が坂 び広 木 が明 氏 名(本籍) 学位の種類 博 (農 学) 士 学位記番号 農 第 5 1 2 博 号 8 年 学位授与年月日 亚 成 3 月 26 日 学位授与の要件 学位規則第4条第1項該当 研究科専攻 東北大学大学院農学研究科 (博士課程) 農学専攻 学位論文題目

学位論文題目 Production and analysis of interfamilial and intergeneric somatic hybrid plants
(科間・属間体細胞雑種植物の作出と解析)

論文審査委員(主 授 査) 教 亀 谷 壽 昭 教 授 吉 日 向 康 教 授 洋 菅

論 文 内 容 要 旨

第1章 序 論

高等植物において、2つの細胞が1つに合体する現象は、受精時を除いて存在しない。しかし、この場合融合するのは核のみで、細胞質の融合は起こらず母親の細胞質のみが遺伝する。細胞質雄性不稔や抗生物質抵抗性など細胞質遺伝子(ミトコンドリア遺伝子、葉緑体遺伝子)が支配する有用形質が多々存在するにもかかわらず、その利用は特定の植物のみに限られ、他種植物における作出および導入は難しい。プロトプラストを用いた細胞融合法では、核遺伝子のみならず細胞質遺伝子の融合も生じるため、細胞質遺伝子が支配する有用形質の導入も可能である。近年、遺伝子レベルでの解析方法を用いて、2種の細胞を融合した後の、核あるいは細胞質遺伝子の動向に関する研究がなされるようになったが、その情報量は非常に少ない。特に遠縁種間植物同士の細胞融合では融合体を作出すること自体が非常に困難であり、遺伝子レベルでの解析例はほとんどない。そこで容易に体細胞雑種植物を得るために、放射線照射処理を用いた細胞融合法の検討を行い(1章)、さらに数種の遠縁種の植物、タバコ+ニンジン(2章)、イネ+ニンジン(3章)、オオムギ+ニンジン(5章)、オオムギ+イネ(6章)の組み合わせにおいて細胞融合を行い、得られた融合体を遺伝子レベルで解析し、核あるいは細胞質遺伝子の再構成および遺伝子発現(4章)等について調査した。

第2章 X線照射処理のプロトプラストへの影響とその利用

種の離れた植物間の細胞融合では、染色体の脱落、再分化不能、 生育不良、生殖不能等の問題が生じ、体細胞雑種植物の作出は非常に困難とされてきた。これらの問題を克服する1つの方法として、融合前にプロトプラストに放射いるでしたが用いられていかある。しかし、放射線照射が高等を響になるがでいて詳細に調査された報告はなり、基礎の結果、葉肉細胞と懸濁った。その結果、葉肉細胞と懸濁ら、その結果、葉肉細胞と懸濁ら、その結果、葉肉細胞と懸濁ら、その結果、葉肉細胞と懸濁ら、その結果、葉肉細胞と懸濁ら、その結果、葉肉細胞と影響によるには高線量の放射線を照射する

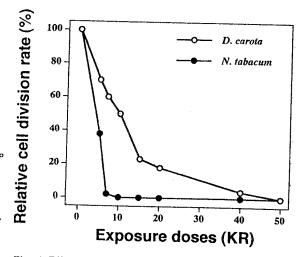


Fig. 1 Effects of X-ray irradiation on cell division in protoplasts isolated from *D. carota* (cell suspension cultures) and *N. tabacum* (mesophyll).

と細胞分裂が阻害され, 単細胞のまま伸長や肥 大成長した。完全に細 胞分裂を阻害するため に必要な線量は,葉肉 細胞から単離したプロ トプラストより、懸濁 培養細胞より単離した プロトプラストの方が 高く (Fig. 1) . 単離す る材料のage(stage)に よっても放射線感受性 が異なり,特に分裂期 (M期) に最も放射線 の影響を受けやすいこ とが分かった(Fig. 2)。 低線量の放射線を照射 すると細胞分裂が遅れ る(分裂遅延)現象が観 察され、またそれによ って同調的に分裂が開

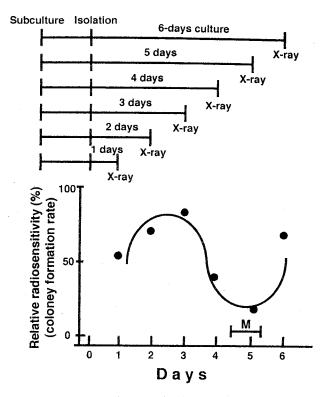


Fig. 2 Effects of X-ray irradiation to protoplasts isolated from various stages of D. carota cell suspension cultures.

