GO:000519	GO:000575	513	422	0.82	-0.28
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_181701	169714	QSOX2	quiescin su	GO:000645	GO:000375	GO:000561	18	31	1.69	0.76
H30000574	H300005741	ENSG0000	NM_001031	282808	RAB40AL	RAB40A, m	GO:000726	GO:000552	GO:000573	75	64	0.86	-0.22
H30000840	H300008405	ENSG0000	NM_001011	343702	XKR7	XK related	-	-	GO:0016020 membrane	9			
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_021089	7554	ZNF8	zinc finger	GO:000012	GO:000097	GO:000563	32	35	1.09	0.12
H30000623	H300006233	ENSG0000	-	390003	GUCY2GP	guanylate c	-	-	-		3		
H30001055	H300010551	ENSG0000	NM_006746	6322	SCML1	sex comb d	GO:000635	GO:000367	GO:0005634 nucleus		3		
H30000221	H300002217	ENSG0000	XM_011521	146057	TTBK2	tau tubulin	GO:000699	GO:000467	GO:0005615 extracellu		9		
H30000344	H300003441	ENSG0000	NM_020437	57168	ASPHD2	aspartate b	GO:001819	GO:004687	GO:001602	8	18	2.10	1.07
H30001010	H300010105	ENSG0000	NM_031290	83446	CCDC70	coiled-coil	-	GO:000551	GO:0005576 extracellu		9		
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NR_103483	25950	RWDD3	RWD doma	GO:003208	GO:000551	GO:000563	185	180	0.97	-0.04
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_011541	57535	KIAA1324	KIAA1324	GO:000004	GO:004482	GO:0005764 lysosome		3		
H30001987	H300019877	ENSG0000	NR_134898	1716	DGUOK	deoxyguand	GO:000614	GO:000413	GO:000563	1501	1042	0.69	-0.53
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001199	51655	RASD1	RAS, dexar	GO:000716	GO:000392	GO:000563	27	23	0.86	-0.22
H30001878	H300018787	ENSG0000	XM_005251	158471	PRUNE2	prune hom	GO:000679	GO:000430	GO:000573	7	7	1.09	0.12
H20001006	H200010069	ENSG0000	NM_001278	8320	EOMES	eomesoder	GO:000012	GO:000097	GO:000563	17	21	1.21	0.27
H20000877	H200008774	ENSG0000	NM_001632	250	ALPP	alkaline ph	GO:001631	GO:000028	GO:0005886 plasma m		3		
H20001582	H200015828	ENSG0000	NM_001013	90737	PAGE5	PAGE fami	-	GO:000551	-	2170	2026	0.93	-0.10
H20000360	H200003604	-	NM_018216	55229	PANK4	pantothena	GO:001593	GO:000459	GO:000573	145	112	0.77	-0.37
H20000459	H200004594	ENSG0000	XM_011542	51503	CWC15	CWC15 spl	GO:000039	GO:000372	GO:000563	967	1012	1.05	0.07
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_002249	3782	KCNN3	potassium	GO:000726	GO:000551	GO:000588	128	117	0.92	-0.13
H30001947	H300019476	ENSG0000	XM_005251	26206	SPAG8	sperm asso	GO:000815	GO:000367	GO:000166	8	10	1.38	0.46
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001243	6434	TRA2B	transforme	GO:000037	GO:000016	GO:000563	1831	1471	0.80	-0.32
H30001918	H300019183	ENSG0000	XM_011536	55837	EAPP	E2F associ	GO:000828	-	GO:000563	185	252	1.36	0.45
H30002276	H300022761	ENSG0000	XM_011515	222256	CDHR3	cadherin re	GO:000715	GO:000161	GO:000588	10	10	0.96	-0.05
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	-	387703	XRCC6P1	X-ray repa	-	-	-	1116	950	0.85	-0.23
H30000885	H300008851	ENSG0000	XM_011509	164118	TTC24	tetratricop	-	-	-	20	18	0.90	-0.15
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	NM_001278	388282	LOC38828	uncharacte	-	-	-	83	66	0.79	-0.33
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	220885	RPSAP15	ribosomal p	-	-	-	19177	15778	0.82	-0.28
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	445573	ATP5J2P3	ATP synth	-	-	-	1629	1140	0.70	-0.51
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_004538	4675	NAP1L3	nucleosom	GO:000633	-	GO:0005634 nucleus				
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_011518	254956	MORN5	MORN repe	-	-	-				
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_000918	5034	P4HB	prolyl 4-hy	GO:000030	GO:000375	GO:000557	2740	2435	0.89	-0.17
H30000632	H300006322	ENSG0000	NM_001005	81448	OR6K2	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:0005886 plasma membrane,GO:0016021 in				
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_005253	121642	ALKBH2	alkB homol	GO:000628	GO:000819	GO:000563	354	186	0.53	-0.93
H30000301	H300003018	ENSG0000	NM_001303	149998	LIPI	lipase I	GO:001604	GO:000462	GO:0005576 extracellular region,GO:0005615				
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	-	645805	DAZAP2P1	DAZ assoc	-	-	-	543	415	0.76	-0.39
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	-	100132420	ANKRD36F	ankyrin rep	-	-	-				
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_031866	8325	FZD8	frizzled cla	GO:000012	GO:000493	GO:000579	45	36	0.80	-0.32
H30000772	H300007725	ENSG0000	NM_173642	284716	RIMKLA	ribosomal r	GO:000646	GO:000552	GO:000573	14	10	0.70	-0.52
H30000888	H300008887	ENSG0000	XM_011536	390429	OR4N2	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:0005886 plasma membrane,GO:0016021 in				
H30000399	H300003992	ENSG0000	NM_001004	390436	OR4K17	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:0005886 plasma membrane,GO:0016021 in				
H30000326	H300003262	ENSG0000	XM_011515	130075	OR9A4	olfactory re	GO:000716	GO:000493	GO:000588	27	17	0.62	-0.68
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001291	201625	DNAH12	dynein axo	GO:000701	GO:000377	GO:0005737 cytoplasm		6		
H30000305	H300003050	ENSG0000	NM_001005	26737	OR1L1	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:000588	68	51	0.75	-0.41
H30000804	H300008048	ENSG0000	-	391171	TUBB8P10	tubulin, bet	-	-	-	542	336	0.62	-0.69
H30001704	H300017045	ENSG0000	XM_011523	84166	NLRCS	NLR family	GO:003208	GO:000097	GO:0005634 nucleus,G		4		
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_005269	9840	TESPA1	thymocyte	GO:001038	GO:000510	GO:000573	32	59	1.86	0.89
H30002192	H300021923	ENSG0000	NM_007334	3824	KLRD1	killer cell le	GO:000222	GO:000488	GO:000588	41	33	0.79	-0.34
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001257	2002	ELK1	ELK1, ETS	GO:000222	GO:000097	GO:000563	27	33	1.22	0.28
H30001983	H300019831	ENSG0000	XR_246600	64794	DDX31	DEAD-box	GO:001050	GO:000400	GO:000573	66	44	0.67	-0.58
H30000927	H300009279	ENSG0000	NM_001320	339559	ZFP69	ZFP69 zinc	GO:000635	GO:000367	GO:000563	31	31	1.01	0.01
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001276	389766	C9orf153	chromosom	-	-	-	9	14	1.56	0.65
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_181623	254950	KRTAP15-	keratin ass	-	-	GO:0005882 intermediate filament				
H30000159	H300001592	ENSG0000	-	8594	OR5D3P	olfactory re	-	-	-	29	22	0.76	-0.39
H30001970	H300019708	ENSG0000	NM_001297	22996	TTC39A	tetratricop	GO:000815	GO:000367	GO:0005575 cellular_cd		6		
H30000487	H300004871	ENSG0000	NM_001017	130355	C2orf76	chromosom	-	-	-	181	115	0.63	-0.66
H30000788	H300007888	ENSG0000	NM_001242	79184	BRCC3	BRCA1/BF	GO:000072	GO:000484	GO:000015	404	263	0.65	-0.62
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	394217	FGF7P2	fibroblast g	-	-	-		6		
opHsV0400	opHsV0400003	-	NR_026801	728495	FAM74A3	family with	-	-	GO:001602	31	26	0.84	-0.25
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_006720	400499	LOC40049	uncharacte	-	-	-	18	18	1.00	0.00
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001130	199953	TMEM201	transmemb	GO:000709	GO:000552	GO:000563	26	25	0.94	-0.09
H30000685	H300006857	-	-	-	-	-	-	-	-		3		
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_006088	10383	TUBB4B	tubulin bet	GO:000008	GO:000372	GO:000563	5561	2960	0.53	-0.91
H30000265	H300002654	ENSG0000	NM_152474	147685	C19orf18	chromosom	GO:000815	GO:000367	GO:0016021 integral c		3		
H30000570	H300005709	-	-	-	-	-	-	-	-	6	10	1.71	0.77
H30000442	H300004427	ENSG0000	-	102724655	AQP7P5	aquaporin 7	-	-	-	57	49	0.85	-0.23
H30000850	H300008506	ENSG0000	NM_001080	84747	UNC119B	unc-119 lip	GO:000699	GO:000551	GO:000582	10	23	2.21	1.14
H30000277	H300002777	ENSG0000	-	-	AC139143.	-	-	-	-	606	449	0.74	-0.43
H30000112	H300001123	ENSG0000	NM_198447	127845	GOLT1A	golgi transp	GO:001503	-	GO:000013	129	89	0.69	-0.54
H30000613	H300006135	ENSG0000	XM_011515	256130	TMEM196	transmemb	-	-	GO:001602	107	72	0.68	-0.56
H30000307	H300003071	ENSG00											

opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011509	1401	CRP	C-reactive	GO:000695	GO:000184	GO:000576	extracellular region,GO:0005615				
H30001971	H300019717	ENSG0000	NM_001307	79983	POF1B	premature	-	GO:000377	GO:0005923	bicellular tight junction				
H30002268	H300022684	ENSG0000	NM_001111	79039	DDX54	DEAD-box	GO:000635	GO:000371	GO:000563	393	421	1.07	0.10	
H30000353	H300003537	ENSG0000	NR_132749	26059	ERC2	ELKS/RAB	-	GO:000551	GO:000573	170	122	0.72	-0.47	
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	-	-	AC026954	-	-	-	-	64	42	0.66	-0.60	
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_005253	53373	TPCN1	two pore se	GO:001050	GO:000524	GO:000576	103	80	0.77	-0.37	
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	643586	PKMP1	pyruvate ki	-	-	-	237	251	1.06	0.08	
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001037	342909	ZNF284	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus				
H30000333	H300003339	ENSG0000	NM_001004	119749	OR4C46	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:000588	86	59	0.68	-0.56	
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_011520	101927763	OLFM5P	olfactomed	-	-	-					
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_016303	51186	TCEAL9	transcriptio	GO:000635	GO:005069	GO:000563	952	600	0.63	-0.66	
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001009	494119	SPANXN2	SPANX fan	-	-	-					
H30002095	H300020951	ENSG0000	XR_926938	340277	FAM221A	family with	-	-	-		5			
H30000862	H300008624	ENSG0000	-	-	RP11-20P	-	-	-	-		8			
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	-	-	RP11-104	-	-	-	-					
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001170	402778	IFITM10	interferon i	GO:000960	-	GO:000588	5	9	1.83	0.87	
H30000311	H300003114	ENSG0000	NM_001005	119678	OR52E2	olfactory re	GO:000716	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in			
H30000512	H300005126	ENSG0000	NM_173644	284756	C20orf197	chromosom	-	-	-					
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_033081	11083	DIDO1	death induc	GO:000635	GO:000827	GO:000563	63	63	0.99	-0.01	
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NR_027063	205251	LINC00116	long interge	-	-	GO:001602	233	144	0.62	-0.70	
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_139166	137735	ABRA	actin bindin	GO:000006	GO:000377	GO:0005886	plasma membrane,GO:0015629	an			
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_014205	741	ZNHIT2	zinc finger	-	GO:004687	-	130	107	0.82	-0.29	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011516	203054	ADCK5	aarF domai	GO:000646	GO:000467	GO:000573	41	48	1.18	0.23	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_000672	130	ADH6	alcohol deH	GO:000606	GO:000402	GO:0005829	cytosol,GO:0070062	extracellular			
H30001949	H300019491	-	NM_001164	2542	SLC37A4	solute carr	GO:000223	GO:000521	GO:000578	254	173	0.68	-0.55	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_000988	6155	RPL27	ribosomal p	GO:000018	GO:000373	GO:000563	26859	17822	0.66	-0.59	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_198580	376497	SLC27A1	solute carr	GO:000157	GO:000016	GO:000574	6	9	1.49	0.58	
H30001901	H300019012	ENSG0000	XM_011544	148	ADRA1A	adrenocept	GO:000198	GO:000493	GO:0005634	nucleus,GO	9			
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NR_040251	57862	ZNF410	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	151	145	0.96	-0.06	
H30000900	H300009007	-	NM_001291	645382	PRAMEF33	PRAME fan	-	-	-					
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001145	387763	C11orf96	chromosom	-	-	-	168	164	0.98	-0.03	
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_006716	347240	KIF24	kinesin fam	GO:000699	GO:000377	GO:0005814	centriole,	11			
H30002154	H300021548	ENSG0000	NR_040113	440482	ANKRD20A	ankyrin rep	-	-	-	112	99	0.88	-0.18	
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	NR_003081	25774	GSTTP1	glutathione	-	-	-					
opHsV0400	opHsV0400002	-	-	-	-	-	-	-	-					
H30000448	H300004481	ENSG0000	NM_001145	255275	MYADML2	myeloid-as	-	-	GO:0005737	cytoplasm	8			
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_173560	222546	RFX6	regulatory f	GO:000330	GO:000097	GO:0005634	nucleus	3			
H30000778	H300007783	ENSG0000	NM_001172	126231	ZNF573	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	124	148	1.19	0.25	
H30000089	H300000895	-	NR_123722	105369154	PKD1P6-N	PKD1P6-N	-	-	-	310	441	1.42	0.51	
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	-	-	AC010969	-	-	-	-		10			
H30000982	H300009822	ENSG0000	-	642413	CTSLP6	cathepsin L	-	-	-		6			
H30000074	H300000748	ENSG0000	-	347376	H3F3AP5	H3 histone	-	-	-	9260	6318	0.68	-0.55	
H30000252	H300002526	ENSG0000	-	79346	OR4C5	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in			
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_152361	126272	EID2B	EP300 inte	GO:000635	-	GO:000563	97	95	0.98	-0.02	
H30000503	H300005039	-	NM_001004	390093	OR10A6	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in			
H30000253	H300002534	ENSG0000	NM_201628	23254	KAZN	kazrin, peri	GO:003142	GO:000551	GO:000153	40	38	0.93	-0.10	
H30001275	H300012753	ENSG0000	XM_011523	146850	PIK3R6	phosphoino	GO:000152	GO:000551	GO:0005829	cytosol,GO	5			
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NR_073040	10276	NET1	neuroepith	GO:000155	GO:000508	GO:000563	872	935	1.07	0.10	
H30000116	H300001163	ENSG0000	NM_004637	7879	RAB7A	RAB7A, me	GO:000662	GO:000392	GO:0000421	autophag	5			
H30000457	H300004570	ENSG0000	XM_011536	161142	FAM71D	family with	-	-	GO:0005634	nucleus,GO:0005654	nucleoplasm			
H30000467	H300004672	ENSG0000	NR_047649	153129	SLC38A9	solute carr	GO:000333	GO:000551	GO:000576	170	217	1.28	0.35	
H30000494	H300004940	ENSG0000	NM_173086	286887	KRT6C	keratin 6C,	GO:004510	GO:000519	GO:000588	9	7	0.77	-0.38	
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_198696	386682	KRTAP10	keratin ass	-	-	GO:0045095	keratin fil	4			
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_178430	353141	LCE2D	late cornifi	GO:001814	GO:000519	GO:0001533	cornified envelope,GO:0005737	c			
H30002253	H300022535	ENSG0000	XM_011542	54538	ROBO4	roundabout	GO:000152	GO:000487	GO:000989	5	6	1.42	0.50	
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_005537	3621	ING1	inhibitor of	GO:000704	GO:000551	GO:000563	160	157	0.98	-0.03	
H30002027	H300020272	ENSG0000	NM_031942	83879	CDCA7	cell divisio	GO:000635	-	GO:000563	457	297	0.65	-0.62	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XR_933942	79701	OGFOD3	2-oxogluta	GO:005511	GO:000550	GO:001602	240	200	0.83	-0.26	
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_011520	7054	TH	tyrosine hy	GO:000166	GO:000451	GO:000563	11	9	0.82	-0.28	
H30002139	H300021394	ENSG0000	XM_005258	91607	SLFN11	schlafen fa	GO:005160	GO:000004	GO:0005634	nucleus,GO:0005654	nucleoplasm			
H30000291	H300002916	ENSG0000	NM_015215	23261	CAMTA1	calmodulin	GO:000636	GO:000107	GO:000563	25	18	0.74	-0.44	
H30002110	H300021108	-	XM_011524	284099	C17orf78	chromosom	-	-	GO:0016021	integral component of membrane				
H30002076	H300020765	ENSG0000	XM_006716	7551	ZNF3	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	162	123	0.76	-0.40	
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_198545	374946	DRAXIN	dorsal inhib	GO:000741	GO:000551	GO:0005576	extracellular region				
H30002078	H300020783	ENSG0000	XM_011524	51	ACOX1	acyl-CoA c	GO:000003	GO:000006	GO:000563	170	185	1.09	0.12	
H30000966	H300009666	ENSG0000	-	83647	LINC00529	long interge	-	-	-					
H30000208	H300002089	ENSG0000	NM_198793	961	CD47	CD47 mole	GO:000715	GO:000551	GO:000588	109	141	1.30	0.38	
opHsV0400	opHsV0400001	-	NM_001008	442038	SULT1C3	sulfotransf	GO:000679	GO:000402	GO:0005737	cytoplasm				
H30001241	H300012417	ENSG0000	XM_011539	9904	RBM19	RNA bindin	GO:000727	GO:000016	GO:000563	178	126	0.70	-0.50	
H30002075	H300020755	ENSG0000	NM_021143	7568	ZNF20	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	6	19	2.93	1.55	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011544	10361	NPM2	nucleophos	GO:000633	GO:000368	GO:000078	13	15	1.14	0.19	
H30000336	H300003363	ENSG0000	XM_011516	57464	STRIP2	striatin inte	GO:000701	GO:000367	GO:000573	540	384	0.71	-0.49	
H30001138	H300011382	ENSG0000	XM_011517	253943	YTHDF3	YTH N(6)-r	-	GO:000551	-	208	173	0.83	-0.27	
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_001316	113835	ZNF257	zinc finger	GO:000635	GO:000097	GO:000563	120	108	0.90	-0.16	
H30002049	H300020492	-	-	-	-	-	-	-	-	18	24	1.32	0.40	
H30002046	H300020461	ENSG0000	NM_001252	7068	THRB	thyroid hor	GO:000012	GO:000367	GO:0000790	nuclear c	9			
H30002018	H300020181	ENSG0000	NM_001289	2064	ERBB2	erb-b2 rec	GO:000016	GO:000104	GO:000563	30	28	0.95	-0.08	
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_001005	9500	MAGED1	MAGE fami	GO:000635	GO:000371	GO:000078	22	13	0.58	-0.79	
opHsV0400	opHsV0400001	-	-	-	-	-	-	-	-					
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_011539	118812	MORN4	MORN repe	-	GO:000551	-	104	102	0.98	-0.03	
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_011516	375611	SLC26A5	solute carr	GO:000293	GO:000525	GO:000573	8	12	1.49	0.58	
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XM_006718	91252	SLC39A13	solute carr	GO:000688	GO:000538	GO:000579	68	52	0.77	-0.38	
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XM_011542	159989	CCDC67	coiled-coil	GO:000709	GO:000551	GO:000581	19	58	3.10	1.63	
H30002075	H300020756	ENSG0000	XM_006711	23623	RUC1	RUN and S	GO:000020	GO:000377	GO:000563	271	187	0.69	-0.53	
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_005271	60313	GPBP1L1	GC-rich pr	GO:000635	GO:000367	GO:000563	392	316	0.81	-0.31	
H30000842	H300008427	ENSG0000	XM_006721	51321	AMZ2	archaelysin	GO:000650	GO:000823	-	814				

H30001852	H300018521	ENSG0000	NM_001102	80216	ALPK1	alpha kinas	GO:000223	GO:000467	-			20		
H20001466	H200014667	ENSG0000	XM_011542	9372	ZFYVE9	zinc finger	GO:000650	GO:000551	GO:000576	49	50	1.03	0.04	
H20000485	H200004853	ENSG0000	XR_243562	56985	ADPRM	ADP-ribos	GO:003465	GO:004687	GO:000582	79	83	1.05	0.07	
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_011534	64901	RANBP17	RAN bindin	GO:000660	GO:000504	GO:000564	22	20	0.94	-0.09	
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_018908	56143	PCDHA5	protocadhe	GO:000715	GO:000550	GO:0005887	integral component of plasma me				
H30002042	H300020421	ENSG0000	XR_930895	7762	ZNF215	zinc finger	GO:000635	GO:000370	GO:000563	115	90	0.78	-0.35	
H30002038	H300020383	ENSG0000	XM_006716	7553	ZNF7	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	51	42	0.82	-0.29	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011537	64403	CDH24	cadherin 24	GO:000715	GO:000550	GO:000588	18	17	0.94	-0.09	
H30000583	H300005831	ENSG0000	NM_001297	284358	MAMSTR	MEF2 activ	GO:000635	GO:000107	GO:000563	48	44	0.92	-0.13	
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_003356	7352	UCP3	uncoupling	GO:000030	GO:000373	GO:0005739	mitochond	4			
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_011517	5747	PTK2	protein tyr	GO:000016	GO:000377	GO:000172	91	101	1.11	0.15	
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NR_120485	3575	IL7R	interleukin	GO:000001	GO:000382	GO:0005576	extracellu	8			
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_006716	1508	CTSB	cathepsin B	GO:000222	GO:000419	GO:000557	256	338	1.32	0.40	
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_130809	133619	PRRC1	proline rich	-	GO:000551	GO:000579	137	112	0.82	-0.29	
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_052943	115572	FAM46B	family with	-	GO:000551	-	40	40	0.99	-0.01	
H30002063	H300020636	ENSG0000	NR_134938	9941	EXOG	endo/exon	GO:000815	GO:000367	GO:000557	220	202	0.92	-0.12	
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_005272	440712	C1orf186	chromosom	-	-	GO:0005886	plasma m	6			
H30002206	H300022067	ENSG0000	NR_130136	9819	TSC22D2	TSC22 don	GO:000635	GO:000370	-	264	281	1.06	0.09	
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001009	441525	SPANXN4	SPANX fan	-	-	-	6				
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_153212	127534	GJB4	gap junctio	GO:000715	-	GO:000592	21	21	1.00	0.00	
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001243	2275	FHL3	four and a	GO:000751	GO:000377	GO:000172	379	264	0.70	-0.52	
H20001896	H200018964	ENSG0000	NM_198182	29841	GRHL1	grainyhead	GO:000636	GO:000097	GO:000563	9	16	1.74	0.80	
H20000471	H200004717	ENSG0000	XM_011522	56052	ALG1	ALG1, chit	GO:000648	GO:000003	GO:000578	272	183	0.67	-0.57	
opHsV0400	opHsV0400010	ENSG0000	XM_006715	26047	CNTNAP2	contactin a	GO:000715	GO:000551	GO:0005769	early endosome,GO:0005794	Gol			
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_006933	6526	SLC5A3	solute carr	GO:000602	GO:000536	GO:000588	42	63	1.50	0.59	
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_033091	89122	TRIM4	tripartite r	GO:001656	GO:000827	GO:000573	94	95	1.01	0.01	
H30002031	H300020313	ENSG0000	NR_134299	54826	GIN1	gypsy retr	GO:001507	GO:000367	-	101	115	1.14	0.19	
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_004792	9360	PPIG	peptidylpro	GO:000041	GO:000375	GO:000563	505	402	0.80	-0.33	
H30002144	H300021442	ENSG0000	XM_011535	253512	SLC25A30	solute carr	GO:000641	GO:000367	GO:000573	30	35	1.17	0.22	
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_152397	132141	IQCF1	IQ motif co	GO:006047	-	GO:0001669	acrosomal vesicle				
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_178167	90850	ZNF598	zinc finger	-	GO:000827	-	95	54	0.57	-0.81	
H30002113	H300021130	ENSG0000	NM_030622	29785	CYP2S1	cytochrom	GO:000680	GO:000550	GO:000578	62	61	0.98	-0.03	
H30002089	H300020898	ENSG0000	NM_001276	54585	LZTFL1	leucine zip	GO:000699	GO:000551	GO:000582	164	150	0.91	-0.13	
H30002085	H300020853	ENSG0000	NM_020393	57115	PGLYRP4	peptidoglyc	GO:000222	GO:000827	GO:000557	224	192	0.86	-0.22	
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001034	6103	RPGR	retinitis pig	GO:000688	GO:000508	GO:000175	56	55	0.98	-0.03	
H30002058	H300020583	ENSG0000	XR_945597	118813	ZFYVE27	zinc finger	GO:003117	GO:000551	GO:000578	12	21	1.66	0.73	
H30002026	H300020267	ENSG0000	NM_001025	3899	AFF3	AF4/FMR2	GO:000635	GO:000369	GO:000563	12	15	1.27	0.34	
H30000014	H300000140	-	-	-	-	-	-	-	-	-	4			
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NR_033978	100287879	LINC00994	long interge	-	-	-	30	26	0.89	-0.17	
H20000966	H200009667	ENSG0000	NM_000998	6168	RPL37A	ribosomal p	GO:000018	GO:000373	GO:000563	19547	19094	0.98	-0.03	
AHsV1000	AHsV10003346	ENSG0000	NM_001198	5931	RBBP7	retinoblast	GO:000012	GO:000372	GO:000563	3235	3455	1.07	0.09	
H30000445	H300004456	ENSG0000	NM_001100	5910	RAP1GDS1	Rap1 GTPa	GO:000726	GO:000509	GO:000573	570	493	0.87	-0.21	
CHsGV100	CHsGV1000246	ENSG0000	NM_001281	5729	PTGDR	prostagland	GO:000695	GO:000178	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in			
H30000235	H300002353	ENSG0000	XR_943495	5706	PSMC6	proteasome	GO:000008	GO:000551	GO:000050	1034	875	0.85	-0.24	
AHsV1000	AHsV10000954	ENSG0000	NM_000170	2731	GLDC	glycine deh	GO:000654	GO:000437	GO:000563	14	16	1.15	0.20	
CHsGV100	CHsGV1000025	ENSG0000	XM_011544	2694	GIF	gastric intr	GO:000676	GO:003141	GO:0005576	extracellular region,GO:0005615				
AHsV1000	AHsV10003498	ENSG0000	NM_001169	2334	AFF2	AF4/FMR2	GO:000639	GO:000215	GO:0016607	nuclear speck				
AHsV1000	AHsV10003349	ENSG0000	NM_001457	2317	FLNB	filamin B	GO:000333	GO:000377	GO:000172	738	1037	1.40	0.49	
CHsGV100	CHsGV1000364	ENSG0000	NM_001992	2149	F2R	coagulation	GO:000018	GO:000196	GO:000557	137	97	0.71	-0.49	
H20000643	H200006438	ENSG0000	XM_011524	2118	ETV4	ETS varian	GO:000636	GO:000097	GO:000565	214	178	0.83	-0.27	
H20000525	H200005251	ENSG0000	NM_001408	1952	CELSR2	cadherin E	GO:000176	GO:000493	GO:000573	297	246	0.83	-0.27	
AHsV1000	AHsV10001778	ENSG0000	NM_001302	1908	EDN3	endothelin	GO:000175	GO:000510	GO:0005576	extracellular region,GO:0005615				
H20000671	H200006715	ENSG0000	XM_011523	5306	PITPNA	phosphatid	GO:000662	GO:000828	GO:000573	334	326	0.98	-0.03	
AHsV1000	AHsV10000976	-	NM_005018	5133	PDCD1	programme	GO:000264	GO:000487	GO:0005886	plasma m	6			
CHsGV100	CHsGV1000271	ENSG0000	XM_006720	5106	PKC2	phosphoen	GO:000597	GO:000461	GO:000573	90	187	2.09	1.06	
CHsGV100	CHsGV1000401	ENSG0000	NM_001126	4900	NRGN	neurogranin	GO:000716	GO:000551	GO:000563	150	129	0.86	-0.22	
AHsV1000	AHsV10001255	ENSG0000	XM_011517	4882	NPR2	natriuretic	GO:000150	GO:000401	GO:000588	338	250	0.74	-0.44	
AHsV1000	AHsV10001401	ENSG0000	NM_001079	1729	DIAPH1	diaphanous	GO:000701	GO:000377	GO:000581	474	387	0.82	-0.29	
CHsGV100	CHsGV1000233	ENSG0000	NM_021010	1670	DEFA5	defensin al	GO:001973	-	GO:0005576	extracellular region,GO:0005615				
AHsV1000	AHsV10000081	-	-	-	-	-	-	-	-	4299	3628	0.84	-0.24	
AHsV1000	AHsV10003099	ENSG0000	NM_001134	1429	CRYZ	crystallin z	GO:000760	GO:000373	GO:000573	1336	1000	0.75	-0.42	
CHsGV100	CHsGV1000405	ENSG0000	NM_001295	1230	CCR1	chemokine	GO:000240	GO:000443	GO:0005829	cytosol,GO:0005886	plasma mem			
AHsV1000	AHsV10001562	-	NM_001287	1192	CLIC1	chloride int	GO:000674	GO:000436	GO:000561	9050	9828	1.09	0.12	
H30001960	H300019607	ENSG0000	XM_011523	999	CDH1	cadherin 1	GO:000691	GO:000194	GO:000557	151	121	0.80	-0.32	
H20000509	H200005091	ENSG0000	XM_011520	975	CD81	CD81 mole	GO:000018	GO:000551	GO:000177	713	474	0.66	-0.59	
AHsV1000	AHsV10002166	ENSG0000	XM_011536	6098	ROS1	ROS proto	GO:000206	GO:000471	GO:0005886	plasma membrane,GO:0009986	c			
H20001570	H200015705	ENSG0000	XM_011545	5883	RAD9A	RAD9 ched	GO:000007	GO:000551	GO:000563	88	79	0.91	-0.14	
AHsV1000	AHsV10002733	ENSG0000	XM_006718	5866	RAB3IL1	RAB3A int	GO:001503	GO:000551	-	203	89	0.44	-1.19	
H20001034	H200010345	ENSG0000	NM_002796	5692	PSMB4	proteasome	GO:000008	GO:000153	GO:000050	3915	3199	0.82	-0.29	
H20000667	H200006678	ENSG0000	NM_001319	5653	KLK6	kallikrein re	GO:000741	GO:000425	GO:000557	17	15	0.87	-0.20	
H20000596	H200005965	ENSG0000	NM_001493	2664	GDI1	GDP dissol	GO:000716	GO:000509	GO:000573	122	103	0.85	-0.23	
H30000960	H300009602	ENSG0000	NM_000158	2632	GBE1	glucan (1,4	GO:000597	GO:000384	GO:000582	233	275	1.18	0.24	
H20001409	H200014096	ENSG0000	NM_001451	2294	FOXF1	forkhead bc	GO:000156	GO:000097	GO:0005634	nucleus,GO:0005667	transcriptio			
AHsV1000	AHsV10001740	ENSG0000	XM_006717	2263	FGFR2	fibroblast g	GO:000012	GO:000471	GO:0005576	extracellular region,GO:0005634				
AHsV1000	AHsV10000147	ENSG0000	NM_001007	2086	ERV3-1	endogenou	GO:000815	GO:000367	GO:001903	20	32	1.65	0.72	
H30002173	H300021731	ENSG0000	NR_033663	2057	EPOR	erythropoie	GO:000716	GO:000490	GO:000557	107	64	0.60	-0.75	
CHsGV100	CHsGV1000056	ENSG0000	XR_926084	1871	E2F3	E2F trans	GO:000027	GO:000104	GO:000565	161	173	1.08	0.10	
CHsGV100	CHsGV1000058	ENSG0000	XM_011538	1840	DTX1	deltex 1, E	GO:000635	GO:000371	GO:000563	253	184	0.73	-0.46	
H20001473	H200014730	ENSG0000	NM_000294	5261	PHKG2	phosphoryl	GO:000597	GO:000467	GO:000557	223	245	1.09	0.13	
CHsGV100	CHsGV1000307	ENSG0000	XM_011518	5082	PDCL	phosducin	GO:000645	GO:000505	GO:000573	150	121	0.81	-0.31	
CHsGV10														

H30000529	H300005292	ENSG0000	XM_011540	953	ENTPD1	ectonucleo	GO:000715	GO:000551	GO:000588	75	59	0.78	-0.35	
H20000032	H200000320	ENSG0000	XM_011521	928	CD9	CD9 molec	GO:000257	GO:000517	GO:000561	44	42	0.95	-0.08	
H30001430	H300014307	ENSG0000	NM_000324	6005	RHAG	Rh-associa	GO:000687	GO:000851	GO:000588	5130	3105	0.61	-0.72	
AHsV1000	AHsV10002909	ENSG0000	XM_011538	5829	PXN	paxillin	GO:000018	GO:000517	GO:000172	42	46	1.10	0.14	
H20001646	H200016468	ENSG0000	XR_931318	5800	PTPRO	protein tyr	GO:000090	GO:000472	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005887 in				
CHsGV100	CHsGV1000204	ENSG0000	NM_016335	5625	PRODH	proline deh	GO:000656	GO:000465	GO:0005743	mitochondrial inner membrane,GO				
H30001570	H300015708	ENSG0000	XM_005265	5601	MAPK9	mitogen-ac	GO:000183	GO:000470	GO:000565	460	412	0.90	-0.16	
H30000086	H300000866	ENSG0000	XM_005273	2615	LRRC32	leucine rich	-	-	GO:000588	185	130	0.70	-0.52	
H30001459	H300014597	ENSG0000	NM_005255	2580	GAK	cyclin G as	GO:000646	GO:000467	GO:000579	131	103	0.79	-0.35	
H20000040	H200000409	ENSG0000	NM_004463	2245	FGD1	FYVE, Rho	GO:000701	GO:000508	GO:000172	6	10	1.62	0.70	
AHsV1000	AHsV10002608	ENSG0000	NR_045213	2210	FCGR1B	Fc fragmen	GO:000225	GO:001976	GO:000588	8	12	1.37	0.46	
H30000736	H300007369	ENSG0000	NM_198194	2040	STOM	stomatin	GO:000223	GO:000551	GO:000561	617	369	0.60	-0.74	
H20000858	H200008585	ENSG0000	NM_004435	2021	ENDOG	endonuclea	GO:000170	GO:000367	GO:000563	995	678	0.68	-0.55	
H20002096	H200020965	ENSG0000	NM_000798	1816	DRD5	dopamine r	GO:000196	GO:000158	GO:000588	79	64	0.81	-0.31	
H30001098	H300010986	ENSG0000	NM_001383	1801	DPH1	diphthamid	GO:000828	GO:000551	GO:000563	156	118	0.76	-0.40	
H30001905	H300019050	ENSG0000	NM_145897	5204	PFDN5	prefoldin su	GO:000635	GO:000371	GO:000563	2988	2351	0.79	-0.35	
AHsV1000	AHsV10000180	ENSG0000	XM_011538	5027	P2RX7	purinergic r	GO:000018	GO:000153	GO:0005639	integral c	5			
H20001385	H200013856	ENSG0000	NM_002553	5001	ORC5	origin reco	GO:000008	GO:000016	GO:000078	1070	805	0.75	-0.41	
AHsV1000	AHsV10003472	ENSG0000	NM_001294	4815	NINJ2	ninjurin 2	GO:000715	GO:000551	GO:000588	63	70	1.12	0.16	
H30001853	H300018537	ENSG0000	XM_011539	4791	NFKB2	nuclear fac	GO:000012	GO:000097	GO:000563	114	103	0.90	-0.15	
CHsGV100	CHsGV1000013	-	NM_000500	1589	CYP21A2	cytochrom	GO:000669	GO:000450	GO:0005789	endoplasmic reticulum membrane				
H30001855	H300018550	ENSG0000	XM_011522	1540	CYLD	CYLD lysin	GO:000651	GO:000484	GO:000581	69	65	0.94	-0.09	
H20001191	H200011917	ENSG0000	NM_001864	1346	COX7A1	cytochrom	GO:000609	GO:000412	GO:000573	15	17	1.11	0.15	
AHsV1000	AHsV10000209	-	NM_080681	1302	COL11A2	collagen ty	GO:000150	GO:000551	GO:0005576	extracellu	4			
AHsV1000	AHsV10001278	ENSG0000	XM_006721	1107	CHD3	chromodom	GO:000632	GO:000367	GO:0005634	nucleus,G	9			
AHsV1000	AHsV10001654	-	XM_005255	1066	CES1	carboxylest	GO:000680	GO:004737	GO:0005615	extracellu	3			
CHsGV100	CHsGV1000186	ENSG0000	NM_001185	913	CD1E	CD1e mole	GO:000225	GO:003088	GO:0000139	Golgi membrane,GO:0005769 ear				
H20000713	H200007139	ENSG0000	NM_001237	890	CCNA2	cyclin A2	GO:000007	GO:000551	GO:000193	2854	2330	0.82	-0.29	
AHsV1000	AHsV10000782	ENSG0000	NM_001291	5966	REL	v-rel avian	GO:000012	GO:000098	GO:000563	102	120	1.18	0.23	
H20000001	H200000018	ENSG0000	XM_011516	5782	PTPN12	protein tyr	GO:000647	GO:000472	GO:000210	1014	940	0.93	-0.11	
H30001598	H300015982	ENSG0000	NM_001256	5753	PTK6	protein tyr	GO:000646	GO:000471	GO:000172	12	16	1.40	0.49	
AHsV1000	AHsV10001510	ENSG0000	NM_002740	5584	PRKCI	protein kin	GO:000646	GO:000467	GO:000013	172	177	1.03	0.04	
CHsGV100	CHsGV1000212	ENSG0000	NR_103870	5565	PRKAB2	protein kin	GO:000611	GO:000467	GO:000565	38	67	1.77	0.83	
H20001655	H200016555	ENSG0000	NM_022873	2537	IFI6	interferon	GO:000183	GO:000551	GO:000573	22	23	1.05	0.08	
AHsV1000	AHsV10003158	ENSG0000	NM_000145	2492	FSHR	follicle stim	GO:000154	GO:000496	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005887 in				
H30001212	H300012124	ENSG0000	NM_006486	2192	FBLN1	fibulin 1	GO:000193	GO:000196	GO:0005576	extracellu	6			
H20001760	H200017608	ENSG0000	NM_000134	2169	FABP2	fatty acid b	GO:000681	GO:000521	GO:000582	57	45	0.77	-0.37	
H20000765	H200007656	ENSG0000	NM_001114	1999	ELF3	E74 like ET	GO:000182	GO:000097	GO:000563	19	24	1.23	0.29	
H30000973	H300009732	ENSG0000	XM_006719	1975	EIF4B	eukaryotic	GO:000028	GO:000016	GO:000582	2547	2678	1.05	0.07	
H20001124	H200011246	ENSG0000	XM_011522	1775	DNASE1L2	deoxyribon	GO:000194	GO:000367	GO:000557	16	21	1.30	0.38	
H20000967	H200009675	ENSG0000	XM_011537	83694	RPS6KL1	ribosomal p	GO:000646	GO:000467	GO:000573	406	356	0.88	-0.19	
opHsV0400	opHsV0400004	-	XM_011515	5154	PDGFA	platelet der	GO:000016	GO:000516	GO:000013	5	11	2.12	1.08	
H20000776	H200007769	ENSG0000	XM_005249	4967	OGDH	oxoglutarat	GO:000609	GO:000459	GO:000573	106	71	0.67	-0.58	
AHsV1000	AHsV10002830	ENSG0000	XR_930871	4925	NUCB2	nucleobindi	-	GO:000367	GO:000561	416	880	2.12	1.08	
H20000056	H200000564	ENSG0000	NR_027415	4752	NEK3	NIMA relat	GO:000646	GO:000467	GO:000563	51	58	1.13	0.18	
H20000711	H200007113	ENSG0000	NM_001184	4717	NDUFC1	NADH:ubiq	GO:000612	GO:000813	GO:000573	2354	1335	0.57	-0.82	
H20000922	H200009222	ENSG0000	XM_005254	1512	CTSH	cathepsin H	GO:000165	GO:000417	GO:000561	510	581	1.14	0.19	
DHsGV100	DHsGV1000214	-	-	-	-	-	-	-	-	24	23	0.97	-0.05	
AHsV1000	AHsV10000824	ENSG0000	NM_000092	1286	COL4A4	collagen ty	GO:000741	GO:000520	GO:0005576	extracellular region,GO:0005587				
H30000140	H300001406	ENSG0000	NM_001299	1264	CNN1	calponin 1	GO:000694	GO:000377	GO:000585	143	47	0.33	-1.61	
H20000076	H200000760	ENSG0000	NM_001801	1036	CDO1	cysteine di	GO:000009	GO:000819	GO:0005829	cytosol				
AHsV1000	AHsV10003048	ENSG0000	NM_000075	1019	CDK4	cyclin-dep	GO:000008	GO:000469	GO:000030	1158	879	0.76	-0.40	
H20000838	H200008385	ENSG0000	XM_005256	865	CBFB	core-bindin	GO:000020	GO:000367	GO:000563	1299	1457	1.12	0.17	
H30000289	H300002897	ENSG0000	XR_946778	842	CASP9	caspase 9	GO:000691	GO:000419	GO:000563	178	160	0.90	-0.15	
H30000190	H300001904	ENSG0000	NM_198426	27243	CHMP2A	charged mu	GO:000092	GO:000551	GO:000081	1231	1374	1.12	0.16	
H30000039	H300000393	ENSG0000	NM_080817	27197	GPR82	G protein-c	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021 in				
H30001500	H300015003	ENSG0000	XM_005255	10232	MSLN	mesothelin	GO:000715	GO:000551	GO:000561	5	10	1.90	0.93	
AHsV1000	AHsV10000644	ENSG0000	NM_005801	10209	EIF1	eukaryotic	GO:000641	GO:000374	GO:000563	4901	6492	1.32	0.41	
opHsV0400	opHsV0400011	ENSG0000	NR_135125	10057	ABCC5	ATP bindin	GO:000597	GO:000552	GO:000588	538	298	0.55	-0.85	
CHsGV100	CHsGV1000072	ENSG0000	NM_013232	10016	PDCD6	programme	GO:000152	GO:000419	GO:000563	2113	1685	0.80	-0.33	
H30001985	H300019852	ENSG0000	NM_001136	9874	TLK1	tousled like	GO:000167	GO:000467	GO:000563	159	207	1.30	0.38	
CHsGV100	CHsGV1000333	ENSG0000	NM_014808	9855	FARP2	FERM, ARH	GO:000715	GO:000508	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005829 cytosol,G				
AHsV1000	AHsV10001924	ENSG0000	NM_014247	9693	RAPGEF2	Rap guanin	GO:000016	GO:000487	GO:0005737	cytoplasm	12			
H20000737	H200007374	ENSG0000	NM_015904	9669	EIF5B	eukaryotic	GO:000641	GO:000374	GO:000563	1114	822	0.74	-0.44	
AHsV1000	AHsV10001431	ENSG0000	NM_003005	6403	SELP	selectin P	GO:000257	GO:000153	GO:0005615	extracellular space,GO:0005654 r				
H20000039	H200000391	ENSG0000	XM_011517	6383	SDC2	syndecan 2	GO:000152	GO:000551	GO:0005796	Golgi lumen,GO:0005886 plasma				
CHsGV100	CHsGV1000304	ENSG0000	NM_004586	6197	RPS6KA3	ribosomal p	GO:000150	GO:000028	GO:000565	41	117	2.88	1.52	
AHsV1000	AHsV10003418	ENSG0000	NM_015345	23500	DAAM2	dishevelled	GO:000736	GO:000377	GO:007006	23	23	0.98	-0.03	
CHsGV100	CHsGV1000019	ENSG0000	XM_011545	23475	QPRT	quinolinate	GO:000676	GO:000451	GO:000573	413	346	0.84	-0.26	
H30001655	H300016558	ENSG0000	NM_178578	9491	PSMF1	proteasome	GO:000008	GO:000486	GO:000565	27	22	0.85	-0.24	
H20000732	H200007322	ENSG0000	XM_006718	9469	CHST3	carbohydr	GO:000223	GO:000151	GO:000013	38	27	0.70	-0.52	
H20001227	H200012272	ENSG0000	NM_004226	9262	STK17B	serine/thre	GO:000646	GO:000467	GO:000563	116	142	1.22	0.29	
CHsGV100	CHsGV1000309	ENSG0000	NM_001308	9235	IL32	interleukin	GO:000695	GO:000512	GO:0005615	extracellu	5			
CHsGV100	CHsGV1000390	ENSG0000	NM_001015	9060	PAPSS2	3'-phospho	GO:000010	GO:000402	GO:0005829	cytosol	4			
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_006722	9043	SPAG9	sperm asso	GO:000725	GO:000507	GO:000166	15	21	1.38	0.47	
AHsV1000	AHsV10000796	ENSG0000	NM_001145	8842	PROM1	prominin 1	GO:001084	GO:000551	GO:0001750	photoreceptor outer segment,GO				
H20001161	H200011618	ENSG0000	NM_003863	8818	DPM2	dolichyl-ph	GO:000648	GO:000458	GO:000050	461	346	0.75	-0.41	
AHsV1000	AHsV10002260	ENSG0000	XM_005271	5538	PPT1	palmitoyl-p	GO:000208	GO:000847	GO:000557	1171	777	0.66	-0.59	
H30001260	H300012604	ENSG0000	NR_073526	5521	PPP2R2B	protein pho	GO:000691	GO:000551	GO:000015	28	24	0.85	-0.23	
AHsV1000	AHsV10001280	ENSG0000	XM_011539	5328	PLAU	plasminoge	GO:000152	GO:000425	GO:000557	49	165	3.34	1.74	
AHsV1000	AHsV10001923	ENSG0000	XR_927456	27147	DENN2DA	DENN dom	GO:001503	GO:001711	GO:0005737	cytoplasm,GO:0015629 actin cyt				
CHsGV100	CHs													

H20000326	H200003260	ENSG0000	NM_004298	9631	NUP155	nucleoporin	GO:000027	GO:000521	GO:000563	644	466	0.72	-0.47	
H30000470	H300004703	ENSG0000	NM_002988	6362	CCL18	C-C motif	GO:000254	GO:000551	GO:0005615	extracellular space				
AHsV1000	AHsV100002023	ENSG0000	NM_001099	6331	SCN5A	sodium volt	GO:000202	GO:000524	GO:000151	4	7	1.93	0.95	
AHsV1000	AHsV10002762	ENSG0000	NM_001199	6139	RPL17	ribosomal p	GO:000018	GO:000373	GO:000563	26119	22074	0.85	-0.24	
H20000742	H200007422	ENSG0000	NM_012243	23443	SLC35A3	solute carr	GO:000604	GO:000535	GO:000013	345	336	0.97	-0.04	
AHsV1000	AHsV10001014	ENSG0000	XM_011516	23414	ZFPM2	zinc finger	GO:000012	GO:000107	GO:000563	18	12	0.67	-0.58	
AHsV1000	AHsV10001023	ENSG0000	NM_021999	9445	ITM2B	integral me	GO:000739	GO:000154	GO:000557	598	693	1.16	0.21	
AHsV1000	AHsV10002879	ENSG0000	XR_929905	105376074	LOC10537	uncharacte	-	-	-					
AHsV1000	AHsV10000708	ENSG0000	NM_001171	9203	ZMYM3	zinc finger	GO:000701	GO:000367	GO:000563	22	36	1.67	0.74	
H20001238	H200012385	ENSG0000	NM_004720	9170	LPAR2	lysophosph	GO:000018	GO:000493	GO:000582	60	74	1.23	0.30	
AHsV1000	AHsV10002701	ENSG0000	XM_005253	9024	BRSK2	BR serine/	GO:000008	GO:000028	GO:0005737	cytoplasm	4			
H20000339	H200003390	ENSG0000	NM_003945	8992	ATP6V0E1	ATPase H+	GO:000687	GO:000521	GO:001000	2645	1815	0.69	-0.54	
H20000503	H200005031	ENSG0000	XR_949500	8795	TNFRSF10	tumor necr	GO:000691	GO:000487	GO:000562	478	438	0.92	-0.13	
H20000615	H200006152	ENSG0000	NM_001206	8766	RAB11A	RAB11A, m	GO:000091	GO:000392	GO:000092	241	245	1.01	0.02	
H30002137	H300021376	ENSG0000	NM_001008	5499	PPP1CA	protein pho	GO:000597	GO:000472	GO:000016	2215	1645	0.74	-0.43	
CHsGV100	CHsGV1000135	ENSG0000	NM_021129	5464	PPA1	pyrophosph	GO:000641	GO:000028	GO:000573	14844	9289	0.63	-0.68	
H20000005	H200000051	ENSG0000	XM_006720	5283	PIGH	phosphatid	GO:000646	GO:000382	GO:000050	376	260	0.69	-0.53	
H20000859	H200008593	ENSG0000	NM_014394	27069	GHITM	growth hor	GO:000691	GO:000367	GO:000574	5307	5140	0.97	-0.05	
DHsGV100	DHsGV1000275	ENSG0000	XM_011510	101060391	LOC10106	zinc finger	-	-	-	795	614	0.77	-0.37	
CHsGV100	CHsGV1000006	ENSG0000	NR_126519	10141	LINC01587	long interge	GO:000739	-	-	4	8	2.05	1.03	
H20001392	H200013923	ENSG0000	XM_011540	79847	MFSD13A	major facilit	-	-	GO:001602	253	218	0.86	-0.21	
CHsGV100	CHsGV1000384	ENSG0000	NM_001171	9949	AMMECR1	Alport synd	GO:000815	GO:000367	GO:000557	716	473	0.66	-0.60	
CHsGV100	CHsGV1000385	ENSG0000	XM_005263	9927	MFN2	mitofusin 2	GO:000042	GO:000392	GO:000573	212	131	0.62	-0.69	
AHsV1000	AHsV10000378	ENSG0000	XM_011517	9788	MTSS1	metastasis	GO:000170	GO:000378	GO:0001726	ruffle,GO:0005737	cytoplasm,GO			
H20000694	H200006942	ENSG0000	XM_011537	9766	SUSD6	sushi doma	GO:000697	GO:000367	GO:000557	76	62	0.81	-0.30	
AHsV1000	AHsV10001338	ENSG0000	XM_011523	9605	VPS9D1	VPS9 doma	GO:001598	GO:000509	-	6				
AHsV1000	AHsV10001569	ENSG0000	XM_011523	9564	BCAR1	breast can	GO:000155	GO:000487	GO:000172	338	238	0.70	-0.51	
H20000514	H200005143	ENSG0000	NM_001303	6300	MAPK12	mitogen-ac	GO:000016	GO:000028	GO:000565	173	136	0.79	-0.34	
CHsGV100	CHsGV100001	ENSG0000	NM_002960	6274	S100A3	S100 calcit	-	GO:000550	GO:000573	42	34	0.80	-0.32	
AHsV1000	AHsV10003188	ENSG0000	NM_007212	6045	RNF2	ring finger	GO:000012	GO:000368	GO:000015	248	256	1.03	0.04	
H20001719	H200017195	ENSG0000	NM_001195	23396	PIP5K1C	phosphatid	GO:000664	GO:000551	GO:000189	436	318	0.73	-0.46	
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XR_930860	23378	RRP8	ribosomal F	GO:000018	GO:000551	GO:000563	313	252	0.81	-0.31	
CHsGV100	CHsGV1000342	ENSG0000	XM_011518	9380	GRHPR	glyoxylate	GO:000758	GO:000846	GO:000573	1418	1151	0.81	-0.30	
H20000334	H200003349	ENSG0000	NM_004790	9356	SLC22A6	solute carr	GO:001571	GO:000545	GO:000588	11	14	1.25	0.32	
H30001863	H300018638	ENSG0000	NM_145738	9145	SYNGR1	synaptogyr	GO:000660	GO:000551	GO:001602	91	54	0.59	-0.75	
H20000507	H200005074	ENSG0000	NM_004699	9130	FAM50A	family with	GO:000728	GO:004482	GO:000563	1013	745	0.74	-0.44	
H30000562	H300005628	-	NM_003529	8350	HIST1H3A	histone clu	GO:000018	GO:000367	GO:000022	22	18	0.80	-0.32	
AHsV1000	AHsV10003199	ENSG0000	NM_001003	8911	CACNA1I	calcium vol	GO:000681	GO:000524	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005891	va			
H20000967	H200009672	ENSG0000	NM_003804	8737	RIPK1	receptor in	GO:000193	GO:000467	GO:000573	175	243	1.38	0.47	
H20000622	H200006229	ENSG0000	NM_003791	8720	MBTPS1	membrane	GO:000650	GO:000425	GO:000013	177	181	1.02	0.03	
H20000241	H200002417	ENSG0000	NM_002696	5436	POLR2G	polymerase	GO:000029	GO:000369	GO:000093	2388	1936	0.81	-0.30	
CHsGV100	CHsGV1000105	ENSG0000	XM_011524	5414	42617	septin 4	GO:000691	GO:000392	GO:0005634	nucleus,G	3			
AHsV1000	AHsV10000479	ENSG0000	NM_001166	5225	PGC	progastri	GO:000280	GO:000419	GO:0005615	extracellu	6			
DHsGV100	DHsGV1000531	-	-	-	-	-	-	-	-	15	17	1.16	0.22	
H30001898	H300018980	ENSG0000	XM_006717	26578	OSTF1	osteoclast	GO:000150	GO:000551	GO:000562	273	335	1.23	0.30	
CHsGV100	CHsGV100004	ENSG0000	NM_005723	10098	TSPAN5	tetraspanin	GO:000716	GO:001989	GO:000588	98	87	0.89	-0.17	
AHsV1000	AHsV10000063	ENSG0000	XM_011519	10077	TSPAN32	tetraspanin	GO:000701	GO:000367	GO:000562	12	20	1.78	0.83	
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_014858	9911	TMCC2	transmem	-	GO:000551	GO:001602	104	78	0.75	-0.41	
CHsGV100	CHsGV1000072	ENSG0000	XM_011536	9896	FIG4	FIG4 phosp	GO:000664	GO:000443	GO:000013	76	108	1.43	0.51	
H20001161	H200011613	ENSG0000	XR_243574	9744	ACAP1	ArfGAP wit	GO:001503	GO:000509	GO:001602	9	14	1.50	0.58	
CHsGV100	CHsGV1000001	ENSG0000	NM_014691	9716	AQR	aquarius in	GO:000039	GO:000551	GO:000565	124	129	1.04	0.05	
AHsV1000	AHsV10000278	ENSG0000	XM_005268	9542	NRG2	neuregulin	GO:000016	GO:000510	GO:000557	6	11	1.97	0.98	
AHsV1000	AHsV10000383	ENSG0000	XM_011525	9520	NPEPPS	aminopepti	GO:000020	GO:000417	GO:000563	1283	1181	0.92	-0.12	
H20000607	H200006072	ENSG0000	NM_001165	6241	RRM2	ribonucleot	GO:000008	GO:000474	GO:000563	4478	3770	0.84	-0.25	
AHsV1000	AHsV10001105	-	NM_022551	6222	RPS18	ribosomal p	GO:000018	GO:000373	GO:000563	47891	33574	0.70	-0.51	
H20000219	H200002198	ENSG0000	XM_011523	5986	RFNG	RFNG O-fl	GO:000738	GO:000367	GO:000557	136	86	0.64	-0.65	
AHsV1000	AHsV10001672	ENSG0000	NM_001171	23353	SUN1	Sad1 and L	GO:000150	GO:000551	GO:000208	312	324	1.04	0.05	
H20000205	H200002059	-	XM_011524	105369205	LOC10536	uncharacte	-	-	-	763	751	0.98	-0.02	
H30001609	H300016097	ENSG0000	XM_011519	9328	GTF3C5	general tra	GO:000635	GO:000367	GO:000012	440	306	0.70	-0.52	
H20001192	H200011923	ENSG0000	NM_005683	9290	GPR55	G protein-c	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma m	10			
AHsV1000	AHsV10003269	ENSG0000	XM_011537	9112	MTA1	metastasis	GO:000630	GO:000104	GO:000563	39	31	0.79	-0.34	
H20000118	H200001182	ENSG0000	NM_001286	9093	DNAJA3	DnaJ heat	GO:000012	GO:000513	GO:000563	1282	1139	0.89	-0.17	
H20000105	H200001057	ENSG0000	XM_005249	8887	TAX1BP1	Tax1 (huma	GO:000691	GO:000367	GO:000582	2121	1797	0.85	-0.24	
CHsGV100	CHsGV1000273	ENSG0000	XM_011542	8863	PER3	period circa	GO:000012	GO:000551	GO:000563	190	146	0.77	-0.38	
H20000746	H200007464	ENSG0000	NM_003775	8698	S1PR4	sphingosine	GO:000337	GO:000493	GO:000582	17	17	0.98	-0.03	
H20000464	H200004649	ENSG0000	NM_001271	8677	STX10	syntaxin 10	GO:000688	GO:000548	GO:000013	270	300	1.11	0.15	
H30002017	H300020179	ENSG0000	NM_021127	5366	PMAIP1	phorbol-12	GO:000183	GO:000551	GO:000563	310	412	1.33	0.41	
H30001226	H300012262	ENSG0000	-	5343	PLGLB1	plasminoge	-	-	GO:000557	19	31	1.62	0.69	
H20000815	H200008154	ENSG0000	NM_002615	5176	SERPINF1	serpin pept	GO:000182	GO:000486	GO:000557	136	259	1.90	0.93	
H30002268	H300022686	ENSG0000	NM_024581	79632	FAM184A	family with	GO:000815	GO:000367	GO:000561	34	45	1.33	0.41	
H20000107	H200001074	ENSG0000	NR_027635	79029	SPATA5L1	spermatoge	-	GO:000552	GO:000573	96	84	0.88	-0.19	
H30001045	H300010455	ENSG0000	NR_046353	78997	GDAP1L1	ganglioside	GO:000674	GO:000436	GO:0005737	cytoplasm	7			
H20000490	H200004904	ENSG0000	XM_011538	64786	TBC1D15	TBC1 doma	GO:004308	GO:000509	GO:000573	491	357	0.73	-0.46	
AHsV1000	AHsV10000520	ENSG0000	XM_011518	64768	IPPK	inositol-pe	GO:004364	GO:000552	GO:000562	74	73	0.99	-0.02	
CHsGV100	CHsGV1000315	ENSG0000	XR_945797	64077	LHPP	phospholys	GO:000614	GO:000028	GO:000563	35	35	0.99	-0.01	
DHsTV100	DHsTV1000001	-	-	-	-	-	-	-	-	140	144	1.02	0.04	
H20000292	H200002929	ENSG0000	XM_006717	51116	MRPS2	mitochondr	GO:000223	GO:000373	GO:000573	912	604	0.66	-0.59	
H20000116	H200001169	ENSG0000	XM_011524	51096	UTP18	UTP18, sm	GO:000636	GO:004482	GO:000563	1872	1590	0.85	-0.24	
H20001416	H200014164	ENSG0000	NM_019595	50618	ITSN2	intersectin	GO:000689	GO:000507	GO:000573	43	43	0.99	-0.01	
H20001578	H200015785	ENSG0000	NM_016190	49860	CRNN	cornulin	GO:000940	GO:000550	GO:000573	72	48	0.66	-0.60	
AHsV1000	AHsV10001860	ENSG0000	XM_006716	29126	CD274	CD274 mol	GO:000695	GO:000551	GO:0005886	plasma membrane,GO:0009897	e			
AHsV1000	AHsV10000597	ENSG0000	NM_013235	29102	DROSHA	drosha ribo	GO:001046	GO:000153	GO:0005					

