平成9年度科学研究費補助金実施報告書



機関番号11301 研究機関名 東北大学

研究種目名 基盤研究(C)(2) 研究期間 平成8年度~平成9年度 課題番号 08672004

研究課題名 フォスデューシン遺伝子の解析

研究代表者名 阿部俊明 東北大学医学部附属病院 講師



平成9年度科学研究費補助金実施報告書

機関番号11301 研究機関名 東北大学 研究種目名 基盤研究(C)(2) 研究期間 平成8年度~平成9年度 課題番号 08672004

研究課題名 フォスデューシン遺伝子の解析

研究代表者名 阿部俊明 東北大学医学部附属病院 講師

フォスデューシンは杆体視細胞内において唯一 c AMP 依存性にリン酸化をうける蛋白質として報告されてからさまざまな研究がなされてきた(1)。最近になり、G蛋白質であるトランスデューシンと相互作用をしながら光情報変換機構を制御している蛋白質であることが判明した(2)。我々は、この遺伝子の解析を中心におこなってきたが、この遺伝子は類似したものが複数存在することが判明した(3)。また、最近の研究により眼以外の部位にも発現しており、脳において、アドレナージックレセプターを介するシグナルトランスダクションシステムで、リセプターレベル以外で、このトランスダクションを抑制する蛋白質として抽出された(4)。フォスデューシンは視細胞内では、トランスデューシンβγサブユニットと相互作用して光伝達機構を抑制するが、この光伝達機構の始まりのレベルに関与するのではないことが判明している。また、我々のこれまでの研究により、フォスデューシンの遺伝子構造ならびに、アミノ酸配列はヒト、マウス、ラット、ウシで非常に類似していることが判明している。また、サザンブロッティングでは、フォスデューシンは遺伝子ファミリーを形成していることも推測された(3)。

さらに、フォスデューシン遺伝子の連鎖解析により、この遺伝子は染色体1番長腕に存在することも判明した。この領域はUsher 症候群や、常染色体劣性遺伝を示す、網膜色素変性の家系の連鎖が報告され、この遺伝しの解析には興味がもたれる(5)。

まず、我々は、遺伝子ファミリーを形成していると思われる、フォスデューシン以外のファミリー遺伝子を単離、解析することを試みた。また、フォスデューシンに変異が存在した場合、網膜に与える影響を調べる目的で、フォスデューシンcDNAに点変異を作成しトランスジェニックマウスを作成し解析した。

<方法>

ラット網膜よりmRNAを抽出し、cDNAに変換後、フォスデューシンの各種間によく保存されている領域より、プライマーを作成し、PCRを施行した。PCRのプライマーとして、5'側をライブラリーのベクターのプロモーターの塩基配列を利用し、3'側は、牛眼フォスデューシンの塩基配列より数ヵ所を利用して行った。PCRの条件は94°C、1分、50°C~55°C、2分、72°C、2分で合計35サイクルおこなった。新しく増幅された断片の塩基配列は、Sangerのジオキシターミナション法(6)を用いてファルマシアのオートシークエンサーにて確認した。この中で、フォスデューシンと類似性を持つものをプローブとしてジゴキシンでラベルし、ウシ網膜cDNAライブラリー(bovine λ Zap library)(stratagene, La Jolla, CA, U.S.A.)のスクリーニングをおこなった。ハイブリダイゼーションの条件は以前我々が報告したように(3)、ニトロセルロース膜を使用し、5 x S S C (1 x S S C = 0.15 M NaCl, 15 mM Na3 citrate, pH 7.5), 0.5% SDS,

bloking reagent, 100µg/ml の salmon sperm を使用し、68^OCに保ちながらおこなった。、最終的にクローニングされたcDNAはStratagene のin vivo excision 法を用いて作成した。cDNAのシークエンスはcDNAを、SauIII で部分切断したのち、Bluescript II に取込み、Sanger法を用いておこなった。その解析は、Gene Works (IntelliGenetics, Inc., Mountain View, USA)を用いた。

また、網膜内での発現の程度を知る目的で半定量的PCRをおこなった(7)。すなわち網膜より4M guanidinium thiocyanate と 0.5% N-lauroyl sarcosine を利用して全RNAを抽出後 (Pharmacia Biotech Inc., Uppsala, Sweden)、 ランダムプライマーにて

c D N A を合成し(Pharmacia Biotech Inc., Uppsala, Sweden) PCRをおこなった。PCR 産物が c D N A 濃度に対して、あるいは P C R の回数に対して、直線的にあるいは指数的に増加することを確認後、ロドプシンに対する m R N A の発現の程度をフォスデューシンならびに新しいフォスデューシンについて調べた。