始されることがわかった。放射線照射処理を行ったプロトプラスト同士を融合し培養した 場合、融合せずに培養した場合よりも分裂率が増加した。

第3章 タバコ (ナス科) とニンジン (セリ科) の科間体細胞雑種の作出と解析

カナマイシン耐性(核遺伝子支配)、ストレ プトマイシン耐性(葉緑体遺伝子支配)でクロ ロフィル欠損(核遺伝子支配)形質をもつタバ コ(KR-SA), あるいは,カナマイシン耐性, ス トレプトマイシン耐性の緑色タバコ (KR-SA) と細胞質雄性不稔(ミトコンドリア遺伝子支 配) 形質をもつニンジンを用いて細胞融合を 行った。カナマイシンを含む培地で選抜した Fig. 3 Morphologies of somatic hybrid and



their parents. (left to right) Young plants of カルスから13個の再分化植物体が得られた。 N. tabacum, a somatic hybrid and D. carota.

再分化植物体は形態的にはニンジンの形態に酷似していた(Fig. 3)。染色体数は23-32本と 両親の染色体数を合わせた数(66)よりも少なく、多くの染色体が脱落していた。また、再分

化植物体はすべてカナマイシンに対 して耐性をもち、ストレプトマイシ ンに対しては耐性のものと感受性の ものとが分離した。サザンハイブリ ダイゼーションの結果、再分化植物 体はカナマイシン耐性遺伝子(NPTII gene)を保持していた(Fig. 4)。また、 ミトコンドリア遺伝子を解析した結 果, 再分化植物体はニンジン親由来 のミトコンドリア遺伝子を保持して いた。以上の結果より、得られた再 分化植物体はナス科のタバコとセリ 科のニンジンの体細胞雑種であり、 タバコ由来の核および葉緑体遺伝子 を保持していることが分かった (Table1)

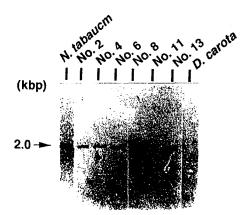


Fig.4 Southern hybridization of genomic DNA. A fragment of neomycin phosphotransferase gene (NPTII) was used as probe. The result show the presence of the NPTII gene.

Table 1 Expression of resistance markers and chromosome number in regenerated plants

Selected	Clone	Resistance*	Chromosome	
lines	number	Kanamycin (50mg/l)	Streptomycin (300mg/l)	number
KR-SR	H1	++	++	23.5±1.6
(7 Krad, leaf)	H2	++	++	25.5 ±2.4
+	H3	-	•	-
D. carota	H4	+++	+++	32.0±11.2
(CMS, suspensio	n)H5	-	•	•
` ' '	´H6	++	0	29.4±5.4
	H7	++	0	26.0 ± 2.3
KR-SA	Н8	++	0	28.3±1.9
(Suspension)	H9	++	0	26.0 ±2.0
+	H10	-	•	•
D. carota	H11	++	0	27.7±1.8
KR-SR	H12	•	-	25.3±2.9
(10Krad) + D. carota	H13	•	-	24.2±2.0

"+++,80-100% callus relative growth; ++, 50-80% callus relative growth; +, 30-50% callus relative growth in the presence of inhibitor; 0, no growth; -, not tested

第4章 イネ (イネ科) とニンジン (セリ科) の科間体細胞雑種の作出と解析

5-メチルトリプトファン(5MT)抵抗性(核遺伝子支配)イネと細胞質雄性不稔(ミトコンドリア遺伝子支配)のニンジンを用いて細胞融合を行った。イネのカルスより単離したプ

ロトプラストにヨードア セトアミド(IOA)処理を 施し、また、ニンジンの カルスより単離したプロ トプラストには致死量の X線照射を施した後、細 胞融合を行った。さらに 5MTを含む培地で選抜 し. 5個の再分化植物体 が得られた (Fig. 5)。こ れらはすべてニンジンの 形態に酷似していたが5 MTに抵抗性をもち、そ の抵抗性は安定であった。 再分化植物体の染色体数 は20-22本であり, 両親の 染色体を合わせた数(42)

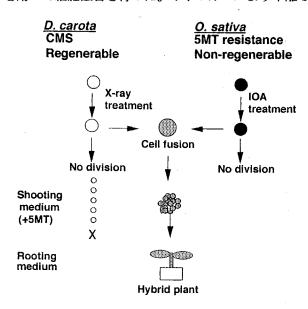
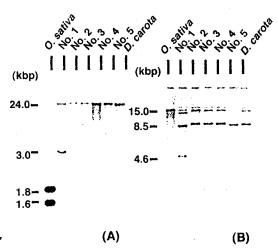


Fig. 5 Selection scheme for hybrid plants between *O. sativa* and *D. carota*.