H30002128	H300021286	ENSG0000	NM_199078	26505	CNNM3	cyclin and	GO:000681	GO:000551	GO:000588	49	38	0.77	-0.37
AHsV1000	AHsV10003437	ENSG0000	NM_001282	26301	GBGT1	globoside a	GO:000648	GO:004687	GO:000013	75	61	0.81	-0.30
H20000153	H200001537	ENSG0000	XM_011510	130916	MTERF4	mitochondr	GO:000635	GO:000369	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005739	mitochon		
CHsGV100	CHsGV1000198	ENSG0000	XM_011544	25960	ADGRA2	adhesion G	GO:000204	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0009986	c		
CHsGV100	CHsV1000031	ENSG0000	XM_011519	25758	KIAA1549L	KIAA1549	GO:000223	-	GO:0016021	integral c	4		
AHsV1000	AHsV10000427	ENSG0000	NM_181334	553158	PRR5-ARF	PRR5-ARF	-	-	-	-	-		
H20000584	H200005848	ENSG0000	NM_001253	79412	KREMEN2	kringle con	GO:000715	-	GO:000588	67	57	0.85	-0.24
CHsGV100	CHsGV1000086	ENSG0000	NM_023935	65992	DDRGK1	DDRGK do	GO:003314	GO:000551	GO:000578	312	373	1.19	0.26
CHsGV100	CHsGV1000388	ENSG0000	NM_023078	65263	PYCRL	pyrroline-5	GO:000865	GO:000473	GO:000582	46	34	0.73	-0.44
AHsV1000	AHsV10003197	ENSG0000	NM_001308	64708	COPS7B	COP9 signa	GO:000071	GO:000551	GO:000565	42	39	0.95	-0.08
AHsV1000	AHsV10002400	ENSG0000	XM_011538	64426	SUDS3	SDS3 hom	GO:000012	GO:000440	GO:000563	84	94	1.12	0.17
AHsV1000	AHsV10000946	ENSG0000	NM_001318	63916	ELMO2	engulfment	GO:000691	GO:000551	GO:000573	12	21	1.72	0.78
H20000131	H200001315	ENSG0000	XM_006720	60686	C14orf93	chromosom	-	GO:000551	GO:000557	31	40	1.30	0.38
AHsV1000	AHsV10002224	ENSG0000	NM_015963	51078	THAP4	THAP dom	-	GO:000367	-	139	97	0.70	-0.51
AHsV1000	AHsV10001266	ENSG0000	XM_011514	51053	GMNN	geminin, DN	GO:000027	GO:000371	GO:000563	3571	2989	0.84	-0.26
CHsGV100	CHsGV1000174	ENSG0000	NM_014597	30836	DNTTIP2	deoxynucle	GO:000635	GO:004482	GO:000563	1334	1029	0.77	-0.37
H20001756	H200017565	ENSG0000	NM_001278	29995	LMCD1	LIM and cy	GO:000012	GO:000371	GO:0005615	extracellular space,GO:0005634	r		
H20001748	H200017480	ENSG0000	NM_014169	29082	CHMP4A	charged mu	GO:000092	GO:000551	GO:000081	237	201	0.85	-0.24
AHsV1000	AHsV10002999	ENSG0000	XM_006715	28996	HIPK2	homeodom	GO:000012	GO:000110	GO:000563	12	25	2.08	1.05
AHsV1000	AHsV10000162	ENSG0000	NM_020928	57688	ZSPWIM6	zinc finger	GO:004881	GO:000827	-	36	53	1.45	0.54
CHsGV100	CHsGV1000058	ENSG0000	NM_001005	57348	TTYH1	tweety fam	GO:000682	GO:000538	GO:000588	41	30	0.73	-0.45
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	XM_011517	57210	SLC45A4	solute carr	GO:000681	-	GO:001602	12	16	1.41	0.49
AHsV1000	AHsV10002241	ENSG0000	NM_020190	56944	OLFML3	olfactomed	GO:000727	-	GO:1903561	extracellu	3		
H20001780	H200017800	ENSG0000	NM_020158	56915	EXOSC5	exosome c	GO:000028	GO:000017	GO:000017	564	359	0.64	-0.65
H20001974	H200019748	ENSG0000	NM_018929	56097	PCDHGC5	protocadhe	GO:000715	GO:000550	GO:0005886	plasma m	10		
CHsGV100	CHsGV1000276	ENSG0000	NM_001258	55967	NDUFA12	NADH:ubiq	GO:000697	GO:000813	GO:000574	2301	1987	0.86	-0.21
CHsGV100	CHsGV1000183	ENSG0000	NM_012171	26262	TSPAN17	tetraspanin	GO:000716	GO:000484	GO:000015	67	54	0.81	-0.30
H20001216	H200012165	ENSG0000	NR_037926	100533955	SEN3-EIF	SEN3-EIF	-	-	-	189	134	0.71	-0.49
CHsGV100	CHsGV1000053	ENSG0000	NM_015463	25927	CNRIP1	cannabinoid	-	-	GO:004320	37	40	1.10	0.13
CHsGV100	CHsGV1000046	ENSG0000	XM_005266	25902	MTHFD1L	methylene	GO:000184	GO:000432	GO:000573	384	490	1.28	0.35
H20000719	H200007199	ENSG0000	NR_045617	23676	SMPX	small musc	GO:000694	-	GO:0005634	nucleus,GO:0005927	muscle tend		
CHsGV100	CHsGV1000333	ENSG0000	NM_012317	23641	LDOC1	leucine zip	GO:000828	GO:000551	GO:000563	173	116	0.67	-0.57
AHsV1000	AHsV10003546	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-		
AHsV1000	AHsV10002383	ENSG0000	NM_023008	65095	KRI1	KRI1 homo	-	GO:004482	GO:000573	110	103	0.93	-0.10
AHsV1000	AHsV10002155	ENSG0000	NR_125331	65005	MRPL9	mitochondr	GO:000641	GO:000373	GO:000573	2501	1965	0.79	-0.35
AHsV1000	AHsV10003432	ENSG0000	XM_006717	64376	IKZF5	IKAROS fa	GO:000635	GO:000097	GO:000563	90	70	0.78	-0.35
H30002210	H300022105	ENSG0000	NM_198042	64236	PDLIM2	PDZ and LI	-	GO:000551	GO:000172	42	39	0.93	-0.10
AHsV1000	AHsV10001304	ENSG0000	XM_011540	60495	HPSE2	heparanase	GO:000597	GO:003030	GO:0005578	proteinaceous extracellular matri			
CHsGV100	CHsGV100037	ENSG0000	NM_021627	59343	SEN2	SUMO1/se	GO:000193	GO:000417	GO:000564	345	390	1.13	0.18
CHsGV100	CHsGV1000293	ENSG0000	XM_011536	51016	EMC9	ER membra	-	GO:000551	GO:000573	126	116	0.92	-0.13
AHsV1000	AHsV10001217	ENSG0000	NM_016148	50944	SHANK1	SH3 and m	GO:000646	GO:000551	GO:000562	6	13	2.15	1.10
H30001939	H300019390	ENSG0000	NM_058179	29968	PSAT1	phosphoser	GO:000656	GO:000464	GO:000573	313	872	2.79	1.48
H20000533	H200005339	ENSG0000	NM_013352	29940	DSE	dermatan s	GO:000597	GO:004775	GO:0000139	Golgi men	8		
H20000495	H200004951	ENSG0000	NM_001317	28965	SLC27A6	solute carr	GO:000003	GO:000016	GO:000588	31	32	1.04	0.06
CHsGV100	CHsGV1000270	ENSG0000	NM_031890	27439	CECR6	cat eye syr	-	-	-	21	19	0.88	-0.18
AHsV1000	AHsV10000874	ENSG0000	NM_001282	57591	MKL1	megakaryot	GO:000635	GO:000097	GO:0005634	nucleus,G	9		
AHsV1000	AHsV10001877	-	NG_034224	57176	VARS7	valyl-tRNA	GO:000641	GO:000216	GO:0005739	mitochon	6		
H30001997	H300019979	ENSG0000	NM_020341	57144	PAK2	p21 protein	GO:000691	GO:000467	GO:0005634	nucleus,G	4		
CHsGV100	CHsGV1000313	ENSG0000	NM_020180	56853	CELF4	CUGBP, EI	GO:000038	GO:000016	GO:000563	106	89	0.84	-0.24
H30002141	H300021411	ENSG0000	NM_020644	56674	TMEM9B	TMEM9 do	GO:000716	GO:000487	GO:000576	517	479	0.93	-0.11
H20000359	H200003598	ENSG0000	XM_011521	55898	UNC45A	unc-45 my	GO:000751	GO:000551	GO:000563	243	185	0.76	-0.40
H20000181	H200001815	ENSG0000	NM_001160	55856	ACOT13	acyl-CoA t	GO:001943	GO:004761	GO:000563	1338	1126	0.84	-0.25
H30001981	H300019818	-	NM_015629	26121	PRPF31	pre-mRNA	GO:000024	GO:000551	GO:000563	436	312	0.72	-0.48
AHsV1000	AHsV10003401	ENSG0000	NM_001145	26064	RAI14	retinoic aci	-	-	GO:000563	241	210	0.87	-0.19
AHsV1000	AHsV10002963	ENSG0000	NM_015407	25864	ABHD14A	abhydrolas	GO:000815	GO:001678	GO:000573	148	109	0.73	-0.44
H20000083	H200000834	ENSG0000	XM_011522	25837	RAB26	me	GO:000726	GO:000551	GO:000013	30	18	0.60	-0.73
H20001665	H200016652	ENSG0000	NR_073080	23612	PHLDA3	pleckstrin P	GO:000965	GO:000554	GO:0005737	cytoplasm	12		
H20000634	H200006340	ENSG0000	XM_011523	23587	ELP5	elongator a	GO:000632	GO:000551	GO:000563	390	255	0.65	-0.61
H20001510	H200015105	ENSG0000	NM_024090	79071	ELOVL6	ELOVL fatt	GO:001936	GO:000551	GO:000578	763	544	0.71	-0.49
H30000858	H300008589	ENSG0000	NM_022842	64866	CDCP1	CUB domai	-	GO:000551	GO:000557	59	91	1.54	0.62
AHsV1000	AHsV10002559	-	NM_001134	64837	KLC2	kinesin ligh	GO:000701	GO:000377	GO:000582	151	162	1.07	0.10
AHsV1000	AHsV10002170	ENSG0000	XR_947545	100505741	SPATA1	spermatoge	-	-	-	-	-		
H20001424	H200014249	ENSG0000	NM_022152	64114	TMBIM1	transmemb	GO:004855	GO:000512	GO:000576	528	361	0.68	-0.55
H20001557	H200015573	ENSG0000	NM_021242	58526	MID1IP1	MID1 intera	GO:000662	GO:000551	GO:000563	128	146	1.14	0.19
H30001910	H300019108	ENSG0000	NM_021220	58495	OVOL2	ovo like zin	GO:000152	GO:000098	GO:0005634	nucleus	3		
H20001690	H200016903	-	NM_023922	50840	TAS2R14	taste 2 rec	GO:000158	GO:000852	GO:000588	8	16	2.04	1.03
AHsV1000	AHsV10001965	ENSG0000	NM_016287	50809	HP1BP3	heterochro	GO:000633	GO:000367	GO:000078	335	397	1.18	0.24
CHsGV100	CHsGV1000264	ENSG0000	XR_944526	29915	HCFC2	host cell fa	GO:000012	GO:000371	GO:0005634	nucleus,G	7		
H30001967	H300019676	ENSG0000	XM_011522	29855	UBN1	ubinuclain	GO:000633	GO:000367	GO:000563	191	202	1.05	0.07
H20001781	H200017816	-	NM_001308	27335	EIF3K	eukaryotic	GO:000173	GO:000374	GO:000563	5787	4192	0.72	-0.47
AHsV1000	AHsV10003544	ENSG0000	NM_014474	27293	SMPDL3B	sphingomye	GO:000668	GO:000367	GO:0005615	extracellu	5		
AHsV1000	AHsV10002267	ENSG0000	XM_011537	57523	NYNRIN	NYN domai	GO:000815	GO:000367	GO:0005575	cellular_cc	5		
CHsGV100	CHsGV1000366	ENSG0000	XM_011538	57122	NUP107	nucleoporin	GO:000027	GO:000548	GO:000077	1327	1049	0.79	-0.34
AHsV1000	AHsV10002572	ENSG0000	NM_020366	57096	RPGRIP1	retinitis pig	GO:000760	GO:000551	GO:0005930	axoneme,GO:0032391	photorece		
H20001049	H200010494	ENSG0000	NM_001277	56603	CYP26B1	cytochrom	GO:000170	GO:000197	GO:0005737	cytoplasm	8		
AHsV1000	AHsV10001536	ENSG0000	NM_001281	56259	CTNBL1	catenin bet	GO:000039	GO:000551	GO:000097	544	432	0.79	-0.33
H20001778	H200017787	ENSG0000	NM_018447	55831	EMC3	ER membra	GO:000815	GO:000367	GO:001602	2301	1880	0.82	-0.29
AHsV1000	AHsV10001042	ENSG0000	XM_011524	55803	ADAP2	ArfGAP wit	GO:000750	GO:000509	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005740	mitochon		
CHsGV100	CHsGV1000266	ENSG0000	NM_015562	26043	UBXN7	UBX domai	-	GO:000551	GO:000565	109	106	0.98	-0.03
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_005250	8896	BUD31	BUD31 hor	GO:000039	GO:000370	GO:000079	32	49	1.52	0.61
AHsV1000	AHsV10000062	ENSG0000	NM_015381	25817	FAM19A5	family with	-	-	GO:000557	10	16	1.59	0.66
CHsGV100	CHsGV1000403	-	NM_012088	25796	PGLS	6-phospho	GO:000597	GO:000551	GO:000582	519	737	1.42	0.51
CHsGV100	CHsGV1000142	ENSG0000	NM_012455	23550	PSD4	pleckstrin a	GO:003201	GO:000508	GO:000588				

CHsGV100	CHsGV100011	ENSG0000	NR_104425	168002	DACT2	dishevelled	GO:000224	GO:000508	GO:0005737 cytoplasm	5			
AHsV1000	AHsV10001452	ENSG0000	XM_005251	158293	FAM120AC	family with	-	-	-	291	355	1.22	0.29
CHsGV100	CHsGV100007	ENSG0000	XR_949379	157570	ESCO2	establishme	GO:000027	GO:000446	GO:000078	211	221	1.05	0.06
AHsV1000	AHsV10000286	ENSG0000	NG_029091	23334	SZT2	seizure thr	GO:000741	GO:000367	GO:000577	6	8	1.31	0.39
AHsV1000	AHsV10002128	-	NM_152490	148789	B3GALNT2	beta-1,3-N	GO:000648	GO:000837	GO:000013	66	80	1.21	0.27
CHsGV100	CHsGV1000385	ENSG0000	NM_001178	144406	WDR66	WD repeat	-	-	-	60	71	1.18	0.24
AHsV1000	AHsV10001959	ENSG0000	XM_005252	143503	OR51E1	olfactory re	GO:000716	GO:000493	GO:0005886 plasma membrane,GO:0016021 in				
H20000353	H200003539	ENSG0000	NM_001256	79652	TMEM204	transmemb	GO:000194	-	GO:0005886 plasma m	5			
AHsV1000	AHsV10002971	ENSG0000	XM_011514	404220	C6orf201	chromosom	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000372	-	-	-	-	-	-	-	-	37	34	0.91	-0.13
H20002046	H200020465	ENSG0000	XR_930375	105376284	LOC10537	uncharacte	-	-	-	86	111	1.29	0.37
DHsGV100	DHsGV1000457	ENSG0000	XM_011517	392275	SMPD5	sphingomye	-	-	-				
AHsV1000	AHsV10002281	ENSG0000	NM_175057	134860	TAAR9	trace amin	GO:000718	GO:000159	GO:0005886 plasma membrane,GO:0016021 in				
AHsV1000	AHsV10002595	ENSG0000	NM_001287	133686	NADK2	NAD kinase	GO:000674	GO:000395	GO:000573	212	260	1.23	0.29
CHsGV100	CHsGV1000225	ENSG0000	NM_001004	127385	OR10J5	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886 plasma membrane,GO:0016021 in				
AHsV1000	AHsV10002997	ENSG0000	NM_001288	126820	WDR63	WD repeat	-	-	-				
CHsGV100	CHsGV1000404	ENSG0000	NR_130123	121268	RHEBL1	Ras homolo	GO:000726	GO:000551	GO:000573	83	77	0.93	-0.11
AHsV1000	AHsV10001384	ENSG0000	NM_001001	119679	OR52J3	olfactory re	GO:000716	GO:000493	GO:0005886 plasma membrane,GO:0016021 in				
AHsV1000	AHsV10000475	ENSG0000	NM_001201	114880	OSBPL6	oxysterol b	GO:000686	GO:000551	GO:000578	12	32	2.70	1.44
H20000106	H200001066	ENSG0000	XM_005251	114789	SLC25A25	solute carr	GO:000202	GO:000373	GO:000573	220	205	0.94	-0.10
AHsV1000	AHsV10000805	ENSG0000	XR_946723	58155	PTBP2	polypyrimid	GO:000637	GO:000016	GO:000568	104	87	0.84	-0.25
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NR_033257	653067	XAGE1E	X antigen f	-	GO:000551	-	72	55	0.76	-0.40
DHsGV100	DHsGV1000245	-	-	-	-	-	-	-	-	74	54	0.72	-0.47
DHsGV100	DHsGV1000091	-	-	-	-	-	-	-	-		3		
DHsGV100	DHsGV1000126	-	-	-	-	-	-	-	-	24	21	0.85	-0.23
AHsV1000	AHsV10000129	ENSG0000	NM_207335	166348	KBTBD12	kelch repea	GO:001656	GO:000484	GO:0031463 Cul3-RING ubiquitin ligase compl				
CHsGV100	CHsGV1000012	ENSG0000	NM_152614	165100	C2orf57	chromosom	-	GO:000551	-	11	14	1.29	0.37
AHsV1000	AHsV10000070	ENSG0000	NM_001080	154790	CLEC2L	C-type lec	-	GO:003024	GO:001602	7	10	1.36	0.44
DHsGV100	DHsGV1000029	ENSG0000	NM_145282	153328	SLC25A48	solute carr	GO:000641	GO:000373	GO:0005743 mitochon	7			
H20001261	H200012613	ENSG0000	NM_181710	148066	ZNRF4	zinc and rin	GO:004278	GO:000551	GO:000578	115	97	0.84	-0.25
CHsTV100	CHsTV1000006	ENSG0000	NM_001143	147658	ZNF534	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634 nucleus				
AHsV1000	AHsV10002471	ENSG0000	NR_110890	140876	FAM65C	family with	-	-	GO:000573	689	402	0.58	-0.78
CHsGV100	CHsGV1000242	ENSG0000	NM_080616	140688	NOL4L	nucleolar p	-	GO:000551	GO:000565	39	36	0.92	-0.12
H30001933	H300019333	ENSG0000	NM_194463	79589	RNF128	ring finger	GO:003164	GO:000551	GO:000577	35	30	0.86	-0.22
CHsGV100	CHsGV1000251	ENSG0000	NM_001001	401535	C9orf170	chromosom	-	-	-				
AHsV1000	AHsV10000590	ENSG0000	NM_001190	401236	STMND1	stathmin do	GO:003111	-	-				
AHsV1000	AHsV10001156	ENSG0000	NM_001005	391114	OR6K3	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:0005886 plasma membrane,GO:0016021 in				
AHsV1000	AHsV10000248	-	NM_213656	390792	KRT39	keratin 39,	-	GO:000519	GO:0005882 intermediate filament				
AHsV1000	AHsV10003277	ENSG0000	NR_110254	132660	LIN54	lin-54 DRE	GO:000008	GO:000367	GO:000565	70	104	1.49	0.58
CHsGV100	CHsGV1000326	ENSG0000	NM_001039	131540	ZDHC19	zinc finger	GO:000815	GO:000827	GO:000578	176	115	0.65	-0.62
CHsGV100	CHsGV1000105	ENSG0000	NM_001308	126259	TMIGD2	transmemb	GO:000181	GO:000551	GO:000561	44	40	0.90	-0.15
CHsGV100	CHsGV1000310	ENSG0000	NM_133452	125950	RAVER1	ribonucleop	GO:000039	GO:000016	GO:000563	65	54	0.83	-0.27
AHsV1000	AHsV10001939	ENSG0000	NM_203298	118487	CHCHD1	coiled-coil	GO:000699	GO:000551	GO:000563	2632	2265	0.86	-0.22
AHsV1000	AHsV10000862	ENSG0000	NM_053282	117157	SH2D1B	SH2 domai	GO:000225	GO:000551	GO:0005622 intracellul	6			
CHsGV100	CHsGV1000088	ENSG0000	NM_052883	114112	TXNRD3	thioredoxin	GO:000727	GO:000479	GO:0005634 nucleus,G	5			
H20001068	H200010682	ENSG0000	NM_133373	113026	PLCD3	phospholipa	GO:000152	GO:000443	GO:000582	58	40	0.69	-0.53
CHsGV100	CHsGV1000188	ENSG0000	NM_020957	57717	PCDHB16	protocadhe	GO:000715	GO:000550	GO:000588	7	9	1.23	0.30
DHsGV100	DHsGV1000042	-	-	-	-	-	-	-	-	9	19	2.09	1.06
DHsGV100	DHsGV1000071	-	-	-	-	-	-	-	-	334	230	0.69	-0.54
AHsV1000	AHsV10003028	-	-	-	-	-	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000227	ENSG0000	-	445573	ATP5J2P3	ATP synth	-	-	-	237	185	0.78	-0.36
CHsGV100	CHsGV1000235	-	NM_001005	163131	ZNF780B	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634 nucleus	14			
H30001705	H300017051	ENSG0000	XM_006721	162427	FAM134C	family with	GO:001097	GO:000551	GO:001602	29	35	1.21	0.27
DHsGV100	DHsGV1000329	ENSG0000	NM_001101	152118	C3orf79	chromosom	-	-	-	8	11	1.26	0.34
AHsV1000	AHsV10002978	ENSG0000	NM_001077	151306	GPBAR1	G protein-c	GO:000718	GO:003818	GO:0005737 cytoplasm,GO:0005886 plasma m				
H30001512	H300015126	ENSG0000	XM_005257	146894	CD300LG	CD300 mol	GO:000237	GO:000179	GO:000588	81	55	0.68	-0.56
CHsGV100	CHsGV1000359	ENSG0000	NM_144676	146456	TMED6	transmemb	GO:000681	-	GO:0005789 endoplasm	3			
AHsV1000	AHsV10002475	ENSG0000	NM_001012	139886	SPIN4	spindlin fam	GO:000727	-	-	61	67	1.10	0.13
H30000776	H300007767	ENSG0000	NM_001013	139189	DGKK	diacylglyce	GO:000697	GO:000414	GO:0005737 cytoplasm	3			
H20001886	H200018862	ENSG0000	NM_024339	79228	THOC6	THO comp	GO:000639	GO:000372	GO:000034	174	130	0.75	-0.42
AHsV1000	AHsV10002457	ENSG0000	NM_001207	401067	IQCF3	IQ motif co	-	-	-		3		
AHsV1000	AHsV10003202	ENSG0000	NR_033186	400798	C1orf220	chromosom	-	-	-		9		
AHsV1000	AHsV10002952	ENSG0000	XM_011542	390275	OR8A1	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:000588	60	67	1.11	0.15
DHsGV100	DHsGV1000454	ENSG0000	NM_001271	389895	LOC38989	chromosom	-	-	-				
AHsV1000	AHsV10002078	ENSG0000	NM_138801	130589	GALM	galactose r	GO:000600	GO:000403	GO:000573	257	438	1.71	0.77
AHsV1000	AHsV10000663	ENSG0000	NM_001128	129804	FBLN7	fibulin 7	GO:000715	GO:000550	GO:0005578 proteinaceous extracellular matri				
AHsV1000	AHsV10000665	ENSG0000	NM_001163	124997	WDR81	WD repeat	GO:000013	GO:000801	GO:000077	32	44	1.36	0.45
CHsGV100	CHsGV100031	ENSG0000	XM_005257	124583	CANT1	calcium act	GO:000716	GO:000438	GO:000578	8	16	2.00	1.00
AHsV1000	AHsV10001501	ENSG0000	NM_145015	116535	MGRPRF	MAS relate	GO:000718	GO:000493	GO:0005886 plasma membrane,GO:0005887 in				
AHsV1000	AHsV10001903	ENSG0000	NM_138459	116150	NUS1	NUS1 dehy	GO:000152	GO:000367	GO:000578	2806	1625	0.58	-0.79
AHsV1000	AHsV10002016	ENSG0000	NM_001142	112479	ER12	ERI1 exorib	GO:000625	GO:000367	-	167	196	1.17	0.23
AHsV1000	AHsV10001953	ENSG0000	NM_178857	94137	RP1L1	retinitis pig	GO:000760	-	GO:0001750 photorece	3			
CHsGV100	CHsGV1000358	ENSG0000	NM_020882	57642	COL20A1	collagen ty	GO:003019	GO:000551	GO:000557	41	38	0.92	-0.12
DHsGV100	DHsGV1000375	-	-	-	-	-	-	-	-				
AHsV1000	AHsV10002723	ENSG0000	XM_011535	647174	SERPINE3	serpin pept	GO:001095	GO:000486	GO:0005615 extracellular space				
DHsGV100	DHsGV1000041	ENSG0000	XR_242295	644794	LOC64479	uncharacte	-	-	-	25	33	1.32	0.40
DHsGV100	DHsGV1000501	-	-	-	-	-	-	-	-	100	79	0.79	-0.35
CHsGV100	CHsGV1000189	ENSG0000	XM_011536	161253	REM2	RAS (RAD	GO:000726	GO:000392	GO:0005622 intracellul	7			
AHsV1000	AHsV10000076	-	NM_001006	158931	TCEAL6	transcriptio	GO:000635	GO:005069	GO:0005634 nucleus				
AHsV1000	AHsV10000358	ENSG0000	NM_144708	150709	ANKAR	ankyrin anc	-	-	GO:0016021 integral c	3			
CHsGV100	CHsGV1000304	ENSG0000	NM_001318	150165	XKR3	XK related	-	-	GO:000588	10	26	2.57	1.36
AHsV1000	AHsV10000238	ENSG0000	NM_138573	145957	NRG4	neuregulin	GO:000016	GO:000510	GO:000557	107	85	0.80	-0.33
CHsGV100	CHsGV1000368	ENSG0000	NM_152444	145482	PTGR2	prostagland	GO:000669	GO:000827	GO:0005737 cytoplasm	9			
H20001206	H200012069	ENSG0000	XM_011518	138151	NACC2	NACC fami	GO:000635	GO:000097	GO:000079	118	60	0.51	-0.97
CHsGV100	CHsGV1000145	ENSG0000	NM_080744	136853	SSC4D	scavenger	GO:000689	GO:000504	GO:001602	4	10	2.24	1.16
H20001794	H200017942	ENSG0000	-	79101	TAF1D	TATA box	GO:000018	GO:000367	GO:000565	312	273	0.87	-0.19
AHsV1000	AHsV10000137	ENSG0000	NR_036534	400617	KCNJ2-AS	KCNJ2 ant	-	-	-				
AHsV1000	AHsV10002900	ENSG0000	NR_033988	400046	FLJ41278	uncharacte	-	-	-				
AHsV1000	AHsV10001294	ENSG0000	NR_134655	389434	IYD	iodotyrosin	GO:000659	GO:000551					

DHsGV100	DHsGV1000295	ENSG0000	NM_001161	389333	PROB1	proline-rich	-	-	-	-	3		
AHsV1000	AHsV10000846	ENSG0000	NM_178460	128646	SIRPD	signal regul	-	-	GO:0005576	extracellu	6		
AHsV1000	AHsV10003144	ENSG0000	NM_144625	128025	WDR64	WD repeat	-	-	-	66	58	0.89	-0.17
H20002117	H200021173	ENSG0000	XM_011522	123803	NTAN1	N-terminal	GO:000761	GO:000841	GO:000563	204	180	0.88	-0.19
H20000302	H200003028	ENSG0000	XM_011536	122402	TDRD9	tudor doma	GO:000639	GO:000400	GO:0005634	nucleus,G	3		
CHsGV100	CHsGV1000289	ENSG0000	XR_245662	115817	DHRS1	dehydroger	GO:005511	GO:000551	GO:000574	154	127	0.83	-0.28
CHsGV100	CHsGV1000366	ENSG0000	NM_138441	115004	MB21D1	Mab-21 do	GO:000221	GO:000367	GO:0005829	cytosol			
CHsGV100	CHsGV1000243	ENSG0000	NM_052957	93953	ACRC	acidic repe	-	-	GO:0005634	nucleus	7		
AHsV1000	AHsV10002612	ENSG0000	NM_144577	93233	CCDC114	coiled-coil	GO:000334	GO:000551	GO:0005929	cilium,GO	4		
H30001708	H300017088	ENSG0000	XM_006717	57559	STAMBPL	STAM bind	GO:000650	GO:000551	GO:0016020	membrane			
H30001974	H300019747	ENSG0000	NM_003091	6628	SNRPB	small nucle	GO:000038	GO:000551	GO:000565	2297	1860	0.81	-0.30
DHsGV100	DHsGV1000236	-	-	-	-	-	-	-	-	4	6	1.52	0.61
DHsGV100	DHsGV1000140	-	-	-	-	-	-	-	-	147	117	0.80	-0.33
DHsGV100	DHsGV1000018	ENSG0000	NR_103536	400728	FAM87B	family with	-	-	-	-	7		
DHsGV100	DHsGV1000266	-	-	-	-	-	-	-	-	4			
DHsGV100	DHsGV1000422	-	-	-	-	-	-	-	-	-			
CHsGV100	CHsGV1000395	ENSG0000	NM_021943	60685	ZFAND3	zinc finger	-	GO:000367	-	77	205	2.66	1.41
DHsGV100	DHsGV100024	ENSG0000	NM_003015	6425	SFRP5	secreted fr	GO:000691	GO:000493	GO:000561	128	113	0.88	-0.18
DHsGV100	DHsGV1000062	-	NG_009108	6785	ELOVL4	ELOVL fat	GO:000663	GO:000551	GO:0005783	endoplasmic reticulum,GO:00301			
DHsGV100	DHsGV1000158	ENSG0000	NR_132382	106144593	GLTSCR2	GLTSCR2	-	-	-	-			
DHsGV100	DHsGV1000148	-	-	-	-	-	-	-	-	4			
AHsV1000	AHsV10001765	ENSG0000	NM_001080	728656	DMRTC1B	DMRT like	GO:000635	GO:000098	GO:0005634	nucleus			
DHsGV100	DHsGV1000020	ENSG0000	NR_108056	100507059	LINC00703	long interge	-	-	-	-	3		
H20000345	H200003454	ENSG0000	XM_011521	10391	CORO2B	coronin 2B	GO:003003	GO:000377	GO:0005737	cytoplasm,GO:0015629	actin cyt		
H30001533	H300015331	ENSG0000	XM_006716	800	CALD1	caldesmon	GO:000692	GO:000377	GO:0005829	cytosol,GO:0005856	cytoskeletor		
DHsGV100	DHsGV1000161	ENSG0000	XM_011535	255967	PAN3	PAN3 poly	GO:000028	GO:000453	GO:000093	11	14	1.27	0.35
DHsGV100	DHsGV1000505	ENSG0000	NM_001320	128218	TMEM125	transmemb	GO:000815	GO:000367	GO:000557	52	46	0.88	-0.19
DHsGV100	DHsGV1000533	-	-	-	-	-	-	-	-	51	43	0.84	-0.26
DHsGV100	DHsGV1000178	-	-	-	-	-	-	-	-	8			
DHsGV100	DHsGV1000032	ENSG0000	NR_038381	641467	TSC22D1	TSC22D1 a	-	-	-	81	53	0.65	-0.61
AHsV1000	AHsV10002913	ENSG0000	NM_033198	94005	PIGS	phosphatid	GO:000650	GO:000392	GO:000578	3201	2499	0.78	-0.36
DHsGV100	DHsGV1000151	ENSG0000	NG_031991	27113	BBC3	BCL2 bindi	GO:000183	GO:000194	GO:000573	8	8	1.10	0.14
AHsV1000	AHsV10003093	ENSG0000	-	100652772	NNT-AS1	NNT antise	-	-	-	67	89	1.33	0.41
DHsGV100	DHsGV1000545	-	NM_001243	643669	CCER2	coiled-coil	-	-	GO:0005576	extracellu	6		
AHsV1000	AHsV10001795	ENSG0000	NM_001002	444882	IGFL4	IGF like fan	-	-	GO:0005615	extracellular space			
DHsGV100	DHsGV1000355	-	-	-	-	-	-	-	-	-			
H20001427	H200014272	ENSG0000	XM_011515	989	42620	septin 7	GO:000091	GO:000519	GO:000077	1428	1179	0.83	-0.28
DHsGV100	DHsGV1000253	-	-	-	-	-	-	-	-	68	59	0.86	-0.21
DHsGV100	DHsGV1000049	-	XR_932231	100313865	PIRC66	piwi-intera	-	-	-	37	31	0.84	-0.26
DHsGV100	DHsGV1000505	-	-	-	-	-	-	-	-	58	72	1.24	0.31
DHsGV100	DHsGV1000196	-	-	-	-	-	-	-	-	13	14	1.05	0.07
DHsGV100	DHsGV1000029	-	XM_011530	139324	HDX	highly diver	-	GO:000367	GO:0005634	nucleus			
DHsGV100	DHsGV1000024	-	-	-	-	-	-	-	-	25	25	1.00	-0.01
DHsGV100	DHsGV1000454	-	-	-	-	-	-	-	-	7			
DHsGV100	DHsGV1000478	-	-	-	-	-	-	-	-	16	15	0.94	-0.09
DHsGV100	DHsGV1000140	-	-	-	-	-	-	-	-	7			
H20000010	H200000107	ENSG0000	NM_001123	729230	CCR2	chemokine	GO:000197	GO:000495	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005768	endosom		
DHsGV100	DHsGV1000543	ENSG0000	NM_001195	100505841	LOC100504	zinc finger	-	-	-	-	3		
AHsV1000	AHsV10000306	ENSG0000	NR_109778	728294	D2HGDH	D-2-hydro	GO:000610	GO:005066	GO:000573	250	256	1.02	0.03
H30002022	H300020220	ENSG0000	NM_001184	8832	CD84	CD84 mole	GO:000225	GO:000551	GO:0005886	plasma m	10		
DHsGV100	DHsGV1000235	ENSG0000	NR_034182	100129196	MATN1-AS	MATN1 ant	-	-	-	8	19	2.38	1.25
DHsGV100	DHsGV1000115	ENSG0000	XR_929253	401498	TMEM215	transmemb	-	-	GO:001602	44	39	0.87	-0.20
DHsGV100	DHsGV1000033	-	NG_015996	23181	DIP2A	disco intera	GO:000727	GO:000382	GO:000563	161	147	0.91	-0.13
DHsGV100	DHsGV1000276	ENSG0000	NG_016863	8788	DLK1	delta-like 1	GO:000721	GO:000367	GO:0005615	extracellu	6		
DHsGV100	DHsGV1000343	ENSG0000	NM_001308	10717	AP4B1	adaptor rel	GO:000688	GO:000521	GO:0005802	trans-Golgi network,GO:0005905			
DHsGV100	DHsGV1000291	-	-	-	-	-	-	-	-	4			
DHsGV100	DHsGV1000217	ENSG0000	NG_012745	147912	SIX5	SIX homeo	GO:000208	GO:000097	GO:000565	10	17	1.63	0.70
DHsGV100	DHsGV1000229	ENSG0000	NG_021286	64788	LMF1	lipase matu	GO:000688	-	GO:000578	32	26	0.83	-0.26
AHsV1000	AHsV10003509	ENSG0000	NM_015038	643314	KIAA0754	KIAA0754	-	-	GO:000588	19	27	1.39	0.47
CHsGV100	CHsGV1000066	ENSG0000	NM_001136	642636	RAD21L1	RAD21 coh	GO:000072	-	GO:0000800	lateral element,GO:0005634	nucle		
DHsGV100	DHsGV100013	ENSG0000	NM_001195	100507050	TPBGL	trophoblast	GO:003538	GO:000820	GO:000557	42	34	0.81	-0.30
opHsV0400	opHsV0400009	ENSG0000	NM_001080	441161	OOEP	oocyte exp	GO:000170	GO:000372	GO:000593	2188	1916	0.88	-0.19
H30000844	H300008440	ENSG0000	-	442216	RPS17P5	ribosomal p	-	-	-	6325	5023	0.79	-0.33
DHsGV100	DHsGV1000050	-	-	-	-	-	-	-	-	38	33	0.86	-0.22
DHsGV100	DHsGV1000162	ENSG0000	-	-	RP11-970	-	-	-	-	25	22	0.90	-0.15
DHsGV100	DHsGV1000103	-	-	-	-	-	-	-	-	44	36	0.82	-0.28
DHsGV100	DHsGV1000277	-	-	-	-	-	-	-	-	4	6	1.47	0.55
DHsGV100	DHsGV1000059	ENSG0000	XR_932597	105370962	LOC10537	uncharacte	-	-	-	-			
DHsGV100	DHsGV1000452	ENSG0000	-	-	CTC-246B	-	-	-	-	43	39	0.92	-0.12
DHsGV100	DHsGV1000097	ENSG0000	XM_011520	6609	SMPD1	sphingomye	GO:000666	GO:000476	GO:000561	18	18	0.98	-0.03
DHsGV100	DHsGV1000199	ENSG0000	NM_145177	207063	DHRSX	dehydroger	GO:005511	GO:001649	-	-			
DHsGV100	DHsGV1000358	ENSG0000	XR_950227	100505504	LOC100504	uncharacte	-	-	-	12	14	1.15	0.20
DHsGV100	DHsGV1000159	-	-	-	-	-	-	-	-	14	15	1.02	0.04
DHsGV100	DHsGV1000550	-	-	-	-	-	-	-	-	11	15	1.31	0.39
DHsGV100	DHsGV1000444	-	-	-	-	-	-	-	-	4			
H30001892	H300018929	ENSG0000	NM_014412	27101	CACYBP	calcyclin bi	-	GO:000551	GO:000564	7971	7020	0.88	-0.18
DHsGV100	DHsGV1000226	ENSG0000	-	4831	NME2	NME/NM23	GO:000616	GO:000367	GO:0001726	ruffle,GO:0005634	nucleus,GO:00		
DHsGV100	DHsGV1000213	-	-	-	-	-	-	-	-	6	12	1.97	0.98
DHsGV100	DHsGV1000348	-	-	-	-	-	-	-	-	7			
DHsGV100	DHsGV1000575	-	-	-	-	-	-	-	-	25	25	1.00	0.00
DHsGV100	DHsGV1000086	-	NG_011506	2316	FLNA	filamin A	GO:000183	GO:000166	GO:0005576	extracellu	6		
DHsGV100	DHsGV1000346	-	-	-	-	-	-	-	-	9	11	1.34	0.43
DHsGV100	DHsGV1000332	-	XM_011537	105378189	LOC10537	uncharacte	-	-	-	-			
DHsGV100	DHsGV1000347	ENSG0000	NR_026598	29937	NENF	neudesin n	GO:003209	GO:000808	GO:000561	6	11	1.73	0.79
DHsGV100	DHsGV1000246	ENSG0000	NR_110240	101929231	LOC10192	uncharacte	-	-	-	10	12	1.23	0.30
AHsV1000	AHsV10002299	ENSG0000	NM_001127	613212	CTXN3	cortexin 3	-	-	GO:0016021	integral component of membrane			
DHsGV100	DHsGV1000092	ENSG0000	NM_005929	4241	MELTF	melanotran	GO:000155	GO:000550	GO:000561	20	29	1.41	0.49
H30000893	H300008931	ENSG0000	NM_001013	440503	PLIN5	perilipin 5	GO:001086	GO:003547	GO:000573	24	25	1.05	0.08
H20000791	H200007911	-	XM_011514	5863	RGL2	ral guanine	GO:000726	GO:000508	GO:000557	204	221	1.08	0.11

DHsGV100	DHsGV1000106	-	NG_034126	8225	GTPBP6	GTP bindin	-	GO:000552	GO:0005737 cytoplasm				
DHsGV100	DHsGV100001	ENSG0000	-	101926890	DAB1-AS1	DAB1 antis	-	-	-	3			
DHsGV100	DHsGV1000115	-	-	-	-	-	-	-	99	86	0.87	-0.21	
DHsGV100	DHsGV1000235	-	-	-	-	-	-	-	-	7			
DHsGV100	DHsGV1000386	-	NG_015879	64743	WDR13	WD repeat	-	-	GO:000565	19	22	1.12	0.16
DHsGV100	DHsGV1000285	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000577	-	-	-	-	-	-	-	-	117	125	1.07	0.10
DHsGV100	DHsGV1000395	-	-	-	-	-	-	-	-	53	50	0.93	-0.11
DHsGV100	DHsGV1000002	ENSG0000	-	-	AP006222	-	-	-	-	73	65	0.89	-0.16
DHsGV100	DHsGV1000416	ENSG0000	NR_036504	728752	LOC72875	uncharacte	-	-	-	9			
DHsGV100	DHsGV1000457	-	XR_242709	101927904	LOC10192	uncharacte	-	-	-	23	30	1.32	0.40
CHsGV100	CHsGV1000163	-	-	-	-	-	-	-	-	5	11	2.16	1.11
H20000564	H200005645	ENSG0000	XM_011544	55909	BIN3	bridging int	GO:000091	GO:000551	GO:000573	578	436	0.75	-0.41
DHsGV100	DHsGV1000174	ENSG0000	NM_001193	128553	TSHZ2	teashirt zin	GO:000635	GO:000367	GO:0005634 nucleus	8			
DHsGV100	DHsGV1000427	-	-	-	-	-	-	-	-	14	16	1.15	0.21
DHsGV100	DHsGV1000205	ENSG0000	XM_005260	58525	WIZ	widely inter	GO:001057	GO:000551	GO:000563	23	23	1.02	0.02
DHsGV100	DHsGV1000376	ENSG0000	-	4940	OAS3	2'-5'-oligo	GO:000613	GO:000173	GO:0005615 extracellu	7			
DHsGV100	DHsGV1000158	-	XM_005247	604	BCL6	B-cell CLL	GO:000006	GO:000097	GO:0005634 nucleus,GO:0005657 replication f				
DHsGV100	DHsGV1000397	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000425	-	XR_108721	100131372	LOC10013	uncharacte	-	-	-	9	12	1.34	0.42
DHsGV100	DHsGV1000442	ENSG0000	NM_001242	64762	GAREM1	GRB2 asso	GO:000717	GO:000551	GO:0005886 plasma m	11			
CHsGV100	CHsGV1000267	ENSG0000	NR_037148	548645	DNAJC25	DnaJ heat	-	-	GO:001602	156	188	1.21	0.27
CHsGV100	CHsGV1000316	-	NM_001009	494118	SPANXN1	SPANX fan	-	-	-	-	-	-	-
H20000384	H200003841	ENSG0000	XR_941591	440145	MZT1	mitotic spir	GO:003356	GO:000551	GO:000581	393	539	1.37	0.46
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_011524	439921	MXRA7	matrix-rem	-	-	GO:001602	6	13	2.15	1.11
H20001612	H200016129	ENSG0000	NM_001281	11317	RBPJL	recombinat	GO:000635	GO:000097	GO:000563	35	31	0.87	-0.19
H20000086	H200000867	ENSG0000	NM_001319	10691	GMEB1	glucocortic	GO:000635	GO:000097	GO:000563	120	112	0.93	-0.11
H20000340	H200003402	ENSG0000	NM_000538	5994	RFXAP	regulatory	GO:004589	GO:000367	GO:000563	106	109	1.02	0.03
H30001895	H300018951	ENSG0000	NM_002713	5511	PPP1R8	protein pho	GO:000635	GO:000367	GO:000563	283	369	1.30	0.38
H20000809	H200008091	ENSG0000	NM_001324	1477	CSTF1	cleavage st	GO:000039	GO:000372	GO:000563	524	380	0.72	-0.47
H30000717	H300007174	ENSG0000	NM_005169	401	PHOX2A	paired like	GO:000335	GO:000097	GO:000079	201	154	0.77	-0.38
H20001024	H200010249	ENSG0000	NM_001291	23163	GGA3	golgi-assoc	GO:000688	GO:000551	GO:000580	175	168	0.96	-0.06
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NR_023350	9276	COPB2	coatomer p	GO:000688	GO:000519	GO:000013	1084	1058	0.98	-0.04
H30000637	H300006371	ENSG0000	NM_001135	1312	COMT	catechol-C	GO:000680	GO:000028	GO:000573	4723	5168	1.09	0.13
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_198695	386681	KRTAP10	keratin ass	-	GO:000551	GO:004509	58	40	0.69	-0.53
H20000341	H200003413	ENSG0000	NM_013248	29107	NXT1	nuclear tra	GO:000640	GO:000551	GO:000564	378	286	0.76	-0.40
NM_002273	NM_002273_166	-	-	-	-	-	-	-	-	822	728	0.89	-0.17
H20000064	H200000640	ENSG0000	NM_173217	6480	ST6GAL1	ST6 beta-g	GO:000605	GO:000383	GO:000013	172	128	0.74	-0.43
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XR_429323	5891	MOK	MOK prote	GO:000646	GO:000467	GO:000573	35	33	0.93	-0.11
H20001072	H200010727	ENSG0000	NM_005544	3667	IRS1	insulin rece	GO:000016	GO:000487	GO:000563	24	23	0.94	-0.08
H30000039	H300000394	ENSG0000	NR_033187	5303	PIN4	peptidylpro	GO:000041	GO:000367	GO:000563	63	55	0.87	-0.20
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_175077	84174	SLA2	Src-like-ad	GO:000012	GO:000507	GO:000573	59	38	0.63	-0.66
H20000483	H200004831	ENSG0000	XM_011523	64518	TEKT3	tektin 3	GO:003031	GO:000367	GO:0002080 acrosomal membrane,GO:000563				
H20001237	H200012371	ENSG0000	XM_011522	8912	CACNA1H	calcium vol	GO:000681	GO:000833	GO:000589	26	18	0.68	-0.55
H30001841	H300018414	ENSG0000	XM_006714	10048	RANBP9	RAN bindin	GO:000646	GO:000551	GO:000563	441	455	1.03	0.04
H30001913	H300019131	ENSG0000	NM_145182	29108	PYCARD	PYD and C	GO:000177	GO:000202	GO:000563	316	429	1.36	0.44
H20000092	H200000929	ENSG0000	XM_011509	23385	NCSTN	nicastrin	GO:000226	GO:000417	GO:000576	67	88	1.31	0.39
H20000070	H200000709	ENSG0000	NR_134919	4486	MST1R	macrophag	GO:000692	GO:000501	GO:000172	22	19	0.87	-0.20
H30002087	H300020876	ENSG0000	XM_006711	3428	IFI16	interferon,	GO:000012	GO:000097	GO:000563	11	24	2.19	1.13
H30002096	H300020968	ENSG0000	NR_075098	54919	DNAAF5	dynein (axo	GO:000334	GO:004550	GO:000573	301	165	0.55	-0.86
H30002092	H300020922	ENSG0000	NR_036614	166614	DCLK2	doublecorti	GO:000646	GO:000467	GO:0005737 cytoplasm,GO:0005856 cytoskele				
H30002241	H300022419	ENSG0000	NM_021014	10214	SSX3	synovial sa	GO:000635	GO:000367	GO:000563	172	122	0.71	-0.49
H20001753	H200017538	ENSG0000	NM_004270	9443	MED7	mediator c	GO:000635	GO:000110	GO:000015	165	134	0.81	-0.30
H30001183	H300011830	ENSG0000	NM_000438	5077	PAX3	paired box	GO:000012	GO:000368	GO:000565	24	20	0.81	-0.30
H30000062	H300000620	ENSG0000	XM_011524	4761	NEUROD2	neuronal di	GO:000166	GO:000097	GO:000563	17	19	1.12	0.17
H20001952	H200019523	ENSG0000	NM_001134	51738	GHRL	ghrelin/obe	GO:000018	GO:000166	GO:000557	8	14	1.67	0.74
H30000088	H300000883	ENSG0000	NM_003175	6846	XCL2	X-C motif	GO:000254	GO:000551	GO:000557	35	33	0.95	-0.07
H20000425	H200004255	ENSG0000	XM_011535	675	BRCA2	breast can	GO:000072	GO:000202	GO:000078	57	88	1.54	0.62
H20001360	H200013605	ENSG0000	XR_934531	64446	DNAI2	dynein axo	GO:000334	GO:000377	GO:0005858 axonemal	9			
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_015286	23336	SYNM	synemin	GO:004510	GO:000520	GO:000588	64	44	0.69	-0.54
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_005557	3868	KRT16	keratin 16,	GO:000200	GO:000520	GO:000563	144	113	0.79	-0.35
H20000110	H200001106	ENSG0000	XM_011544	10897	YIP1A	Yip1 intera	GO:001503	GO:000551	GO:000013	584	433	0.74	-0.43
H30002049	H300020495	ENSG0000	XR_921745	127933	U2AF hom	U2AF hom	GO:000018	GO:000372	GO:000563	53	47	0.88	-0.18
H30002244	H300022442	ENSG0000	NM_001145	6560	SLC12A4	solute carr	GO:000681	GO:001537	GO:000576	25	24	0.96	-0.06
H20001991	H200019912	ENSG0000	NM_005206	1398	CRK	v-crk avian	GO:000018	GO:000507	GO:000563	409	296	0.73	-0.46
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_011538	79369	B3GNT4	UDP-GlcNA	GO:000597	GO:000837	GO:000013	1031	764	0.74	-0.43
H30001716	H300017165	ENSG0000	NR_036493	5824	PEX19	peroxisoma	GO:000662	GO:000551	GO:000563	930	742	0.80	-0.33
H30001846	H300018460	ENSG0000	XM_006711	9563	H6PD	hexose-6-	GO:000600	GO:000434	GO:000578	23	27	1.18	0.24
H20001095	H200010951	ENSG0000	NM_052959	116337	PANX3	pannexin 3	GO:000681	GO:002282	GO:0005886 plasma m	12			
H30000050	H300000500	-	-	-	-	-	-	-	-	18	20	1.12	0.16
H30000799	H300007992	ENSG0000	NM_017892	55660	PRPF40A	pre-mRNA	GO:000039	GO:000372	GO:000565	2339	1968	0.84	-0.25
H30002110	H300021109	ENSG0000	XM_006721	5469	MED1	mediator c	GO:000012	GO:000097	GO:000015	51	61	1.19	0.25
H30001197	H300011978	ENSG0000	NR_123733	8076	MFAP5	microfibrilla	GO:003019	GO:000520	GO:0001527 microfibril	9			
H30002141	H300021414	ENSG0000	NM_005885	10299	42435	membrane	GO:001049	GO:000484	GO:000083	1130	844	0.75	-0.42
H30000812	H300008120	ENSG0000	NM_207118	404672	GTF2H5	general tra	GO:000628	GO:000018	GO:000043	1783	1467	0.82	-0.28
H30000597	H300005973	ENSG0000	NM_153834	139378	ADGRG4	adhesion G	GO:000716	GO:000493	GO:0016021 integral component of membrane				
H20000023	H200000235	ENSG0000	NM_001828	1178	CLC	Charcot-L	GO:000266	GO:000462	GO:000582	5	15	2.85	1.51
H20000981	H200009817	ENSG0000	NM_176880	126382	NR2C2AP	nuclear rec	GO:000636	GO:000551	GO:000565	706	537	0.76	-0.40
H20001370	H200013701	ENSG0000	NM_003408	7539	ZFP37	ZFP37 zinc	GO:000635	GO:000367	GO:000563	37	35	0.95	-0.08
H30000936	H300009364	ENSG0000	XM_011509	4009	LMX1A	LIM homeo	GO:000155	GO:000097	GO:000563	28	28	1.00	0.01
H20001262	H200012623	ENSG0000	NM_024015	3214	HOXB4	homeobox	GO:000012	GO:000370	GO:000563	310	215	0.69	-0.53
H20001335	H200013352	ENSG0000	NM_000415	3375	IAPP	islet amyloi	GO:000691	GO:000510	GO:0005576 extracellular region,GO:0005615				
H30002271	H300022713	ENSG0000	NM_006373	10493	VAT1	vesicle ami	GO:001063	GO:000827	GO:000574	94	102	1.09	0.12
H20000069	H200000690	ENSG0000	NM_006196	5093	PCBP1	poly(rC) bir	GO:000039	GO:000369	GO:000565	6064	3801	0.63	-0.67
H30000175	H300001754	ENSG0000	NM_033261	91734	IDJ2	isopenteny	GO:000669	GO:000445	GO:000577	130	104	0.80	-0.32
H30001269	H300012695	-	NM_001318	51399	TRAPPC4	trafficking p	GO:000688	GO:000551	GO:000013	4967	3218	0.65	-0.63
H20000361	H20000361												