フォスデューシンの点変異は、フォスデューシンcDNA とStratagene の in vivo mutagenesis を利用して作成した。すなわち、フォスデューシンの活性を調節すると考えられるリン酸化部位、73番目のアミノ酸のセリンをイソロイシンに変異させたが、このセリンをイソロイシンに変換することで、新しく制限酵素部位が作成され (Bsml)、それを用いて、スクリーニングに利用した。この新しく作成されたmutant Phosducin cDNAは、アレスチンプロモーターをその上流に結合させ、RDマウスに導入後、バッククロスしてSDマウスのトランスジェニックマウスを作成し解析した。

<結果> ステューシンは登録がありませんとは、これが、日本のでの登録がから、

ウシ網膜cDNAライブラリーよりスクリーニングされたものは 3 個あり、最長のものは 1 9 2 9 b p よりなっていた。 1 つは 5'約 2 0 b p が他の 2 つと完全に異なっていた。推定上のアミノ酸配列は 2 9 7 個よりなっておりフォスデューシンのそれより約 5 0 個多く、分子量は 3 3 . 9 kDa 、等電点は 4 . 4 5 であった。しかし全体では、約 4 0 %の相同性を示し、主とした違いは、 5'領域に認められた(図 1)。フォスデューシンは、 7 3 番のセリンが c AM P 依存性プロティンカイネースにリン酸化されることにより、活性が制御されているが、新しいフォスデューシンも推定上のリン酸化部位が存在した。Miles らにより報告された(8) rat phosducin-like protein (RPhLP) と 8 2 %同一であった。すなわち、bovine phosducin-loke protein (BPhLP) と考えられた。

半定量的 P C R では、フォスデューシンはロドプシンに対して、約6%、新しいフォスデューシンは約0.9%発現していると推測された。しかしながら、RPhLPで報告されているRPhLPLと RPhLPs というアイソフォームの発現を調べると、RPhLPLはさまざまな臓器で、ほぼ均一に発現していると考えられたが、RPhLPs は網膜に特異的に発現していると考えられた(図2)。

トランスジェニックマウスの解析で判明したことは、電気生理学的にみて光刺激後の網膜伝図のB波の回復が、正常マウスに比較してやく50%の回復率であり、また明順応下での網膜伝図の回復の正常の約50%であることが判明した。これは、フォスデューシンが視細胞の順応に関与する蛋白質であることを推測させる結果であると思われた。

免疫染色では、推測どうり、トランスジェニックマウスでは視細胞に強い染色が認められた。さらに組織検索を進めたが、トランスジェニックマウスでは初期には正常像を示すが、次第に視細胞外節の空胞化が出現し、視細胞の核もpyknosis を示した。さらに進行すると、外節は短くなり、外顆粒層は2~3層となり、内節の遊離リボゾームも増加した。さらにフォスデューシンの免疫染色を眼内だけでなく脳を中心にその他の臓器まで適応してみると、脳内の一部の細胞群に、フォスデューシンとアレスチン、またごく微量のロドプシンが染色される部分があることが判明した。これらの細胞群はhabenula commissura amygdala や superiorcolliculus であった。

<考察>、Ilea S. Puzicha M. Pippig S. Obermaler B. Helmreich EJM, Lohse MJ:

光情報変換機構と類似した、G蛋白質を介する細胞内変換機構は数多くあり、これ

らは少なくても、リセプターレベルとG蛋白質レベルで制御されることが知られている。フォスデューシンは、明順応下で、G蛋白質であるトランスデューシンと相互作用しながら、光情報伝達を抑制しているが、暗順応下で73番のセリンがリン酸化を受け、その活性を失う。今回、牛眼網膜ライブラリーより新しくスクリーンングされたフォスデューシンは、フォスデューシンと40%の相同性を持ち、推定上のリン酸化部位も存在し、フォスデューシンと似たような機能を持つことを推測させた。また、Craftolder (9)、フォスデューシン類似蛋白質が5'側のエクソンのスプライシングにより複数網膜に発現していることを推測した。塩基配列を示していないが、今回我々が得たCDNAのうち5'側が異なったCDNAが1つあり、Craftolder (5)が報告したものと同一のものである可能性がある。

フォスデューシンの網膜内での発現量は、我々が行った方法によれば、ロドプシンの約6%となるがこれは、Leeらが報告した(10)網膜内の量に近いと考えられる。新しいフォスデューシンは発現がより少ないと推測されるが、網膜内での発現部位や、特異性についてはまだ不明である。RPhLPLが様々な臓器に発現し、それぞれのシグナルトランスダクションを制御していることが推測されたが、RPhLPs は網膜特異的な発現を示し、この遺伝子の解析ならびに、網膜内でどのシグナルトランスダクションに関与するのか興味がもたれる。