よりも少なく、多くの染色体が脱落していることが分かった。アイソザイム分析の結果、再分化植物体は、ニンジンのバンドに数本のイネのバンドが加わったパターンを示した。さらに、イネより単離されたrgp1遺伝子(GTP-binding proteinをコードする遺伝子)をプローブに用いてサザン解析を行った結果、再分化植物体はイネとニンジンのバンドを合わせ持つパターンを示した。葉緑体遺伝子の解析においては、すべてニンジンタイプを示した。することにおいては5系統のうち1系統に両親には見られないユニ



ミトコントリア遺伝士においては5 糸統 Fig. 6 A,B Southern hybridization of mt DNA from のうち1 系統に両親には見られないユニ O. sativa, D. carota and somatic hybrids (nos.1-5).
Fragments of atp6 (A) and cob (B) were used as ークなバンドが観察された(Fig. 6)。以上 probes.

の結果より、得られた再分化植物体はイネ(イネ科)とニンジン(セリ科)の体細胞雑種であると考えられる(Table 2)。

Table 2 Expression of resistant marker, chromosome number, isozyme pattern and cytoplasmic genotype in regenerated plants

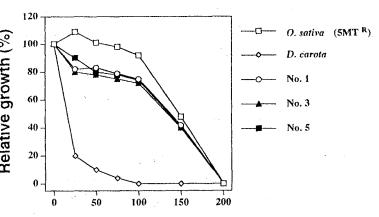
Clone	Resistance to	Chromosome	isozyme	Chloroplast	Mitochon	drial DNA ^b
number	5 MT(25 mg/l)*	number	pattern	DNA	atp6	cob
No. 1	++	20.4±0.8	D.C.+ sO	D.C.	D.C.+N	D.C.+ N
No. 2	+++	22.2±1.1	D.C.+s0	D.C.	D.C.	D.C.
No. 3	++	20.3±0.9	D.C.+s0	D.C.	D.C.	D.C.
No. 4	++	20.1 ±0.7	D.C.+s0	D.C.	D.C.	D.C.
No. 5	++	20.1 ±0.7	D.C.+ sO	D.C.	D.C.	D.C.

*Resistance test: +++, 100-80% callus relative growth; ++, 80-50% callus relative growth; +, 50-30% callus relative growth in the presence of $25\,\text{mg/l}\,5\text{MT}$

第5章 イネとニンジンの体細胞雑種植物の解析-5MT抵抗性の発現について

第4章で得られた体細胞雑種はすべて5MTに対して抵抗性を有していた。これらの抵抗性がイネに由来するものであるか否か、さらにその抵抗性の発現機構について調査した。

5 M T 感受性ニンジンは 25mg/1の5 M T を含む培 地で完全に生育阻害され るのに対し、5 M T 抵抗 性イネおよび体細胞雑種は200mg/1の5 M T を含む 培地で生育阻害を受けた (Fig. 7)。トリプトファンの合成経路中の物質、コリスミン酸、トリプトファンと 生育阻害量の5 M T をそれぞれ加えた培地上で、感受性ニンジン、抵抗性



Concentration of 5MT (mg/l)

Fig. 7 Relative growth of 5MT-sensitive *D. carota* cells, 5MT-resistant *O. sativa* cells and somatic hybrid cells (nos.1,3 and 5) in the presence of increasing concentrations of 5MT.

^{*}D.C.+ sO, D. carota bands plus some O. sativa bands; D.C., D. carota type; D.C.+ N, D. carota type plus novel patterns.