H20001810	H200018105	ENSG0000	NM_001166	53637	S1PR5	sphingosine	GO:000337	GO:003803	GO:0005886	plasma m	5			
H20000133	H200001334	ENSG0000	NM_032476	64968	MRPS6	mitochondr	GO:000641	GO:000373	GO:000574		1193	973	0.82	-0.29
H20000107	H200001075	ENSG0000	NM_005003	4706	NDUFAB1	NADH:ubiq	GO:000612	GO:000003	GO:000574		6894	3736	0.54	-0.88
H20000001	H200000016	ENSG0000	NR_033836	5277	PIGA	phosphatid	GO:000650	GO:000551	GO:000050		549	471	0.86	-0.22
H20001379	H200013792	ENSG0000	NM_004094	1965	EIF2S1	eukaryotic	GO:000223	GO:000374	GO:000563		233	223	0.95	-0.07
H20001597	H200015974	ENSG0000	NM_021195	9074	CLDN6	claudin 6	GO:001603	GO:000519	GO:000592		144	110	0.76	-0.40
H20000315	H200003153	ENSG0000	XM_011520	5288	PIK3C2G	phosphatid	GO:000664	GO:000552	GO:000582		6	11	1.70	0.76
H30000749	H300007499	ENSG0000	XM_006718	11145	PLA2G16	phospholipa	GO:000664	GO:000462	GO:000557		50	45	0.90	-0.15
H30001862	H300018626	ENSG0000	NM_001282	23481	PES1	pescadillo r	GO:000046	GO:000372	GO:000079		208	180	0.87	-0.21
H20001596	H200015964	-	NR_003673	79136	LY6G6E	lymphocyte	-	-	-		61	55	0.90	-0.15
H20001701	H200017010	ENSG0000	XR_921751	1939	EIF2D	eukaryotic	GO:000173	GO:000374	GO:000563		878	896	1.02	0.03
H20001752	H200017523	ENSG0000	NM_013393	29960	FtsJ2	FtsJ RNA r	GO:000045	GO:000865	GO:000573		515	459	0.89	-0.17
H30000465	H300004652	ENSG0000	NM_015398	25854	FAM149A	family with	-	-	-					
H30000079	H300000790	ENSG0000	NM_175709	23492	CBX7	chromobox	GO:000012	GO:000368	GO:000079		24	25	1.03	0.04
H30001978	H300019789	ENSG0000	NM_001282	7030	TFE3	transcripti	GO:000225	GO:000097	GO:000563		8	13	1.66	0.73
H20001340	H200013400	-	NM_001270	6862	T	T brachyur	GO:000012	GO:000097	GO:000079		25	22	0.89	-0.17
H20000002	H200000022	ENSG0000	NM_002040	2551	GABPA	GA binding	GO:000012	GO:000097	GO:000079		201	190	0.95	-0.08
H20000928	H200009289	ENSG0000	XM_006719	2004	ELK3	ELK3, ETS	GO:000152	GO:000097	GO:000563		14	20	1.46	0.55
H20001156	H200011566	ENSG0000	XM_005271	9967	THRAP3	thyroid hor	GO:000038	GO:000104	GO:000563		142	171	1.20	0.27
H20000769	H200007693	ENSG0000	NM_001204	5981	RFC1	replication	GO:000027	GO:000367	GO:000563		804	652	0.81	-0.30
H30000396	H300003966	ENSG0000	NR_031764	167127	UGT3A2	UDP glycos	GO:000981	GO:000819	GO:0016021	integral c		10		
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_011538	4939	OAS2	2'-5'-oligo	GO:000613	GO:000173	GO:000563		9	18	1.85	0.89
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_000808	2556	GABRA3	gamma-am	GO:000681	GO:000489	GO:000588		16	21	1.32	0.40
opHsV0400	opHsV0400005	-	-	-	-	-	-	-	-		2937	2006	0.68	-0.55
H20001187	H200011876	ENSG0000	XM_011515	22797	TFEC	transcripti	GO:000635	GO:000367	GO:0005654	nucleoplasm,GO:0005737 cytopla				
H20002025	H200020254	ENSG0000	NM_030786	81493	SYNC	syncoilin, ir	GO:004510	GO:000519	GO:000582		13	12	0.98	-0.03
H30001854	H300018540	ENSG0000	XM_011540	9748	SLK	STE20 like	GO:000691	GO:000467	GO:000573		364	304	0.84	-0.26
H20001433	H200014331	ENSG0000	XM_011516	1585	CYP11B2	cytochrom	GO:000201	GO:000450	GO:000573		10	15	1.49	0.58
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_173637	284427	SLC25A41	solute carr	GO:000641	GO:000373	GO:000574		7	15	2.14	1.10
H30000452	H300004520	ENSG0000	NM_001137	64098	PARVG	parvin gam	GO:000716	GO:000377	GO:000573		37	35	0.96	-0.06
H30000359	H300003598	ENSG0000	NM_005988	6700	SPRR2A	small prolin	GO:000854	GO:000519	GO:000153		107	117	1.10	0.13
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_012282	23630	KCNE5	potassium	GO:000801	GO:000524	GO:0005886	plasma m	6			
H20001344	H200013441	ENSG0000	NM_013348	3770	KCNJ14	potassium	GO:000726	GO:000524	GO:000588		32	68	2.14	1.10
H20001374	H200013744	ENSG0000	NM_005015	5018	OXA1L	oxidase (cy	GO:000646	GO:000551	GO:000573		2746	1853	0.67	-0.57
H20001450	H200014507	ENSG0000	NM_001297	7827	NPHS2	nephrosis 2	GO:000758	GO:000551	GO:000578		69	68	0.97	-0.04
H20001436	H200014364	ENSG0000	NM_020776	57536	KIAA1328	KIAA1328	-	GO:000551	-		14	18	1.29	0.37
H20000659	H200006596	ENSG0000	NM_001285	10788	IQGAP2	IQ motif co	GO:000716	GO:000377	GO:000573		133	124	0.93	-0.11
H20000689	H200006898	ENSG0000	NM_001276	1998	ELF2	E74 like ET	GO:000635	GO:000098	GO:000563		16	18	1.12	0.17
H30002263	H300022630	ENSG0000	NM_130443	10072	DPP3	dipeptidyl p	GO:000650	GO:000551	GO:000565		646	807	1.25	0.32
H30000574	H300005746	ENSG0000	NM_001304	54987	C1orf123	chromosom	GO:000815	GO:000367	GO:007006		967	868	0.90	-0.16
H20001151	H200011511	ENSG0000	XM_006721	23125	CAMTA2	calmodulin	GO:000635	GO:000107	GO:000563		198	211	1.07	0.10
H20001152	H200011522	ENSG0000	XM_006716	9747	TCFA1	TRPM8 cha	GO:000681	GO:000551	GO:000588		280	337	1.20	0.27
H20001188	H200011880	ENSG0000	XM_011534	9228	DLGAP2	discs large	GO:000727	GO:000551	GO:0005883	neurofilament,GO:0014069 posts				
H20000056	H200000568	ENSG0000	XM_011539	1369	CPN1	carboxypep	GO:000651	GO:000418	GO:0005615	extracellular space				
H20000813	H200008131	ENSG0000	NM_012081	22936	ELL2	elongation	GO:000635	-	GO:000565		50	44	0.87	-0.20
H20000223	H200002237	ENSG0000	XM_011538	79611	ACSS3	acyl-CoA s	GO:000815	GO:000398	GO:0005739	mitochondrion				
H20000256	H200002568	ENSG0000	XM_006718	55572	FOXRED1	FAD-deper	GO:000815	GO:001649	GO:000573		377	274	0.73	-0.46
H20001356	H200013569	ENSG0000	NM_030785	81492	RSPH6A	radial spoke	-	-	GO:0005622	intracellul		4		
H20000757	H200007574	ENSG0000	NM_133639	171177	RHOV	ras homolo	GO:000726	GO:000551	GO:0005829	cytosol,GO:0005886 plasma mem				
H20001935	H200019354	ENSG0000	XM_011539	56165	TDRD1	tudor doma	GO:000727	GO:000551	GO:0005737	cytoplasm,GO:0033391 chromato				
H20000759	H200007594	ENSG0000	XM_011537	7597	ZBTB25	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000565		23	21	0.94	-0.09
H20001760	H200017602	ENSG0000	NM_031944	83881	MIXL1	Mix paired-	GO:000224	GO:000097	GO:0000790	nuclear cl		7		
H20001097	H200010979	ENSG0000	XM_011542	79753	SNIP1	Smad nucle	GO:000635	GO:000551	GO:000565		225	201	0.89	-0.16
H20002023	H200020235	ENSG0000	NM_022045	27085	MTBP	MDM2 bind	GO:000705	-	GO:000077		48	58	1.19	0.26
H20001728	H200017288	ENSG0000	XM_011522	4992	OR1F1	olfactory re	GO:000716	GO:000493	GO:000588		17	15	0.89	-0.16
H20001394	H200013946	ENSG0000	XM_006720	1877	E4F1	E4F trans	GO:000012	GO:000097	GO:000565		620	563	0.91	-0.14
H20000869	H200008693	ENSG0000	NM_001080	114800	CCDC85A	coiled-coil	-	-	-					
H20000394	H200003947	ENSG0000	XR_931867	56204	FAM214A	family with	-	GO:000551	-		23	23	0.98	-0.02
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_181726	353322	ANKRD37	ankyrin rep	-	-	GO:000563		123	99	0.81	-0.31
H30000271	H300002713	ENSG0000	NM_198317	339451	KLHL17	kelch like f	GO:000742	GO:000484	GO:000561		65	44	0.68	-0.56
H30000517	H300005174	ENSG0000	NM_180989	160897	GPR180	G protein-c	GO:000718	-	GO:001602		95	98	1.02	0.03
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001085	151888	BTLA	B and T lyr	GO:000225	GO:000487	GO:000588		4	7	1.71	0.77
H30000273	H300002737	ENSG0000	NM_052941	115361	GPB4	guanylate b	GO:000815	GO:000392	GO:000013		33	25	0.75	-0.42
H20001988	H200019887	ENSG0000	NM_178449	113091	PTH2	parathyroid	GO:000721	-	GO:000557		175	133	0.76	-0.40
H30000402	H300004028	ENSG0000	XM_005245	6883	TAF12	TATA-box	GO:000632	GO:000367	GO:000012		824	753	0.91	-0.13
H20001148	H200011486	ENSG0000	NM_001145	84991	RBM17	RNA bindin	GO:000038	GO:000016	GO:000568		1373	1142	0.83	-0.27
H20001779	H200017790	ENSG0000	NM_020151	56910	STARD7	STAR relat	GO:190395	GO:000828	GO:000573		8471	5710	0.67	-0.57
H20000211	H200002111	ENSG0000	NM_001247	955	ENTPD6	ectonucleo	GO:000815	GO:000889	GO:000013		144	124	0.86	-0.21
H20000459	H200004596	ENSG0000	XM_011516	57001	SDHAF3	succinate d	GO:000611	-	GO:000575		2218	1668	0.75	-0.41
H20000116	H200001165	ENSG0000	XM_011542	84966	IGSF21	immunoglot	-	-	GO:0005576	extracellu		7		
H20001350	H200013506	ENSG0000	XM_011541	58512	DLGAP3	discs large	GO:002305	GO:000154	GO:001406		441	344	0.78	-0.36
H20000359	H200003595	ENSG0000	NM_001145	7466	WFS1	wolfram in	GO:000012	GO:000551	GO:0000502	proteasome complex,GO:0005783				
H20000802	H200008028	ENSG0000	XM_011523	4927	NUP88	nucleoporin	GO:000005	GO:000521	GO:000564		559	411	0.73	-0.45
H20001455	H200014559	ENSG0000	XR_243429	79918	SETD6	SET domai	GO:001802	GO:000551	GO:000563		270	216	0.80	-0.32
H20000172	H200001727	ENSG0000	NM_016267	51442	VGLL1	vestigial lik	GO:000635	GO:000371	GO:0005634	nucleus				
H20000854	H200008540	ENSG0000	XM_011525	56970	ATXN7L3	ataxin 7 lik	GO:000632	GO:000371	GO:000012		261	209	0.80	-0.32
H20000759	H200007596	ENSG0000	NM_017908	55663	NEUF46	zinc finger	GO:000635	GO:000098	GO:000561		51	77	1.52	0.61
H30002095	H300020954	ENSG0000	NM_022728	63974	NEUROD6	neuronal di	GO:000636	GO:000097	GO:000563		21	17	0.82	-0.28
H30001874	H300018749	ENSG0000	NM_001301	56917	MEIS3	Meis home	GO:000636	GO:000107	GO:000563		16	20	1.29	0.37
H20000478	H200004783	ENSG0000	XR_929870	883	CCBL1	cysteine co	GO:000655	GO:000551	GO:000565		135	102	0.76	-0.40
H20001396	H200013967	ENSG000												

H20000986	H200009866	ENSG0000	XM_011523	85407	NKD1	naked cutic	GO:000175	GO:000550	GO:000015	5	11	1.99	0.99	
H30001384	H300013846	ENSG0000	XM_005256	84316	NAA38	N(alpha)-ad	GO:004306	GO:000551	GO:000563	399	295	0.74	-0.44	
H20000309	H200003098	ENSG0000	NM_182486	114904	C1QTNF6	C1q and tu	GO:007020	GO:000551	GO:000558	13	14	1.11	0.16	
H20000902	H200009026	ENSG0000	NM_014388	27042	DIEXF	digestive o	GO:000046	GO:000551	GO:000573	8	14	1.64	0.71	
H20001075	H200010751	ENSG0000	NM_181356	8464	SUPT3H	SPT3 hom	GO:000223	GO:000367	GO:000012	224	220	0.98	-0.02	
H20001246	H200012461	ENSG0000	NM_024746	79802	HHIPL2	HHIP like 2	GO:000597	GO:000551	GO:0005576	extracellu	5			
H20000226	H200002263	ENSG0000	NM_014044	25972	UNC50	unc-50 hor	GO:000681	GO:000372	GO:000563	818	786	0.96	-0.06	
H20000840	H200008409	ENSG0000	NM_021237	58515	SELK	selenoprote	GO:000681	GO:004280	GO:000578	1213	882	0.73	-0.46	
H20000318	H200003182	ENSG0000	XM_011539	56652	C10orf2	chromosom	GO:000626	GO:000202	GO:000575	427	265	0.62	-0.69	
H20001151	H200011516	ENSG0000	NM_015949	51608	GET4	golgi to ER	GO:000681	GO:000551	GO:000573	388	335	0.86	-0.21	
H20001451	H200014515	ENSG0000	NM_024855	79913	ACTR5	ARP5 activ	GO:000630	GO:000551	GO:000563	198	144	0.72	-0.47	
H20000972	H20000972	ENSG0000	XM_011537	89932	PAPLN	papilin, pro	GO:000650	GO:000422	GO:000560	6	15	2.69	1.43	
H20000029	H200000299	ENSG0000	NM_001676	479	ATP12A	ATPase H+	GO:000688	GO:000539	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005889	h			
H20001694	H200016947	ENSG0000	XM_011545	54860	MS4A12	membrane	-	GO:000551	GO:0016021	integral c	6			
H20000188	H200001883	ENSG0000	NM_001257	54606	DDX56	DEAD-box	GO:000636	GO:000400	GO:000573	720	415	0.58	-0.80	
H30001890	H300018905	ENSG0000	NM_013434	30818	KCNIP3	potassium	GO:000012	GO:000097	GO:000563	87	74	0.84	-0.25	
H20001300	H200013003	ENSG0000	NM_001172	92595	ZNF764	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	34	38	1.13	0.17	
H20000099	H200000992	ENSG0000	XM_011545	54948	MRPL16	mitochondr	GO:000699	GO:000373	GO:000574	3439	2454	0.71	-0.49	
H20001075	H200010758	ENSG0000	NM_019022	54495	TMX3	thioredoxin	GO:000645	GO:000375	GO:000578	178	193	1.09	0.12	
H20001016	H200010169	ENSG0000	XM_005255	64285	RHBD1	rhomboid 5	GO:000828	GO:000425	GO:0000139	Golgi men	12			
H20000330	H200003300	-	XM_011522	1387	CREBBP	CREB bind	GO:000012	GO:000097	GO:000012	1918	1953	1.02	0.03	
H30001638	H300016380	ENSG0000	NM_173808	257194	NEGR1	neuronal gr	GO:000762	GO:000551	GO:000588	17	21	1.22	0.28	
H30000442	H300004423	ENSG0000	NM_153325	245938	DEFB125	defensin be	GO:004274	-	GO:000557	21	19	0.91	-0.14	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NR_131754	134429	STAR4	STAR relat	GO:000686	GO:000828	GO:001602	384	398	1.04	0.05	
H30002226	H300022263	ENSG0000	NM_130773	129684	CNTNAP5	contactin a	GO:000715	-	GO:001602	6	13	2.20	1.14	
H30000407	H300004076	ENSG0000	XM_011522	84656	GLYR1	glyoxylate r	GO:005511	GO:000367	GO:000565	271	209	0.77	-0.38	
H20001176	H200011760	ENSG0000	XM_011522	84219	WDR24	WD repeat	GO:003200	GO:000551	GO:006170	29	33	1.13	0.18	
H30002039	H300020397	ENSG0000	NM_001318	56623	INPP5E	inositol pol	GO:000664	GO:000443	GO:000172	90	79	0.87	-0.20	
H20001794	H200017948	ENSG0000	NM_001128	23413	NCS1	neuronal ca	GO:001097	GO:000028	GO:000573	62	53	0.86	-0.22	
H20000105	H200001053	ENSG0000	XM_011521	22909	FAN1	FANCD2/F	GO:000072	GO:000028	GO:000563	53	62	1.17	0.23	
H20001864	H200018648	ENSG0000	NM_001290	284434	NWD1	NACHT an	-	GO:000552	GO:0005829	cytosol				
H20001972	H200019720	ENSG0000	NR_038459	54438	GFOD1	glucose-fru	GO:005511	GO:000551	GO:000557	10	20	2.05	1.04	
H20001222	H200012226	ENSG0000	NM_015669	26167	PCDHB5	protocadhe	GO:000715	GO:000550	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in			
H20001777	H200017778	ENSG0000	XM_006715	9457	FHL5	four and a	GO:004594	GO:000371	GO:000563	70	50	0.71	-0.49	
H20000804	H200008046	-	NM_024316	79165	LENG1	leukocyte r	GO:000815	GO:000367	GO:000557	152	128	0.85	-0.24	
H20000307	H200003072	ENSG0000	NM_018074	55702	CCDC94	coiled-coil	-	GO:000551	-	316	318	1.01	0.01	
H20001655	H200016550	ENSG0000	NM_017911	55007	FAM118A	family with	-	GO:000551	GO:001602	140	168	1.20	0.26	
H20001483	H200014834	ENSG0000	NM_004076	1417	CRYBB3	crystallin b	GO:000760	GO:000521	-	36	34	0.96	-0.05	
H20000263	H200002633	ENSG0000	XM_005257	63897	HEATR6	HEAT repe	-	GO:004482	-	151	180	1.20	0.26	
H20000183	H200001834	ENSG0000	NM_001080	10838	ZNF275	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	17	27	1.53	0.62	
H20000493	H200004939	ENSG0000	XM_005266	26235	FBXL4	F-box and	GO:000651	-	GO:000015	141	149	1.05	0.08	
H30001998	H300019988	ENSG0000	XR_242580	23230	VPS13A	vacuolar pr	GO:000689	GO:000551	GO:000562	183	186	1.02	0.03	
H20000809	H200008096	ENSG0000	NM_016466	51239	ANKRD39	ankyrin rep	GO:000815	GO:000367	GO:000557	376	230	0.61	-0.71	
H20001557	H200015578	ENSG0000	NG_008276	81693	AMN	amnion ass	GO:000676	GO:000510	GO:000561	178	130	0.73	-0.46	
H20002129	H200021299	ENSG0000	XM_006716	138311	FAM69B	family with	-	GO:000551	GO:000578	53	29	0.55	-0.86	
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_206998	404552	SCGB1D4	secretoglob	-	-	GO:0005576	extracellu	6			
H30000409	H300004098	ENSG0000	NM_203376	388730	TMEM81	transmemb	-	-	GO:001602	70	62	0.89	-0.17	
H30002082	H300020821	ENSG0000	NM_001320	204962	SLC44A5	solute carr	GO:000664	-	GO:000588	29	35	1.22	0.29	
H20001359	H200013594	ENSG0000	NM_174916	197131	UBR1	ubiquitin pr	GO:001656	GO:000827	GO:000015	85	65	0.76	-0.40	
H30000644	H300006448	ENSG0000	XM_011524	124590	USH1G	USH1 prote	GO:000760	GO:000551	GO:000191	12	15	1.27	0.34	
H20001638	H200016383	ENSG0000	NM_054113	117286	CIB3	calcium an	-	GO:000028	-	89	82	0.92	-0.13	
H20000397	H200003974	ENSG0000	NR_037928	100533970	P2RX5-TA	P2RX5-TA	-	-	-	470	314	0.67	-0.58	
H20000196	H200001966	ENSG0000	NM_001171	80700	UBXN6	UBX domai	GO:000815	GO:000367	GO:000563	212	200	0.94	-0.09	
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_005788	10196	PRMT3	protein arg	GO:000635	GO:000551	GO:000573	311	284	0.91	-0.13	
H30002077	H300020771	ENSG0000	NM_003900	8878	SQSTM1	sequestoso	GO:000042	GO:000467	GO:000040	496	569	1.15	0.20	
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001037	245915	DEFB112	defensin be	GO:004274	-	GO:0005576	extracellular region,GO:0009886				
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001306	1365	CLDN3	claudin 3	GO:001166	GO:000488	GO:000588	280	200	0.72	-0.48	
H30000687	H300006879	ENSG0000	NM_144642	132204	SYNPR	synaptopor	GO:000681	GO:000521	GO:0030054	cell juncti	6			
H30000268	H300002689	ENSG0000	-	391069	GAPDHP64	glyceraldeh	-	-	-	1841	1180	0.64	-0.64	
H30000168	H300001687	ENSG0000	NM_001316	85395	FAM207A	family with	-	GO:000551	-	700	487	0.70	-0.52	
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_001012	1487	CTBP1	C-terminal	GO:000012	GO:000110	GO:000563	502	478	0.95	-0.07	
H30000476	H300004768	ENSG0000	NM_153000	147495	APCDD1	adenomato	GO:000194	GO:001714	GO:0005887	integral component of plasma me				
H30000977	H300009775	ENSG0000	NM_001130	219899	TBCEL	tubulin fold	-	GO:000551	GO:0005737	cytoplasm	11			
H20000711	H200007112	ENSG0000	XM_011524	7566	ZNF18	zinc finger	GO:000635	GO:000098	GO:000563	64	72	1.12	0.16	
H20001355	H200013556	ENSG0000	NM_001282	51028	VPS36	vacuolar pr	GO:000635	GO:000551	GO:000081	161	182	1.13	0.17	
H20001450	H200014500	ENSG0000	NM_001017	7549	ZNF2	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	15	20	1.29	0.37	
H20000451	H200004514	-	NM_001286	56911	MAP3K7C	MAP3K7 C	GO:000016	GO:000470	GO:000563	71	60	0.84	-0.25	
H20000447	H200004471	ENSG0000	NM_052940	115353	LRR42	leucine ric	-	-	-	673	511	0.76	-0.40	
H30000900	H300009008	ENSG0000	XM_011521	161835	FSIP1	fibrous she	-	-	-					
H30000708	H300007083	ENSG0000	XM_006717	283078	MKX	mohawk ho	GO:000012	GO:000098	GO:000563	12	13	1.03	0.05	
H30000818	H300008188	ENSG0000	NM_015564	26045	LRR72	leucine ric	GO:000209	GO:004204	GO:0016021	integral component of membrane				
H30000555	H300005555	ENSG0000	NM_001267	6189	RPS3A	ribosomal p	GO:000018	GO:000372	GO:000563	9929	8058	0.81	-0.30	
H30000876	H300008760	ENSG0000	NM_001291	113230	LOC113230	uncharacte	-	-	-	8	11	1.44	0.53	
H30002015	H300020159	-	XM_011525	80179	MYO19	myosin XIX	GO:000815	GO:000377	GO:000573	605	502	0.83	-0.27	
H30002160	H300021602	-	XM_011514	780	DDR1	discoidin d	GO:000155	GO:000471	GO:000561	168	118	0.70	-0.51	
H30000285	H300002855	ENSG0000	XM_011518	158131	OR1Q1	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in			
H20000072	H200000728	ENSG0000	NM_006626	10773	ZBTB6	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	63	90	1.43	0.52	
H20000868	H200008685	ENSG0000	NM_033180	79345	OR51B2	olfactory re	GO:000716	GO:000493	GO:000588	11	7	0.69	-0.54	
H20001659	H200016596	ENSG0000	NM_001319	140461	ASB8	ankyrin rep	GO:001656	-	GO:000573	422	388	0.92	-0.12	
H30000090	H300000906	ENSG0000	NM_001002	126208	ZNF787	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	92	62	0.68	-0.56	
H20000935	H200009353	ENSG0000	XR_950065	80194	TMEM134	transmemb	-	-	GO:001602	325	269	0.83	-0.27	
H30000961	H300009619	ENSG0000	NM_001098	2636	GBX1	gastrulatio	GO:000635	GO:004356	GO:000563	54	46	0.85	-0.24	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG000												

H20001923	H200019230	ENSG0000	NM_001137	9208	LRRFIP1	leucine rich	GO:000635	GO:000367	GO:000557	54	61	1.12	0.16
H20000446	H200004465	ENSG0000	NM_001276	90673	PPP1R3E	protein pho	GO:000597	GO:000472	GO:004258	106	80	0.75	-0.41
H20000866	H200008660	ENSG0000	XM_011542	54970	TTC12	tetratricop	-	GO:000551	GO:000581	61	50	0.82	-0.28
H20001063	H200010633	ENSG0000	NR_073390	9125	RQCD1	RCD1 requ	GO:000028	GO:000551	GO:000093	316	182	0.58	-0.80
H20000103	H200001033	ENSG0000	XM_011545	57020	C16orf62	chromosom	GO:000689	GO:000551	GO:000576	119	111	0.93	-0.10
H30000199	H300001990	ENSG0000	NM_173801	219990	OOSP2	oocyte sec	-	-	GO:0005576	extracellular region			
H30000179	H300001794	ENSG0000	NM_003697	338674	OR5F1	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:000588	24	21	0.87	-0.20
H30002029	H300020298	ENSG0000	NM_001167	4026	LPP	LIM domain	GO:000715	GO:000551	GO:000563	15	15	1.05	0.07
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_001308	339768	ESPNL	espin-like	-	-	-	11	11	1.04	0.06
H30002013	H300020137	ENSG0000	XM_011522	80125	CCDC33	coiled-coil	-	GO:000551	-	47	40	0.85	-0.24
H30001075	H300010755	ENSG0000	XM_011537	8451	CUL4A	cullin 4A	GO:000008	GO:000551	GO:000565	273	240	0.88	-0.19
H30000654	H300006545	ENSG0000	XM_011515	80099	C7orf69	chromosom	-	-	GO:0005576	extracellular region			
H30000417	H300004179	ENSG0000	NM_018378	55336	FBXL8	F-box and	-	GO:000551	-	53	45	0.86	-0.22
H20000921	H200009214	ENSG0000	NM_025069	80139	ZNF703	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus,G	10		
H20000342	H200003426	ENSG0000	NM_001307	201965	RWDD4	RWD doma	-	-	-	270	272	1.00	0.01
H20001558	H200015582	ENSG0000	NM_145205	127540	HMGB4	high mobil	-	GO:000367	GO:0005634	nucleus,GO:0005694	chromosom		
H20001713	H200017136	ENSG0000	NM_000728	797	CALCB	calcitonin r	GO:000687	GO:000518	GO:000557	48	39	0.80	-0.33
H20001588	H200015887	ENSG0000	NM_001010	284307	ZIK1	zinc finger	GO:000635	GO:000097	GO:0005634	nucleus	3		
H30001760	H300017600	ENSG0000	NM_139179	221955	DAGLB	diacylglyce	GO:000740	GO:001678	GO:000576	43	46	1.07	0.10
H30001135	H300011351	ENSG0000	NM_001297	167153	PAPD4	PAP assoc	GO:000224	GO:000465	GO:000582	624	525	0.84	-0.25
H30000627	H300006279	ENSG0000	NM_153340	127002	ATXN7L2	ataxin 7 lik	-	-	-	449	298	0.66	-0.59
H30000670	H300006700	ENSG0000	NM_001110	163747	LEXM	lymphocyte	GO:000828	-	GO:0005739	mitochond	4		
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011518	203197	C9orf91	chromosom	GO:000815	GO:000367	GO:000557	165	290	1.76	0.81
H30000671	H300006712	-	XM_011522	255027	MPV17L	MPV17 mit	GO:001073	GO:000367	GO:0005739	mitochond	6		
H30000496	H300004966	ENSG0000	NM_001167	130733	TMEM178A	transmemb	GO:004567	-	GO:0005789	endoplasm	4		
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_014468	27287	VENTX	VENT hom	GO:000635	GO:000551	GO:0005634	nucleus	4		
H20000756	H200007567	ENSG0000	NR_033676	54830	NUP62CL	nucleoporin	GO:001503	GO:000551	GO:000564	241	243	1.01	0.02
H20000039	H200000399	ENSG0000	XM_005253	488	ATP2A2	ATPase sa	GO:000202	GO:000538	GO:000578	508	408	0.80	-0.32
H20000076	H200000768	ENSG0000	NR_133012	839	CASP6	caspase 6	GO:000650	GO:000419	GO:000565	1164	1058	0.91	-0.14
H20000539	H200005395	ENSG0000	XM_006719	22873	DZIP1	DAZ intera	GO:000727	GO:000551	GO:000563	67	50	0.75	-0.42
H20000362	H200003627	ENSG0000	NM_199436	6683	SPAST	spastin	GO:000157	GO:000551	GO:000563	310	307	0.99	-0.02
H30000225	H300002255	ENSG0000	-	-	RP11-462L	-	-	-	-	10598	8893	0.84	-0.25
H30002037	H300020377	ENSG0000	XM_006716	1807	DPYS	dihydropyri	GO:000620	GO:000205	GO:0005829	cytosol,G	6		
H30000248	H300002483	ENSG0000	NM_001105	80775	TMEM177	transmemb	-	-	GO:001602	1047	686	0.66	-0.61
H30000735	H300007355	ENSG0000	NM_152608	163859	SDE2	SDE2 telom	-	-	GO:000563	248	186	0.75	-0.42
H30001000	H300010009	ENSG0000	NM_145913	160728	SLC5A8	solute carr	GO:000681	GO:001529	GO:0005886	plasma m	6		
H30000312	H300003123	ENSG0000	NM_001037	128954	GAB4	GRB2 asso	-	-	-	126	83	0.66	-0.61
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_016569	6926	TBX3	T-box 3	GO:000012	GO:000097	GO:0005634	nucleus			
H30000636	H300006369	ENSG0000	NM_001009	54522	ANKRD16	ankyrin rep	-	-	-	75	64	0.86	-0.22
H20000942	H200009421	ENSG0000	NM_001134	205428	C3orf58	chromosom	GO:001406	-	GO:000013	145	211	1.46	0.54
H20000478	H200004789	ENSG0000	XM_011524	404093	CUEDC1	CUE domai	-	-	-		8		
H20000751	H200007517	ENSG0000	NM_014908	22845	DOLK	dolichol kin	GO:000648	GO:000416	GO:000578	298	203	0.68	-0.55
H20001316	H200013161	ENSG0000	XM_005254	10260	DENND4A	DENN dom	GO:000635	GO:000367	GO:000563	163	178	1.09	0.13
H20001256	H200012560	ENSG0000	NM_130899	153745	FAM71B	family with	-	-	GO:0005634	nucleus	3		
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_178532	285671	RNF180	ring finger	GO:000020	GO:000827	GO:0005635	nuclear en	6		
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	NM_001280	55764	IFT122	intraflagella	GO:000184	GO:000551	GO:000573	47	64	1.36	0.44
opHsV0400	opHsV0400009	ENSG0000	NM_001105	256126	SYCE2	synaptonem	GO:000713	-	GO:0000801	central el	13		
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_000258	4634	MYL3	myosin ligh	GO:000202	GO:000377	GO:000582	55	42	0.77	-0.38
H30000230	H300002300	ENSG0000	NM_001080	123720	WHAMM	WAS prote	GO:000688	GO:000377	GO:000013	137	170	1.24	0.31
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	-	375260	WASH2P	WAS prote	-	-	-	50	45	0.91	-0.14
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001167	57182	ANKRD50	ankyrin rep	GO:001503	GO:000551	GO:000576	44	46	1.05	0.08
H30000394	H300003943	ENSG0000	XM_011545	339105	PRSS53	protease, s	GO:000650	GO:000425	GO:000557	25	25	1.02	0.03
H20001778	H200017780	ENSG0000	NM_020236	65008	MRPL1	mitochondr	GO:000699	GO:000373	GO:000574	1576	1156	0.73	-0.45
H20002120	H200021201	ENSG0000	NM_018719	55536	CDCA7L	cell divisio	GO:000635	GO:000551	GO:000563	812	802	0.99	-0.02
H20000736	H200007360	ENSG0000	NM_031924	83861	RSPH3	radial spoke	-	GO:000551	-	34	48	1.40	0.48
H20000810	H200008100	ENSG0000	XM_011542	84146	ZNF644	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	301	274	0.91	-0.13
H20000145	H200001453	ENSG0000	NM_032436	283489	CHAMP1	chromosom	GO:003113	GO:000367	GO:000077	98	79	0.81	-0.31
H30001209	H300012091	ENSG0000	NM_001103	285888	CNPY1	canopy FG	-	-	-		5		
H30000354	H300003540	ENSG0000	NM_173516	154197	PNLDC1	PARN like,	-	GO:000367	GO:000563	108	85	0.79	-0.34
H30001446	H300014466	ENSG0000	XM_005245	4259	MGST3	microsomal	GO:000662	GO:000436	GO:000578	1845	1316	0.71	-0.49
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_152372	127294	MYOM3	myomesin	-	GO:004280	GO:003143	121	107	0.88	-0.18
H30001952	H300019520	ENSG0000	XM_011540	6229	RPS24	ribosomal p	GO:000018	GO:000016	GO:000563	27862	22508	0.81	-0.31
H30001283	H300012830	ENSG0000	XM_011522	9153	SLC28A2	solute carr	GO:000613	GO:000541	GO:0005886	plasma m	4		
H30001801	H300018013	ENSG0000	NM_002318	4017	LOXL2	lysyl oxidas	GO:000166	GO:000368	GO:0005604	basement membrane,GO:0005615			
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001319	1455	CSNK1G2	casein kina	GO:000646	GO:000028	GO:000582	951	755	0.79	-0.33
H20000869	H200008692	ENSG0000	XM_011515	223075	CCDC129	coiled-coil	-	GO:000510	-		3		
H20000878	H200008786	ENSG0000	NM_203462	114932	MRFAP1L1	Morf4 famil	-	GO:000551	-	1376	1321	0.96	-0.06
H20000262	H200002623	-	NM_001198	10432	RBM14	RNA bindin	GO:000626	GO:000016	GO:000565	101	83	0.83	-0.27
H20000386	H200003863	ENSG0000	NM_152695	203523	ZNF449	zinc finger	GO:000635	GO:000370	GO:000563	20	50	2.57	1.36
H20001341	H200013417	ENSG0000	NM_138771	90693	CCDC126	coiled-coil	GO:000648	GO:003014	GO:000557	64	71	1.11	0.15
H30001879	H300018797	ENSG0000	XM_011540	9644	SH3PXD2A	SH3 and P	GO:000680	GO:000551	GO:0002102	podosome	4		
H30001865	H300018652	ENSG0000	XM_011536	114088	TRIM9	tripartite m	GO:001607	GO:000014	GO:000573	7	8	1.16	0.21
H30001991	H300019918	ENSG0000	NM_001039	113177	IZUMO4	IZUMO fam	-	-	GO:000557	34	38	1.10	0.14
H30001505	H300015052	ENSG0000	XM_011542	864	RUNX3	runt related	GO:000012	GO:000097	GO:0000790	nuclear c	6		
H30001961	H300019614	ENSG0000	NM_171825	815	CAMK2A	calcium/ca	GO:000008	GO:000467	GO:000563	13	11	0.80	-0.32
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001013	391356	PTRHD1	peptidyl-tR	GO:000815	GO:000404	GO:007006	467	388	0.83	-0.27
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_001300	51334	PRR16	proline rich	GO:004572	GO:000551	-	4	10	2.33	1.22
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	-	RP11-432N	-	-	-	-	15	13	0.87	-0.19
H30000325	H300003250	-	-	-	-	-	-	-	-	353	456	1.29	0.37
opHsV0400	opHsV0400002	-	-	-	-	-	-	-	-	11063	7753	0.70	-0.51
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_133459	147372	CCBE1	collagen an	GO:000194	GO:000202	GO:000557	87	91	1.04	0.06
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_011524	348235	SKA2	spindle and	GO:000027	GO:000551	GO:000094	739	756	1.02	0.03
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NG_006987	646723	KRT18P31	keratin 18	-	-	-	253	177	0.70	-0.52
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_002667	5350	PLN	phospholan	GO:000202	GO:000485	GO:0005739	mitochondrion,GO:0005783	endo		
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_001004	389170	LEKR1	leucine, glu	-	-	-		7		
opHsV0400	opHsV0400000	EN											

H30000999	H300009996	-	-	-	-	-	-	-	-	17	14	0.85	-0.23
H30000159	H300001591	ENSG0000	-	389362	PSMG4	proteasome	GO:004324	-	-	32	22	0.69	-0.54
H30000186	H300001867	ENSG0000	XR_243543	146802	SLC47A2	solute carr	GO:000685	GO:001523	GO:000588	13	13	1.01	0.02
H30001010	H300010102	ENSG0000	NM_001258	121129	OR2AP1	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:000588	16	15	0.89	-0.17
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XM_011523	4097	MAFG	v-maf avia	GO:000170	GO:000122	GO:000563	100	106	1.05	0.07
H30000780	H300007809	ENSG0000	NM_152610	164127	CCDC185	coiled-coil	-	GO:000551	-	-	-	-	-
H30000376	H300003760	ENSG0000	XM_011545	146547	PRSS36	protease, s	GO:000650	GO:000425	GO:000557	80	59	0.73	-0.46
H30001876	H300018765	ENSG0000	XM_005250	79846	CFAP69	cilia and fla	-	-	-	14	12	0.87	-0.20
H30002176	H300021767	ENSG0000	NM_001300	57556	SEMA6A	semaphorin	GO:000175	GO:000551	GO:000588	15	18	1.22	0.29
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XR_944558	4938	OAS1	2'-5'-oligo	GO:000600	GO:000173	GO:000557	27	27	1.01	0.01
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_011521	4756	NEO1	neogenin 1	GO:000715	GO:000487	GO:000565	18	19	1.10	0.14
H30001851	H300018511	ENSG0000	NM_001112	22998	LIMCH1	LIM and ca	GO:003103	GO:000377	-	7	13	1.80	0.85
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	81221	OR5AQ1P	olfactory re	-	-	-	-	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	106480254	HSPE1P6	heat shock	-	-	-	6525	3899	0.60	-0.74
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_005867	10281	DSCR4	Down synd	GO:000815	GO:000367	GO:000557	280	224	0.80	-0.33
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	-	CTB-85P2	-	-	-	-	-	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	-	RP11-270L	-	-	-	-	95	67	0.70	-0.51
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NR_026744	400794	LOC40079	uncharacte	-	-	-	26313	16272	0.62	-0.69
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	379008	RBMV2TP	RNA bindin	-	-	-	-	4	-	-
opHsV0400	opHsV0400001	-	XR_430592	102724151	LOC10272	putative PC	-	-	-	12	15	1.28	0.35
H30000149	H300001496	ENSG0000	NM_001004	26219	OR1J4	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:000588	6	10	1.67	0.74
H30000602	H300006021	ENSG0000	NG_033941	951	CD37	CD37 mole	GO:000263	GO:000551	GO:000177	17	16	0.94	-0.10
H30002120	H300021209	ENSG0000	NM_031300	83463	MXD3	MAX dimer	GO:000635	GO:000367	GO:000563	61	52	0.84	-0.25
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NR_024256	399717	GATA3-AS	GATA3 ant	-	-	-	-	4	-	-
H30000750	H300007503	ENSG0000	XM_011518	26740	OR1J2	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:000588	31	32	1.06	0.08
opHsV0400	opHsV0400000	-	NR_001317	80868	HCG4B	HLA compl	-	-	-	57	43	0.75	-0.41
H30000520	H300005208	ENSG0000	NM_001291	91351	DDX60L	DEAD-box	GO:000815	GO:000372	-	-	7	-	-
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_011537	144321	GLIPR1L2	GLI pathog	-	-	GO:0016021	integral component of membrane	-	-	-
H30000971	H300009719	ENSG0000	NM_145715	166815	TIGD2	tigger trans	-	GO:000367	GO:000563	217	180	0.83	-0.27
H30000156	H300001568	ENSG0000	NR_024120	100131454	DBIL5P	diazepam b	-	-	-	-	7	-	-
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NR_038859	197196	LINC00311	long interge	-	-	-	-	7	-	-
H30000134	H300001342	ENSG0000	NM_005188	867	CBL	Cbl proto-c	GO:000635	GO:000178	GO:000563	241	178	0.74	-0.44
H30000969	H300009693	ENSG0000	NR_135153	360023	ZBTB41	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	13	21	1.65	0.72
H30001984	H300019849	ENSG0000	XM_006720	26015	RPAP1	RNA polym	GO:000636	GO:000367	GO:000563	246	182	0.74	-0.43
H30001973	H300019734	ENSG0000	NM_031407	10075	HUWE1	HECT, UBA	GO:000020	GO:000367	GO:000563	466	470	1.01	0.01
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XR_934125	9706	ULK2	unc-51 like	GO:000691	GO:000467	GO:003065	11	18	1.59	0.67
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_004032	8528	DDO	D-aspartat	GO:000653	GO:000510	GO:0005777	peroxisome	-	-	-
H30001979	H300019798	ENSG0000	XM_005274	51773	RSF1	remodeling	GO:000633	GO:000551	GO:000563	109	103	0.95	-0.07
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NR_045649	440822	PIWIL3	piwi-like R	GO:000641	GO:000372	GO:0005737	cytoplasm	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NR_104447	374659	HDDC3	HD domain	GO:001596	GO:000551	-	527	392	0.74	-0.43
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_198353	386617	KCTD8	potassium	GO:000827	-	GO:0030054	cell junction,GO:0042734	presynap	-	-
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001102	441061	42440	membrane	GO:001656	GO:000827	GO:0016021	integral co	3	-	-
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_011537	89874	SLC25A21	solute carr	GO:000641	GO:000373	GO:000574	533	311	0.58	-0.78
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_013986	2130	EWSR1	EWS RNA	GO:000635	GO:000016	GO:000563	911	717	0.79	-0.35
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_005765	10159	ATP6AP2	ATPase H+	GO:000200	GO:000419	GO:000588	783	524	0.67	-0.58
H30000446	H300004461	ENSG0000	NM_032477	64975	MRPL41	mitochondr	GO:000641	GO:000373	GO:000573	1473	690	0.47	-1.09
H30000410	H300004105	ENSG0000	-	81209	OR5BB1P	olfactory re	-	-	-	24	23	0.95	-0.08
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	-	401661	OR5C1P	olfactory re	-	-	-	26	23	0.86	-0.22
H30002104	H300021043	ENSG0000	XM_011521	145942	TMC05A	transmemb	-	-	GO:0016021	integral component of membrane	-	-	-
H30001721	H300017214	ENSG0000	NM_001077	91120	ZNF682	zinc finger	GO:000635	GO:000097	GO:0005634	nucleus	3	-	-
H30001117	H300011179	ENSG0000	-	-	CTC-524C	-	-	-	-	93	85	0.91	-0.13
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	-	10355	HMGB1P4	high mobil	-	-	-	8928	7299	0.82	-0.29
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_011520	390072	OR52N4	olfactory re	GO:000716	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in	-	-
opHsV0400	opHsV0400001	-	NR_026758	440905	FAR2P1	fatty acyl-	GO:005511	GO:008001	-	90	118	1.31	0.39
H30000932	H300009327	ENSG0000	NM_001145	284418	FAM71E2	family with	-	-	GO:000563	23	22	0.96	-0.06
H30000474	H300004749	ENSG0000	-	414318	C9orf106	chromosom	-	-	-	-	-	-	-
H30000785	H300007855	ENSG0000	-	-	RP11-481K	-	-	-	-	9345	4889	0.52	-0.93
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_182592	285525	YIPF7	Yip1 domai	-	-	GO:0005789	endoplasmic reticulum membrane	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400009	ENSG0000	NG_031910	388962	BOLA3	bolA family	GO:000815	GO:000367	GO:0005575	cellular_component,GO:0005576	4	-	-
H30001866	H300018668	ENSG0000	NM_015352	23509	POFUT1	protein O-	GO:000152	GO:000841	GO:000578	97	89	0.91	-0.14
H30001887	H300018879	ENSG0000	NM_001258	27039	PKD2L2	polycystin	GO:000815	GO:000526	GO:0016021	integral component of membrane	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_014246	9620	CELSR1	cadherin E	GO:000173	GO:000488	GO:0005654	nucleopla	5	-	-
H30001966	H300019660	ENSG0000	NM_001164	27067	STAU2	staufen do	GO:000681	GO:000372	GO:000573	320	325	1.01	0.02
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001014	23154	NCDN	neurochond	GO:003117	GO:000551	GO:000563	10	13	1.29	0.37
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001080	127550	A3GALT2	alpha 1,3-g	-	-	-	-	6	-	-
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	-	1817	DRD5P1	dopamine r	-	-	-	140	98	0.70	-0.52
H30001104	H300011040	ENSG0000	NR_002184	91695	RRP7BP	ribosomal F	GO:000002	-	GO:003254	194	132	0.68	-0.55
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	-	388363	RPS7P1	ribosomal p	-	-	-	31274	18052	0.58	-0.79
H30000018	H300000180	ENSG0000	XM_011516	286144	TRIQK	triple QxxK	-	-	GO:0005789	endoplasm	7	-	-
opHsV0400	opHsV0400002	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400001	-	NM_001034	374308	PTCHD3	patched do	GO:000716	GO:000367	GO:0005575	cellular_component,GO:0016021	in	-	-
H30000570	H300005705	ENSG0000	-	-	RP11-382N	-	-	-	-	514	386	0.75	-0.41
H30001377	H300013772	ENSG0000	XM_011545	100132247	NPIP5	nuclear por	-	-	-	1123	1349	1.20	0.26
opHsV0400	opHsV0400004	-	-	-	-	-	-	-	-	124	132	1.07	0.10
H30002181	H300021813	ENSG0000	NM_032194	84154	RPF2	ribosome p	GO:000002	GO:001984	GO:000563	3209	3199	1.00	0.00
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NR_135124	401554	LOC40155	uncharacte	-	-	-	13	17	1.38	0.46
H30000847	H300008472	ENSG0000	NM_001004	346525	OR2A12	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:000588	27	24	0.89	-0.16
H30000268	H300002687	ENSG0000	NM_001099	283554	GPRI37C	G protein-c	-	-	GO:0016021	integral co	3	-	-
H30001012	H300010128	ENSG0000	NM_001005	196335	OR56B4	olfactory re	GO:000716	GO:000493	GO:000588	46	40	0.88	-0.18
H30000291	H300002917	ENSG0000	NR_027045	644997	PIK3CD-A	PIK3CD an	-	-	-	45	39	0.85	-0.23
H30000676	H300006768	-	-	-	-	-	-	-	-	1100	1101	1.00	0.00
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_000361	7056	THBD	thrombom	GO:000716	GO:000487	GO:000561	40	37	0.92	-0.12
H30000120	H300001200	ENSG0000	XM_005255	646174	C16orf90	chromosom	-	-	-	19	15	0.79	-0.34
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_024508	79413	ZBED2	zinc finger	-	GO:000367	-	11	15	1.32	0.40
H30000665	H300006654	ENSG0000	NR_036659	441951	ZFAS1	ZNF1 ant	-	-	-	2613	3727	1.43	0.51
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_139131	4928	NUP98	nucleoporin	GO:000005	GO:000521	GO:000077	364	302	0.83	-0.27
opHsV0400	opHsV0400010	ENSG0000	NM_001301	400	ARL1	ADP ribosy	GO:000703	GO:000392	GO:000013	175	191	1.09	0.12
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_001001	401152	C4orf3	chromosom	-	-	GO:001602	1211	822	0.68	-0.56