トランスジェニックマウスの解析で推測できることは、この蛋白質は、眼の順応に関与する蛋白質であるということである。しかしながら、時間経過とともに組織学的な検査をすると、初期にはほぼ正常であった視細胞内に、時間がたつにつれてさまざまな変性が引き起こされる。このことは、変異したフォスデューシンが視細胞内に存在すると、最終的に網膜変性を引き起こす可能性があることを示すと考えられた。これまでの報告によれば、フォスデューシンは染色体1番の長腕、1q25-1q32.1に存在する(11)。Usher症候群タイプIIは同じ染色体1番でも詳細には、1q41に存在する(12)ため、今回は、Usher症候群患者の遺伝子解析は行わなかった。しかし、フォスデューシン遺伝子座近傍に連鎖する網膜変性を示す家系の報告(13)や、まだ、連鎖解析が行われていない網膜変性のタイプもたくさん存在するため、この後も、この遺伝子の解析は有意義と思われた。

<文献> Man Man Samuel Company of the Company of the

- (1) Lolley RN, Brown BM, Farber DB: Protein phosphorylation in rod outer segments from bovine retina: cyclic nucleotide-activated protein kinase and its endogenous substrate. Biochem Biophys Res Comm 1977; 78: 572-578.
- (2) Lee RH, Ting D, Lieberman BS, Tobias DE, Lolly RN, Ho Y-K: Regulation of retinal cGMP cascade by phosducin in bovine rod photoreceptor cells: interaction of phosducin and transducin. J. Biol. Chem. 1993; 267: 25104-25112.
- (3) Abe T, Kikuchi T, Chang T, Shinohara T: The sequence of the mouse phosducinencoding gene and its 5'-flanking region. Gene 1993; 133: 179-186.
- (4) Bauer PH, Muller S, Puzicha M, Pippig S, Obermaier B, Helmreich EJM, Lohse MJ: Phosducin is a protein kinase A-regulated G-protein regulator. Nature 1992; 358: 73-

- (5) Abe T, Kikuchi T, Shinohara T: The sequence of the human phosducin gene (PDC) and its 5' flanking region. Genomics 1994; 19: 369-372.
- (6) Sanger F, Coulson AR, Barrel GBG, Smith AJH, Roe BA: Cloning in single-stranded bacteriophage as an aid to rapid DNA sequencing. J Mol Biol 1980; 143: 161-167.
- (7) Moore NC, Anderson G, Williams GT, Owen JJT, Jenkinson EJ: Developmental regulation of bcl-2 expression in the thymus. Immunology 1994; 18: 115-119.
- (8) Miles MF, Barhite S, Sganga M, Elliott M: Phosducin-like protein: An ethanol-responsive potential modulator of guanine nucleotide-binding protein function. Pro Natl Acad Sci.USA 1993; 90: 10831-10835.
- (9) Craft MC, Lolley RN, Seldin MF, Lee RH: Rat pineal gland phosducin: cDNA isolation, nucleotide sequence, and chromosomal assignment in the mouse. Genomics 1991; 10: 400-409.
- (10) Lee RH, Lieberman BS, Lolley RN: A novel complex from bovine visual cells of a 33,000-dalton phosphoprotein with b-and g-transducin: purification and subunit structure. Biochemistry 1987; 26: 3983-3990.
- (11) Sparkes RS, Lee RH, Shinohara T, Craft CM, Kolis T, Klisak I, Heinzmann C, Bateman JB: Assignment of the phosducin (PDC) gene to human chromosome 1q25-1q32.1. Genomics 1993; 18: 426-428.
- (12) Kimberling WJ, Weston MD, Moller C, Davenport SLH, Shugart YY, Priluck IA, Martini A, Milani M, Smith RJ: Localization of Usher syndrome type II to chromosome 1q. Genomics 1990; 7: 245-249.
- (13) van Soest S, van den Born LI, Gal A, Farrar GJ, Bleeker-Wagemakers LM, Westerveld A, Humphries P, Sandkuul LA, Bergen AAB: Assignment of a gene for autosomal recessive retinitis pigmentosa (RP 12) to chromosome 1q31-q32.1 in an inbred and genetically heterogeneous disease population. Genomics 1994; 22: 499-504.

TOUR : Tohoku University Repository

コメント・シート

本報告書収録の学術雑誌等発表論文は本ファイルに登録しておりません。なお、このうち東北大学 在籍の研究者の論文で、かつ、出版社等から著作権の許諾が得られた論文は、個別に TOUR に登録 しております。