イ細作培養結ニトンで害旺示しン培お雑し細たア酸プ含,回なたコをでよ種た胞。ンおトむ生避生のリ加はびよ懸をそスよフ培育さ育にスえ完体り濁培のラびァ地阻れを対ミた全

Chorismic acid (A)
Anthranilate synthase

Anthranilic acid (B)

N-(5'-phosphoribosyl) anthranilic acid

1-(O-carboxyphenylamino)1-deoxyribulose-5-phosphate

Indol-3-glycerol phosphate

Tryptophan
synthetase
Indole

Tryptophan (C)

Fig. 8 The tryptophan siosynthetic pathway from chorismic acid to tyrptophan (a) and the effects of chorismic acid, anthranilic acid and tryptophan on the inhibition of growth by 5MT (b). Concentrations of 5MT: 5MT-resistant *O. sativa*, no. 1 and no. 3, 150mg/l; 5MT- sensitive *D. carota*; 20mg/l. A, 5MT+ 25mg/l chorismic acid; B, 5MT+ 25mg/l anthranilic acid; C, 5MT+25mg/l tryptophan; D, 5MT only.

培地では完全 に生育が阻害 された(Fig. 8)。 さらに, コリ

さらに, コリ スミン酸から

アンスラニル酸が合成され る際に働く、アンスラニル 酸シンターゼ(AS)および トリプトファンシンターゼ (TS)の酵素活性を測定 たところ、抵抗性インシーン が体細胞雑種は感性をの だ(Table 3)。またASの 性は微量のトリプドバッさら によってフィードする遺伝子・ たいアクロ を受けた(Fig. 9)。 はな子・ たいアクロ を受けたででする遺伝子・ カイブリダイゼーションを

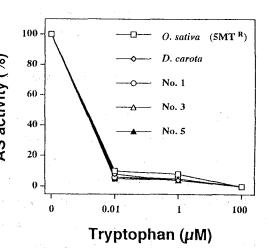


Fig. 9 Inhibition of partially purified anthranilate synthase (AS) activity from suspension cultures by tryptophan.

行った結果、5 M T 抵抗性イネおよび体細胞雑種は、ニンジンよりも高い発現量をもつことが分かった(Fig. 10)。一方、trpE gene を用いてサザンハイブリダイゼーションを行ったところ、体細胞雑種はイネ由来のtrpE gene をもっていることが明らかとなった。



Fig. 10 Northern hybridization of total RNA from 5MT-resistant *O. sativa*, 5MT-sensitive *D. carota* and somatic hybrids (nos. 1 and 3). The gene for anthranilate synthase (*trpE*) was used as probe.

Table 3 Activities of anthranilate synthase and tryptophan synthetase

	nthranilate synthase act (nM/30 min/mg protein)	ivity Tryptophan synthetase activity (nM/90 min/mg protein)
D. carota	1.67 (1.00)	55.0 (1.00)
O. sativa (5M	Γ ⁿ) 4.99 (2.99)	77.1 (1.40)
Somatic hybri	ds	
No. 1	5.88 (3.29)	72.9 (1.33)
No. 3	5.01 (3.00)	68.0 (1.24)
No.5	5.96 (3.57)	75.7 (1.38)

'Values in parentheses are releative values

第6章 ムギ (イネ科) とニンジン (セリ科) の科間体細胞雑種の作出と解析

オオムギは低温や塩などの環境ストレスに対して比較的強い作物である。本実験ではオオムギの特性を雑種選抜のマーカーとして利用し、その特性の他植物への導入の可能性について検討した。オオムギの幼植物、ニンジンの懸濁培養細胞(6カ月間継代培養したもの)よりプロトプラストを調製し細胞融合を行った。1カ月間、暗所、25℃で培養した後、5週間暗所、4℃で低温培養した。その後、1カ月間、明所、25℃で培養を行い、生育のよいカルスを選抜し、再分化培地へ移した。その結果3個体の再分化植物体が得られた。これらの再分化植物体をそれぞれNo.1、2、3とした。両親のプロトプラストに対しても同様な処理を施したが、再分化植物体がえられなかった。これらの再分化植物体は形態的にはニンジンに酷似していたが24本の染色体を保持していた(Fig. 11)。また、rgp1遺伝子をプローブに用いてサザンハイブリダイゼーションを行った結果、再分化植物体はニンジン由来のバ

ンドとオオムギ由来のバンドを合わせ持つパターンを示した(Fig. 12)。また、ミトコンドリア遺伝子を解析した結果、atp6をプローブに用いた際に、No. 1はニンジン由来のバンドと両親には見られないユニークなバンドを持つパターンを示した。さらに葉緑体遺伝子を解析した結果、イネの葉緑体遺伝子のBamI1-3、8番目の断片をプローブに用いた際にニンジンとオオムギのバンドを合わせ持つパターンを示した(Fig. 13)。これらの結果より、本章で得られた再分化植物体はニンジンとオオムギの科間体細胞雑種であると考えられる(Table 4)。