H30000495	H300004951	ENSG0000	NR_133000	375513	GUSBP4	glucuronida	-	-	-	572	776	1.36	0.44
H30000669	H300006691	ENSG0000	XM_005257	284071	MEIOC	meiosis spe	-	-	-	21	21	0.99	-0.01
opHsV0400	opHsV0400000	-	XR_427902	166994	LOC166994	integral me	-	-	-	-	4	-	-
H30000284	H300002846	ENSG0000	NM_182521	151112	ZSWIM2	zinc finger	GO:000020	GO:000827	-	-	-	-	-
H30002266	H300022662	ENSG0000	NM_201279	8828	NRP2	neuropilin 2	GO:000152	GO:000487	GO:0002116	semaphor	3	-	-
H30001893	H300018938	ENSG0000	XM_011509	2494	NR5A2	nuclear rec	GO:000635	GO:000097	GO:0005634	nucleus,GO:0005654	nucleoplasm	-	-
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_133331	7468	WHSC1	Wolf-Hirsch	GO:000012	GO:000368	GO:000563	71	82	1.15	0.20
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_011537	121278	TPH2	tryptophan	GO:000762	GO:000451	GO:0005829	cytosol,GO:0043005	neuron proje	-	-
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NR_073116	5270	SERPINE2	serpin pept	GO:000756	GO:000486	GO:0005576	extracellu	5	-	-
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_011523	4621	MYH3	myosin, hea	GO:000300	GO:000014	GO:000582	11	15	1.36	0.45
H30001836	H300018365	-	NM_001079	64506	CPEB1	cytoplasmic	GO:000639	GO:000016	GO:000093	82	69	0.84	-0.26
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_032423	84436	ZNF528	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_020239	56882	CDC42SE1	CDC42 sm	GO:000690	GO:000509	GO:000573	263	185	0.70	-0.51
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_025221	80333	KCNIP4	potassium	GO:006133	GO:000524	GO:0005737	cytoplasm	6	-	-
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XR_931748	123283	TARSL2	threonyl-tf	GO:000643	GO:000367	GO:000557	68	67	0.98	-0.03
H30001591	H300015918	ENSG0000	XM_011538	57658	CALCOCO	calcium bin	GO:000635	GO:000104	GO:000079	91	62	0.68	-0.56
H30001841	H300018412	ENSG0000	XM_006719	4257	MGST1	microsoma	GO:000674	GO:000436	GO:000563	1867	1619	0.87	-0.21
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	-	653436	ANKRD20A	ankyrin rep	-	-	-	102	66	0.65	-0.63
opHsV0400	opHsV0400010	ENSG0000	NM_001010	253582	TMEM244	transmemb	-	-	GO:0016021	integral c	3	-	-
H30000222	H300002224	ENSG0000	NR_027040	401431	ATP6V0E2	ATP6V0E2	-	-	-	12	18	1.49	0.57
H30001514	H300015145	ENSG0000	XM_005256	6687	SPG7	SPG7, para	GO:000650	GO:000417	GO:000573	101	79	0.78	-0.36
H30002189	H300021890	ENSG0000	NM_001009	79027	ZNF655	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	358	298	0.83	-0.26
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_024665	79718	TBL1XR1	transducin	GO:000012	GO:000371	GO:000011	292	201	0.69	-0.54
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_006049	10302	SNAPC5	small nucle	GO:000635	GO:000370	GO:000563	457	347	0.76	-0.40
H30002232	H300022324	-	XM_011518	11093	ADAMTS13	ADAM met	GO:000649	GO:000422	GO:000557	37	26	0.70	-0.52
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011516	93979	CPA5	carboxypep	GO:000650	GO:000418	GO:0005615	extracellular space	-	-	-
H30001890	H300018907	ENSG0000	NM_005883	10297	APC2	adenomato	GO:000170	GO:000551	GO:000573	105	86	0.81	-0.30
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_016201	51421	AMOTL2	angiomotin	GO:001605	GO:000551	GO:000582	8	9	1.16	0.21
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001293	4899	NRF1	nuclear res	GO:000166	GO:000097	GO:000563	63	64	1.02	0.03
H30000401	H300004015	ENSG0000	XM_011520	4038	LRP4	LDL recept	GO:000182	GO:000550	GO:000998	8	11	1.30	0.38
H30000996	H300009965	ENSG0000	NM_001302	64145	RBSN	rabenosyn,	GO:000001	GO:000551	GO:000576	209	192	0.92	-0.12
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	-	28786	IGLV4-3	immunoglob	-	-	-	-	4	-	-
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_181268	113540	CMTM1	CKLF like	GO:000693	GO:000512	GO:000561	5	11	2.14	1.10
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_011542	23365	Rho guanin	Rho guanin	GO:000718	GO:000166	GO:000573	13	21	1.67	0.74
H30002290	H300022906	ENSG0000	NM_001307	151525	WDSUB1	WD repeat,	GO:001656	GO:000484	-	335	326	0.97	-0.04
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_005961	4588	MUC6	mucin 6, ol	GO:000649	GO:000520	GO:0005576	extracellu	7	-	-
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_173162	90134	KCNH7	potassium	GO:000726	GO:000524	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in	-	-
H30001967	H300019672	ENSG0000	XM_006721	3980	LIG3	ligase III, D	GO:000072	GO:000367	GO:000079	107	97	0.90	-0.15
H30000676	H300006764	ENSG0000	-	127428	TCEANC2	transcriptid	GO:000635	GO:000367	GO:000563	20	23	1.18	0.24
H30000154	H300001541	ENSG0000	-	83757	CYP2G2P	cytochrom	-	-	-	22	21	0.94	-0.09
opHsV0400	opHsV0400010	ENSG0000	-	1129	CHRM2	cholinergic	GO:000694	GO:000814	GO:000588	24	22	0.92	-0.12
opHsV0400	opHsV0400005	-	XM_011544	340441	POTEA	POTE anky	-	-	-	-	-	-	-
H30001184	H300011843	ENSG0000	XM_011519	7581	ZNF33A	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	123	145	1.18	0.23
H30002200	H300022004	-	-	-	-	-	-	-	-	77	81	1.05	0.08
H30000465	H300004654	ENSG0000	NM_033129	85508	SCRT2	scratch fan	GO:000012	GO:000107	GO:000079	10	11	1.11	0.15
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_004729	9189	ZBED1	zinc finger	-	GO:000367	GO:000022	191	149	0.78	-0.36
H30002225	H300022256	ENSG0000	NR_001578	157739	TDH	L-threonin	GO:000815	GO:000382	GO:0005739	mitochondrion	-	-	-
H30002048	H300020481	ENSG0000	NR_103522	196394	AMN1	antagonist	-	-	-	80	78	0.98	-0.03
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_001278	23438	HARS2	histidyl-tri	GO:000641	GO:000482	GO:000573	149	118	0.80	-0.33
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001270	4172	MCM3	minichrom	GO:000008	GO:000367	GO:000078	1103	891	0.81	-0.31
H30001981	H300019815	ENSG0000	NM_001126	7138	TNNT1	troponin T	GO:000300	GO:000551	GO:000582	952	1054	1.11	0.15
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_198391	23767	FLRT3	fibronectin	GO:000334	GO:000486	GO:000557	6	12	1.91	0.93
H30001774	H300017744	ENSG0000	NM_001037	23597	ACOT9	acyl-CoA t	GO:000663	GO:000398	GO:000573	433	236	0.54	-0.88
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_015719	50509	COL5A3	collagen ty	GO:000716	GO:000520	GO:0005576	extracellular region,GO:0005588	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_003692	8577	TMEFF1	transmemb	GO:000727	-	GO:000588	65	46	0.71	-0.49
H30000832	H300008326	ENSG0000	NM_001009	130074	FAM168B	family with	-	-	GO:000588	86	64	0.75	-0.42
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NR_033753	342666	LRR37A1	leucine-ric	-	-	-	8	11	1.43	0.52
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_005271	8073	PTP4A2	protein tyro	GO:003533	GO:000472	GO:000563	4790	4848	1.01	0.02
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NR_049728	8624	PSMG1	proteasome	GO:002193	GO:000551	GO:000563	3921	3082	0.79	-0.35
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	-	-	RP11-383J1	-	-	-	-	6	10	1.76	0.82
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NR_046406	51060	TXNDC12	thioredoxin	GO:004545	GO:000551	GO:000578	490	348	0.71	-0.49
opHsV0400	opHsV0400004	-	NM_019111	3122	HLA-DRA	major histo	GO:000250	GO:002302	GO:0000139	Golgi membrane,GO:0005764	lys	-	-
opHsV0400	opHsV0400006	-	NM_001004	441932	OR2W5	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:000588	294	219	0.74	-0.43
H30000891	H300008917	ENSG0000	NM_001004	255725	OR52B2	olfactory re	GO:000716	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in	-	-
H30000405	H300004051	-	NM_033191	85280	KRTAP9-4	keratin ass	-	GO:000551	GO:0045095	keratin filament	-	-	-
H30001537	H300015371	ENSG0000	NM_032773	84859	LRCH3	leucine-ric	-	GO:000551	GO:000557	106	76	0.71	-0.49
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_138422	113179	ADAT3	adenosine	GO:000640	GO:000827	GO:000565	66	47	0.72	-0.47
H30001552	H300015522	ENSG0000	NM_001206	283116	TRIM49B	tripartite m	-	-	-	-	-	-	-
H30002029	H300020293	ENSG0000	NM_152538	152404	IGSF11	immunoglob	GO:000715	-	GO:000588	103	55	0.54	-0.90
H30002214	H300022141	ENSG0000	XR_934062	55275	VPS53	VPS53, GA	GO:001503	GO:000551	GO:000093	40	49	1.24	0.31
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_011538	56890	MDM1	Mdm1 nucl	GO:004660	GO:000801	GO:000563	46	48	1.03	0.05
H30001287	H300012874	ENSG0000	XM_011545	64231	MS4A6A	membrane	-	-	GO:001602	18	49	2.71	1.44
H30001918	H300019188	ENSG0000	XM_011535	23078	VWA8	von Willebr	GO:000815	GO:000552	GO:000557	59	46	0.78	-0.36
H30002199	H300021999	ENSG0000	XR_428522	27130	INVS	inversin	GO:000182	GO:000551	GO:000563	145	155	1.07	0.10
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_003128	6711	SPTBN1	spectrin be	GO:000016	GO:000377	GO:000573	206	253	1.23	0.30
H30002166	H300021668	ENSG0000	NM_001185	933	CD22	CD22 mole	GO:000715	GO:000551	GO:0005886	plasma m	3	-	-
H30002177	H300021778	ENSG0000	NM_001202	8837	CFLAR	CASP8 and	GO:000691	GO:000202	GO:000573	151	170	1.13	0.17
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001001	339761	CYP27C1	cytochrom	GO:005511	GO:000449	GO:001602	8	11	1.44	0.52
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_011539	338557	FFAR4	free fatty a	GO:000718	GO:000550	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005887	in	-	-
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_006717	57118	CAMK1D	calcium/ca	GO:000646	GO:000468	GO:0005634	nucleus,G	3	-	-
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001711	633	BGN	biglycan	GO:000197	GO:000486	GO:000557	63	52	0.83	-0.28
H30000345	H300003456	ENSG0000	-	-	AC010878	-	-	-	-	995	746	0.75	-0.41
H30000013	H300000132	ENSG0000	-	643136	ZC3H11B	zinc finger	-	-	-	217	219	1.01	0.01
H30000572	H300005724	-	NR_045000	399746	ACTR3BP5	ACTR3B p	-	-	-	4	11	2.51	1.33
AHsV10000	AHsV10000779	EN											

CHsGV100	CHsGV100025	ENSG0000	NM_002196	3642	INSM1	insulinoma	GO:000012	GO:000097	GO:0005634 nucleus,GO:0005654 nucleoplasm				
H30002000	H300020005	ENSG0000	XM_011516	3614	IMPDH1	IMP (inosin	GO:000614	GO:000367	GO:000563	230	147	0.64	-0.64
H20000987	H200009877	ENSG0000	NM_001165	3356	HTR2A	5-hydroxytr	GO:000165	GO:000161	GO:0005829 cytosol,GO:0005886 plasma mem				
H30000348	H300003489	ENSG0000	NM_002156	3329	HSPD1	heat shock	GO:000166	GO:000153	GO:000561	12116	9231	0.76	-0.39
CHsGV100	CHsGV100011	-	NM_002119	3111	HLA-DOA	major histo	GO:000258	GO:000551	GO:000576	6	10	1.62	0.70
H30002064	H300020640	ENSG0000	XM_011544	3084	NRG1	neuregulin	GO:000016	GO:000371	GO:000557	9	7	0.80	-0.32
H30000470	H300004709	ENSG0000	XM_005250	2907	GRINA	glutamate i	GO:003246	GO:004432	GO:000578	108	93	0.86	-0.21
CHsGV100	CHsGV100029	ENSG0000	XM_011542	2893	GRIA4	glutamate i	GO:000681	GO:000497	GO:000588	26	20	0.78	-0.36
CHsGV100	CHsGV100000	ENSG0000	NM_007289	4311	MME	membrane	GO:000182	GO:000417	GO:000573	8	6	0.71	-0.49
CHsGV100	CHsGV100035	ENSG0000	NM_177415	4112	MAGEB1	MAGE fami	-	-	-	213	196	0.92	-0.12
AHsV1000	AHsV10000744	ENSG0000	XM_006721	4077	NBR1	neighbor of	GO:001623	GO:000551	GO:000040	305	334	1.10	0.13
H30000351	H300003512	ENSG0000	XM_011524	3883	KRT33A	keratin 33A	-	GO:000519	GO:000561	5	5	1.05	0.07
H30001934	H300019344	ENSG0000	XM_011520	3845	KRAS	Kirsten rat	GO:000016	GO:000551	GO:000573	128	160	1.25	0.32
AHsV1000	AHsV10000298	ENSG0000	NM_001284	831	CAST	calpastatin	GO:000188	GO:000202	GO:000563	557	381	0.68	-0.55
H20000009	H200000094	ENSG0000	XR_948303	814	CAMK4	calcium/ca	GO:000225	GO:000468	GO:0005654 nucleopla	3			
H30001849	H300018492	ENSG0000	NM_001024	634	CEACAM1	carcinoemb	GO:000152	GO:000367	GO:000588	28	22	0.79	-0.34
H30000138	H300001381	-	NM_001024	605	BCL7A	B-cell CLL	GO:004589	GO:000367	GO:000557	21	19	0.92	-0.12
AHsV1000	AHsV10001878	ENSG0000	NM_001176	398	ARHGDI3	Rho GDP d	GO:000716	GO:000509	GO:0005829 cytosol,GO:0016020 membrane,G				
H20000596	H200005963	ENSG0000	NM_001024	375	ARF1	ADP ribosy	GO:000209	GO:000028	GO:000013	7282	4505	0.62	-0.69
AHsV1000	AHsV10003374	ENSG0000	NM_001318	203	AK1	adenylate h	GO:000616	GO:000401	GO:000152	466	317	0.68	-0.56
AHsV1000	AHsV10001163	-	NM_001206	177	AGER	advanced g	GO:000166	GO:000487	GO:0005615 extracellu	7			
CHsGV100	CHsGV100006	ENSG0000	NM_003206	6943	TCF21	transcripti	GO:000012	GO:000107	GO:0005634 nucleus	4			
DHsGV100	DHsGV100006	-	NG_029551	832	CAPZB	capping act	GO:000090	GO:000377	GO:000582	35	31	0.89	-0.17
H30002043	H300020434	ENSG0000	NM_003139	6734	SRPRA	SRP recep	GO:000641	GO:000392	GO:000578	192	188	0.98	-0.03
AHsV1000	AHsV10003460	ENSG0000	NM_005415	6574	SLC20A1	solute carr	GO:000679	GO:000487	GO:000588	2878	3454	1.20	0.26
CHsGV100	CHsGV100032	ENSG0000	NM_003048	6549	SLC9A2	solute carr	GO:000681	GO:001538	GO:0005886 plasma m	8			
H20000357	H200003579	ENSG0000	NM_000640	3598	IL13RA2	interleukin	GO:000263	GO:000487	GO:0005615 extracellular space,GO:0016021 i				
H30001339	H300013398	ENSG0000	NM_000564	3568	IL5RA	interleukin	GO:000016	GO:000491	GO:0005615 extracellu	7			
AHsV1000	AHsV10002316	ENSG0000	NM_005345	3303	HSPA1A	heat shock	GO:001046	GO:000161	GO:000015	6468	3297	0.51	-0.97
CHsGV100	CHsGV100020	ENSG0000	XM_006714	3274	HRH2	histamine r	GO:000169	GO:000496	GO:0005886 plasma m	3			
CHsGV100	CHsGV100038	ENSG0000	NM_000185	3053	SERPIND1	serpin pept	GO:000693	GO:000486	GO:000557	13	16	1.21	0.28
H20001407	H200014077	ENSG0000	XM_011522	3029	HAGH	hydroxyacy	GO:000597	GO:000441	GO:000573	127	116	0.92	-0.12
H30001610	H300016105	ENSG0000	XM_011534	2870	GRK6	G protein-c	GO:000202	GO:000470	GO:000582	384	294	0.77	-0.38
CHsGV100	CHsGV100011	ENSG0000	NM_018971	2850	GPR27	G protein-c	GO:000716	GO:000493	GO:000588	18	16	0.91	-0.13
AHsV1000	AHsV10001325	ENSG0000	NM_000899	4254	KITLG	KIT ligand	GO:000016	GO:000512	GO:0005576 extracellular region,GO:0005615				
AHsV1000	AHsV10000703	ENSG0000	NM_145867	4056	LTC4S	leukotriene	GO:000669	GO:000436	GO:000563	27	23	0.84	-0.26
H20001341	H200013413	ENSG0000	NM_002333	4037	LRP3	LDL recept	GO:000689	-	GO:000590	23	19	0.83	-0.26
AHsV1000	AHsV10001552	ENSG0000	NM_000222	3815	KIT	KIT proto-	GO:000016	GO:000202	GO:0001669 acrosoma	3			
AHsV1000	AHsV10001709	ENSG0000	XM_011539	3778	KCNMA1	potassium	GO:000166	GO:000377	GO:0005783 endoplasmic reticulum,GO:00058				
H20000232	H200002329	ENSG0000	NM_000387	788	SLC25A20	solute carr	GO:000641	GO:000373	GO:000573	332	240	0.72	-0.47
AHsV1000	AHsV10000027	ENSG0000	XM_011542	765	CA6	carbonic ar	GO:000158	GO:000408	GO:0005576 extracellular region,GO:0005615				
AHsV1000	AHsV10001297	ENSG0000	XR_946719	576	ADGRB2	adhesion G	GO:000716	GO:000493	GO:0005886 plasma m	7			
H30001141	H300011410	ENSG0000	XM_011518	549	AUH	AU RNA bi	GO:000655	GO:000373	GO:000573	188	141	0.75	-0.41
H30001057	H300010578	ENSG0000	NM_001185	358	AQP1	aquaporin	GO:000309	GO:000522	GO:000563	22	25	1.15	0.20
H30001982	H300019829	ENSG0000	NR_024516	334	APLP2	amyloid bet	GO:000196	GO:000367	GO:000563	719	409	0.57	-0.81
H20001101	H200011017	ENSG0000	NM_000684	153	ADRB1	adrenocept	GO:000165	GO:000493	GO:0005769 early endosome,GO:0005886 plas				
H20001064	H200010643	ENSG0000	XM_011539	132	ADK	adenosine	GO:000614	GO:000400	GO:000565	3819	1888	0.49	-1.02
H30001646	H300016461	-	XM_011514	6892	TAPBP	TAP bindin	GO:000247	GO:000551	GO:000013	53	41	0.78	-0.36
AHsV1000	AHsV10000831	ENSG0000	XM_011523	6720	SREBF1	sterol regul	GO:000012	GO:000097	GO:000013	32	27	0.85	-0.24
CHsGV100	CHsGV100009	ENSG0000	NR_073418	6691	SPINK2	serine pept	GO:000604	GO:000486	GO:0001669 acrosomal vesicle,GO:0005615 ex				
CHsGV100	CHsGV100008	ENSG0000	XM_005257	6521	SLC4A1	solute carr	GO:000681	GO:000377	GO:0005886 plasma m	4			
AHsV1000	AHsV10002660	ENSG0000	NR_104401	6504	SLAMF1	signaling ly	GO:000225	GO:000161	GO:0009897 external side of plasma membran				
H20001260	H200012604	ENSG0000	NM_000576	3553	IL1B	interleukin	GO:000012	GO:000512	GO:0005576 extracellular region,GO:0005615				
H20001630	H200016303	ENSG0000	NM_001291	3481	IGF2	insulin like	GO:000150	GO:000515	GO:0005576 extracellular region,GO:0005615				
CHsGV100	CHsGV100005	ENSG0000	NM_014213	3235	HOXD9	homeobox	GO:000012	GO:000097	GO:000563	16	18	1.08	0.11
H20000436	H200004363	ENSG0000	NM_019102	3202	HOXA5	homeobox	GO:000301	GO:000097	GO:000563	21	20	0.95	-0.08
CHsGV100	CHsGV100033	-	-	-	-	-	-	-	-	25	23	0.91	-0.13
H20000420	H200004200	ENSG0000	NM_007102	2981	GUCA2B	guanylate c	GO:000618	GO:000804	GO:000175	9	12	1.41	0.50
H20001606	H200016066	ENSG0000	XM_011539	2834	PRLHR	prolactin re	GO:000716	GO:000493	GO:000588	44	43	0.99	-0.02
CHsGV100	CHsGV100018	ENSG0000	NM_001184	2821	GPI	glucose-6-	GO:000152	GO:000434	GO:000561	944	702	0.74	-0.43
CHsGV100	CHsGV100023	ENSG0000	XM_011535	4199	ME1	malic enzyr	GO:000597	GO:000447	GO:000573	676	1058	1.56	0.65
CHsGV100	CHsGV100029	ENSG0000	NR_134488	4001	LMNB1	lamin B1	GO:000691	GO:000519	GO:000563	201	522	2.60	1.38
AHsV1000	AHsV10000893	-	-	-	-	-	-	-	-		8		
CHsGV100	CHsGV100022	ENSG0000	XM_011516	3757	KCNH2	potassium	GO:000016	GO:000015	GO:000563	454	303	0.67	-0.58
H20000641	H200006412	ENSG0000	NM_002224	3710	ITPR3	inositol 1,4	GO:000222	GO:000082	GO:000564	301	224	0.74	-0.43
CHsGV100	CHsGV100006	ENSG0000	NM_000715	722	C4BPA	complemen	GO:000695	GO:000551	GO:0005576 extracellular region,GO:0005615				
CHsGV100	CHsGV100026	ENSG0000	NM_001287	695	BTK	Bruton tyr	GO:000181	GO:000471	GO:000563	351	527	1.50	0.59
H30000610	H300006105	ENSG0000	NM_001694	527	ATP6V0C	ATPase H+	GO:000687	GO:000551	GO:000022	1605	1217	0.76	-0.40
H30000943	H300009439	ENSG0000	NM_001001	498	ATP5A1	ATP synthe	GO:000193	GO:000551	GO:000573	18031	12046	0.67	-0.58
CHsGV100	CHsGV100002	ENSG0000	NM_001159	316	AOX1	aldehyde o	GO:000676	GO:000403	GO:0005737 cytoplasm	7			
AHsV1000	AHsV10001723	ENSG0000	XM_011539	288	ANK3	ankyrin 3, r	GO:000028	GO:000520	GO:0005764 lysosome,	3			
H20000164	H200001647	ENSG0000	NM_001199	79172	CENPO	centromere	GO:000027	GO:000551	GO:000077	494	305	0.62	-0.70
H20000705	H200007051	ENSG0000	NM_001278	88	ACTN2	actinin alph	GO:000016	GO:000377	GO:0005576 extracellular region,GO:0005829				
AHsV1000	AHsV10003211	ENSG0000	XM_005256	6844	VAMP2	vesicle ass	GO:000611	GO:000014	GO:000032	17	27	1.61	0.69
AHsV1000	AHsV10002052	ENSG0000	XM_011520	6660	SOX5	SRY-box 5	GO:000170	GO:000098	GO:004479	19	35	1.81	0.86
H20000406	H200004067	ENSG0000	NM_003098	6640	SNTA1	syntrophin	GO:000202	GO:000377	GO:000562	2632	2356	0.89	-0.16
H30002014	H300020141	ENSG0000	XR_931880	6457	SH3GL3	SH3-doma	GO:000689	GO:000551	GO:003190	112	77	0.69	-0.53
CHsGV100	CHsGV100015	ENSG0000	XR_943506	6430	SRSF5	serine/argi	GO:000039	GO:000016	GO:000563	3607	3675	1.02	0.03
AHsV1000	AHsV10001263	ENSG0000	NM_001547	3433	IFIT2	interferon i	GO:000863	GO:000372	GO:000573	31	36	1.14	0.18
H20000238	H200002380	ENSG0000	XM_011523	3394	IRF8	interferon r	GO:000012	GO:000097	GO:000565	11	16	1.38	0.47
H30002045	H300020454	ENSG0000	NM_006895	3176	HNMT	histamine N	GO:000188	GO:004653	GO:000565	28	330	11.91	3.57
AHsV1000	AHsV10001490	-	NM_005517	3151	HMGN2	high mobil	-	GO:000551	GO:000078	142	154	1.08	0.11
H20000628	H200006284	ENSG0000	XM_005254	2958	GTF2A	general tra	GO:000636	GO:000110	GO:000565	2708	2443	0.90	-0.15
AHsV1000													

AHsV1000	AHsV10000866	ENSG0000	NM_000888	3694	ITGB6	integrin sub	GO:000695	GO:000161	GO:0005886 plasma membrane,GO:0008305 in				
AHsV1000	AHsV10002402	ENSG0000	XM_011524	3674	ITGA2B	integrin sub	GO:000257	GO:000551	GO:0005886 plasma m	4			
CHsGV100	CHsGV1000306	ENSG0000	XM_011516	673	BRAF	B-Raf prot	GO:000016	GO:000467	GO:000563	84	96	1.14	0.19
AHsV1000	AHsV10002523	ENSG0000	NM_001719	655	BMP7	bone morph	GO:000150	GO:000512	GO:0005576 extracellular region,GO:0005615				
H30000677	H300006778	ENSG0000	XM_011538	466	ATF1	activating t	GO:000222	GO:000097	GO:000563	369	400	1.09	0.12
H20001113	H200011134	ENSG0000	NM_001201	416	ARSF	arylsulfatas	GO:000666	GO:000406	GO:000578	26	27	1.04	0.06
H20000435	H200004358	ENSG0000	NM_001631	248	ALPI	alkaline pho	GO:001631	GO:000028	GO:000588	357	278	0.78	-0.36
CHsGV100	CHsGV1000024	ENSG0000	XM_011544	222	ALDH3B2	aldehyde de	GO:000606	GO:000402		16	17	1.07	0.09
AHsV1000	AHsV10002772	ENSG0000	NM_001098	50	ACO2	aconitase 2	GO:000609	GO:000399	GO:000563	178	153	0.86	-0.22
H20001232	H200012325	ENSG0000	XM_005245	27	ABL2	ABL proto	GO:000646	GO:000028	GO:000189	4	12	2.75	1.46
H20001047	H200010479	ENSG0000	NM_001317	51341	ZBTB7A	zinc finger	GO:000012	GO:000097	GO:000563	525	394	0.75	-0.42
H20000109	H200001094	ENSG0000	NM_016618	51315	KRCC1	lysine-rich	GO:009877			34	75	2.21	1.15
H20001530	H200015308	ENSG0000	NM_001171	11044	PAPD7	PAP assoc	GO:000630	GO:000367	GO:000563	735	619	0.84	-0.25
H20001214	H200012147	ENSG0000	NM_006854	11014	KDEL2	KDEL endo	GO:000662	GO:000504	GO:000578	927	812	0.88	-0.19
AHsV1000	AHsV10003175	ENSG0000	NM_001199	10855	HPSE	heparanase	GO:000597	GO:000456	GO:0005576 extracellular region,GO:0005634				
H30001900	H300019008	ENSG0000	XM_011534	10808	HSPH1	heat shock	GO:000689	GO:000551	GO:000557	2025	1675	0.83	-0.27
H20001624	H200016248	ENSG0000	XR_921722	10623	POLR3C	polymerase	GO:000635	GO:000105	GO:000563	367	413	1.13	0.17
H20001497	H200014975	ENSG0000	XM_011536	10598	AHSA1	AHA1, acti	GO:000695	GO:000167	GO:000573	1827	1367	0.75	-0.42
CHsGV100	CHsGV1000135	ENSG0000	NM_006335	10440	TIMM17A	translocase	GO:000662	GO:001526	GO:000565	3407	2742	0.80	-0.31
H20001537	H200015370	ENSG0000	XM_005255	10423	CDIPT	CDP-diacy	GO:000664	GO:000388	GO:000013	356	303	0.85	-0.23
H20000396	H200003963	ENSG0000	NM_003328	7294	TXK	TXK tyrosin	GO:000181	GO:000097	GO:000563	7	21	3.17	1.67
H20000147	H200001478	ENSG0000	NM_001282	7265	TTC1	tetratricop	GO:000645	GO:000551	GO:000573	1040	714	0.69	-0.54
H20000052	H200000520	ENSG0000	XM_005268	7043	TGFB3	transformin	GO:000018	GO:000511	GO:0005576 extracellular region,GO:0005578				
AHsV1000	AHsV10002623	ENSG0000	NM_001199	100527963	PMF1-BGL	PMF1-BGL				664	691	1.04	0.06
H30000287	H300002878	ENSG0000	NM_007197	11211	FZD10	frizzled cla	GO:000718	GO:000493	GO:0005737 cytoplasm,GO:0005887 integr				
H30000624	H300006248	ENSG0000	NM_003749	8660	IRS2	insulin rece	GO:000016	GO:000487	GO:000582	147	128	0.87	-0.20
CHsGV100	CHsGV1000111	ENSG0000	NM_003731	8636	SSNA1	Sjogren syr	GO:000008	GO:000551	GO:000563	583	468	0.80	-0.32
CHsGV100	CHsGV100034	ENSG0000	NM_003584	8446	DUSP11	dual specifi	GO:000639	GO:000372	GO:000563	544	480	0.88	-0.18
H30002197	H300021976	ENSG0000	XM_005254	8428	STK24	serine/thre	GO:000646	GO:000467	GO:000563	2860	2249	0.79	-0.35
H30001298	H300012986	ENSG0000	NR_033942	728377	ARHGEF34	Rho guanin				13	11	0.83	-0.26
AHsV1000	AHsV10003568		NM_004638	7916	PRRC2A	proline rich		GO:000551	GO:000563	33	36	1.10	0.14
H20001460	H200014607	ENSG0000	NM_005433	7525	YES1	YES proto	GO:000646	GO:000471	GO:000573	1494	1515	1.01	0.02
AHsV1000	AHsV10003194	ENSG0000	NM_058244	7478	WNT8A	wingless-ty	GO:001403	GO:000510	GO:0005576 extracellular region,GO:0005578				
H20000757	H200007576	ENSG0000	NR_033697	4695	NADFA2	NADH:ubiq	GO:000612	GO:000813	GO:000574	3335	2436	0.73	-0.45
H30001861	H300018618	ENSG0000	NM_001297	4670	HNRNPM	heterogene	GO:000038	GO:000016	GO:000565	4884	3184	0.65	-0.62
CHsGV100	CHsGV1000136	ENSG0000	NM_005589	4329	ALDH6A1	aldehyde de	GO:000621	GO:000006	GO:000565	26	27	1.02	0.03
CHsGV100	CHsGV1000245	ENSG0000	NM_001288	51291	GMIP	GEM intera	GO:000223	GO:000509	GO:000562	7	6	0.92	-0.12
CHsGV100	CHsGV1000375	ENSG0000	NM_016526	51272	BET1L	Bet1 golgi	GO:000688	GO:000548	GO:000013	63	46	0.73	-0.45
CHsGV100	CHsGV1000236	ENSG0000	NM_006841	10991	SLC38A3	solute carr	GO:000681	GO:000529	GO:0005886 plasma membrane,GO:0005887 in				
H20001812	H200018126	ENSG0000	XM_005256	10966	RAB40B	RAB40B, m	GO:000726	GO:000552	GO:000562	81	45	0.56	-0.84
CHsGV100	CHsGV1000021	ENSG0000	NR_048535	10785	WDR4	WD repeat	GO:000640	GO:000551	GO:000563	391	305	0.78	-0.36
H30001679	H300016796	ENSG0000	XM_011535	10758	TRAF3IP2	TRAF3 inte	GO:000178	GO:000510	GO:0005575 cellular_co		8		
H20000123	H200001233	ENSG0000	NM_006431	10576	CCT2	chaperonin	GO:000645	GO:000551	GO:000219	7354	4512	0.61	-0.70
CHsGV100	CHsGV1000283	ENSG0000	XM_006717	10557	RPP38	ribonucleas	GO:000803	GO:000452	GO:000563	669	486	0.73	-0.46
H20000530	H200005304	ENSG0000	NM_006101	10403	NDC80	NDC80 kin	GO:000007	GO:000520	GO:000077	1661	1526	0.92	-0.12
CHsGV100	CHsGV1000174	ENSG0000	NM_006084	10379	IRF9	interferon r	GO:000635	GO:000104	GO:000563	7	13	1.89	0.92
H20001220	H200012209	ENSG0000	XM_011516	7205	TRIP6	thyroid hor	GO:000635	GO:000514	GO:000563	409	220	0.54	-0.90
H20000992	H200009924	ENSG0000	XR_929324	7169	TPM2	tropomyosi	GO:000693	GO:000377	GO:000582	10	17	1.70	0.77
H20000817	H200008170	ENSG0000	XM_011538	6996	TDG	thymine DN	GO:000012	GO:000110	GO:000563	652	528	0.81	-0.30
CHsGV100	CHsGV1000163		NM_007181	11184	MAP4K1	mitogen-ac	GO:000018	GO:000467	GO:000573	128	117	0.91	-0.14
CHsGV100	CHsGV100031	ENSG0000	XM_011536	11169	WDHD1	WD repeat	GO:000639	GO:000367	GO:000077	282	268	0.95	-0.07
H20000816	H200008163	ENSG0000	NM_003713	8613	PLPP3	phospholipi	GO:000156	GO:000472	GO:0005789 endoplasm		5		
H30001927	H300019276	ENSG0000	NM_001131	8572	PDLM4	PDZ and L		GO:000551		152	95	0.62	-0.68
H30002000	H300020003	ENSG0000	XM_006717	8395	PIP5K1B	phosphatid	GO:000664	GO:000551	GO:000193	74	96	1.30	0.38
H20001146	H200011464	ENSG0000	NM_004656	8314	BAP1	BRCA1 ass	GO:000155	GO:000368	GO:000563	219	167	0.76	-0.39
H30000391	H300003915	ENSG0000	NM_005434	7851	MALL	mal, T-cell	GO:004263	GO:000551	GO:0000139 Golgi men		9		
CHsGV100	CHsGV1000189	ENSG0000	XM_011536	7803	PTP4A1	protein tyr	GO:000704	GO:000472	GO:000563	2916	2904	1.00	-0.01
CHsGV100	CHsGV1000048		NM_000552	7450	VWF	von Willebr	GO:000188	GO:000194	GO:000557	9	12	1.44	0.52
H20000655	H200006553	ENSG0000	NM_003377	7423	VEGFB	vascular er	GO:000152	GO:000551	GO:000557	218	135	0.62	-0.69
AHsV1000	AHsV10003482	ENSG0000	NM_001080	4648	MYO7B	myosin VIII	GO:000815	GO:000377	GO:0016324 apical plasma membrane,GO:0016				
DHsGV100	DHsGV1000421	ENSG0000	NM_001190	100131244	ANKRD63	ankyrin rep				35	30	0.85	-0.23
AHsV1000	AHsV10002342	ENSG0000	NM_001145	4288	MKI67	marker of p	GO:000625	GO:000551	GO:000077	44	47	1.05	0.07
AHsV1000	AHsV10000211	ENSG0000	NM_016474	51244	CCDC174	coiled-coil			GO:000565	252	392	1.55	0.63
H30001422	H300014227	ENSG0000	XM_011539	51196	PLCE1	phospholipa	GO:000018	GO:000443	GO:000013	23	25	1.10	0.14
H30002056	H300020562	ENSG0000	NM_006806	10950	BTG3	BTG family	GO:000828	GO:000551	GO:000573	427	344	0.80	-0.31
H30002240	H300022402	ENSG0000	XM_011515	10922	FASTK	Fas activat	GO:000646	GO:000467	GO:000573	108	97	0.90	-0.15
H20000802	H200008021	ENSG0000	NM_001190	10733	PLK4	polo like kir	GO:000008	GO:000467	GO:000174	209	197	0.95	-0.08
H20000734	H200007348	ENSG0000	NM_006583	10692	RRH	retinal pigm	GO:000718	GO:000493	GO:0005887 integral component of plasma me				
AHsV1000	AHsV10002057		NM_006398	10537	UBD	ubiquitin D	GO:000650	GO:000551	GO:0005634 nucleus,G		3		
H20000800	H200008006	ENSG0000	XM_005250	10512	SEMA3C	semaphorin	GO:000175	GO:003021	GO:0005615 extracellu		4		
H30002233	H300022330	ENSG0000	NR_026707	10332	CLEC4M	C-type lec	GO:000225	GO:000161	GO:0005576 extracellular region,GO:0005737				
AHsV1000	AHsV10000903	ENSG0000	NM_005885	10299	42435	membrane	GO:001049	GO:000484	GO:000083	765	518	0.68	-0.56
AHsV1000	AHsV10003013	ENSG0000	NM_003281	7135	TNNI1	troponin I1	GO:000300	GO:000377	GO:0005829 cytosol,G		5		
CHsGV100	CHsGV1000215	ENSG0000	NM_003274	7109	TRAPPC10	trafficking t	GO:000681	GO:000551	GO:000013	103	103	1.00	0.00
AHsV1000	AHsV10002452	ENSG0000	XM_011517	6917	TCEA1	transcriptid	GO:000628	GO:000367	GO:000563	672	1458	2.17	1.12
CHsGV100	CHsGV1000088	ENSG0000	NM_014271	11141	IL1RAPL1	interleukin	GO:000715	GO:000510	GO:0005737 cytoplasm,GO:0005886 plasma m				
H20000878	H200008787	ENSG0000	NM_194441	11119	BTN3A1	butyrophilir	GO:000225	GO:000551	GO:000588	14	22	1.60	0.68
H20000399	H200003996	ENSG0000	XM_005253	8550	MAPKAPK	mitogen-ac	GO:000016	GO:000203	GO:000565	402	400	1.00	-0.01
H20001131	H200011314	ENSG0000	NM_003654	8534	CHST1	carbohydr	GO:000597	GO:000151	GO:000013	9	10	1.11	0.15
AHsV1000	AHsV10001570	ENSG0000		55558	PLXNA3	plexin A3	GO:000727	GO:000488	GO:0002116 semaphorin receptor complex,GC				
H20000604	H200006040	ENSG0000	NM_005441	8208	CHAF1B	chromatin	GO:000223	GO:000368	GO:000079	647	598	0.92	-0.11
CHsGV100	CHsGV100035	ENSG0000	XM_005255	7752	ZNF200	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	139	154	1.11	0.15

H20001657	H200016571	ENSG0000	NM_016141	51143	DYNC1LI1	dynein cyto	GO:000681	GO:000377	GO:000077	417	594	1.42	0.51
H20000120	H200001209	ENSG0000	XM_011515	10898	CPSF4	cleavage ar	GO:000639	GO:000551	GO:000565	508	412	0.81	-0.30
H20000065	H200000655	ENSG0000	NM_006682	10875	FGL2	fibrinogen II	-	-	GO:000557	121	106	0.87	-0.20
CHsGV100	CHsGV1000024	ENSG0000	NM_006563	10661	KLF1	Kruppel-lik	GO:000635	GO:000098	GO:000079	804	325	0.40	-1.31
AHsV1000	AHsV10001236	ENSG0000	NM_006544	10640	EXOC5	exocyst co	GO:000688	GO:001716	GO:000573	11	28	2.42	1.27
CHsGV100	CHsGV1000035	ENSG0000	NR_104236	10478	SLC25A17	solute carr	GO:000156	GO:000373	GO:000573	873	525	0.60	-0.74
AHsV1000	AHsV10001537	ENSG0000	NM_006343	10461	MERTK	MER proto	GO:000177	GO:000471	GO:0001750 photorece	8			
AHsV1000	AHsV10001955	ENSG0000	XM_011517	10280	SIGMAR1	sigma non-	GO:000686	GO:000498	GO:000563	363	322	0.89	-0.17
AHsV1000	AHsV10000656	ENSG0000	NM_001297	10256	CNKSR1	connector	GO:000716	GO:000551	GO:0005886 plasma m	9			
H30002012	H300020127	ENSG0000	XM_005254	7090	TLE3	transducin	GO:000635	GO:000551	GO:000563	53	42	0.80	-0.31
AHsV1000	AHsV10002596	ENSG0000	NR_103760	7071	KLF10	Kruppel-lik	GO:000012	GO:000104	GO:000563	151	183	1.21	0.27
H30000644	H300006443	ENSG0000	XM_011517	6873	TAF2	TATA-box	GO:000008	GO:000107	GO:000565	463	455	0.98	-0.02
H20001220	H200012200	-	XM_011518	11094	CACFD1	calcium ch	GO:000726	GO:000367	GO:0005575 cellular_cd	5			
CHsGV100	CHsGV1000025	ENSG0000	NM_007021	11067	C10orf10	chromosom	-	-	GO:0005739 mitochon	10			
CHsGV100	CHsGV1000085	ENSG0000	NM_001304	8502	PKP4	plakophilin	GO:000704	GO:000551	GO:000092	240	249	1.04	0.05
AHsV1000	AHsV10002112	ENSG0000	NM_003607	8476	CDC42BP1	CDC42 bin	GO:000022	GO:000028	GO:000573	53	101	1.90	0.92
AHsV1000	AHsV10001273	ENSG0000	XM_006720	8125	ANP32A	acidic nucl	GO:000635	GO:000551	GO:000563	2133	1340	0.63	-0.67
CHsGV100	CHsGV100018	ENSG0000	XM_011540	8036	SHOC2	SHOC2 leu	GO:000726	GO:000551	GO:000016	127	127	1.00	0.00
AHsV1000	AHsV10001848	-	-	-	-	-	-	-	-				
AHsV1000	AHsV10003312	ENSG0000	NM_021998	7552	ZNF711	zinc finger	GO:000635	GO:000097	GO:000563	17	40	2.40	1.26
H20001674	H200016745	ENSG0000	NM_006952	7348	UPK1B	uropodin 1	GO:000716	GO:000519	GO:0005887 integral c	3			
H20000021	H200000210	ENSG0000	NM_003337	7320	UBE2B	ubiquitin cc	GO:000020	GO:000484	GO:000078	290	264	0.91	-0.13
AHsV1000	AHsV10000681	ENSG0000	NR_134919	4486	MST1R	macrophag	GO:000692	GO:000501	GO:0001725 stress fib	7			
H30001447	H300014476	ENSG0000	NM_001130	4357	MPST	mercaptopy	GO:000182	GO:000479	GO:000574	29	29	1.02	0.03
AHsV1000	AHsV10002197	ENSG0000	NM_006500	4162	MCAM	melanoma	GO:000152	-	GO:000561	650	184	0.28	-1.82
H20000168	H200001686	ENSG0000	NM_031442	83604	TMEM47	transmemb	GO:000815	GO:000367	GO:0005886 plasma membrane,GO:0005911 c				
H20000344	H200003442	ENSG0000	NM_030755	81542	TMX1	thioredoxin	GO:000645	GO:000375	GO:000573	1099	872	0.79	-0.33
H20000392	H200003923	ENSG0000	NM_130386	81035	COLEC12	collectin su	GO:000689	GO:000504	GO:0005581 collagen trimer,GO:0005886 plasr				
H30002080	H300020804	ENSG0000	XM_011522	80178	C16orf59	chromosom	-	GO:000551	-	111	105	0.94	-0.09
H30000583	H300005834	ENSG0000	NM_001285	80145	THOC7	THO comp	GO:000639	GO:000372	GO:000034	993	1097	1.10	0.14
AHsV1000	AHsV10003045	ENSG0000	NM_001142	79862	ZNF669	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	40	50	1.26	0.33
CHsGV100	CHsGV1000073	ENSG0000	XM_011545	79838	TMC5	transmemb	GO:000681	-	GO:0016021 integral component of membrane				
H20001661	H200016614	ENSG0000	XM_005254	54822	TRPM7	transient re	GO:001096	GO:000377	GO:000172	211	281	1.33	0.41
opHsV0400	opHsV0400012	ENSG0000	XM_011524	54799	MBTD1	mbt domair	GO:000635	GO:000827	GO:000563	214	203	0.95	-0.07
H20000546	H200005468	ENSG0000	NM_018992	54442	KCTD5	potassium	GO:001603	GO:000551	GO:000563	457	402	0.88	-0.19
CHsGV100	CHsGV1000082	ENSG0000	XM_011535	54346	UNC93A	unc-93 hor	GO:000815	GO:000367	GO:0005886 plasma m	4			
AHsV1000	AHsV10002428	ENSG0000	NM_016199	51690	LSM7	LSM7 hom	GO:000028	GO:000372	GO:000565	3684	3642	0.99	-0.02
H30000438	H300004384	ENSG0000	NM_001127	51646	YPEL5	yippee like	-	-	-	228	246	1.08	0.11
AHsV1000	AHsV10003276	ENSG0000	XM_006717	55755	CDK5RAP2	CDK5 regu	GO:000008	GO:000551	GO:000024	82	124	1.52	0.61
CHsGV100	CHsGV1000031	ENSG0000	NM_183425	55544	RBM38	RNA bindin	GO:000639	GO:000016	GO:000563	271	185	0.68	-0.55
CHsGV100	CHsGV1000285	-	NM_018646	55503	TRPV6	transient re	GO:000681	GO:000526	GO:000588	17	18	1.01	0.01
AHsV1000	AHsV10003068	ENSG0000	NM_001297	55224	ETNK2	ethanolami	GO:000170	GO:000430	GO:0005575 cellular_component,GO:0005829				
H20001131	H200011312	ENSG0000	NM_001318	55205	ZNF532	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	40	45	1.12	0.16
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_011520	55031	USP47	ubiquitin sp	GO:000628	GO:000484	GO:000563	240	314	1.31	0.39
AHsV1000	AHsV10000415	ENSG0000	XM_011537	55002	TMCO3	transmemb	GO:190260	GO:001529	GO:001602	210	227	1.08	0.12
H20000250	H200002500	ENSG0000	XM_011544	23303	KIF13B	kinesin fam	GO:000660	GO:000377	GO:000573	115	121	1.05	0.07
AHsV1000	AHsV10001711	ENSG0000	NR_134636	23279	NUP160	nucleoporin	GO:000027	GO:000548	GO:000077	747	536	0.72	-0.48
H20001006	H200010064	ENSG0000	NM_015103	23129	PLXND1	plexin D1	GO:000152	GO:000551	GO:000211	20	21	1.06	0.09
AHsV1000	AHsV10000733	ENSG0000	XM_005254	23102	TBC1D2B	TBC1 dom	GO:004354	GO:000509	-		11		
H20001662	H200016625	ENSG0000	NM_007351	22915	MMRN1	multimerin	GO:000257	GO:000551	GO:0005576 extracellular region,GO:0031093				
H20000317	H200003176	ENSG0000	NM_014951	22891	ZNF365	zinc finger	GO:000028	GO:000551	GO:0000930 gamma-tubulin complex,GO:0005				
H20000148	H200001481	ENSG0000	NM_001304	81932	HDHD3	haloacid de	GO:000815	GO:000551	GO:000573	59	52	0.89	-0.16
AHsV1000	AHsV10002614	ENSG0000	NM_145660	80832	APOL4	apolipoprot	GO:000662	GO:000367	GO:000557	96	138	1.44	0.53
AHsV1000	AHsV10001012	ENSG0000	NR_028102	80745	THUMP2	THUMP do	GO:003225	GO:000372	-	544	443	0.81	-0.30
CHsGV100	CHsGV1000248	ENSG0000	XR_931915	80119	PIF1	PIF1 5'-to	GO:000000	GO:000028	GO:000078	31	26	0.85	-0.24
H20000888	H200008884	ENSG0000	NM_153640	80025	PANK2	pantothena	GO:000676	GO:000459	GO:000573	738	589	0.80	-0.32
AHsV1000	AHsV10001390	ENSG0000	XM_011519	79813	EHMT1	euchromati	GO:000012	GO:000203	GO:000563	29	41	1.39	0.48
CHsGV100	CHsGV100006	ENSG0000	NR_104413	79785	RERGL	RERG/RAS	GO:000726	GO:000552	GO:0005622 intracellular,GO:0016020 membra				
CHsGV100	CHsGV100017	-	-	-	-	-	-	-	-	31	27	0.88	-0.18
H30000831	H300008315	ENSG0000	NM_017953	54680	ZNHIT6	zinc finger	GO:000049	GO:000109	GO:007006	686	571	0.83	-0.26
H20001155	H200011553	ENSG0000	NM_001278	54107	POLE3	polymerase	GO:000626	GO:000367	GO:000563	1657	1176	0.71	-0.49
AHsV1000	AHsV10003306	ENSG0000	XR_931308	53919	SLCO1C1	solute carr	GO:000820	GO:001512	GO:0005886 plasma membrane,GO:0005887 in				
AHsV1000	AHsV10003530	ENSG0000	NM_015949	51608	GET4	golgi to ER	GO:000681	GO:000551	GO:000573	273	226	0.83	-0.27
AHsV1000	AHsV10000285	ENSG0000	NR_104584	51569	UFM1	ubiquitin-fd	GO:003314	-	GO:000563	693	692	1.00	0.00
AHsV1000	AHsV10001293	ENSG0000	XM_006710	55700	MAP7D1	MAP7 dom	GO:000022	GO:000519	GO:000573	613	530	0.86	-0.21
CHsGV100	CHsGV1000278	ENSG0000	NM_001300	55374	TMCO6	transmemb	GO:000660	GO:000551	GO:000563	77	73	0.94	-0.09
CHsGV100	CHsGV1000325	ENSG0000	XM_011520	55346	TCP11L1	t-complex	-	-	GO:000587	93	81	0.88	-0.19
AHsV1000	AHsV10001509	ENSG0000	XM_011538	55188	RIC8B	RIC8 guan	GO:000718	GO:000196	GO:000573	31	39	1.25	0.33
H20001284	H200012846	ENSG0000	NM_018133	55167	MSL2	male-speci	GO:000632	GO:000827	GO:000565	167	201	1.20	0.27
H20000155	H200001559	ENSG0000	NM_017875	54977	SLC25A38	solute carr	GO:000641	GO:000373	GO:000574	526	500	0.95	-0.07
AHsV1000	AHsV10000354	ENSG0000	NM_017848	54954	FAM120C	family with	-	GO:004482	GO:0005634 nucleus				
AHsV1000	AHsV10001248	ENSG0000	XM_005273	23259	DDHD2	DDHD dom	GO:000664	GO:001678	GO:000573	157	158	1.01	0.01
H30002250	H300022503	ENSG0000	XM_011542	23235	SIK2	salt inducib	GO:000646	GO:000028	GO:000563	34	26	0.77	-0.38
H30002073	H300020735	ENSG0000	NM_015056	23076	RRP1B	ribosomal P	GO:000636	GO:004482	GO:000079	125	103	0.83	-0.27
CHsGV100	CHsGV1000233	ENSG0000	XM_011545	23049	SMG1	SMG1 phos	GO:000018	GO:000467	GO:0005634 nucleus,GO	6			
AHsV1000	AHsV10001721	-	-	-	-	-	-	-	-		4		
H30001614	H300016143	ENSG0000	NM_001136	22847	ZNF507	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	101	72	0.72	-0.48
DHsGV100	DHsGV100056	ENSG0000	XR_950856	81691	LOC81691	exonucleas	GO:009030	GO:000016	GO:000573	196	288	1.47	0.56
AHsV1000	AHsV10002871	ENSG0000	NM_001171	80700	UBXN6	UBX domai	GO:000815	GO:000367	GO:000563	126	119	0.95	-0.08
H20000331	H200003312	ENSG0000	XM_011538	80324	PUS1	pseudourid	GO:000640	GO:000473	GO:000079	432	341	0.79	-0.34
CHsGV100	CHsGV1000147	ENSG0000	NM_001142	80000	GREB1L	growth reg	-	-	GO:001602	19	19	0.99	-0.01
H30002082	H300020826	ENSG0000	XR_946765	79961	DENN2D	DENN dom	GO:004354	GO:000551	GO:0005737 cytoplasm				
H20001123	H200011239	ENSG0000	NM_024709	79762	C1orf115	chromosom	-	-	GO:0016021 integral component of membrane				
H20001021													

AHsV1000	AHsV10003477	ENSG0000	NR_134316	51491	NOP16	NOP16 nud	GO:004227	GO:004482	GO:000563	2461	1599	0.65	-0.62
H20001660	H200016602	ENSG0000	NM_001195	55640	FLVCR2	feline leuke	GO:001588	GO:001523	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021 in			
H20001151	H200011514	ENSG0000	NR_028085	55325	UFSP2	UFM1-spec	GO:000650	GO:000551	GO:000563	620	528	0.85	-0.23
H20001700	H200017006	ENSG0000	NM_018310	55290	BRF2	BRF2, RNA	GO:000635	GO:000827	GO:000565	393	370	0.94	-0.09
AHsV1000	AHsV10000926	ENSG0000	NM_032239	55132	LARP1B	La ribonuc	GO:009877	GO:000551	GO:000563	172	177	1.02	0.04
AHsV1000	AHsV10002937	ENSG0000	XM_006718	55107	ANO1	anoctamin	GO:000681	GO:000522	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005886	plasma m		
H30000863	H300008638	ENSG0000	NM_017806	54923	LIME1	Lck interac	GO:000225	-	GO:000561	64	57	0.89	-0.17
AHsV1000	AHsV10000480	ENSG0000	XM_005254	54893	MTMR10	myotubular	-	-	-	27	59	2.18	1.13
AHsV1000	AHsV10001886	ENSG0000	XM_005245	23215	PRRC2C	proline rich	GO:000224	GO:000802	GO:001602	1230	1095	0.89	-0.17
CHsGV100	CHsGV1000115	ENSG0000	NM_012304	23194	FBXL7	F-box and	GO:000008	GO:000484	GO:000015	12	13	1.07	0.09
AHsV1000	AHsV10001418	ENSG0000	NM_001009	23028	KDM1A	lysine deme	GO:000012	GO:000108	GO:000078	693	576	0.83	-0.27
H20001476	H200014768	ENSG0000	XM_005267	23002	DAAM1	dishevelled	GO:000726	GO:000377	GO:000172	160	175	1.09	0.13
H30000089	H300000891	ENSG0000	NM_016128	22820	COPG1	coatome	GO:000688	GO:000519	GO:000013	248	237	0.96	-0.06
H20000146	H200001469	ENSG0000	NM_001012	11338	U2AF2	U2 small nu	GO:000039	GO:000016	GO:000024	174	129	0.74	-0.43
CHsGV100	CHsGV1000235	ENSG0000	NM_030810	81567	TXNDC5	thioredoxin	GO:000645	GO:000375	GO:000578	920	961	1.05	0.06
AHsV1000	AHsV10002817	ENSG0000	XM_011542	80263	TRIM45	tripartite m	GO:006034	GO:000827	GO:000565	13	24	1.79	0.84
CHsGV100	CHsGV1000395	ENSG0000	NM_025147	80219	COQ10B	coenzyme	-	-	GO:000574	199	222	1.12	0.16
CHsGV100	CHsGV1000206	ENSG0000	XM_011542	79927	FAM110D	family with	-	-	-	30	36	1.18	0.24
CHsGV100	CHsGV1000322	ENSG0000	XM_011540	79892	MCMBP	minichrom	GO:000626	GO:000368	GO:000563	1203	1083	0.90	-0.15
AHsV1000	AHsV10002567	ENSG0000	XM_011522	79705	LRK1	leucine-ric	GO:000646	GO:000467	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005739	mitochon		
H30002075	H300020754	ENSG0000	XM_005271	79671	NLRX1	NLR family	GO:001603	GO:000551	GO:000574	46	45	0.98	-0.04
CHsGV100	CHsGV1000111	ENSG0000	NM_001300	54510	PCDH18	protocadhe	GO:000715	GO:000550	GO:0005886	plasma m	7		
H20000712	H200007125	ENSG0000	NM_019010	54474	KRT20	keratin 20,	GO:000691	GO:000520	GO:000573	6	10	1.64	0.72
H30000812	H300008124	ENSG0000	XM_011535	51761	ATP8A2	ATPase ph	GO:000301	GO:000028	GO:0000139	Golgi men	5		
H20001172	H200011722	ENSG0000	NM_016310	51728	POLR3K	polymerase	GO:000638	GO:000105	GO:000565	3086	1665	0.54	-0.89
CHsGV100	CHsGV1000208	ENSG0000	NM_016249	51438	MAGEC2	MAGE fami	GO:004425	GO:000551	GO:000563	649	421	0.65	-0.63
H20000136	H200001364	ENSG0000	XM_011524	51379	CRLF3	cytokine re	GO:000008	GO:000551	GO:000573	519	420	0.81	-0.31
H20000418	H200004185	ENSG0000	NM_017632	55602	CDKN2AIP	CDKN2A in	GO:000697	GO:000203	GO:000165	287	348	1.21	0.28
AHsV1000	AHsV10000145	ENSG0000	XR_946695	55268	ECHDC2	enoyl-CoA	GO:000663	GO:001682	GO:0005739	mitochondrion			
AHsV1000	AHsV10000035	ENSG0000	NM_001184	55245	UQC1	ubiquinol-c	GO:003455	GO:000551	GO:000574	325	256	0.79	-0.35
H20001661	H200016617	ENSG0000	XR_429016	55080	TAPBPL	TAP bindin	GO:000237	GO:003240	GO:0000139	Golgi men	11		
CHsGV100	CHsGV1000201	ENSG0000	NM_001039	55057	AIM1L	absent in m	-	GO:003024	-	48	42	0.88	-0.19
AHsV1000	AHsV10002886	ENSG0000	NM_001164	54874	FNBP1L	formin bind	GO:000690	GO:000508	GO:000573	107	102	0.96	-0.07
AHsV1000	AHsV10001238	ENSG0000	NM_017699	54847	SID1	SID1 trans	GO:003322	GO:0005103	GO:0016021	integral component of membrane			
AHsV1000	AHsV10000047	ENSG0000	NM_015138	23168	RTF1	RTF1 hom	GO:000012	GO:000369	GO:000573	208	205	0.98	-0.02
H20001074	H200010747	ENSG0000	XM_006715	23148	NACAD	NAC alpha	GO:001503	-	GO:0005634	nucleus,GO:0005737	cytoplasm		
H30000433	H300004332	ENSG0000	NM_012067	22977	AKR7A3	aldo-keto r	GO:000608	GO:000403	GO:000582	17	21	1.28	0.35
CHsGV100	CHsGV1000304	ENSG0000	NM_012233	22930	RAB3GAP	RAB3 GTP	GO:000742	GO:000509	GO:000579	118	125	1.06	0.08
H20000190	H200001904	ENSG0000	NM_199444	11316	COPE	coatome	GO:000688	GO:000519	GO:000013	539	579	1.07	0.10
AHsV1000	AHsV10000930	-	NR_073065	11270	NRM	nurim (nucl	GO:000815	GO:000367	GO:000563	254	217	0.85	-0.23
DHsGV100	DHsGV1000554	ENSG0000	NR_040046	100128682	LINC01531	long interge	-	-	-	35	34	0.97	-0.04
DHsGV100	DHsGV1000286	ENSG0000	-	-	AC079135	-	-	-	-	5	6	1.11	0.15
CHsGV100	CHsGV1000098	ENSG0000	XM_011515	100101267	POM121C	POM121 tr	GO:000027	GO:000551	GO:000563	1256	1046	0.83	-0.26
H20000268	H200002681	ENSG0000	NM_005406	6093	ROCK1	Rho associ	GO:000338	GO:000467	GO:000013	243	239	0.98	-0.03
AHsV1000	AHsV10001090	ENSG0000	NM_198476	284325	C19orf54	chromosom	-	-	-	15	22	1.44	0.53
AHsV1000	AHsV10001753	ENSG0000	XM_011524	284131	ENDOV	endonuclea	GO:000628	GO:000028	GO:0005730	nucleolus,GO:0005737	cytoplasm		
AHsV1000	AHsV10002158	ENSG0000	NR_135213	258010	SVIP	small VCP,	GO:001050	GO:000551	GO:000013	703	587	0.83	-0.26
AHsV1000	AHsV10003488	ENSG0000	NM_001168	256714	MAP7D2	MAP7 dom	GO:000022	GO:000519	GO:0015630	microtubule cytoskeleton			
AHsV1000	AHsV10002478	ENSG0000	XM_011515	222234	FAM185A	family with	-	-	GO:000573	65	60	0.91	-0.13
AHsV1000	AHsV10001823	ENSG0000	NM_153042	221656	KDM1B	lysine deme	GO:000632	GO:000367	GO:000563	99	115	1.16	0.22
CHsGV100	CHsGV1000314	ENSG0000	NR_038353	653316	FAM153C	family with	-	GO:000551	-	4	4	1.00	0.01
DHsGV100	DHsGV1000143	ENSG0000	XM_011524	201229	LYRM9	LYR motif	-	-	-	9	26	3.03	1.60
CHsGV100	CHsGV1000086	ENSG0000	XM_011542	83715	ESPN	espin	GO:000760	GO:001712	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005902	microvillu		
DHsGV100	DHsGV1000052	ENSG0000	-	-	AC092835	-	-	-	-				
AHsV1000	AHsV10003352	ENSG0000	NM_001306	343099	CCDC18	coiled-coil	-	-	-	133	242	1.83	0.87
CHsGV100	CHsGV1000192	ENSG0000	NM_181609	337970	KRTAP19	keratin ass	-	-	GO:0005882	intermediate filament			
AHsV1000	AHsV10002739	ENSG0000	NR_028344	286411	LINC00632	long interge	-	-	-				
CHsGV100	CHsGV1000233	ENSG0000	XM_006720	92912	UBE2Q2	ubiquitin cc	GO:007093	GO:000484	GO:000573	109	98	0.90	-0.16
CHsGV100	CHsGV1000205	ENSG0000	NM_001300	92346	C1orf105	chromosom	-	GO:000551	-				
AHsV1000	AHsV10000257	ENSG0000	NR_033874	90024	FLJ20021	uncharacte	-	-	-	58	59	1.02	0.03
AHsV1000	AHsV10001343	ENSG0000	NM_001184	89801	PPP1R3F	protein ph	GO:000597	GO:001990	GO:001602	29	27	0.93	-0.11
H20001968	H200019680	ENSG0000	NM_032815	84901	NFATC2IP	nuclear fac	GO:000181	GO:003138	GO:000563	163	191	1.17	0.23
H20000326	H200003264	ENSG0000	NM_001261	84864	MINA	MYC induc	GO:000012	GO:000119	GO:000563	453	297	0.66	-0.61
AHsV1000	AHsV10000642	ENSG0000	NM_001143	84305	PYM1	PYM homo	GO:000018	GO:000551	GO:000565	196	193	0.98	-0.03
AHsV1000	AHsV10001517	ENSG0000	XM_011519	84267	C9orf64	chromosom	GO:000815	GO:000367	GO:000557	219	188	0.86	-0.22
AHsV1000	AHsV10003295	ENSG0000	NM_018322	55776	SAYSD1	SAYSVFN	-	-	GO:001602	301	266	0.88	-0.18
DHsGV100	DHsGV1000082	-	-	-	-	-	-	-	-		7		
DHsGV100	DHsGV1000501	-	-	-	-	-	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000366	-	-	-	-	-	-	-	-				
H20001640	H200016404	ENSG0000	NM_005620	6282	S100A11	S100 calci	GO:000716	GO:000550	GO:000172	1449	1709	1.18	0.24
AHsV1000	AHsV10001046	ENSG0000	XM_005256	284004	HEXDC	hexosamin	GO:000597	GO:000456	GO:000563	9	23	2.48	1.31
H30000900	H300009001	ENSG0000	XM_011521	283748	PLA2G4D	phospholipa	GO:000664	GO:000462	GO:000582	14	13	0.95	-0.07
AHsV1000	AHsV10002318	ENSG0000	NM_001004	256144	OR4C3	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021 in			
H30000905	H300009050	ENSG0000	XM_011542	255239	ANKK1	ankyrin rep	GO:000646	GO:000467	-				
AHsV1000	AHsV10003096	ENSG0000	NM_001168	221400	TDRD6	tudor doma	GO:000727	-	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005783	endoplas		
H30002100	H300021005	ENSG0000	XR_429214	221154	MICU2	mitochondr	GO:000685	GO:000550	GO:000563	768	851	1.11	0.15
AHsV1000	AHsV10000322	ENSG0000	NM_144994	200539	ANKRD23	ankyrin rep	GO:000961	GO:003143	GO:0005654	nucleopla	4		
DHsGV100	DHsGV1000466	-	-	-	-	-	-	-	-				
H30001287	H300012877	ENSG0000	NM_001042	83478	ARHGAP24	Rho GTPas	GO:000152	GO:000509	GO:000582	27	22	0.79	-0.34
DHsGV100	DHsGV1000355	ENSG0000	XM_005255	342346	C16orf96	chromosom	-	-	-	66	49	0.75	-0.41
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	NM_001017	340745	LRT2	leucine-ric	-	-	GO:0016021	integral component of membrane			
H30001834	H300018340	ENSG0000	XM_006716	286097	MICU3	mitochondr	-	GO:000550	GO:0005739	mitochondrion,GO:0016021 integ			
DHsGV100	DHsGV1000383	ENSG0000	XM_011534	285679	C5orf60	chromosom	-	GO:000551	GO:0016021	integral c	4		
CHsTV1000	CHsTV1000021	ENSG0000	NM_178312	92086	GGTLC1	gamma-glu	GO:000674	GO:000384	GO:003136	19	19	1.00	0.00
H20000841	H200008411	ENSG0000	XM_011544	91694	LONRF1	LON peptid	GO:000650	GO:000417	-	63	102	1.62	0.70
CHsGV100	CHsGV1000302												

CHsGV100	CHsGV1000235	ENSG0000	NM_001136	84225	ZMYND15	zinc finger	GO:000635	GO:004282	GO:000563	17	14	0.84	-0.25
CHsGV100	CHsGV1000064	ENSG0000	NM_001135	84173	ELMOD3	ELMO dom	-	GO:000509	GO:000573	44	50	1.16	0.21
AHsV1000	AHsV10002883	ENSG0000	NR_104023	55738	ARFGAP1	ADP ribosy	GO:000688	GO:000509	GO:000582	69	57	0.83	-0.27
DHsGV100	DHsGV1000038	-	-	-	-	-	-	-	-	-	3	-	-
DHsGV100	DHsGV1000005	-	-	-	-	-	-	-	-	46	41	0.89	-0.17
DHsGV100	DHsGV1000360	-	-	-	-	-	-	-	-	49	39	0.80	-0.31
DHsGV100	DHsGV1000438	-	-	-	-	-	-	-	-	53	36	0.68	-0.55
DHsGV100	DHsGV1000004	ENSG0000	-	283486	LINC00567	long interge	-	-	-	-	-	-	-
AHsV1000	AHsV10002838	ENSG0000	NR_040718	283349	RASSF3	Ras associ	GO:000716	GO:000551	GO:0005737 cytoplasm,	GO:0005874 microtubu	-	-	-
H30000445	H300004454	ENSG0000	NM_207015	254827	NAALADL2	N-acetyl	-	GO:000551	GO:0016021 integral component of membrane	-	-	-	-
AHsV1000	AHsV10000829	ENSG0000	XM_005267	253959	RALGAPA	Ral GTPase	GO:000635	GO:000509	GO:000563	38	47	1.26	0.33
AHsV1000	AHsV10001425	ENSG0000	XM_011534	220108	FAM124A	family with	-	GO:000551	-	20	20	0.97	-0.04
H20001423	H200014237	ENSG0000	XR_945617	219699	UNC5B	unc-5 netr	GO:000152	GO:000551	GO:000588	11	81	7.65	2.94
AHsV1000	AHsV10000937	ENSG0000	XR_933241	197322	ACSF3	acyl-CoA s	GO:000663	GO:000552	GO:000573	42	63	1.50	0.59
CHsGV100	CHsGV1000265	ENSG0000	NM_152638	196477	CCER1	coiled-coil	-	GO:000551	-	-	-	-	-
CHsGV100	CHsGV1000305	ENSG0000	NM_030972	81856	ZNF611	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	274	203	0.74	-0.43
AHsV1000	AHsV10003598	ENSG0000	NM_001010	340204	CLPSL1	colipase lik	GO:000758	GO:000804	GO:000557	30	29	0.95	-0.07
AHsV1000	AHsV10001342	ENSG0000	NM_001308	339768	ESPNL	espin-like	-	-	-	11	15	1.32	0.40
DHsGV100	DHsGV1000300	-	NR_027107	90768	LOC90768	uncharacte	-	-	-	-	-	-	-
AHsV1000	AHsV10002929	ENSG0000	NM_173651	401024	FSIP2	fibrous she	-	-	GO:0005739 mitochondrion	-	-	-	-
CHsGV100	CHsGV1000040	ENSG0000	NM_207309	91373	UAP1L1	UDP-N-ac	GO:000604	GO:000397	GO:000582	84	65	0.77	-0.37
CHsGV100	CHsGV1000173	ENSG0000	NM_138773	91137	SLC25A46	solute carr	GO:000681	GO:000367	GO:000557	424	435	1.03	0.04
AHsV1000	AHsV10003501	ENSG0000	NM_033060	85285	KRTAP4-1	keratin ass	-	-	GO:0045095 keratin filament	-	-	-	-
H20001638	H200016387	ENSG0000	XM_005251	84985	FAM83A	family with	GO:000717	GO:000551	GO:000573	588	494	0.84	-0.25
H20001920	H200019207	ENSG0000	NM_032553	84636	GPR174	G protein-c	GO:000718	GO:004512	GO:0005886 plasma m	6	-	-	-
H20001707	H200017078	ENSG0000	NM_001303	84617	TUBB6	tubulin beta	GO:000645	GO:000367	GO:000563	2207	958	0.43	-1.20
AHsV1000	AHsV10002013	ENSG0000	NM_001271	84126	ATRIP	ATR intera	GO:000007	GO:000551	GO:000565	30	38	1.27	0.35
AHsV1000	AHsV10000206	ENSG0000	NM_183040	84062	DTNBP1	dystrobrevi	GO:000195	GO:000551	GO:000563	475	517	1.09	0.12
AHsV1000	AHsV10001479	ENSG0000	NM_001199	55670	PEX26	peroxisoma	GO:001655	GO:000551	GO:000577	19	24	1.26	0.33
DHsGV100	DHsGV1000451	ENSG0000	NM_001305	1364	CLDN4	claudin 4	GO:000716	GO:000488	GO:0005886 plasma membrane,	GO:0005887 in	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000048	-	-	-	-	-	-	-	-	65	60	0.92	-0.12
DHsGV100	DHsGV1000285	ENSG0000	XR_159047	100996630	LOC10099	uncharacte	-	-	-	-	3	-	-
DHsGV100	DHsGV1000410	-	XM_011546	102725204	LOC10272	glutathione	-	-	-	33	29	0.89	-0.17
CHsGV100	CHsGV1000033	ENSG0000	NM_001005	283093	OR4C12	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:0005886 plasma membrane,	GO:0016021 in	-	-	-
CHsGV100	CHsGV1000374	ENSG0000	NM_001257	266629	SEC14L3	SEC14 like	GO:000681	GO:000521	GO:0005622 intracellul	7	-	-	-
CHsGV100	CHsGV1000033	ENSG0000	NM_145658	246777	SPESP1	sperm equa	GO:000727	-	GO:0001669 acrosomal vesicle	-	-	-	-
H30000043	H300000436	ENSG0000	XM_005250	222950	NYAP1	neuronal ty	GO:001406	-	GO:0005622 intracellul	6	-	-	-
H20000223	H200002232	ENSG0000	NM_001308	205564	SENP5	SUMO1/se	GO:000704	GO:000417	GO:000563	83	110	1.33	0.42
CHsGV100	CHsGV1000333	ENSG0000	NM_173551	203286	ANKS6	ankyrin rep	GO:000736	-	GO:000573	101	102	1.01	0.02
AHsV1000	AHsV10002647	ENSG0000	NM_001037	192668	CYS1	cystin 1	GO:000699	GO:000551	GO:0005829 cytosol,	GO:0005856 cytoskeletor	-	-	-
CHsGV100	CHsGV1000251	ENSG0000	XM_005254	170691	ADAMTS1	ADAM met	GO:000650	GO:000422	GO:0005578 proteinaceous extracellular matri	-	-	-	-
H20001176	H200011762	ENSG0000	NM_001287	81618	ITM2C	integral me	GO:001097	GO:000154	GO:000576	120	133	1.11	0.15
AHsV1000	AHsV10001561	ENSG0000	NM_001166	339324	ZNF260	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000565	51	90	1.76	0.82
AHsV1000	AHsV10002184	ENSG0000	NM_001178	338809	C12orf74	chromosom	-	-	-	-	-	-	-
CHsGV100	CHsGV1000155	ENSG0000	XM_011509	284680	C1orf111	chromosom	-	GO:000551	-	13	16	1.21	0.27
AHsV1000	AHsV10001458	ENSG0000	NM_001144	284485	RIIAD1	regulatory	-	-	-	-	-	-	-
AHsV1000	AHsV10003521	ENSG0000	XM_011542	90853	SPOCD1	SPOC dom	GO:000635	-	-	-	5	-	-
CHsGV100	CHsGV1000248	ENSG0000	NM_080652	90407	TMEM41A	transmemb	-	GO:000551	GO:001602	281	232	0.83	-0.27
AHsV1000	AHsV10000050	ENSG0000	XM_011542	84950	PRPF38A	pre-mRNA	GO:000639	GO:000551	GO:000563	643	607	0.94	-0.08
AHsV1000	AHsV10000686	ENSG0000	XM_011516	84928	TMEM209	transmemb	-	-	GO:001602	515	597	1.16	0.21
AHsV1000	AHsV10001831	ENSG0000	NM_032447	84467	FBN3	fibrillin 3	GO:000965	GO:000520	GO:000557	15	15	0.96	-0.06
AHsV1000	AHsV10002526	ENSG0000	XM_011540	84435	ADGRA1	adhesion G	GO:000716	GO:000493	GO:0016021 integral component of membrane	-	-	-	-
CHsGV100	CHsGV1000224	ENSG0000	NM_032021	83935	TMEM133	transmemb	-	-	GO:001602	57	57	1.00	0.00
H30001658	H300016588	ENSG0000	NM_001297	83878	USHBP1	Usher synd	-	GO:000551	-	7	10	1.47	0.56
AHsV1000	AHsV10001457	ENSG0000	NM_001290	55619	DOCK10	dedicator o	GO:000726	GO:000367	GO:0005622 intracellular,	GO:0016020 membra	-	-	-
H20000435	H200004354	ENSG0000	NM_000704	495	ATP4A	ATPase H+	GO:000681	GO:000028	GO:0005615 extracellular space,	GO:0005886 p	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000173	-	-	-	-	-	-	-	-	61	55	0.90	-0.15
DHsGV100	DHsGV1000021	-	-	-	-	-	-	-	-	33	29	0.88	-0.18
DHsGV100	DHsGV1000291	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000005	-	-	-	-	-	-	-	-	34	32	0.96	-0.06
DHsGV100	DHsGV1000382	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000175	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000135	ENSG0000	NR_104391	6872	TAF1	TATA-box	GO:000635	GO:000203	GO:0005654 nucleoplasm,	GO:0005669 transcr	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000496	-	-	-	-	-	-	-	-	187	81	0.43	-1.21
DHsGV100	DHsGV1000265	ENSG0000	XM_011524	100130370	LOC10013	uncharacte	-	-	-	80	69	0.87	-0.20
DHsGV100	DHsGV1000004	ENSG0000	NM_001162	100130274	CCDC166	coiled-coil	-	-	-	7	6	0.97	-0.04
DHsGV100	DHsGV10000573	ENSG0000	XR_245158	80746	TSEN2	tRNA splici	GO:000037	GO:000021	GO:000021	11	11	1.05	0.06
DHsGV100	DHsGV1000472	ENSG0000	NR_046901	100873924	HLX-AS1	HLX antise	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000374	-	NM_001002	721	C4B	complemen	GO:000695	GO:000184	GO:000557	33	25	0.77	-0.38
H30001245	H300012452	-	-	-	-	-	-	-	-	-	7	-	-
DHsGV100	DHsGV1000254	ENSG0000	NM_001244	677	ZFP36L1	ZFP36 ring	GO:000028	GO:000367	GO:000563	44	40	0.90	-0.16
DHsGV100	DHsGV1000287	-	-	-	-	-	-	-	-	-	4	-	-
DHsGV100	DHsGV1000024	-	-	-	-	-	-	-	-	-	3	-	-
DHsGV100	DHsGV10000541	-	-	-	-	-	-	-	-	-	7	-	-
DHsGV100	DHsGV1000294	-	-	-	-	-	-	-	-	-	5	-	-
H30000448	H300004488	ENSG0000	NR_073553	5872	RAB13	RAB13, me	GO:000690	GO:000392	GO:000573	1786	1639	0.92	-0.12
DHsGV100	DHsGV1000493	-	-	-	-	-	-	-	-	-	6	-	-
AHsV1000	AHsV10000505	ENSG0000	NM_001085	389158	PLSCR5	phospholipi	GO:001712	GO:001712	GO:0005886 plasma membrane	-	-	-	-
CHsGV100	CHsGV1000254	ENSG0000	NM_001013	388969	C2orf68	chromosom	-	-	-	68	71	1.05	0.07
CHsGV100	CHsGV1000245	ENSG0000	NM_198565	375387	NRROS	negative re	GO:000680	-	GO:000578	20	24	1.19	0.25
AHsV1000	AHsV10003049	ENSG0000	NM_001204	374900	ZNF568	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634 nucleus	-	-	-	-
H30002151	H300021516	ENSG0000	NM_203318	399687	MYO18A	myosin XVI	GO:000625	GO:000367	GO:000013	37	34	0.92	-0.13
DHsGV100	DHsGV1000487	ENSG0000	NM_012455	23550	PSD4	pleckstrin a	GO:003201	GO:000508	GO:0005886 plasma m	7	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000151	ENSG0000	NR_033840	727699	LINC00163	long interge	-	-	-	60	49	0.82	-0.29
DHsGV100	DHsGV1000096	-	-	-	-	-	-	-	-	36	34	0.94	-0.09
DHsGV100	DHsGV1000114	ENSG0000	-	-	RP1-122P2	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000373	-	-	-	-	-	-	-	-	-	9	-	-
DHsGV100	DHsGV1000335	ENSG0000	-	7760	ZNF213	zinc finger	GO:000635	GO:000370	GO:000563	170	123	0.72	-0.47
DHsGV100	DHsGV1000177	-	NG_029904	6344	SCTR	secretin re	GO:000716	GO:001505	GO:000588	27	24	0.89	-0.17

H30001880	H300018803	ENSG0000	XM_011523	489	ATP2A3	ATPase sa	GO:000681	GO:000538	GO:000578	44	63	1.42	0.50
H30001928	H300019287	ENSG0000	XM_011545	55107	ANO1	anoctamin	GO:000681	GO:000522	GO:0005737	cytoplasm	6		
DHsGV100	DHsGV1000044	-	XR_944979	102724030	LOC10272	uncharacte	-	-	-	13	17	1.34	0.42
DHsGV100	DHsGV1000447	ENSG0000	NR_046177	10982	MAPRE2	microtubule	GO:000706	GO:000551	GO:000573	23	17	0.74	-0.43
DHsGV100	DHsGV1000116	ENSG0000	-	83606	GUCD1	guanylyl cy	-	GO:000551	-	8	7	0.91	-0.14
DHsGV100	DHsGV1000207	-	NG_033030	1954	MEGF8	multiple EG	GO:000314	GO:000550	GO:000563	50	41	0.83	-0.27
DHsGV100	DHsGV1000245	ENSG0000	XM_006722	752	FMNL1	formin like	GO:000692	GO:000367	GO:000582	183	119	0.65	-0.62
H20000537	H200005374	ENSG0000	XM_005248	10475	TRIM38	tripartite m	GO:001922	GO:000487	GO:000557	125	205	1.65	0.72
H20000828	H200008283	ENSG0000	NM_001002	51010	EXOSC3	exosome c	GO:000028	GO:000017	GO:000017	2355	1768	0.75	-0.41
H20001800	H200018000	-	XM_011520	6343	SCT	secretin	GO:000854	GO:000517	GO:0005575	cellular_co	6		
H20000745	H200007456	ENSG0000	XM_005256	5345	SERPINF2	serpin pept	GO:000203	GO:000202	GO:000557	4	10	2.62	1.39
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_011525	284217	LAMA1	laminin sub	GO:000201	GO:000510	GO:000557	64	58	0.91	-0.13
H20000890	H200008906	ENSG0000	NM_020638	8074	FGF23	fibroblast g	GO:000016	GO:000510	GO:000557	64	72	1.11	0.16
H20000635	H200006355	-	NM_001081	10990	LILRB5	leukocyte i	GO:000225	GO:000488	GO:001602	36	28	0.77	-0.37
H20000526	H200005263	ENSG0000	NM_001303	10666	CD226	CD226 mol	GO:000181	GO:000487	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005887	in		
H20001586	H200015869	-	NM_001177	7920	ABHD16A	abhydrolase	GO:000815	GO:000551	GO:001602	730	643	0.88	-0.18
H30000212	H300002123	ENSG0000	NM_012471	7224	TRPC5	transient re	GO:000681	GO:000526	GO:000582	54	62	1.16	0.21
H20000329	H200003296	ENSG0000	NM_017526	54741	LEPROT	leptin rece	GO:004642	GO:000510	GO:000013	610	535	0.88	-0.19
H30002023	H300020233	ENSG0000	NM_002238	3756	KCNH1	potassium i	GO:000016	GO:000015	GO:000563	50	43	0.87	-0.20
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001286	5980	REV3L	REV3 like,	GO:000626	GO:000016	GO:000565	109	101	0.92	-0.12
H20001095	H200010952	ENSG0000	XM_011517	8601	RGS20	regulator o	GO:000635	GO:000509	GO:000563	30	43	1.41	0.50
H20000316	H200003167	ENSG0000	NM_001190	5173	PDYN	prodynorph	GO:000721	GO:000151	GO:000557	16	14	0.85	-0.24
H20000295	H200002950	ENSG0000	NM_138718	116369	SLC26A8	solute carr	GO:000682	GO:000525	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005887	in		
H20001170	H200011706	ENSG0000	NM_173470	93380	MMGT1	membrane	GO:001569	GO:001509	GO:000013	411	457	1.11	0.15
H30000485	H300004850	ENSG0000	XM_005266	55504	TNFRSF19	tumor necr	GO:000194	GO:000503	GO:0005622	intracellular,GO:0016021	integral		
H20000931	H200009310	ENSG0000	XM_011536	54207	KCNK10	potassium i	GO:000681	GO:000524	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005887	in		
H30000712	H300007129	-	NR_027156	643224	TUBBP5	tubulin bet	-	-	-	1399	863	0.62	-0.70
H20001046	H200010467	ENSG0000	NM_006408	10551	AGR2	anterior gra	GO:001062	GO:000216	GO:0005615	extracellular space,GO:0005739	r		
DHsGV100	DHsGV1000153	-	-	-	-	-	-	-	-	3			
DHsGV100	DHsGV1000191	-	NG_017093	10046	MAMLD1	mastermind	GO:000635	GO:000367	GO:000557	13	16	1.25	0.33
DHsGV100	DHsGV1000035	-	-	-	-	-	-	-	-	12	13	1.09	0.12
DHsGV100	DHsGV1000021	-	-	-	-	-	-	-	-	37	30	0.81	-0.31
DHsGV100	DHsGV1000113	-	-	-	-	-	-	-	-	19	18	0.92	-0.12
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_021018	8968	HIST1H3F	histone clu	GO:000018	GO:000367	GO:000022	69	37	0.53	-0.91
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_174932	254240	BPIFC	BPI fold co	-	GO:000153	GO:0005615	extracellu	3		
H20000045	H200000450	ENSG0000	NM_001267	3589	IL11	interleukin	GO:000726	GO:000512	GO:000557	74	54	0.73	-0.45
H30000871	H300008714	ENSG0000	NM_004967	3381	IBSP	integrin bin	GO:000164	GO:000367	GO:000557	34	36	1.05	0.07
H20000029	H200000297	ENSG0000	NM_002557	5016	OVGP1	oviductal g	GO:000597	GO:000456	GO:000557	20	18	0.92	-0.11
H20000408	H200004083	ENSG0000	NR_130156	2256	FGF11	fibroblast g	GO:000716	GO:000808	GO:000557	30	28	0.92	-0.12
H20000340	H200003408	ENSG0000	XM_011517	10280	SIGMAR1	sigma non-	GO:000686	GO:000498	GO:000563	245	163	0.66	-0.59
H20001321	H200013216	ENSG0000	NM_152685	9963	SLC23A1	solute carr	GO:000613	GO:000551	GO:000573	37	26	0.70	-0.51
H20001115	H200011151	ENSG0000	NM_022726	6785	ELOVL4	ELOVL fat	GO:000663	GO:000551	GO:0005783	endoplasmic reticulum,GO:00301			
H20001469	H200014692	ENSG0000	NM_000452	6555	SLC10A2	solute carr	GO:000681	GO:000850	GO:000588	45	37	0.83	-0.27
H30000397	H300003971	ENSG0000	NM_001510	2895	GRID2	glutamate i	GO:000681	GO:000497	GO:000588	42	32	0.76	-0.39
H30000462	H300004624	ENSG0000	NM_001492	2657	GDF1	growth diff	GO:001086	GO:000512	GO:000561	58	44	0.75	-0.41
H30002220	H300022207	ENSG0000	NM_020732	57492	ARID1B	AT-rich int	GO:000635	GO:000367	GO:000565	240	243	1.01	0.02
H20001468	H200014688	ENSG0000	XM_011517	1271	CNTFR	ciliary neur	GO:000196	GO:000489	GO:000588	12	22	1.80	0.85
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_011515	353345	GPR141	G protein-c	GO:000718	GO:000493	GO:000588	5	9	1.83	0.87
H30000015	H300000159	ENSG0000	NM_198179	84109	QRFPR	pyroglutam	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma m	6		
H20000219	H200002196	-	XM_011520	81490	PTDSS2	phosphatid	GO:000664	GO:000388	GO:000578	442	400	0.91	-0.14
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NR_028352	51227	PIGP	phosphatid	GO:000650	GO:001717	GO:000050	905	919	1.02	0.02
H20001306	H200013063	ENSG0000	XM_011536	29954	POMT2	protein O-	GO:000003	GO:000416	GO:001602	51	60	1.17	0.23
H30000505	H300005057	ENSG0000	-	-	RP11-663F	-	-	-	-	4175	2994	0.72	-0.48
H30000977	H300009777	ENSG0000	-	-	AC026271	-	-	-	-	853	811	0.95	-0.07
DHsGV100	DHsGV1000381	-	XM_011524	284058	KANSL1	KAT8 regul	GO:000632	GO:000551	GO:000012	61	59	0.96	-0.05
DHsGV100	DHsGV1000125	-	NG_008201	4758	NEU1	neuraminid	GO:000648	GO:000430	GO:000576	16	15	0.91	-0.14
DHsGV100	DHsGV1000041	-	-	-	-	-	-	-	-	22	25	1.12	0.17
H30000385	H300003859	ENSG0000	NM_002531	4923	NTSR1	neurotensin	GO:000165	GO:000493	GO:0005739	mitochondrion,GO:0005783	endo		
DHsGV100	DHsGV1000375	ENSG0000	NG_034044	728661	SLC35E2B	solute carr	-	-	GO:0016021	integral c	9		
H30000598	H300005986	ENSG0000	NM_032517	84569	LYZL1	lysozyme li	GO:000815	GO:000379	GO:000557	10	15	1.41	0.49
H20001769	H200017699	ENSG0000	NM_001301	56477	CCL28	C-C motif	GO:000195	GO:000551	GO:000557	20	26	1.31	0.39
H20000397	H200003977	ENSG0000	NM_000130	2153	F5	coagulation	GO:000257	GO:000550	GO:000013	19	18	0.96	-0.06
H30002031	H300020310	ENSG0000	NM_139056	170690	ADAMTS16	ADAM met	GO:000165	GO:000422	GO:000557	32	27	0.86	-0.22
H30002266	H300022663	ENSG0000	XM_011516	548644	POLR2J3	polymerase	GO:000635	GO:000367	GO:000563	3138	2823	0.90	-0.15
H20002031	H200020315	ENSG0000	NM_052882	114026	ZIM3	zinc finger,	GO:000635	GO:000367	GO:000563	32	34	1.08	0.11
H20000372	H200003722	ENSG0000	XR_243571	9487	PIGL	phosphatid	GO:000650	GO:000022	GO:000578	90	87	0.96	-0.06
H20001466	H200014662	ENSG0000	NM_001301	9227	LRAT	lecithin ret	GO:000152	GO:000197	GO:0005771	multivesicular body,GO:0005789			
H20001071	H200010719	ENSG0000	NM_001042	6517	SLC2A4	solute carr	GO:000597	GO:000535	GO:0005771	multivesic	8		
H30000712	H300007126	ENSG0000	NR_024527	6330	SCN4B	sodium volt	GO:000681	GO:000524	GO:000151	7	10	1.53	0.61
H20001347	H200013473	ENSG0000	NM_004429	1947	EFNB1	ephrin-B1	GO:000175	GO:000551	GO:000563	5	10	1.91	0.94
H20001552	H200015524	ENSG0000	NM_001079	1261	CNGA3	cyclic nucl	GO:000681	GO:000522	GO:0005737	cytoplasm	5		
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XM_005272	11091	WDR5	WD repeat	GO:000632	GO:000551	GO:000012	294	253	0.86	-0.22
H30000880	H300008808	ENSG0000	NM_001010	286410	ATP11C	ATPase ph	GO:000232	GO:000028	GO:000576	120	104	0.86	-0.22
H30000630	H300006301	-	XM_011515	222236	NAPEPLD	N-acyl pho	GO:000152	GO:000827	GO:000573	69	61	0.89	-0.17
H20000861	H200008619	ENSG0000	XM_011522	79895	ATP8B4	ATPase ph	GO:000703	GO:000028	GO:000579	5	15	2.87	1.52
H30000790	H300007905	ENSG0000	NM_001127	64377	CHST8	carbohydr	GO:000679	GO:000153	GO:000013	88	67	0.76	-0.40
H30000554	H300005543	ENSG0000	XR_429450	28232	SLCO3A1	solute carr	GO:001573	GO:001534	GO:000588	5	11	2.37	1.25
H20001277	H200012777	ENSG0000	NM_015660	26157	GIMAP2	GTPase, IM	-	GO:000552	GO:0005737	cytoplasm	8		
H20000159	H200001596	ENSG0000	NM_001290	93627	TBCK	TBC1 dom	GO:000646	GO:000467	-	85	101	1.18	0.24
DHsGV100	DHsGV1000266	ENSG0000	-	-	RP5-832C	-	-	-	-	8	8	1.03	0.04
DHsGV100	DHsGV1000555	-	-	-	-	-	-	-	-				
DHsGV100	DHsGV1000523	ENSG0000	NM_001289	255403	ZNF718	zinc finger	GO:000635	GO:000097	GO:0005634	nucleus			
DHsGV100	DHsGV1000050	-	-	-	-	-	-	-	-	5			
DHsGV100	DHsGV1000364	-	-	-	-	-	-	-	-	9	13	1.34	0.42
DHsGV100	DHsGV1000061	ENSG0000	-	-	RP11-85A	-	-	-	-				
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_011521	51495	HACD3	3-hydroxy	GO:000724	GO:000509	GO:000573	1686	1145	0.	

H20000441	H200004410	ENSG0000	NM_001201	83608	C18orf21	chromosom	-	-	-	859	828	0.96	-0.05
H20000824	H200008246	ENSG0000	XM_011518	55363	HEMGN	hemogen	GO:000727	GO:000551	GO:000565	431	116	0.27	-1.89
H20001551	H200015518	ENSG0000	NM_014360	26257	NKX2-8	NK2 homeo	GO:000188	GO:000097	GO:000557	5	9	1.73	0.79
H20001707	H200017073	ENSG0000	XM_011536	55860	ACTR10	actin-relat	GO:000701	GO:000551	GO:000573	619	716	1.16	0.21
H20000566	H200005665	ENSG0000	NM_001011	93323	HAUS8	HAUS augr	GO:000706	GO:000367	GO:000092	310	389	1.26	0.33
H20000510	H200005108	ENSG0000	NM_006192	5075	PAX1	paired box	GO:000150	GO:000367	GO:000563	5	7	1.35	0.43
H20001758	H200017587	ENSG0000	NM_153005	83732	RIOK1	RIO kinase	GO:000646	GO:000467	-	878	589	0.67	-0.58
H20001159	H200011596	ENSG0000	XM_011524	4905	NSF	N-ethylmal	GO:000192	GO:000551	GO:000013	985	662	0.67	-0.57
H20000510	H200005101	ENSG0000	NM_004991	2122	MECOM	MDS1 and	GO:000170	GO:000367	GO:000011	12	10	0.88	-0.19
H20000201	H200002011	ENSG0000	NR_104121	84548	TMEM185A	transmemb	-	GO:000551	GO:001602	259	195	0.75	-0.41
H20000136	H200001368	ENSG0000	NM_183241	286257	C9orf142	chromosom	GO:000630	GO:000551	GO:000563	580	473	0.82	-0.29
H20001122	H200011227	ENSG0000	XM_005251	137902	PXDNL	peroxidasi	GO:000697	GO:000451	GO:0005615	extracellular space,GO:0005737			
H20000840	H200008400	ENSG0000	XM_011537	79890	RIN3	Ras and Ra	GO:000689	GO:000509	GO:000576	16	13	0.82	-0.28
H20000487	H200004871	ENSG0000	NM_130782	64407	RGS18	regulator o	GO:000718	GO:000509	GO:000573	5	3	0.66	-0.59
H20000213	H200002130	ENSG0000	NM_001316	54850	FBXL12	F-box and	GO:000651	GO:000551	GO:000015	227	204	0.90	-0.15
H30000102	H300001023	ENSG0000	NM_001282	51816	CECR1	cat eye syr	GO:000615	GO:000400	GO:000557	28	20	0.73	-0.45
H20000160	H200001604	ENSG0000	NM_014338	23761	PISD	phosphatid	GO:000664	GO:000460	GO:000563	252	185	0.73	-0.45
opHsV0400	opHsV0400002	-	NM_001318	23532	PRAME	preferentia	GO:000635	GO:000551	GO:000563	34775	25014	0.72	-0.48
H20000678	H200006784	ENSG0000	NM_001080	9185	REPS2	RALBP1 as	GO:000646	GO:000550	GO:000573	19	16	0.88	-0.19
H30002157	H300021574	ENSG0000	NR_103842	8541	PPFIA3	PTPRF inte	GO:000726	GO:000551	GO:000582	151	95	0.63	-0.66
H20001869	H200018693	ENSG0000	NM_031886	3743	KCNA7	potassium	GO:000726	GO:000525	GO:000588	13	14	1.10	0.14
H20000964	H200009642	ENSG0000	NM_001144	3685	ITGAV	integrin sub	GO:000152	GO:000161	GO:000588	248	271	1.09	0.12
H30001120	H300011206	ENSG0000	NM_019030	54505	DHX29	DEAH-box	GO:000639	GO:000374	GO:000573	254	237	0.93	-0.10
H30001972	H300019722	ENSG0000	NM_001136	115098	CCDC124	coiled-coil	GO:000704	GO:004482	GO:000573	501	355	0.71	-0.49
H20001980	H200019807	ENSG0000	NR_049730	339201	ASB16-AS	ASB16 ant	-	-	-	40	43	1.08	0.11
H20000739	H200007396	ENSG0000	XM_011522	6123	RPL3L	ribosomal p	GO:000002	GO:000372	GO:000582	5	11	2.26	1.18
H20001343	H200013432	ENSG0000	XM_011536	122481	AK7	adenylate h	GO:000243	GO:000401	GO:0005829	cytosol			
H20001563	H200015638	ENSG0000	XM_011538	84102	SLC41A2	solute carr	GO:005508	GO:000551	GO:0005886	plasma m	3		
H20000744	H200007449	ENSG0000	NM_133489	65012	SLC26A10	solute carr	GO:001570	GO:000525	GO:000588	7	8	1.04	0.05
H20001134	H200011343	ENSG0000	NM_023008	65095	KRI1	KRI1 homo	-	GO:004482	GO:000573	161	125	0.78	-0.36
H20000233	H200002335	ENSG0000	NM_020928	57688	ZSWIM6	zinc finger	GO:004881	GO:000827	-	105	105	1.00	0.00
H20001776	H200017760	ENSG0000	NM_014477	27296	TP53TG5	TP53 targe	GO:003030	GO:000367	GO:0005634	nucleus,G	5		
H20000816	H200008161	ENSG0000	NM_001142	9643	MORF4L2	mortality fa	GO:000628	GO:000551	GO:000563	4036	2626	0.65	-0.62
H20000464	H200004648	-	NM_021270	3904	LAIR2	leukocyte a	GO:005077	GO:000551	GO:000557	4	11	2.50	1.32
H20000932	H200009325	ENSG0000	XM_006717	2889	RAPGEF1	Rap guanin	GO:000018	GO:000551	GO:000576	42	41	0.96	-0.05
H20001340	H200013402	ENSG0000	XR_932789	146279	TEKT5	tektin 5	-	GO:000551	GO:0005634	nucleus,GO:0005737	cytoplasm,C		
H20000522	H200005224	ENSG0000	XM_006715	5723	PSPH	phosphoser	GO:000656	GO:000028	GO:000573	315	534	1.70	0.76
H20001366	H200013668	ENSG0000	NM_001143	51557	LGSN	lengsin, len	GO:000654	GO:000435	GO:0005886	plasma membrane			
H30000295	H300002950	ENSG0000	XM_006710	59269	HIVEP3	human imm	GO:000636	GO:000370	GO:0005634	nucleus,G	8		
H20001707	H200017077	ENSG0000	NM_020823	57583	TMEM181	transmemb	GO:000940	GO:001564	GO:001602	670	683	1.02	0.03
H30001929	H300019299	ENSG0000	NM_016371	51478	ASD17B7	hydroxyste	GO:000669	GO:000025	GO:000578	246	223	0.91	-0.14
H20001003	H200010038	ENSG0000	NM_001286	51166	AADAT	aminoadipa	GO:000610	GO:001621	GO:000575	32	29	0.90	-0.15
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_015193	23237	ARC	activity-reg	GO:000689	-	GO:000166	82	66	0.80	-0.32
H30000716	H300007162	ENSG0000	NM_014891	11333	PDAP1	PDGFA ass	GO:000716	GO:004482	-	1320	1084	0.82	-0.28
H30002035	H300020350	ENSG0000	XM_011516	7328	UBE2H	ubiquitin cd	GO:000651	GO:000484	GO:000573	159	164	1.03	0.04
H20000060	H200000605	-	NM_003241	7047	TGM4	transglutan	GO:001814	GO:000381	GO:000573	29	28	0.96	-0.06
H30000080	H300000802	ENSG0000	NM_199346	375189	PFN4	profilin fam	GO:004298	GO:000378	GO:000593	24	23	0.96	-0.05
H30001769	H300017697	-	XM_005272	114791	TUBGCP5	tubulin gam	GO:000008	GO:000520	GO:000092	842	644	0.76	-0.39
H30001971	H300019719	ENSG0000	XM_011525	57602	USP36	ubiquitin sp	GO:000651	GO:000484	GO:000563	50	42	0.84	-0.25
H20000394	H200003949	ENSG0000	NR_026804	79667	KLF3-AS1	KLF3 antis	-	-	-				
H20000544	H200005441	ENSG0000	NR_024484	400657	LINC00909	long interge	-	-	-	89	78	0.88	-0.18
H20000466	H200004664	ENSG0000	XM_006718	196500	PIANP	PILR alpha	-	-	GO:0005912	adherens	5		
H20001358	H200013585	ENSG0000	NM_032961	57575	PCDH10	protocadhe	GO:000715	GO:000550	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in		
H20000936	H200009367	ENSG0000	NM_001159	54841	BIVM	basic, immu	-	-	GO:000561	355	465	1.31	0.39
H20001296	H200012960	-	NM_024764	79820	CATSPER5	cation char	GO:000727	-	GO:000588	39	33	0.84	-0.25
H20000369	H200003693	ENSG0000	NM_020147	56906	THAP10	THAP dom	-	GO:000367	-		5		
H20001726	H200017264	ENSG0000	NR_003714	29774	POM121L9	POM121 tr	-	-	-				
H20001532	H200015327	ENSG0000	NM_020999	50674	NEUROG3	neurogenin	GO:000012	GO:000097	GO:000563	101	75	0.74	-0.44
H20000506	H200005064	ENSG0000	NM_194451	11019	LIAS	lipoic acid s	GO:000184	GO:001699	GO:000573	654	582	0.89	-0.17
H30001648	H300016481	ENSG0000	NM_032281	1995	ELAVL3	ELAV like r	GO:000739	GO:000016	-	17	18	1.08	0.11
H20000140	H200001402	ENSG0000	NM_021117	1408	CRY2	cryptochro	GO:000012	GO:000097	GO:000557	109	100	0.92	-0.12
H20001364	H200013645	ENSG0000	NM_031291	83447	SLC25A31	solute carr	GO:000641	GO:000373	GO:000563	6	9	1.51	0.59
H20000484	H200004840	ENSG0000	NM_020177	56929	FEM1C	fem-1 hom	GO:001656	GO:000551	GO:000565	22	45	2.08	1.06
H20000488	H200004880	ENSG0000	NR_033947	644714	LIMD1-AS	LIMD1 anti	-	-	-	149	119	0.80	-0.32
H20000110	H200001102	ENSG0000	NM_020315	57026	PDXP	pyridoxal p	GO:000647	GO:000028	GO:000582	346	304	0.88	-0.19
H20000826	H200008267	ENSG0000	NM_001184	56265	CPXM1	carboxypep	GO:000651	GO:000418	GO:000561	147	121	0.83	-0.27
H30001211	H300012110	ENSG0000	NM_001127	50485	SMARCAL	SWI/SNF r	GO:000073	GO:000438	GO:000563	104	106	1.02	0.03
H20001078	H200010789	ENSG0000	NM_001314	29126	CD274	CD274 mol	GO:000695	GO:000551	GO:000588	68	56	0.82	-0.28
H20001460	H200014609	ENSG0000	XM_011514	10817	FRS3	fibroblast g	GO:000016	GO:000510	GO:000562	31	36	1.14	0.19
H20000209	H200002099	ENSG0000	NM_006779	10435	CDC42EP2	CDC42 effe	GO:000701	GO:000151	GO:000573	173	122	0.71	-0.50
H30001921	H300019216	ENSG0000	XM_011517	6674	SPAG1	sperm asso	GO:000733	GO:000552	GO:000565	39	32	0.83	-0.28
H20000460	H200004601	ENSG0000	NM_001198	5936	RBM4	RNA bindin	GO:000038	GO:000016	GO:000563	2099	1290	0.61	-0.70
H30001399	H300013992	ENSG0000	NM_001039	4133	MAP2	microtubule	GO:000022	GO:000216	GO:000573	8	16	1.93	0.95
H20000889	H200008899	ENSG0000	NM_174977	284904	SEC14L4	SEC14 like	GO:000681	GO:000521	GO:000562	61	54	0.89	-0.16
H30001918	H300019189	-	XM_011521	23026	MYO16	myosin XVI	GO:000815	GO:000377	GO:000565	8	17	2.03	1.02
H20000664	H200006647	ENSG0000	XM_011523	5831	PYCR1	pyrroline-5	GO:000656	GO:000473	GO:000573	882	787	0.89	-0.16
H20001900	H200019003	ENSG0000	XM_005255	83986	FAM234A	family with	GO:000815	GO:000367	GO:000998	143	121	0.85	-0.24
H20000266	H200002660	ENSG0000	-	64776	C11orf1	chromosom	GO:000815	GO:000367	GO:0005634	nucleus,GO:0005654	nucleoplasm		
H20001394	H200013941	ENSG0000	NM_032623	84709	MGARP	mitochondr	GO:000662	GO:000551	GO:0005739	mitochond	3		
H20001203	H200012036	ENSG0000	XM_005266	64328	XPO4	exportin 4	GO:000661	GO:000504	GO:000564	267	214	0.80	-0.32
H20001223	H200012234	ENSG0000	XM_011516	26166	RGS22	regulator o	GO:000996	GO:000509	GO:0005634	nucleus,G	3		
H20000957	H200009570	ENSG0000	XM_011519	83744	ZNF484	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	28	39	1.40	0.48
H20001951	H200019510	ENSG0000	NM_032346	84306	PDCD2L	programme	GO:000704						

H20001326	H200013266	ENSG0000	XM_011509	261726	TIPRL	TOR signal	GO:000007	GO:000551	GO:000573	1409	1540	1.09	0.13
H30002164	H300021645	ENSG0000	XM_011516	55750	AGK	acylglycero	GO:001943	GO:000172	GO:000573	649	483	0.74	-0.43
H20000257	H200002578	ENSG0000	NM_018268	55255	WDR41	WD repeat	-	-	GO:000576	415	394	0.95	-0.08
H20001763	H200017637	ENSG0000	XM_011535	27115	PDE7B	phosphodie	GO:000619	GO:000411	GO:000582	8	10	1.34	0.42
H20001990	H200019902	ENSG0000	NM_001037	26225	ARL5A	ADP ribosy	GO:000726	GO:000552	GO:000562	2164	2357	1.09	0.12
H20000526	H200005267	ENSG0000	NM_012289	9817	KEAP1	kelch like E	GO:000170	GO:000484	GO:000565	980	978	1.00	0.00
H20000517	H200005174	ENSG0000	NR_036605	9453	GGPS1	geranylgera	GO:000669	GO:000416	GO:000582	220	211	0.96	-0.06
H30001028	H300010283	-	NM_002777	5657	PRTN3	proteinase	GO:000650	GO:000425	GO:000561	10	11	1.11	0.15
H30000014	H300000147	ENSG0000	NM_000291	5230	PGK1	phosphogly	GO:000597	GO:000461	GO:000582	382	325	0.85	-0.23
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_005269	119559	SFXN4	sideroflexin	GO:003422	GO:001507	GO:000574	714	756	1.06	0.08
H30001957	H300019575	ENSG0000	NM_022140	64097	EPB41L4A	erythrocyte	GO:000815	GO:000367	GO:000557	21	20	0.97	-0.05
H30000132	H300001325	ENSG0000	XM_005267	122704	MRPL52	mitochondr	GO:000641	GO:000373	GO:000574	1214	1253	1.03	0.05
H30000158	H300001582	ENSG0000	NM_001080	143941	TTC36	tetratricop	-	-	-	26	20	0.77	-0.38
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XR_428519	203245	NAIF1	nuclear app	GO:003030	GO:000367	GO:000563	28	26	0.92	-0.12
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_001099	57604	KIAA1456	KIAA1456	GO:000640	GO:000816	GO:0005737	cytoplasm			
H30001190	H300011909	ENSG0000	NM_024577	79628	SH3TC2	SH3 domain	GO:003228	-	GO:0005886	plasma membrane,GO:0031410 c			
H30000650	H300006504	-	-	-	-	-	-	-	-				
H30000207	H300002070	ENSG0000	XM_011520	282763	OR51B5	olfactory re	GO:000716	GO:000493	GO:000588	32	18	0.56	-0.83
H30001584	H300015844	ENSG0000	NM_001039	129049	SGSM1	small G pro	-	GO:000551	GO:000579	14	13	0.96	-0.05
H30001877	H300018774	-	XM_011515	2051	EPHB6	EPH recept	GO:000646	GO:000487	GO:000557	119	114	0.95	-0.07
H30000373	H300003731	ENSG0000	NM_198536	374882	TMEM205	transmemb	-	-	GO:001602	859	432	0.50	-0.99
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_001271	51527	GSKIP	GSK3B inte	-	-	GO:000573	319	256	0.80	-0.32
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_006739	4174	MCM5	minichromd	GO:000008	GO:000367	GO:000078	1565	1313	0.84	-0.25
H30001850	H300018509	ENSG0000	XM_011545	2975	GTF3C1	general tra	GO:000635	GO:000367	GO:000012	57	45	0.79	-0.34
H30001434	H300014349	ENSG0000	NM_001017	23254	KAZN	kazrin, peri	GO:003142	GO:000551	GO:000153	44	29	0.66	-0.60
H30000047	H300000477	ENSG0000	-	283412	RPL29P12	ribosomal p	-	-	-	7265	5277	0.73	-0.46
H30001913	H300019137	ENSG0000	XM_005249	155051	CRYGN	crystallin g	-	-	-	69	49	0.71	-0.50
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	NM_016038	51119	SBDS	SBDS ribos	GO:000183	GO:000551	GO:000092	1819	1091	0.60	-0.74
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_004102	2170	FABP3	fatty acid b	GO:000663	GO:000532	GO:000561	10	5	0.50	-0.99
H30000489	H300004897	-	NR_027269	285961	SEPT7P9	septin 7 ps	-	-	-	191	211	1.10	0.14
H30000151	H300001517	ENSG0000	NM_001737	735	C9	complemen	GO:000695	-	GO:0005576	extracellular region,GO:0005579			
H30000869	H300008695	ENSG0000	NM_018140	55722	CEP72	centrosoma	GO:000008	GO:000551	GO:000581	261	285	1.09	0.12
H20001899	H200018995	ENSG0000	XM_011543	84881	RPUSD4	RNA pseud	GO:003111	GO:000551	GO:000573	852	650	0.76	-0.39
H20002104	H200021042	ENSG0000	NM_152761	254158	CXorf58	chromosom	-	-	-		3		
H20000341	H200003419	ENSG0000	NM_001142	80304	C2orf44	chromosom	GO:005125	GO:001990	-	317	212	0.67	-0.58
H20001372	H200013726	ENSG0000	NM_019079	54596	L1TD1	LINE-1 typ	-	-	-	37	33	0.87	-0.20
H20001023	H200010237	ENSG0000	NM_138446	115416	MALSU1	mitochondr	GO:004227	GO:000551	GO:000573	2518	1619	0.64	-0.64
H30002007	H300020076	ENSG0000	XM_006719	64581	CLEC7A	C-type lec	GO:000222	GO:000551	GO:0005654	nucleoplasm,GO:0005737 cytopla			
H30000886	H300008861	ENSG0000	NM_001135	344167	FOXI3	forkhead b	GO:000635	GO:000098	GO:000563	4	11	3.02	1.59
H30000405	H300004059	ENSG0000	-	-	AC079250.	-	-	-	-	12932	7979	0.62	-0.70
H30000446	H300004460	ENSG0000	NM_001134	153572	IRX2	iroquois ho	GO:000635	GO:004356	GO:000563	27	27	1.02	0.03
H30000701	H300007017	-	NM_013936	26529	OR12D2	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:0005886	plasma m	8		
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NR_003599	643160	CYMP	chymosin p	-	-	-	8	9	1.25	0.32
H30000698	H300006985	ENSG0000	NR_110234	162681	C18orf54	chromosom	-	-	GO:000557	41	59	1.44	0.52
H30002243	H300022435	ENSG0000	XR_931275	144568	A2ML1	alpha-2-ma	GO:001095	GO:000486	GO:0005615	extracellu	3		
H30001388	H300013882	ENSG0000	NM_198970	166	AES	amino-term	GO:000012	GO:000371	GO:000563	1417	1511	1.07	0.09
H30001901	H300019011	ENSG0000	XM_011544	23516	SLC39A14	solute carr	GO:000688	GO:000538	GO:000578	104	101	0.97	-0.04
H30002206	H300022063	ENSG0000	XM_011520	53841	CDHR5	cadherin re	GO:000715	GO:000550	GO:000588	22	26	1.16	0.22
H30000590	H300005904	ENSG0000	XR_947793	120400	NXPE1	neurexophi	-	-	GO:0005576	extracellu	6		
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011523	4335	MNT	MAX netwo	GO:000012	GO:000097	GO:000563	31	28	0.92	-0.13
H30001040	H300010402	ENSG0000	NM_004851	9476	NAPSA	napsin A as	GO:000650	GO:000417	GO:000561	50	45	0.91	-0.14
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_024029	78992	YIPF2	Yip1 domai	-	GO:000551	GO:001602	190	157	0.83	-0.27
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	-	85824	RPL12P12	ribosomal p	-	-	-	19543	15819	0.81	-0.31
H30001907	H300019078	ENSG0000	NM_001314	57699	CPNE5	copine 5	GO:190386	GO:000367	GO:0043005	neuron projection,GO:0043204 pe			
H30001210	H300012107	ENSG0000	NM_001304	25940	FAM98A	family with	-	GO:000551	GO:007266	329	288	0.87	-0.19
H30001898	H300018981	ENSG0000	NR_134957	9270	ITGB1BP1	integrin sub	GO:000204	GO:000509	GO:000172	1457	938	0.64	-0.64
H30000238	H300002387	ENSG0000	XM_011514	401258	RAB44	RAB44, me	GO:000726	GO:000552	GO:000562	23	26	1.13	0.17
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001301	113246	C12orf57	chromosom	-	-	GO:000573	680	595	0.88	-0.19
H20001364	H200013647	ENSG0000	XM_011516	157724	SLC7A13	solute carr	GO:001580	GO:001517	GO:0016021	integral component of membrane			
H20000963	H200009633	ENSG0000	NM_145265	133957	CCDC127	coiled-coil	-	-	-	413	367	0.89	-0.17
H20000934	H200009348	ENSG0000	XM_011544	219931	TPCN2	two pore se	GO:000687	GO:000524	GO:000576	68	70	1.04	0.06
H20002058	H200020581	ENSG0000	NM_053283	117159	DCD	dermcidin	GO:000650	GO:000551	GO:0005576	extracellular region,GO:0005615			
H20000960	H200009601	ENSG0000	NM_022068	63895	PIEZO2	piezo type	GO:000681	GO:000526	GO:0016021	integral component of membrane			
H30000745	H300007459	ENSG0000	NM_001005	390054	OR52A5	olfactory re	GO:000716	GO:000493	GO:0005886	plasma m	7		
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_003577	8433	UTF1	undifferent	GO:000635	GO:000371	GO:000563	36	27	0.76	-0.40
H30000345	H300003451	ENSG0000	NM_194250	91752	ZNF804A	zinc finger	-	GO:004687	-				
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XR_427800	114825	PWWP2A	PWWP dom	-	GO:000551	-	181	168	0.93	-0.10
H30001380	H300013801	ENSG0000	XR_946783	84879	MFSD2A	major facilit	GO:001590	GO:000554	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005789 endoplasm			
H30000214	H300002143	ENSG0000	XM_011537	93487	MAPK1IP1	mitogen-ac	-	GO:000551	-	404	301	0.75	-0.42
H30000812	H300008126	ENSG0000	NM_178168	144124	OR10A5	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021 in			
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001288	116173	CTMT5	CKLF like	GO:000693	GO:000512	GO:0005615	extracellu	5		
H30001655	H300016554	ENSG0000	XM_011521	22995	CEP152	centrosoma	GO:000008	GO:000551	GO:000024	215	232	1.08	0.11
H30000395	H300003951	ENSG0000	XM_011523	9683	N4BP1	NEDD4 bin	GO:003139	GO:000551	GO:0005730	nucleolus,GO:0016605 PML body			
H30001958	H300019581	ENSG0000	XR_943490	55668	GPATCH2L	G-patch do	-	GO:000551	-	76	66	0.88	-0.19
H30001993	H300019938	ENSG0000	NM_001291	8602	NOP14	NOP14 nud	GO:000044	GO:001989	GO:000563	400	261	0.65	-0.62
H30001892	H300018923	ENSG0000	XM_011541	5586	PKN2	protein kin	GO:000635	GO:000467	GO:000563	71	66	0.93	-0.10
H30000591	H300005918	ENSG0000	NM_001142	51250	C6orf203	chromosom	-	-	GO:000573	309	349	1.13	0.18
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_005251	158046	NXNL2	nucleoredo	GO:000760	-	-		3		
H30001906	H300019068	ENSG0000	NM_001111	23096	IQSEC2	IQ motif an	GO:003003	GO:000508	GO:000573	9	15	1.67	0.74
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	-	10357	HMGB1P1	high mobil	-	-	-	1114	926	0.83	-0.27
H30000248	H300002480	ENSG0000	XM_011545	57558	USP35	ubiquitin sp	GO:000651	GO:000484	-		4		
H30001894	H300018946	ENSG0000	NM_001938	1810	DR1	down-regul	GO:000012	GO:000367	GO:000563	567	628	1.11	0.15
H30000278	H300002785	ENSG0000	XM_011520	441631	TSPAN11	tetraspanin	GO:000716	-	GO:000588	8	9	1.16	0.22
H30001896	H300018969	ENSG0000	NM_020860	57620	STIM2	stromal int	GO:000687	GO:000524	GO:000578	98	102	1.04	0.06
H20001145	H200011456	ENSG0000	NR_027474	64850</									