次に、ニンジンとオオムギの科間体細胞雑種を用いて、オオムギの低温と塩に対する抵抗性が導入されているか否か調査した。TTC-reduction-testの結果、雑種植物はニンジンよりも高い低温耐性を示した(Fig. 14)。塩に対する耐性に関しては、雑種No. 1はニンジンと同様な生育阻害を受けたが、雑種No. 2はオオムギとニンジンの中間的な耐性を示した(Fig. 13)。NaCl



Fig. 11 Morphologies of somatic hybrid and their parents. (left to right) Plants of *D. carota*, a somatic hybrid and *H. vulgare*.



Fig. 12 Southern hybridization of genomic DNA. DNA was digested with Hindlil, and a fragment of the rgp1 gene was used as probe.

と同様な差異はKC1の場合にも観察された。オオムギの塩あるいは水分ストレスに対する 反応として細胞内にベタインを過剰に蓄積することが知られている。そこで、NaC1のスト レスをかけた場合とかけなかった場合,及び、KC1のストレスをかけた場合とかけなかっ た場合のベタイン蓄積量について調査した。その結果、NaC1に対して耐性を示したオオム ギおよび雑種No. 2においては、NaC1存在下でベタイン含量が2倍以上増加することが分か った。
しかし、KC1存在下では、ベタイン含量は低下した。

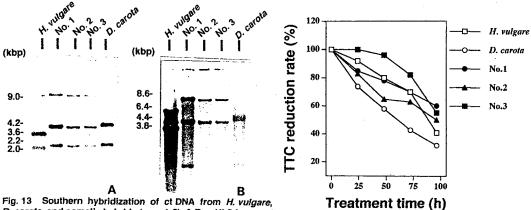


Fig. 13 Southern hybridization of ct DNA from H. vulgare, D. carota and somatic hybrids (nos. 1-3). A BamHi-8 fragment of rice ct DNA (A) and a BamHi-3 fragment of rice ct DNA (B) were used as probes.

Fig. 14 Effect of cold on TTC-reduction test in *H. vulgare*, *D. carota* and somatic hybrids.

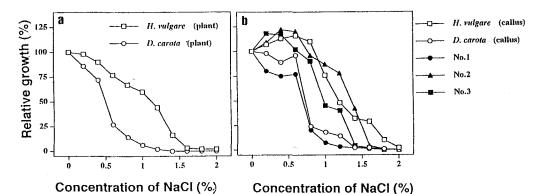


Fig. 15 NaCl tolerance test. Relative growth of *H.vulgare* cells, *D.carota* cells and somatic hybrid cells (nos. 1-3) in presence of increasing concentration of NaCl. a, plant; b, callus.

Table 4 Chromosome number, cytoplasmic genotype and expression of tolelances

Cione	Chromosome	Mt DNA	Ct DNA		Cold	NaCI
numbers	number	(atp6)	pSB3	pSB8	tolerance	tolelance
No.1	24	D+N	H+N	D+H	++	-
No.2	24	D .	H+N	D+H	++	+++
No.3	24	D	H+N	D+H	+++	++

D+N, *D.carota* band plus novel band; H+N, *H. vulgare* band plus novel band; D+H, *D.carota* band plus *H.vulgare* band; D, *D.carota* type. Tolelance test: +++,100-80%; ++, 80-50%; +,50-30%; -,30-0%. TTC-reduction rate showed cold tolelance in 72 hours treatment at 4°C. Relative cell growth showed NaCl tolelance in the presence of 1% (w/v) NaCl.

第7章 イネとオオムギの属間体細胞雑種の作出と解析

5-メチルトリプトファン(5MT)抵抗性、ビアラフォス抵抗性イネとオオムギを用いて細胞融合を行った。イネの葯培養によって作成した懸濁培養細胞とオオムギの幼植物よりプロトプラストを単離し融合した。イネの培養細胞は再分化能を欠如し、オオムギのプロトプラストは培養が難しく細胞分裂を行わなかった。得られたカルスすべてを再分化培地へ移し、再分化を試みたところ数個のカルスはグリーンスポットやshootを形成した。しかし、褐変死するものや成長が停止してしまうものも見られ、最終的に順化に成功したのは1個体のみであった。形態的にはイネに酷似していたが、オオムギ由来の染色体を保持していた。イネより単離されたtrpB遺伝子を用いてサザンハイブリダイゼーションを行った結果、再分化植物体は両親のバンドを合わせ持っていた。ミトコンドリア遺伝子や葉緑体遺伝子を解析した結果、双方において遺伝子の再構成が見られた。再分化植物体は花粉を形成したが、活性がなくすべて不稔であった(Table 5)。