H30000437	H300004375	ENSG0000	NM_001005	341152	OR2AT4	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:000588	53	41	0.77	-0.37
H30002136	H300021361	ENSG0000	NM_032160	92126	DSEL	dermatan s	GO:000597	GO:004775	GO:000139	Golgi men	4		
H30000012	H300000129	ENSG0000	NM_152901	260434	PYDC1	PYD (pyrin	GO:000646	GO:000551	GO:000563	10	15	1.44	0.53
H30000137	H300001373	ENSG0000	NM_080740	129025	ZNF280A	zinc finger	GO:000012	GO:000122	GO:000563	388	344	0.89	-0.17
H30000568	H300005680	ENSG0000	XM_005256	92162	TMEM88	transmemb	GO:000727	GO:000551	GO:000582	25	27	1.09	0.13
H30002232	H300022329	-	NM_013289	3811	KIR3DL1	killer cell in	GO:000695	GO:003010	GO:000588	12	15	1.20	0.27
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_011538	283310	OTOGL	otogelin-lik	GO:000760	GO:004655	GO:0005576	extracellular region			
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_006717	63877	FAM204A	family with	-	-	-	512	656	1.28	0.36
H30002137	H300021373	ENSG0000	NM_032121	84061	MAGT1	magnesium	GO:000648	GO:001509	GO:000588	351	316	0.90	-0.15
H30001866	H300018669	ENSG0000	NR_027700	10528	NOP56	NOP56 ribo	GO:000015	GO:000372	GO:000565	1188	918	0.77	-0.37
H30001855	H300018552	ENSG0000	NM_020853	57613	FAM234B	family with	-	-	GO:001602	125	95	0.77	-0.39
H30001120	H300011201	ENSG0000	NM_002980	6344	SCTR	secretin re	GO:000716	GO:001505	GO:000588	111	84	0.75	-0.41
H30001928	H300019286	ENSG0000	NR_109776	395	ARHGAP6	Rho GTPas	GO:000720	GO:000507	GO:000573	101	84	0.83	-0.26
H30000143	H300001431	ENSG0000	NM_016557	51554	ACKR4	atypical ch	GO:000689	GO:000495	GO:000576	5	12	2.35	1.23
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_015372	25775	C22orf24	chromosom	-	-	GO:001602	7	13	1.79	0.84
H30001905	H300019051	ENSG0000	XM_011538	65244	SPATS2	spermatoge	-	GO:004482	GO:000573	86	85	0.99	-0.01
H30000152	H300001523	ENSG0000	XM_011515	30010	NXP1	neurexophil	-	GO:000510	GO:0005576	extracellu	11		
H30001358	H300013586	ENSG0000	XM_006711	4209	MEF2D	myocyte er	GO:000164	GO:000097	GO:000563	148	111	0.75	-0.42
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_153712	150465	TTL	tubulin tyr	GO:000022	GO:000483	-	40	53	1.32	0.40
H30000602	H300006025	ENSG0000	XM_011524	105371566	LOC10537	uncharacte	-	-	-	303	225	0.74	-0.43
H30000739	H300007395	ENSG0000	XM_005251	55848	PLGRKT	plasminoge	GO:000693	GO:000551	GO:000573	52	95	1.85	0.88
H20001506	H200015060	ENSG0000	NM_020943	57703	CWC22	CWC22 hor	GO:000039	GO:000372	GO:000565	550	390	0.71	-0.49
H20001947	H200019478	ENSG0000	NM_031313	251	ALPPL2	alkaline ph	GO:001631	GO:000403	GO:000588	108	98	0.91	-0.14
H20000736	H200007362	ENSG0000	NM_012337	25790	CFAP45	cilia and fla	-	-	GO:000563	62	47	0.75	-0.41
H20000187	H200001870	ENSG0000	NM_022061	63875	MRPL17	mitochondr	GO:000000	GO:000373	GO:000574	1427	1183	0.83	-0.27
H20000913	H200009131	ENSG0000	NM_054024	117153	MIA2	melanoma	GO:004263	-	GO:0005576	extracellu	9		
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_001301	1130	LYST	lysosomal t	GO:000244	GO:000551	GO:0005829	cytosol,G	3		
H30001947	H300019478	ENSG0000	XR_929366	84904	ARHGEF39	Rho guanin	GO:003033	GO:000508	GO:000588	59	55	0.94	-0.10
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_006593	10716	TBR1	T-box, brai	GO:000166	GO:000097	GO:000563	29	22	0.77	-0.37
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011536	4901	NRL	neural retir	GO:000636	GO:000097	GO:000563	64	56	0.88	-0.19
H30001916	H300019160	ENSG0000	NM_001287	64792	IFT22	intraflagella	GO:000699	GO:000552	GO:000581	99	75	0.76	-0.40
opHsV0400	opHsV0400008	ENSG0000	NM_001013	401944	LDLRAD2	low density	-	-	GO:001602	9	10	1.21	0.27
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_138333	116224	FAM122A	family with	-	GO:000551	-	136	123	0.90	-0.15
H30000728	H300007287	ENSG0000	XM_006717	2650	GCNT1	glucosamin	GO:000649	GO:000382	GO:0000139	Golgi membrane,GO:0005615	ext		
H30000633	H300006337	ENSG0000	NR_130151	91582	RPS19BP1	ribosomal p	-	GO:000551	GO:000565	966	735	0.76	-0.39
H30001022	H300010222	ENSG0000	NM_001004	128367	OR10X1	olfactory re	GO:000716	GO:000493	GO:0005887	integral c	4		
H30002266	H300022669	ENSG0000	NM_138971	23621	BACE1	beta-site A	GO:000650	GO:000154	GO:000576	33	28	0.84	-0.25
H30002121	H300021217	ENSG0000	NM_001017	10147	SUGP2	SURP and	GO:000639	GO:004482	GO:000565	260	258	0.99	-0.01
H30002019	H300020190	ENSG0000	XM_011520	5719	PSMD13	proteasome	GO:000008	GO:000519	GO:000050	1454	1017	0.70	-0.52
H30000358	H300003585	ENSG0000	NM_138286	148213	ZNF681	zinc finger	GO:000223	GO:000367	GO:000563	626	769	1.23	0.30
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XM_011523	643904	RNF222	ring finger	GO:001656	GO:000813	GO:001602	60	46	0.78	-0.36
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001024	339977	LRRC66	leucine rich	GO:000646	GO:000486	GO:0005737	cytoplasm,GO:0016021	integral c		
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_203434	389792	IER5L	immediate	-	-	-	9	8	0.88	-0.18
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001271	347541	MAGEB5	MAGE fami	GO:000815	GO:000367	GO:0005575	cellular component			
H30000525	H300005258	ENSG0000	XM_011524	7156	TOP3A	topoisomer	GO:000072	GO:000367	GO:000563	39	44	1.15	0.20
H30000774	H300007742	ENSG0000	NM_001004	391196	OR2M7	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in		
H30000418	H300004186	ENSG0000	NM_001005	441670	OR4M1	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:000588	13	12	0.90	-0.16
H30000299	H300002995	ENSG0000	NM_001004	126541	OR10H4	olfactory re	GO:000718	GO:000367	GO:000588	326	274	0.84	-0.25
H30000258	H300002581	ENSG0000	NM_001004	219431	OR4S2	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in		
H30002088	H300020886	ENSG0000	NM_001271	51319	RSRC1	arginine/se	GO:000038	GO:000551	GO:000563	756	724	0.96	-0.06
H30000299	H300002997	ENSG0000	NM_198279	256643	CXorf23	chromosom	-	-	GO:000573	36	52	1.45	0.53
opHsV0400	opHsV0400000	-	-	-	-	-	-	-	-	4955	2626	0.53	-0.92
H30001268	H300012680	ENSG0000	XM_011522	54925	ZSCAN32	zinc finger	GO:000635	GO:000098	GO:000563	64	60	0.94	-0.08
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_005268	116986	AGAP2	ArfGAP wit	GO:000726	GO:000509	GO:000563	7	12	1.71	0.77
H30001937	H300019378	ENSG0000	XM_011542	84950	PRPF38A	pre-mRNA	GO:000639	GO:000551	GO:000563	2256	1837	0.81	-0.30
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011518	286336	FAM78A	family with	-	-	-	106	96	0.90	-0.15
H30001909	H300019096	ENSG0000	NM_001146	79143	MBOAT7	membrane	GO:000664	GO:000551	GO:000578	348	429	1.23	0.30
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NR_103466	644861	NBPF13P	neuroblast	-	-	-	35	30	0.86	-0.22
H30002169	H300021699	ENSG0000	NM_000667	124	ADH1A	alcohol deh	GO:000606	GO:000402	GO:0005829	cytosol	3		
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_181600	284827	KRTAP13	keratin ass	-	-	GO:000588	102	72	0.71	-0.50
H30000291	H300002911	ENSG0000	NM_198276	200728	TMEM17	transmemb	GO:000722	-	GO:001602	15	29	1.92	0.94
H30000915	H300009159	ENSG0000	-	143506	SSU72P3	SSU72 pse	-	-	-	263	289	1.10	0.14
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_178553	339779	PRR30	proline rich	-	-	-	87	60	0.69	-0.54
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	390816	THA1P	threonine a	-	-	-	364	212	0.58	-0.78
opHsV0400	opHsV0400002	-	-	-	-	-	-	-	-	28	31	1.11	0.15
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NR_028140	388182	SPATA41	spermatoge	-	-	-		3		
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001098	390259	BSX	brain speci	GO:000636	GO:000097	GO:000563	7	5	0.77	-0.38
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	NM_001017	387921	NHLRC3	NHL repeat	-	-	GO:007006	88	64	0.73	-0.45
H30002215	H300022152	ENSG0000	NM_001202	84527	ZNF559	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	57	60	1.07	0.09
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NR_024158	25845	PP7080	uncharacte	-	-	-	508	389	0.77	-0.39
H30000486	H300004869	ENSG0000	XM_011517	340485	ACER2	alkaline cer	GO:000195	GO:001704	GO:000013	7	8	1.19	0.25
H30000251	H300002515	ENSG0000	NM_001004	119694	OR51F2	olfactory re	GO:000716	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in		
H30000204	H300002049	ENSG0000	NM_001015	402682	UFSP1	UFM1-spec	GO:000650	GO:000367	GO:007006	32	21	0.65	-0.63
H30001002	H300010021	ENSG0000	NM_001256	163259	DENN2C	DENN dom	GO:004354	GO:001711	-		8		
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	-	-	RP11-337C	-	-	-	-		5		
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_138693	136259	KLF14	Kruppel-lik	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus			
H30000477	H300004774	ENSG0000	NM_145250	122651	RNASE11	ribonucleas	GO:009030	GO:000367	GO:0005576	extracellular region			
H30001027	H300010272	ENSG0000	NM_001159	5462	POU5F1B	POU class	GO:000635	GO:000370	GO:0005634	nucleus	8		
H30002008	H300020080	ENSG0000	XM_005268	55089	SLC38A4	solute carr	GO:000333	GO:001517	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005887	in		
H30001934	H300019342	ENSG0000	XR_927492	57180	ACTR3B	ARP3 activ	GO:000815	GO:000367	GO:000573	547	348	0.64	-0.65
H30002291	H300022916	ENSG0000	NR_028104	50717	DCAF8	DDB1 and	GO:001656	GO:000551	GO:000563	71	72	1.02	0.02
H30001907	H300019073	ENSG0000	NM_001197	10385	BTN2A2	butyrophilin	GO:003132	GO:000551	GO:001602	62	58	0.93	-0.11
H30001936	H300019363	ENSG0000	XM_011519	80760	ITIH5	inter-alpha	GO:001095	GO:000486	GO:0005576	extracellu	4		
H30000288	H300002883	ENSG0000	XM_011534	145173	B3GLCT	beta 3-gluc	GO:000600	GO:001675	GO:000578	55	53	0.97	-0.05
opHsV0400	opHsV0400006												

opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_019087	54622	ARL15	ADP ribosy	GO:000726	GO:000367	GO:000562	44	55	1.25	0.32
H30000352	H300003520	ENSG0000	NM_001145	285600	KIAA0825	KIAA0825	-	-	-	-	7	-	-
opHsV0400	opHsV0400003	-	-	-	-	-	-	-	-	235	156	0.66	-0.59
opHsV0400	opHsV0400004	-	-	-	-	-	-	-	-	22	31	1.41	0.50
opHsV0400	opHsV0400003	-	NR_002938	284379	LOC28437	solute carr	-	-	-	-	4	-	-
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	-	729809	DNM1P34	dynamini 1	GO:000815	GO:000392	-	-	3	-	-
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NR_026961	284837	AATBC	apoptosis a	-	-	-	9	13	1.48	0.57
H30000788	H300007889	ENSG0000	NR_027253	285696	LOC28569	uncharacte	-	-	-	-	7	-	-
H30000317	H300003170	ENSG0000	NM_005250	2300	FOX1	forkhead b	GO:000635	GO:000098	GO:000563	37	35	0.95	-0.07
H30000715	H300007150	ENSG0000	NM_001318	375757	SWI5	SWI5 homo	GO:000072	GO:000551	GO:000563	3124	2340	0.75	-0.42
H30002155	H300021558	ENSG0000	XM_011523	146712	B3GNTL1	UDP-GlcN	GO:000815	GO:001675	-	124	108	0.87	-0.21
H30001113	H300011130	ENSG0000	NM_001304	283685	GOLGA6L2	golgin A6 fa	-	GO:000551	GO:000579	285	238	0.84	-0.26
H30000389	H300003892	ENSG0000	NM_001080	344191	EVX2	even-skipp	GO:000635	GO:004356	GO:0005654	nucleoplasm	-	-	-
H30002138	H300021386	ENSG0000	NM_213589	65059	RAPH1	Ras associ	GO:000716	GO:000551	GO:0005737	cytoplasm	5	-	-
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	-	28847	IGKV2OR2	immunoglob	-	-	-	114	86	0.76	-0.41
H30001949	H300019493	ENSG0000	XM_006718	5519	PPP2R1B	protein pho	GO:000646	GO:000551	GO:004512	910	829	0.91	-0.13
H30001928	H300019282	ENSG0000	NM_030571	80762	NDFIP1	Nedd4 fami	GO:000276	GO:000487	GO:000013	284	228	0.80	-0.32
H30001925	H300019250	ENSG0000	NM_001297	83878	USHBP1	Usher synd	-	GO:000551	-	-	6	-	-
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_006716	81790	RNF170	ring finger	GO:001656	GO:000551	GO:000578	172	217	1.26	0.33
H30001899	H300018996	ENSG0000	NM_001282	9913	SUPT7L	SPT7-like	GO:000632	GO:000371	GO:000563	546	435	0.80	-0.33
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	-	-	RP11-567C	-	-	-	-	516	380	0.74	-0.44
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	-	-	RP11-62E	-	-	-	-	293	267	0.91	-0.13
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001282	101928601	MEI4	meiotic dol	GO:000631	-	GO:0000800	lateral ele	3	-	-
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	119750	OR4C2P	olfactory re	-	-	-	-	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NR_036513	100131138	LINC01405	long interge	-	-	-	66	61	0.91	-0.13
H30000420	H300004207	ENSG0000	XM_011517	389730	SPATA31A	SPATA31 s	GO:000728	-	GO:0016021	integral c	5	-	-
opHsV0400	opHsV0400002	-	NM_001317	387263	C6orf120	chromosom	GO:000691	-	GO:007006	207	241	1.17	0.22
H30001598	H300015984	ENSG0000	NM_198584	377677	CA13	carbonic ar	GO:000673	GO:000408	GO:0005829	cytosol,G	17	-	-
H30000783	H300007838	ENSG0000	-	-	RP11-77G	-	-	-	-	605	742	1.23	0.29
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_011518	730112	FAM166B	family with	-	-	-	63	53	0.84	-0.25
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	-	-	RP11-433F	-	-	-	-	565	426	0.75	-0.41
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_020714	57474	ZNF490	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus	5	-	-
H30000647	H300006477	ENSG0000	NM_001012	222696	ZSCAN23	zinc finger	GO:000635	GO:000370	GO:000563	13	14	1.06	0.09
H30000435	H300004359	ENSG0000	NM_001004	256144	OR4C3	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:000588	13	14	1.05	0.07
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_032317	84277	DNAJC30	DnaJ heat	-	-	GO:000573	42	40	0.94	-0.09
H30000696	H300006969	ENSG0000	NM_206899	121130	OR10P1	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021 in	-	-	-
H30000688	H300006880	ENSG0000	-	130700	PSMB3P2	proteasome	-	-	-	258	205	0.79	-0.33
H30000844	H300008442	ENSG0000	-	-	RP4-612B	-	-	-	-	-	4	-	-
H30000949	H300009494	ENSG0000	-	5233	PGK1P2	phosphogly	-	-	-	584	383	0.66	-0.61
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_011545	101927853	LOC10192	uncharacte	-	-	-	15	16	1.11	0.15
H30000071	H300000711	ENSG0000	NM_001004	390199	OR4D9	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:000588	55	53	0.97	-0.05
H30000774	H300007745	ENSG0000	NM_001001	81469	OR2G3	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021 in	-	-	-
H30000703	H300007033	ENSG0000	XM_011544	10687	PNMA2	paraneopla	GO:004306	GO:000551	GO:000573	19	18	0.93	-0.11
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_199341	374920	C19orf68	chromosom	GO:000691	GO:000551	GO:000563	77	90	1.18	0.24
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_178438	254910	LCE5A	late cornifi	GO:001814	GO:000519	GO:0001533	cornified envelope,GO:0005737 c	-	-	-
H30002225	H300022254	ENSG0000	XM_005257	201134	CEP112	centrosom	GO:009712	-	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005813 centrosom	-	-	-
H30002052	H300020529	ENSG0000	NM_001128	7342	UBP1	upstream b	GO:000152	GO:000367	GO:000563	137	130	0.95	-0.07
H30001615	H300016150	ENSG0000	NM_001037	1933	EEF1B2	eukaryotic	GO:000641	GO:000374	GO:000563	665	410	0.62	-0.70
H30002163	H300021635	ENSG0000	XM_011514	221416	C6orf223	chromosom	-	-	-	865	572	0.66	-0.60
H30002149	H300021491	ENSG0000	NM_001320	200150	PLD5	phospholipa	GO:000815	GO:000382	GO:0016021	integral component of membrane	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_005273	29942	PURG	purine-rich	-	GO:000367	GO:000563	4	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XR_243126	79029	SPATA5L1	spermatoge	-	GO:000552	GO:000573	58	30	0.52	-0.95
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001291	3481	IGF2	insulin like	GO:000150	GO:000515	GO:000557	63	42	0.66	-0.59
H30002107	H300021072	ENSG0000	XM_011520	57494	RIMKL	ribosomal r	GO:000646	GO:000552	GO:000573	45	30	0.67	-0.57
H30002081	H300020818	ENSG0000	NM_144701	149233	IL23R	interleukin	GO:000191	GO:000514	GO:004323	162	208	1.28	0.36
opHsV0400	opHsV0400001	-	NR_002825	400709	SIGLEC16	sialic acid b	GO:000715	GO:003024	GO:000588	39	33	0.84	-0.25
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	-	-	RP11-103B	-	-	-	-	56	39	0.71	-0.50
H30000240	H300002400	ENSG0000	NM_001005	390036	OR52K1	olfactory re	GO:000716	GO:000493	GO:000588	48	38	0.78	-0.36
H30001531	H300015315	ENSG0000	NM_022098	63929	XPNPEP3	X-prolyl am	GO:000309	GO:000417	GO:000573	63	41	0.65	-0.63
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_021047	56242	ZNF253	zinc finger	GO:000635	GO:000097	GO:000563	33	50	1.52	0.60
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NR_134563	285855	RPL7L1	ribosomal p	GO:000046	GO:000373	GO:000573	2330	1568	0.67	-0.57
H30002069	H300020692	ENSG0000	NM_001199	8703	B4GALT3	UDP-Gal:b	GO:000597	GO:000383	GO:000013	515	422	0.82	-0.29
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_011545	8500	PPF1A1	PTPRF inte	GO:000716	GO:000487	GO:000573	200	193	0.97	-0.05
opHsV0400	opHsV0400010	ENSG0000	NM_152903	89890	KBTD6	kelch repea	GO:000815	GO:000367	GO:000557	70	63	0.90	-0.15
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_011536	54331	GNG2	guanine nu	GO:000611	GO:000487	GO:0005834	heterotrin	4	-	-
H30002049	H300020496	ENSG0000	XM_011543	83734	ATG10	autophagy	GO:000649	GO:001687	GO:000562	202	225	1.11	0.15
H30002046	H300020463	ENSG0000	XM_011520	55293	UEVLD	UEV and la	GO:000597	GO:000367	GO:007006	136	156	1.15	0.20
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_011519	23410	SIRT3	sirtuin 3	GO:000647	GO:000395	GO:000573	226	157	0.69	-0.53
H30000835	H300008355	ENSG0000	NM_024677	79730	NSUN7	NOP2/Sun	GO:003031	GO:000372	-	-	-	-	-
H30002149	H300021490	ENSG0000	NM_032510	84552	PARD6G	par-6 famil	GO:000704	GO:000551	GO:000582	41	32	0.77	-0.38
H30002122	H300021224	ENSG0000	NM_175611	2897	GRIK1	glutamate i	GO:000681	GO:000523	GO:0005886	plasma m	4	-	-
H30002133	H300021337	ENSG0000	XM_005268	11016	ATF7	activating t	GO:000012	GO:000097	GO:000563	30	25	0.83	-0.26
H30002103	H300021032	ENSG0000	XM_005253	5913	RAPSN	receptor as	GO:000726	GO:000827	GO:0005794	Golgi appa	5	-	-
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_005268	7253	TSHR	thyroid stin	GO:000718	GO:000499	GO:000588	7	13	1.77	0.83
H30001156	H300011563	ENSG0000	NM_015175	23218	NBEAL2	neurobeach	GO:000759	GO:000554	GO:000578	7	9	1.32	0.41
H30002072	H300020723	ENSG0000	XM_011517	441459	ANKRD18E	ankyrin rep	-	-	-	5	8	1.52	0.60
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_207413	389658	FAM150A	family with	-	-	GO:0005576	extracellu	10	-	-
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011518	158431	ZNF782	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	8	15	1.99	0.99
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NR_001448	255926	ADAM5	ADAM met	GO:000650	GO:000422	-	-	5	-	-
H30001100	H300011001	ENSG0000	NM_173464	91133	L3MBTL4	l(3)mbt-like	GO:000635	GO:000370	GO:0005634	nucleus	4	-	-
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_001294	6389	SDHA	succinate d	GO:000609	GO:000010	GO:000573	1542	976	0.63	-0.66
H20001526	H200015263	ENSG0000	NM_032382	84342	COG8	component	GO:000688	GO:000551	GO:000013	178	114	0.64	-0.64
H20000232	H200002328	ENSG0000	NR_027263	84837	ARHGAP5	ARHGAP5	-	-	-	59	44	0.74	-0.43
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_025008	54507	ADAMTSL4	ADAMTSL4	GO:000649	GO:000202	GO:000557	40	33	0.82	-0.29
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_018912	56114	PCDHGA1	protocadhe	GO:000715	GO:000550	GO:000588	5	7	1.33	0.41
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_011545	51501	C11orf73	chromosom	GO:000660	GO:00					

opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_005256	146691	TOM1L2	target of m	GO:000688	GO:000551	GO:0005622 intracellul	4			
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_011519	196074	METTL15	methyltran	GO:007047	GO:000551	-	193	184	0.95	-0.07
H30000312	H300003126	ENSG0000	NM_001012	134218	DNAJC21	DnaJ heat	GO:000645	GO:000551	GO:000584	942	860	0.91	-0.13
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_001171	23353	SUN1	Sad1 and L	GO:000150	GO:000551	GO:000208	245	134	0.55	-0.87
H30002092	H300020928	ENSG0000	NR_104445	3360	HTR4	5-hydroxyt	GO:000718	GO:000499	GO:0005737 cytoplasm,GO:0005768 endosom				
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001763	909	CD1A	CD1a mole	GO:000225	GO:000551	GO:0005886 plasma membrane,GO:0005887 in				
H30002228	H300022280	ENSG0000	NM_001146	115548	FCHO2	FCH domai	GO:001032	GO:000178	GO:000588	20	29	1.43	0.52
H30001012	H300010124	ENSG0000	-	121360	OR9K1P	olfactory re	-	-	-	11	15	1.39	0.48
H30000002	H300000025	ENSG0000	NR_028407	100131755	ARMCX4	armadillo re	-	-	GO:0016021 integral c	3			
opHsV0400	opHsV0400003	-	NM_001011	401250	MCCD1	mitochondr	-	-	GO:0005739 mitochon	3			
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_207401	388759	C1orf229	chromosom	-	-	-	508	391	0.77	-0.38
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_011521	646892	SH2D7	SH2 domai	-	-	-	37	35	0.94	-0.09
H20000783	H200007833	ENSG0000	XM_011517	219	ALDH1B1	aldehyde d	GO:000597	GO:000402	GO:000565	481	321	0.67	-0.58
H20000317	H200003170	ENSG0000	XM_011520	55726	ASUN	asunder sp	GO:000705	GO:000551	GO:000563	973	1059	1.09	0.12
opHsV0400	opHsV0400012	ENSG0000	XM_005256	6844	VAMP2	vesicle ass	GO:000611	GO:000014	GO:000032	15	26	1.78	0.83
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NR_027404	11147	HHLA3	HERV-H L	-	GO:000551	-	30	42	1.39	0.48
H30002034	H300020349	ENSG0000	XM_011516	84928	TMEM209	transmemb	-	-	GO:001602	269	307	1.14	0.19
H30002220	H300022202	ENSG0000	NM_018429	55814	BDP1	B double p	GO:000635	GO:000102	GO:000012	11	20	1.77	0.82
H30001952	H300019528	ENSG0000	NM_173511	150864	FAM117B	family with	-	GO:000551	-	35	30	0.84	-0.25
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001025	947	CD34	CD34 mole	GO:000189	GO:000813	GO:0005737 cytoplasm	4			
H30002091	H300020914	ENSG0000	NM_001135	339834	CCDC36	coiled-coil	GO:000223	GO:000551	-				
H30002245	H300022454	ENSG0000	XM_011522	197358	NLRC3	NLR family	GO:000724	GO:000367	GO:000573	25	23	0.93	-0.11
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_011538	341405	ANKRD33	ankyrin rep	GO:000012	-	GO:0005634 nucleus,GO:0005829 cytosol				
H30002259	H300022598	ENSG0000	NM_024513	79443	FYCO1	FYVE and	GO:007238	GO:000551	GO:000576	6	13	2.34	1.23
H30002085	H300020857	ENSG0000	NM_001286	118429	ANTXR2	anthrax tox	GO:002241	GO:000487	GO:000557	107	283	2.65	1.41
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_001040	2528	FUT6	fucosyltran	GO:000648	GO:000841	GO:0005794 Golgi appa	3			
H30002058	H300020585	ENSG0000	NM_001300	54819	ZCCHC10	zinc finger	-	GO:000367	-	162	244	1.51	0.59
opHsV0400	opHsV0400005	-	NM_003521	8342	HIST1H2B1	histone clu	GO:000632	GO:000367	GO:000078	5384	3049	0.57	-0.82
H30000156	H300001569	-	NG_033940	-	-	-	-	-	-				
opHsV0400	opHsV0400003	-	XR_943433	388021	TMEM179	transmemb	-	-	GO:0016021 integral component of membrane				
CHsTV1000	CHsTV1000015	ENSG0000	NM_001035	6171	RPL41	ribosomal p	GO:000018	GO:000372	GO:000582	2183	2208	1.01	0.02
AHsV10000	AHsV100002111	ENSG0000	NM_203292	5932	RBBP8	retinoblast	GO:000007	GO:000001	GO:000563	384	472	1.23	0.30
CHsGV1000	CHsGV1000056	ENSG0000	NM_021033	5911	RAP2A	RAP2A, me	GO:000193	GO:000392	GO:000582	59	72	1.22	0.29
AHsV10000	AHsV10001078	ENSG0000	NM_000954	5730	PTGDS	prostagland	GO:000151	GO:000466	GO:000557	26	23	0.89	-0.16
CHsGV1000	CHsGV1000192	ENSG0000	NM_002808	5708	PSMD2	proteasome	GO:000008	GO:000417	GO:000050	1758	1427	0.81	-0.30
H30001858	H300018584	ENSG0000	NR_027265	2734	GLG1	golgi glycop	GO:000759	GO:000510	GO:000013	136	167	1.23	0.30
H20000037	H200000379	ENSG0000	NM_004123	2695	GIP	gastric inhi	GO:000716	GO:000517	GO:000557	14	15	1.03	0.05
AHsV10000	AHsV10002049	ENSG0000	NM_001193	2346	FOLH1	folate hydr	GO:000650	GO:000418	GO:0005737 cytoplasm,GO:0005886 plasma m				
AHsV10000	AHsV10002889	ENSG0000	XM_005257	2319	FLOT2	flotillin 2	GO:000176	GO:000202	GO:000193	225	242	1.08	0.11
H20001395	H200013958	ENSG0000	NM_005242	2150	F2RL1	F2R like tr	GO:000228	GO:000196	GO:0005769 early endosome,GO:0005794 Gol				
AHsV10000	AHsV100003167	ENSG0000	XM_011520	2120	ETV6	ETS varian	GO:000012	GO:000097	GO:000573	65	121	1.86	0.90
opHsV0400	opHsV0400008	ENSG0000	NM_001409	1953	MEGF6	multiple EG	GO:000815	GO:000550	GO:000557	22	20	0.92	-0.12
H30001943	H300019438	ENSG0000	XM_011534	1910	EDNRB	endothelin	GO:000012	GO:000496	GO:0005829 cytosol,GO:0005886 plasma mem				
H20000709	H200007091	ENSG0000	NM_002653	5307	PITX1	paired like	GO:000150	GO:000097	GO:000563	572	366	0.64	-0.64
AHsV10000	AHsV10000197	ENSG0000	XM_011515	5137	PDE1C	phosphodie	GO:000716	GO:000411	GO:0005829 cytosol				
H30001741	H300017416	ENSG0000	XM_011544	5108	PCM1	pericentrio	GO:000008	GO:000551	GO:000024	168	263	1.56	0.64
CHsGV1000	CHsGV10000358	ENSG0000	NM_004558	4902	NRTN	neurturin	GO:000016	GO:000510	GO:000557	89	51	0.57	-0.81
CHsGV1000	CHsGV1000069	ENSG0000	NM_001204	4883	NPR3	natriuretic	GO:000150	GO:000401	GO:0005622 intracellul	5			
H30000392	H300003923	ENSG0000	NM_000672	1730	DIAPH2	diaphanous	GO:000091	GO:000377	GO:0005730 nucleolus,GO:0005739 mitochon				
H20000419	H200004191	ENSG0000	NM_005218	1672	DEFB1	defensin be	GO:000222	-	GO:0005576 extracellular region,GO:0005615 c				
H30000019	H300000194	ENSG0000	NM_001164	1462	VCAN	versican	GO:000150	GO:000550	GO:000557	28	30	1.06	0.09
AHsV10000	AHsV10002186	ENSG0000	NR_045796	1434	CSE1L	CSE1 chro	GO:000660	GO:000504	GO:000563	3275	2886	0.88	-0.18
H20000733	H200007338	ENSG0000	NM_001837	1232	CCR3	chemokine	GO:000193	GO:000495	GO:0005829 cytosol,G	5			
AHsV10000	AHsV10000441	ENSG0000	NM_001289	1193	CLIC2	chloride int	GO:000674	GO:000436	GO:000562	487	398	0.82	-0.29
CHsGV1000	CHsGV1000252	ENSG0000	NM_001308	1000	CDH2	cadherin 2	GO:000715	GO:000550	GO:0005737 cytoplasm,GO:0005886 plasma m				
AHsV10000	AHsV10002820	ENSG0000	NM_001025	976	ADGRE5	adhesion G	GO:000692	GO:000488	GO:000561	169	155	0.91	-0.13
H20000710	H200007105	ENSG0000	NM_002945	6117	RPA1	replication	GO:000008	GO:000368	GO:000078	1167	1031	0.88	-0.18
CHsGV1000	CHsGV10000312	ENSG0000	NM_002874	5887	RAD23B	RAD23 hor	GO:000071	GO:000368	GO:000050	1961	2539	1.30	0.37
H20000965	H200009653	ENSG0000	NM_006542	10638	SPHAR	S-phase re	GO:000626	-	-	245	245	1.00	0.00
H20000653	H200006533	ENSG0000	XM_005267	5693	PSMB5	proteasome	GO:000008	GO:000429	GO:000050	3922	2690	0.69	-0.54
H20000600	H200006008	ENSG0000	NM_002775	5654	HTRA1	HtrA serine	GO:000155	GO:000425	GO:0005615 extracellular space,GO:0005829 c				
AHsV10000	AHsV10002809	ENSG0000	NM_001115	2665	GD12	GDP dissoc	GO:000716	GO:000509	GO:000573	3860	3725	0.97	-0.05
H20000549	H200005495	ENSG0000	NM_002053	2633	GBP1	guanylate b	GO:000815	GO:000377	GO:0000139 Golgi membrane,GO:0005576 ext				
H20000470	H200004706	ENSG0000	NM_001452	2295	FOXF2	forkhead b	GO:000183	GO:000097	GO:0005634 nucleus,GO:0005667 transcrip				
AHsV10000	AHsV10001040	ENSG0000	XM_006717	2263	FGFR2	fibroblast g	GO:000012	GO:000471	GO:000557	16	18	1.16	0.22
H20001099	H200010999	-	NM_001436	2091	FBL	fibrillarin	GO:000049	GO:000109	GO:000165	10778	6050	0.56	-0.83
H20000519	H200005192	ENSG0000	NM_004446	2058	EPRS	glutamyl-pr	GO:000188	GO:000481	GO:000573	5761	5932	1.03	0.04
H20000059	H200000594	ENSG0000	XM_006716	1875	E2F5	E2F transc	GO:000027	GO:000367	GO:000563	332	225	0.68	-0.57
AHsV10000	AHsV10002028	ENSG0000	NR_033255	1841	DTYMK	deoxythym	GO:000622	GO:000479	GO:000575	2974	2263	0.76	-0.39
AHsV10000	AHsV10002632	ENSG0000	XM_005252	5264	PHYH	phytanoyl-	GO:000156	GO:000551	GO:000573	107	178	1.66	0.73
H20001302	H200013020	ENSG0000	NM_006194	5083	PAX9	paired box	GO:000636	GO:000097	GO:000563	73	50	0.69	-0.53
H30002042	H300020425	ENSG0000	XM_011545	5058	PAK1	p21 protei	GO:000016	GO:000467	GO:000172	125	117	0.94	-0.09
H30001620	H300016209	-	NR_134949	4855	NOTCH4	notch 4	GO:000156	GO:000487	GO:000013	115	88	0.76	-0.39
H20000631	H200006311	ENSG0000	NM_006169	4837	NNMT	nicotinamid	GO:000188	GO:000811	GO:000582	18	200	11.43	3.51
AHsV10000	AHsV10001583	ENSG0000	NM_000790	1644	DDC	dopa decar	GO:000652	GO:000405	GO:0005829 cytosol,GO:0008021 synaptic ves				
CHsGV1000	CHsGV10000331	ENSG0000	NM_014618	1620	BRINP1	BMP/retin	GO:000705	GO:000551	GO:0005737 cytoplasm	8			
H20001406	H200014063	ENSG0000	NM_001288	1400	CRMP1	collapsin re	GO:000022	GO:000551	GO:0005737 cytoplasm	8			
CHsGV1000	CHsGV1000116	ENSG0000	NM_004378	1381	CRABP1	cellular reti	GO:000681	GO:000197	GO:0005829 cytosol				
CHsGV1000	CHsGV1000188	ENSG0000	NM_001007	1161	ERCC8	excision re	GO:000020	GO:000367	GO:000010	227	224	0.99	-0.02
H20001598	H200015983	ENSG0000	XM_005254	1133	CHRM5	cholinergic	GO:000169	GO:000443	GO:0005886 plasma membrane,GO:0005887 in				
H20000680	H200006807	ENSG0000	XM_006720	957	ENTPD5	ectonucleo	GO:000648	GO:000438	GO:000578	23	29	1.25	0.33
H30000554	H300005542	ENSG0000	NM_001174	929	CD14	CD14 mole	GO:000222	GO:000153	GO:000557	40	34	0.85	-0.24
H30001028	H300010288	ENSG0000	XM_011516	6009	RHEB	Ras homolo	GO:000636	GO:000392	GO:000013	3922	3254		

H20000876	H200008768	ENSG0000	NM_002006	2247	FGF2	fibroblast g	GO:000016	GO:000510	GO:000557	67	69	1.03	0.04
CHsGV100	CHsGV1000002	ENSG0000	XM_011509	2212	FCGR2A	Fc fragmen	GO:003809	GO:000551	GO:000588	976	2145	2.20	1.14
H30001641	H300016419	ENSG0000	XM_006715	2041	EPHA1	EPH recept	GO:000152	GO:000467	GO:000588	34	32	0.95	-0.08
H30000222	H300002229	ENSG0000	NM_001114	2022	ENG	endoglin	GO:000012	GO:000488	GO:000561	160	102	0.64	-0.65
H20000741	H200007416	ENSG0000	NM_001171	1821	DRP2	dystrophin	GO:000741	GO:000827	GO:001406	42	38	0.90	-0.15
H20001912	H200019120	ENSG0000	NM_001319	1802	DPH2	DPH2 hom	GO:001718	GO:000551	GO:000582	737	435	0.59	-0.76
CHsGV100	CHsGV1000408	ENSG0000	NR_073450	5207	PFKFB1	6-phospho	GO:000597	GO:000387	GO:000582	5	10	2.15	1.11
AHsV1000	AHsV10001317	ENSG0000	NM_002563	5028	P2RY1	purinergic r	GO:000193	GO:000487	GO:000573	83	59	0.71	-0.50
H20000501	H200005011	-	XM_005252	5002	SLC22A18	solute carr	GO:000685	GO:001523	GO:000563	13	32	2.49	1.32
AHsV1000	AHsV10003291	ENSG0000	XM_005245	4817	NIT1	nitrilase 1	GO:000680	GO:000025	GO:000563	585	517	0.88	-0.18
H20000683	H200006833	ENSG0000	NM_020529	4792	NFKBIA	NFKB inhib	GO:000006	GO:000551	GO:000563	803	585	0.73	-0.46
H20001485	H200014851	ENSG0000	NM_000785	1594	CYP27B1	cytochrom	GO:000676	GO:000449	GO:000573	80	79	0.99	-0.01
AHsV1000	AHsV10002740	ENSG0000	NM_001319	1543	CYP1A1	cytochrom	GO:000166	GO:000449	GO:0005739	mitochondrion,GO:0005789	endo		
H20000618	H200006188	ENSG0000	NM_001866	1349	COX7B	cytochrom	GO:000636	GO:000412	GO:000573	11077	6631	0.60	-0.74
H30001134	H300011344	-	-	-	-	-	-	-	-	35	35	1.02	0.03
AHsV1000	AHsV10003581	ENSG0000	XM_006718	1108	CHD4	chromodom	GO:000012	GO:000097	GO:000079	1275	1263	0.99	-0.01
H20000697	H200006977	ENSG0000	NM_004344	1069	CETN2	centrin 2	GO:000008	GO:000550	GO:000562	858	669	0.78	-0.36
CHsGV100	CHsGV1000276	ENSG0000	XM_005271	914	CD2	CD2 molec	GO:000176	GO:000487	GO:0005576	extracellu	5		
AHsV1000	AHsV10001249	ENSG0000	NM_031966	891	CNBN1	cyclin B1	GO:000008	GO:000511	GO:000092	7330	5788	0.79	-0.34
H20000087	H200000879	ENSG0000	NM_006507	5968	REG1B	regeneratin	GO:000828	GO:003024	GO:0070062	extracellular exosome			
H30002088	H300020881	ENSG0000	NM_080684	5783	PTPN13	protein tyr	GO:000647	GO:000472	GO:0005634	nucleus,GO:0005737	cytoplasm,C		
H30001887	H300018875	ENSG0000	XR_926286	5754	PTK7	protein tyr	GO:000173	GO:000471	GO:000588	12	20	1.67	0.74
H20000063	H200000630	ENSG0000	NM_213560	5585	PKN1	protein kin	GO:000178	GO:000368	GO:000563	263	262	1.00	-0.01
H30001981	H300019813	ENSG0000	NM_207518	5566	PRKACA	protein kin	GO:000008	GO:000469	GO:000563	34	36	1.04	0.06
H30000397	H300003972	ENSG0000	NM_001042	2539	G6PD	glucose-6-	GO:000597	GO:000434	GO:000563	838	864	1.03	0.04
H20000550	H200005505	ENSG0000	NM_002032	2495	FTH1	ferritin, hea	GO:000682	GO:000432	GO:000563	27902	30768	1.10	0.14
H30000421	H300004215	ENSG0000	NM_004461	2193	FARSA	phenylalan	GO:000641	GO:000004	GO:000573	848	605	0.71	-0.49
AHsV1000	AHsV10001393	ENSG0000	NM_001444	2171	FABP5	fatty acid b	GO:000600	GO:000521	GO:000565	1237	840	0.68	-0.56
H30002184	H300021844	ENSG0000	NM_001257	2002	ELK1	ELK1, ETS	GO:000222	GO:000097	GO:000563	59	77	1.30	0.38
AHsV1000	AHsV10003041	ENSG0000	NM_001968	1977	EIF4E	eukaryotic	GO:000008	GO:000033	GO:000093	105	108	1.03	0.05
H30001085	H300010855	ENSG0000	NM_001256	1776	DNASE1L3	deoxyribon	GO:000625	GO:000367	GO:0005634	nucleus			
H20000011	H200000112	ENSG0000	NM_004405	1746	DLX2	distal-less	GO:000012	GO:000097	GO:000563	30	87	2.94	1.55
H30001961	H300019616	ENSG0000	NM_002609	5159	PDGFRB	platelet der	GO:000016	GO:000471	GO:000563	70	65	0.93	-0.11
CHsGV100	CHsGV1000144	ENSG0000	NM_024416	4969	UGN	osteoglycin	GO:000597	GO:000551	GO:0005576	extracellular region,GO:0005578			
H30001118	H300011185	ENSG0000	XM_006718	4926	NUMA1	nuclear mit	GO:000008	GO:000519	GO:000013	23	34	1.49	0.57
AHsV1000	AHsV10003061	ENSG0000	XM_011521	4756	NEO1	neogenin 1	GO:000715	GO:000487	GO:0005654	nucleopla	3		
H20000815	H200008155	ENSG0000	XM_005245	4720	NDUFS2	NADH:ubiq	GO:000612	GO:000395	GO:000565	984	833	0.85	-0.24
H20000707	H200007076	ENSG0000	NM_000396	1513	CTSK	cathepsin H	GO:000195	GO:000196	GO:000557	28	44	1.61	0.68
H30000380	H300003809	ENSG0000	NM_001901	1490	CTGF	connective	GO:000150	GO:000196	GO:0005576	extracellular region,GO:0005578			
AHsV1000	AHsV10001950	ENSG0000	NM_001287	1288	COL4A6	collagen ty	GO:000715	GO:000520	GO:0005576	extracellular region,GO:0005587			
CHsGV100	CHsGV1000406	ENSG0000	NM_001286	1266	CNN3	calponin 3	GO:003085	GO:000377	GO:000573	8	13	1.70	0.77
H20001384	H200013844	ENSG0000	NM_001263	1040	CNS1	CDP-diacy	GO:000664	GO:000414	GO:0005783	endoplasmic reticulum,GO:00057			
H30002097	H300020971	ENSG0000	NM_004935	1020	CDK5	cyclin-depe	GO:000176	GO:000203	GO:000563	370	336	0.91	-0.14
H20000033	H200000339	ENSG0000	NM_001756	866	SERPINA6	serpin pept	GO:000681	GO:000486	GO:000561	5	12	2.39	1.25
H30001788	H300017885	ENSG0000	NM_032974	843	CASP10	caspase 10	GO:000650	GO:000419	GO:0005829	cytosol,GO:0031265	CD95 death		
H30001897	H300018970	ENSG0000	NM_001199	27244	SESN1	sestrin 1	GO:000636	-	GO:000563	203	186	0.92	-0.12
H20001920	H200019206	ENSG0000	NM_032554	27198	HCAR1	hydroxycar	GO:000223	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in		
H30001402	H300014025	ENSG0000	NM_001135	10233	LRRC23	leucine ric	GO:000815	GO:000367	GO:000557	52	49	0.96	-0.06
AHsV1000	AHsV10001076	ENSG0000	NM_001195	10210	TOPORS	topoisomer	GO:000020	GO:000367	GO:000015	82	122	1.49	0.57
CHsGV100	CHsGV1000328	ENSG0000	NM_005689	10058	ATCB6	ATP bindin	GO:000677	GO:000552	GO:000013	68	55	0.80	-0.32
H20000223	H200002230	ENSG0000	XM_006719	10019	SH2B3	SH2B adap	GO:000759	GO:000487	GO:000582	806	897	1.11	0.15
CHsGV100	CHsGV1000058	ENSG0000	NM_014825	9875	URB1	URB1 ribos	GO:000815	GO:004482	GO:000573	122	112	0.92	-0.12
H20001053	H200010531	ENSG0000	NM_014810	9857	CEP350	centrosom	GO:003445	GO:000551	GO:000565	487	547	1.12	0.17
H20001396	H200013966	ENSG0000	NM_014673	9694	EMC2	ER membra	-	GO:000551	GO:000563	632	608	0.96	-0.06
H20000731	H200007311	ENSG0000	NR_104411	9673	SLC25A44	solute carr	GO:000641	GO:000373	GO:000574	1102	1097	1.00	-0.01
CHsGV100	CHsGV1000255	ENSG0000	XM_005269	6404	SELP1G	selectin P	GO:000715	GO:000161	GO:000193	582	453	0.78	-0.36
H20001631	H200016317	ENSG0000	NM_002999	6385	SDC4	syndecan 4	GO:000152	GO:000196	GO:000579	22	32	1.45	0.54
H30000716	H300007163	ENSG0000	XR_247208	6199	RPS6KB2	ribosomal p	GO:000641	GO:000467	GO:000565	588	444	0.75	-0.41
CHsGV100	CHsGV1000220	ENSG0000	XM_011536	23503	ZFYVE26	zinc finger	GO:000072	GO:000551	GO:000576	48	42	0.88	-0.18
H30001980	H300019808	ENSG0000	NM_014299	23476	BRD4	bromodoma	GO:000008	GO:000203	GO:000079	210	186	0.89	-0.17
CHsGV100	CHsGV1000076	ENSG0000	NM_004857	9495	AKAP5	A-kinase a	GO:000193	GO:000166	GO:000582	12	12	1.05	0.07
H30000839	H300008398	ENSG0000	NM_004846	9470	EIF4E2	eukaryotic	GO:000170	GO:000033	GO:000582	2147	1413	0.66	-0.60
H20000173	H200001735	ENSG0000	NM_004760	9263	STK17A	serine/thre	GO:000646	GO:000467	GO:000563	301	222	0.74	-0.44
H20001466	H200014664	ENSG0000	NM_004751	9245	GCNT3	glucosamin	GO:000242	GO:000382	GO:0000139	Golgi men	3		
H20000084	H200000844	ENSG0000	NM_005443	9061	PAPSS1	3'-phospho	GO:000010	GO:000402	GO:000582	756	939	1.24	0.31
H20000848	H200008485	ENSG0000	XM_005270	9044	BTAF1	B-TFIID TA	GO:000815	GO:000367	GO:000565	608	825	1.36	0.44
AHsV1000	AHsV10002695	ENSG0000	NM_006018	8843	HCAR3	hydroxycar	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma m	3		
H20000295	H200002954	ENSG0000	NM_003864	8819	SAP30	Sin3A asso	GO:000012	GO:000367	GO:000011	1876	1739	0.93	-0.11
H20000508	H200005085	ENSG0000	XM_011539	5540	NPY4R	neuropepti	GO:000716	GO:000160	GO:0005886	plasma m	6		
AHsV1000	AHsV10000363	ENSG0000	NM_181876	5522	PP2R2C	protein pho	GO:003404	GO:000551	GO:0000159	protein phosphatase type 2A cor			
H30001872	H300018723	ENSG0000	NM_001005	5329	PLAUR	plasminoge	GO:000193	GO:000487	GO:000578	126	168	1.34	0.42
AHsV1000	AHsV10003573	ENSG0000	NM_001243	27148	STK36	serine/thre	GO:000335	GO:000028	GO:0005634	nucleus,G	4		
H30002111	H300021118	ENSG0000	NM_001127	27113	BBC3	BCL2 bindi	GO:000183	GO:000194	GO:000573	430	461	1.07	0.10
CHsGV100	CHsGV1000106	ENSG0000	NM_005783	10190	TXNDC9	thioredoxin	GO:000815	GO:000551	GO:000557	509	543	1.07	0.09
CHsGV100	CHsGV1000174	ENSG0000	NM_006990	10163	WASF2	WAS prote	GO:000152	GO:000377	GO:000172	137	131	0.95	-0.07
H20001727	H200017278	ENSG0000	NM_001169	9997	SCO2	SCO2 cyto	GO:000165	GO:000550	GO:000565	330	200	0.61	-0.72
H30000742	H300007424	ENSG0000	NM_005127	9976	CLEC2B	C-type lec	GO:005077	GO:003024	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005887	in		
H20000432	H200004323	ENSG0000	NR_134574	9837	GINS1	GINS comp	GO:000027	GO:004313	GO:000081	129	116	0.90	-0.15
H20000552	H200005522	ENSG0000	NM_001142	9812	KIAA0141	KIAA0141	GO:000862	GO:000551	GO:000573	158	156	0.99	-0.02
AHsV1000	AHsV10000455	ENSG0000	XM_011542	9651	PLCH2	phospholipa	GO:000815	GO:000367	GO:0005575	cellular_component,GO:0005737			
H20001229	H200012298	ENSG0000	NM_004923	9633	MTL5	metallothio	GO:000687	GO:004687	GO:000563	92	85	0.92	-0.12
CH													

H30001805	H300018052	ENSG0000	NM_016232	9173	IL1RL1	interleukin	GO:000282	GO:000211	GO:000578	proteinaceous extracellular matri				
CHsGV100	CHsGV1000375	ENSG0000	NR_046399	9025	RNF8	ring finger	GO:000072	GO:000368	GO:000015	68	57	0.84	-0.25	
AHsV1000	AHsV10001114	ENSG0000	NM_005092	8995	TNFSF18	tumor necr	GO:000225	GO:000510	GO:0005615	extracellu	3			
H30001478	H300014783	ENSG0000	XM_011535	8796	SCEL	sciellin	GO:000854	GO:000551	GO:0001533	cornified envelope,GO:0005737 c				
H20001125	H200011257	ENSG0000	XM_011517	8767	RIPK2	receptor in	GO:000018	GO:000467	GO:000573	625	603	0.97	-0.05	
H20001011	H200010119	ENSG0000	NM_002709	5500	PPP1CB	protein pho	GO:000008	GO:000551	GO:000016	1848	1540	0.83	-0.26	
AHsV1000	AHsV10003525	ENSG0000	NM_001171	5467	PPARD	peroxisome	GO:000012	GO:000122	GO:000079	9	28	3.13	1.65	
H20000929	H200009299	ENSG0000	NM_002644	5284	PIGR	polymeric i	GO:000158	GO:000179	GO:000561	21	24	1.11	0.15	
H20000195	H200001951	ENSG0000	NM_014398	27074	LAMP3	lysosomal a	GO:000225	-	GO:000576	32	47	1.48	0.57	
H20000096	H200000960	ENSG0000	NM_015680	27013	CNPPD1	cyclin Pas1	GO:000007	GO:001990	GO:001602	159	125	0.79	-0.35	
CHsGV100	CHsGV100002	ENSG0000	XM_011515	10142	AKAP9	A-kinase a	GO:000008	GO:000510	GO:000024	61	74	1.21	0.28	
H30000135	H300001355	ENSG0000	NM_001195	10124	ARL4A	ADP ribosy	GO:000726	GO:000551	GO:000563	2279	1109	0.49	-1.04	
AHsV1000	AHsV10002653	ENSG0000	XM_011537	9950	GOLGA5	golgin A5	GO:000030	GO:001713	GO:000013	73	100	1.38	0.46	
AHsV1000	AHsV10000813	ENSG0000	NM_014878	9933	PUM3	pumilio RN	GO:000641	GO:000367	GO:000565	519	465	0.90	-0.16	
CHsGV100	CHsGV1000045	ENSG0000	NM_014752	9789	SPCS2	signal pepti	GO:000641	GO:000823	GO:000578	14	23	1.60	0.68	
AHsV1000	AHsV10002957	ENSG0000	NR_109934	9768	KIAA0101	KIAA0101	GO:000626	GO:000368	GO:000563	7337	4577	0.62	-0.68	
AHsV1000	AHsV10002319	ENSG0000	XM_011524	9611	NCOR1	nuclear rec	GO:000012	GO:000101	GO:000011	23	48	2.10	1.07	
H30000803	H300008032	ENSG0000	XM_011516	9569	GTF2IRD1	GTF2I repe	GO:000635	GO:000367	GO:000563	200	137	0.69	-0.54	
AHsV1000	AHsV10002240	ENSG0000	XM_006710	6301	SARS	seryl-tRNA	GO:000188	GO:000372	GO:000573	1832	2185	1.19	0.25	
H30002075	H300020752	ENSG0000	NM_019554	6275	S100A4	S100 calciu	GO:000183	GO:000377	GO:000561	378	291	0.77	-0.37	
CHsGV100	CHsGV1000263	ENSG0000	NM_001199	6046	BRD2	bromodoma	GO:000633	GO:000368	GO:000563	435	474	1.09	0.12	
H20000030	H200000307	ENSG0000	NM_001281	23397	NCAPH	non-SMC c	GO:000027	GO:000551	GO:000079	791	859	1.09	0.12	
H20000098	H200000989	ENSG0000	NM_015325	23379	ICE1	interactor d	GO:003133	GO:000551	GO:000802	614	519	0.85	-0.24	
CHsGV100	CHsGV100024	ENSG0000	NM_001308	9388	LIPG	lipase G, er	GO:000662	GO:000446	GO:0005576	extracellular region,GO:0005615				
CHsGV100	CHsGV1000036	ENSG0000	XM_005254	9358	ITGBL1	integrin sub	GO:000715	-	GO:0005576	extracellu	3			
CHsGV100	CHsGV100012	ENSG0000	XR_943557	9147	NEMF	nuclear exp	GO:005116	-	GO:000563	458	503	1.10	0.14	
H20000275	H200002757	ENSG0000	NR_132647	9131	AIFM1	apoptosis i	GO:000293	GO:000367	GO:000563	2232	2417	1.08	0.11	
AHsV1000	AHsV10000802	ENSG0000	-	8969	HIST1H2A	histone clu	GO:000634	GO:000367	GO:000078	85	121	1.43	0.51	
H20001213	H200012132	ENSG0000	XM_011538	8914	TIMELESS	timeless ci	GO:000012	GO:000551	GO:000079	1283	1299	1.01	0.02	
CHsGV100	CHsGV1000302	ENSG0000	NM_001320	8738	CRADD	CASP2 and	GO:000691	GO:000202	GO:000563	759	734	0.97	-0.05	
H20000819	H200008197	ENSG0000	NM_001281	8721	EDF1	endothelial	GO:000635	GO:000370	GO:000562	5304	5359	1.01	0.01	
H20000074	H200000745	ENSG0000	NM_001278	5437	POLR2H	polymerase	GO:000039	GO:000105	GO:000563	2974	1344	0.45	-1.15	
CHsGV100	CHsGV1000258	ENSG0000	NM_001018	5420	PODXL	podocalyxi	GO:000715	GO:000551	GO:0001726	ruffle,GO:0005615	extracellular s			
H30001463	H300014639	ENSG0000	NM_001293	5228	PGF	placental g	GO:000165	GO:000551	GO:000557	301	251	0.83	-0.26	
H30000613	H300006138	ENSG0000	NM_001243	26953	RANBP6	RAN bindin	GO:000005	GO:000551	GO:000573	186	195	1.04	0.06	
AHsV1000	AHsV10000945	ENSG0000	NR_037946	100534595	HNRNPUL2	HNRNPUL2	-	-	-	225	171	0.76	-0.40	
H20001105	H200011056	ENSG0000	NM_001168	10099	TSPAN3	tetraspanin	GO:000716	GO:000367	GO:000588	1242	860	0.69	-0.53	
AHsV1000	AHsV10002122	ENSG0000	NM_006045	10079	ATP9A	ATPase ph	GO:000689	GO:000028	GO:0005769	early endosome,GO:0005802	tran			
AHsV1000	AHsV10002414	ENSG0000	XM_006721	9912	ARHGAP4	Rho GTPas	GO:000688	GO:000509	GO:0005829	cytosol,GO:0030054	cell junction			
H20000163	H200001632	ENSG0000	XM_005251	9897	KIAA0196	KIAA0196	GO:000155	GO:000551	GO:000576	386	455	1.18	0.24	
H20001160	H200011605	ENSG0000	NM_014717	9745	ZNF536	zinc finger	GO:000012	GO:000097	GO:0005634	nucleus				
AHsV1000	AHsV10001477	ENSG0000	NM_014695	9720	CCDC144A	coiled-coil	-	-	-	12	19	1.55	0.63	
CHsGV100	CHsGV1000086	ENSG0000	NM_004283	9545	RAB3D	RAB3D, me	GO:000688	GO:000392	GO:000573	77	64	0.83	-0.26	
DHsGV100	DHsGV1000518	ENSG0000	NM_001302	670	BPHL	biphenyl hy	GO:000652	GO:001678	GO:000573	23	28	1.21	0.28	
H30001890	H300018904	ENSG0000	NM_001015	6242	RTKN	rhotekin	GO:000691	GO:000509	GO:000557	49	46	0.94	-0.09	
AHsV1000	AHsV10003209	ENSG0000	NM_001022	6223	RPS19	ribosomal p	GO:000002	GO:000373	GO:000573	37	29	0.77	-0.38	
H30000809	H300008092	-	NM_006510	5987	TRIM27	tripartite m	GO:000012	GO:000367	GO:000563	1563	1152	0.74	-0.44	
AHsV1000	AHsV10001225	ENSG0000	NM_015302	23354	HAUS5	HAUS augr	GO:000706	GO:000367	GO:000573	62	65	1.06	0.08	
AHsV1000	AHsV10002797	ENSG0000	NM_001144	23327	NEDD4L	neural prec	GO:000012	GO:000484	GO:000562	213	145	0.68	-0.56	
CHsGV100	CHsGV1000225	ENSG0000	NR_133925	9329	GTF3C4	general tra	GO:000635	GO:000367	GO:000012	161	152	0.94	-0.08	
H20001493	H200014939	ENSG0000	NM_004230	9294	S1PR2	sphingosine	GO:000018	GO:000166	GO:000588	42	38	0.90	-0.15	
CHsGV100	CHsGV1000268	ENSG0000	XM_006715	9113	LATS1	large tumor	GO:000008	GO:000028	GO:000092	120	124	1.04	0.05	
CHsGV100	CHsGV100033	ENSG0000	NM_005149	9095	TBX19	T-box 19	GO:000635	GO:000115	GO:000563	90	87	0.96	-0.06	
H20000776	H200007766	ENSG0000	NM_003906	8888	MCM3AP	minichromc	GO:000237	GO:000016	GO:000563	1417	1333	0.94	-0.09	
AHsV1000	AHsV10002808	ENSG0000	NM_001160	8867	SYNJ1	synaptojan	GO:000664	GO:000016	GO:000582	13	18	1.43	0.51	
AHsV1000	AHsV10003239	ENSG0000	NM_001277	8701	DNAH11	dynein axo	GO:000334	GO:000377	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005874	microtubu			
H20000209	H200002097	ENSG0000	NM_001313	8678	BECN1	beclin 1, au	GO:000004	GO:000551	GO:000040	218	223	1.02	0.03	
H30002013	H300020134	ENSG0000	NM_033249	5371	PML	promyelocy	GO:000166	GO:000367	GO:0000784	nuclear c	6			
CHsGV100	CHsGV1000068	ENSG0000	NM_005030	5347	PLK1	polo like kir	GO:000007	GO:000467	GO:000077	151	165	1.09	0.13	
AHsV1000	AHsV10002222	ENSG0000	NM_001146	5178	PEG3	paternally e	GO:000012	GO:000098	GO:0005634	nucleus,GO:0005654	nucleoplasm			
AHsV1000	AHsV10001221	ENSG0000	NM_024582	79633	FAT4	FAT atypic	GO:000165	GO:000550	GO:0005622	intracellular,GO:0005886	plasma			
AHsV1000	AHsV10003029	ENSG0000	XM_006710	79033	ERI3	ERI1 exorib	GO:000625	GO:000452	-	409	300	0.73	-0.45	
CHsGV100	CHsGV1000338	ENSG0000	XM_005274	78999	ERF1	leucine ric	GO:000740	GO:000551	GO:000998	62	44	0.71	-0.50	
H20000514	H200005141	ENSG0000	NM_022772	64787	EPS8L2	EPS8 like 2	GO:000726	GO:000377	GO:000573	146	125	0.85	-0.23	
AHsV1000	AHsV10001802	ENSG0000	NM_001308	64770	CCDC14	coiled-coil	GO:002176	GO:000551	GO:000581	338	447	1.32	0.40	
H20000204	H200002045	ENSG0000	NM_022128	64080	RBKS	ribokinase	GO:001930	GO:000474	GO:0070062	extracellular exosome				
AHsV1000	AHsV10002908	ENSG0000	XM_011541	63950	DMRTA2	DMRT like	GO:000205	GO:000098	GO:0005634	nucleus				
CHsGV100	CHsGV1000356	ENSG0000	NM_016035	51117	COQ4	coenzyme	GO:000674	-	GO:000573	341	341	1.00	0.00	
AHsV1000	AHsV10001220	ENSG0000	NM_016002	51097	SCCPDH	saccharopi	GO:005511	GO:001649	GO:000563	1353	1387	1.03	0.04	
CHsGV100	CHsGV1000145	ENSG0000	NM_022047	50619	DEF6	DEF6, guar	-	GO:000551	GO:000563	102	186	1.82	0.86	
CHsGV100	CHsGV100005	ENSG0000	XM_011535	49861	CLDN20	claudin 20	GO:001633	GO:000519	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005923	bi			
AHsV1000	AHsV10000748	ENSG0000	NM_001048	29128	UHRF1	ubiquitin lik	GO:000012	GO:000098	GO:000079	724	570	0.79	-0.34	
CHsGV100	CHsGV1000098	ENSG0000	NM_013238	29103	DNAJC15	DnaJ heat	GO:000926	GO:000551	GO:0005743	mitochondrial inner membrane,GO				
H20000695	H200006950	ENSG0000	NR_046413	57804	POLD4	polymerase	GO:000027	GO:000388	GO:000563	217	224	1.03	0.04	
AHsV1000	AHsV10001692	ENSG0000	XM_011522	57496	MKL2	MKL/myoc	GO:000170	GO:000110	GO:000563	57	83	1.45	0.53	
CHsGV100	CHsGV1000022	ENSG0000	XM_011517	57462	KIAA1161	KIAA1161	GO:000597	GO:000455	GO:001602	167	115	0.69	-0.55	
CHsGV100	CHsGV1000188	ENSG0000	XM_005256	57019	CIAPIN1	cytokine in	GO:000691	GO:000551	GO:000565	1340	975	0.73	-0.46	
AHsV1000	AHsV10003534	ENSG0000	NM_020232	56984	PSMG2	proteasome	GO:000709	GO:000551	GO:000563	1535	1277	0.83	-0.27	
H20001769	H200017697	ENSG0000	NM_018907	56144	PCDHA4	protocadhe	GO:000715	GO:000550	GO:0005887	integral c	6			
H20001782	H200017827	ENSG0000	NM_018915	56113	PCDHGA2	protocadhe	GO:000715	GO:000550	GO:000588	8	9	1.16	0.21	
AHsV1000	AHsV10001811	ENSG0000	XM_011539	26509	MYOF	myoferlin	GO:000177	GO:000551	GO:0005635	nuclear envelope,GO:0005886	pla			
H2														

AHsV1000	AHsV10002624	ENSG0000	NM_006849	64714	PDIA2	protein disulf	GO:000645	GO:000375	GO:0005783	endoplasm	9			
H20000313	H200003136	ENSG0000	XM_011540	64429	ZDHC6	zinc finger	GO:001834	GO:000827	GO:000578		246	216	0.88	-0.19
H30000710	H300007103	ENSG0000	XM_006716	63917	GALNT11	polypeptide	GO:000649	GO:000465	GO:000013		238	227	0.95	-0.07
CHsGV100	CHsGV1000353	ENSG0000	NR_104448	63027	SLC22A23	solute carr	GO:001571	GO:000551	GO:000588		780	525	0.67	-0.57
H20001744	H200017444	ENSG0000	NM_015965	51079	NDUFA13	NADH:ubiq	GO:001095	GO:000395	GO:000565		3399	3151	0.93	-0.11
CHsGV100	CHsGV1000060	ENSG0000	NR_037144	51054	PLEKHA8	pleckstrin	GO:004683	GO:001708	GO:000573		226	245	1.08	0.12
CHsGV100	CHsGV1000275	ENSG0000	NM_014598	30837	SOCS7	suppressor	GO:000646	GO:000486	GO:000563		20	23	1.16	0.21
CHsGV100	CHsGV1000104	ENSG0000	NM_015710	29997	GLTSCR2	glioma tum	GO:000815	GO:004482	GO:000562		1051	1013	0.96	-0.05
AHsV1000	AHsV10002987	ENSG0000	NM_138485	29083	GTPBP8	GTP-bindin	GO:000091	GO:000552	GO:000573		516	507	0.98	-0.03
H20001948	H200019487	ENSG0000	NM_014078	28998	MRPL13	mitochondr	GO:000641	GO:000372	GO:000574		1794	1276	0.71	-0.49
CHsGV100	CHsGV1000111	ENSG0000	NM_020935	57695	USP37	ubiquitin sp	GO:000008	GO:000419	GO:000563		129	137	1.06	0.08
H20001579	H200015797	ENSG0000	XM_011536	57381	RHOJ	ras homolo	GO:000726	GO:000392	GO:0005829	cytosol,GO:0005886	plasma mem			
AHsV1000	AHsV10003193	ENSG0000	NM_001288	57217	TTCTA	tetratricop	GO:000687	-	GO:000573		13	18	1.38	0.47
H30000452	H300004521	ENSG0000	NM_020191	56945	MRPS22	mitochondr	GO:000699	GO:000373	GO:000573		3515	2399	0.68	-0.55
H20000538	H200005381	ENSG0000	NM_020163	56920	SEMA3G	semaphorin	GO:000175	GO:003021	GO:0005615	extracellular space,GO:0070062				
H20001781	H200017819	ENSG0000	NM_018928	56098	PCDHGC4	protocadhe	GO:000715	GO:000550	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in			
H30001857	H300018574	ENSG0000	NR_038164	55968	NSFL1C	NSFL1 (p9	GO:000703	GO:000551	GO:000563		1107	945	0.85	-0.23
CHsGV100	CHsGV1000385	ENSG0000	XM_011516	26266	SLC13A4	solute carr	GO:000827	GO:001538	GO:000588		23	18	0.81	-0.30
H20001719	H200017199	ENSG0000	NM_001098	26175	TMEM251	transmemb	-	-	GO:001602		576	447	0.78	-0.36
AHsV1000	AHsV10000638	ENSG0000	NM_015464	25928	SOSTDC1	sclerostin d	GO:000738	-	GO:000561		10	32	3.26	1.71
AHsV1000	AHsV10003389	ENSG0000	XM_011509	25903	OLFML2B	olfactomed	-	-	GO:0005576	extracellular region				
H20001160	H200011609	ENSG0000	NM_022337	23682	RAB38	RAB38, me	GO:000726	GO:000392	GO:000576		92	53	0.57	-0.80
H20000566	H200005669	ENSG0000	XM_011517	23643	LY96	lymphocyte	GO:000222	GO:000187	GO:0005615	extracellu	16			
CHsGV100	CHsGV1000153	ENSG0000	NR_130975	79169	C1orf35	chromosom	-	GO:000551	-		671	487	0.73	-0.46
H20000599	H200005990	ENSG0000	NR_052852	65108	MARCKSL	MARCKS-l	GO:000828	GO:000377	GO:000573		1651	872	0.53	-0.92
AHsV1000	AHsV10001052	ENSG0000	XM_006721	65009	NDRG4	NDRG fami	GO:000194	GO:000367	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005739	mitochon			
H20001632	H200016323	ENSG0000	NM_022470	64393	ZMAT3	zinc finger	GO:000697	GO:000203	GO:000573		324	316	0.97	-0.04
CHsGV100	CHsGV1000224	ENSG0000	NM_022437	64241	ABCG8	ATP bindin	GO:000758	GO:000551	GO:000588		109	85	0.79	-0.35
AHsV1000	AHsV10003340	ENSG0000	NR_104246	60509	AGBL5	ATP/GTP	GO:000650	GO:000418	GO:000563		208	219	1.05	0.07
AHsV1000	AHsV10000266	ENSG0000	NM_001303	59349	KLHL12	kelch like f	GO:000651	GO:000484	GO:000013		252	360	1.43	0.51
AHsV1000	AHsV10000451	ENSG0000	NM_016052	51018	RRP15	ribosomal P	-	-	GO:000563		106	81	0.76	-0.39
AHsV1000	AHsV10002361	ENSG0000	NR_030761	50999	TMED5	transmemb	GO:001503	GO:000551	GO:000578		1336	1109	0.83	-0.27
H30000141	H300001414	ENSG0000	NM_001166	29969	MDFC	MyoD famil	GO:000635	GO:000551	GO:0005634	nucleus,GO:0005654	nucleoplasm			
H20000466	H200004669	ENSG0000	XM_011518	29941	PKN3	protein kin	GO:000646	GO:000467	GO:000563		100	75	0.75	-0.41
CHsGV100	CHsGV100032	ENSG0000	NM_014035	28966	SNX24	sorting nex	GO:001503	GO:001031	GO:003065		177	174	0.98	-0.03
AHsV1000	AHsV10003337	ENSG0000	NM_001290	27443	CECR2	cat eye syr	GO:000091	GO:000551	GO:0005634	nucleus,GO:0090537	CERF comp			
AHsV1000	AHsV10001838	ENSG0000	NM_001110	57593	EBF4	early B-cel	GO:000636	GO:000107	GO:0005634	nucleus				
AHsV1000	AHsV10002799	ENSG0000	XR_927492	57180	ACTR3B	ARP3 activ	GO:000815	GO:000367	GO:000573		500	350	0.70	-0.51
H20000338	H200003382	ENSG0000	NM_020423	57147	SCYL3	SCY1 like p	GO:000646	GO:000551	GO:000573		122	127	1.04	0.06
AHsV1000	AHsV10003092	ENSG0000	NM_001128	56884	FSTL5	folliculin li	-	GO:000550	GO:0005576	extracellular region				
CHsGV100	CHsGV1000223	ENSG0000	NM_020645	56675	NRIP3	nuclear rec	GO:000650	GO:000419	-		148	155	1.05	0.07
H20000192	H200001921	ENSG0000	NM_018683	55905	RNF114	ring finger	GO:000202	GO:000827	GO:000562		1132	1132	1.00	0.00
H20001950	H200019509	ENSG0000	NM_018476	55859	BEX1	brain expre	GO:000739	GO:000110	GO:0005634	nucleus,GO:0005667	transcriptio			
AHsV1000	AHsV10000313	ENSG0000	XM_011539	26123	TCTN3	tectonic fa	GO:000691	-	GO:001602		393	345	0.88	-0.19
CHsTV100	CHsTV1000007	ENSG0000	NM_001134	26071	FAM127B	family with	-	GO:000551	-		671	729	1.09	0.12
H20001047	H200010474	ENSG0000	NM_001079	25865	PRKD2	protein kin	GO:000152	GO:000467	GO:000563		657	461	0.70	-0.51
AHsV1000	AHsV10003006	ENSG0000	XR_933267	25839	COG4	component	GO:000030	GO:000551	GO:000013		263	258	0.98	-0.03
AHsV1000	AHsV10000140	ENSG0000	NM_018957	23616	SH3BP1	SH3-doma	GO:000716	GO:000509	GO:000573		8	15	1.82	0.86
H30002051	H300020514	ENSG0000	XM_011522	23589	CARHSP1	calcium reg	GO:000635	GO:000367	GO:000017		1955	1873	0.96	-0.06
H30001618	H300016181	ENSG0000	NM_024091	79072	FASTKD3	FAST kinas	GO:000646	GO:000467	GO:000573		396	266	0.67	-0.58
AHsV1000	AHsV10003031	ENSG0000	NM_022843	64881	PCDH20	protocadhe	GO:000715	GO:000550	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in			
CHsGV100	CHsGV1000090	ENSG0000	NM_022823	64838	FNDC4	fibronectin	-	-	GO:000578		54	49	0.91	-0.13
AHsV1000	AHsV10000836	ENSG0000	XM_011523	64174	DPEP2	dipeptidase	GO:000650	GO:000823	GO:0031225	anchored	13			
AHsV1000	AHsV10001445	ENSG0000	XM_011540	64115	C1orf54	chromosom	GO:000272	-	GO:000588		23	191	8.48	3.08
H30001764	H300017643	ENSG0000	NM_021244	58528	RRAGD	Ras related	GO:000636	GO:000392	GO:0005634	nucleus,GO	5			
AHsV1000	AHsV10002664	-	NM_021221	58496	LY6G5B	lymphocyte	GO:000815	GO:000367	GO:000557		62	54	0.86	-0.21
AHsV1000	AHsV10003427	ENSG0000	NM_015873	50853	VILL	villin-like	GO:000701	GO:000377	GO:001562		44	58	1.32	0.40
H20001271	H200012718	ENSG0000	NM_016073	50810	HDGFRP3	hepatoma-	GO:000702	GO:000801	GO:000563		152	154	1.02	0.02
H20000251	H200002513	ENSG0000	XM_005257	29916	SNX11	sorting nex	GO:000688	GO:000551	GO:000576		326	314	0.96	-0.06
H20001541	H200015411	ENSG0000	XM_005266	29880	ALG5	ALG5, dolid	GO:000648	GO:000416	GO:000578		1697	1508	0.89	-0.17
H20000797	H200007978	ENSG0000	NM_001163	27336	HTATSF1	HIV-1 Tat	GO:000039	GO:000016	GO:000563		1175	1127	0.96	-0.06
CHsGV100	CHsGV1000365	ENSG0000	XR_428306	27299	ADAMDEC	ADAM-like	GO:000650	GO:000422	GO:0005575	cellular component,GO:0005576				
CHsGV100	CHsGV1000377	ENSG0000	NM_020764	57524	CASKIN1	CASK inter	GO:000716	GO:000551	GO:0005737	cytoplasm				
H20001253	H200012533	ENSG0000	NM_020405	57125	PLXDC1	plexin doma	GO:000152	GO:000551	GO:0005576	extracellu	5			
CHsGV100	CHsGV1000059	ENSG0000	NR_104461	57097	PARP11	poly(ADP-r	GO:000699	GO:000395	GO:000563		30	30	0.98	-0.02
AHsV1000	AHsV10000986	ENSG0000	NM_019891	56605	ERO1B	endoplasmic	GO:000645	GO:000375	GO:000578		65	93	1.44	0.52
CHsGV100	CHsGV1000118	ENSG0000	NM_001008	56267	CCBL2	cysteine cd	GO:000610	GO:001621	GO:000573		683	829	1.21	0.28
H30000259	H300002599	ENSG0000	NM_018448	55832	CAND1	cullin-asso	GO:001026	GO:000551	GO:000015		399	433	1.09	0.12
H30001573	H300015738	ENSG0000	XM_011524	55808	ST6GALNA	ST6 (alpha	GO:000157	GO:000166	GO:000013		59	127	2.15	1.11
CHsGV100	CHsGV1000044	ENSG0000	XM_011522	26048	zinc finger	GO:000635	GO:000375	GO:000563		30	30	1.01	0.01	
H20001722	H200017223	ENSG0000	NM_003735	26025	PCDHGA12	protocadhe	GO:000715	GO:000550	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in			
H20000501	H200005017	ENSG0000	NM_012427	25818	KLK5	kallikrein re	GO:000280	GO:000425	GO:000561		13	17	1.33	0.41
H20000663	H200006636	ENSG0000	NM_001099	25800	SLC39A6	solute carr	GO:000688	GO:000538	GO:000578		140	139	0.99	-0.01
H20001613	H200016130	ENSG0000	NM_014310	23551	RASD2	RASD fami	GO:000196	GO:000392	GO:0005622	intracellular,GO:0005886	plasma			
AHsV1000	AHsV10002945	ENSG0000	NM_001201	23523	CABIN1	calcineurin	GO:000633	GO:000486	GO:0005634	nucleus,GO	8			
DHsGV100	DHsGV1000169	-	-	-	-	-	-	-	-		30	28	0.95	-0.08
DHsTV100	DHsTV1000013	ENSG0000	-	24150	TP53TG3	TP53 targe	-	-	GO:000563		53	46	0.85	-0.23
DHsGV100	DHsGV1000115	-	NR_036495	646938	LOC64693	TBC1 dom	-	-	-		7	12	1.78	0.83
DHsGV100	DHsGV1000363	-	-	-	-	-	-	-	-			6		
CHsGV100	CHsGV1000036	ENSG0000	NM_001170	169966	FAM46D	family with	-	GO:000551	-					
AHsV1000	AHsV10003077	ENSG0000	NM_153363											

DHsGV100	DHsGV1000015	-	-	-	-	-	-	-	-	-	3			
CHsGV100	CHsGV1000108	ENSG0000	NR_037805	399669	ZNF321P	zinc finger	-	-	-	62	74	1.20	0.27	
DHsGV100	DHsGV1000051	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
H30000589	H300005894	ENSG0000	NM_138327	134864	TAAR1	trace amine	GO:000617	GO:000159	GO:0005886	plasma m	4			
CHsGV100	CHsGV1000324	ENSG0000	NM_152405	133746	JMY	junction me	GO:000628	GO:000371	GO:000563	4	11	2.55	1.35	
CHsGV100	CHsGV1000376	ENSG0000	NM_152373	127396	ZNF684	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	76	74	0.97	-0.05	
CHsGV100	CHsGV1000186	ENSG0000	NR_033385	126823	KLHDC9	kelch doma	-	-	-	-	-	-	-	-
CHsGV100	CHsGV1000356	ENSG0000	XM_011537	121273	C12orf54	chromosom	-	-	-	-	4			
AHsV1000	AHsV10000835	ENSG0000	NM_001004	119687	OR51A7	olfactory re	GO:000716	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021 in				
H20001707	H200017074	ENSG0000	XR_934362	114881	OSBPL7	oxysterol b	GO:000686	GO:000551	GO:000577	6	8	1.21	0.27	
CHsGV100	CHsGV100033	ENSG0000	NM_052902	114790	STK11IP	serine/thre	GO:000810	GO:001990	GO:000573	24	23	0.98	-0.04	
AHsV1000	AHsV10000789	-	NM_001085	58160	NFE4	nuclear fac	GO:000635	-	GO:000563	25	46	1.83	0.87	
H30001114	H300011140	-	NM_199354	5542	PRB1	proline-rich	GO:000815	GO:000367	GO:000557	152	111	0.73	-0.45	
DHsGV100	DHsGV1000451	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
AHsV1000	AHsV10000428	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000237	-	-	-	-	-	-	-	-	859	733	0.85	-0.23	
CHsGV100	CHsGV1000138	ENSG0000	NM_145207	166378	SPATA5	spermatoge	GO:000727	GO:000552	GO:0005737	cytoplasm	7			
H30000886	H300008864	ENSG0000	NM_148962	165140	OXER1	oxoeicosan	GO:000718	GO:000493	GO:000588	45	32	0.71	-0.50	
DHsGV100	DHsGV1000075	ENSG0000	NR_036484	154860	FEZF1-AS	FEZF1 anti	-	-	-	-	-	-	-	-
AHsV1000	AHsV10001399	ENSG0000	NM_174909	153339	TMEM167A	transmemb	-	-	GO:000013	1171	957	0.82	-0.29	
CHsGV100	CHsGV1000274	ENSG0000	NM_001039	148137	PROSER3	proline and	-	-	-	8	17	2.03	1.02	
DHsGV100	DHsGV1000366	-	-	-	-	-	-	-	-	-	3			
H20001414	H200014140	ENSG0000	NM_001040	140885	SIRPA	signal regul	GO:000715	GO:001712	GO:0005886	plasma m	4			
CHsGV100	CHsGV1000344	-	NM_001301	140691	TRIM69	tripartite m	GO:000691	GO:000484	GO:0005634	nucleus,GO:0005737	cytoplasm,C			
AHsV1000	AHsV10001533	ENSG0000	XR_945812	79591	C10orf76	chromosom	-	-	GO:0016021	integral component of membrane				
AHsV1000	AHsV10001910	ENSG0000	XM_011518	401541	CENPP	centromere	GO:000027	GO:000551	GO:000077	176	242	1.38	0.46	
AHsV1000	AHsV10002263	ENSG0000	NR_037846	100532732	MSH5-SAF	MSH5-SAF	-	-	-	127	195	1.54	0.62	
CHsGV100	CHsGV1000192	ENSG0000	NM_001013	391123	VSIG8	V-set and	-	GO:004482	GO:000562	18	24	1.29	0.37	
DHsGV100	DHsGV1000051	ENSG0000	NG_029371	390811	POLR3KP2	polymerase	-	-	-	542	318	0.59	-0.77	
CHsGV100	CHsGV1000136	ENSG0000	NR_123728	132671	SPATA18	spermatoge	GO:000697	GO:000551	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005741	mitochon			
AHsV1000	AHsV10002529	-	NM_144638	131616	TMEM42	transmemb	-	-	GO:001602	17	28	1.65	0.72	
CHsGV100	CHsGV1000268	ENSG0000	NM_001007	126298	IRGQ	immunity-r	-	GO:000552	-	17	40	2.37	1.25	
CHsGV100	CHsGV100024	ENSG0000	NM_145046	125972	CALR3	calreticulin	GO:000645	GO:000550	GO:000578	12	15	1.30	0.38	
CHsGV100	CHsGV1000013	ENSG0000	NM_001024	118490	MSS51	MSS51 mit	GO:003517	GO:004687	-	-	8			
H20002057	H200020577	ENSG0000	XM_011519	117194	MGRPRX2	MAS relate	GO:000718	GO:000493	GO:0005887	integral component of plasma me				
CHsGV100	CHsGV1000142	ENSG0000	NM_053049	114131	UCN3	urocortin 3	GO:000695	GO:000166	GO:000561	35	29	0.82	-0.28	
CHsGV100	CHsGV1000046	ENSG0000	NM_080668	113130	CDCA5	cell divisio	GO:000008	GO:000368	GO:000077	620	472	0.76	-0.39	
CHsGV100	CHsGV1000366	-	XM_005267	57718	PPP4R4	protein pho	GO:003251	GO:000551	GO:0005737	cytoplasm,GO:0008287	protein se			
H20001667	H200016670	ENSG0000	NM_052884	114132	SIGLEC11	sialic acid b	GO:000715	GO:003024	GO:001602	8	13	1.73	0.79	
DHsGV100	DHsGV1000386	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000415	-	-	-	-	-	-	-	-	67	56	0.84	-0.26	
DHsGV100	DHsGV1000302	ENSG0000	NR_038835	645249	MNX1-AS1	MNX1 antis	-	-	-	10	15	1.47	0.55	
CHsGV100	CHsGV1000053	-	NM_001001	163223	ZNF676	zinc finger	GO:000635	GO:000097	GO:0005634	nucleus				
CHsGV100	CHsGV1000175	ENSG0000	XM_006721	162494	RHBDL3	rhomboid, v	GO:001648	GO:000425	GO:0005743	mitochondrial inner membrane,GO				
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	NM_001083	152138	PYDC2	pyrin doma	GO:000695	GO:000551	GO:000563	4	8	1.78	0.83	
H30000031	H300000313	ENSG0000	NM_199336	151313	FAHD2B	fumarylac	GO:000815	GO:001678	-	819	738	0.90	-0.15	
CHsGV100	CHsGV1000256	ENSG0000	XM_011524	146909	KIF18B	kinesin fam	GO:000007	GO:000377	GO:000023	46	37	0.80	-0.33	
CHsGV100	CHsGV1000226	ENSG0000	XM_011545	146540	ZNF785	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	100	73	0.73	-0.46	
CHsGV100	CHsGV1000238	ENSG0000	NM_181599	140258	KRTAP13	keratin ass	-	-	GO:000588	5	8	1.46	0.55	
AHsV1000	AHsV10000159	ENSG0000	NM_152424	139285	AMER1	APC memb	GO:001605	GO:000551	GO:000563	42	33	0.78	-0.35	
AHsV1000	AHsV10003256	ENSG0000	XM_011540	79290	OR13A1	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021 in				
AHsV1000	AHsV10000636	ENSG0000	NR_109841	401082	LINC01205	long interge	-	-	-	-	-	-	-	-
AHsV1000	AHsV10001358	ENSG0000	-	400799	LINC01344	long interge	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000136	ENSG0000	XR_932035	105370745	LOC10537	uncharacte	-	-	-	779	743	0.95	-0.07	
DHsGV100	DHsGV1000053	-	-	-	-	-	-	-	-	20	19	0.98	-0.03	
CHsGV100	CHsGV100014	ENSG0000	NR_104261	130752	MDH1B	malate deh	GO:000597	GO:001661	-	8	7	0.90	-0.15	
AHsV1000	AHsV10003146	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
AHsV1000	AHsV10000850	ENSG0000	NM_152219	125111	GJD3	gap junctio	GO:000715	GO:000521	GO:0005887	integral c	3			
AHsV1000	AHsV10001404	ENSG0000	XM_005257	124599	CD300LB	CD300 mol	GO:000244	-	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021 in				
CHsGV100	CHsGV1000128	ENSG0000	NM_053050	116540	MRPL53	mitochondr	GO:000699	GO:000551	GO:000574	1647	1797	1.09	0.13	
H20001917	H200019170	ENSG0000	NM_080821	116151	FAM210B	family with	-	-	GO:001602	2024	1242	0.61	-0.70	
AHsV1000	AHsV10000109	ENSG0000	NM_133491	112483	SAT2	spermidine	GO:000944	GO:000414	GO:000573	40	50	1.25	0.32	
H20000870	H200008703	ENSG0000	NM_001030	94233	OPN4	opsin 4	GO:000760	GO:000550	GO:000588	4	9	2.08	1.05	
AHsV1000	AHsV10000968	ENSG0000	XM_006710	57648	KIAA1522	KIAA1522	-	-	-	445	285	0.64	-0.65	
DHsGV100	DHsGV1000188	ENSG0000	-	55697	VAC14	Vac14 hom	GO:000664	GO:000487	GO:000013	68	63	0.93	-0.11	
DHsGV100	DHsGV1000415	-	-	-	-	-	-	-	-	35	42	1.23	0.30	
H30000497	H300004970	ENSG0000	NM_001039	644809	C15orf56	chromosom	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000027	-	XR_959424	105379852	LOC10537	uncharacte	-	-	-	192	152	0.79	-0.34	
AHsV1000	AHsV10001702	ENSG0000	XM_011536	161424	NOP9	NOP9 nucl	GO:000815	GO:004482	GO:000557	15	13	0.84	-0.25	
CHsGV100	CHsGV1000353	ENSG0000	NM_001002	158983	H2BFWT	H2B histon	GO:000633	GO:000367	GO:000078	35	33	0.93	-0.11	
CHsGV100	CHsGV1000292	ENSG0000	NM_175769	150921	TCF23	transcriptid	GO:000751	GO:004698	GO:0005634	nucleus	3			
AHsV1000	AHsV10003556	ENSG0000	NM_182520	150248	C22orf15	chromosom	-	-	-	-	-	-	-	-
AHsV1000	AHsV10001968	ENSG0000	XM_011521	146050	ZSCAN29	zinc finger	GO:000635	GO:000098	GO:000563	30	59	1.97	0.98	
CHsGV100	CHsGV1000337	ENSG0000	XM_011536	145483	FAM161B	family with	-	-	-	-	12			
AHsV1000	AHsV10002717	ENSG0000	XM_011518	138241	C9orf85	chromosom	-	-	-	48	67	1.40	0.49	
AHsV1000	AHsV10000655	ENSG0000	NM_194284	137075	CLDN23	claudin 23	GO:001633	GO:000519	GO:0005886	plasma membrane,GO:0005923 b				
CHsGV100	CHsGV1000056	ENSG0000	XR_934548	79132	DXH58	DEXH-box	GO:000815	GO:000367	GO:0005737	cytoplasm	3			
CHsGV100	CHsGV1000353	ENSG0000	NM_207459	400629	TEX19	testis expr	GO:000728	-	GO:0005737	cytoplasm	5			
AHsV1000	AHsV10002679	-	NR_073430	400110	ANKRD20A	ankyrin rep	-	-	-	362	337	0.93	-0.10	
DHsGV100	DHsGV1000064	ENSG0000	NM_001145	389493	NUPR2	nuclear pro	GO:000012	-	GO:000563	130	131	1.01	0.01	
CHsGV100	CHsGV100013	ENSG0000	NM_001001	389337	ARHGEF37	Rho guanin	GO:003502	GO:000508	GO:0005737	cytoplasm				
H20001784	H200017845	ENSG0000	NM_144773	128674	PROKR2	prokineticic	GO:000716	GO:000493	GO:000588	6	9	1.56	0.65	
AHsV1000	AHsV10000967	-	NM_152379	128061	C1orf131	chromosom	-	GO:004482	-	171	212	1.24	0.31	
DHsGV100	DHsGV1000335	ENSG0000	XM_005255	23199	GSE1	Gse1 coilec	-	GO:000551	-	13	17	1.32	0.40	
CHsGV100	CHsGV1000016	ENSG0000	XM_005267	122416	ANKRD9	ankyrin rep	-	-	-	35	35	1.02	0.02	
CHsGV100	CHsGV1000388	ENSG0000	XR_941485	115825	WDFY2	WD repeat	GO:000193	GO:000551	GO:000576	53	93	1.73	0.79	
H20001164	H200011646	ENSG0000	NM_138444	115207	KCTD12	potassium	GO:005126	GO:004482	GO:003005	19	17	0.87	-0.19	
AHsV1000	AHsV10003263	-	-	-	-	-	-	-	-	26</				

H30002146	H300021462	ENSG0000	NM_020805	57565	KLHL14	kelch like f	GO:001656	GO:000484	GO:000578	19	22	1.20	0.27
H30000180	H300001807	ENSG0000	NR_029472	6631	SNRPC	small nucle	GO:000038	GO:000372	GO:000024	8034	6022	0.75	-0.42
DHsGV100	DHsGV1000022	-	-	-	-	-	-	-	-	6	5	0.89	-0.17
DHsGV100	DHsGV1000093	-	-	-	-	-	-	-	-	397	385	0.97	-0.05
DHsGV100	DHsGV1000409	-	NG_008461	-	-	-	-	-	-	62	59	0.95	-0.07
DHsGV100	DHsGV1000535	ENSG0000	NG_032163	6605	SMARCE1	SWI/SNF r	GO:000633	GO:000097	GO:000022	99	87	0.88	-0.18
DHsGV100	DHsGV1000051	-	-	-	-	-	-	-	-	67	35	0.52	-0.94
DHsGV100	DHsGV1000006	-	XR_938304	105373065	LOC105373	uncharacte	-	-	-	-	5	-	-
DHsTV100	DHsTV1000014	-	-	-	-	-	-	-	-	6	8	1.41	0.49
DHsGV100	DHsGV1000078	ENSG0000	-	-	RP11-489B	-	-	-	-	11	17	1.53	0.62
DHsGV100	DHsGV1000188	ENSG0000	NM_001302	102724279	LOC102724	uncharacte	-	-	-	27	43	1.61	0.69
DHsGV100	DHsGV1000111	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_182838	9906	SLC35E2	solute carr	-	-	GO:001602	33	39	1.18	0.24
DHsGV100	DHsGV1000169	ENSG0000	NR_134322	728558	ENTPD1-A	ENTPD1 ar	-	-	-	74	75	1.01	0.02
H20001297	H200012979	ENSG0000	XM_011539	22849	CPEB3	cytoplasmic	GO:000012	GO:000016	GO:000563	51	58	1.14	0.19
DHsGV100	DHsGV1000330	ENSG0000	-	100288802	RPL23AP9	ribosomal p	-	-	-	64	55	0.86	-0.23
DHsGV100	DHsGV1000356	-	-	-	-	-	-	-	-	9	12	1.34	0.42
DHsGV100	DHsGV1000274	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000141	-	-	-	-	-	-	-	-	31	32	1.03	0.04
DHsGV100	DHsGV1000032	-	-	-	-	-	-	-	-	-	6	-	-
DHsGV100	DHsGV1000101	ENSG0000	-	8940	TOP3B	topoisomer	GO:000626	GO:000367	GO:000079	12	10	0.82	-0.29
DHsGV100	DHsGV1000247	-	NM_018485	27202	C5AR2	complemen	GO:000693	GO:000494	GO:000588	8	13	1.66	0.73
DHsGV100	DHsGV1000237	-	-	-	-	-	-	-	-	64	59	0.92	-0.12
DHsGV100	DHsGV1000317	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
CHsGV100	CHsGV1000332	ENSG0000	NR_130768	100996465	LCA10	lung carcin	-	-	-	-	4	-	-
AHsV1000	AHsV10001089	-	XM_011515	445347	TARP	TCR gamm	-	-	-	-	-	-	-
AHsV1000	AHsV10002652	-	NM_001005	442184	OR2B3	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:000588	plasma membrane,GO:0016021 in	-	-	-
H30002053	H300020530	ENSG0000	NM_006919	6317	SERPINB3	serpin pept	GO:000828	GO:000161	GO:0005615	extracellular space,GO:0005634 r	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000534	-	-	-	-	-	-	-	-	-	4	-	-
DHsGV100	DHsGV1000087	-	-	-	-	-	-	-	-	35	27	0.76	-0.40
DHsGV100	DHsGV1000392	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000043	ENSG0000	-	-	CTC-265F	-	-	-	-	13	13	0.99	-0.01
DHsGV100	DHsGV1000184	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000107	-	-	-	-	-	-	-	-	28	26	0.95	-0.08
DHsGV100	DHsGV1000288	-	-	-	-	-	-	-	-	34	31	0.91	-0.14
DHsGV100	DHsGV1000157	-	-	-	-	-	-	-	-	4	8	1.90	0.93
DHsGV100	DHsGV1000503	ENSG0000	NR_108030	102577424	LINC01574	long interge	-	-	-	-	-	-	-
CHsGV100	CHsGV1000180	ENSG0000	XM_005270	729238	SFTPA2	surfactant	GO:000758	GO:003024	GO:0005576	extracellular region,GO:0005578 r	-	-	-
CHsGV100	CHsGV1000060	-	NM_001129	389903	CSAG3	CSAG fami	GO:004249	-	-	90	79	0.88	-0.19
DHsGV100	DHsGV1000303	-	-	-	-	-	-	-	-	19	11	0.59	-0.76
H20000074	H200000740	ENSG0000	NM_001025	976	ADGRE5	adhesion G	GO:000692	GO:000488	GO:000561	273	209	0.77	-0.39
DHsGV100	DHsGV1000416	ENSG0000	-	-	RP5-890E	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsTV100	DHsTV1000011	ENSG0000	-	80279	CDK5RAP3	CDK5 regu	GO:000007	GO:000551	GO:0005634	nucleus,GO:0005730 nucleolus,G	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000170	-	-	-	-	-	-	-	-	5	5	1.14	0.19
DHsGV100	DHsGV1000327	-	-	-	-	-	-	-	-	-	5	-	-
DHsTV100	DHsTV1000000	-	-	-	-	-	-	-	-	-	4	-	-
DHsGV100	DHsGV1000087	-	XR_918933	105372070	LOC105372	uncharacte	-	-	-	-	5	-	-
DHsGV100	DHsGV1000220	-	XM_011542	79780	CCDC82	coiled-coil	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000414	-	-	-	-	-	-	-	-	-	6	-	-
AHsV1000	AHsV10002618	ENSG0000	NM_001130	643338	C15orf62	chromosom	GO:000726	GO:000509	GO:0005737	cytoplasm	3	-	-
DHsGV100	DHsGV1000021	ENSG0000	XR_946131	105378386	LOC105378	uncharacte	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000008	-	-	-	-	-	-	-	-	7	11	1.42	0.50
AHsV1000	AHsV10003363	ENSG0000	NM_001276	441168	FAM26F	family with	GO:003422	GO:000526	GO:0005887	integral component of plasma me	-	-	-
H20000042	H200000423	ENSG0000	NM_002947	6119	RPA3	replication	GO:000008	GO:000368	GO:000565	2965	2147	0.72	-0.47
DHsGV100	DHsGV1000034	ENSG0000	XM_011522	7760	ZNF213	zinc finger	GO:000635	GO:000370	GO:000563	17	16	0.95	-0.07
DHsGV100	DHsGV1000345	-	-	-	-	-	-	-	-	4	9	2.02	1.02
DHsGV100	DHsGV1000304	ENSG0000	NR_024270	400752	LINC01144	long interge	-	-	-	-	3	-	-
DHsGV100	DHsGV1000000	ENSG0000	NM_052859	91869	RFT1	RFT1 hom	GO:000648	GO:000531	GO:000578	23	21	0.92	-0.12
DHsGV100	DHsGV1000240	-	XR_943311	105378147	LOC105378	uncharacte	-	-	-	6	10	1.51	0.60
DHsGV100	DHsGV1000374	-	-	-	-	-	-	-	-	288	228	0.79	-0.34
DHsGV100	DHsGV1000095	ENSG0000	-	-	RP11-428C	-	-	-	-	37	31	0.85	-0.23
DHsGV100	DHsGV1000306	-	NG_029551	832	CAPZB	capping act	GO:000090	GO:000377	GO:000582	182	146	0.80	-0.32
DHsGV100	DHsGV1000145	ENSG0000	XM_011510	102723955	LOC102723	neuroblast	-	-	-	9	13	1.42	0.51
H30002156	H300021564	ENSG0000	NM_001164	51078	THAP4	THAP dom	-	GO:000367	-	718	480	0.67	-0.58
DHsGV100	DHsGV1000131	ENSG0000	NR_040108	728175	LOC728175	uncharacte	-	-	-	20	24	1.17	0.23
AHsV1000	AHsV10001059	-	NG_032165	2298	FOXD4	forkhead b	GO:000635	GO:000098	GO:000563	29	42	1.48	0.57
H20001400	H200014004	ENSG0000	NM_004341	790	CAD	carbamoyl-	GO:000005	GO:000407	GO:000563	1011	947	0.94	-0.09
DHsGV100	DHsGV1000232	-	XR_950985	101928556	LOC101928	uncharacte	-	-	-	88	92	1.04	0.05
DHsGV100	DHsGV1000038	ENSG0000	NM_001134	9806	SPOCK2	sparc/oste	GO:000716	GO:000550	GO:000557	5	11	2.34	1.23
DHsGV100	DHsGV1000074	-	-	-	-	-	-	-	-	4	10	2.36	1.24
DHsGV100	DHsGV1000541	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000552	-	-	-	-	-	-	-	-	33	32	0.97	-0.04
DHsGV100	DHsGV1000002	-	NG_023385	-	-	-	-	-	-	-	7	-	-
DHsGV100	DHsGV1000033	ENSG0000	NR_038231	284998	LINC01114	long interge	-	-	-	17	17	0.97	-0.04
DHsGV100	DHsGV1000326	-	-	-	-	-	-	-	-	6	8	1.41	0.49
H30002189	H300021899	ENSG0000	NM_001318	55052	MRPL20	mitochondr	GO:000002	GO:000373	GO:000573	2551	1725	0.68	-0.56
opHsV0400	opHsV0400012	ENSG0000	NM_001033	619208	FAM229B	family with	-	-	-	237	164	0.69	-0.54
DHsGV100	DHsGV1000103	ENSG0000	XM_005259	390937	LOC390937	Ets2 repres	-	-	-	23	25	1.09	0.12
AHsV1000	AHsV10001605	-	NM_001145	440515	ZNF506	zinc finger	GO:000635	GO:000097	GO:000563	329	247	0.75	-0.42
H30001931	H300019314	ENSG0000	NR_046115	57127	RHBG	Rh family E	GO:000699	GO:000851	GO:000588	79	63	0.79	-0.33
DHsGV100	DHsGV1000456	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000495	-	-	-	-	-	-	-	-	28	30	1.10	0.14
DHsGV100	DHsGV1000365	-	-	-	-	-	-	-	-	265	228	0.86	-0.22
DHsGV100	DHsGV1000077	ENSG0000	XM_011524	100653515	CEP295NL	CEP295 N-	-	-	GO:003151	15	18	1.17	0.23
DHsGV100	DHsGV1000107	-	-	-	-	-	-	-	-	10	11	1.17	0.22
DHsGV100	DHsGV1000112	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000541	ENSG0000	-	81109	OR11K1P	olfactory re	-	-	-	-	-	-	-
DHsGV100	DHsGV1000049	ENSG0000	-	2829	XCR1	chemokine	GO:000693	GO:000495	GO:0005829	cytosol,G	5	-	-
AHsV1000	AHsV10001245	-	-	-	-	-	-	-	-	-	4	-	-