Cell	No. of	Rate of fe	Plant height	
lines	tillers	Seeds	Pollens ¹	(cm)
O. sativa	11.5	99.6	93.2	97.3
Somatic				
hybrid	16.0	0	8.3	92.2

¹Pollens of *O. sativa* and a somatic hybrid were stained by 1% acetocarmine. 第 8 章 結語

これまで科間体細胞雑種植物の作出例はほとんど知られていない。本研究では、3種の科間体細胞雑種植物と1種の属間体細胞雑種植物の作出および解析を行った。その結果、種の離れた植物間の細胞融合では、多くの染色体が脱落し、表現型として現れた方の親の染色体に他方の親の染色体の一部が加わったのみであった。しかし、選抜圧として用いたカナマイシン耐性に関与するneomycine phosphotrasferase (NPTII)遺伝子、5MT抵抗性に関与するアンスラニル酸シンターゼ(AS)遺伝子などは融合体内に維持されており、細胞内でも発現していることが示された。これらの結果は、今後、染色体というマクロな遺伝子群のtransferの可能性を示唆するものでる。細胞質遺伝子においてはこれまで近縁種間の体細胞雑種で報告されて来たようにミトコンドリア遺伝子の再構成が生じることが示された。さらに、葉緑体遺伝子においても同様に再構成が起こり得ることが分かった。種の離れた植物間においても細胞間の親和性が保たれ、細胞融合によって細胞質の有用形質の導入が可能であることが示唆された。

論文審査の要旨

プロトプラストを用いた細胞融合では、性的交配と異なり、核のみならず細胞質も融合する。近年、遺伝子解析の手法によって、細胞融合後の核と細胞質遺伝子の動向に関する研究がなされるようになったが、その情報量は非常に少ない。特に遠縁種間植物の細胞融合では、融合体植物を作出すること自体が非常に困難であり、遺伝子レベルでの解析例はほとんどない。本研究は、高等植物における遠縁間(科、属間)体細胞雑種の作出とその解析をおこなったものである。

まず,体細胞雑種を効率よく育成するために,X線照射処理のプロトプラストへの影響について検討し,融合前のX線処理の条件を明らかにした。次に,この条件を用いて,タバコ+ニンジン,イネ+ニンジンの細胞融合を行った。また,オオムギの特性(低温耐性)を利用した雑種選抜法によって,オオムギ+ニンジン,オオムギ+イネの組み合わせにおいて細胞融合を行い,育成された体細胞雑種を遺伝子レベルで解析し,核および細胞質遺伝子の構成と遺伝子発現等について調査した。

これまで科間体細胞雑種植物の作出例はほとんど知られていなかったが、本研究では、3種の科間体細胞雑種植物と1種の属間体細胞雑種植物を育成することが出来た。それぞれの体細胞雑種植物を解析した結果、いずれの組み合わせにおいて、多数の染色体が脱落し、植物体の表現型として現れた方の染色体に他方の親の染色体の一部が加わったのみであった。しかし、雑種選抜圧として用いたカナマイシン耐性に関与するneomycine phosphotransferase (NPT II)遺伝子、5ーメチルトリプトファン耐性に関与するアンスラニル酸シンターゼ (AS)遺伝子などは雑種内に維持されており、細胞内で発現していることが示された。これらの結果は、細胞融合と適度の雑種選抜圧によって、遺伝子群の導入の可能性を示唆するものである。また、細胞質遺伝子においては、これまで近縁種間の体細胞雑種で報告されてきたように、ミトコンドリア遺伝子の再構成が生じることが示された。さらに、近縁間雑種では、葉緑体DNAの両親との差異を識別することが非常に困難であり、その構成が明確ではなかったが、本研究の遠縁間植物を用いることによって、葉緑体遺伝子の再構成が起こり得ることがわかった。従って、本研究は、細胞融合研究の新展開をもたらすものであり、審査員一同は、本論文提出者は博士(農学)の学位を受けるに値するものと判定した。