DHsGV100	DHsGV1000476	-	NG_008154	8660	IRS2	insulin rece	GO:000016	GO:000487	GO:000582	15	20	1.32	0.40
DHsGV100	DHsGV1000484	ENSG0000	NM_152617	165918	RNF168	ring finger	GO:000072	GO:000368	GO:000015	15	22	1.47	0.56
CHsGV100	CHsGV1000015	-	NM_001657	374	AREG	amphireguli	GO:000688	GO:000512	GO:0000139	Golgi men	8		
H30001690	H300016909	ENSG0000	NM_001719	655	BMP7	bone morph	GO:000150	GO:000512	GO:0005576	extracellular region,	GO:0005615		
DHsGV100	DHsGV1000023	-	-	-	-	-	-	-	-	93	79	0.84	-0.25
DHsGV100	DHsGV1000142	ENSG0000	-	-	RP11-363J	-	-	-	-	44	40	0.91	-0.14
DHsGV100	DHsGV1000559	ENSG0000	NM_153219	147807	ZNF524	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus			
DHsGV100	DHsGV1000101	-	NM_001242	100287898	TTC34	tetratricop	-	-	-	21	18	0.88	-0.18
DHsGV100	DHsGV1000110	ENSG0000	NM_001162	728392	LOC72839	uncharacte	-	-	-	33	40	1.20	0.26
DHsGV100	DHsGV1000163	-	-	-	-	-	-	-	-	8	16	1.99	1.00
DHsGV100	DHsGV1000232	-	-	-	-	-	-	-	-	8	13	1.59	0.67
DHsGV100	DHsGV1000051	ENSG0000	NM_018218	55230	USP40	ubiquitin sp	GO:000651	GO:000823	GO:000563	4	12	2.88	1.52
DHsGV100	DHsGV1000437	ENSG0000	NM_001136	552889	ATXN7L3B	ataxin 7 lik	-	-	-	373	317	0.85	-0.24
AHsV1000	AHsV10001213	ENSG0000	NM_001042	494513	DFNB59	deafness, a	GO:000760	-	GO:0043025	neuronal	7		
opHsV0400	opHsV0400009	ENSG0000	NM_001012	440163	RNASE13	ribonucleas	-	GO:000367	GO:0005576	extracellular region			
DHsGV100	DHsGV1000235	ENSG0000	NR_036502	439949	PRKCQ-AS	PRKCQ ant	-	-	-	461	395	0.86	-0.22
H20001665	H200016651	ENSG0000	NM_012255	22803	XRN2	5'-3' exorib	GO:000073	GO:000114	GO:000563	801	840	1.05	0.07
H20001026	H200010260	ENSG0000	NM_006662	10847	SRCAP	Snf2-relate	GO:000635	GO:000367	GO:000563	50	48	0.97	-0.04
H30000057	H300000576	ENSG0000	NM_006914	6096	RORB	RAR relate	GO:000635	GO:000370	GO:000563	10	16	1.65	0.72
H30000077	H300000775	-	NR_072994	5514	PPP1R10	protein pho	GO:000635	GO:000367	GO:000078	106	131	1.24	0.31
H20000017	H200000170	ENSG0000	NM_001306	1478	CSTF2	cleavage st	GO:000039	GO:000016	GO:000563	508	345	0.68	-0.56
H20000851	H200008517	ENSG0000	NM_001675	468	ATF4	activating t	GO:000609	GO:000097	GO:000563	2734	3921	1.43	0.52
H20000274	H200002749	ENSG0000	NR_024521	81562	LMAN2L	lectin, man	GO:000645	GO:000553	GO:000013	223	206	0.93	-0.11
H20000852	H200008520	ENSG0000	XM_011538	53831	GPR84	G protein-c	GO:000720	GO:000852	GO:000588	2728	2028	0.74	-0.43
H30000648	H300006484	ENSG0000	NM_001319	1543	CYP1A1	cytochrom	GO:000166	GO:000449	GO:0005739	mitochondrion,	GO:0005789	endo	
H20001206	H200012067	ENSG0000	XM_011538	225	ABCD2	ATP bindin	GO:000003	GO:000551	GO:000577	4	7	1.66	0.73
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_006068	10333	TLR6	toll like rec	GO:000222	GO:000487	GO:000579	28	41	1.46	0.55
opHsV0400	opHsV0400010	-	-	-	-	-	-	-	-	30	36	1.18	0.24
H30001984	H300019841	ENSG0000	NM_138637	55240	STEAP3	STEAP3 m	GO:000687	GO:000551	GO:000577	227	129	0.57	-0.81
H20001081	H200010818	ENSG0000	NM_001199	6455	SH3GL1	SH3-domai	GO:000689	GO:000551	GO:000210	725	711	0.98	-0.03
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_005569	3985	LIMK2	LIM domai	GO:000646	GO:000467	GO:000563	44	39	0.88	-0.19
H20000949	H200009498	ENSG0000	NM_001916	1537	CYC1	cytochrom	GO:002290	GO:002003	GO:000563	6654	4326	0.65	-0.62
H20000627	H200006278	ENSG0000	NM_001257	967	CD63	CD63 mole	GO:000209	GO:000551	GO:000561	6104	5042	0.83	-0.28
H30001260	H300012606	ENSG0000	XM_011517	84675	TRIM55	tripartite m	GO:000716	GO:000487	GO:000563	14	17	1.26	0.34
H20001924	H200019246	ENSG0000	NM_031896	59284	CACNG7	calcium vol	GO:000681	GO:000524	GO:000588	31	27	0.86	-0.21
H30000778	H300007781	-	NM_004585	5920	RARRES3	retinoic aci	GO:000664	GO:000462	GO:001602	9	22	2.43	1.28
H30000922	H300009221	ENSG0000	XM_011525	5697	PYY	peptide YY	GO:000692	GO:000166	GO:000557	214	164	0.77	-0.38
H20001899	H200018999	ENSG0000	XM_006721	65009	NDRG4	NDRG fami	GO:000194	GO:000367	GO:000573	10	10	1.06	0.09
H30002174	H300021744	ENSG0000	NM_001309	80022	MYO15B	myosin XVI	-	-	-	18	16	0.88	-0.19
H30002070	H300020705	ENSG0000	NM_001289	3455	IFNAR2	interferon a	GO:000635	GO:000490	GO:000557	372	423	1.14	0.19
H30001907	H300019071	ENSG0000	NM_152794	64344	HIF3A	hypoxia ind	GO:000152	GO:000098	GO:0005654	nucleola	3		
H30002178	H300021780	ENSG0000	NR_033935	1639	DCTN1	dynactin su	GO:000008	GO:000377	GO:000077	41	42	1.04	0.05
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_005806	10215	OLIG2	oligodendro	GO:000012	GO:000367	GO:0005634	nucleus,	3		
H20001467	H200014671	ENSG0000	NM_004852	9480	ONECUT2	one cut ho	GO:000188	GO:000097	GO:000563	44	35	0.81	-0.31
H20000310	H200003101	ENSG0000	XM_005251	5079	PAX5	paired box	GO:000012	GO:000097	GO:000563	43	41	0.93	-0.10
H20001431	H200014315	ENSG0000	NM_001245	4782	NFIC	nuclear fac	GO:000012	GO:000097	GO:000563	31	31	1.01	0.01
H20001687	H200016872	ENSG0000	XM_011538	55801	IL26	interleukin	GO:000695	GO:000512	GO:000561	11	17	1.49	0.58
H20000182	H200001825	ENSG0000	NR_135166	6866	TAC3	tachykinin	GO:000721	GO:000510	GO:000557	57	31	0.54	-0.90
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_003007	6406	SEMG1	semenogeli	GO:000732	GO:000519	GO:000557	35	31	0.88	-0.18
H20001998	H200019984	ENSG0000	NM_080677	140735	DYNLL2	dynein light	GO:000688	GO:000377	GO:000563	174	127	0.73	-0.45
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_015848	51350	KRT76	keratin 76,	GO:000701	GO:000519	GO:000563	56	39	0.70	-0.51
H20000454	H200004548	-	NM_002278	3882	KRT32	keratin 32,	GO:000854	GO:000519	GO:0005882	intermedia	3		
H20001559	H200015599	ENSG0000	NM_018566	55432	YOD1	YOD1 deut	GO:003043	GO:000484	-	388	395	1.02	0.02
H20000139	H200001396	ENSG0000	NM_015306	23358	USP24	ubiquitin sp	GO:000651	GO:000823	GO:000573	284	274	0.97	-0.05
H30001995	H300019953	ENSG0000	NM_006598	10723	SLC12A7	solute carr	GO:000681	GO:001537	GO:0005886	plasma membrane,	GO:0005887	in	
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NR_135152	1677	DFFB	DNA fragm	GO:000630	GO:000453	GO:000079	45	34	0.76	-0.40
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_020726	57486	NLN	neurolysin	GO:000611	GO:000422	GO:000575	320	289	0.90	-0.15
H20001571	H200015714	ENSG0000	NM_007238	11264	PXMP4	peroxisoma	GO:000815	GO:000551	GO:000577	67	62	0.92	-0.11
H20000328	H200003287	ENSG0000	NM_001271	9861	PSMD6	proteasome	GO:000008	GO:000551	GO:000050	2149	1579	0.73	-0.44
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_001136	351	APP	amyloid bet	GO:000187	GO:000367	GO:000557	4	8	2.11	1.07
H20000726	H200007263	ENSG0000	XM_011509	2703	GJA8	gap junctio	GO:000208	GO:000524	GO:000588	20	20	1.00	0.00
H30001841	H300018413	ENSG0000	XM_011517	5646	PRSS3	protease, s	GO:000650	GO:000425	GO:000557	24	72	3.04	1.60
H20000811	H200008115	ENSG0000	XM_005269	10105	PIPF	peptidylpro	GO:000041	GO:000375	GO:000575	1466	952	0.65	-0.62
H30001927	H300019277	ENSG0000	XM_011534	4245	MGAT1	mannosyl (GO:000170	GO:000382	GO:000013	148	140	0.95	-0.08
H30001864	H300018647	ENSG0000	XM_011536	4140	MARK3	microtubule	GO:000016	GO:000467	GO:000582	282	244	0.87	-0.21
H20001238	H200012382	ENSG0000	NM_016426	51512	GTSE1	G2 and S-r	GO:000697	GO:000367	GO:000588	502	483	0.96	-0.06
H30001843	H300018433	ENSG0000	XM_011544	25960	ADGRA2	adhesion G	GO:000204	GO:000493	GO:000588	34	26	0.76	-0.39
H20001536	H200015367	ENSG0000	NR_024602	22802	CLCA4	chloride ch	GO:000650	GO:000522	GO:0005886	plasma m	5		
H20000158	H200001588	ENSG0000	NM_001308	8731	RNMT	RNA (guan	GO:000636	GO:000372	GO:000563	366	313	0.85	-0.23
H20001301	H200013010	ENSG0000	XR_927529	7586	ZKSCAN1	zinc finger	GO:000635	GO:000370	GO:000563	68	84	1.24	0.31
H20001309	H200013096	ENSG0000	NM_002316	4010	LMX1B	LIM homeo	GO:000170	GO:000097	GO:0005634	nucleus	8		
H20000315	H200003159	ENSG0000	NM_002147	3215	HOXB5	homeobox	GO:000636	GO:000098	GO:000563	84	75	0.89	-0.17
H30000128	H300001286	ENSG0000	XM_011522	3483	IGFALS	insulin like	GO:000715	GO:000552	GO:000557	113	94	0.83	-0.27
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001037	5142	PDE4B	phosphodie	GO:000178	GO:000411	GO:000093	66	55	0.83	-0.27
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	NM_001128	5094	PCBP2	poly(rC) bir	GO:000039	GO:000367	GO:000563	3014	2190	0.73	-0.46
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_152331	122970	ACOT4	acyl-CoA t	GO:000003	GO:000477	GO:0005777	peroxisom	3		
H30001341	H300013410	ENSG0000	XM_011509	127833	SYT2	synaptotag	GO:000726	GO:000550	GO:000588	54	50	0.93	-0.11
H30000229	H300002291	ENSG0000	NM_130770	170572	HTR3C	5-hydroxyt	GO:000721	GO:000488	GO:000588	174	143	0.82	-0.28
H30001844	H300018445	ENSG0000	XM_006718	55761	TTC17	tetratricop	GO:003004	GO:000551	GO:000573	212	295	1.39	0.48
H30000391	H300003913	ENSG0000	NM_006809	10953	TOMM34	translocase	GO:000662	GO:000551	GO:000563	389	390	1.00	0.00
H20000342	H200003420	ENSG0000	NM_001286	64092	SAMSN1	SAM domai	GO:000282	GO:000178	GO:000172	3552	2569	0.72	-0.47
H20001777	H200017770	ENSG0000	NM_001306	10017	BCL2L10	BCL2 like	GO:000691	GO:000551	GO:0005739	mitochond	4		
H20000866	H200008667	ENSG0000	NM_004545	4707	NDUFB1	NADH:ubiq	GO:000612	GO:000813	GO:000574	2910	2215	0.76	-0.39
H30000888	H300008885	ENSG0000	NM_002642										

H30002005	H300020054	ENSG0000	XM_011515	8379	MAD1L1	MAD1 mito	GO:000027	GO:000551	GO:000077	58	66	1.14	0.19
H30002187	H300021875	-	NR_103521	10288	LILRB2	leukocyte i	GO:000225	GO:000487	GO:0005615	extracellu	3		
H20000014	H200000147	ENSG0000	NM_000147	2517	FUCA1	fucosidase	GO:000600	GO:000456	GO:000573	591	690	1.17	0.22
H20000529	H200005291	ENSG0000	NM_006567	10667	FARS2	phenylalan	GO:000641	GO:000004	GO:000573	283	265	0.93	-0.10
H20000855	H200008552	ENSG0000	NM_017721	54862	CC2D1A	coiled-coil	GO:000012	GO:000097	GO:000563	17	27	1.61	0.69
H30001992	H300019922	ENSG0000	NM_003250	7067	THRA	thyroid hor	GO:000150	GO:000215	GO:000563	17	19	1.10	0.14
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_011525	6871	TADA2A	transcripti	GO:000632	GO:000367	GO:000012	289	303	1.05	0.07
H20000658	H200006580	ENSG0000	XM_005254	2553	GABPB1	GA binding	GO:000635	GO:000370	GO:000563	345	355	1.03	0.04
H30001842	H300018420	ENSG0000	NM_202001	2067	ERCC1	excision re	GO:000072	GO:000001	GO:000010	349	424	1.21	0.28
H20000203	H200002038	ENSG0000	XM_011525	9969	MED13	mediator c	GO:000636	GO:000110	GO:000563	185	248	1.34	0.42
H20001329	H200013298	ENSG0000	XM_006716	5982	RFC2	replication	GO:000027	GO:000368	GO:000565	1309	1160	0.89	-0.17
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_178134	19974	CYP4Z1	cytochrom	GO:005511	GO:000550	GO:0005789	endoplasr	7		
H20001038	H200010380	ENSG0000	NM_021139	7363	UGT2B4	UDP glucur	GO:000671	GO:000197	GO:0005789	endoplasr	5		
H30000447	H300004475	ENSG0000	NM_001204	2557	GABRA4	gamma-am	GO:000681	GO:000489	GO:0005886	plasma m	10		
H20002120	H200021200	ENSG0000	XM_011520	8050	PDHX	pyruvate de	GO:000609	GO:000551	GO:000575	619	595	0.96	-0.06
H20001214	H200012149	ENSG0000	NM_000358	7045	TGFB1	transformin	GO:000152	GO:000517	GO:0005576	extracellu	5		
H20000371	H200003715	ENSG0000	XM_011545	51760	SYT17	synaptotag	GO:000688	GO:000550	GO:0005802	trans-Golgi network,GO:0016020			
H30000074	H300000741	ENSG0000	-	440737	RPL35P1	ribosomal p	-	-	-	8178	7106	0.87	-0.20
H20001037	H200010376	ENSG0000	NM_001128	1591	CYP24A1	cytochrom	GO:000164	GO:000550	GO:0005634	nucleus,GO	9		
H30000081	H300000814	ENSG0000	XM_011536	38790	TOMM20L	translocase	GO:001603	GO:001526	GO:000574	29	33	1.17	0.23
H20001506	H200015066	ENSG0000	NM_001114	79933	SYNPO2L	synaptopod	-	GO:000377	GO:000563	5	13	2.38	1.25
H20000498	H200004988	ENSG0000	NM_006063	10324	KLHL41	kelch like f	GO:000694	GO:000484	GO:0001726	ruffle,GO:	7		
H20001597	H200015977	ENSG0000	NM_012283	26251	KCNG2	potassium	GO:000611	GO:000525	GO:000588	6	13	2.29	1.20
H20001206	H200012064	ENSG0000	NM_002251	3787	KCNS1	potassium	GO:000681	GO:000525	GO:0005886	plasma m	7		
H20002114	H200021148	ENSG0000	XM_011522	9088	PKMYT1	protein kin	GO:000007	GO:000467	GO:000013	53	70	1.31	0.39
H20000652	H200006522	ENSG0000	XM_011517	4882	NPR2	natriuretic	GO:000150	GO:000401	GO:000588	55	51	0.93	-0.11
H30002237	H300022378	-	NM_020242	56992	KIF15	kinesin fam	GO:000701	GO:000367	GO:000581	276	361	1.31	0.39
H20001085	H200010852	ENSG0000	NM_001257	83737	ITCH	itchy E3 ub	GO:000155	GO:000484	GO:000563	89	114	1.27	0.35
H20001669	H200016697	ENSG0000	NM_032048	84034	EMILIN2	elastin mic	GO:000715	GO:000551	GO:0005576	extracellu	10		
H20000596	H200005961	ENSG0000	NM_001387	1809	DPYSL3	dihydropyri	GO:000741	GO:000551	GO:000561	26	28	1.06	0.08
H30000974	H300009743	ENSG0000	XM_006710	79656	BEND5	BEN domai	GO:000635	GO:000367	GO:0005794	Golgi apparatus			
H20001643	H200016433	ENSG0000	NM_017647	117246	FTSJ3	FtsJ homo	GO:000045	GO:000551	GO:000563	889	736	0.83	-0.27
H20000465	H200004651	-	-	-	-	-	-	-	-	29	39	1.36	0.44
H20001179	H200011791	ENSG0000	NR_038160	28977	MRPL42	mitochondr	GO:000641	GO:000373	GO:000573	2488	2274	0.91	-0.13
H20001528	H200015282	ENSG0000	NM_024886	79946	C10orf95	chromosom	-	GO:000551	-	32	23	0.70	-0.52
H20000369	H200003691	ENSG0000	NM_001136	84886	C1orf198	chromosom	-	-	GO:000573	137	136	0.99	-0.02
H20000658	H200006585	ENSG0000	XM_005268	10988	METAP2	methionyl a	GO:000760	GO:000417	GO:000573	3602	2648	0.74	-0.44
H20000231	H200002314	ENSG0000	NM_024092	79073	TMEM109	transmemb	GO:000681	GO:000367	GO:000564	412	347	0.84	-0.25
H20001496	H200014969	ENSG0000	NM_003021	6449	SGTA	small glutar	GO:000815	GO:000551	GO:000573	447	323	0.72	-0.47
H20000333	H200003336	ENSG0000	XM_011521	57617	VPS18	VPS18, CO	GO:000688	GO:000377	GO:000576	67	60	0.89	-0.16
H20000008	H200000081	ENSG0000	XM_011514	3096	HIVEP1	human imm	GO:000012	GO:000098	GO:000563	85	118	1.39	0.47
H20000799	H200007996	ENSG0000	NM_018180	55760	DHX32	DEAH-box	GO:000639	GO:000400	GO:000568	339	310	0.91	-0.13
H20001081	H200010810	ENSG0000	XM_011525	83990	BRIP1	BRCA1 int	GO:000007	GO:000367	GO:000563	63	98	1.57	0.65
H20000865	H200008653	-	NM_001199	202658	TRIM39-RT	TRIM39-RT	-	-	-	1913	1326	0.69	-0.53
H20001067	H200010671	ENSG0000	XM_006722	79736	TEFM	transcripti	GO:000611	GO:000551	GO:000573	770	664	0.86	-0.21
H20002023	H200020238	ENSG0000	NM_138440	114990	VASN	vasorin	GO:001071	GO:000551	GO:000561	12	29	2.35	1.23
H20001028	H200010287	ENSG0000	NM_152457	146434	ZNF597	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus	9		
H20001194	H200011946	ENSG0000	NM_002440	4438	MSH4	mutS homc	GO:000154	GO:000367	GO:0000795	synaptonemal complex,GO:00056			
H20000965	H200009656	ENSG0000	XM_011520	57102	C12orf4	chromosom	GO:004330	-	GO:000573	275	278	1.01	0.01
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_181686	353332	KRTAP12-	keratin ass	-	GO:000551	GO:004509	33	32	0.96	-0.07
H30000734	H300007343	ENSG0000	NM_178545	339456	TMEM52	transmemb	-	-	GO:001602	379	187	0.49	-1.02
H30001145	H300011457	ENSG0000	XM_011536	161436	EML5	echinoderm	GO:000815	GO:000367	GO:0005737	cytoplasm	8		
H20001097	H200010976	ENSG0000	NM_001040	153218	SPINK13	serine pept	GO:000604	GO:000486	GO:000166	8	9	1.09	0.13
H20001560	H200015603	ENSG0000	NM_001134	115362	GBP5	guanylate b	GO:000695	GO:000392	GO:000013	9	12	1.31	0.39
H30002277	H300022775	ENSG0000	NM_138423	113201	CASC4	cancer sus	-	-	GO:000579	235	253	1.08	0.11
H20000028	H200000285	ENSG0000	NM_001172	6908	TBP	TATA-box	GO:000018	GO:000097	GO:000193	628	519	0.83	-0.27
H30001534	H300015346	ENSG0000	NM_014885	10393	ANAPC10	anaphase p	GO:000027	-	GO:000565	209	167	0.80	-0.33
H20000321	H200003214	ENSG0000	NR_033703	55892	MYNN	myoneurin	GO:000635	GO:000367	GO:000563	500	384	0.77	-0.38
H20001805	H200018057	ENSG0000	NM_147192	127343	DMBX1	diencephal	GO:000012	GO:000097	GO:000563	29	28	0.96	-0.05
H20001547	H200015479	ENSG0000	NM_001317	147686	ZNF418	zinc finger	GO:000635	GO:000097	GO:0005634	nucleus			
H20001238	H200012381	ENSG0000	NM_001300	57821	CCDC181	coiled-coil	-	-	GO:0005654	nucleoplasm			
H20001985	H200019851	ENSG0000	NM_001162	9181	ARHGEF2	Rho/Rac g	GO:000013	GO:000508	GO:000573	35	87	2.52	1.33
H20000569	H200005696	ENSG0000	NM_018983	54433	GAR1	GAR1 ribor	GO:000152	GO:000526	GO:000078	2052	1432	0.70	-0.52
H20000658	H200006586	ENSG0000	NM_000386	642	BLMH	bleomycin	GO:000020	GO:000417	GO:000563	1533	1255	0.82	-0.29
H20000229	H200002298	ENSG0000	NM_024562	79613	TANGO6	transport a	-	-	GO:001602	55	51	0.93	-0.11
H20000103	H200001037	ENSG0000	NM_203473	64840	PORCN	porcupine h	GO:000649	GO:001714	GO:000578	41	40	0.97	-0.05
H20001118	H200011182	ENSG0000	XM_011523	54947	LPCAT2	lysophosph	GO:000664	GO:000384	GO:000013	186	251	1.35	0.43
H20001203	H200012033	ENSG0000	NM_003417	9422	ZNF264	zinc finger	GO:000635	GO:000097	GO:000563	49	45	0.92	-0.12
H20001801	H200018012	ENSG0000	XM_011541	63976	PRDM16	PR domain	GO:000012	GO:000371	GO:000563	8	13	1.65	0.72
H20000184	H200001840	ENSG0000	NM_020196	56949	XAB2	XPA bindin	GO:000034	GO:000551	GO:000097	17	24	1.44	0.53
H20000336	H200003360	ENSG0000	NM_032492	84522	JAGN1	jagunal hor	GO:000244	GO:000551	GO:000578	1504	985	0.65	-0.61
H20001498	H200014984	ENSG0000	XM_011523	63826	SRR	serine race	GO:000656	GO:000028	GO:000573	366	317	0.87	-0.21
H20001816	H200018165	ENSG0000	NM_030774	81285	OR51E2	olfactory re	GO:000718	GO:000370	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021 in			
H20001742	H200017424	ENSG0000	NR_110229	28990	ASTE1	asteroid ho	GO:000628	GO:000451	-	108	102	0.95	-0.08
H20000064	H200000645	ENSG0000	XM_011545	823	CAPN1	calpain 1	GO:000650	GO:000419	GO:000573	275	221	0.80	-0.31
H20001268	H200012686	ENSG0000	XM_011524	317719	KLHL10	kelch like f	GO:000090	GO:000484	GO:000573	25	22	0.89	-0.17
H30000873	H300008738	ENSG0000	NM_178520	284186	TMEM105	transmemb	-	-	GO:001602	10	13	1.30	0.38
H30000098	H300000983	ENSG0000	NM_139171	147323	STARD6	StAR relat	GO:000686	GO:000828	-	7	10	1.51	0.60
H30000665	H300006651	ENSG0000	NM_139074	140850	DEFB127	defensin be	GO:004274	GO:000551	GO:000557	5	12	2.44	1.29
H30001902	H300019023	ENSG0000	NM_139160	91614	DEPDC7	DEP domai	GO:000726	GO:000367	GO:000557	245	209	0.85	-0.23
H20001058	H200010586	ENSG0000	XM_005271	85440	DOCK7	dedicator o	GO:000022	GO:000508	GO:000592	133	169	1.27	0.35
H30001332	H300013323	ENSG0000	NM_001291	27127	SMC1B	structural r	GO:000706	GO:000367	GO:000077	32	31	0.98	-0.03
H20001390	H200013902	ENSG0000	NM_001135	114905	C1QTNF7	C1q and tu	GO:005126						

H20000530	H200005300	ENSG0000	NM_006735	3199	HOXA2	homeobox	GO:000012	GO:000097	GO:0005654	nucleoplasm				
H20001433	H200014333	ENSG0000	NM_006652	10816	SPINT3	serine pept	GO:001095	GO:000486	GO:0005576	extracellular region				
H20001148	H200011487	ENSG0000	NM_021178	57820	CCNB1IP1	cyclin B1 in	GO:000182	GO:000551	GO:000079	1641	1812	1.10	0.14	
H20000267	H200002670	ENSG0000	NM_001080	57662	CAMSAP3	calmodulin	GO:000022	GO:000551	GO:000573	54	37	0.69	-0.53	
H20001130	H200011301	ENSG0000	NM_031454	83642	SELO	selenoprote	-	-	-	165	123	0.75	-0.42	
H20002102	H200021020	ENSG0000	XR_929279	54840	APTX	aprataxin	GO:000001	GO:000368	GO:000078	467	416	0.89	-0.17	
H20001588	H200015882	ENSG0000	NM_001114	50943	FOXP3	forkhead bo	GO:000012	GO:000098	GO:000563	39	42	1.08	0.11	
H20001911	H200019112	ENSG0000	NM_023931	65988	ZNF747	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000562	71	67	0.93	-0.10	
H20000384	H200003846	ENSG0000	NR_049731	84689	MS4A14	membrane	-	-	GO:0016021	integral c	3			
H20000651	H200006518	ENSG0000	XM_005270	8509	NDST2	N-deacetyl	GO:000200	GO:001501	GO:000013	305	369	1.21	0.28	
H20001594	H200015945	ENSG0000	NM_172238	83741	TFAP2D	transcripti	GO:000635	GO:000097	GO:000563	48	36	0.76	-0.40	
H20001905	H200019057	ENSG0000	NM_032118	84058	WDR54	WD repeat	-	-	-	123	86	0.70	-0.52	
H30002065	H300020654	ENSG0000	NM_152787	257397	TAB3	TGF-beta	GO:000018	GO:000551	GO:000565	80	94	1.18	0.23	
H30001929	H300019295	ENSG0000	XM_006721	246176	GAS2L2	growth arre	GO:000157	GO:000801	GO:000172	38	29	0.76	-0.39	
H30002092	H300020925	ENSG0000	NM_139281	134430	WDR36	WD repeat	GO:000189	GO:004482	GO:000557	874	632	0.72	-0.47	
H30000376	H300003767	ENSG0000	NM_152384	129880	BBS5	Bardet-Bie	GO:000194	GO:000110	GO:000562	50	48	0.96	-0.06	
H20001965	H200019654	ENSG0000	NM_001319	84727	SPSB2	splA/ryano	GO:000815	GO:000367	GO:000557	222	187	0.84	-0.25	
H20001157	H200011570	ENSG0000	NM_032273	84233	TMEM126A	transmemb	GO:002155	GO:000367	GO:000573	3354	2806	0.84	-0.26	
H20000426	H200004265	ENSG0000	NM_001136	119032	BORCS7	BLOC-1 re	-	-	-	188	159	0.85	-0.23	
H20001013	H200010138	ENSG0000	NM_012096	26060	APPL1	adaptor pro	GO:000691	GO:000551	GO:000563	201	208	1.04	0.05	
H20001402	H200014029	ENSG0000	NM_004681	9086	EIF1AY	eukaryotic	GO:000641	GO:000374	-					
H20001648	H200016482	ENSG0000	-	-	AC025171	-	-	-	-	45	59	1.32	0.40	
H20001242	H200012429	ENSG0000	NM_005323	3010	HIST1H1T	histone clu	GO:000633	GO:000367	GO:000078	19	23	1.23	0.30	
H20001769	H200017694	ENSG0000	NM_018939	56130	PCDH6B	protocadhe	GO:000715	GO:000550	GO:0005887	integral component of plasma me				
H20001211	H200012114	ENSG0000	XM_006715	892	CCNC	cyclin C	GO:000635	GO:000551	GO:000015	2075	1574	0.76	-0.40	
H20000404	H200004042	ENSG0000	NM_001025	27106	ARRDC2	arrestin do	GO:000716	-	GO:000588	106	114	1.08	0.11	
H20000143	H200001433	ENSG0000	NM_020209	56961	SHD	Src homolo	-	GO:000551	-	22	23	1.07	0.09	
H20001066	H200010666	ENSG0000	NM_024681	79734	KCTD17	potassium	GO:003003	GO:000551	GO:000573	29	33	1.14	0.19	
H20001400	H200014005	ENSG0000	NR_134304	8220	DGCR14	DiGeorge s	GO:000039	GO:000367	GO:000563	249	207	0.83	-0.27	
H20000236	H200002362	ENSG0000	NM_018079	55133	SRBD1	S1 RNA bir	GO:000613	GO:000372	-	163	192	1.17	0.23	
H20001985	H200019852	ENSG0000	NM_145232	90353	CTU1	cytosolic th	GO:000209	GO:000004	GO:000573	98	73	0.75	-0.42	
H30001726	H300017266	ENSG0000	NM_001242	26468	LHX6	LIM homeo	GO:000635	GO:000370	GO:000563	175	129	0.74	-0.43	
H20001732	H200017323	ENSG0000	NM_015360	23517	SKIV2L2	Ski2 like R	GO:000039	GO:000372	GO:000017	1494	1368	0.92	-0.13	
H20001145	H200011450	ENSG0000	NM_198147	116236	ABHD15	abhydrolas	GO:000815	GO:001678	GO:000557	75	106	1.42	0.50	
H20001234	H200012349	ENSG0000	NM_001258	84936	ZFYVE19	zinc finger	GO:000704	GO:000551	GO:000573	219	209	0.96	-0.06	
H20001273	H200012732	ENSG0000	XM_005266	116225	ZMYND19	zinc finger	-	GO:000551	GO:000573	567	497	0.88	-0.19	
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_001136	23784	POTEH	POTE anky	-	-	-	27	35	1.27	0.34	
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	NM_207410	389400	GFRAL	GDNF fami	GO:003109	-	GO:0005622	intracellul	8			
opHsV0400	opHsV0400010	ENSG0000	NM_001005	219527	LRR55	leucine ric	GO:000681	-	GO:000588	11	15	1.39	0.47	
H20001280	H200012801	ENSG0000	NM_145296	199731	CADM4	cell adhesi	GO:000715	GO:000487	GO:000588	41	42	1.01	0.02	
H30000555	H300005551	ENSG0000	XM_011524	124842	TMEM132E	transmemb	-	-	GO:001602	12	15	1.24	0.31	
H20002123	H200021238	ENSG0000	NM_058219	118460	EXOSC6	exosome c	GO:000028	GO:000453	GO:000017	156	127	0.81	-0.30	
H30001973	H300019735	ENSG0000	NM_001184	83692	CD99L2	CD99 mole	GO:000715	GO:000551	GO:000588	11	20	1.89	0.92	
H20001955	H200019551	-	NM_001178	80736	SLC44A4	solute carr	GO:000664	-	GO:000588	434	504	1.16	0.21	
H20000341	H200003415	ENSG0000	XM_005267	10278	EFS	embryonal	GO:000715	GO:000551	GO:000573	17	23	1.35	0.44	
H20001216	H200012169	ENSG0000	XR_946793	8880	FUBP1	far upstrea	GO:000636	GO:000120	GO:000563	807	752	0.93	-0.10	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011535	2706	GJB2	gap junctio	GO:000681	GO:000524	GO:0005793	endoplasmic reticulum-Golgi inte				
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_153695	195828	ZNF367	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	44	56	1.26	0.34	
H30000762	H300007627	ENSG0000	NR_026866	132200	C3orf49	chromosom	GO:001619	-	GO:001602	58	47	0.81	-0.31	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_001134	317649	EIF4E3	eukaryotic	GO:000641	GO:000374	GO:000582	17	21	1.21	0.27	
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_206965	10841	FTCD	formimidoy	GO:000654	GO:000551	GO:0000139	Golgi men	9			
H30000691	H300006912	ENSG0000	XM_005255	29800	ZDHHC1	zinc finger	GO:001834	GO:000367	GO:0005783	endoplasm	5			
H30000393	H300003937	ENSG0000	XM_011524	146956	EME1	essential m	GO:000072	GO:000367	GO:000563	198	228	1.15	0.20	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_054027	56172	ANKH	ANKH inorg	GO:000150	GO:000531	GO:000588	89	93	1.05	0.07	
H20001197	H200011971	ENSG0000	NM_173822	285172	FAM126B	family with	-	GO:000551	GO:000562	131	169	1.29	0.37	
H20001184	H200011848	ENSG0000	XM_005254	440279	UNC13C	unc-13 hor	GO:000688	GO:001999	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005886	plasma m			
H20000585	H200005854	ENSG0000	NM_001199	129446	XIRP2	xin actin bi	GO:000328	GO:000377	GO:0030018	Z disc,GO:0030054	cell junction			
H20001346	H200013467	ENSG0000	NM_152550	153769	SH3RF2	SH3 domai	GO:001092	GO:000486	GO:000565	5	6	1.21	0.27	
H20002042	H200020429	ENSG0000	NM_001077	51611	DPH5	diphthamid	GO:001718	GO:000416	GO:000557	1181	1267	1.07	0.10	
H30001019	H300010198	ENSG0000	XM_011544	220047	CCDC83	coiled-coil	-	-	-					
H30002044	H300020445	ENSG0000	XM_005252	3688	ITGB1	integrin sub	GO:000008	GO:000161	GO:000166	2608	2583	0.99	-0.01	
H30000354	H300003549	ENSG0000	NM_144723	153527	ZMAT2	zinc finger	GO:000039	GO:000367	GO:004654	1026	905	0.88	-0.18	
H30000866	H300008664	ENSG0000	NM_031916	83853	ROPN1L	rhopilin as	GO:000335	GO:000551	GO:000573	18	13	0.68	-0.55	
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NR_104257	63977	PRDM15	PR domain	GO:000635	GO:000097	GO:000563	76	56	0.73	-0.45	
H30002016	H300020160	ENSG0000	NM_001267	146862	UNC45B	unc-45 my	GO:000208	GO:000551	GO:000573	34	33	0.96	-0.06	
H30001017	H300010174	-	XM_006715	346171	ZFP57	ZFP57 zinc	GO:000012	GO:000367	GO:000572	9	8	0.94	-0.08	
H30000474	H300004740	ENSG0000	NM_001004	347168	OR1J1	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:000588	1337	1229	0.92	-0.12	
H20000145	H200001457	ENSG0000	NM_018366	55330	BLOC1S4	biogenesis	GO:000689	GO:000551	GO:000573	595	361	0.61	-0.72	
H20000118	H200001189	ENSG0000	NM_030628	80789	INTS5	integrator c	GO:001618	GO:000551	GO:000563	188	116	0.62	-0.70	
H20001188	H200011884	ENSG0000	NM_207644	388886	LRR57B	leucine ric	-	-	-	38	44	1.15	0.21	
H20000738	H200007382	-	NR_026806	79857	FLJ13224	uncharacte	-	-	-	8	10	1.30	0.38	
H20000936	H200009361	ENSG0000	XM_005274	80198	MUS81	MUS81 str	GO:000072	GO:000367	GO:000563	409	485	1.18	0.24	
H30000236	H300002365	ENSG0000	NM_032177	51808	PHAX	phosphoryl	GO:000038	GO:000372	GO:000563	418	331	0.79	-0.34	
H30000542	H300005428	-	-	-	-	-	-	-	-	2862	2114	0.74	-0.44	
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_024041	79005	SCNM1	sodium cha	GO:000639	GO:000551	GO:000563	1225	1275	1.04	0.06	
H30000449	H300004491	ENSG0000	-	-	AC007364	-	-	-	-	30	21	0.69	-0.55	
H30000973	H300009735	ENSG0000	NM_053277	54102	CLIC6	chloride int	GO:000674	GO:000436	GO:0005634	nucleus,GO:0005737	cytoplasm,C			
H30001582	H300015822	ENSG0000	NM_058163	90121	TSR2	TSR2, 20S	GO:000046	GO:000551	GO:000563	164	133	0.81	-0.30	
H30000237	H300002378	ENSG0000	XM_005255	339145	FAM92B	family with	-	-	-	71	56	0.79	-0.34	
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_002729	3087	HHEX	hematopoie	GO:000012	GO:000097	GO:000563	2163	1391	0.64	-0.64	
H20000800	H200008005	ENSG0000	NM_019593	56261	GPCPD1	glyceropho	GO:000664	GO:000888	GO:000582	127	203	1.60	0.68	
H20001069	H200010698	ENSG0000	NM_007003	9506	PAGE4	PAGE fami	GO:000815	GO:000367	GO:0005575	cellular_cd	3			
H30001159	H300011599	ENSG0000	NM_001168	200634	KRTCAP3	keratinocyt	-	-	GO:001602	56	45	0.80	-0.32</	

opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011521	55070	DET1	de-etiolate	-	-	GO:000563	374	361	0.97	-0.05
H30000876	H300008761	ENSG0000	NM_001039	643866	CBLN3	cerebellin 3	-	-	GO:000561	17	19	1.18	0.23
H30001600	H300016007	ENSG0000	NR_072989	221938	MMD2	monocyte	GO:000646	GO:000467	GO:000013	77	60	0.78	-0.36
H30000365	H300003659	ENSG0000	NM_033213	93474	ZNF670	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	178	167	0.94	-0.10
H20000357	H200003572	ENSG0000	NM_052846	90187	EMILIN3	elastin mic	-	-	GO:0005578	proteinaceous extracellular matri			
H20000164	H200001640	ENSG0000	NM_001318	25987	TSKU	tsukushi, sr	GO:001046	-	GO:000561	232	156	0.67	-0.57
H20000747	H200007473	ENSG0000	NM_001289	7694	ZNF135	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	13	16	1.18	0.24
H20001799	H200017991	ENSG0000	NM_001199	3234	HOXD8	homeobox	GO:000012	GO:000097	GO:0005634	nucleus	3		
H20000322	H200003221	ENSG0000	NM_020927	57687	VAT1L	vesicle ami	GO:0005511	GO:000551	-	47	36	0.77	-0.37
H30000675	H300006754	ENSG0000	XM_011515	392862	GRID2IP	Grid2 inter	GO:006029	-	GO:003005	16	13	0.79	-0.35
H30000142	H300001426	ENSG0000	NM_001163	340069	FAM170A	family with	GO:000636	GO:000367	GO:000563	24	20	0.84	-0.25
H30000023	H300000238	ENSG0000	NM_001017	164045	HFM1, ATF	HFM1, ATF	GO:000071	GO:000367	-	38	47	1.22	0.29
H30002081	H300020814	ENSG0000	XM_005263	9903	KLHL21	kelch like f	GO:000706	GO:000484	GO:000573	70	56	0.80	-0.32
H30001029	H300010292	ENSG0000	XM_011516	254048	UBN2	ubiquitin	-	-	GO:000561	62	45	0.72	-0.47
H30002063	H300020633	ENSG0000	NM_001967	1974	EIF4A2	eukaryotic	GO:000028	GO:000374	GO:000582	3554	3496	0.98	-0.02
H30000501	H300005011	ENSG0000	XM_005252	120534	ARL14EP	ADP ribosy	-	GO:000551	GO:000573	574	425	0.74	-0.43
H30001434	H300014347	ENSG0000	XM_011537	60485	SAV1	salvador fa	GO:000194	GO:000551	GO:000563	507	409	0.81	-0.31
H20001461	H200014612	ENSG0000	XM_011537	83694	RPS6KL1	ribosomal p	GO:000646	GO:000467	GO:000573	5	7	1.46	0.55
H20001886	H200018866	ENSG0000	NR_103510	85007	PHYKPL	5-phospho	GO:000655	GO:000551	GO:000575	48	80	1.68	0.74
H20001094	H200010941	ENSG0000	XM_011538	85478	CCDC65	coiled-coil	-	-	-				
H20001189	H200011898	ENSG0000	NM_020879	57639	CCDC146	coiled-coil	-	GO:000551	GO:0005814	centriole	7		
H20000262	H200002625	ENSG0000	NR_037947	54888	NSUN2	NOP2/Sun	GO:000640	GO:000004	GO:000563	1879	1252	0.67	-0.59
H30001283	H300012835	ENSG0000	XM_011540	84457	PHYHIPL	phytanoyl-	-	GO:000551	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005739	mitochon		
H30000824	H300008245	ENSG0000	XM_011517	340419	RSPO2	R-spondin	GO:000164	GO:000510	GO:000557	27	25	0.92	-0.11
H30000864	H300008647	ENSG0000	NM_174898	129530	LYG1	lysozyme g	GO:000925	GO:000379	GO:000557	280	213	0.76	-0.40
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NR_049764	23219	FBXO28	F-box prot	-	GO:000551	-	291	254	0.87	-0.20
opHsV0400	opHsV0400009	ENSG0000	XM_011537	114795	TMEM132E	transmemb	GO:000815	GO:000367	GO:000557	56	46	0.82	-0.28
H30000315	H300003154	ENSG0000	NR_125755	400916	CHCHD10	coiled-coil	GO:000611	GO:000367	GO:000573	2196	1318	0.60	-0.74
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	-	54490	UGT2B28	UDP glucur	GO:000680	GO:001502	GO:0005783	endoplasmic reticulum,GO:00057			
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_024693	79746	ECHDC3	enoyl-CoA	GO:000815	GO:000382	GO:000573	117	87	0.74	-0.43
H20000079	H200000795	ENSG0000	NM_032881	84967	LSM10	LSM10, U7	GO:000636	GO:000551	GO:000563	1272	1186	0.93	-0.10
H20000579	H200005798	-	XM_005256	55783	CMTR2	cap methyl	GO:000637	GO:000448	GO:000563	199	181	0.91	-0.13
H20001442	H200014422	ENSG0000	XR_949787	117144	CATSPER1	cation char	GO:000727	GO:000522	GO:000588	10	25	2.66	1.41
H20001444	H200014444	ENSG0000	XM_011522	9543	IGDCC3	immunoglob	GO:005088	-	GO:000588	24	24	1.03	0.04
H20001229	H200012295	ENSG0000	XR_944500	121355	GTSF1	gametocyte	GO:000728	GO:004687	GO:000573	3383	2685	0.79	-0.33
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_032028	83942	TSSK1B	testis spec	GO:000646	GO:000028	GO:0001669	acrosomal vesicle,GO:0005737	cy		
H30000845	H300008456	ENSG0000	NM_152672	200931	SLC51A	solute carr	GO:000681	GO:000521	GO:0005789	endoplasmic reticulum membrane			
opHsV0400	opHsV0400000	-	XM_011514	10665	C6orf10	chromosom	-	-	GO:000563	6	10	1.77	0.82
H30000733	H300007333	ENSG0000	-	-	RP4-801G	-	-	-	-	5			
H30002061	H300020615	ENSG0000	XM_011518	23552	CDK20	cyclin-depe	GO:000646	GO:000469	GO:000563	72	51	0.70	-0.51
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_011537	9056	SCL7A7	solute carr	GO:000082	GO:001517	GO:000588	11	18	1.62	0.70
H30001667	H300016675	ENSG0000	NM_144643	132320	SCLT1	sodium cha	GO:000699	GO:000802	GO:000581	378	448	1.18	0.24
H30000091	H300000911	ENSG0000	NM_152318	121053	C12orf45	chromosom	-	-	-	1238	1235	1.00	0.00
H20000881	H200008817	ENSG0000	NM_004733	9197	SLC33A1	solute carr	GO:000681	GO:000852	GO:000013	247	289	1.17	0.23
H20000314	H200003148	ENSG0000	XM_011536	55701	ARHGGEF4	Rho guanin	GO:003502	GO:000508	GO:000573	19	24	1.26	0.34
H20001899	H200018996	ENSG0000	NR_104259	84905	ZNF341	zinc finger	GO:000635	GO:000367	GO:000563	41	41	1.02	0.02
H20000481	H200004817	ENSG0000	XM_011515	27434	POLM	polymerase	GO:000628	GO:000367	GO:000565	34	52	1.55	0.63
H20000519	H200005195	ENSG0000	NM_080430	140606	SELM	selenoprote	-	GO:000551	GO:000578	72	70	0.97	-0.05
H30000260	H300002606	ENSG0000	NM_198511	347404	LANCL3	LanC like 3	GO:000815	GO:000382	-		10		
H30002033	H300020337	ENSG0000	XM_011515	221935	SDK1	sidekick ce	GO:000715	GO:004280	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in		
H30000047	H300000478	ENSG0000	XM_011509	148753	FAM163A	family with	-	-	GO:0016021	integral component of membrane			
H30002020	H300020204	ENSG0000	XM_006710	79932	KIAA0319L	KIAA0319	-	GO:000551	GO:001602	234	310	1.32	0.40
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011540	80312	TET1	tet methyl	GO:000182	GO:000550	GO:000563	196	168	0.86	-0.22
H30000024	H300000245	ENSG0000	-	653702	RPL7P9	ribosomal p	-	-	-	38657	27584	0.71	-0.49
H30001685	H300016850	ENSG0000	XM_006716	55140	ELP3	elongator a	GO:000176	GO:000099	GO:000012	457	403	0.88	-0.18
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	XM_011544	10313	RTN3	reticulon 3	GO:000691	GO:000551	GO:000013	1930	2235	1.16	0.21
H20001553	H200015536	ENSG0000	NM_001145	389203	SMIM20	small integr	-	-	GO:001602	771	782	1.01	0.02
H20000925	H200009250	ENSG0000	XM_011522	80153	EDC3	enhancer o	GO:000028	GO:000372	GO:000093	101	98	0.97	-0.05
H20001954	H200019543	ENSG0000	NM_001319	84839	RAX2	retina and	GO:000635	GO:004356	GO:000563	29	24	0.82	-0.29
H20000723	H200007238	ENSG0000	NM_001098	49854	ZBTB21	zinc finger	GO:000635	GO:000551	GO:000563	109	154	1.41	0.50
H20000952	H200009527	ENSG0000	NM_001122	55974	SLC50A1	solute carr	GO:000864	GO:004294	GO:000013	480	463	0.96	-0.05
H30001977	H300019773	ENSG0000	NM_005436	8030	CCDC6	coiled-coil	GO:000815	GO:000520	GO:000573	97	99	1.02	0.03
H30001865	H300018654	ENSG0000	XM_005268	8846	ALKBH1	alkB homol	GO:000628	GO:000390	GO:000563	142	111	0.78	-0.36
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_199054	2872	MKNK2	MAP kinase	GO:000641	GO:000467	GO:000563	148	184	1.24	0.32
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_181897	5523	PPP2R3A	protein pho	GO:000175	GO:000550	GO:000015	16	13	0.83	-0.27
H30001851	H300018516	ENSG0000	XM_005249	23161	SNX13	sorting nex	GO:000688	GO:003226	GO:000576	79	91	1.15	0.21
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_011518	286256	LCN12	lipocalin 12	GO:000662	GO:000197	GO:0005576	extracellular region			
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	-	RP1-273G	-	-	-	-	7264	4213	0.58	-0.79
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_178507	220323	OAF	out at first	-	-	GO:007006	215	187	0.87	-0.20
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001005	390648	OR4F6	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in		
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_005269	219621	C10orf107	chromosom	-	-	-				
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	730029	RPSAP19	ribosomal p	-	-	-	39511	27372	0.69	-0.53
H30001004	H300010040	ENSG0000	NM_001004	390265	OR10G7	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:000588	17	17	1.04	0.05
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_003533	8354	HIST1H3I	histone clu	GO:000018	GO:000367	GO:000022	19	15	0.78	-0.36
opHsV0400	opHsV0400005	-	NR_026904	728773	PABPC1P2	poly(A) bin	-	-	-				
H30000364	H300003648	ENSG0000	NM_001142	127687	C1orf122	chromosom	-	-	-	2307	1481	0.64	-0.64
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NR_110515	100506271	LOC10050	uncharacte	-	-	-	4	8	1.97	0.98
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_207385	388289	C16orf47	chromosom	-	-	-				
H30000930	H300009301	-	-	-	-	-	-	-	-	12	11	0.89	-0.16
H30000038	H300000387	ENSG0000	XM_011521	64864	RFX7	regulatory	GO:000635	GO:000097	GO:0005634	nucleus	7		
H30000311	H300003110	ENSG0000	NM_001004	219453	OR8K5	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in		
H30000607	H300006073	ENSG0000	NM_152414	27319	BHLHE22	basic helix-	GO:000635	GO:000098	GO:0005634	nucleus	3		
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_005584	4081	MAB21L1	mab-21-lik	GO:000828	GO:000551	GO:0005634	nucleus			
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001142	9392	TGFBRAP1	transformin	GO:000635	GO:000516	GO:000576	138	144	1.04	0.06
H30001024	H300010249												

opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_011538	4842	NOS1	nitric oxide	GO:000166	GO:000451	GO:0001917	photoreceptor inner segment,GO				
H30001857	H300018571	ENSG0000	XM_005257	782	CACNB1	calcium vol	GO:000661	GO:000524	GO:000588	5	7	1.50	0.59	
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_006715	28996	HIPK2	homeodom	GO:000012	GO:000110	GO:000563	26	27	1.06	0.09	
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NR_038135	641515	MGAT4EP	MGAT4 far	-	-	-	75	57	0.76	-0.40	
H30000638	H300006382	ENSG0000	NR_003671	728024	LOC72802	chromosom	-	-	-	195	189	0.97	-0.04	
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_181616	337976	KRTAP20	keratin ass	-	-	GO:000588	160	92	0.57	-0.80	
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	XM_011546	100288072	SDR42E2	short chain	GO:000669	GO:000385	-	16	12	0.75	-0.42	
opHsV0400	opHsV0400001	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001317	53820	RIPPLY3	rippyly trans	GO:000012	-	GO:0005634	nucleus	4			
H30000754	H300007547	ENSG0000	NM_001193	128553	TSHZ2	teashirt zin	GO:000635	GO:000367	GO:0005634	nucleus				
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	-	414153	SNRPEP2	small nucle	-	-	-	9230	6566	0.71	-0.49	
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_207316	131920	TMEM207	transmemb	-	-	GO:0016021	integral component of membrane				
opHsV0400	opHsV0400004	-	-	-	-	-	-	-	-		5			
H30000640	H300006406	ENSG0000	-	5759	PTMAP2	prothymosi	-	-	-	14400	8470	0.59	-0.77	
H30000502	H300005025	-	-	-	-	-	-	-	-	92	65	0.70	-0.51	
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_031309	83482	SCRT1	scratch fan	GO:000012	GO:000367	GO:000563	39	36	0.93	-0.10	
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001143	8815	BANF1	barrier to a	GO:000027	GO:000367	GO:000079	506	454	0.90	-0.15	
H30000547	H300005472	ENSG0000	NM_001039	163183	SYNE4	spectrin re	GO:004314	GO:000551	GO:000573	16	18	1.08	0.11	
H30000921	H300009218	ENSG0000	NM_001270	374986	FAM73A	family with	GO:000805	GO:000551	GO:000574	21	40	1.85	0.88	
H30000705	H300007051	ENSG0000	XM_011521	23060	ZNF609	zinc finger	-	GO:004687	GO:0005634	nucleus	9			
H30000454	H300004549	ENSG0000	NM_001242	257044	C1orf101	chromosom	-	-	GO:0036128	CatSper c	10			
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	NM_001282	100506127	LOC10050	putative ur	-	-	-	12	18	1.58	0.66	
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_182702	339906	PRSS42	protease, s	GO:000650	GO:000425	GO:0005576	extracellu	3			
H30000489	H300004895	ENSG0000	NM_003348	7334	UBE2N	ubiquitin cd	GO:000072	GO:000484	GO:000015	3461	1975	0.57	-0.81	
H30001916	H300019169	ENSG0000	XM_011521	25963	TMEM87A	transmemb	-	-	GO:001602	373	332	0.89	-0.17	
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	XR_927465	43	ACHE	acetylcholin	GO:000150	GO:000154	GO:000557	13	14	1.06	0.09	
H30001869	H300018690	ENSG0000	NM_017826	54937	SOHLH2	spermatoge	GO:000636	GO:000104	GO:000563	159	171	1.08	0.11	
H30001481	H300014817	ENSG0000	NM_000227	3909	LAMA3	laminin sub	GO:000715	GO:000510	GO:0005576	extracellular region,GO:0005604				
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NM_004781	9341	VAMP3	vesicle ass	GO:000192	GO:000014	GO:000562	347	294	0.85	-0.24	
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	100506039	HMG3P8	high mobil	-	-	-	1048	876	0.84	-0.26	
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001012	340542	BEX5	brain expre	-	GO:000551	GO:000573	61	49	0.81	-0.31	
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_152569	157983	C9orf66	chromosom	-	-	-	11	14	1.32	0.40	
opHsV0400	opHsV0400004	ENSG0000	NM_022480	64410	KLHL25	kelch like f	GO:000644	-	GO:000573	63	51	0.81	-0.31	
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	XM_011525	92736	OTOP2	otopetrin 2	-	-	GO:001602	548	362	0.66	-0.60	
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	XM_006720	161753	ODF3L1	outer dens	-	-	-	20	13	0.64	-0.64	
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_175619	326340	ZAR1	zygote arre	GO:000727	-	GO:000573	36	29	0.80	-0.33	
opHsV0400	opHsV0400007	ENSG0000	XM_011522	146429	SLC22A31	solute carr	GO:001571	GO:000851	GO:000588	19	17	0.89	-0.18	
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_001005	219968	OR5B21	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:000588	7	10	1.39	0.47	
H30001527	H300015273	ENSG0000	NM_001304	124491	TMEM170A	transmemb	-	-	GO:001602	91	71	0.78	-0.35	
H30002104	H300021046	ENSG0000	NM_152307	115708	TRMT61A	tRNA meth	GO:000640	GO:001642	GO:000563	98	62	0.63	-0.66	
H30000161	H300001617	ENSG0000	NM_001144	400720	ZNF772	zinc finger	GO:000635	GO:000097	GO:000563	8	11	1.44	0.53	
H30001008	H300010081	ENSG0000	-	642659	HNRNPA1F	heterogene	-	-	-	16744	11009	0.66	-0.60	
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NR_003143	151325	MYADML	myeloid-as	-	-	-		7			
H30000874	H300008744	ENSG0000	NM_020769	57529	RGAG1	retrotransp	-	-	-		6			
H30001004	H300010041	-	-	-	-	-	-	-	-		4			
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001145	284418	FAM71E2	family with	-	-	GO:0005634	nucleus				
H30000634	H300006342	ENSG0000	NM_173698	286499	FAM133A	family with	-	GO:000551	-					
H30000976	H300009764	ENSG0000	NR_026951	284029	LINC00324	long interge	-	-	-	5	14	2.80	1.48	
H30000034	H300000344	ENSG0000	NR_103536	400728	FAM87B	family with	-	-	-	135	99	0.73	-0.45	
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NR_026939	255082	CASC2	cancer sus	-	-	-		7			
H30001910	H300019104	ENSG0000	NM_001258	3420	IDH3B	isocitrate d	GO:000609	GO:000028	GO:000563	1002	588	0.59	-0.77	
H30001889	H300018899	ENSG0000	NM_001135	51661	FKBP7	FK506 bind	GO:000041	GO:000375	GO:000578	456	309	0.68	-0.56	
H30001990	H300019908	ENSG0000	NM_001617	119	ADD2	adducin 2	GO:000646	GO:000377	GO:000582	128	91	0.71	-0.49	
opHsV0400	opHsV0400003	ENSG0000	XM_005251	3371	TNC	tenascin C	GO:000164	GO:004554	GO:000557	62	62	1.00	0.00	
H30001919	H300019191	ENSG0000	NM_001161	23034	SAMD4A	sterile alph	GO:000635	GO:000551	GO:000573	50	45	0.92	-0.12	
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_001004	390437	OR4N5	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:0005886	plasma membrane,GO:0016021	in			
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_207491	401145	CCSER1	coiled-coil	-	-	-					
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_006720	388121	TNFAIP8L3	TNF alpha	GO:001591	GO:000852	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005886	plasma m			
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_016521	51270	TFDP3	transcriptio	GO:000008	GO:000098	GO:000563	20	22	1.09	0.12	
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	NM_024105	79087	ALG12	ALG12, alp	GO:000645	GO:000000	GO:000578	46	53	1.14	0.19	
opHsV0400	opHsV0400002	ENSG0000	-	646879	ARL2BPP3	ADP-ribosy	-	-	-		4			
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_001005	389090	OR6B2	olfactory re	GO:000718	GO:000493	GO:0005886	plasma m	4			
H30000215	H300002150	ENSG0000	NM_001004	81300	OR4P4	olfactory re	GO:000718	GO:000488	GO:0005886	plasma m	6			
H30000615	H300006153	ENSG0000	NM_001143	7541	ZBTB14	zinc finger	GO:000012	GO:000370	GO:000563	83	122	1.47	0.56	
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	XM_006711	400823	FAM177B	family with	-	-	-					
opHsV0400	opHsV0400005	ENSG0000	NM_002116	3105	HLA-A	major histo	GO:000191	GO:000510	GO:000013	36	32	0.87	-0.20	
H30000247	H300002473	ENSG0000	-	-	AC017081	-	-	-	-	895	920	1.03	0.04	
H30000730	H300007305	ENSG0000	NR_023392	286101	ZNF252P	zinc finger	-	-	-	12	29	2.46	1.30	
H30000865	H300008658	ENSG0000	NM_001001	79473	OR52N1	olfactory re	GO:000716	GO:000493	GO:000588	15	16	1.06	0.08	
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_005250	286077	FAM83H	family with	GO:003033	GO:001990	GO:000573	557	469	0.84	-0.25	
H30000868	H300008684	ENSG0000	NM_198478	284353	NKPD1	NTPase, K+	-	-	GO:0016021	integral c	4			
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	NM_024121	79134	TMEM185E	transmemb	-	-	GO:001602	192	154	0.81	-0.31	
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	XM_011535	729420	LMO7DN	LMO7 down	-	-	-	28	33	1.18	0.23	
opHsV0400	opHsV0400001	ENSG0000	-	652904	CKS1BP6	CDC28 pro	-	-	-	2904	3102	1.07	0.10	
H30000531	H300005315	ENSG0000	NM_016378	51480	VCX2	variable ch	GO:000815	GO:000367	GO:000557	387	484	1.25	0.32	
H30002015	H300020152	ENSG0000	NM_148886	125170	MIEF2	mitochondr	GO:000700	GO:000551	GO:000573	29	35	1.20	0.27	
opHsV0400	opHsV0400011	ENSG0000	NM_005828	10238	DCAF7	DDB1 and	GO:000727	GO:000551	GO:000565	523	580	1.11	0.15	
opHsV0400	opHsV0400006	ENSG0000	NM_001548	3434	IFIT1	interferon i	GO:000961	GO:000372	GO:0005737	cytoplasm,GO:0005829	cytosol,G			
opHsV0400	opHsV0400005	-	NR_038887	401260	LINC00951	long interge	-	-	-					
opHsV0400	opHsV0400005	-	-	-	-	-	-	-	-		3			
opHsV0400	opHsV0400010	ENSG0000	-	28756	IGLV8OR8	immunoglob	-	-	-	5	6	1.14	0.19	
H30002287	H300022872	ENSG0000	XM_005249	222166	MTURN	maturin, ne	GO:000727	-	-	213	115	0.54	-0.88	
H30001030	H300010302	-	-	-	-	-	-	-	-	119	92	0.77	-0.37	
H30001015	H300010159	ENSG0000	NM_174952	285555	STPG2	sperm tail f	-	-	-					
opHsV0400	opHsV0400000	ENSG0000	NR_073108	8609	KLF7	Kruppel-lik	GO:000635	GO:000367	GO:000563	5	16	3.32	1.73	
H30001893	H300018939	ENSG0000	NM_145047	127700	OSCP1	organic sol	GO:000681	-	GO:000992	33	28	0.83	-0.27	
H30001159	H300011592	ENSG0000	NM_001128											

